

Table S18 CpG sites methylation level of MEG3 in CHD patients and healthy individuals

Groups	SampleID	CpG_1	CpG_2	CpG_3.4	CpG_5	CpG_6	CpG_7
Control	1						
	2	0.46	0.49	0.57	0.57	0.5	0.58
	3	0.41	0.41	0.33	0.45	0.38	0.52
	4	0.46	0.48	0.5	0.53	0.48	0.54
	5	0.47	0.43	0.37	0.46	0.4	0.54
	6	0.51	0.46	0.38	0.47	0.37	0.61
	7	0.48	0.49	0.43	0.54	0.42	0.61
	8	0.48	0.54	0.43	0.56	0.45	0.61
	9	0.41	0.44	0.37	0.42	0.37	0.51
	10	0.38	0.46	0.33	0.46	0.39	0.5
	11						
	12	0.4	0.4	0.33	0.4	0.34	0.47
	13	0.42	0.39	0.36	0.42	0.36	0.5
	14	0.48	0.47	0.5	0.51	0.41	0.59
	15	0.49	0.44	0.43	0.48	0.42	0.56
	16	0.48	0.46	0.38	0.49	0.4	0.56
	17	0.41	0.4	0.34	0.4	0.34	0.47
	18	0.42	0.4	0.37	0.46	0.35	0.51
	19	0.42	0.47	0.37	0.48	0.43	0.55
	20						
	21	0.5	0.47	0.48	0.5	0.47	0.57
	22	0.45	0.47	0.46	0.51	0.43	0.56
	23	0.42	0.41	0.32	0.42	0.37	0.49
	24	0.46	0.44	0.37	0.45	0.39	0.54
	25	0.41	0.46	0.44	0.47	0.4	0.56
	26	0.41	0.46	0.44	0.47	0.42	0.49
	27	0.48	0.46	0.34	0.47	0.4	0.58
	28						
CHD	1						
	2	0.44	0.48	0.49	0.49	0.42	0.51
	3	0.4	0.42	0.35	0.42	0.36	0.47
	4	0.37	0.39	0.37	0.4	0.44	0.47
	5	0.37	0.35	0.28	0.4	0.33	0.46
	6	0.38	0.36	0.31	0.4	0.36	0.46
	7	0.39	0.35 NA		0.43	0.39	0.54
	8						
	9	0.37	0.37	0.31	0.35	0.28	0.41
	10	0.45	0.41	0.48	0.43	0.38	0.54
	11	0.35	0.39	0.35	0.42	0.37	0.48
	12	0.36	0.38	0.32	0.41	0.3	0.46
	13	0.36	0.37	0.29	0.39	0.34	0.44
	14	0.39	0.44	0.35	0.37	0.36	0.5
	15	0.36	0.37	0.26	0.38	0.32	0.47
	16						
	17						
	18	0.36	0.44	0.41	0.43	0.33	0.53

19	0.38	0.42	0.43	0.45	0.44	0.56
20						
21						
22	0.4	0.37	0.33	0.41	0.36	0.47
23	0.39	0.39	0.32	0.37	0.32	0.45
24						
25	0.39	0.4	0.3	0.45	0.38	0.45
26	0.46	0.43	0.32	0.42	0.37	0.45
27	0.34	0.36	0.27	0.38	0.3	0.41
