

Gene Symbol	Median_A AM	Median_E AM	<i>q</i>	log2 FC
<i>AMACR</i>	0.846	1.181	0.00043	0.335
<i>AMD1</i>	1.104	1.383	0.00209	0.279
<i>ANPEP</i>	0.756	0.288	1.11E-05	0.468
<i>CACNA1D</i>	0.258	0.457	1.09E-05	0.199
<i>CCL3</i>	0.368	0.243	0.00065	0.125
<i>CRISP3</i>	0.052	0.176	0.00015	0.124
<i>ERG</i>	0.201	0.312	0.00658	0.111
<i>HPGD</i>	0.205	0.102	1.94E-05	0.103
<i>INPP4B</i>	0.212	0.141	3.16E-05	0.071
<i>LSAMP</i>	0.23	0.15	0.00346	0.08
<i>PCGEM1</i>	1.06	0.707	6.97E-05	0.353
<i>SPINK1</i>	0.115	0.016	0.00042	0.099
AC006449.2	1.235	1.418	0.00287	0.183
AC008592.3	1.012	1.195	0.00529	0.183
AC008746.12	0.87	1.102	4.98E-05	0.232
AC009245.3	1.675	1.815	0.00322	0.14
AC016700.6	1.644	1.754	0.00625	0.11
AC092610.12	0.995	1.063	0.00541	0.068
AC092667.2	0.176	0.101	0.00036	0.075
AC144450.2	0.151	0.309	0.00077	0.158
ADAMTS1	0.609	0.446	0.0001	0.163
ADD3	0.251	0.193	0.00116	0.058
AFF3	0.56	0.377	3.00E-05	0.183
AGR2	0.797	1.055	0.01581	0.258
AKAP12	0.349	0.269	0.00267	0.08
ANKRD20A11P	0.132	0.068	3.16E-05	0.064
ANKRD20A5P	0.206	0.12	4.04E-05	0.086
ANKRD20A9P	0.025	-0.058	5.24E-07	0.083
AP000281.1	0.033	0.292	4.93E-19	0.259
AP001627.1	0.106	0.241	4.98E-05	0.135
AP1B1P2	0.121	0.187	0.01494	0.066
APOD	1.472	1.357	0.00897	0.115
ARHGEF7	0.458	0.404	0.0143	0.054
ARL17B	0.743	0.865	0.00024	0.122
ARSD.AS1	1.372	1.604	0.00027	0.232
ATAD1	0.537	0.473	0.02148	0.064
ATP11B	0.622	0.706	0.00042	0.084
BAG3	0.496	0.444	0.02288	0.052
BCAM	0.554	0.627	0.01511	0.073
BCL6	0.355	0.276	0.0075	0.079
BDH2	0.231	0.164	0.00569	0.067
BMPR1B.AS1	0.094	0.164	0.01586	0.07
bP.218909.2	0.492	0.362	0.00784	0.13
BTF3P9	0.972	1.055	0.01628	0.083
C1orf21	1.04	0.974	0.02288	0.066
C1QTNF3.AMACR	0.507	0.732	0.00036	0.225
C1QTNF9B	0.169	0.048	0.00054	0.121
C1QTNF9B.AS1	0.555	0.211	1.17E-05	0.344

