

Table S10.1 CpG sites methylation level of NESP in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_1	CpG_2	CpG_3	CpG_4.5	CpG_6	CpG_7	CpG_8.9.10
Control	1	0.47	0.45	0.45	0.31	0.46	0.37	0.39
	2	0.43	0.45	0.42	0.37	0.47	0.39	0.48
	3	0.44	0.48	0.48	0.42	0.45	0.38	0.41
	4	0.44	0.34	0.42	0.35	0.47	0.34	0.4
	5							
	6							
	7							
	8	0.47	0.38	0.44	0.37	0.48	0.35	0.41
	9	0.47	0.42	0.38	0.29	0.42	0.38	0.43
	10	0.46	0.4	0.42	0.33	0.42	0.38	0.47
	11							
	12	0.93	0.34	0.37	0.3	0.41	0.4	0.44
	13	0.44	0.43	0.45	0.38	0.39	0.34	0.38
	14	0.83	0.45	0.45	0.39	0.45	0.38	0.44
	15	0.45	0.44	0.43	0.35	0.45	0.38	0.46
	16	0.45	0.42	0.48	0.32	0.45	0.35	0.4
	17	0.43	0.46	0.46	0.35	0.41	0.4	0.46
	18	0.45	0.57	0.54	0.47	0.46	0.41	0.46
	19	0.46	0.49	0.49	0.36	0.47	0.42	0.5
	20							
	21	0.74	0.51	0.46	0.43	0.45	0.41	0.47
	22	0.4	0.37	0.4	0.29	0.45	0.34	0.39
	23	0.52	0.5	0.52	0.44	0.4	0.4	0.46
	24	0.49	0.49	0.45	0.44	0.43	0.37	0.44
	25	0.42	0.46	0.46	0.36	0.43	0.43	0.51
	26	0.42	0.39	0.39	0.31	0.42	0.39	0.44
	27	0.38	0.41	0.39	0.31	0.45	0.47	0.52
	28	0.42	0.43	0.41	0.4	0.49	0.4	0.44
CHD	1							
	2							
	3							
	4							
	5							
	6	0.57	0.47	0.44	0.3	0.39	0.27	0.26
	7							
	8	0.52	0.37	0.43	0.3	0.41	0.27	0.28
	9							
	10							
	11							
	12							
	13	0.51	0.29	0.41	0.28	0.39	0.29	0.3
	14							
	15							
	16							

17	0.47	0.38	0.41	0.38	0.44	0.28	0.33
18	0.42 NA		0.37	0.3	0.39	0.25	0.29
19							
20	0.56 NA		0.41	0.3	0.4	0.23	0.22
21							
22	0.5	0.37	0.42	0.34	0.41	0.27	0.3
23							
24							
25							
26							
27							

---

Table S10.2 CpG sites methylation level of NESP in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_11.1:CpG_13	CpG_14	CpG_15	CpG_16	CpG_17.18.19.20.21.22	
Control	1	0.36	0.43	0.31	0.36	0.38	0.3
	2	0.4	0.46	0.31	0.42	0.44	0.32
	3	0.37	0.5	0.34	0.43	0.43	0.31
	4	0.33	0.44	0.27	0.36	0.39	0.25
	5						
	6						
	7						
	8	0.33	0.46	0.24	0.34	0.36	0.31
	9	0.34	0.52	0.3	0.37	0.37	0.27
	10	0.43	0.43	0.35	0.41	0.39	0.47
	11						
	12	0.41	0.45	0.4	0.43	0.4	0.42
	13	0.32	0.44	0.25	0.31	0.31	0.27
	14	0.35	0.51	0.27	0.36	0.4	0.29
	15	0.37	0.55	0.3	0.38	0.4	0.31
	16	0.31	0.38	0.29	0.35	0.35	0.32
	17	0.4	0.47	0.41	0.43	0.42	0.4
	18	0.4	0.55	0.33	0.41	0.47	0.33
	19	0.43	0.5	0.46	0.46	0.42	0.46
	20						
	21	0.42	0.41	0.44	0.45	0.42	0.41
	22	0.29	0.5	0.26	0.37	0.37	0.29
	23	0.43	0.44	0.43	0.46	0.48	0.4
	24	0.39	0.56	0.3	0.39	0.45	0.35
	25	0.45	0.76	0.4	0.45	0.5	0.44
	26	0.41	0.43	0.36	0.43	0.4	0.43
	27	0.46	0.56	0.42	0.49	0.45	0.38
	28	0.39	0.57	0.38	0.39	0.42	0.39
CHD	1						
	2						
	3						
	4						
	5						
	6	0.27	0.24	0.18	0.21	0.24	0.25
	7						
	8	0.32	0.22	0.15	NA	0.51	0.29
	9						
	10						
	11						
	12						
	13	0.29	0.29	0.22	0.22	0.24	0.22
	14						
	15						
	16						

17	0.29	0.34	0.24	0.38	0.34	0.27
18	0.24	0.29	0.21	0.26	0.26	0.24
19						
20	0.19	0.27	0.18	0.25	0.24	0.17
21						
22	0.26	0.36	0.21	0.24	0.27	0.23
23						
24						
25						
26						
27						

---

Table S10.3 CpG sites methylation level of NESP in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_23
	1	0.32
	2	0.43
	3	0.38
	4	0.3
	5	
	6	
	7	
	8	0.28
	9	0.32
	10	0.45
	11	
	12	0.44
	13	0.25
Control	14	0.32
	15	0.34
	16	0.32
	17	0.38
	18	0.35
	19	0.45
	20	
	21	0.45
	22	0.32
	23	0.48
	24	0.32
	25	0.41
	26	0.37
	27	0.43
	28	0.32
	1	
	2	
	3	
	4	
	5	
	6	0.22
	7	
	8	0.47
	9	
	10	
	11	
	12	
	13	0.22
CHD	14	
	15	
	16	

17	0.33
18	0.25
19	
20	0.24
21	
22	0.25
23	
24	
25	
26	
27	

---