

SSPE DNA #	SSPE FENO CD4+	SSPE FENO CD8+	SSPE FENO CD19+	SSPE FENO CD3+	SSPE FENO CD14+	IKON DNA #	IKON FENO CD4+	IKON FENO CD8+
2315	42,5	25,5		70		3573	29,5	24,4
2325				58	72	3574	28,2	28,4
2379	30,1	39,5		68,5		3575	44,5	33
6707	41,9	16,7		62	63,6	3576	53,7	19,6
6712	25,9	26,3		51,5	25,6	3577	46,1	28,1
6719	35,1	37,2		67	32,4	3578	47,7	27,3
6729		15,9		41,8	80,5	3579	53,5	32
6734	32,2	33,9		68,3	74,8	3580	33,9	41,9
6735	25,8	24,4		56,6	85,6	3581	47,1	25,2
6750	30,5	21,7		61,5	29,2	3582	32,4	29,2
6751	29,6	23,6		59,2	35,4	3612		
6752	30,5	25		64,7	62,7	3613		
6753	29,9	25		66	7,4	3678	45,3	26,3
6754	11,6	25,3			74,2	3679	33,5	30,6
6760	36,5	32,9			90,7	3683	42,6	27,3
6762	16,2	19,4		50,9	74	3684	33,9	24,1
6763	56	44,6		72,3	78,6	3685	20,6	31,2
6764	27,4	38,3		68,4	60,3	5831	35,3	24,5
6765	21	23,9		50,1	93,6	5833	21,8	27,5
6766	42	28		71,3	67	6714	40,5	25
6767	15,3	45		65,5	81,2	6715	42	30
6768	31,9	36,6		60,5	59,6	6717	30,5	22,7
6769	27,9	21,7		52,5	52,8	6720	39,2	44,5
6776	34,4	26,1		66,9	88,2	6723	18,7	34,8
6777	25,3	20,4		47,9	63,5	6724	22	20
6786	18,1	12,2		73,3	85,2	6725	36,5	22,5
6787	16,6	18,7		50,7	64,8	6727	30,7	27,6
6788	27,5	23		53,7	74,3	6731		29,2
6789	36,6	23,4		64	32,1	6732		24,1
6792	21	15		34,1	25	6736	34,1	27,6
6793	30	26,4		60,5	62,7	6737	25,8	36,5
6794	39,8	16,1		59,3	59,8	6738	28	33,5
6796	43,6	22,8		67,2	81,6	6739	20,6	7,9
6797				65	92	6740	36	24,5
6798				42,4	3,9	6741	11,8	18,2
7801				49,3	5,2	6742	37,7	22
7803	11,4	29,7		33,5	82,3	6761	36,3	15,8
7805	24,3	38,9		67,7	89,3	6770	16	17,6
7806	40,9	32,3		74,4	72,7	6771	31	25
7809	62,8			66,5	95	6772	13	17,7
7810	26,2	40,6		76,4	94,5	6778	25	34,3
7813	34,5	35		70,4	93	6783	31,7	29,9
7818	38,6	41,8		79,2	78,6	6784	40,6	16,2
7822	41,3	24,5				6790	23,2	14,3
7823	45,9	9				6791	18,4	11
7826	43,3	22,1				6800		