C9orf129	0.832	0.896	0.01045	0.064
CANT1	0.316	0.377	0.02299	0.061
CANX	2.137	2.238	0.0127	0.101
CBX3	0.824	0.885	0.01709	0.061
CCDC80	0.405	0.327	0.01385	0.078
CD24	2.235	2.611	0.00091	0.376
CDC42EP5	0.847	0.772	0.01388	0.075
CDK19	0.464	0.617	0.00221	0.153
CDKN1A	0.118	0.054	0.01163	0.064
CFD	0.981	0.839	0.00494	0.142
CHDH	0.132	0.19	0.00145	0.058
CHRD1	0.217	0.158	0.00068	0.059
CHRM3.AS2	0.155	0.295	0.00042	0.14
CLU	0.482	0.403	0.01861	0.079
CNTNAP2	0.131	0.071	0.00781	0.06
COL14A1	0.301	0.228	0.00777	0.073
CRIPAK	1.251	1.353	0.00711	0.102
CRYAB	0.799	0.736	0.02126	0.063
CSGALNACT1	0.291	0.452	6.33E-06	0.161
CTA.363E6.3	0.079	0.205	0.00577	0.126
CTBP1.AS	0.336	0.261	0.01163	0.075
CTD.2031P19.5	1.249	1.161	0.01991	0.088
CTD.2210P15.2	-0.079	0.007	0.01629	0.086
CTD.2311B13.5	1.964	1.558	0.01861	0.406
CTD.2547H18.1	0.266	0.346	0.0143	0.08
CTD.2583A14.11	1.256	1.362	0.00394	0.106
CTD.2653B5.1	0.385	0.301	0.01376	0.084
CTD.3220F14.1	0.364	0.423	0.00981	0.059
CYP4F27P	0.609	0.294	0.00042	0.315
CYP4F30P	3.453	2.563	0.0041	0.89
CYP4F35P	0.2	0.145	0.00029	0.055
CYP4F62P	1.124	0.776	0.0016	0.348
DNASE2B	0.031	0.099	0.0009	0.068
DSC2	0.337	0.414	0.01147	0.077
DSCAM.AS1	0.058	0.002	0.00318	0.056
DSG2	0.238	0.299	0.00993	0.061
EEF1A1P11	3.79	3.889	0.01709	0.099
EEF1A1P14	1.133	1.185	0.01617	0.052
EEF1A1P4	0.838	0.897	0.01058	0.059
EEF1A1P8	0.818	0.868	0.02288	0.05
EFEMP1	0.31	0.231	0.01154	0.079
ELOVL2	0.315	0.248	0.01196	0.067
ELOVL5	0.901	0.985	0.02188	0.084
EMP1	0.339	0.235	0.00528	0.104
EPCAM	0.597	0.717	0.00322	0.12
F5	0.03	0.111	0.00661	0.081
FAM103A1	0.876	0.995	0.00018	0.119
FAM21C	0.665	0.742	0.00234	0.077
FAR2P1	0.802	0.581	0.00192	0.221
FAR2P2	0.866	0.657	0.00613	0.209
FAR2P4	0.86	0.706	0.00739	0.154

FNIP2	0.267	0.334	0.01628	0.067
FOS	2.402	2.015	0.02288	0.387
FZD4	0.258	0.331	0.00874	0.073
GABPB1.AS1	0.293	0.368	0.00266	0.075
GADD45B	0.986	0.862	0.00494	0.124
GCNT1	0.435	0.592	0.00201	0.157
GHR	0.171	0.243	0.00494	0.072
GLMP	0.351	0.403	0.02148	0.052
GLO1	0.824	0.99	0.00897	0.166
GLYATL1P4	0.344	0.485	0.0119	0.141
GNB2L1	1.094	1.154	0.01611	0.06
GPR160	0.383	0.463	0.02427	0.08
GREB1	0.614	0.459	0.00529	0.155
GUCY1A3	0.949	1.099	0.00042	0.15
GUSBP3	2.003	2.248	0.00412	0.245
HECTD4	0.461	0.515	0.01714	0.054
HERC2P2	0.82	1.02	2.34E-07	0.2
HERC2P3	0.631	0.758	0.00042	0.127
HERC2P9	0.416	0.516	0.00125	0.1
HES1	0.341	0.422	0.01734	0.081
HOMER2	0.625	0.697	0.01412	0.072
IGF1	0.731	0.544	0.00229	0.187
IQGAP1	0.573	0.501	0.00644	0.072
ITM2C	0.546	0.478	0.02148	0.068
KCNC2	0.178	0.25	0.01299	0.072
KCNH8	0.025	0.092	4.24E-05	0.067
KCNN4	0.118	0.187	0.00092	0.069
KIAA1244	0.692	0.84	0.00042	0.148
KIAA1324	0.544	0.614	0.0236	0.07
KLF4	0.536	0.417	0.0025	0.119
LGALS3	0.474	0.421	0.01611	0.053
LINC00665	0.19	0.251	0.01641	0.061
LINC00920	0.016	0.087	0.00412	0.071
LINC01088	0.337	0.25	0.00494	0.087
LINC01089	0.803	0.862	0.01449	0.059
LPHN2	0.463	0.378	0.01511	0.085
LRG1	0.425	0.344	0.00482	0.081
LRRC37A	0.994	1.182	5.24E-07	0.188
LRRC37A3	0.777	0.887	0.00067	0.11
LSAMP.AS1	0.077	0.014	0.01997	0.063
MAGEH1	0.366	0.285	0.01196	0.081
MAP1LC3B	0.337	0.264	4.98E-05	0.073
MAP1LC3BP1	0.069	-0.033	2.03E-07	0.102
MAP2	0.27	0.197	0.02485	0.073
MAP7	0.429	0.522	0.00036	0.093
MAPK6	0.442	0.5	0.01819	0.058
MARVELD2	0.174	0.252	0.00125	0.078
METTL7A	1.105	1.018	0.00172	0.087
MGST2	0.585	0.666	0.01873	0.081
MIPEP	0.579	0.333	0.00015	0.246
MPP5	0.478	0.532	0.00475	0.054

