

Figure S1. Immune scores and stromal scores are not associated with the N and M staging of GC. The distribution of ESTIMATE scores in (A) N and (B) M staging; the distribution of stromal scores in (C) N and (D) M staging; and the distribution of immune scores in (E) N and (F) M staging. ns, not significant.

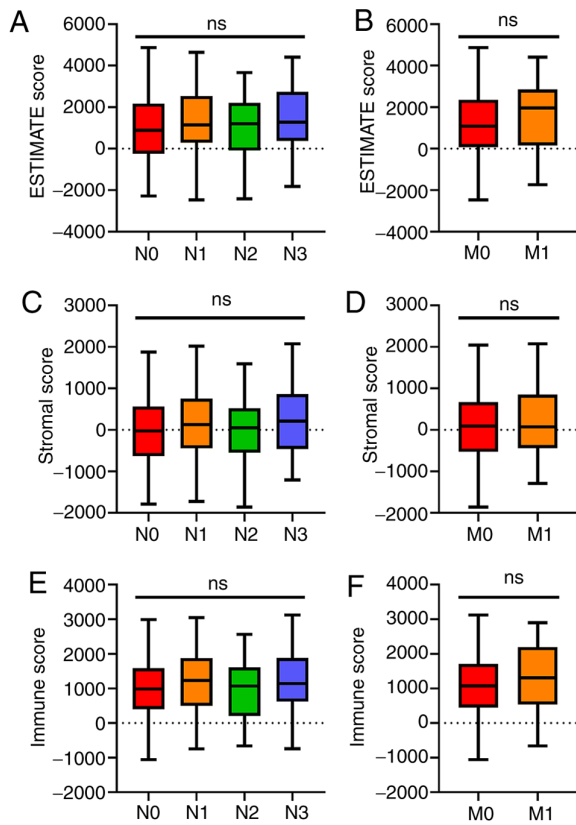


Figure S2. Comparison of gene expression profiles with stromal scores in gastric cancer. In the stromal score group, a heatmap was used to visualize differentially expressed genes. High, high immune score group; low, low immune score group.

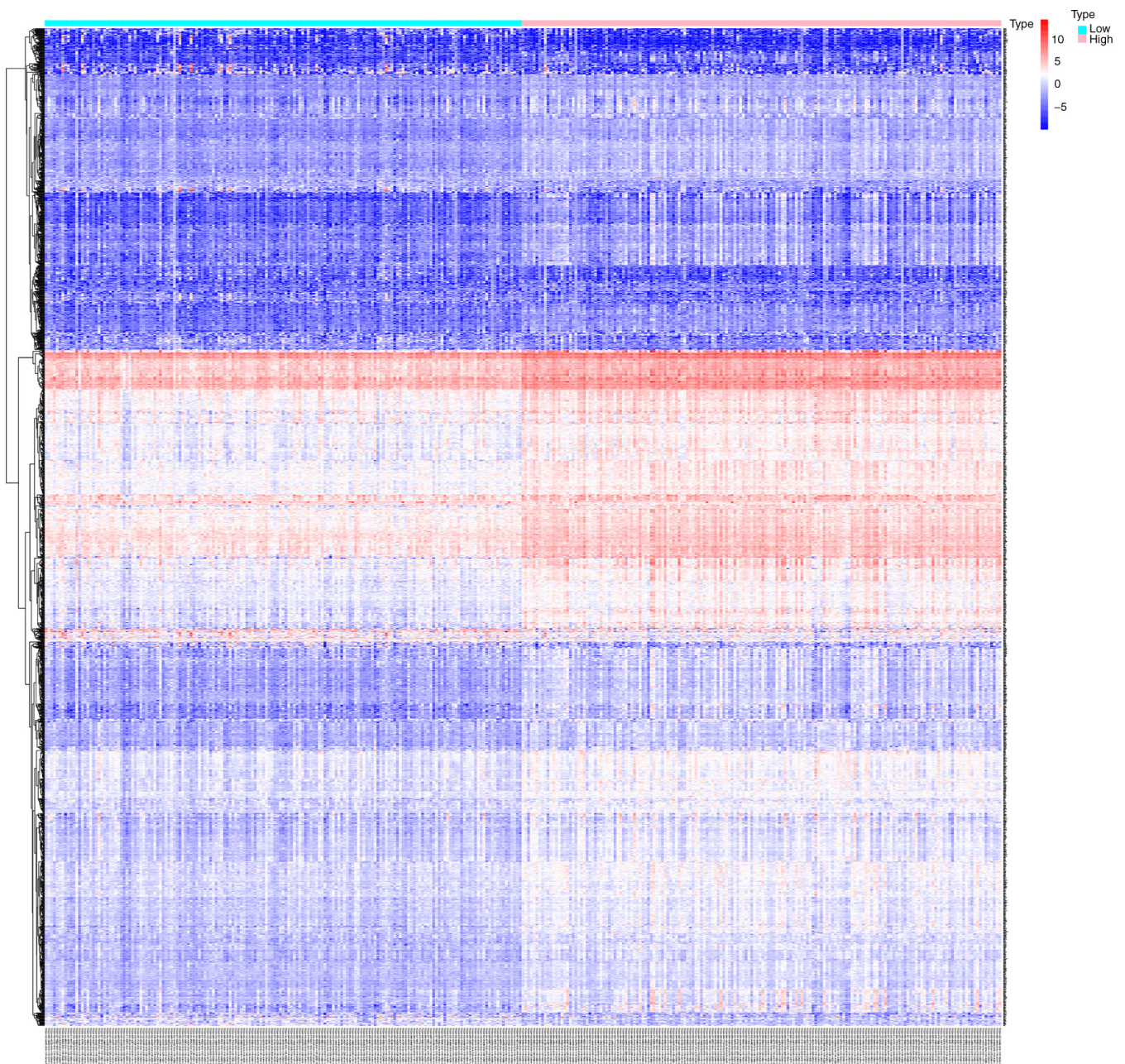


Figure S3. Comparison of gene expression profiles with stromal scores in gastric cancer. In the immune score group, a heatmap was used to visualize differentially expressed genes. High, high immune score group; low, low immune score group.

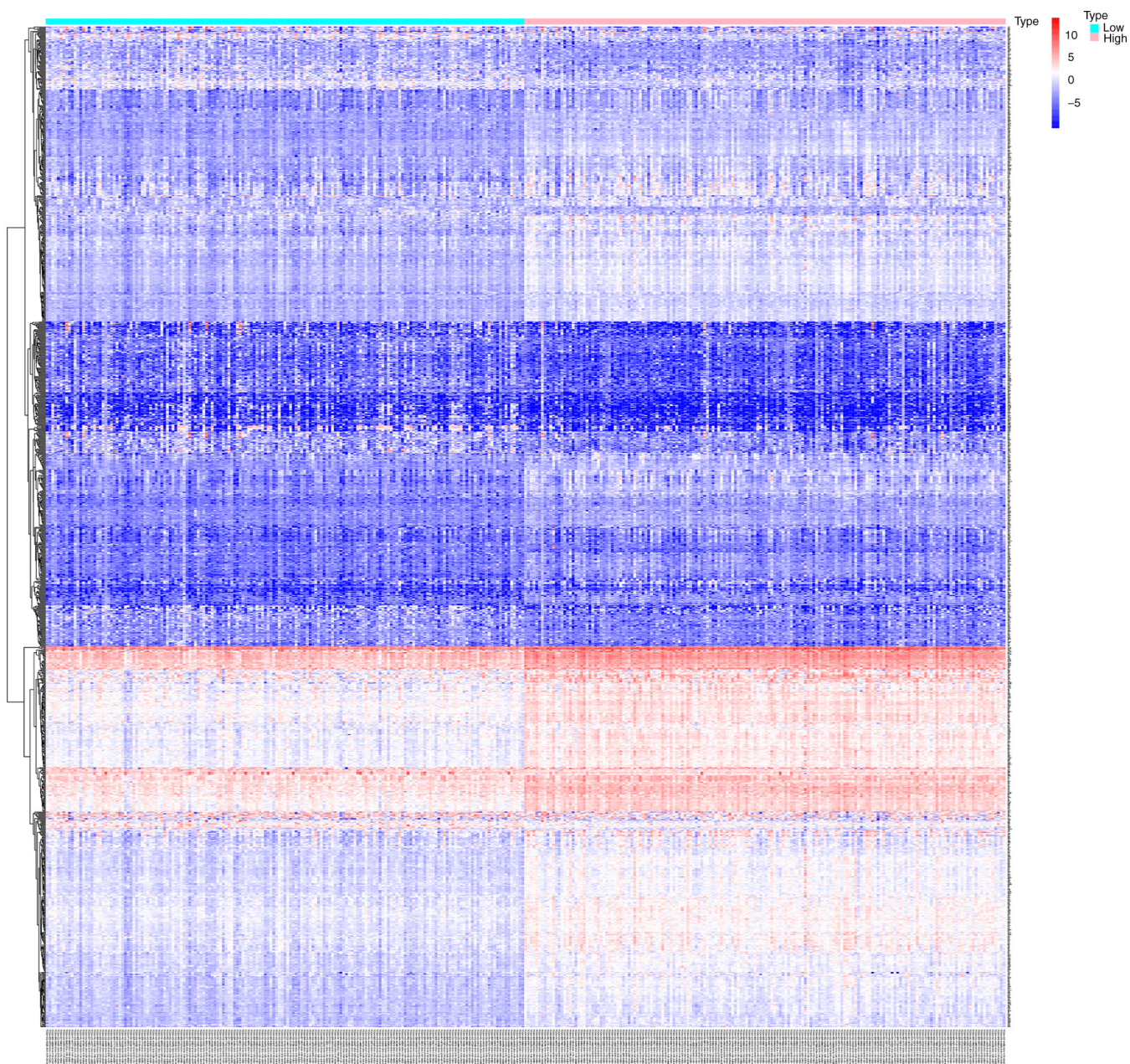


Figure S4. Distribution of gene expression in 50 specimens. The distribution of the  $2^{-\Delta\Delta Cq}$  values of (A) CXCR4, (B) PTGFR and (C) RGS1 in 50 specimens.

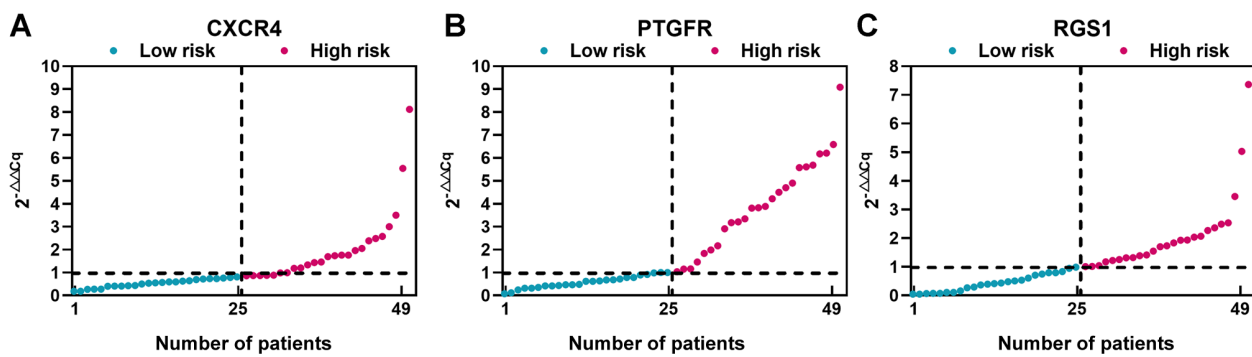


Table SI. Differentially expressed genes with regard to immune scores.