7828	35,8	25,1				7802		
7829	34,6	27,9		66,5		7804		
7830	49,9	33,8				7819	49,8	33,7
7831	26,5	38,3				7842	37,6	20,3
7832	13,6	22,2				7848	42,8	25,3
7833	41,4	35,3				7852	42,6	21
7835						7855	34	16
7837	57,9	21,9		29,6		7857	41,4	47,9
7840	23,7	19,6				7860	46	31,5
7841	40	19,5		64,4		7862	26,7	13,8
7844	47,1	22,2		74		7865	34,5	26,4
7846	25	38,5		66,6		7867	41,2	24,2
7849	33,3	36,7		73,7		7871	23,8	24,9
7850	40,9	17		79,8		8215	49,5	22,2
7853	41,5	22		69,4		8216	26,8	47,2
7854	33,4	24,6		86		8224	37	20,2
7856	29,7	12,5		92,7		8225	30,1	34,2
7858	27,9	21,8		71,6		8227	43,4	23
7859	31,5	35,3				8228	47,6	28,4
7861	12,5	26,2		61,1		8234	46,3	23,3
7863	16,2	13,3		59,6		8238	49,5	28,5
7866	32,3	30,7	17,3			8280	30,7	20,1
7868	19,3	22,2	22,2			8281	28,3	33,4
7869	18,1	22,1	18,1			8282	21,3	36,6
7872	34,9	26,9	12,9			8283	39,2	23,1
7873	32,2	35,1	10,2					
7874	24,8	22,5	6,8					
7876	29,1	29,2	14,1					
7879	29,8	39,7	2,4					
7880	35	23,5	3,1					
7883	33	24,8	11,2					
7884	28,6	41,2	11,6					
7886	24,1							
7888	23,4	18,8	25,7					
7889	27,4	37,1	6,9					
7891	44,7	29,9	12,2					
7892	41,3	29,4	5,9					
7893	34,3	35,4						
7899	32,4	30,4	12,5					
8042	35	34,7	9	67,4	88,5			
8054	48,1	33,9	2		97,4			
8056	54,3	21,8	18					
8057	51,5	29,1	13					
8061	48,9	32,2	12	82,7	99,1			
8065	44,6	28,4	9	79,4	91,3			
8066	36,8	37,9	7	71,4	92,5			
8067	46,3	27,4	14	70,6	91,4			
8068	27,1	30,6	19	63,8	88			
8069	21,9	7,5	3	44,6				
8069	50,84	12,77	5,15	76,1	2,42			

8070	6,6	4,2	1	12,7	8,3
8070	41,82	25,79	5,68	15,49	7,91

IKON FENO CD19+	IKON FENO CD3+	IKON FENO CD14+	NIKON DNA #	NIKON FENO CD4+	NIKON FENO CD8+	NIKON FENO CD19+	NIKON FENO CD3+	NIKON FENO CD14+
13,9	64,1		3559	28,8	45	4,1	67,7	65,39
12,5	0,4	95,1	3560	27,8	49,5	10,5	64	95,4
13,2	71,7	52,9	3565					
6,1	75,29	93,84	3614					
6,3	77,17	85,48	4344	49,1	23,4		76,5	77
	76,6	96,9	4379	37,8	49		78,6	70,5
2,6	82,5	94,4	4382					
6,5	77,8	98,8	5832	35,5	33,2	6,4		
12,2	67,2	78,9	5834	29,5	43,6	7		
10,2	66,5	90,6	6716	41,9	31,8		76,5	91
			6721	41,6	30			73,4
			6722	35,1	34,3		68,9	67,3
11,5	71	70,6	6726	48,9	24,1		79,6	70
17,5	61,7	94,7	6728	18	27		51,4	73
6,4	69	90	6730		18,9		65,1	84,9
7,3	56,8	95,2	6733		18		64,2	85
6,1	65	84,5	6743	12,5	29,5		77,7	
13,6			6744		17,9			96
8,7			6759	45,6	26,8		74,5	48,6
	66,2	87,2	6779	36,4	25,8		62	88,2
	70	93,9	6780	38,8	29,3		72,9	79
	61,5	84,2	6781	26,6	24		49,8	75,8
	81,8	73	6782	17,5	23,7		80,5	76,8
	61,2	76,5	6785	32	17		77,6	69
	46,1	72,5	6799				76,1	12,1
	68,8	61,7	7807	59,2			46	57,5
	66,7	50,5	7811					
	71,3	72	7812	32,9	21,5		68	60,4
	67,2	76	7814					
	59,2	85	7815					
	54	87	7820	33,8	52,8		77,8	66,4
	64	79,8	7824	44,9	22,5			
	58	90,2	7825	23,7	31,4			
	49,4	89	7827	38,2	22			
	80		7834	34,1	32			
	71	91,6	7845		36,6			67,6
	60,6	72,9	7847	47,9	21,7			48,9
	43,5	29,5	7851	35,5	27,1			48,4
	76,4	65,4	7864	38,3	28,3			
	16	75	7870	36,3	15,7	13		
	47,7	82,7	7885	27,5	38,1	10,4		
	63,7	76,9	7896	57,9	28	3,8		
	77	66	8060	51,9	19,4	16	75,2	95,9
	40,9	46	8071	45,47	24,72	5,04	29,21	5,46
	46,6	41,3						