MT1A	0.594	0.423	0.00529	0.171
MT1E	0.817	0.645	0.00173	0.172
MT1G	0.628	0.494	0.0227	0.134
MT1L	1.48	1.088	0.00034	0.392
MT1M	0.604	0.518	0.00525	0.086
MT1X	0.516	0.409	0.0074	0.107
MT2A	1.559	1.398	0.00229	0.161
MTND5P11	1.225	1.134	0.01105	0.091
MYADM	1.168	1.021	0.00054	0.147
NAALADL2	0.285	0.381	0.0011	0.096
NBL1	0.464	0.396	0.00377	0.068
NCALD	0.104	0.176	0.00023	0.072
NCAPD3	1.046	0.776	0.01901	0.27
NDRG1	0.866	0.992	0.00907	0.126
NEAT1	3.737	3.874	0.00145	0.137
NKAIN1	-0.108	-0.055	0.00038	0.053
NME2P1	1.91	2.078	0.00203	0.168
NPIP7	0.656	0.516	8.16E-08	0.14
NPIPP1	2.246	2.325	0.01376	0.079
NPM1P8	1.257	1.335	0.01912	0.078
NPNT	0.62	0.501	0.00287	0.119
NRGN	0.422	0.371	0.01581	0.051
OPHN1	0.493	0.369	8.16E-08	0.124
OR11H2	0.169	0.109	0.00529	0.06
OR11J5P	-0.034	-0.107	0.00978	0.073
OR4K7P	0.075	0.022	0.01387	0.053
OR7E86P	-0.043	0.013	0.01511	0.056
P3H2	0.139	0.016	0.00101	0.123
PABPC1L2A	0.158	0.247	0.00023	0.089
PABPC1L2B.AS1	1.549	1.944	0.00036	0.395
PCAT14	1.749	2.397	0.00177	0.648
PCAT18	0.361	0.548	0.01221	0.187
PCAT4	0.717	0.322	0.00897	0.395
PCGF3	0.441	0.495	0.00371	0.054
PCMTD1	0.589	0.659	0.02126	0.07
PCMTD2	0.392	0.455	0.00138	0.063
PDE3B	0.311	0.424	0.0009	0.113
PDE9A	0.401	0.469	0.01581	0.068
PGM5P4.AS1	0.315	0.223	0.0068	0.092
PITPNC1	0.216	0.153	0.00145	0.063
PLA2G7	0.363	0.571	1.09E-05	0.208
POTEB2	0.584	0.42	0.00494	0.164
POTEE	0.837	0.661	0.01648	0.176
POTEF	1.478	1.141	0.00929	0.337
POTEI	0.926	0.762	0.02154	0.164
PPM1H	0.37	0.427	0.00077	0.057
PRIM2	0.109	0.058	0.00482	0.051
PTP4A2	1.001	0.935	0.02485	0.066
PWAR6	1.949	2.136	0.00055	0.187
RAB27A	0.521	0.438	0.0079	0.083
RAB3B	1.027	1.278	3.00E-05	0.251

