

Table S5.1 CpG sites methylation level of INPP5F in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_1	CpG_2.3	CpG_4.5	CpG_6	CpG_7.8	CpG_9	CpG_10.1
	1							
	2							
	3	0.81	0.89	0.78	0.25	0.51	0.62	0.55
	4	0.83	0.91	0.79	0.28	0.52	0.6	0.61
	5	0.76	0.83	0.71	0.21	0.52	0.58	0.55
	6	0.8	0.91	0.81	0.24	0.45	0.57	0.55
	7	0.84	0.94	0.86	0.25	0.51	0.57	0.54
	8	0.67	0.76	0.69	0.26	0.42	0.55	0.61
	9	0.75	0.9	0.79	0.19	0.53	0.63	0.51
	10							
	11	0.73	0.85	0.69	0.24	0.51	0.59	0.53
	12	0.84	0.9	0.82	0.27	0.51	0.61	0.59
	13							
Control	14	0.81	0.88	0.78	0.18	0.49	0.61	0.52
	15	0.81	0.86	0.75	0.32	0.54	0.61	0.6
	16	0.82	0.9	0.77	0.21	0.52	0.58	0.52
	17							
	18							
	19	0.89	0.88	0.8	0.16	0.58	0.7	0.43
	20							
	21							
	22	0.83	0.89	0.82	0.26	0.5	0.59	0.61
	23	0.85	0.89	0.84	0.28	0.55	0.61	0.61
	24	0.85	0.92	0.84	0.26	0.54	0.6	0.58
	25							
	26							
	27							
	28	0.82	0.89	0.81	0.26	0.54	0.62	0.51
	1							
	2							
	3	0.8	0.87	0.85	0.2	0.45	0.55	0.5
	4	0.71	0.85	0.74	0.22	0.4	0.45	0.67
	5	0.73	0.9	0.78	0.11	0.35	0.44	0.4
	6	0.74	0.87	0.81	0.17	0.38	0.44	0.51
	7	0.75	0.87	0.79	0.18	0.42	0.48	0.54
	8	0.76	0.94	0.85	0.3	0.51	0.62	0.64
	9	0.94	0.88	0.83	0.26	0.46	0.6	0.58
	10	0.69	0.84	0.73	0.21	0.44	0.52	0.5
	11	0.77	0.87	0.86	0.24	0.52	0.62	0.54
	12	0.7	0.8	0.7	0.25	0.42	0.49	0.57
	13	0.57	0.71	0.57	0.17	0.38	0.47	0.38
CHD	14	0.68	0.84	0.74	0.18	0.35	0.44	0.48
	15							
	16	0.6	0.79	0.69	0.26	0.4	0.48	0.59

17	0.72	0.86	0.71	0.2	0.35	0.49	0.45
18	0.69	0.82	0.74	0.2	0.4	0.48	0.51
19							
20	0.88	0.96	0.95	0.13	0.46	0.56	0.38
21	0.77	0.92	0.78	0.24	0.47	0.48	0.55
22							
23	0.89	0.86	0.71	0.24	0.45	0.5	0.54
24	0.8	0.92	0.82	0.24	0.45	0.51	0.54
25	0.63	0.79	0.64	0.21	0.47	0.56	0.5
26	0.64	0.74	0.7	0.23	0.43	0.46	0.48
27	0.71	0.84	0.71	0.17	0.41	0.55	0.42

Table S5.2 CpG sites methylation level of INPP5F in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_12	CpG_13	CpG_14	CpG_15.1	CpG_17	CpG_18.1	CpG_20.2
	1							
	2							
	3	0.56	0.54	0.57	0.86	0.91	0.93	0.93
	4	0.57	0.57	0.58	0.88	0.85	0.96	0.94
	5	0.54	0.53	0.57	1	0.87	0.71	0.99
	6	0.52	0.51	0.54	0.82	0.83	0.88	0.85
	7	0.56	0.52	0.55	0.89	0.87	0.91	0.91
	8	0.55	0.56	0.5	0.74	0.76	0.87	0.9
	9	0.56	0.56	0.59	0.81	0.76	0.76	0.74
	10							
	11	0.55	0.52	0.55	0.88	0.86	0.91	0.89
	12	0.59	0.56	0.56	0.51	0.46	0.38	0.47
	13							
Control	14	0.59	0.59	0.58	0.83	0.88	0.94	0.84
	15	0.53	0.54	0.57	0.6	0.64	0.69	0.7
	16	0.53	0.53	0.55	0.8	0.81	0.77	0.8
	17							
	18							
	19	0.61	0.61	0.64	0.71	0.75	0.97	0.84
	20							
	21							
	22	0.57	0.55	0.53	0.85	0.92	0.92	0.9
	23	0.59	0.61	0.57	0.89	0.9	0.93	0.91
	24	0.59	0.56	0.59	0.91	0.95	0.9	0.91
	25							
	26							
	27							
	28	0.59	0.49	0.58	0.92	0.93	0.92	0.93
	1							
	2							
	3	0.5	0.46	0.52	0.89	0.88	0.93	0.92
	4	0.42	0.43	0.37	0.84	0.85	0.87	0.89
	5	0.37	0.3	0.48	0.87	0.87	0.93	0.89
	6	0.46	0.45	0.45	0.77	0.79	0.87	0.82
	7	0.43	0.42	0.48	0.8	0.81	0.89	0.88
	8	0.55	0.58	0.56	0.88	0.87	0.97	0.9
	9	0.54	0.53	0.5	0.89	0.83	0.88	0.88
	10	0.46	0.46	0.47	0.88	0.88	0.94	0.89
	11	0.56	0.51	0.58	0.83	0.87	0.88	0.9
	12	0.49	0.44	0.45	0.83	0.81	0.93	0.86
	13	0.42	0.42	0.41	0.78	0.77	0.82	0.83
CHD	14	0.39	0.45	0.45	0.84	0.85	0.89	0.87
	15							
	16	0.46	0.44	0.44	0.74	0.72	0.81	0.79