Gene	logFC	FDR	P-value
GIMAP1	1.473539	1.07x10 <sup>-33</sup>	1.85x10 <sup>-35</sup>
CD274	2.001622	2.68x10 <sup>-22</sup>	9.57x10 <sup>-24</sup>
LHX1	-2.192680	3.71x10 <sup>-03</sup>	1.30x10 <sup>-03</sup>
TLR7	2.206422	2.18x10 <sup>-39</sup>	1.88x10 <sup>-41</sup>
TSPAN11	1.165072	4.31x10 <sup>-13</sup>	2.70x10 <sup>-14</sup>
PEBP4	1.268202	1.43x10 <sup>-05</sup>	2.50x10 <sup>-06</sup>
HOXC12	-2.202202	6.07x10 <sup>-08</sup>	6.68x10 <sup>-09</sup>
FPR1	1.761969	1.11x10 <sup>-25</sup>	3.26x10 <sup>-27</sup>
PDE4B	1.392050	8.43x10 <sup>-30</sup>	1.89x10 <sup>-31</sup>
SLAMF7	2.192817	4.46x10 <sup>-39</sup>	4.11x10 <sup>-41</sup>
BANK1	1.552036	8.31x10 <sup>-08</sup>	9.35x10 <sup>-09</sup>
SPINK6	-1.222006	1.65x10 <sup>-02</sup>	7.30x10 <sup>-03</sup>
TNNT2	-1.112537	1.14x10 <sup>-04</sup>	2.52x10 <sup>-05</sup>
FETUB	-1.514864	4.06x10 <sup>-04</sup>	1.04x10 <sup>-04</sup>
FAM180B	1.076660	3.26x10 <sup>-02</sup>	1.63x10 <sup>-02</sup>
TTYH1	-2.313593	2.03x10 <sup>-02</sup>	9.32x10 <sup>-03</sup>
LHFPL3	-1.035678	2.22x10 <sup>-02</sup>	1.04x10 <sup>-02</sup>
ZBP1	1.281380	4.74x10 <sup>-24</sup>	1.52x10 <sup>-25</sup>
CXCR1	1.634961	9.13x10 <sup>-07</sup>	1.23x10 <sup>-07</sup>
ZNF831	1.496554	3.25x10 <sup>-36</sup>	4.48x10 <sup>-38</sup>
UGT2B17	1.885353	2.38x10 <sup>-04</sup>	5.68x10 <sup>-05</sup>
LY86	1.957914	1.68x10 <sup>-40</sup>	1.07x10 <sup>-42</sup>
CCNE1	-1.676314	6.04x10 <sup>-06</sup>	9.68x10 <sup>-07</sup>
CD5	1.248013	2.28x10 <sup>-27</sup>	5.94x10 <sup>-29</sup>
FCGR3B	1.535355	2.05x10 <sup>-09</sup>	1.85x10 <sup>-10</sup>
GPR65	1.848838	2.84x10 <sup>-46</sup>	3.00x10 <sup>-49</sup>
TMEM151A	-1.119119	2.40x10 <sup>-04</sup>	5.76x10 <sup>-05</sup>
KRT16	-1.570499	1.31x10 <sup>-03</sup>	3.93x10 <sup>-04</sup>
HK3	1.459451	1.19x10 <sup>-22</sup>	4.17x10 <sup>-24</sup>
ADRB3	1.193506	1.25x10 <sup>-04</sup>	2.78x10 <sup>-05</sup>
FAM78A	1.558277	1.28x10 <sup>-38</sup>	1.29x10 <sup>-40</sup>
CYTIP	1.762683	1.50x10 <sup>-39</sup>	1.21x10 <sup>-41</sup>
JUP	-1.345322	8.51x10 <sup>-10</sup>	7.31x10 <sup>-11</sup>
CD300A	1.496789	1.02x10 <sup>-37</sup>	1.19x10 <sup>-39</sup>
JAKMIP1	1.671937	9.31x10 <sup>-31</sup>	2.00x10 <sup>-32</sup>
ATP6V1C2	-1.005276	1.90x10 <sup>-05</sup>	3.43x10 <sup>-06</sup>
PDCD1	1.835002	3.51x10 <sup>-30</sup>	7.70x10 <sup>-32</sup>
IGLL5	1.888097	9.92x10 <sup>-21</sup>	3.91x10 <sup>-22</sup>
GFRA1	1.136650	8.11x10 <sup>-05</sup>	1.71x10 <sup>-05</sup>
ST8SIA4	1.454286	1.72x10 <sup>-41</sup>	9.25x10 <sup>-44</sup>
CTSK	1.028134	6.13x10 <sup>-14</sup>	3.61x10 <sup>-15</sup>
GLYATL2	3.168515	1.62x10 <sup>-02</sup>	7.12x10 <sup>-03</sup>
EPB41L3	1.063833	1.53x10 <sup>-20</sup>	6.10x10 <sup>-22</sup>
NCF1	2.191319	1.62x10 <sup>-42</sup>	7.31x10 <sup>-45</sup>
EOMES	1.707095	4.50x10 <sup>-26</sup>	1.29x10 <sup>-27</sup>
ITGAM	1.581624	6.85x10 <sup>-28</sup>	1.73x10 <sup>-29</sup>
ARRDC5	1.605800	2.14x10 <sup>-16</sup>	1.08x10 <sup>-17</sup>
PNOC	2.228905	1.43x10 <sup>-26</sup>	3.92x10 <sup>-28</sup>
LTF	1.842830	2.94x10 <sup>-07</sup>	3.61x10 <sup>-08</sup>
GPR174	2.488683	7.47x10 <sup>-36</sup>	1.06x10 <sup>-37</sup>
CELF2	1.299288	1.93x10 <sup>-26</sup>	5.36x10 <sup>-28</sup>
FCGR1A	1.603130	1.94x10 <sup>-26</sup>	5.42x10 <sup>-28</sup>
LIN28B	-1.517367	9.20x10 <sup>-04</sup>	2.63x10 <sup>-04</sup>
RORB	1.307348	1.40x10 <sup>-12</sup>	9.13x10 <sup>-14</sup>
CSF3R	1.466817	2.64x10 <sup>-26</sup>	7.50x10 <sup>-28</sup>
DPEP2	1.597368	7.39x10 <sup>-39</sup>	7.19x10 <sup>-41</sup>
CNR1	1.098926	1.31x10 <sup>-05</sup>	2.28x10 <sup>-06</sup>
KRT15	-1.191276	1.98x10 <sup>-05</sup>	3.58x10 <sup>-06</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
KIR2DL4	1.343420	8.12x10 <sup>-11</sup>	6.17x10 <sup>-12</sup>
DPPA5	-2.111084	2.96x10 <sup>-02</sup>	1.46x10 <sup>-02</sup>
LY6G6C	-2.199338	3.44x10 <sup>-07</sup>	4.29x10 <sup>-08</sup>
CD38	2.113745	1.96x10 <sup>-34</sup>	3.20x10 <sup>-36</sup>
SP140	1.879812	4.49x10 <sup>-37</sup>	5.78x10 <sup>-39</sup>
GLIPR2	1.153149	1.36x10 <sup>-32</sup>	2.61x10 <sup>-34</sup>
DNASE1L3	1.645745	1.70x10 <sup>-13</sup>	1.03x10 <sup>-14</sup>
LPXN	1.604225	6.49x10 <sup>-46</sup>	8.81x10 <sup>-49</sup>
CRTAM	2.372953	7.56x10 <sup>-39</sup>	7.40x10 <sup>-41</sup>
TRAF1	1.202739	2.44x10 <sup>-26</sup>	6.90x10 <sup>-28</sup>
KLRD1	1.556313	1.44x10 <sup>-24</sup>	4.51x10 <sup>-26</sup>
FGD3	1.096924	7.34x10 <sup>-26</sup>	2.12x10 <sup>-27</sup>
PAX5	1.640225	1.89x10 <sup>-08</sup>	1.92x10 <sup>-09</sup>
TNFRSF11B	-1.190138	3.99x10 <sup>-02</sup>	2.07x10 <sup>-02</sup>
SLC38A4	-2.101413	4.54x10 <sup>-02</sup>	2.41x10 <sup>-02</sup>
NMUR1	1.119676	1.97x10 <sup>-12</sup>	1.30x10 <sup>-13</sup>
ATP12A	-1.697599	3.73x10 <sup>-02</sup>	1.92x10 <sup>-02</sup>
PCDHGA12	1.040006	7.60x10 <sup>-12</sup>	5.25x10 <sup>-13</sup>
PTCRA	1.730130	4.71x10 <sup>-26</sup>	1.35x10 <sup>-27</sup>
GAB3	1.438645	2.60x10 <sup>-38</sup>	2.71x10 <sup>-40</sup>
C2orf40	1.319757	1.66x10 <sup>-06</sup>	2.36x10 <sup>-07</sup>
HEPFL1	-1.177915	1.24x10 <sup>-02</sup>	5.26x10 <sup>-03</sup>
TBC1D10C	2.047746	4.57x10 <sup>-38</sup>	5.00x10 <sup>-40</sup>
SYNE1	1.017380	3.82x10 <sup>-16</sup>	1.96x10 <sup>-17</sup>
ITGBL1	1.140093	4.98x10 <sup>-07</sup>	6.42x10 <sup>-08</sup>
AMBP	-1.659212	6.59x10 <sup>-04</sup>	1.79x10 <sup>-04</sup>
CFAP74	-1.145840	2.22x10 <sup>-03</sup>	7.19x10 <sup>-04</sup>
FLI1	1.441516	6.40x10 <sup>-38</sup>	7.18x10 <sup>-40</sup>
GPR141	1.989067	1.40x10 <sup>-34</sup>	2.27x10 <sup>-36</sup>
FYB1	1.797063	7.10x10 <sup>-44</sup>	2.34x10 <sup>-46</sup>
SLC18A2	1.257393	7.01x10 <sup>-05</sup>	1.45x10 <sup>-05</sup>
GPBAR1	1.068248	3.62x10 <sup>-10</sup>	2.97x10 <sup>-11</sup>
CD3G	1.915978	4.99x10 <sup>-38</sup>	5.53x10 <sup>-40</sup>
NPPC	1.424199	3.06x10 <sup>-03</sup>	1.04x10 <sup>-03</sup>
MYO1F	1.597314	2.13x10 <sup>-45</sup>	3.97x10 <sup>-48</sup>
CRYBB1	1.212325	1.26x10 <sup>-23</sup>	4.15x10 <sup>-25</sup>
SIGLEC7	1.825661	2.38x10 <sup>-37</sup>	2.95x10 <sup>-39</sup>
CHI3L1	1.334256	3.60x10 <sup>-10</sup>	2.95x10 <sup>-11</sup>
PLA2G2E	-1.806380	2.88x10 <sup>-02</sup>	1.41x10 <sup>-02</sup>
C1QC	1.876713	3.91x10 <sup>-39</sup>	3.55x10 <sup>-41</sup>
RAC2	1.384052	1.17x10 <sup>-31</sup>	2.40x10 <sup>-33</sup>
FGL2	1.794541	1.60x10 <sup>-32</sup>	3.10x10 <sup>-34</sup>
ARHGAP45	1.082059	5.02x10 <sup>-22</sup>	1.81x10 <sup>-23</sup>
CPE	1.006169	1.42x10 <sup>-05</sup>	2.48x10 <sup>-06</sup>
SLC37A2	1.010210	1.25x10 <sup>-21</sup>	4.64x10 <sup>-23</sup>
FOXJ1	-1.300201	1.10x10 <sup>-06</sup>	1.51x10 <sup>-07</sup>
C7	1.973213	1.97x10 <sup>-07</sup>	2.36x10 <sup>-08</sup>
DTX1	1.289337	1.63x10 <sup>-07</sup>	1.93x10 <sup>-08</sup>
FGR	1.371512	1.43x10 <sup>-37</sup>	1.68x10 <sup>-39</sup>
CXorf21	1.726259	7.08x10 <sup>-42</sup>	3.54x10 <sup>-44</sup>
CD80	1.575373	3.87x10 <sup>-28</sup>	9.68x10 <sup>-30</sup>
TEKT2	-1.018762	1.54x10 <sup>-03</sup>	4.71x10 <sup>-04</sup>
NPY4R2	1.103087	1.41x10 <sup>-02</sup>	6.06x10 <sup>-03</sup>
ABCD2	1.822108	2.67x10 <sup>-31</sup>	5.57x10 <sup>-33</sup>
CFH	1.134436	1.05x10 <sup>-17</sup>	4.85x10 <sup>-19</sup>
PI16	1.750709	1.26x10 <sup>-09</sup>	1.11x10 <sup>-10</sup>
KLC3	-1.238444	8.83x10 <sup>-06</sup>	1.47x10 <sup>-06</sup>
MYH7B	-1.637848	5.52x10 <sup>-03</sup>	2.04x10 <sup>-03</sup>
TMEM156	1.867406	5.76x10 <sup>-33</sup>	1.07x10 <sup>-34</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
HLA-DQA1	2.200685	1.12x10 <sup>-39</sup>	8.86x10 <sup>-42</sup>
KLK14	-1.650592	3.00x10 <sup>-04</sup>	7.38x10 <sup>-05</sup>
IL18BP	1.448840	1.23x10 <sup>-33</sup>	2.15x10 <sup>-35</sup>
DCSTAMP	1.749019	1.02x10 <sup>-16</sup>	5.06x10 <sup>-18</sup>
CYSLTR2	1.639411	1.29x10 <sup>-33</sup>	2.27x10 <sup>-35</sup>
MEF2C	1.138739	4.39x10 <sup>-20</sup>	1.79x10 <sup>-21</sup>
GIMAP4	1.538719	5.30x10 <sup>-44</sup>	1.63x10 <sup>-46</sup>
GZMM	1.881504	1.68x10 <sup>-32</sup>	3.27x10 <sup>-34</sup>
OR52N4	1.525232	1.33x10 <sup>-07</sup>	1.56x10 <sup>-08</sup>
EVL	1.108405	1.41x10 <sup>-23</sup>	4.64x10 <sup>-25</sup>
DOCK8	1.601497	4.75x10 <sup>-37</sup>	6.21x10 <sup>-39</sup>
MRC1	1.818379	3.74x10 <sup>-28</sup>	9.32x10 <sup>-30</sup>
FCAR	1.550668	2.25x10 <sup>-13</sup>	1.38x10 <sup>-14</sup>
EFEMP1	1.257731	1.64x10 <sup>-10</sup>	1.29x10 <sup>-11</sup>
CFD	1.180797	1.02x10 <sup>-07</sup>	1.17x10 <sup>-08</sup>
KCNH8	-1.069561	3.72x10 <sup>-05</sup>	7.17x10 <sup>-06</sup>