RABEP1	0.649	0.729	0.0054	0.08
RAD51AP1P1	0.207	0.259	0.01501	0.052
RALGAPA2	0.678	0.831	0.00125	0.153
REXO2	0.229	0.337	0.00036	0.108
RHOB	0.671	0.583	0.00369	0.088
RLN1	0.285	0.025	2.27E-05	0.26
RLN2	0.009	-0.149	0.00034	0.158
RN7SKP264	-0.147	-0.083	0.02276	0.064
RNASE4	0.339	0.26	0.0033	0.079
RNU4.46P	0.805	0.883	0.01049	0.078
RNU6.321P	1.327	1.007	0.00173	0.32
RP1.207H1.3	0.212	0.313	0.00562	0.101
RP11.1023L17.1	1.27	1.491	1.87E-05	0.221
RP11.1084J3.3	0.287	0.458	0.00158	0.171
RP11.1085N6.1	0.856	0.916	0.01581	0.06
RP11.1319K7.1	0.44	0.573	4.87E-05	0.133
RP11.135A1.2	0.371	0.505	0.00494	0.134
RP11.1415C14.3	1.557	1.843	0.0033	0.286
RP11.147L13.7	0.545	0.604	0.01668	0.059
RP11.159H20.3	0.176	0.23	0.00535	0.054
RP11.15I11.2	0.886	0.982	0.00843	0.096
RP11.170M17.2	1.62	1.69	0.01848	0.07
RP11.173P15.3	2.396	2.614	0.01015	0.218
RP11.177A2.5	1.326	1.133	1.94E-05	0.193
RP11.191L9.4	-0.074	-0.009	0.00077	0.065
RP11.20B24.5	0.591	0.682	0.01477	0.091
RP11.220D10.1	0.784	0.928	0.01105	0.144
RP11.23J9.6	0.119	0.206	0.0105	0.087
RP11.253E3.1	0.594	0.66	0.00616	0.066
RP11.258C19.7	1.071	1.257	0.00123	0.186
RP11.307O1.1	2.345	2.573	0.00838	0.228
RP11.327O17.2	0.371	0.511	0.01289	0.14
RP11.332O19.2	3.075	3.279	0.02427	0.204
RP11.34P13.13	0.922	0.991	0.01715	0.069
RP11.408P14.1	3.028	3.12	0.02035	0.092
RP11.433O3.1	2.552	2.957	0.00221	0.405
RP11.459I19.1	0.249	0.157	0.01118	0.092
RP11.483P21.2	0.738	0.867	0.00538	0.129
RP11.486P11.1	0.196	0.106	0.01808	0.09
RP11.488C13.1	1.779	1.883	0.0014	0.104
RP11.490G8.1	0.789	0.891	0.00691	0.102
RP11.498C9.4	0.281	0.429	0.01267	0.148
RP11.536C10.19	2.185	1.523	0.00215	0.662
RP11.536C10.25	0.216	0.032	0.00499	0.184
RP11.546B8.5	0.125	0.511	9.05E-23	0.386
RP11.553N16.1	2.205	2.305	0.0092	0.1
RP11.586K12.5	0.324	0.185	0.02044	0.139
RP11.588K22.2	0.607	0.736	0.00211	0.129
RP11.597D13.8	-0.086	0.011	0.01553	0.097
RP11.597D13.9	0.082	0.201	7.62E-09	0.119
RP11.627K11.1	2.658	2.748	0.00929	0.09

RP11.64K7.1	0.884	1.095	0.01728	0.211
RP11.69L16.5	0.861	0.938	0.0236	0.077
RP11.69M1.4	1.964	2.183	0.00034	0.219
RP11.706O15.3	0.213	0.322	0.00111	0.109
RP11.706O15.7	0.914	1.085	0.02105	0.171
RP11.710F7.2	0.696	0.58	0.02387	0.116
RP11.744O11.2	0.525	0.768	0.0128	0.243
RP11.798G7.4	0.759	0.957	0.0002	0.198
RP11.798G7.7	1.265	1.597	8.23E-07	0.332
RP11.810K23.10	0.086	-0.059	0.00369	0.145
RP11.81K13.1	0.172	0.248	0.00448	0.076
RP11.849F2.7	0.69	0.755	0.00959	0.065
RP11.884K10.6	0.322	0.444	0.01376	0.122
RP11.903H12.5	0.617	0.527	0.01147	0.09
RP11.927P21.2	0.595	0.743	0.00079	0.148
RP3.325F22.5	0.07	0.159	0.00101	0.089
RP3.406A7.5	1.007	1.147	0.00582	0.14
RP3.508I15.22	0.418	0.291	0.00658	0.127
RP5.1007F24.1	0.081	0.174	0.00322	0.093
RP6.109B7.4	0.207	0.32	0.00211	0.113
RPL10	0.563	0.624	0.00034	0.061
RPL11	3.367	3.48	0.00849	0.113
RPL13A	0.811	0.864	0.02146	0.053
RPL22	1.502	1.56	0.01342	0.058
RPL23AP81	0.71	0.788	0.01304	0.078
RPL34	1.012	1.086	0.0015	0.074
RPL41	0.87	0.99	0.00278	0.12
RPL5	1.425	1.484	0.01671	0.059
RPL5P4	1.701	1.797	0.00017	0.096
RPL6	1.48	1.56	0.00754	0.08
RPL6P27	2.486	2.649	0.00168	0.163
RPL7A	0.503	0.554	0.01504	0.051
RPL7P11	2.329	2.449	0.01334	0.12
RPL7P9	2.9	3.033	0.02387	0.133
RPL9P3	0.427	0.488	0.00318	0.061
RPL9P32	0.807	0.898	0.00814	0.091
RPS12	1.724	1.846	0.00528	0.122
RPS15A	0.617	0.673	0.00613	0.056
RPS15AP1	1.64	1.792	0.02188	0.152
RPS15AP11	2.239	2.337	0.01617	0.098
RPS17P8	0	-0.128	0.00898	0.128
RPS23	1.262	1.319	0.00212	0.057
RPS25	2.045	2.138	0.02282	0.093
RPS3	1.597	1.665	0.02279	0.068
RPS3AP47	1.581	1.718	0.01709	0.137
RPS3AP5	2.541	2.689	0.01155	0.148
RPS3AP6	2.648	2.805	0.00482	0.157
RPS4XP13	0.888	0.952	0.00351	0.064
RPS7P1	2.758	2.885	0.02387	0.127
RPS7P11	1.876	2.008	0.02387	0.132
RPS7P3	2.293	2.399	0.00795	0.106

