

Table S14.1 CpG sites methylation level of MEST in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_1	CpG_2.3	CpG_4	CpG_5.6	CpG_7	CpG_8	CpG_9.10
Control	1							
	2	0.54	0.5	0.56	0.56	0.58	0.58	0.42
	3	0.56	0.49	0.59	0.57	0.59	0.55	0.49
	4	0.55	0.48	0.57	0.56	0.72	0.58	0.52
	5	0.54	0.49	0.56	0.58	0.64	0.62	0.52
	6	0.53	0.4	0.53	0.49	0.64	0.53	0.45
	7							
	8	0.55	0.46	0.57	0.56	0.65	0.62	0.48
	9	0.53	0.51	0.56	0.55	0.63	0.63	0.46
	10	0.52	0.49	0.55	0.54	0.57	0.59	0.46
	11							
	12	0.59	0.55	0.6	0.61	0.74	0.71	0.52
	13	0.57	0.47	0.57	0.55	0.64	0.63	0.51
	14	0.55	0.52	0.55	0.55	0.7	0.67	0.49
	15	0.5	0.41	0.53	0.49	0.69	0.52	0
	16	0.54	0.46	0.56	0.55	0.62	0.56	0.53
	17	0.55	0.55	0.55	0.57	0.63	0.63	0.5
	18	0.61	0.57	0.63	0.61	0.68	0.77	0.53
	19	0.6	0.58	0.65	0.61	0.56	0.65	0.59
	20							
	21	0.62	0.6	0.67	0.62	0.7	0.78	0.64
	22	0.55	0.62	0.58	0.58	0.65	0.7	0.53
	23	0.6	0.63	0.66	0.61	0.64	0.74	0.49
	24	0.56	0.5	0.57	0.54	0.68	0.57	0.51
	25	0.53	0.54	0.56	0.58	0.67	0.82	0.4
	26	0.6	0.56	0.63	0.61	0.77	0.58	0.54
	27							
	28							
CHD	1	0.49	0.5	0.53	0.52	0.6	0.71	0.59
	2	0.59	0.53	0.65	0.6	0.66	0.58	0.57
	3							
	4	0.54	0.47	0.56	0.56	0.67	0.72	0.52
	5	0.6	0.52	0.59	0.59	0.6	0.69	0.56
	6	0.63	0.65	0.66	0.63	0.79	0.76	0.49
	7	0.51	0.46	0.57	0.53	0.65	0.6	0.6
	8	0.58	0.45	0.53	0.53	0.7	0.75	0.5
	9	0.47	0.44	0.47	0.47	0.51	0.48	0.48
	10	0.45	0.42	0.5	0.49	0.6	0.58	0.57
	11	0.53	0.48	0.58	0.56	0.63	0.55	0.54
	12	0.5	0.44	0.51	0.52	0.6	0.69	0.61
	13	0.54	0.5	0.57	0.52	0.67	0.56	0.54
	14							
	15							
	16							

17							
18	0.54	0.5	0.5	0.54	0.66	0.68	0.65
19	0.57	0.55	0.58	0.57	0.62	0.76	0.56
20	0.53	0.48	0.57	0.54	0.55	0.61	0.58
21	0.68	0.5	0.59	0.53	0.56	0.66	0.8
22							
23	0.48	0.36	0.48	0.41	0.59	0.52	0.57
24	0.56	0.52	0.61	0.6	0.66	0.54	0.51
25	0.44	0.43	0.48	0.5	0.53	0.47	0.55
26	0.75	0.73	0.77	0.73	0.85	0.9	0.48
27							

Table S14.2 CpG sites methylation level of MEST in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_11.12.13.14	CpG_15.16	CpG_17	CpG_18	CpG_19.20	CpG_21.22
Control	1						
	2	0.07	0.4	0.41	0.46	0.44	0.42
	3	0.42	0.46	0.46	0.51	0.48	0.48
	4	0.46	0.51	0.5	0.54	0.52	0.53
	5	0.41	0.51	0.47	0.47	0.46	0.46
	6	0.42	0.46	0.47	0.51	0.49	0.5
	7						
	8	0.45	0.48	0.48	0.51	0.46	0.5
	9	0.38	0.42	0.41	0.4	0.4	0.46
	10	0.37	0.44	0.46	0.48	0.47	0.46
	11						
	12	0.45	0.5	0.54	0.52	0.51	0.5
	13	0.47	0.74	0.47	0.52	0.51	0.52
	14	0.46	0.81	0.5	0.52	0.51	0.55
	15	0.09	0.52	0.55	0.55	0.44	0.48
	16	0.46	0.51	0.49	0.51	0.51	0.51
	17	0.44	0.49	0.45	0.49	0.48	0.5
	18	0.47	0.61	0.57	0.57	0.56	0.55
	19	0.97	0.57	0.53	0.56	0.58	0.56
	20						
	21	0.6	0.59	0.63	0.66	0.63	0.65
	22	0.42	0.39	0.5	0.55	0.52	0.52
	23	0.45	0.46	0.5	0.53	0.49	0.52
	24	0.51	0.55	0.51	0.58	0.55	0.58
	25	0.15	0.47	0.44	0.5	0.46	0.49
	26	0.06	0.57	0.5	0.53	0.5	0.51
	27						
28							
CHD	1	0.9	0.65	0.55	0.54	0.53	0.66
	2	0.96	0.44	0.56	0.55	0.54	0.57
	3						
	4	0.48	0.53	0.51	0.57	0.54	0.54
	5	0.51	0.53	0.58	0.6	0.57	0.59
	6	0.54	0.4	0.53	0.58	0.54	0.59
	7	0.55	0.58	0.63	0.63	0.63	0.62
	8	0.44	0.52	0.49	0.52	0.51	0.51
	9	0.42	0.47	0.48	0.48	0.48	0.53
	10	0.55	0.6	0.56	0.59	0.6	0.62
	11	0.47	0.49	0.5	0.53	0.51	0.53
	12	0.62	0.59	0.6	0.65	0.62	0.62
	13	0.48	0.55	0.55	0.56	0.54	0.56
	14						
	15						
	16						

17						
18	0.62	0.65	0.63	0.62	0.65	0.69
19	0.48	0.48	0.55	0.55	0.53	0.57
20	0.52	0.46	0.57	0.57	0.59	0.57
21	0.8	0.8	0.75	0.67	0.82	0.82
22						
23	0.47	0.5	0.52	0.57	0.58	0.58
24	0.43	0.46	0.5	0.55	0.55	0.61
25	0.48	0.52	0.52	0.51	0.55	0.57
26	0.41	0.34	0.42	0.39	0.45	0.43
27						

Table S14.3 CpG sites methylation level of MEST in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_23.24.25.26
Control	1	
	2	0.44
	3	0.46
	4	0.51
	5	0.44
	6	0.49
	7	
	8	0.46
	9	0.46
	10	0.47
	11	
	12	0.51
	13	0.51
	14	0.53
	15	0.37
	16	0.51
	17	0.53
	18	0.55
	19	0.55
	20	
	21	0.65
	22	0.48
	23	0.48
	24	0.57
	25	0.5
	26	0.51
	27	
	28	
CHD	1	0.56
	2	0.54
	3	
	4	0.53
	5	0.6
	6	0.6
	7	0.57
	8	0.5
	9	0.51
	10	0.6
	11	0.57
	12	0.63
	13	0.57
	14	
	15	
	16	

17	
18	0.73
19	0.58
20	0.59
21	0.79
22	
23	0.61
24	0.48
25	0.57
26	0.39
27	