PLP1	1.272119	8.09x10 <sup>-06</sup>	1.34x10 <sup>-06</sup>
HLA-DOB	1.919260	1.64x10 <sup>-26</sup>	4.53x10 <sup>-28</sup>
TLR8	2.490244	1.58x10 <sup>-39</sup>	1.30x10 <sup>-41</sup>
FCGR3A	1.697445	1.10x10 <sup>-25</sup>	3.22x10 <sup>-27</sup>
NCKAP1L	1.960731	2.52x10 <sup>-45</sup>	5.04x10 <sup>-48</sup>
C3	1.175475	8.86x10 <sup>-16</sup>	4.66x10 <sup>-17</sup>
SLAMF1	1.808221	1.33x10 <sup>-40</sup>	8.26x10 <sup>-43</sup>
LGALS7	-2.281771	3.14x10 <sup>-04</sup>	7.77x10 <sup>-05</sup>
CD22	2.847511	4.67x10 <sup>-21</sup>	1.79x10 <sup>-22</sup>
SFMBT2	1.365562	1.91x10 <sup>-34</sup>	3.11x10 <sup>-36</sup>
ARHGDIG	-1.175742	3.42x10 <sup>-02</sup>	1.73x10 <sup>-02</sup>
NLRC3	1.772344	8.20x10 <sup>-34</sup>	1.41x10 <sup>-35</sup>
ANKRD55	1.439918	2.22x10 <sup>-15</sup>	1.20x10 <sup>-16</sup>
CLEC6A	2.022000	3.76x10 <sup>-19</sup>	1.61x10 <sup>-20</sup>
PLD4	1.667456	5.56x10 <sup>-20</sup>	2.27x10 <sup>-21</sup>
PCSK1	1.270065	7.27x10 <sup>-03</sup>	2.81x10 <sup>-03</sup>
COL19A1	1.445965	5.38x10 <sup>-08</sup>	5.87x10 <sup>-09</sup>
CEBPE	1.894054	9.61x10 <sup>-26</sup>	2.80x10 <sup>-27</sup>
ARHGAP40	-1.472197	2.62x10 <sup>-04</sup>	6.34x10 <sup>-05</sup>
HAMP	1.256559	1.47x10 <sup>-11</sup>	1.04x10 <sup>-12</sup>
IGFALS	-1.310530	1.86x10 <sup>-02</sup>	8.39x10 <sup>-03</sup>
AICDA	1.589310	3.79x10 <sup>-05</sup>	7.34x10 <sup>-06</sup>
APOH	-3.215287	4.10x10 <sup>-03</sup>	1.46x10 <sup>-03</sup>
CBFA2T3	1.041552	6.32x10 <sup>-13</sup>	4.01x10 <sup>-14</sup>
DNAH14	-1.002646	1.66x10 <sup>-06</sup>	2.35x10 <sup>-07</sup>
B4GALNT4	-1.077686	2.73x10 <sup>-02</sup>	1.32x10 <sup>-02</sup>
CMA1	1.457340	3.18x10 <sup>-05</sup>	6.05x10 <sup>-06</sup>
HS3ST6	-3.215045	5.08x10 <sup>-03</sup>	1.86x10 <sup>-03</sup>
FOXN1	-1.405740	2.12x10 <sup>-06</sup>	3.09x10 <sup>-07</sup>
ATP6V1B1	-1.612189	2.84x10 <sup>-03</sup>	9.54x10 <sup>-04</sup>
WFDC10A	-1.288963	6.58x10 <sup>-03</sup>	2.50x10 <sup>-03</sup>
IL4I1	1.360524	3.77x10 <sup>-25</sup>	1.14x10 <sup>-26</sup>
ALOX5AP	1.623656	6.87x10 <sup>-35</sup>	1.07x10 <sup>-36</sup>
FAM129C	2.672342	1.24x10 <sup>-10</sup>	9.59x10 <sup>-12</sup>
MMP12	1.470591	8.48x10 <sup>-04</sup>	2.39x10 <sup>-04</sup>
AFF3	1.470727	6.53x10 <sup>-09</sup>	6.29x10 <sup>-10</sup>
CD52	2.278091	6.06x10 <sup>-40</sup>	4.68x10 <sup>-42</sup>
HTR7	1.312866	4.25x10 <sup>-17</sup>	2.05x10 <sup>-18</sup>
RASGRP4	1.277268	4.16x10 <sup>-30</sup>	9.22x10 <sup>-32</sup>
DPT	1.622857	3.94x10 <sup>-13</sup>	2.46x10 <sup>-14</sup>
GYPE	1.363692	8.34x10 <sup>-15</sup>	4.68x10 <sup>-16</sup>
C1orf162	1.674500	4.13x10 <sup>-37</sup>	5.23x10 <sup>-39</sup>
HRASLS	-1.047969	8.67x10 <sup>-04</sup>	2.45x10 <sup>-04</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
TNFRSF13C	2.205863	2.20x10 <sup>-10</sup>	1.75x10 <sup>-11</sup>
SRPX	1.034193	3.64x10 <sup>-04</sup>	9.22x10 <sup>-05</sup>
DRD2	-1.490379	2.21x10 <sup>-03</sup>	7.15x10 <sup>-04</sup>
FIBCD1	-1.564495	1.92x10 <sup>-03</sup>	6.09x10 <sup>-04</sup>
FAM107A	1.224936	8.07x10 <sup>-13</sup>	5.15x10 <sup>-14</sup>
MUC15	-1.059529	7.26x10 <sup>-04</sup>	2.00x10 <sup>-04</sup>
LAPTM5	1.835349	4.39x10 <sup>-46</sup>	5.02x10 <sup>-49</sup>
CD86	1.765777	2.36x10 <sup>-43</sup>	8.93x10 <sup>-46</sup>
DOK2	1.716804	2.17x10 <sup>-44</sup>	6.35x10 <sup>-47</sup>
CD69	1.978082	1.90x10 <sup>-39</sup>	1.60x10 <sup>-41</sup>
WIF1	-3.778738	2.95x10 <sup>-03</sup>	9.97x10 <sup>-04</sup>
SCARA5	1.532090	3.20x10 <sup>-07</sup>	3.96x10 <sup>-08</sup>
PRKCB	1.656760	8.47x10 <sup>-33</sup>	1.61x10 <sup>-34</sup>
SLAMF8	1.845486	5.21x10 <sup>-40</sup>	3.91x10 <sup>-42</sup>
MADCAM1	1.661738	2.42x10 <sup>-06</sup>	3.57x10 <sup>-07</sup>
TMPRSS11E	-1.564444	1.32x10 <sup>-02</sup>	5.61x10 <sup>-03</sup>
MAP1LC3C	1.150566	2.97x10 <sup>-12</sup>	1.99x10 <sup>-13</sup>
FCRL4	2.193496	6.20x10 <sup>-18</sup>	2.83x10 <sup>-19</sup>
LILRB4	1.929697	7.34x10 <sup>-39</sup>	7.08x10 <sup>-41</sup>
STAP1	2.531072	6.94x10 <sup>-22</sup>	2.52x10 <sup>-23</sup>
C1R	1.030046	6.46x10 <sup>-19</sup>	2.81x10 <sup>-20</sup>
WISP2	1.083233	2.12x10 <sup>-02</sup>	9.83x10 <sup>-03</sup>
CD19	2.362659	1.54x10 <sup>-17</sup>	7.26x10 <sup>-19</sup>
SOCS1	1.083048	3.59x10 <sup>-15</sup>	1.97x10 <sup>-16</sup>
GPR132	1.141164	9.80x10 <sup>-25</sup>	3.04x10 <sup>-26</sup>
REN	-1.357684	9.02x10 <sup>-06</sup>	1.51x10 <sup>-06</sup>
RNF224	-1.278366	3.96x10 <sup>-06</sup>	6.12x10 <sup>-07</sup>
PARVG	1.701958	1.01x10 <sup>-45</sup>	1.73x10 <sup>-48</sup>
AQP12B	-3.834837	1.03x10 <sup>-02</sup>	4.21x10 <sup>-03</sup>
COL14A1	1.429221	1.14x10 <sup>-10</sup>	8.75x10 <sup>-12</sup>
IL2RA	1.818677	4.49x10 <sup>-37</sup>	5.78x10 <sup>-39</sup>
FAM49A	1.465322	1.53x10 <sup>-35</sup>	2.23x10 <sup>-37</sup>
TTL2	-1.110876	6.80x10 <sup>-07</sup>	8.94x10 <sup>-08</sup>
CXCL10	2.407995	5.37x10 <sup>-19</sup>	2.32x10 <sup>-20</sup>
KCNA5	1.101077	1.49x10 <sup>-06</sup>	2.09x10 <sup>-07</sup>
VGLL3	1.077468	2.10x10 <sup>-09</sup>	1.90x10 <sup>-10</sup>
S100A2	-1.305116	1.62x10 <sup>-04</sup>	3.71x10 <sup>-05</sup>
MMP9	1.133457	3.08x10 <sup>-11</sup>	2.24x10 <sup>-12</sup>
MYBPHL	-1.586947	1.17x10 <sup>-04</sup>	2.57x10 <sup>-05</sup>
TH	-1.358437	1.60x10 <sup>-03</sup>	4.92x10 <sup>-04</sup>
PGLYRP1	1.219794	8.34x10 <sup>-04</sup>	2.34x10 <sup>-04</sup>
TIGIT	1.939637	3.60x10 <sup>-36</sup>	5.01x10 <sup>-38</sup>
CD36	1.157612	4.66x10 <sup>-16</sup>	2.41x10 <sup>-17</sup>
NHSL2	1.015131	1.26x10 <sup>-12</sup>	8.20x10 <sup>-14</sup>
ZFP42	-1.931793	7.73x10 <sup>-03</sup>	3.01x10 <sup>-03</sup>
ADA2	1.731828	1.58x10 <sup>-39</sup>	1.30x10 <sup>-41</sup>
ADH1B	2.000849	8.51x10 <sup>-10</sup>	7.31x10 <sup>-11</sup>
ARHGAP9	1.895381	2.84x10 <sup>-46</sup>	3.05x10 <sup>-49</sup>
TIMD4	2.099064	9.84x10 <sup>-16</sup>	5.19x10 <sup>-17</sup>
BCL2A1	1.643165	7.99x10 <sup>-29</sup>	1.95x10 <sup>-30</sup>
COL11A2	-3.329661	8.22x10 <sup>-03</sup>	3.24x10 <sup>-03</sup>
SAMD3	1.412280	3.24x10 <sup>-29</sup>	7.67x10 <sup>-31</sup>
GIMAP7	1.551179	2.03x10 <sup>-34</sup>	3.34x10 <sup>-36</sup>
ARTN	-1.085480	5.64x10 <sup>-05</sup>	1.14x10 <sup>-05</sup>
SLC35D3	-1.689299	1.35x10 <sup>-03</sup>	4.07x10 <sup>-04</sup>
CCL2	1.144204	4.22x10 <sup>-17</sup>	2.03x10 <sup>-18</sup>
TYROBP	1.686268	5.90x10 <sup>-38</sup>	6.58x10 <sup>-40</sup>
MSR1	1.536949	7.71x10 <sup>-27</sup>	2.06x10 <sup>-28</sup>
ANGPTL1	1.093057	4.66x10 <sup>-08</sup>	5.02x10 <sup>-09</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
PCDH10	1.116177	7.58x10 <sup>-04</sup>	2.09x10 <sup>-04</sup>
SHISAL2A	1.953143	6.09x10 <sup>-22</sup>	2.21x10 <sup>-23</sup>
WAS	2.010798	1.11x10 <sup>-48</sup>	3.18x10 <sup>-52</sup>
SDS	1.280619	4.48x10 <sup>-21</sup>	1.72x10 <sup>-22</sup>
PPP1R16B	1.743242	1.23x10 <sup>-30</sup>	2.67x10 <sup>-32</sup>
PIK3R5	1.649843	3.94x10 <sup>-40</sup>	2.82x10 <sup>-42</sup>
DLX3	-3.123538	1.13x10 <sup>-07</sup>	1.30x10 <sup>-08</sup>
KLRG2	-1.851756	9.93x10 <sup>-07</sup>	1.35x10 <sup>-07</sup>
PPP2R2C	-1.273307	1.92x10 <sup>-03</sup>	6.09x10 <sup>-04</sup>
HAPLN3	1.139914	5.95x10 <sup>-18</sup>	2.71x10 <sup>-19</sup>
P2RY13	2.079924	4.93x10 <sup>-40</sup>	3.63x10 <sup>-42</sup>
CASS4	1.594394	1.84x10 <sup>-37</sup>	2.21x10 <sup>-39</sup>
HLA-DRB1	1.661247	1.42x10 <sup>-33</sup>	2.49x10 <sup>-35</sup>
IL7R	1.783631	1.58x10 <sup>-33</sup>	2.82x10 <sup>-35</sup>
CCR3	1.008144	5.37x10 <sup>-09</sup>	5.12x10 <sup>-10</sup>
MAGEA11	-2.147272	9.38x10 <sup>-08</sup>	1.06x10 <sup>-08</sup>
CERS3	-1.055193	1.24x10 <sup>-03</sup>	3.71x10 <sup>-04</sup>
LAMP3	1.104043	8.79x10 <sup>-15</sup>	4.94x10 <sup>-16</sup>
CAMK4	1.351363	6.70x10 <sup>-24</sup>	2.16x10 <sup>-25</sup>
PLA2G2A	1.051045	2.43x10 <sup>-03</sup>	8.00x10 <sup>-04</sup>
LILRA1	1.619858	1.63x10 <sup>-34</sup>	2.64x10 <sup>-36</sup>
MYBPH	3.754181	1.09x10 <sup>-06</sup>	1.49x10 <sup>-07</sup>
ATP8B4	1.259922	3.66x10 <sup>-29</sup>	8.71x10 <sup>-31</sup>
PPARGC1A	-1.078895	1.54x10 <sup>-03</sup>	4.72x10 <sup>-04</sup>
GPR25	1.828708	7.23x10 <sup>-16</sup>	3.76x10 <sup>-17</sup>
CSAG3	-1.439450	2.21x10 <sup>-02</sup>	1.03x10 <sup>-02</sup>
IL16	2.018428	3.43x10 <sup>-40</sup>	2.43x10 <sup>-42</sup>
NXPH4	-1.461287	5.27x10 <sup>-04</sup>	1.40x10 <sup>-04</sup>
VPREB3	3.241995	1.70x10 <sup>-14</sup>	9.65x10 <sup>-16</sup>
BMP7	-1.847460	6.41x10 <sup>-08</sup>	7.09x10 <sup>-09</sup>
JAK3	1.353335	1.07x10 <sup>-26</sup>	2.89x10 <sup>-28</sup>
ITLN2	-1.133053	6.35x10 <sup>-03</sup>	2.40x10 <sup>-03</sup>
