

Table S12.1 CpG sites methylation level of GNAS in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_1	CpG_2	CpG_3	CpG_4.5.6	CpG_7	CpG_8	CpG_9.10
	1							
	2							
	3	0.45	0.2	0.38	0.51	0.98	0.43	0.4
	4	0.39	0.19	0.48	0.64	0.79	0.45	0.59
	5							
	6	0.49	0.2	0.44	0.54	0.63	0.45	0.39
	7	0.39	0.24	0.46	0.54 NA		0.47	0.34
	8	0.38	0.21	0.47	0.57	1	0.48	0.47
	9	0.44	0.24	0.42	0.53 NA		0.42	0.32
	10	0.39	0.3	0.39	0.55	0.71	0.44	0.43
	11							
	12	0.48	0.31	0.51	0.58	0.51	0.45	0.47
	13	0.4	0.18	0.33	0.49	0.69	0.48	0.32
Control	14	0.4	0.23	0.53	0.52	0.39	0.38	0.35
	15	0.41	0.49	0.38	0.54 NA		0.43	0.43
	16	0.44	0.3	0.45	0.61	0.65	0.48	0.47
	17	0.39	0.34	0.4	0.56	0.46	0.37	0.35
	18	0.47	0.23	0.46	0.53	0.13	0.38	0.29
	19	0.5	0.25	0.54	0.63	0.6	0.52	0.52
	20							
	21	0.38	0.21	0.44	0.46	0.63	0.45	0.37
	22	0.47	0.18	0.49	0.54	0.4	0.45	0.4
	23	0.48	0.19	0.56	0.54	1	0.45	0.47
	24	0.51	0.12	0.59	0.65	0.31	0.58	0.56
	25	0.48	0.16	0.37	0.53	0.42	0.45	0.31
	26	0.45	0.23	0.45	0.59	0.45	0.44	0.43
	27	0.46	0.11	0.56	0.59	1	0.35	0.36
	28	0.45	0.18	0.46	0.58	0.5	0.38	0.43
	1	0.4	0.25	0.44	0.51	0.47	0.36	0.31
	2							
	3	0.46	0.3	0.48	0.58 NA		0.47	0.46
	4	0.43	0.2	0.42	0.52	0.39	0.45	0.32
	5	0.44	0.22	0.45	0.52	0.45	0.43	0.36
	6	0.4	0.16	0.34	0.49	0	0.34	0.33
	7	0.5	0.24	0.47	0.58	0.31	0.47	0.47
	8	0.41	0.27	0.38	0.54	0.45	0.39	0.34
	9	0.44	0.24	0.43	0.54	0.57	0.44	0.32
	10	0.53	0.22	0.52	0.5	1	0.46	0.45
	11	0.46	0.2	0.48	0.56	0.53	0.42	0.4
	12	0.46	0.22	0.42	0.58	0.47	0.44	0.38
	13	0.41	0.28	0.49	0.58	0.37	0.57	0.42
CHD	14							
	15	0.44	0.21	0.47	0.54	0.42	0.46	0.39
	16	0.52	0.26	0.57	0.64	0.56	0.59	0.55
	17	0.46	0.1	0.5	0.44	0.86	0.41	0.37
	18	0.43	0.35	0.47	0.55	0.71	0.39	0.35

19	0.5	0.22	0.49	0.59	0.57	0.42	0.42
20	0.33	0.16	0.4	0.55	0.55	0.39	0.38
21 NA		0.07	0.52	0.57	0.53	0.4	0.44
22	0.55	0.2	0.82	0.66	1	0.41	0.5
23	0.5	0.1	0.49	0.62	0.99	0.48	0.41
24	0.46	0.11	0.44	0.51	0.57	0.28	0.4
25	0.45	0.16	0.49	0.6	0.54	0.43	0.42
26							
27	0.41	0.23	0.37	0.51	0.41	0.39	0.29

