

Table S11.1 CpG sites methylation level of NESPAS in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_1	CpG_2	CpG_3.4	CpG_5	CpG_6.7	CpG_8	CpG_9
Control	1							
	2	0.3	0.4	0.05	0.41	0.29	0.27	0.41
	3	0.38	0.37	0.13	0.4	0.37	0.48	0.48
	4	0.4	0.46	0.09	0.49	0.42	0.53	0.49
	5	0.31	0.37	0.13	0.34	0.32	0.28	0.42
	6	0.31	0.39	0.06	0.38	0.3	0.33	0.42
	7							
	8	0.39	0.38	0.14	0.38	0.35	0.39	0.52
	9							
	10	0.33	0.42	0.15	0.42	0.37	0.37	0.47
	11							
	12	0.34	0.36	0.14	0.39	0.39	0.38	0.45
	13							
	14							
	15	0.33	0.41	0.13	0.37	0.36	0.42	0.43
	16							
	17	0.35	0.43	0.11	0.43	0.39	0.38	0.49
	18							
	19	0.4	0.41	0.1	0.42	0.42	0.47	0.48
	20							
	21	0.37	0.47	0.16	0.46	0.41	0.45	0.49
	22	0.4	0.42	0.16	0.44	0.4	0.35	0.48
	23	0.37	0.42	0.13	0.4	0.37	0.4	0.48
	24	0.42	0.43	0.12	0.44	0.45	0.53	0.51
	25	0.39	0.42	0.1	0.48	0.39	0.47	0.53
	26	0.4	0.35	0.14	0.38	0.37	0.44	0.45
	27	0.43	0.42	0.14	0.46	0.44	0.44	0.51
	28	0.41	0.54	0.19	0.45	0.53	0.44	0.47
CHD	1							
	2	0.35	0.35	0.09	0.39	0.36	0.39	0.44
	3	0.3	0.41	0.09	0.38	0.34	0.41	0.4
	4	0.32	0.4	0.1	0.38	0.33	0.34	0.43
	5	0.27	0.39	0.17	0.36	0.33	0.37	0.42
	6	0.37	0.39	0.18	0.4	0.38	0.45	0.46
	7							
	8	0.33	0.39	0.15	0.38	0.36	0.38	0.46
	9	0.31	0.37	0.15	0.38	0.39	0.46	0.46
	10							
	11	0.39	0.42	0.07	0.42	0.37	0.38	0.47
	12							
	13	0.29	0.4	0.08	0.38	0.35	0.37	0.87
	14							
	15	0.38	0.36	0.2	0.4	0.43	0.49	0.48
	16							
	17	0.3	0.38	0.08	0.38	0.36	0.36	0.35

18	0.36	0.4	0.13	0.43	0.38	0.41	0.47
19	0.35	0.41	0.11	0.41	0.37	0.35	0.48
20	0.29	0.34	0.09	0.36	0.29	0.31	0.38
21							
22							
23							
24							
25							
26							
27							

Table S11.2 CpG sites methylation level of NESPAS in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_10.1	CpG_12	CpG_13.1	CpG_15	CpG_16.17
Control	1					
	2	0.34	0.35	0.29	0.35	0.32
	3	0.43	0.43	0.36	0.43	0.39
	4	0.32	0.38	0.3	0.38	0.35
	5	0.32	0.35	0.26	0.35	0.3
	6	0.35	0.35	0.3	0.35	0.34
	7					
	8	0.44	0.42	0.38	0.42	0.39
	9					
	10	0.4	0.39	0.33	0.39	0.37
	11					
	12	0.36	0.39	0.35	0.39	0.42
	13					
	14					
	15	0.41	0.42	0.35	0.42	0.36
	16					
	17	0.42	0.42	0.33	0.42	0.36
	18					
	19	0.36	0.36	0.28	0.36	0.33
	20					
	21	0.4	0.39	0.34	0.39	0.38
	22	0.38	0.4	0.31	0.4	0.35
	23	0.44	0.41	0.35	0.41	0.35
	24	0.31	0.38	0.31	0.38	0.36
	25	0.37	0.39	0.34	0.39	0.37
	26	0.32	0.37	0.34	0.37	0.36
	27	0.43	0.4	0.38	0.4	0.45
	28	0.38	0.37	0.3	0.37	0.33
CHD	1					
	2	0.4	0.39	0.36	0.39	0.39
	3	0.42	0.36	0.3	0.36	0.38
	4	0.38	0.36	0.32	0.36	0.36
	5	0.41	0.4	0.34	0.4	0.38
	6	0.42	0.4	0.38	0.4	0.38
	7					
	8	0.45	0.46	0.33	0.46	0.38
	9	0.35	0.35	0.3	0.35	0.32
	10					
	11	0.39	0.38	0.31	0.38	0.36
	12					
	13	0.32	0.32	0.28	0.32	0.3
	14					
	15	0.46	0.45	0.44	0.45	0.44
	16					
	17	0.36	0.38	0.36	0.38	0.4

18	0.37	0.39	0.31	0.39	0.35
19	0.3	0.34	0.28	0.34	0.34
20	0.36	0.36	0.31	0.36	0.37
21					
22					
23					
24					
25					
26					
27					