CTRC	-1.409832	1.48x10 <sup>-02</sup>	6.44x10 <sup>-03</sup>
MARCO	1.248722	3.34x10 <sup>-06</sup>	5.07x10 <sup>-07</sup>
CLGN	-1.055740	8.89x10 <sup>-03</sup>	3.55x10 <sup>-03</sup>
LYVE1	1.275347	9.36x10 <sup>-12</sup>	6.51x10 <sup>-13</sup>
TLR1	1.587815	4.80x10 <sup>-32</sup>	9.63x10 <sup>-34</sup>
AL645941.2	1.931753	1.09x10 <sup>-20</sup>	4.29x10 <sup>-22</sup>
DEFB126	-1.509558	7.53x10 <sup>-05</sup>	1.57x10 <sup>-05</sup>
KLHL6	2.051181	5.09x10 <sup>-41</sup>	2.84x10 <sup>-43</sup>
IL27	1.061874	3.61x10 <sup>-17</sup>	1.73x10 <sup>-18</sup>
NPY4R	1.320568	1.76x10 <sup>-02</sup>	7.86x10 <sup>-03</sup>
GZMK	2.762698	3.11x10 <sup>-40</sup>	2.15x10 <sup>-42</sup>
CCR8	1.751977	4.25x10 <sup>-29</sup>	1.01x10 <sup>-30</sup>
MMP25	1.370831	6.79x10 <sup>-28</sup>	1.71x10 <sup>-29</sup>
GZMA	1.999881	3.13x10 <sup>-33</sup>	5.70x10 <sup>-35</sup>
GPR142	1.054888	4.95x10 <sup>-05</sup>	9.90x10 <sup>-06</sup>
IGDCC3	-3.348529	4.20x10 <sup>-02</sup>	2.21x10 <sup>-02</sup>
AKNA	1.150850	1.79x10 <sup>-25</sup>	5.29x10 <sup>-27</sup>
RSPO2	1.098199	1.54x10 <sup>-06</sup>	2.16x10 <sup>-07</sup>
LAG3	1.780163	2.92x10 <sup>-27</sup>	7.68x10 <sup>-29</sup>
TMEM88B	-1.277982	1.65x10 <sup>-03</sup>	5.11x10 <sup>-04</sup>
CPNE5	1.275842	4.77x10 <sup>-19</sup>	2.05x10 <sup>-20</sup>
CLEC9A	2.097590	4.19x10 <sup>-34</sup>	7.10x10 <sup>-36</sup>
TREM1	1.098454	6.30x10 <sup>-07</sup>	8.23x10 <sup>-08</sup>
SHISA3	1.937392	3.80x10 <sup>-06</sup>	5.82x10 <sup>-07</sup>
ASCL5	-1.334702	5.05x10 <sup>-05</sup>	1.01x10 <sup>-05</sup>
RCOR2	-1.253259	5.53x10 <sup>-12</sup>	3.77x10 <sup>-13</sup>
SNAP91	1.154150	7.84x10 <sup>-04</sup>	2.18x10 <sup>-04</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
HCLS1	1.774029	7.37x10 <sup>-47</sup>	4.22x10 <sup>-50</sup>
PRF1	1.644192	4.53x10 <sup>-31</sup>	9.66x10 <sup>-33</sup>
CD5L	1.929828	4.24x10 <sup>-04</sup>	1.10x10 <sup>-04</sup>
CDKN2A	-1.289004	1.58x10 <sup>-02</sup>	6.95x10 <sup>-03</sup>
FOXO6	-1.283680	1.70x10 <sup>-08</sup>	1.72x10 <sup>-09</sup>
HGF	1.264263	1.34x10 <sup>-16</sup>	6.67x10 <sup>-18</sup>
CORO1A	1.965436	3.66x10 <sup>-42</sup>	1.75x10 <sup>-44</sup>
SFTA2	-1.080595	2.56x10 <sup>-02</sup>	1.23x10 <sup>-02</sup>
ALX1	-1.506893	3.86x10 <sup>-02</sup>	2.00x10 <sup>-02</sup>
PASD1	-1.658025	1.83x10 <sup>-03</sup>	5.77x10 <sup>-04</sup>
AQP9	1.668270	9.18x10 <sup>-10</sup>	7.92x10 <sup>-11</sup>
CD72	1.766076	1.55x10 <sup>-37</sup>	1.83x10 <sup>-39</sup>
GPR171	2.013628	3.75x10 <sup>-38</sup>	4.02x10 <sup>-40</sup>
C1QL4	-2.033158	1.78x10 <sup>-05</sup>	3.19x10 <sup>-06</sup>
AQP12A	-3.844428	3.19x10 <sup>-02</sup>	1.59x10 <sup>-02</sup>
MAGEC2	-1.762022	1.92x10 <sup>-02</sup>	8.73x10 <sup>-03</sup>
KLRB1	1.730431	1.08x10 <sup>-35</sup>	1.55x10 <sup>-37</sup>
TAGAP	2.086972	7.39x10 <sup>-46</sup>	1.21x10 <sup>-48</sup>
CRCT1	-1.003689	3.81x10 <sup>-04</sup>	9.74x10 <sup>-05</sup>
APOA1	-2.417737	3.32x10 <sup>-02</sup>	1.67x10 <sup>-02</sup>
APOBEC3H	1.921064	8.98x10 <sup>-35</sup>	1.42x10 <sup>-36</sup>
SIRPB2	1.595557	2.97x10 <sup>-31</sup>	6.27x10 <sup>-33</sup>
CCDC80	1.261624	4.76x10 <sup>-10</sup>	3.96x10 <sup>-11</sup>
VNN2	1.057228	4.24x10 <sup>-14</sup>	2.48x10 <sup>-15</sup>
HLA-DMA	1.490982	1.56x10 <sup>-28</sup>	3.85x10 <sup>-30</sup>
CD40LG	1.955800	4.15x10 <sup>-34</sup>	7.01x10 <sup>-36</sup>
P2RY8	2.279072	3.38x10 <sup>-33</sup>	6.18x10 <sup>-35</sup>
MS4A6A	1.877877	9.51x10 <sup>-43</sup>	4.01x10 <sup>-45</sup>
LAIR1	1.764661	6.49x10 <sup>-46</sup>	8.67x10 <sup>-49</sup>
GPR84	1.545809	3.30x10 <sup>-19</sup>	1.40x10 <sup>-20</sup>
AOAH	2.000381	4.93x10 <sup>-40</sup>	3.63x10 <sup>-42</sup>
NFAM1	1.592364	2.40x10 <sup>-37</sup>	2.99x10 <sup>-39</sup>
LTA	2.052880	7.56x10 <sup>-37</sup>	9.95x10 <sup>-39</sup>
BPIFB2	-4.689123	9.36x10 <sup>-03</sup>	3.77x10 <sup>-03</sup>
F2	-2.716739	5.33x10 <sup>-05</sup>	1.07x10 <sup>-05</sup>
SELPLG	1.561493	1.25x10 <sup>-41</sup>	6.62x10 <sup>-44</sup>
TMEM255A	1.632808	1.97x10 <sup>-23</sup>	6.60x10 <sup>-25</sup>
FCGR2A	1.363543	4.45x10 <sup>-29</sup>	1.07x10 <sup>-30</sup>
GPR18	1.791984	4.07x10 <sup>-30</sup>	8.98x10 <sup>-32</sup>
GPR37	-1.722368	1.42x10 <sup>-04</sup>	3.20x10 <sup>-05</sup>
LILRA2	1.606586	3.20x10 <sup>-26</sup>	9.09x10 <sup>-28</sup>
CPA3	1.375989	2.07x10 <sup>-10</sup>	1.64x10 <sup>-11</sup>
SLC2A5	1.192518	2.93x10 <sup>-22</sup>	1.05x10 <sup>-23</sup>
LIMD2	1.111598	1.44x10 <sup>-17</sup>	6.78x10 <sup>-19</sup>
IPCEF1	1.674758	1.02x10 <sup>-31</sup>	2.08x10 <sup>-33</sup>
HAVCR2	1.704665	5.44x10 <sup>-41</sup>	3.15x10 <sup>-43</sup>
RGS13	3.448580	5.30x10 <sup>-11</sup>	3.97x10 <sup>-12</sup>
TRIM22	1.521753	3.94x10 <sup>-33</sup>	7.27x10 <sup>-35</sup>
KRT12	-2.530733	1.08x10 <sup>-02</sup>	4.46x10 <sup>-03</sup>
APOBEC3D	1.080512	7.27x10 <sup>-21</sup>	2.84x10 <sup>-22</sup>
CCL4	1.788268	2.71x10 <sup>-33</sup>	4.91x10 <sup>-35</sup>
JAML	1.702165	3.88x10 <sup>-39</sup>	3.50x10 <sup>-41</sup>
DOC2A	-1.118397	1.83x10 <sup>-02</sup>	8.23x10 <sup>-03</sup>
MILR1	1.357502	1.23x10 <sup>-31</sup>	2.53x10 <sup>-33</sup>
OSM	1.269448	6.21x10 <sup>-08</sup>	6.86x10 <sup>-09</sup>
SPTBN5	-1.012856	4.60x10 <sup>-05</sup>	9.15x10 <sup>-06</sup>
CD300C	1.562291	8.25x10 <sup>-32</sup>	1.68x10 <sup>-33</sup>
EVI2A	1.756660	5.70x10 <sup>-46</sup>	6.93x10 <sup>-49</sup>
CX3CL1	1.426190	7.12x10 <sup>-11</sup>	5.37x10 <sup>-12</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
SASH3	2.172311	1.53x10 <sup>-46</sup>	1.42x10 <sup>-49</sup>
RNF225	-1.395737	2.47x10 <sup>-05</sup>	4.59x10 <sup>-06</sup>
FPR2	1.772429	6.05x10 <sup>-15</sup>	3.36x10 <sup>-16</sup>
PVALB	1.476070	1.32x10 <sup>-11</sup>	9.26x10 <sup>-13</sup>
SFRP1	1.331060	3.38x10 <sup>-07</sup>	4.21x10 <sup>-08</sup>
CEACAM21	1.531160	1.61x10 <sup>-35</sup>	2.35x10 <sup>-37</sup>
CCL18	2.149757	4.33x10 <sup>-17</sup>	2.09x10 <sup>-18</sup>
MS4A7	1.836205	7.65x10 <sup>-42</sup>	3.88x10 <sup>-44</sup>
MPEG1	2.064700	1.62x10 <sup>-42</sup>	7.31x10 <sup>-45</sup>
GIMAP2	1.074612	8.43x10 <sup>-28</sup>	2.14x10 <sup>-29</sup>
LARGE2	-1.157247	7.05x10 <sup>-06</sup>	1.15x10 <sup>-06</sup>
ITGAD	1.339228	8.37x10 <sup>-15</sup>	4.70x10 <sup>-16</sup>
FUT7	1.467162	5.21x10 <sup>-19</sup>	2.25x10 <sup>-20</sup>
CD300LB	1.537340	3.14x10 <sup>-25</sup>	9.43x10 <sup>-27</sup>
HLA-DPA1	2.033238	6.64x10 <sup>-38</sup>	7.50x10 <sup>-40</sup>
ACSM5	1.556800	8.47x10 <sup>-24</sup>	2.75x10 <sup>-25</sup>
TMEM105	-1.205227	9.98x10 <sup>-08</sup>	1.14x10 <sup>-08</sup>
RGS9	1.037820	3.65x10 <sup>-08</sup>	3.88x10 <sup>-09</sup>
RSPO1	1.123363	2.53x10 <sup>-10</sup>	2.03x10 <sup>-11</sup>
ERVMER34-1	-1.242182	1.31x10 <sup>-07</sup>	1.53x10 <sup>-08</sup>
HCAR3	1.420221	1.03x10 <sup>-04</sup>	2.23x10 <sup>-05</sup>
CD163	1.848772	4.95x10 <sup>-31</sup>	1.06x10 <sup>-32</sup>
IL21R	2.133417	2.09x10 <sup>-39</sup>	1.78x10 <sup>-41</sup>
NLRP3	1.512544	4.75x10 <sup>-32</sup>	9.51x10 <sup>-34</sup>
ICAM2	1.142353	7.81x10 <sup>-16</sup>	4.09x10 <sup>-17</sup>
CCL7	1.341152	2.55x10 <sup>-03</sup>	8.47x10 <sup>-04</sup>
ESR1	1.618626	6.61x10 <sup>-26</sup>	1.91x10 <sup>-27</sup>
CD209	1.709629	5.01x10 <sup>-28</sup>	1.26x10 <sup>-29</sup>
TLX1	-1.062992	2.26x10 <sup>-02</sup>	1.06x10 <sup>-02</sup>
FERMT3	1.122582	3.70x10 <sup>-27</sup>	9.81x10 <sup>-29</sup>
SCRT1	-2.220208	1.07x10 <sup>-04</sup>	2.33x10 <sup>-05</sup>
KRT6A	-1.430071	2.47x10 <sup>-02</sup>	1.17x10 <sup>-02</sup>
MS4A15	-1.089602	2.26x10 <sup>-02</sup>	1.06x10 <sup>-02</sup>
HLA-DRA	1.843774	1.83x10 <sup>-39</sup>	1.53x10 <sup>-41</sup>
WARS	1.622717	5.74x10 <sup>-17</sup>	2.79x10 <sup>-18</sup>
CLEC4C	1.124703	1.99x10 <sup>-13</sup>	1.22x10 <sup>-14</sup>
CFP	1.614335	4.54x10 <sup>-30</sup>	1.01x10 <sup>-31</sup>
FASLG	1.943977	3.08x10 <sup>-28</sup>	7.64x10 <sup>-30</sup>
WSCD2	1.256441	5.40x10 <sup>-06</sup>	8.57x10 <sup>-07</sup>
IL36RN	-1.971222	2.99x10 <sup>-02</sup>	1.48x10 <sup>-02</sup>
FCMR	2.180253	9.73x10 <sup>-30</sup>	2.20x10 <sup>-31</sup>
CLECL1	2.380692	1.11x10 <sup>-35</sup>	1.59x10 <sup>-37</sup>
PTPRC	2.296039	1.67x10 <sup>-45</sup>	2.98x10 <sup>-48</sup>
RCSD1	1.756644	7.86x10 <sup>-41</sup>	4.66x10 <sup>-43</sup>
GFI1	1.155492	9.37x10 <sup>-26</sup>	2.73x10 <sup>-27</sup>
GRIN3A	1.187544	6.49x10 <sup>-23</sup>	2.25x10 <sup>-24</sup>
C16orf54	1.779980	1.78x10 <sup>-35</sup>	2.63x10 <sup>-37</sup>