17	0.41	0.35	0.43	0.75	0.81	0.79	0.84
18	0.45	0.43	0.47	0.69	0.7	0.76	0.76
19							
20	0.5	0.4	0.49	0.85	0.88	0.86	0.85
21	0.43	0.46	0.48	0.65	0.73	0.71	0.74
22							
23	0.49	0.45	0.51	0.78	0.8	0.92	0.9
24	0.52	0.5	0.45	0.85	0.87	0.89	0.88
25	0.45	0.47	0.48	0.93	0.9	0.98	0.9
26	0.44	0.33	0.45	0.76	0.8	0.79	0.76
27	0.45	0.39	0.47	0.9	0.91	0.93	0.92

Table S5.3 CpG sites methylation level of INPP5F in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_22	CpG_23	CpG_24	CpG_25.26	CpG_27.28	CpG_29.30	CpG_31
	1							
	2							
	3	1	0.91	NA	0.5	0.77	0.79	0.77
	4	1	0.86	0.68	0.76	0.8	0.83	0.78
	5	1	0.84	0.54	0.76	0.67	0.82	0.73
	6	1	0.8	0.51	0.8	0.7	0.75	0.75
	7	1	0.87	0.72	0.76	0.77	0.87	0.79
	8	1	0.77	0.75	0.65	0.67	0.7	0.65
	9	0.92	0.79	NA	0.78	0.7	0.76	0.7
	10							
	11	1	0.86	NA	0.07	0.77	0.8	0.78
	12	0.58	0.87	0.7	0.78	0.8	0.81	0.8
	13							
Control	14	1	0.87	NA	NA	0.83	0.85	0.78
	15	0.8	0.88	0.57	0.86	0.76	0.91	0.72
	16	1	0.85	0.54	0.84	0.74	0.86	0.75
	17							
	18							
	19	1	0.91	0.64	0.85	0.84	0.87	0.84
	20							
	21							
	22	1	0.89	0.64	0.87	0.82	0.87	0.81
	23	1	0.86	0.58	0.8	0.78	0.83	0.75
	24	1	0.84	0.61	0.82	0.78	0.81	0.78
	25							
	26							
	27							
	28	0.97	0.88	0.62	0.92	0.86	0.89	0.82
	1							
	2							
	3	1	0.79	0.57	0.75	0.71	0.79	0.73
	4	1	0.69	0.46	0.72	0.6	0.72	0.61
	5	1	0.71	0.53	0.74	0.62	0.72	0.62
	6	0.92	0.66	0.46	0.67	0.58	0.61	0.56
	7	1	0.72	0.5	0.67	0.58	0.68	0.63
	8	1	0.8	0.54	0.73	0.67	0.79	0.68
	9	1	0.88	0.63	0.81	0.78	0.87	0.8
	10	0.95	0.74	0.52	0.74	0.63	0.69	0.68
	11	1	0.82	0.67	0.77	0.73	0.81	0.72
	12	1	0.76	0.48	0.69	0.65	0.77	0.6
	13	0.97	0.64	0.46	0.65	0.55	0.66	0.58
CHD	14	1	0.72	0.52	0.7	0.63	0.77	0.63
	15							
	16	0.92	0.6	0.44	0.6	0.53	0.68	0.51

17	0.93	0.83	0.48	0.7	0.68	0.81	0.69
18	0.91	0.62	0.44	0.66	0.54	0.63	0.55
19							
20	1	0.77	0.51	0.71	0.66	0.79	0.69
21	0.85	0.64	0.59	0.67	0.58	0.75	0.62
22							
23	1	0.79	0.62	0.78	0.73	0.79	0.74
24	0.98	0.78	0.57	0.69	0.67	0.8	0.68
25	1	0.74	0.57	0.69	0.69	0.75	0.61
26	0.96	0.65	0.46	0.63	0.56	0.62	0.47
27	1	0.82	0.58	0.78	0.75	0.79	0.74

Table S5.4 CpG sites methylation level of INPP5F in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_32	CpG_33
	1		
	2		
	3	0.89	0.99
	4	0.89	1
	5	0.98	0.97
	6	0.86	0.98
	7	0.92	0.98
	8	0.81	0.97
	9	0.86	0.96
	10		
	11	0.85	1
	12	0.84	0.98
	13		
Control	14	0.92	0.97
	15	0.94	0.99
	16	0.88	0.99
	17		
	18		
	19	0.9	1
	20		
	21		
	22	0.92	0.96
	23	0.9	0.95
	24	0.9	0.99
	25		
	26		
	27		
	28	0.93	0.97
	1		
	2		
	3	0.84	0.99
	4	0.75	0.95
	5	0.77	0.95
	6	0.68	0.96
	7	0.78	0.95
	8	0.82	0.97
	9	0.87	0.97
	10	0.82	0.97
	11	0.85	0.97
	12	0.83	0.96
	13	0.7	0.96
CHD	14	0.85	0.99
	15		
	16	0.62	0.94

17	0.89	1
18	0.64	0.92
19		
20	0.78	0.96
21	0.62	0.9
22		
23	0.81	0.97
24	0.8	0.98
25	0.85	0.99
26	0.65	1
27	0.89	0.96
