

Table S17.1 CpG sites methylation level of IG in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_1.2.3	CpG_4.5	CpG_6	CpG_7	CpG_8	CpG_9.10
	1						
	2	0.67	0.13	0.72	0.41	0.77	0.58
	3						
	4	0.72	0.51	0.59	0.59	0.8	0.58
	5	0.62	0.2	0.57	0.56	0.69	0.61
	6	0.6	0.2	0.59	0.33	0.75	0.58
	7	0.63	0.08	0.64	0.37	0.77	0.62
	8						
	9						
	10	0.59	0.66	0.6	0.49	0.71	0.61
	11						
	12	0.63	0.55	0.51	0.7	0.74	0.54
	13	0.65	0.31	0.62	0.48	0.79	0.62
Control	14						
	15						
	16						
	17	0.61	0.55	0.6	0.31	0.75	0.59
	18	0.62	0.46	0.59	0.61	0.74	0.58
	19	0.54	0.48	0.58	0.43	0.79	0.59
	20						
	21	0.65	0.55	0.57	0.46	0.75	0.57
	22	0.63	0.61	0.56	0.34	0.8	0.61
	23	0.59	0.02	0.44	0.05	0.59	0.58
	24	0.68	0.03	0.57	0.07	0.54	0.61
	25	0.52	0.3	0.54	0.25	0.71	0.57
	26	0.61	0.04	0.57	0.17	0.76	0.57
	27						
	28	0.59	0.04	0.58	0.18	0.79	0.57
	1	0.67	0.5	0.56	0.61	0.73	0.56
	2	0.55	0.49	0.58	0.29	0.72	0.56
	3	0.46	0.41	0.53	0.47	0.74	0.6
	4	0.55	0.48	0.55	0.69	0.73	0.54
	5	0.6	0.49	0.59	0.6	0.78	0.61
	6	0.62	0.58	0.56	0.3	0.78	0.56
	7	0.56	0.51	0.51	0.52	0.74	0.57
	8	0.61	0.55	0.54	0.16	0.69	0.55
	9	0.58	0.51	0.6	0.52	0.66	0.58
	10	0.54	0.42	0.53	0.32	0.6	0.55
	11	0.53	0.49	0.55	0.61	0.72	0.58
	12	0.58	0.52	0.52	0.3	0.75	0.6
	13						
CHD	14						
	15	0.6	0.56	0.57	0.58	0.81	0.55
	16						
	17	0.63	0.15	0.66	0.42	0.72	0.64
	18						

19	0.51	0.47	0.45	0.46	0.66	0.61
20	0.45	0.43	0.42	0.35	0.62	0.6
21	0.37	0.02	0.51	0.06	0.51	0.53
22						
23						
24						
25	0.48	0.08	0.54	0.13	0.68	0.64
26						
27						

---

Table S17.2 CpG sites methylation level of IG in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_11.12	CpG_13	CpG_14	CpG_15	CpG_16	CpG_17	CpG_18
	1							
	2	0.63	0.66	0.41	0.41	0.42	0.52	0.62
	3							
	4	0.7	0.76	0.44	0.44	0.5	0.46	0.53
	5	0.68	0.7	0.45	0.45	0.48	0.4	0.46
	6	0.66	0.66	0.42	0.42	0.48	0.37	0.42
	7	0.67	0.68	0.46	0.46	0.48	0.45	0.44
	8							
	9							
	10	0.76	0.72	0.45	0.45	0.51	0.4	0.44
	11							
	12	0.61	0.67	0.38	0.38	0.4	0.35	0.55
	13	0.72	0.7	0.47	0.47	0.53	0.42	0.4
Control	14							
	15							
	16							
	17	0.69	0.71	0.44	0.44	0.53	0.35	0.39
	18	0.68	0.67	0.45	0.45	0.45	0.45	0.48
	19	0.67	0.68	0.43	0.43	0.47	0.37	0.41
	20							
	21	0.64	0.7	0.42	0.42	0.47	0.4	0.4
	22	0.79	0.81	0.49	0.49	0.45	0.57	0.5
	23	0.68	0.69	0.43	0.43	0.45	0.4	0.41
	24	0.72	0.72	0.46	0.46	0.56	0.48	0.39
	25	0.6	0.56	0.42	0.42	0.4	0.43	0.34
	26	0.56	0.55	0.38	0.38	0.39	0.39	0.55
	27							
	28	0.59	0.6	0.39	0.39	0.4	0.3	0.44
	1	0.56	0.58	0.4	0.4	0.42	0.33	0.4
	2	0.49	0.53	0.41	0.41	0.4	0.37	0.31
	3	0.74	0.73	0.48	0.48	0.44	0.62	0.59
	4	0.6	0.6	0.39	0.39	0.39	0.42	0.45
	5	0.74	0.67	0.45	0.45	0.53	0.38	0.43
	6	0.57	0.55	0.41	0.41	0.43	0.38	0.35
	7	0.67	0.63	0.43	0.43	0.52	0.38	0.39
	8	0.63	0.61	0.41	0.41	0.45	0.4	0.4
	9	0.59	0.56	0.43	0.43	0.47	0.51	0.43
	10	0.6	0.59	0.4	0.4	0.4	0.36	0.35
	11	0.65	0.6	0.44	0.44	0.43	0.47	0.53
	12	0.7	0.6	0.43	0.43	0.37	0.4	0.43
	13							
CHD	14							
	15	0.59	0.61	0.4	0.4	0.43	0.31	0.43
	16							
	17	0.73	0.67	0.49	0.49	0.51	0.46	0.37
	18							