PNPLA3	-1.195096	4.74x10 <sup>-04</sup>	1.24x10 <sup>-04</sup>
GP1BA	1.372099	1.81x10 <sup>-07</sup>	2.15x10 <sup>-08</sup>
TMEM71	1.105177	1.33x10 <sup>-25</sup>	3.89x10 <sup>-27</sup>
PKP1	-1.373035	3.05x10 <sup>-04</sup>	7.55x10 <sup>-05</sup>
TMEM119	1.143042	4.84x10 <sup>-13</sup>	3.04x10 <sup>-14</sup>
TREML1	1.518502	1.19x10 <sup>-23</sup>	3.92x10 <sup>-25</sup>
CD8A	2.295920	8.20x10 <sup>-34</sup>	1.41x10 <sup>-35</sup>
LCP1	1.957051	3.55x10 <sup>-45</sup>	7.62x10 <sup>-48</sup>
TEX15	-1.372771	1.27x10 <sup>-02</sup>	5.40x10 <sup>-03</sup>
SIGLEC9	1.547969	6.87x10 <sup>-35</sup>	1.07x10 <sup>-36</sup>
MMRN1	1.406362	6.32x10 <sup>-11</sup>	4.75x10 <sup>-12</sup>
DSC3	-1.086469	2.34x10 <sup>-02</sup>	1.10x10 <sup>-02</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
RGS7	-1.330782	2.99x10 <sup>-02</sup>	1.48x10 <sup>-02</sup>
OGN	1.920019	4.63x10 <sup>-06</sup>	7.25x10 <sup>-07</sup>
FOXH1	-1.494920	2.78x10 <sup>-03</sup>	9.32x10 <sup>-04</sup>
TCF23	1.301295	4.05x10 <sup>-03</sup>	1.44x10 <sup>-03</sup>
TTC24	2.232880	7.22x10 <sup>-24</sup>	2.34x10 <sup>-25</sup>
LYL1	1.251884	6.89x10 <sup>-20</sup>	2.83x10 <sup>-21</sup>
CD2	2.048136	2.90x10 <sup>-43</sup>	1.16x10 <sup>-45</sup>
PPP1R1B	-1.555855	2.70x10 <sup>-02</sup>	1.31x10 <sup>-02</sup>
PRR29	1.071985	7.76x10 <sup>-04</sup>	2.16x10 <sup>-04</sup>
GJB6	-1.478887	4.55x10 <sup>-05</sup>	9.04x10 <sup>-06</sup>
GUCY1A1	1.170292	1.28x10 <sup>-14</sup>	7.26x10 <sup>-16</sup>
STAT4	1.384082	4.18x10 <sup>-36</sup>	5.86x10 <sup>-38</sup>
CLEC7A	1.592477	2.33x10 <sup>-37</sup>	2.86x10 <sup>-39</sup>
BACH2	1.277571	4.74x10 <sup>-08</sup>	5.12x10 <sup>-09</sup>
CD53	2.112336	5.42x10 <sup>-49</sup>	3.87x10 <sup>-53</sup>
CHD5	-1.006747	1.77x10 <sup>-02</sup>	7.89x10 <sup>-03</sup>
TREM2	1.642574	2.50x10 <sup>-26</sup>	7.07x10 <sup>-28</sup>
SAMD9L	1.171733	3.88x10 <sup>-21</sup>	1.48x10 <sup>-22</sup>
ASB2	1.053532	6.95x10 <sup>-15</sup>	3.88x10 <sup>-16</sup>
ZCCHC18	1.084009	5.58x10 <sup>-14</sup>	3.28x10 <sup>-15</sup>
HPGDS	1.505994	1.46x10 <sup>-12</sup>	9.59x10 <sup>-14</sup>
PRSS50	-3.221868	1.84x10 <sup>-03</sup>	5.81x10 <sup>-04</sup>
GAS7	1.107859	9.31x10 <sup>-17</sup>	4.60x10 <sup>-18</sup>
ITM2A	1.209701	8.01x10 <sup>-23</sup>	2.79x10 <sup>-24</sup>
FAM163A	1.278094	8.34x10 <sup>-04</sup>	2.34x10 <sup>-04</sup>
IL21	2.434698	9.82x10 <sup>-19</sup>	4.30x10 <sup>-20</sup>
KLRG1	1.160383	3.92x10 <sup>-22</sup>	1.41x10 <sup>-23</sup>
NCR3	2.150937	1.74x10 <sup>-29</sup>	4.01x10 <sup>-31</sup>
CLIC2	1.244560	9.78x10 <sup>-31</sup>	2.11x10 <sup>-32</sup>
FCER2	3.302108	7.43x10 <sup>-16</sup>	3.87x10 <sup>-17</sup>
CSF2RA	1.238673	1.09x10 <sup>-27</sup>	2.77x10 <sup>-29</sup>
CD79B	3.117178	1.58x10 <sup>-29</sup>	3.63x10 <sup>-31</sup>
GIMAP8	1.354140	2.79x10 <sup>-34</sup>	4.64x10 <sup>-36</sup>
CD27	2.369715	8.90x10 <sup>-38</sup>	1.03x10 <sup>-39</sup>
MAGEA6	-1.576074	3.47x10 <sup>-05</sup>	6.65x10 <sup>-06</sup>
CXCR5	3.349192	8.57x10 <sup>-23</sup>	2.99x10 <sup>-24</sup>
HOXD13	-1.847737	1.09x10 <sup>-02</sup>	4.50x10 <sup>-03</sup>
TCF21	1.046990	1.65x10 <sup>-11</sup>	1.18x10 <sup>-12</sup>
CHRDL1	1.509802	1.90x10 <sup>-07</sup>	2.28x10 <sup>-08</sup>
C5AR1	1.441385	3.46x10 <sup>-27</sup>	9.12x10 <sup>-29</sup>
FCRL1	3.309689	1.61x10 <sup>-17</sup>	7.63x10 <sup>-19</sup>
ACTL8	-2.071992	3.84x10 <sup>-04</sup>	9.82x10 <sup>-05</sup>
TMC8	1.424904	9.99x10 <sup>-27</sup>	2.69x10 <sup>-28</sup>
C6orf15	-2.901781	3.47x10 <sup>-03</sup>	1.20x10 <sup>-03</sup>
TAF7L	-1.044629	2.79x10 <sup>-02</sup>	1.36x10 <sup>-02</sup>
ASB4	-1.260932	1.38x10 <sup>-05</sup>	2.40x10 <sup>-06</sup>
KRTAP4-1	-1.329218	8.49x10 <sup>-05</sup>	1.79x10 <sup>-05</sup>
HSD11B1	1.490135	2.11x10 <sup>-24</sup>	6.69x10 <sup>-26</sup>
KCNK13	1.184440	2.22x10 <sup>-29</sup>	5.18x10 <sup>-31</sup>
BAMBI	-1.145285	6.81x10 <sup>-06</sup>	1.11x10 <sup>-06</sup>
NKPD1	-1.260714	2.65x10 <sup>-08</sup>	2.75x10 <sup>-09</sup>
IFIT2	1.040903	2.86x10 <sup>-17</sup>	1.37x10 <sup>-18</sup>
CCL22	1.864743	9.30x10 <sup>-30</sup>	2.09x10 <sup>-31</sup>
CD226	1.237255	1.24x10 <sup>-37</sup>	1.46x10 <sup>-39</sup>
TNXB	1.304877	1.91x10 <sup>-05</sup>	3.45x10 <sup>-06</sup>
PTGFR	1.412131	1.44x10 <sup>-13</sup>	8.71x10 <sup>-15</sup>
KCNA3	2.331687	1.30x10 <sup>-35</sup>	1.88x10 <sup>-37</sup>
STRA8	-2.077569	2.90x10 <sup>-03</sup>	9.78x10 <sup>-04</sup>
FGF19	-2.153957	5.53x10 <sup>-05</sup>	1.12x10 <sup>-05</sup>



Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
TMIGD2	1.469741	5.97x10 <sup>-18</sup>	2.73x10 <sup>-19</sup>
DOCK2	2.053563	5.52x10 <sup>-44</sup>	1.73x10 <sup>-46</sup>
SLIT2	1.182803	4.19x10 <sup>-09</sup>	3.92x10 <sup>-10</sup>
CCL19	2.870462	2.18x10 <sup>-24</sup>	6.93x10 <sup>-26</sup>
TIFAB	2.415982	4.98x10 <sup>-39</sup>	4.69x10 <sup>-41</sup>
FCGR2B	1.614197	6.51x10 <sup>-29</sup>	1.58x10 <sup>-30</sup>
CCR6	1.181160	1.60x10 <sup>-13</sup>	9.73x10 <sup>-15</sup>
ANK2	1.014841	3.94x10 <sup>-08</sup>	4.20x10 <sup>-09</sup>
PLA2G7	1.748165	2.45x10 <sup>-32</sup>	4.82x10 <sup>-34</sup>
PILRA	1.601365	3.10x10 <sup>-34</sup>	5.18x10 <sup>-36</sup>
APOL3	1.408763	2.34x10 <sup>-34</sup>	3.88x10 <sup>-36</sup>
VIP	1.728636	7.37x10 <sup>-06</sup>	1.21x10 <sup>-06</sup>
ENTPD3	-1.108126	1.60x10 <sup>-02</sup>	7.06x10 <sup>-03</sup>
CD4	1.769737	7.01x10 <sup>-46</sup>	1.00x10 <sup>-48</sup>
ITGA4	1.585347	7.26x10 <sup>-33</sup>	1.37x10 <sup>-34</sup>
FCER1G	1.608361	4.35x10 <sup>-34</sup>	7.40x10 <sup>-36</sup>
KLK5	-2.762713	4.22x10 <sup>-03</sup>	1.51x10 <sup>-03</sup>
CETP	1.253811	2.08x10 <sup>-20</sup>	8.38x10 <sup>-22</sup>
SIGLEC14	1.822102	5.60x10 <sup>-23</sup>	1.94x10 <sup>-24</sup>
KRT14	-1.576487	2.04x10 <sup>-02</sup>	9.39x10 <sup>-03</sup>
CD177	1.175175	1.05x10 <sup>-03</sup>	3.05x10 <sup>-04</sup>
SLURP1	-1.334399	4.33x10 <sup>-03</sup>	1.55x10 <sup>-03</sup>
CCDC187	-1.236332	3.75x10 <sup>-04</sup>	9.56x10 <sup>-05</sup>
CSF1R	1.712447	6.09x10 <sup>-36</sup>	8.57x10 <sup>-38</sup>
GNGT2	1.676039	7.59x10 <sup>-47</sup>	4.88x10 <sup>-50</sup>
RASGRP2	1.739057	2.13x10 <sup>-19</sup>	9.03x10 <sup>-21</sup>
BTLA	2.466683	8.39x10 <sup>-34</sup>	1.45x10 <sup>-35</sup>
STX11	1.564830	1.55x10 <sup>-42</sup>	6.77x10 <sup>-45</sup>
TDRD6	1.486440	1.41x10 <sup>-24</sup>	4.41x10 <sup>-26</sup>
CTSG	1.861359	2.74x10 <sup>-05</sup>	5.12x10 <sup>-06</sup>
CD163L1	1.362645	1.08x10 <sup>-14</sup>	6.07x10 <sup>-16</sup>
HOXD11	-1.764584	2.54x10 <sup>-05</sup>	4.73x10 <sup>-06</sup>
TMEM236	1.813664	4.40x10 <sup>-07</sup>	5.58x10 <sup>-08</sup>
MAGEA10	-2.241683	8.78x10 <sup>-06</sup>	1.46x10 <sup>-06</sup>
ITGB7	1.564812	1.22x10 <sup>-29</sup>	2.77x10 <sup>-31</sup>
LAMA2	1.001029	2.24x10 <sup>-08</sup>	2.30x10 <sup>-09</sup>
CD207	1.063885	4.78x10 <sup>-08</sup>	5.17x10 <sup>-09</sup>
SFRP2	1.209773	1.59x10 <sup>-05</sup>	2.81x10 <sup>-06</sup>
C12orf56	-1.235925	2.27x10 <sup>-05</sup>	4.17x10 <sup>-06</sup>
URI1	-1.013274	9.01x10 <sup>-05</sup>	1.92x10 <sup>-05</sup>
WDFY4	2.181267	6.87x10 <sup>-35</sup>	1.07x10 <sup>-36</sup>
KRTAP5-5	-1.404933	2.70x10 <sup>-02</sup>	1.30x10 <sup>-02</sup>
FGFRL1	-1.077599	2.41x10 <sup>-09</sup>	2.19x10 <sup>-10</sup>
SH2D1A	2.232713	4.96x10 <sup>-40</sup>	3.68x10 <sup>-42</sup>
LCN12	-1.374732	9.51x10 <sup>-05</sup>	2.05x10 <sup>-05</sup>
CCL3L1	1.431679	2.46x10 <sup>-10</sup>	1.97x10 <sup>-11</sup>
SLC2A1	-1.122991	5.10x10 <sup>-08</sup>	5.53x10 <sup>-09</sup>
AIF1	1.715516	2.14x10 <sup>-44</sup>	5.96x10 <sup>-47</sup>
COL9A3	-2.629683	3.83x10 <sup>-05</sup>	7.43x10 <sup>-06</sup>
MEF2B	2.150749	1.64x10 <sup>-06</sup>	2.32x10 <sup>-07</sup>
XCR1	2.397571	5.70x10 <sup>-30</sup>	1.27x10 <sup>-31</sup>
LCK	1.011589	6.44x10 <sup>-24</sup>	2.07x10 <sup>-25</sup>
KRT6C	-1.589007	3.60x10 <sup>-02</sup>	1.84x10 <sup>-02</sup>
TMEM273	1.553943	1.32x10 <sup>-39</sup>	1.06x10 <sup>-41</sup>
RUBCNL	1.360034	1.56x10 <sup>-23</sup>	5.20x10 <sup>-25</sup>
KCNA1	1.001635	1.95x10 <sup>-04</sup>	4.56x10 <sup>-05</sup>
EVI2B	2.093340	5.24x10 <sup>-48</sup>	1.87x10 <sup>-51</sup>
TNFSF18	1.300881	1.38x10 <sup>-06</sup>	1.92x10 <sup>-07</sup>
KNG1	-1.486935	1.92x10 <sup>-02</sup>	8.71x10 <sup>-03</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
APOE	1.187805	1.50x10 <sup>-23</sup>	4.97x10 <sup>-25</sup>
LILRA4	2.483822	7.99x10 <sup>-29</sup>	1.95x10 <sup>-30</sup>
VCAM1	1.424896	2.31x10 <sup>-26</sup>	6.50x10 <sup>-28</sup>