75,7 79,1

80,3 62,9
81,4
73
41,9
67,2
77,4
52,2
68,8

11,2
12,3

37,3
49,9
26,8
42,4
32,5
13,1

10,1
8,2
12,8
10,1

DONÖR	SSPE SI (-) IgG1 SPON	SSPE SI CD3+CD2 8	SSPE (-) IgG1 SPON-IL- 2	SSPE CD3/CD2 8-IL-2	SSPE (-) IgG1 SPON-IL- 10	SSPE CD3/CD2 8-IL-10	SSPE (-) IgG1 SPON-IL- 12p40	SSPE CD3/CD2 8-IL- 12p40
2325			32,02	11,86				
2385			0	0	8,7	5,2	574,3	291,7
2389	2004,8	5,7	0	0	2	2,2	12,5	31,5
2390	1686	0,7	0	0	3,8	3,2	56,9	44,5
2391	252	3,8	0	0	4,6	8,3	40,6	30,8
2392			0	0	0,7	2,5	7,4	12,2
2394	209,5	2,4	0	38,5	1,7	0,3	7,7	6,1
2396	1499,5	14,3	0	0	1,5	6,3	254,3	646,5
2397			0	0	2,8	1,4	23,1	31,3
2398	909,7	40,3	0	108,9	45,7	212,1	851	720,3
2399	419,8	23,7	3,6	103,7	14,3	16,9	392,7	446,4
2400	539,8	5,9	1,3	111	4,3	8,3	165,2	310,1
6701	478,3	0,9	12	72,8	0,8	1	304,5	237,8
6702	411,7	1,1	83,8	72,8	0,8	1,6	330,9	225,2
6703	311,5	16,9	1035	244,3	0,5	1,1	233,8	196,3
6704	269	18,9	287,5	83,8	2,8	5,5	445,1	285,9
6712	393,5	36,7	428	183	0,3	1,8	225,2	208,5
6729	756,3	3,2	273,8	130,1	12,1	4,5	285,9	218,4
6750	344,3	62,5	9,8	6,7	2,7	16,5	332,6	551,7
6751	472	2	8	7,1	3	3,1	196,8	89,1
6752	339,3	3,7	10,7	8	0,2	0,3	222,5	79,6
6797								
6798			10	28,1	12,6	11,3	385,8	153,4
7803			5	18,7	30	141,3	1657,5	1687,7
7805			23,9	39,4	220,9	108,4	545,6	1459,1
7806			8,7	31,2	6,7	9	60,1	62,8
7809			33,3	13,1	706,5	246	888,7	446,4
7810			15	16,6	22,8	26,1	202,2	265,1
7813			8,1	40,7	44,1	127,8	1912,5	1900,2
7818			4,4	10,6	15,3	3,3	90,8	33,7