19	0.7	0.7	0.45	0.45	0.49	0.39	0.42
20	0.66	0.63	0.46	0.46	0.46	0.45	0.6
21	0.53	0.48	0.36	0.36	0.34	0.39	0.27
22							
23							
24							
25	0.65	0.75	0.48	0.48	0.47	0.4	0.24
26							
27							

---

Table S17.3 CpG sites methylation level of IG in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_19.20	CpG_21	CpG_22	CpG_23	CpG_24	CpG_25	CpG_26
	1							
	2	0.64	0.6	0.86	0.68	0.57	0.55	0.55
	3							
	4	0.67	0.55	0.64	0.67	0.53	0.53	0.53
	5	0.66	0.54	0.57	0.7	0.48	0.52	0.52
	6	0.59	0.43	0.56	0.67	0.47	0.47	0.47
	7	0.69	0.53	0.7	0.7	0.52	0.5	0.5
	8							
	9							
	10	0.69	0.47	0.65	0.69	0.53	0.49	0.49
	11							
	12	0.64	0.58	0.64	0.63	0.49	0.5	0.5
	13	0.62	0.49	0.55	0.63	0.47	0.43	0.43
Control	14							
	15							
	16							
	17	0.61	0.48	0.62	0.65	0.44	0.49	0.49
	18	0.68	0.44	0.68	0.7	0.52	0.55	0.55
	19	0.61	0.49	0.65	0.66	0.45	0.46	0.46
	20							
	21	0.66	0.46	0.63	0.64	0.47	0.52	0.52
	22	0.79	0.56	0.77	0.81	0.6	0.57	0.57
	23	0.62	0.5	0.62	0.69	0.42	0.51	0.51
	24	0.62	0.46	0.6	0.67	0.47	0.47	0.47
	25	0.53	0.42	0.68	0.77	0.49	0.52	0.52
	26	0.6	0.46	0.61	0.64	0.49	0.56	0.56
	27							
	28	0.46	0.47	0.53	0.81	0.43	0.44	0.44
	1	0.51	0.37	0.46	0.51	0.47	0.47	0.47
	2	0.57	0.38	0.56	0.6	0.45	0.49	0.49
	3	0.72	0.72	0.75	0.81	0.54	0.64	0.64
	4	0.61	0.46	0.6	0.62	0.51	0.58	0.58
	5	0.58	0.47	0.59	0.58	0.5	0.46	0.46
	6	0.53	0.35	0.5	0.56	0.5	0.45	0.45
	7	0.57	0.44	0.54	0.55	0.51	0.41	0.41
	8	0.5	0.47	0.49	0.54	0.42	0.42	0.42
	9	0.67	0.4	0.73	0.76	0.62	0.62	0.62
	10	0.54	0.44	0.57	0.72	0.43	0.42	0.42
	11	0.64	0.56	0.71	0.63	0.53	0.6	0.6
	12	0.62	0.45	0.57	0.62	0.52	0.49	0.49
	13							
CHD	14							
	15	0.54	0.46	0.55	0.55	0.44	0.45	0.45
	16							
	17	0.57	0.41	0.58	0.62	0.48	0.48	0.48
	18							

19	0.56	0.47	0.6	0.62	0.5	0.51	0.51
20	0.62	0.61	0.68	0.67	0.53	0.54	0.54
21	0.59	0.31	0.62	0.72	0.47	0.53	0.53
22							
23							
24							
25	0.53	0.2	0.64	0.72	0.48	0.5	0.5
26							
27							

---