FCRL5	1.936831	6.53x10 <sup>-25</sup>	2.00x10 <sup>-26</sup>
CD1E	1.874861	1.62x10 <sup>-21</sup>	6.09x10 <sup>-23</sup>
SIRPG	2.116585	7.80x10 <sup>-38</sup>	8.92x10 <sup>-40</sup>
NKD2	-1.596014	8.95x10 <sup>-09</sup>	8.68x10 <sup>-10</sup>
S100A7	-1.696008	2.85x10 <sup>-03</sup>	9.60x10 <sup>-04</sup>
ERBB2	-1.954792	1.75x10 <sup>-07</sup>	2.08x10 <sup>-08</sup>
CD3E	2.028297	3.22x10 <sup>-40</sup>	2.25x10 <sup>-42</sup>
MSLNL	-1.576418	1.11x10 <sup>-02</sup>	4.58x10 <sup>-03</sup>
SLFN12L	1.578354	8.15x10 <sup>-26</sup>	2.36x10 <sup>-27</sup>
SAA1	1.234882	3.85x10 <sup>-02</sup>	1.99x10 <sup>-02</sup>
MAGEA3	-1.494479	1.43x10 <sup>-05</sup>	2.51x10 <sup>-06</sup>
C1orf105	-1.228027	1.78x10 <sup>-03</sup>	5.57x10 <sup>-04</sup>
MYBPC2	2.113321	3.12x10 <sup>-09</sup>	2.85x10 <sup>-10</sup>
CALML5	-4.092547	3.03x10 <sup>-04</sup>	7.49x10 <sup>-05</sup>
MUSK	1.276938	8.52x10 <sup>-08</sup>	9.60x10 <sup>-09</sup>
S100A7A	-1.624383	8.57x10 <sup>-03</sup>	3.40x10 <sup>-03</sup>
LAT2	1.200374	3.80x10 <sup>-35</sup>	5.75x10 <sup>-37</sup>
DOK3	1.594754	4.43x10 <sup>-39</sup>	4.05x10 <sup>-41</sup>
POU5F1B	-1.102861	4.37x10 <sup>-05</sup>	8.64x10 <sup>-06</sup>
DLX4	-1.551775	6.29x10 <sup>-05</sup>	1.29x10 <sup>-05</sup>
MYOC	1.212501	5.12x10 <sup>-04</sup>	1.35x10 <sup>-04</sup>
S100B	1.539278	9.83x10 <sup>-21</sup>	3.87x10 <sup>-22</sup>
CD180	1.842866	6.66x10 <sup>-40</sup>	5.19x10 <sup>-42</sup>
PAH	-1.368433	4.05x10 <sup>-04</sup>	1.04x10 <sup>-04</sup>
PLCXD3	1.514507	3.60x10 <sup>-04</sup>	9.09x10 <sup>-05</sup>
ICAM3	1.653557	1.64x10 <sup>-32</sup>	3.19x10 <sup>-34</sup>
CCL13	1.241537	6.85x10 <sup>-16</sup>	3.56x10 <sup>-17</sup>
BFSP2	1.251475	1.67x10 <sup>-15</sup>	8.93x10 <sup>-17</sup>
AC004233.2	-1.786950	1.33x10 <sup>-05</sup>	2.31x10 <sup>-06</sup>
MZB1	1.851531	1.44x10 <sup>-21</sup>	5.40x10 <sup>-23</sup>
CCDC69	1.077274	5.07x10 <sup>-19</sup>	2.18x10 <sup>-20</sup>
GPR55	1.551855	5.57x10 <sup>-19</sup>	2.41x10 <sup>-20</sup>
P2RX5	1.671785	3.51x10 <sup>-14</sup>	2.04x10 <sup>-15</sup>
HOXD10	-1.340140	1.55x10 <sup>-02</sup>	6.76x10 <sup>-03</sup>
GNGT1	-1.299468	1.40x10 <sup>-06</sup>	1.95x10 <sup>-07</sup>
CD37	2.338191	5.54x10 <sup>-42</sup>	2.69x10 <sup>-44</sup>
OLR1	1.563639	2.78x10 <sup>-20</sup>	1.13x10 <sup>-21</sup>
GABRA3	-2.213969	1.21x10 <sup>-05</sup>	2.08x10 <sup>-06</sup>
ITGB2	2.009726	2.90x10 <sup>-43</sup>	1.18x10 <sup>-45</sup>
SPRR2D	-1.864248	2.26x10 <sup>-03</sup>	7.34x10 <sup>-04</sup>
ZBTB32	1.140063	2.06x10 <sup>-15</sup>	1.11x10 <sup>-16</sup>
UPK1A	-2.148624	1.57x10 <sup>-02</sup>	6.90x10 <sup>-03</sup>
MIEN1	-1.590712	6.65x10 <sup>-03</sup>	2.53x10 <sup>-03</sup>
TDO2	1.096507	2.75x10 <sup>-14</sup>	1.58x10 <sup>-15</sup>
CALML3	-1.296220	5.48x10 <sup>-03</sup>	2.03x10 <sup>-03</sup>
CCL21	2.105263	1.55x10 <sup>-14</sup>	8.75x10 <sup>-16</sup>
SIRPB1	1.501218	3.04x10 <sup>-24</sup>	9.68x10 <sup>-26</sup>
GPR34	1.657789	5.52x10 <sup>-35</sup>	8.49x10 <sup>-37</sup>
RHCG	-1.418144	1.42x10 <sup>-04</sup>	3.21x10 <sup>-05</sup>
GPNUMB	1.345968	1.40x10 <sup>-25</sup>	4.13x10 <sup>-27</sup>
HCK	1.609898	2.57x10 <sup>-41</sup>	1.41x10 <sup>-43</sup>
MAFA	-1.162326	1.06x10 <sup>-02</sup>	4.36x10 <sup>-03</sup>
FLRT2	1.056967	3.74x10 <sup>-10</sup>	3.08x10 <sup>-11</sup>
CCL8	1.448680	1.98x10 <sup>-14</sup>	1.13x10 <sup>-15</sup>
CNR2	2.273197	4.59x10 <sup>-14</sup>	2.68x10 <sup>-15</sup>
RIPOR2	1.934311	3.56x10 <sup>-31</sup>	7.53x10 <sup>-33</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
LILRB3	1.300000	7.18x10 <sup>-32</sup>	1.45x10 <sup>-33</sup>
SVEP1	1.396726	1.65x10 <sup>-10</sup>	1.30x10 <sup>-11</sup>
ART3	1.332189	9.94x10 <sup>-04</sup>	2.88x10 <sup>-04</sup>
ADRA2C	-1.982788	9.40x10 <sup>-03</sup>	3.79x10 <sup>-03</sup>
CD79A	2.797521	6.81x10 <sup>-25</sup>	2.09x10 <sup>-26</sup>
SLAMF6	2.140296	2.27x10 <sup>-40</sup>	1.53x10 <sup>-42</sup>
TRAT1	2.566954	9.12x10 <sup>-44</sup>	3.19x10 <sup>-46</sup>
GIMAP5	1.900395	2.07x10 <sup>-38</sup>	2.15x10 <sup>-40</sup>
OPRD1	-2.244633	9.60x10 <sup>-03</sup>	3.88x10 <sup>-03</sup>
CXCR3	1.687214	1.45x10 <sup>-33</sup>	2.56x10 <sup>-35</sup>
NCF2	1.382118	2.73x10 <sup>-31</sup>	5.72x10 <sup>-33</sup>
SPINK4	-1.066484	1.58x10 <sup>-03</sup>	4.87x10 <sup>-04</sup>
MEX3A	-1.189257	1.71x10 <sup>-06</sup>	2.43x10 <sup>-07</sup>
ICOS	1.880289	5.40x10 <sup>-35</sup>	8.26x10 <sup>-37</sup>
GIMAP6	1.486557	9.01x10 <sup>-39</sup>	8.95x10 <sup>-41</sup>
IFIT3	1.066493	9.24x10 <sup>-17</sup>	4.56x10 <sup>-18</sup>
HHIPL2	-1.036097	1.59x10 <sup>-04</sup>	3.64x10 <sup>-05</sup>
IL22RA2	1.758464	2.11x10 <sup>-15</sup>	1.14x10 <sup>-16</sup>
LSP1	1.672643	2.28x10 <sup>-42</sup>	1.07x10 <sup>-44</sup>
CA9	-1.323337	9.80x10 <sup>-03</sup>	3.98x10 <sup>-03</sup>
FCRL6	2.476469	3.89x10 <sup>-38</sup>	4.20x10 <sup>-40</sup>
CSF2RB	2.007652	2.96x10 <sup>-40</sup>	2.03x10 <sup>-42</sup>
SPI1	1.653331	2.74x10 <sup>-43</sup>	1.08x10 <sup>-45</sup>
HAPLN2	-1.047445	1.24x10 <sup>-03</sup>	3.71x10 <sup>-04</sup>
01-Sep	1.761349	1.75x10 <sup>-36</sup>	2.37x10 <sup>-38</sup>
RASGRP1	1.112805	4.66x10 <sup>-22</sup>	1.68x10 <sup>-23</sup>
ASPG	-1.701056	6.09x10 <sup>-07</sup>	7.94x10 <sup>-08</sup>
SHISA8	1.368593	2.06x10 <sup>-03</sup>	6.60x10 <sup>-04</sup>
EGR4	-1.014403	4.23x10 <sup>-02</sup>	2.23x10 <sup>-02</sup>
RERGL	1.072347	2.84x10 <sup>-04</sup>	6.92x10 <sup>-05</sup>
APOC1	1.216346	1.98x10 <sup>-20</sup>	7.95x10 <sup>-22</sup>
F7	-1.349868	1.02x10 <sup>-02</sup>	4.16x10 <sup>-03</sup>
CHST2	1.060974	3.49x10 <sup>-18</sup>	1.57x10 <sup>-19</sup>
SERPINF1	1.012602	1.25x10 <sup>-10</sup>	9.66x10 <sup>-12</sup>
LILRA5	1.280278	4.24x10 <sup>-23</sup>	1.45x10 <sup>-24</sup>
LCP2	1.647598	7.36x10 <sup>-46</sup>	1.16x10 <sup>-48</sup>
KLK12	-1.919048	1.59x10 <sup>-02</sup>	6.99x10 <sup>-03</sup>
DERL3	1.384860	1.76x10 <sup>-14</sup>	1.00x10 <sup>-15</sup>
SP8	-1.510619	2.47x10 <sup>-03</sup>	8.15x10 <sup>-04</sup>
MS4A4E	1.202086	9.98x10 <sup>-13</sup>	6.45x10 <sup>-14</sup>
LMX1B	-1.668862	1.85x10 <sup>-05</sup>	3.32x10 <sup>-06</sup>
06-Sep	1.155244	1.32x10 <sup>-21</sup>	4.95x10 <sup>-23</sup>
NCR1	1.381688	1.40x10 <sup>-17</sup>	6.58x10 <sup>-19</sup>
ADGRE3	1.810883	9.47x10 <sup>-17</sup>	4.69x10 <sup>-18</sup>
CCR1	1.538133	8.10x10 <sup>-36</sup>	1.15x10 <sup>-37</sup>
PLA2G2D	3.190400	3.32x10 <sup>-36</sup>	4.61x10 <sup>-38</sup>
CGB5	-1.218285	3.91x10 <sup>-02</sup>	2.03x10 <sup>-02</sup>
IKZF3	1.357050	2.41x10 <sup>-28</sup>	5.96x10 <sup>-30</sup>
TRARG1	1.583937	2.70x10 <sup>-03</sup>	9.04x10 <sup>-04</sup>
ATP6V0A4	-1.218616	3.24x10 <sup>-04</sup>	8.08x10 <sup>-05</sup>
CXCL13	2.783372	1.49x10 <sup>-27</sup>	3.82x10 <sup>-29</sup>
FMNL1	1.382039	1.77x10 <sup>-37</sup>	2.12x10 <sup>-39</sup>
PDCD1LG2	1.810538	3.80x10 <sup>-39</sup>	3.40x10 <sup>-41</sup>
SLA2	1.875868	5.27x10 <sup>-40</sup>	4.03x10 <sup>-42</sup>
RUFY4	1.025344	4.55x10 <sup>-07</sup>	5.79x10 <sup>-08</sup>
KRT40	-3.448145	9.18x10 <sup>-03</sup>	3.68x10 <sup>-03</sup>
PLPPR1	-1.116140	5.31x10 <sup>-04</sup>	1.41x10 <sup>-04</sup>
PSMB9	1.011858	5.16x10 <sup>-15</sup>	2.85x10 <sup>-16</sup>
IFFO1	1.065843	2.21x10 <sup>-27</sup>	5.73x10 <sup>-29</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
CD74	1.660529	1.10x10 <sup>-36</sup>	1.46x10 <sup>-38</sup>
C19orf38	1.446849	8.24x10 <sup>-30</sup>	1.84x10 <sup>-31</sup>
ACP7	-1.935727	4.52x10 <sup>-03</sup>	1.63x10 <sup>-03</sup>
NOTUM	-4.141822	2.41x10 <sup>-05</sup>	4.46x10 <sup>-06</sup>
DPYD	1.097875	6.56x10 <sup>-21</sup>	2.55x10 <sup>-22</sup>
RSPO4	-1.712698	1.10x10 <sup>-03</sup>	3.22x10 <sup>-04</sup>
GAL3ST4	1.077141	1.22x10 <sup>-21</sup>	4.54x10 <sup>-23</sup>
BEND4	1.078791	2.45x10 <sup>-15</sup>	1.33x10 <sup>-16</sup>
EBI3	1.885681	1.39x10 <sup>-34</sup>	2.24x10 <sup>-36</sup>
CNTN2	1.180625	7.90x10 <sup>-04</sup>	2.20x10 <sup>-04</sup>
SPDYC	-1.190079	1.87x10 <sup>-02</sup>	8.45x10 <sup>-03</sup>
HLA-DOA	2.223881	3.10x10 <sup>-38</sup>	3.28x10 <sup>-40</sup>
SNX20	1.932808	3.78x10 <sup>-45</sup>	8.65x10 <sup>-48</sup>
SCIMP	2.131792	2.17x10 <sup>-44</sup>	6.35x10 <sup>-47</sup>
FOLR1	-1.440902	1.12x10 <sup>-02</sup>	4.67x10 <sup>-03</sup>
LRRN4	-1.008175	5.08x10 <sup>-03</sup>	1.87x10 <sup>-03</sup>
CRHBP	1.487343	1.86x10 <sup>-20</sup>	7.46x10 <sup>-22</sup>
HLA-DMB	1.845577	2.57x10 <sup>-40</sup>	1.75x10 <sup>-42</sup>
ARHGAP15	1.865928	6.51x10 <sup>-45</sup>	1.58x10 <sup>-47</sup>