SSPE (-) IgG1 SPON-IL- 12p70	SSPE CD3/CD2 8-IL- 12p70	SSPE (-) IgG1 SPON- IFNg	SSPE CD3/CD2 8-IFNg	DONÖR	IKON SI (-) IgG1 SPON	IKON SI CD3+CD2 8	IKON (-) IgG1 SPON-IL-2	IKON CD3/CD2 8-IL-2
		1,6	235,3	6723	341,5	67,9	0	0
30,7	28,7			6724	658,7	0,7	0	0
6,9	9,1	0	0	6727	359,8	45,1	0	2,6
6	6,9	0,4	0	6725			7,6	9,4
6,6	7,5	0,1	0	6742	764,5	48,6	11,6	0,9
6,4	7,8	0	0,4	6748	721	27,6	7,1	9,8
8,3	14,2	0	0	2386			0	13,1
6	26,1	0	142,4	2395			10	8,7
7,7	8,8	0	0,1	7802				39
9,8	10,7	17,3	2069,4	7804			8,7	6,9
7,3	8,2	2,6	8,9	7808			8,7	14,4
6,2	9,2	1,3	16,4	7816			31,2	14,4
8,1	7,1	0,4	0,5	7819			61,7	8,7
5,7	7,3	0,4	1					
7	7,4	0,9	4,2					
9,4	5,4	0,9	32					
15,4	14,8	1,1	3,4					
6	13,2	0,6	0,6					
14	14,3	0,3	2,9					
13,9	12,9	0,2	1,3					
13,6	13,7	0,4	3,2					
		4,3	9,4					
20,8	19,9							
45,3	61,8	12,5	1777,8					
0,4	22,9	2,2	901					
0,7	1,8	2,3	14,5					
2,2	2,7	2,6	2355,9					
0	1,6	19,9	1496,5					
96,5	232,9	779,5	1352,4					
0	0	1,6	1,6					

NIKON SI (-) IgG1 SPON	NIKON SI CD3+CD2 8	NIKON (-) IgG1 SPON-IL-2	NIKON CD3/CD28- IL-2	NIKON (-) IgG1 SPON-IL- 10	NIKON CD3/CD28- IL-10	NIKON (-) IgG1 SPON-IL- 12p40	NIKON CD3/CD28- IL-12p40	NIKON (-) IgG1 SPON-IL- 12p70
		0	0	87,3	42,1	249,6	124,4	4,1
420	1	0	0	40,9	22	465,6	150,7	6
1491,8	24,1	0	0	38,3	29,7	296	187,8	4,2
636	55,2	0	0	17,9	54,2	193,5	289	10,8
403,8	60,6	0	0	8,7	18,4	311,2	313,5	14,3
		0	0	4,4	3,2	717,8	453,7	15,2
361	20	5,8	9,4	48	55,9	283,3	168,8	10,7
268,8	104	4,9	0	4,8	32,2	370,2	227,9	12,2
226,7	1	0	0	1,2	0,3	13,6	3,7	8,5
353	2,8	0	0	5,1	2,1	277,2	127,3	6
		6,9	5,6	588,6	159,2	1545,4	1093,2	7,5
		11,2	33,7	130,6	73,8	197,7	150,7	0,5
		13,7	15	94,1	183,4	1011,9	1119,7	4,4
		13,1	7,5	71,8	36,9	442,9	390,6	6,9
		32,4	44,8	109,7	273	2200	2200	95,2
		47,3	6,9	60,4	105,6	433	1154,2	0

NIKON CD3/CD28- IL-12p70	NIKON (-) IgG1 SPON- IFNg	NIKON CD3/CD28- IFNg
5	0	0,2
6,3	1,5	0
11,1	0	0
14	0	1185,8
14,6	0	178,7
13	0	0
14,8	1,2	17,5
12,4	1,5	751,7
8,3	0,4	0,1
11,8	0,3	0,6
3,8	18,1	2574,7
1,4	1,9	572,9
9,1	40	2184
5,7	12,7	23,3
53,5	242,4	574,7
4,9	15,7	240,1