---

Table S12.2 CpG sites methylation level of GNAS in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_11.12	CpG_13	CpG_14	CpG_15	CpG_16.17	CpG_18	CpG_19
	1							
	2							
	3	0.33	0.2	0.21	0.4	0.31	0.43	0.48
	4	0.41	0.19	0.32	0.53	0.43	0.45	0.57
	5							
	6	0.47	0.2	0.25	0.49	0.29	0.45	0.59
	7	0.49	0.24	0.25	0.45	0.33	0.47	0.48
	8	0.43	0.21	0.21	0.37	0.39	0.48	0.45
	9	0.41	0.24	0.26	0.39	0.26	0.42	0.46
	10	0.36	0.3	0.3	0.55	0.49	0.44	0.44
	11							
	12	0.45	0.31	0.28	0.46	0.39	0.45	0.51
	13	0.4	0.18	0.21	0.45	0.12	0.48	0.42
Control	14	0.49	0.23	0.22	0.46	0.25	0.38	0.49
	15	0.37	0.49	0.26	0.45	0.3	0.43	0.48
	16	0.46	0.3	0.3	0.45	0.46	0.48	0.5
	17	0.34	0.34	0.26	0.43	0.49	0.37	0.45
	18	0.45	0.23	0.3	0.46	0.46	0.38	0.47
	19	0.55	0.25	0.33	0.53	0.53	0.52	0.58
	20							
	21	0.39	0.21	0.24	0.45	0.36	0.45	0.51
	22	0.43	0.18	0.26	0.45	0.38	0.45	0.47
	23	0.47	0.19	0.28	0.49	0.46	0.45	0.5
	24	0.49	0.12	0.32	0.61	0.49	0.58	0.65
	25	0.44	0.16	0.23	0.44	0.36	0.45	0.5
	26	0.45	0.23	0.28	0.47	0.49	0.44	0.53
	27	0.39	0.11	0.29	0.45	0.36	0.35	0.49
	28	0.4	0.18	0.27	0.41	0.49	0.38	0.46
	1	0.29	0.25	0.26	0.42	0.38	0.36	0.45
	2							
	3	0.45	0.3	0.32	0.5	0.43	0.47	0.5
	4	0.44	0.2	0.24	0.47	0.29	0.45	0.5
	5	0.33	0.22	0.24	0.4	0.22	0.43	0.46
	6	0.3	0.16	0.19	0.36	0.22	0.34	0.39
	7	0.44	0.24	0.27	0.47	0.47	0.47	0.55
	8	0.28	0.27	0.26	0.42	0.38	0.39	0.43
	9	0.42	0.24	0.25	0.43	0.39	0.44	0.48
	10	0.51	0.22	0.31	0.49	0.42	0.46	0.54
	11	0.45	0.2	0.28	0.46	0.3	0.42	0.49
	12	0.45	0.22	0.31	0.44	0.36	0.44	0.47
	13	0.43	0.28	0.27	0.46	0.41	0.57	0.52
CHD	14							
	15	0.45	0.21	0.25	0.47	0.33	0.46	0.5
	16	0.55	0.26	0.35	0.58	0.63	0.59	0.64
	17	0.39	0.1	0.28	0.45	0.1	0.41	0.48
	18	0.44	0.35	0.36	0.48	0.49	0.39	0.52

19	0.51	0.22	0.31	0.5	0.41	0.42	0.53
20	0.44	0.16	0.23	0.4	0.39	0.39	0.41
21	0.38	0.07	0.3	0.44	0.41	0.4	0.51
22	0.72	0.2	0.61	0.7	0.78	0.41	0.72
23	0.43	0.1	0.3	0.5	0.44	0.48	0.5
24	0.41	0.11	0.26	0.39	0.29	0.28	0.5
25	0.45	0.16	0.28	0.45	0.4	0.43	0.51
26							
27	0.39	0.23	0.21	0.38	0.24	0.39	0.43

---