DMRTA2	-1.032118	1.02x10 <sup>-03</sup>	2.96x10 <sup>-04</sup>
DCN	1.115020	9.51x10 <sup>-11</sup>	7.29x10 <sup>-12</sup>
CCR5	2.125145	6.84x10 <sup>-45</sup>	1.71x10 <sup>-47</sup>
CLEC4D	1.937656	1.71x10 <sup>-19</sup>	7.19x10 <sup>-21</sup>
IGFL1	-1.884275	2.25x10 <sup>-02</sup>	1.05x10 <sup>-02</sup>
PTGDR	1.419914	9.25x10 <sup>-24</sup>	3.01x10 <sup>-25</sup>
CYFIP2	1.032922	3.12x10 <sup>-14</sup>	1.81x10 <sup>-15</sup>
CYBB	1.982416	1.23x10 <sup>-43</sup>	4.50x10 <sup>-46</sup>
C1S	1.192750	5.24x10 <sup>-22</sup>	1.89x10 <sup>-23</sup>
FGD2	1.677255	4.46x10 <sup>-40</sup>	3.22x10 <sup>-42</sup>
SYT1	-1.188369	2.06x10 <sup>-03</sup>	6.59x10 <sup>-04</sup>
SELL	2.282978	5.18x10 <sup>-41</sup>	2.92x10 <sup>-43</sup>
SLC1A2	1.223146	1.48x10 <sup>-04</sup>	3.36x10 <sup>-05</sup>
LIPN	1.462075	2.82x10 <sup>-05</sup>	5.29x10 <sup>-06</sup>
CLEC4A	1.553299	3.31x10 <sup>-38</sup>	3.53x10 <sup>-40</sup>
ABI3	1.510829	9.81x10 <sup>-44</sup>	3.51x10 <sup>-46</sup>
NTSR1	-1.744618	2.86x10 <sup>-04</sup>	6.99x10 <sup>-05</sup>
PIK3CG	2.071000	7.51x10 <sup>-38</sup>	8.54x10 <sup>-40</sup>
PLXNC1	1.203296	2.48x10 <sup>-27</sup>	6.47x10 <sup>-29</sup>
AC119396.1	1.609794	7.41x10 <sup>-09</sup>	7.16x10 <sup>-10</sup>
THEMIS2	1.350755	1.07x10 <sup>-38</sup>	1.07x10 <sup>-40</sup>
SLC38A3	-2.613268	2.67x10 <sup>-02</sup>	1.29x10 <sup>-02</sup>
FOLR2	1.717390	5.67x10 <sup>-26</sup>	1.63x10 <sup>-27</sup>
GRB7	-1.818690	1.53x10 <sup>-09</sup>	1.36x10 <sup>-10</sup>
CD84	2.004146	4.57x10 <sup>-44</sup>	1.37x10 <sup>-46</sup>
ITGAL	2.151672	7.40x10 <sup>-44</sup>	2.49x10 <sup>-46</sup>
KLRC1	1.263171	4.46x10 <sup>-16</sup>	2.30x10 <sup>-17</sup>
SIGLEC6	1.422161	1.14x10 <sup>-13</sup>	6.85x10 <sup>-15</sup>
SALL4	-1.176255	3.17x10 <sup>-04</sup>	7.87x10 <sup>-05</sup>
FZD9	-1.453665	9.50x10 <sup>-03</sup>	3.83x10 <sup>-03</sup>
MAGEA12	-1.708095	1.49x10 <sup>-02</sup>	6.47x10 <sup>-03</sup>
BTK	2.156034	2.34x10 <sup>-45</sup>	4.51x10 <sup>-48</sup>
TDRD5	-1.061861	5.36x10 <sup>-06</sup>	8.47x10 <sup>-07</sup>
TNFRSF8	1.016084	1.16x10 <sup>-21</sup>	4.30x10 <sup>-23</sup>
SSC4D	-1.237755	4.62x10 <sup>-05</sup>	9.20x10 <sup>-06</sup>
ZEB2	1.285077	3.24x10 <sup>-29</sup>	7.67x10 <sup>-31</sup>
ANO3	-1.245580	3.08x10 <sup>-04</sup>	7.61x10 <sup>-05</sup>
PLA2G5	1.014609	4.60x10 <sup>-05</sup>	9.15x10 <sup>-06</sup>
MGAM	1.104809	4.49x10 <sup>-04</sup>	1.17x10 <sup>-04</sup>
MAGEA9B	-1.932875	2.95x10 <sup>-05</sup>	5.56x10 <sup>-06</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
ZAP70	1.569279	5.92x10 <sup>-31</sup>	1.27x10 <sup>-32</sup>
PTGDS	1.973712	9.63x10 <sup>-20</sup>	3.99x10 <sup>-21</sup>
SIGLEC5	1.612523	2.16x10 <sup>-26</sup>	6.04x10 <sup>-28</sup>
GPSM3	1.468259	1.44x10 <sup>-40</sup>	9.04x10 <sup>-43</sup>
PTCH2	1.253045	4.21x10 <sup>-05</sup>	8.27x10 <sup>-06</sup>
DDN	-1.202032	6.71x10 <sup>-03</sup>	2.56x10 <sup>-03</sup>
SH2D3C	1.023051	5.88x10 <sup>-23</sup>	2.04x10 <sup>-24</sup>
CNGA3	1.229094	1.60x10 <sup>-06</sup>	2.26x10 <sup>-07</sup>
ELANE	5.922001	3.11x10 <sup>-03</sup>	1.06x10 <sup>-03</sup>
CCL4L2	1.444839	2.10x10 <sup>-17</sup>	9.97x10 <sup>-19</sup>
CD1C	2.065769	4.74x10 <sup>-23</sup>	1.63x10 <sup>-24</sup>
BHLHE22	1.536456	1.98x10 <sup>-21</sup>	7.48x10 <sup>-23</sup>
DOCK10	1.766800	1.28x10 <sup>-40</sup>	7.89x10 <sup>-43</sup>
USH1G	-1.547471	8.69x10 <sup>-10</sup>	7.48x10 <sup>-11</sup>
GPR183	1.596272	1.30x10 <sup>-34</sup>	2.09x10 <sup>-36</sup>
ABCA6	1.181550	2.99x10 <sup>-11</sup>	2.18x10 <sup>-12</sup>
CD101	1.055221	7.17x10 <sup>-20</sup>	2.95x10 <sup>-21</sup>
TGM3	-1.040933	3.62x10 <sup>-02</sup>	1.85x10 <sup>-02</sup>
CLEC2D	1.722444	2.01x10 <sup>-31</sup>	4.17x10 <sup>-33</sup>
APOA5	-1.736818	1.74x10 <sup>-02</sup>	7.78x10 <sup>-03</sup>
COLEC12	1.056852	1.29x10 <sup>-11</sup>	9.02x10 <sup>-13</sup>
KCNQ5	1.268854	3.80x10 <sup>-10</sup>	3.13x10 <sup>-11</sup>
HLA-DQA2	2.358390	1.15x10 <sup>-21</sup>	4.25x10 <sup>-23</sup>
ANKRD44	1.536152	3.54x10 <sup>-34</sup>	5.94x10 <sup>-36</sup>
CCR4	2.081731	6.59x10 <sup>-35</sup>	1.02x10 <sup>-36</sup>
GZMH	2.222708	2.91x10 <sup>-30</sup>	6.34x10 <sup>-32</sup>
TTC25	-1.285437	2.04x10 <sup>-02</sup>	9.38x10 <sup>-03</sup>
PDE1A	1.059225	9.05x10 <sup>-11</sup>	6.91x10 <sup>-12</sup>
FAS	1.047387	8.88x10 <sup>-20</sup>	3.67x10 <sup>-21</sup>
PRSS56	-3.103363	7.05x10 <sup>-03</sup>	2.71x10 <sup>-03</sup>
SRGN	1.824039	8.86x10 <sup>-48</sup>	3.80x10 <sup>-51</sup>
GBP1	1.507718	4.51x10 <sup>-25</sup>	1.37x10 <sup>-26</sup>
ST8SIA1	1.014213	1.91x10 <sup>-18</sup>	8.54x10 <sup>-20</sup>
SORCS1	1.421148	6.29x10 <sup>-07</sup>	8.22x10 <sup>-08</sup>
FLT3	1.725028	1.74x10 <sup>-24</sup>	5.50x10 <sup>-26</sup>
F13A1	1.749906	3.01x10 <sup>-11</sup>	2.19x10 <sup>-12</sup>
CLDN19	-1.244534	3.04x10 <sup>-02</sup>	1.50x10 <sup>-02</sup>
ICAM1	1.200234	2.87x10 <sup>-20</sup>	1.16x10 <sup>-21</sup>
DLX6	-1.739789	4.18x10 <sup>-06</sup>	6.49x10 <sup>-07</sup>
MEOX2	1.333953	2.80x10 <sup>-07</sup>	3.42x10 <sup>-08</sup>
CLEC3B	1.117573	1.73x10 <sup>-06</sup>	2.46x10 <sup>-07</sup>
CD244	1.720415	1.51x10 <sup>-31</sup>	3.12x10 <sup>-33</sup>
PIK3R6	1.266076	1.06x10 <sup>-34</sup>	1.70x10 <sup>-36</sup>
JCHAIN	2.005198	6.15x10 <sup>-20</sup>	2.52x10 <sup>-21</sup>
CTSV	-1.508212	4.82x10 <sup>-05</sup>	9.63x10 <sup>-06</sup>
PRR20G	-2.720062	2.78x10 <sup>-02</sup>	1.35x10 <sup>-02</sup>
ADAP2	1.084112	3.85x10 <sup>-32</sup>	7.69x10 <sup>-34</sup>
UBD	1.633109	1.66x10 <sup>-13</sup>	1.01x10 <sup>-14</sup>
ADGRG3	1.172808	4.10x10 <sup>-08</sup>	4.37x10 <sup>-09</sup>
LTB	1.508231	1.11x10 <sup>-17</sup>	5.15x10 <sup>-19</sup>
FBN3	-1.834570	6.71x10 <sup>-04</sup>	1.83x10 <sup>-04</sup>
FCRLB	1.178012	6.76x10 <sup>-04</sup>	1.85x10 <sup>-04</sup>
IGF1	1.311337	1.12x10 <sup>-10</sup>	8.62x10 <sup>-12</sup>
IZUMO2	-1.114722	1.02x10 <sup>-02</sup>	4.17x10 <sup>-03</sup>
RASSF2	1.506703	3.66x10 <sup>-27</sup>	9.69x10 <sup>-29</sup>
OMD	1.437213	9.06x10 <sup>-08</sup>	1.02x10 <sup>-08</sup>
NKAIN1	-2.094792	1.41x10 <sup>-03</sup>	4.28x10 <sup>-04</sup>
CYP1B1	1.419201	8.07x10 <sup>-13</sup>	5.15x10 <sup>-14</sup>
ITGAX	1.449343	2.20x10 <sup>-33</sup>	3.96x10 <sup>-35</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
CDC6	-1.505731	1.52x10 <sup>-04</sup>	3.44x10 <sup>-05</sup>
SERPING1	1.114488	1.27x10 <sup>-19</sup>	5.34x10 <sup>-21</sup>
TNFRSF9	1.446916	9.12x10 <sup>-29</sup>	2.24x10 <sup>-30</sup>
GZMB	1.907194	2.32x10 <sup>-21</sup>	8.80x10 <sup>-23</sup>
MPO	5.311778	8.28x10 <sup>-07</sup>	1.10x10 <sup>-07</sup>
CLEC4E	1.994795	1.99x10 <sup>-29</sup>	4.62x10 <sup>-31</sup>
ARHGDIIB	1.479105	7.72x10 <sup>-44</sup>	2.65x10 <sup>-46</sup>
OSCAR	1.274550	3.26x10 <sup>-22</sup>	1.17x10 <sup>-23</sup>
PHOX2A	1.165679	4.34x10 <sup>-02</sup>	2.29x10 <sup>-02</sup>
CEACAM4	1.716555	3.62x10 <sup>-29</sup>	8.60x10 <sup>-31</sup>
GMFG	1.484150	3.45x10 <sup>-45</sup>	7.15x10 <sup>-48</sup>
TRIM54	-1.023380	2.02x10 <sup>-02</sup>	9.23x10 <sup>-03</sup>
IRF4	2.004927	1.10x10 <sup>-32</sup>	2.10x10 <sup>-34</sup>
LRMP	1.586334	5.30x10 <sup>-25</sup>	1.62x10 <sup>-26</sup>
WNT3A	-1.159934	2.94x10 <sup>-03</sup>	9.91x10 <sup>-04</sup>
HVCN1	1.607666	4.64x10 <sup>-37</sup>	6.03x10 <sup>-39</sup>
RHOH	2.117542	3.78x10 <sup>-45</sup>	8.52x10 <sup>-48</sup>
ASPA	1.022205	4.86x10 <sup>-10</sup>	4.05x10 <sup>-11</sup>
CALHM6	1.815621	1.23x10 <sup>-29</sup>	2.81x10 <sup>-31</sup>
MS4A14	1.329880	2.82x10 <sup>-23</sup>	9.59x10 <sup>-25</sup>
BOC	1.115399	3.72x10 <sup>-09</sup>	3.46x10 <sup>-10</sup>
IFNG	2.349410	1.17x10 <sup>-21</sup>	4.34x10 <sup>-23</sup>
IKZF1	2.226220	9.77x10 <sup>-45</sup>	2.58x10 <sup>-47</sup>
CD33	1.783457	5.80x10 <sup>-39</sup>	5.52x10 <sup>-41</sup>
PLEKHO1	1.042452	1.38x10 <sup>-24</sup>	4.31x10 <sup>-26</sup>
PROK2	1.516549	2.85x10 <sup>-03</sup>	9.60x10 <sup>-04</sup>
GPR82	1.342567	7.80x10 <sup>-25</sup>	2.41x10 <sup>-26</sup>
SLCO2B1	1.063039	2.12x10 <sup>-23</sup>	7.15x10 <sup>-25</sup>
CCR2	2.186977	4.22x10 <sup>-38</sup>	4.58x10 <sup>-40</sup>
IGLL1	3.397424	9.87x10 <sup>-16</sup>	5.20x10 <sup>-17</sup>
FRZB	1.207229	4.47x10 <sup>-10</sup>	3.70x10 <sup>-11</sup>
CCR9	1.025599	4.51x10 <sup>-08</sup>	4.85x10 <sup>-09</sup>
KLK13	-1.686917	1.99x10 <sup>-03</sup>	6.34x10 <sup>-04</sup>
LST1	1.612646	5.98x10 <sup>-42</sup>	2.95x10 <sup>-44</sup>
PIM2	1.291695	2.49x10 <sup>-25</sup>	7.46x10 <sup>-27</sup>