DNA # SSPE	(-) IL12P70 SSPE	SAC IL12P70 SSPE	(-) IFNG SSPE	SAC IFNG SSPE	(-) IL10 SSPE	SAC IL10 SSPE	(-) IL23 SSPE	SAC IL23 SSPE
2397	7,8	5	0,9	0			27,5	32,8
6752	18,5	17,5	0	0	16,2	17,5	22,6	23,3
2382	5,2	5,3	3,6	7,3	1,2	125,4		
6704	6,6	5,3	0	1,7	0	8,6	28,2	28,6
2381	5,9	0,6	0	0	5,4	11,6	44,4	28,6
2379	4,1	3,5	0	0	20,2	0		
2380	11,1	5,1	0	0	0	8,6	25,8	31,9
6750	15,6	14,7	0	0	24,7	37,6	19,6	22,3
2399	18,2	16,2	0,6	13,3	3,8	58,7	22,9	34,7
2376	2,7	2,2						
2372	3,8	2,9	0,1	0,2	14,5	13,1		
2375	3,8	5,1	0	1,8	15,3	43,2	31,1	27,8
2394	5,2	5,2	0	0	0	23,8	25,1	27,4
6702	19,3	16,7	0	12	0	0	44,4	139,8
6701	16,7	5,7	0	0	18,8	15,3	45,4	49,2
6754	17,8	17,1	0	0	4,6	29,9	46,3	39,4
2391	6,9	1,6	0	0				
2374	2,4	2,2	0	0	0	1,2		
6703	3,5	3,7	0	0,2	16,2	32,7	24,7	26,6
2392	3,9	11,8	0	0				
2396			0	59,4	25,6	27	31,1	33,6
2304	3,7	1,6					26,6	24,3
6712	8,4	7,4	0	0,2	23,8	55,9	17,7	24,3
2400	13,1	10,2	0	0	1,2	0	22,9	22,6
2398	4,9	3,6			22,9	39,6	27,4	33,2
6729	5,9	7,8	7,3	72,3	17,5	28,9	37,6	27,8
2303	7	6,5						

(-) IL12P40 SSPE	SAC IL12P40 SSPE	DNA # ICON	(-) IL12P70 ICON	SAC IL12P70 ICON	(-) IFNG ICON	SAC IFNG ICON	(-) IL10 ICON	SAC IL10 ICON
19,3	13,2	6748	17,6	17	0	0,5	16,2	20,6
69,7	209,6	6724	6,8	10,9	0	0	0	28,8
372,3	610,4	6723	10	10,1	0	0	11,6	25,3
180,2	176,7	6742	16	12,5	0,1	0,9	0	10,8
99,4	105,1	6727	6,9	8,8	0	0	35	262,8
48,6	21,1	6725	9,2	7,3	0	0	15,3	31,6
1,9	7,7							
145,3	466,7							
221	703,2							
9,3	47,3							
472,9	400,9							
76	111,4							
0	0							
32,9	163,3							
25,2	30,3							
79,1	277,6							
48,5	48,2							
32,6	41,2							
6,1	18,3							
0	0							
110,4	228,2							
13,4	195,7							
283,8	103,5							
387,7	619,3							

(-) IL23 ICON	SAC IL23 ICON	(-) IL12P40 ICON	SAC IL12P40 ICON	DNA # NICON1	(-) IL12P70 NICON1	SAC IL12P70 NICON1	(-) IFNG NICON1	SAC IFNG NICON1
20,3	27,5	211,6	344,2	6747	16,3	15,8	0	0
23,3	24,7	331,3	370	6746	18,4	16,9	0	0
33,9	29,7	414	328,7	6744	16,6	16,4	0	6,5
36,3	24	181,1	238	6755			0	0,2
27,5	26,4	57,3	208,4	6757			0	0,6
22,6	24	148,5	165,8	6726	5,9	9,7	0	1,4
				6756			0	0
				6718	11,8	7,1	0,1	14,3
				6728	7	7,1	0	0
				6745	16	16,4	0	0
				6743	7,8	4,3	0	0,5
				6716	12,2	9,8	0	0,6
				6758				
				6722	11,3	9,4	0	0,7
				4382	5,3	5,5	0	0
				4377	12,6	10,3	0	1,1
				4381	5,2	5,6	0	0
				4385	2,5	12,4	1,5	15,7
				4359	17,9	16,5	0	0
				4383	4,8	5,5	0	0
				4379	16,9	11,9		
				4387	14,1	12,8	0	3,1
				4393	5,2	4,7	0,6	0
				4392	5,5	6,5	0	0
				4396	5,4	5,9	0	0
				4404	5,3	6,9	0	0
				4378	15,3	15,2	0	0

