

Promotor of phage vB_SflM_004

	position	-10	-35
1	44640	TTTTATAAT	TTGACA
2	58710	AGGTATTAT	TTGAGA
3	52297	TTTTATACT	TTGACA
4	61088	TCATATAAT	TTGATT
5	36774	TTTTATTCT	TTTACT
6	7194	TTTTAGAAT	TTGATA
7	70277	TTTTATTAT	TTTATA
8	73900	TTGTATGAT	TTGACA
9	69409	TTTTAAAAT	TTGAAA
10	81365	GGTTATAAT	TTGACC
11	73309	AGTTATAGT	TTAAAA
12	16863	CTGTATCTT	TTAACT
13	80644	TTTTAGATT	TTGATT
14	50750	AACTAAAGT	TTTACA
15	76849	GATTAAAGT	TTGATT
16	63223	TGCTAAGAT	TTCACA

Promotor of phage vB_SdyM_006

	position	-10		-35
1	7199	TTTTATAAT		TTGTAA
2	13495	TGCTATAAT		TTCTAG
3	23291	TGTTATTAT		TTCAAA
4	24211	AATTATAAT		TTTTAA
5	32593	CATTATAAT		TTAAAG
6	40886	TTCTATAAT		TTAAAA
7	43510	TAGTATAAT		TTGTAG
8	44855	CCTTATAAT		TTTAAG
9	46330	CCTTATAAT		TTGTAA
10	47337	TGATATAAT		TTGTAA
11	49343	GTTTATGAT		TTGCAT
12	57794	GGTGATAAT		TTAAAT
13	59163	TTTTATCAT		TTCCAG
14	59564	CACTATTAT		TTGTAA
15	60649	ATTCATAAT		TTGAAT
16	62984	TGGTATAAT		TTTCAA
17	66585	ATGTATAAT		TTTAAT
18	68320	AATTATAAT		TTGTAT
19	90708	TTATATAAT		TTAAAA
20	108854	CGGTATAAT		TTCAAG
21	110236	TGATATTAT		TTTAAT
22	116646	TAGTATAAT		TTGTAA
23	120480	TGTTATAAT		TTTAAT
24	126715	TTTTATAAT		TTTAAT
25	129414	ATCTATAAT		TTTAAA
26	130580	CTGTATGAT		TTAAAT
27	133173	CATTATAAT		TTGCAA
28	142336	TATTATTAT		TTTCAG
29	144627	TTATATAAT		TTGGAT
30	154613	ATATATAAT		TTTAAT
31	161520	TGATATGAT		TTCTAT

Promotor of phage vB_SsoS_008

	position	-10	-35
1	6467	ATGTAACAT	TTGCGA
2	7769	GTCTATGAT	TTGCTA
3	10884	TTGTATAAT	TTCCAA
4	15294	CTCTAGGAT	TTGCAA
5	17696	GTTTAATAT	TTGCAA
6	21050	CTATATGAT	TTCCCA
7	26544	CTGTAGAAT	TTGCGA
8	38117	TTCTAAGAT	TTCCTA
9	39685	GTGTATTAT	TTGCTA
10	42929	GTTTAAAAT	TTCCCA
11	48741	GTTTAATAT	TTGCTA
12	49049	TTTAAACAT	TTTCAA