

Xeu **tcagcagggcggctgcgatggtgcagggccaagacttgggctaacggccttgctcattgt**
Xcci **tcagcagggcggctgcgatggtgcagggccaagggcttgggctcacggccttgctcattgt**
Xoo **tcagcagggcggctggtcgatggtgcgggctgagacttaggctgacagccttgctcatcgt**
Xcc **tcagcaagctgcggtgcgattgaccgtattggacgtcatgc-----ccttggaggggtgc**
*****.* ** *.**.* ** . * * *.. ** ***** . .*

Xeu **cgttgccctcggatcgtgcaacgcgagctccaacttgtagccgtgccaatagacggttct**
Xcci **cgttgccctcggatcgtgcaacgcgagctccaacttgtagccgtgccaatagacggttct**
Xoo **tgttgcatctttgtcttgcagcggcagctccaacttgtagccatgccaatagacggttct**
Xcc **cgccgtgttgccgtccgacagcggcagttcgagcttgtagccatgccaatagacggtgcg**
...* * . ** .**.* ** *..** *..*****.***** ***** *

Xeu **gatgcgcaaccgcgctgctgtcaccgctcagctgcagtttcttgcgcaactttagatgtg**
Xcci **gatgcgcaactgcgctgctgtcactgctcagctgcagtttcttgcgcaactttagatgtg**
Xoo **gatgcgcaactgcgctgctgtgattgcccagctgcagtttcttgcgcaactttagatgtg**
Xcc **aatgcgcaactgcgccactgtggttgcacagcggcagtttcttgcgcaactttagatgtg**
.******.***.*..** *..** *..*****.*****.*****.***

Xeu **ctgctccatgggtgcggtcggatgaattcgggtatggctgcccagaccgcttggccagctg**
Xcci **ctgctccatgggtgcggtcggatgaattcgggtatggctgcccagaccgcttggccagctg**
Xoo **ctgctccatgggtgcggtcggatgaattcgggtatggctgcccagaccgcttggccagctg**
Xcc **ctgttccatgggtgcggtcggatgaactcgggtatggctaccccagactgccttggccagctg**
.***.*****.*****.***** *****.*****.***

Xeu **gcaacgcgggaagcacagcggggctggaaaagagcagccaggcaatcgagaactcgcg**
Xcci **gcaacgcgggaagcacagcggggctggaaaagagcagccaggcaatcgagaactcgcg**
Xoo **gcaacgcgggaagcacagcggctggggctggaaaatagcagccaggcaatcgaaaactcgcg**
Xcc **gcagcggggaagcacagcggggattcgaaaacagcagccaggcgatggagaactcgcg**
.* ** **.****** **.* * ***** *****.*** **.******

Xeu **tgcggtcaacgcgatcggcttgccttccaggtagacggatatttcatcgcggatcagctt**
Xcci **tgcggtcaatacgcgatcggcttgccttccagataaacggatatttcatcgcggatcaaccg**
Xoo **tgcggtcagcagcatcggcttgccttccagataaacggatatttcatcgcggagcaactg**
Xcc **cgcggtcaaggcaatcgcggtttctgaggtacaccgtgttcttctcgcggagcagctg**
.******.*.*.*** * . * * **.* ** * **.***.*. ***** **.*.

Xeu **gtagggacccacgctcaggtgctgcttccgggcaggcatgcgccaccggcgatagcgc**
Xcci **gtatggaccaacgctcaggtgctgcttccgggcaggcatgcgccaccggcgatagcgc**
Xoo **gtatggaccaacgctgagttgctgcttccgggcaggcatgcgccaccggcgatagcgc**
Xcc **atagggccaccttgatctgctgggctggatgcaggtggctgccatcgcccaaatggc**
.* **.* ** * . * * ***** *..* . *****.. *****.***** * * **

Xeu **cagggcgcgacgctgcaactcatgcaattgaaaggcagcgcgaaggacctcctgccc**
Xcci **cagcgcgcgacgctgtaactcgtgcaattgaaaggcagcgcgaaggacctcctgccc**
Xoo **cagggcgcgctacctgcaattcgtgaggatgaaagggagcgcgaaggacctcctgccc**
Xcc **gagcgcgcgacatgcaactcgtgtgagttgactggcaggctgagcacttctggtggc**
* * * .*****.* **.***.***.***.***.*** * * * .**.* **.* ** * **

Xeu **gcctgcgcataccagggcagaatggtgtcggcgcaatcgaaacggccaagcagatcag**
Xcci **gcctgcgcataccagggcagaatggtgtcggcgcaatcgaaacgtccaagcagatcaa**
Xoo **gcccgcgcataccagtcaggatgtcgttggcgagtcgaaacggccagcagatcag**
Xcc **gcccgcgcataccagggcagaatcgtggtggcactcgaaacggccagcacaatcag**
*** *****.***** * **.***.* * ** ***** * * *****.***.*.