(-) IL10 NICON1	SAC IL10 NICON1	(-) IL23 NICON1	SAC IL23 NICON1	(-) IL12P40 NICON1	SAC IL12P40 NICON1
18,4	40,6	26,8	22,9	904,3	4002,6
17,5	17,5	24	23,3	309,6	174,7
0	19,6	27,5	29,7	221,6	319,2
18,4	19,7	29,9	32,4	56,7	58,5
17,1	18,8	22,9	29,3	91,4	93,4
3	38,4	32,8	34,3	123,7	219,7
45,1	29,9	20,9	22,9	83,5	85,9
6,2	67,3	36,7	32,4	360,4	621,6
27,4	93,1	30,1	27,2	116,5	157
20,6	15,3	24,7	23,6	17,4	23,4
0	0	21,6	24	74	67,5
17,5	98,4	36,7	34,1	200,6	273,6
7	11,6	23,1	23,5		
1,2	14,5	32,4	30,7	87,2	136,9
		31,5	48,7	46,6	101,4
25,6	30,8	22,3	26,1	14,9	24,3
24,7	25,6	20,6	24,3	45,1	64
18,4	114,5	48,2	32,8	164,1	198,9
19,7	18,8	21,9	24,3	7,4	3,4
20,2	21,1	19,6	23,3	61,4	91
14,9	89,7	38,9	29	59,3	139,8
17,1	27,5	29,7	24,7	47,8	29,9
				0	0
14,1	40,6	22,9	28,6	115,7	236,4
14,1	38,1	36,2	29	0	8
15,8	24,7	25	27,9	54,9	107,4

DNA SSPE	CD4+DE CD4+ SLAM+ SSPE	CD8+DE CD8+ SLAM+ SSPE	CD8+ DE PD1+ SSPE	CD19+ DA SLAM+ SSPE	CD14+ CD46+ SSPE	DNA İKON	CD4+DE CD4+ SLAM+ İKON	CD8+DE CD8+ SLAM+ İKON
7856	1,95	1,61				3678	39,9	45,98
7888	0,58	0,28	0,08	0,07		3679	30,6	13,2
7886						3684	24,95	6,17
2315						3685	15,17	10,89
2325					24,3	8228	2,2	0,4
2379						8238	3,3	
6707					63,6	3683	17,46	8,14
6712					25,55	6761		
6719					32,4	6771		
6729					80,3	6772		
6734					22,3	7857		
6735					69,12	7865	1,3	14,32
6750					3,13	7871	3,2	0,03
6751					7,32	6790		
6752					62,2	6791		
6753					7,26	7804		
6754					75,6	7848	0,62	0
6760					90,7	6714		
6762					70,9	6717		
6763					78,6	6723		
6764					59,3	6731		
6765					91,01	6732		
6766					66,9	6736		
6767					71,8	6738		
6768					59,23	6739		
6769					52,6	6740		
6776					88,08	6742		
6777					62,28	6783		
6786					84,6	8215		0
6787					64,2	8216	41	0
6788					73,2	8224	5,7	0
6789					32,05	8227	2,4	0
6792					24,4	8280		
6793					62,3	8281	47,35	28,29
6794					58,6	8282	13,81	7,45
6796					81,6	6725		
6797					81	6724		
6798					3,9	6800		
7801					5,1	6770		
7803					37,26	7852	2,25	0,33
7805					87,7	7842	28,79	0,53
7806						3613		
7809						7802		
7810						7819		
7813						6741		
7818					75,7	6778		

