

Data for the graphs

Figure 2B

atg32Δ + Atg32-V5 strain: growth

T0	1.14	0.927	1.37	0.91	0.78	0.69	1.32	1.15
8h	1.05	0.28	0.75	1.1	1.33			
24h	0.32	0.069	1.27	1.1	0.73	0.335	0.39	0.33
48h	0.196	0.11	0.23	0.28	0.175	0.112	0.24	0.1

Figure 2D

HA-Atg32 level during growth

T0	1.25	1.42	1.87	1.28	1.29
8h	0.71	1.37	1.36	1.09	0.88
24h	0.54	0.8	1.14	0.78	0.55
48h	0.37	0.58	0.44	0.25	0.24

Figure 3B

atg32Δ + Atg32-V5 strain:

T0	1.14	0.927	1.37	0.91	0.78	0.69	1.32	1.15
8h	1.05	0.28	0.75	1.1	1.33			
24h	0.32	0.069	1.27	1.1	0.73	0.335	0.39	0.33
48h	0.196	0.11	0.23	0.28	0.175	0.112	0.24	0.1
24h + MG132	0.938	1.55	1.62	0.94	0.94			
48h + MG132	1.22	1.28	1.6	1.01	1.2			
24h + PMSF	0.31	0.43	0.297					
48h + PMSF	0.09	0.33	0.418					

Figure 3C**BY4742+ Atg32-V5 and *pep4Δ* + Atg32-V5 strains**

	BY4742 + Atg32-V5				<i>pep4Δ</i> + Atg32-V5			
T0	0.66	1.19	0.84	0.73	1.07	2.11	0.91	0.99
48h	0.38	0.1	0.1	0.37	0.31	0.57	0.4	0.36

Figure 4A**ATG32 Promoter activity**

T0	100%							
24h	200%	150%	200%	110%	80%	145%		
48h	380%	580%	440%	298%	610%	330%	346%	235%
48h + MG132	103%	80%	300%	410%	75%	60%	40%	

Figure 4C**Cycloheximide treatment**

T0	0,98	0,9	1,01	1,6	1,4
20 min	0,66	0,74	0,36		
20 min + MG-132	1,34	0,64	0,8	0,76	
40 min	0,507	0,26	0,32		
40 min + MG-132	0,58	0,68	0,7	0,83	
1h	0,26	0,24	0,37	0,05	
1h + MG-132	1,1	0,99	0,92	0,98	

Figure 5B***atg32Δ* + Atg32-V5 and *pre2-2* strains**

	<i>atg32Δ</i> + Atg32-V5				<i>pre2-2</i> + Atg32-V5			
T0	0.99	1.98	0.61	2	0.72	1.8	1.39	2.1
48h	0.31	0.3	0.17	0.14	1.22	0.94	1.04	1.47

Figure 6C

	<i>atg32Δ</i> + Atg32-V5				BY4742 + Atg32-V5			
24h	0,251	0,176	0,43	0,05	0,124	0,033	0,397	
24h + MG-132	0,5	0,255	0,256	0,418	0,223	0,391		
48h	0,435	0,426	0,062	0,216	0,179	0,127	0,452	
48h + MG6132	0,292	0,718	0,296	0,421	0,244	0,465		

Figure 6D**BY4742: Mt PHO8 activity**

T0	0.458	0.445	0.376	0.368	0.376	0.364
48h	0.99	1.08	0.75	0.73		
48h + MG132	1.89	2.14	1.68	1.72		

Figure 8C

Atg32-V5 levels in *atg32* mutants

Atg32 + <i>atg32</i> -V5	T0	2.22	1.24	0.99	1.98	1,14	0,37
	48h	0	0.02	0.17	0.14	0,175	0,11
Atg32 + <i>atg32</i> -V5 K282A	T0	1,25	1,71	1,58	1,71	1,39	1,02
	48h	0,27	0,48	0,21	0,28	0,38	0,39
Atg32 + <i>atg32</i> -V5 AAAA	T0	1.03	1.13	0.95	1.13		2.08
	48h	0.18	0.19	0.25	0.21		0.16

Figure 9B

Mitophagy in *atg32* mutants

Atg32 + <i>atg32</i> -V5	0.159	0.137	0.117	0.3	0.157
Atg32 + <i>atg32</i> -V5 K282A	0.144	0.124	0.184	0.23	
Atg32 + <i>atg32</i> -V5 AAAA	0.186	0.203	0.173	0.27	

Figure S2B***atg32Δ* + Atg32-V5 strain: starvation**

T0	100%					
-N3h	53%	70%	53%	98%	70.7%	95%
-N6h	68%	94%	56%	45%	80%	44%
-N24h	35%	12.8%	32%	53%	21.4%	57.6%
-N3h + MG132	141%	68%	129%			
-N6h + MG132	132%	64.3%	109%	117%		
-N24h + MG132	62%	10.8%	67.6%			

Figure S3B**Atg32-V5 levels in autophagy mutants**

BY4742	T0	1.08	1.18	1.73	
	48h	0.25	0.27	0.28	
<i>atg5Δ</i>	T0	1.13	0.96	1.4	0.87
	48h	0.21	0.34	0.22	0.28
<i>atg8Δ</i>	T0	1.1	1.97	0.85	
	48H	0.28	0.29	0.11	
<i>atg11Δ</i>	T0	1.13	0.73	1.55	
	48H	0.35	0.04	0.29	

Figure S4C

Atg32-V5 levels in BY4742

T0	1.08	1.18	1.73
8h	1.73	1.38	0.68
24h	1.42	0.83	0.53
48h	0.25	0.27	0.28
24h + MG132	0.89	1.55	0.96
48h + MG132	1.3	1.74	0.95