Xeu **cgccgtgggctggcggctatggcagcgtgccaggccagcagtgactgtcatcggcggc**
Xcci **cgccgtgggctggcggctatggcagcgtgccatgccagcagtgactgtcatcggcggc**
Xoo **cgccgtgggatgaccgctatggcagcgtgccaggccagcagcagcttctcgtcggaggc**

Xcc tttgttgtttttgctcctcccctt--cagagagcccggc **atgatacctttcgacctactt**
**** .***** ****. . ***** ********** ** .*****

Xeu tgcagcgatctctgcggttgctacacgcagaacgtcttcctacctatacgcagcaggatgct
Xcc **tgcagcgatctctgcggttgctacacgcagaacgtcttcctacctatacgcagcaggatgct**
Xoo tgcagcgatctctgcggttgcttctacgcagaacgtcttcctacctatacgcagcaggatgct
Xcc **cgagcgatctctgcggttgcttctacgcagaccgtcttcgatctatacgcagcaggatgct**
.***** ***** ***** * .*****

Xeu ggttggtgcttggccaagggactgcaacatctccaacagcgcgcgcagcggacagggcgc
Xcci ggttggtgcttggccaagggactgcaacatctccaacagcgcgcgcagcggacagggcgc
Xoo ggttggtgcttggccgcagggactgcaacaccttcaacagcgcgcgcagggcaggggc
Xcc **tggttggtgcttggccaagggctctgcagcacctccagcaacgtcgcgaggggcagggcgc**
*****.***** ***** .**.*.*.*.*.*.*.*.*.*.* ***** **.***** **

Xeu agcggatggcgccgacgatgaggtcagcttggttcgggtgccagcggcgatgctgtgctgat
Xcci tgtggatggcgccgacgatgaggtcagcttggttcgggtgccagcggcgatgctgtgctgat
Xoo agcggatggcgccgacgatgaggtcagcttggttcgggtgccagcggcgatgctgtgctgat
Xcc **tccggatggcgccgacgcaagtcgcatgctggggcgccagcggcgatgctgtgctgat**
. ***** . ***.*

Xeu cctggaatatcaggaagaggccgaagatgctatcggcaggccttgaaggccatgctgagg
Xcci cctggaatatcaggaagaggccgaagatgctatcggcaggccttgaaggccatgctgagg
Xoo cctggaatatcaggaagaggccgaagacgctatcggcaggccttgaaggccatgctgagg
Xcc **tctggagtatcaggaagaggcagaggatgctatcggcaggccttgaaggccatgctgagg**
.*****.*****.***** **.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*

Xeu gcatcagcgccaattgcgctgctgtcgtgcccgaacaccgctggttgatgctgagaca
Xcci gcatcagcgccaattgcgctgctgtcgtgcccgaacaccgctggttgatgctgagaca
Xoo gcatcagcgccaattgcgctgctgtcgtgcccgaacaccgctggttgatgctgagaca
Xcc **gcaccagcggcagctgcgctgctgtcgtgcccgaacaccgctggttgatgctgagaca**
*** ***** **.*

Xeu gggcgctgagcggcggttgaattgcttcgagcagttggcaatggaccgcaaacgccc
Xcci gggcgctgagcggcggttgaattgcttcgagcagttggcaatggaccgcaaacgctc
Xoo gggcgctgagcggcggttgaattgcttcgagcagttggcaatggaccgcaaacgccc
Xcc **ggcgctgagcggcgctcaattgcttcgcaactggccatggaccgcaaacgccc**
*** ** *****.*

Xeu gccagcctgtgcggcgagagcctggtgggcaaatcgctcaccacttccatctgggcca
Xcci gccagcctgtgcggcgagagcctggtgggcaagtgcctgaccacttccatctgggcca
Xoo gccagcctgtgcggcgagagcctggtgggcaaggcactgaccacttccatctgggcca
Xcc **ggcggtgctgtggtggcgagagcctgctcggcaaggcctgaccacttccactgggcca**
* . *****.*

Xeu gagcacgttggccttacagaccctggagcgtgcccgaggtgctggccgacctggagag
Xcci gagtacgttggccttacagaccctggagcgtgcccgaggtgctggccgacctggagag
Xoo gagcacgttggccttacagaccctggagcgtgcccgaggtgctggccgagctggagag
Xcc **gagcacctggcactgcagacgctggaacgcgcgcaagaggtggttccgagctggagct**
***.*

Xeu cggcgctggaactggctgaggattgccactgcgctgctgacatgattgcccagct
Xcci cggggcgtcggaatggctgaggatgccaatgcgctgctgacatgattgcccagct
Xoo tgggtgcttccgattggctgctgctgccaccgctgctgaggctgacatgattgcccagct
Xcc **cggtgcccggactggacgctggtgctggcgctgctgacatgattgcccagct**
.** ** * ** *** .*** .* *.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*.*

Fig S1. Multiple DNA sequence alignment of *hrpX*, *hrpG* and their intragenic regions of *X. euvesicatoria* (*Xeu*) 85-10 strain (genomic region 4996282-4999333), *X. citri* pv. *citri* (*Xcci*) 306 strain (genomic region 1444841-1447887), *X. oryzae* pv. *oryzae* (*Xoo*) KACC10331 strain (genomic region 1411025-1414008) and *X. campestris* pv. *campestris* (*Xcc*) 8004 strain (genomic region 3682705-3685746). Alignment was conducted using Clustal Omega under default settings (<https://www.ebi.ac.uk/Tools/msa/clustalo/>). The coding regions of *hrpG* are marked in yellow. The coding regions of *hrpX* are marked in green. The Start codons of *hrpG* and *hrpX* are marked in underlined blue. The stop codons of *hrpG* and *hrpX* are marked in underlined pink.