7822						6799		
7826						6784		
7828						7855	4,7	1,86
7829						7860	9,24	0
7831	94,2	3,12				7862	7,8	0,08
7832						7867	17,6	
7833						6727		
7835						6737		
7837	1,84	0,04				6720		
7844	1,27	0				3573	21,23	21,41
7846	2	0,2				3574	20,2	12,67
7849	5,45	0,1				3575	12,85	3,86
7854	25,59	20,65				3576	2,4	7,78
7858	6,45	1,5				3577	3,05	19,6
7859	16	0,32				3578		
7863	19,1	0,14				3579	23,21	7,24
7866	8,4	0,1		0,1		3580	18,68	7,92
7868	4,1					3581	11,33	7,86
7869	3,1	0,2	0,22	2,44		3582	21,08	10,93
7872	16,43	8	0,72	17,31		3612		
7873	4,69	1,03	0,22	21,76		5831	0,48	0,32
7874	12	6,28	0,16	11,86		5833	0,33	1,19
7876	37,1	10,58	13,54	22,61		8225	5,6	0
7880	0,2	0,9	0	1,9		8234	3,2	0,99
7883	1,1	0	0	0,05		8283	2,94	33,02
7884	5,15	0,05	0,35	2,18		6715		
7889	2,92	0,19	2,12	1,18				
7891	8,11	7,61	0,12	30,89				
7892	3,27	4,94	0,02	0,19				
7893	25,39	10,34	1,82					
7899	20,21	9,96	3,72	31,48				
8042	39,46	6,37	5,68	26,68	87,9			
8054	1,45	19,22	17,17	72,28	10,18			
8056	17,29	13,05	27,71	33,86				
8057	16,46	44,36	12,87	28,13				
8061	45,96	84,65		94,71	98,71			
8065	46,74	80,71		70,43	75,52			
8066	29,49	20,93		21,31	89,21			
8067	16,16	28,27		2,05	19,86			
8068	8,03	4,69		3,43	0,7			
8069								
7823								
7830	9,8	0						
7840	14,04	3,2						
7841	7,3	0						
7850	6,6	0						
7853	9,5	0,29						
7861	2,54	0,03						
7879	0,21	0,36	1,69	1,69				
8069	8,05	2,24		3,41	0,05			

8070

64,3

35,52

34,03

86,55

CD8+ DE PD1+ İKON	CD19+ DA SLAM+ İKON	CD14+ CD46+ İKON	DNA NİKON	CD4+DE CD4+ SLAM+ NİKON	CD8+DE CD8+ SLAM+ NİKON	CD8+ DE PD1+ NİKON	CD19+ DA SLAM+ NİKON	CD14+ CD46+ NİKON
23,4	56,62	33,61	6759					48,34
7,67	66,19	57,55	6779					82,83
2,44	14,63	92,65	6780					78,6
2,25	27,26	56,76	6781					75,52
			6782					76,74
			6785					68,68
2,19	34,84	0,91	7864	4	1,42			
		72,89	7870	7,3	0,9	0,2	1,2	
		62	8060	68,24	81.54*		79,22	92,55
		74,4	8071	99,05	91.85*		63,56	84,99
			7811					
	0,7		5832	0,98	0,3	0,46	0,33	
			5834	4,93	0,66	0,1	0,66	
		35,7	6743					
		41,1	6730					84,84
			7834		1,1			
			7851	4,4	0			
		87,14	7896	0,67	5,19	0,48	2,05	
		84,2	3559	30,03	5,14	6,53	22,72	65,25
		76,5	3560	69,04	11,67	7,43	39,07	95,32
		71,3	3565					
		75,5	3614					
		54	4344					76,7
		69,3	4379					68,1
		79	4382					
		61,14	6716					91
		76,66	6721					73,2
		76,48	6722					67,2
			7820					56,5
			7885	5,73	0,07	0,01	0,37	
			6728					71,5
			7827					
			6726					32,5
			7807					
			7815					
		49	7824					
		63,5	7825					
			7845					
		26,89	7812					60,8
			6744					69,1
			6733					84,2
			7847	1,16	1,23			
			7814					
		60,7						
		80,41						