S100A6	0.145	0.056	0.00238	0.089
SCGB1D1	0.357	0.261	0.01671	0.096
SCIN	0.061	-0.004	0.00024	0.065
SEC11C	0.661	0.823	0.00644	0.162
SEPP1	1.32	1.184	0.01376	0.136
SEPT9	0.253	0.303	0.00322	0.05
SERBP1P6	0.494	0.565	0.00115	0.071
SH3RF1	0.583	0.73	0.00029	0.147
SLC25A5	0.575	0.644	0.00253	0.069
SLC41A1	0.236	0.185	0.00217	0.051
SLC5A4	-0.003	0.057	0.00601	0.06
SNHG5	0.311	0.367	0.00322	0.056
SNHG8	0.516	0.624	0.00142	0.108
SNORD115.27	0.265	0.355	0.01848	0.09
SNORD115.3	0.613	0.735	0.00658	0.122
SNORD115.31	0.304	0.418	0.0227	0.114
SNORD115.32	0.405	0.653	0.00125	0.248
SNORD115.5	0.601	0.72	0.01639	0.119
SNORD32B	1.325	1.458	0.02476	0.133
SNORD36B	1.328	1.485	0.00695	0.157
snoU2.30	2.872	3.012	0.00322	0.14
SORL1	0.238	0.313	0.00518	0.075
SPARCL1	1.612	1.414	0.01387	0.198
SPG20	0.303	0.23	0.00101	0.073
SRGN	0.981	0.809	0.00895	0.172
STAG3L5P.PVRIG2P.PILRB	0.71	0.787	0.00726	0.077
STEAP4	0.657	0.846	0.01049	0.189
STXBP6	0.153	0.094	0.00297	0.059
SYNJ2BP	0.478	0.582	0.0022	0.104
TBC1D3I	0.266	0.349	0.00125	0.083
TDRD1	0.02	0.164	0.00838	0.144
TENM1	0.491	0.231	0.00317	0.26
TFF3	0.573	0.464	0.00119	0.109
TGFB3	0.333	0.263	0.01576	0.07
TGFBRAP1	0.414	0.471	0.01387	0.057
TIMP3	0.677	0.623	0.02146	0.054
TMC5	0.425	0.572	0.00163	0.147
TMEM144	0.121	0.183	8.23E-07	0.062
TMEM178A	0.204	0.255	0.01355	0.051
TPT1	1.595	1.671	0.01162	0.076
TTN	0.158	0.104	0.00021	0.054
TXLNGY	0.383	0.503	0.00211	0.12
UBE2Q2P6	3.715	3.812	0.00859	0.097
UPK3A	0.126	0.062	0.0105	0.064
UPK3BL	1.908	1.651	0.00085	0.257
VGLL3	0.384	0.223	0.00497	0.161
VPS13A	0.411	0.48	0.00739	0.069
VSIG2	0.227	0.157	0.00371	0.07
XXbac.BPGBPG55C20.2	2.132	2.345	0.00125	0.213
ZNF121	1.227	1.304	0.00722	0.077
ZNF260	0.257	0.315	0.02148	0.058

ZNF350	0.576	0.676	0.00929	0.1
ZNF404	0.153	0.21	0.0222	0.057
ZNF577	0.815	0.897	0.01611	0.082
ZNF587	1.378	1.498	0.00045	0.12
ZNF614	0.196	0.264	0.00377	0.068
ZNF615	0.395	0.483	0.01561	0.088
ZNF765	0.173	0.239	0.00234	0.066
ZNF814	0.659	0.73	0.00234	0.071

362 ETS dependent race specific genes are selected by $q \leq 0.025$ & $\log_2 FC \geq 0.05$

***Bold** indicates previously published genes that show differences in expression pattern in AAM*

Supplementary table 2.