11,2
65,84

30,9
85,3
51,4

2,81	54,16	
7,45	28,88	89,27
1,35	39,28	51,27
38,22	23,32	93,84
3,14	15,5	0,38
12,38		1,22
6,45	13,91	94,41
0,11	11,71	95,68
13,22	21,07	77,74
2,39	28,75	86,51

0,33	0,62
0,8	1,03

37,71

93,9

SSPE DNA #	SSPE (-) ELISPOT SPON	SSPE MV- H ELISPOT	SSPE MV- C ELISPOT	SSPE MV- N2 ELISPOT	SSPE MV- M ELISPOT	SSPE MV- N1 ELISPOT	SSPE MV- POOL ELISPOT	IKON DNA #
2315								3573
2325	1	2	20	0	0	0	14	3574
2379								3575
6707								3576
6712								3577
6719								3578
6729								3579
6734								3580
6735								3581
6750								3582
6751								3612
6752								3613
6753								3678
6754								3679
6760								3683
6762								3684
6763								3685
6764								5831
6765								5833
6766								6714
6767								6715
6768								6717
6769								6720
6776								6723
6777								6724
6786								6725
6787	38	42	38	58	62	36	46	6727
6788								6731
6789								6732
6792	4	7	9	35	7	12	16	6736
6793	11	14	9	24	2	4	22	6737
6794	5	6	6	22	7	4	9	6738
6796								6739
6797	0	0	3	5	1	1	30	6740
6798								6741
7801	3	14	64	36	2	8		6742
7803	6	8	84	50	4	6	216	6761
7805	24	40	164	40	35	14	75	6770
7806	1	2	114	166	3	13	222	6771
7809								6772
7810	12	12	568	564	5	62	599	6778
7813	36	25	599	707	28	35	703	6783
7818	2	3	399	381	4	17	390	6784
7822								6790
7823								6791
7826	24	40	32	35	38	41	46	6800

8070

8070

IKON (-) ELISPOT SPON	IKON MV- H ELISPOT	IKON MV- C ELISPOT	IKON MV- N2 ELISPOT	IKON MV- M ELISPOT	IKON MV- N1 ELISPOT	IKON MV- POOL ELISPOT	NIKON DNA #	NIKON (-) ELISPOT SPON
0	0	0	0	0	0	0	3559	5
0	0	0	0	0	0	0	3560	2
1	1	1	0	0	1	2	3565	5
1	0	1	1	0	1	251	3614	4
0	1	0	0	0	1	0	4344	
0	0	1	0	1	1	2	4379	5
							4382	1
							5832	
							5834	
							6716	
1	1	0	0	0	0	0	6721	
3	1	0	1	0	0	0	6722	
							6726	
							6728	
1	1	1	1	2	1	4	6730	
							6733	
							6743	
							6744	
							6759	
							6779	
							6780	
							6781	
							6782	38
							6785	
							6799	6
							7807	
							7811	28
							7812	
							7814	13
							7815	10
							7820	6
							7824	
							7825	
							7827	
							7834	10
							7845	
							7847	
							7851	
							7864	
							7870	1
							7885	20
							7896	
							8060	
							8071	
33	162	840	536	17	13	1111		

7	2	15		36		26
1	4	357	24	1	0	79

1	14	1	1	0	1	105
---	----	---	---	---	---	-----

NIKON MV-H ELISPOT	NIKON MV-C ELISPOT	NIKON MV-N2 ELISPOT	NIKON MV-M ELISPOT	NIKON MV-N1 ELISPOT	NIKON MV-POOL ELISPOT
--------------------------	--------------------------	---------------------------	--------------------------	---------------------------	-----------------------------

3	2	1	3	3	20
3	2	3	2	7	9
5	6	4	6	8	10
1	1	0	0	0	0
15	21	10	14	5	23
2	34		7	1	3

42	38	58	62	36	46
5	42	11	3	3	14
27	342	376	22	3	402
7	54	342	10	6	315
20	142	279	76	35	833
9	6	285	4	6	140

1	2	2	2	11	6
---	---	---	---	----	---

1	1	0	1	1	250
16	14	15	12	17	62