GFRA2	1.242040	3.35x10 <sup>-10</sup>	2.74x10 <sup>-11</sup>
CR2	2.626067	7.21x10 <sup>-08</sup>	8.07x10 <sup>-09</sup>
LILRB2	1.603848	1.64x10 <sup>-36</sup>	2.21x10 <sup>-38</sup>
GNG2	1.305423	4.54x10 <sup>-33</sup>	8.43x10 <sup>-35</sup>
NT5DC4	-1.036035	1.49x10 <sup>-02</sup>	6.47x10 <sup>-03</sup>
FREM2	-1.731275	8.46x10 <sup>-06</sup>	1.40x10 <sup>-06</sup>
APOBEC3G	1.497324	1.23x10 <sup>-33</sup>	2.15x10 <sup>-35</sup>
ENTPD8	-1.262572	3.07x10 <sup>-08</sup>	3.22x10 <sup>-09</sup>
DMP1	-1.221157	5.87x10 <sup>-04</sup>	1.58x10 <sup>-04</sup>
SOHLH1	-2.637145	6.95x10 <sup>-07</sup>	9.14x10 <sup>-08</sup>
SIGLEC8	2.453160	2.61x10 <sup>-37</sup>	3.26x10 <sup>-39</sup>
FGFR3	-1.204818	5.45x10 <sup>-08</sup>	5.95x10 <sup>-09</sup>
IL2RB	1.829558	4.61x10 <sup>-38</sup>	5.07x10 <sup>-40</sup>
IDO1	2.885464	6.70x10 <sup>-24</sup>	2.16x10 <sup>-25</sup>
BIN2	1.755219	9.78x10 <sup>-49</sup>	2.10x10 <sup>-52</sup>
ADIPOQ	1.000734	4.07x10 <sup>-02</sup>	2.12x10 <sup>-02</sup>
C1QB	2.076897	6.90x10 <sup>-40</sup>	5.43x10 <sup>-42</sup>
WNT7B	-1.078918	7.59x10 <sup>-04</sup>	2.10x10 <sup>-04</sup>
CLEC4G	1.118964	1.23x10 <sup>-12</sup>	8.01x10 <sup>-14</sup>
SIT1	2.254336	2.16x10 <sup>-39</sup>	1.86x10 <sup>-41</sup>
SIGLEC12	1.208430	3.58x10 <sup>-09</sup>	3.31x10 <sup>-10</sup>
CD70	1.043672	1.10x10 <sup>-09</sup>	9.62x10 <sup>-11</sup>
SCN7A	1.180867	8.79x10 <sup>-06</sup>	1.46x10 <sup>-06</sup>
TLR4	1.069151	1.40x10 <sup>-24</sup>	4.36x10 <sup>-26</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
PYGM	1.019841	2.18x10 <sup>-05</sup>	4.00x10 <sup>-06</sup>
HLA-DQB1	1.758438	2.81x10 <sup>-29</sup>	6.59x10 <sup>-31</sup>
TMEM40	-1.243875	2.63x10 <sup>-03</sup>	8.79x10 <sup>-04</sup>
AC136428.1	1.686256	5.47x10 <sup>-16</sup>	2.83x10 <sup>-17</sup>
KLRF1	1.310300	6.40x10 <sup>-19</sup>	2.78x10 <sup>-20</sup>
LILRA6	1.299106	1.92x10 <sup>-20</sup>	7.70x10 <sup>-22</sup>
CD247	1.857354	1.23x10 <sup>-41</sup>	6.42x10 <sup>-44</sup>
TNFRSF17	1.945853	1.57x10 <sup>-22</sup>	5.56x10 <sup>-24</sup>
CLEC2B	1.262980	2.18x10 <sup>-33</sup>	3.90x10 <sup>-35</sup>
PREX1	1.151045	6.72x10 <sup>-28</sup>	1.69x10 <sup>-29</sup>
SIGLEC1	1.868429	7.35x10 <sup>-32</sup>	1.49x10 <sup>-33</sup>
CHIT1	2.260916	1.16x10 <sup>-15</sup>	6.15x10 <sup>-17</sup>
FCER1A	1.731637	3.61x10 <sup>-07</sup>	4.51x10 <sup>-08</sup>
LY9	2.427765	7.38x10 <sup>-41</sup>	4.32x10 <sup>-43</sup>
FOXP3	1.387070	3.89x10 <sup>-31</sup>	8.25x10 <sup>-33</sup>
SP9	-1.825792	3.66x10 <sup>-03</sup>	1.28x10 <sup>-03</sup>
GYPC	1.263126	3.14x10 <sup>-25</sup>	9.43x10 <sup>-27</sup>
KEL	1.306138	1.86x10 <sup>-09</sup>	1.67x10 <sup>-10</sup>
CASP1	1.117886	4.17x10 <sup>-21</sup>	1.59x10 <sup>-22</sup>
CRNN	-1.291837	2.57x10 <sup>-02</sup>	1.23x10 <sup>-02</sup>
CD83	1.097659	9.66x10 <sup>-27</sup>	2.60x10 <sup>-28</sup>
KRT7	-1.036424	2.54x10 <sup>-05</sup>	4.72x10 <sup>-06</sup>
UPK2	-2.955949	3.84x10 <sup>-02</sup>	1.99x10 <sup>-02</sup>
CALHM3	-1.966831	5.32x10 <sup>-03</sup>	1.96x10 <sup>-03</sup>
TLL1	1.087325	8.48x10 <sup>-11</sup>	6.46x10 <sup>-12</sup>
CLEC5A	1.092968	1.37x10 <sup>-07</sup>	1.61x10 <sup>-08</sup>
PTAFR	1.210737	6.52x10 <sup>-27</sup>	1.74x10 <sup>-28</sup>
LIPA	1.052726	2.79x10 <sup>-23</sup>	9.48x10 <sup>-25</sup>
PTPN7	1.662761	2.16x10 <sup>-37</sup>	2.63x10 <sup>-39</sup>
SLC10A4	-1.005499	1.86x10 <sup>-02</sup>	8.38x10 <sup>-03</sup>
LGALS7B	-1.171694	4.32x10 <sup>-08</sup>	4.63x10 <sup>-09</sup>
KERA	1.445679	9.63x10 <sup>-06</sup>	1.62x10 <sup>-06</sup>
CYTH4	1.741092	9.89x10 <sup>-47</sup>	8.08x10 <sup>-50</sup>
MS4A1	3.292453	6.62x10 <sup>-21</sup>	2.58x10 <sup>-22</sup>
KLRC4	1.905230	8.26x10 <sup>-19</sup>	3.61x10 <sup>-20</sup>
SIGLEC10	2.197461	8.57x10 <sup>-45</sup>	2.21x10 <sup>-47</sup>
CLEC12A	1.801068	3.70x10 <sup>-33</sup>	6.80x10 <sup>-35</sup>
GPR15	1.953072	9.92x10 <sup>-08</sup>	1.13x10 <sup>-08</sup>
HCST	1.922667	1.69x10 <sup>-39</sup>	1.40x10 <sup>-41</sup>
GPC2	-1.012520	2.57x10 <sup>-02</sup>	1.23x10 <sup>-02</sup>
FCRL3	2.694191	1.17x10 <sup>-26</sup>	3.19x10 <sup>-28</sup>
GALR3	-1.277264	1.96x10 <sup>-06</sup>	2.83x10 <sup>-07</sup>
GREM2	1.062137	8.41x10 <sup>-04</sup>	2.36x10 <sup>-04</sup>
P2RY10	2.528654	3.43x10 <sup>-43</sup>	1.42x10 <sup>-45</sup>
MS4A2	1.105258	3.53x10 <sup>-08</sup>	3.73x10 <sup>-09</sup>
MAGEA4	-2.021625	1.94x10 <sup>-03</sup>	6.18x10 <sup>-04</sup>
NKX2-8	-1.038003	6.20x10 <sup>-04</sup>	1.68x10 <sup>-04</sup>
BTN1A1	1.023235	2.82x10 <sup>-04</sup>	6.86x10 <sup>-05</sup>
RGL3	-1.209424	7.11x10 <sup>-06</sup>	1.16x10 <sup>-06</sup>
SLC18A3	1.362607	3.42x10 <sup>-02</sup>	1.73x10 <sup>-02</sup>
CCL5	2.105618	5.20x10 <sup>-35</sup>	7.92x10 <sup>-37</sup>
CLDN9	-1.374166	6.03x10 <sup>-05</sup>	1.23x10 <sup>-05</sup>
CXCR6	1.892554	8.33x10 <sup>-38</sup>	9.58x10 <sup>-40</sup>
PITX2	-1.062411	1.35x10 <sup>-02</sup>	5.76x10 <sup>-03</sup>
IGFL4	-1.508493	4.78x10 <sup>-03</sup>	1.74x10 <sup>-03</sup>
FCN1	1.955374	2.20x10 <sup>-26</sup>	6.19x10 <sup>-28</sup>
TNFSF8	2.141410	9.95x10 <sup>-43</sup>	4.27x10 <sup>-45</sup>
01-Mar	1.419609	2.20x10 <sup>-33</sup>	3.96x10 <sup>-35</sup>
CMKLR1	1.514687	8.76x10 <sup>-41</sup>	5.26x10 <sup>-43</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
MYO1G	1.872697	2.74x10 <sup>-43</sup>	1.06x10 <sup>-45</sup>
CD28	1.904912	4.35x10 <sup>-37</sup>	5.54x10 <sup>-39</sup>
ADGRE1	1.654491	7.09x10 <sup>-29</sup>	1.72x10 <sup>-30</sup>
SPIC	2.167727	2.42x10 <sup>-10</sup>	1.94x10 <sup>-11</sup>
MS4A4A	1.865196	4.64x10 <sup>-37</sup>	6.03x10 <sup>-39</sup>
PEG10	-1.354107	1.99x10 <sup>-02</sup>	9.06x10 <sup>-03</sup>
PRAM1	1.476496	4.04x10 <sup>-33</sup>	7.47x10 <sup>-35</sup>
MEFV	1.422346	5.06x10 <sup>-21</sup>	1.95x10 <sup>-22</sup>
TESPA1	2.106401	5.24x10 <sup>-40</sup>	3.97x10 <sup>-42</sup>
ACAP1	1.512666	2.79x10 <sup>-31</sup>	5.87x10 <sup>-33</sup>
ARHGAP25	1.795412	9.89x10 <sup>-47</sup>	8.48x10 <sup>-50</sup>
CD48	2.346672	9.78x10 <sup>-49</sup>	1.72x10 <sup>-52</sup>
HBD	1.390494	9.82x10 <sup>-03</sup>	3.99x10 <sup>-03</sup>
NTRK1	1.095978	3.95x10 <sup>-17</sup>	1.90x10 <sup>-18</sup>
FAM20A	1.020391	1.52x10 <sup>-22</sup>	5.38x10 <sup>-24</sup>
MAFB	1.207497	1.79x10 <sup>-27</sup>	4.59x10 <sup>-29</sup>
FXD4	-2.950084	6.62x10 <sup>-07</sup>	8.69x10 <sup>-08</sup>
ADAMTSL3	1.106546	5.50x10 <sup>-10</sup>	4.62x10 <sup>-11</sup>
SAMSN1	1.847289	7.36x10 <sup>-46</sup>	1.14x10 <sup>-48</sup>
ABCA9	1.228470	4.18x10 <sup>-08</sup>	4.46x10 <sup>-09</sup>
MYT1	-1.476158	2.02x10 <sup>-02</sup>	9.25x10 <sup>-03</sup>
CYP2W1	-1.464726	8.65x10 <sup>-03</sup>	3.44x10 <sup>-03</sup>
CCR7	2.506095	2.24x10 <sup>-32</sup>	4.39x10 <sup>-34</sup>
CAMKV	-1.931159	3.10x10 <sup>-03</sup>	1.06x10 <sup>-03</sup>
SUCNR1	1.808910	1.10x10 <sup>-18</sup>	4.81x10 <sup>-20</sup>
SLC1A3	1.173881	4.17x10 <sup>-21</sup>	1.59x10 <sup>-22</sup>
CARTPT	1.887144	4.81x10 <sup>-03</sup>	1.75x10 <sup>-03</sup>
VEGFD	2.193883	2.09x10 <sup>-05</sup>	3.80x10 <sup>-06</sup>
BPI	1.664934	8.60x10 <sup>-05</sup>	1.82x10 <sup>-05</sup>
TRIM71	-2.161841	5.83x10 <sup>-03</sup>	2.17x10 <sup>-03</sup>
RGS18	1.903619	8.14x10 <sup>-42</sup>	4.19x10 <sup>-44</sup>
CR1	2.454053	1.50x10 <sup>-32</sup>	2.90x10 <sup>-34</sup>
DLL3	-1.364582	2.11x10 <sup>-02</sup>	9.74x10 <sup>-03</sup>
SLA	2.010769	8.30x10 <sup>-47</sup>	5.93x10 <sup>-50</sup>
KLRK1	1.577354	6.50x10 <sup>-17</sup>	3.18x10 <sup>-18</sup>
RNASE3	2.651427	7.28x10 <sup>-08</sup>	8.17x10 <sup>-09</sup>
RFTN1	1.113394	4.44x10 <sup>-24</sup>	1.42x10 <sup>-25</sup>
HTRA4	1.388326	1.26x10 <sup>-19</sup>	5.28x10 <sup>-21</sup>
DACT2	-1.574267	2.51x10 <sup>-02</sup>	1.20x10 <sup>-02</sup>
KLHDC7B	1.373891	2.19x10 <sup>-20</sup>	8.84x10 <sup>-22</sup>
IGF2BP1	-1.312244	1.46x10 <sup>-03</sup>	4.45x10 <sup>-04</sup>
ABI3BP	1.645055	1.15x10 <sup>-15</sup>	6.09x10 <sup>-17</sup>
DUSP9	-2.460438	1.88x10 <sup>-09</sup>	1.68x10 <sup>-10</sup>
CIITA	1.636095	3.82x10 <sup>-26</sup>	1.09x10 <sup>-27</sup>
CEL	-3.684633	2.51x10 <sup>-02</sup>	1.20x10 <sup>-02</sup>
PLXDC2	1.036920	1.28x10 <sup>-14</sup>	7.26x10 <sup>-16</sup>
NLRC4	1.143679	3.72x10 <sup>-32</sup>	7.39x10 <sup>-34</sup>
NRROS	1.271525	3.63x10 <sup>-32</sup>	7.19x10 <sup>-34</sup>
CXCR4	1.399147	1.06x10 <sup>-26</sup>	2.86x10 <sup>-28</sup>
VSIG4	1.774237	7.78x10 <sup>-27</sup>	2.09x10 <sup>-28</sup>
TNFSF14	1.161806	1.84x10 <sup>-24</sup>	5.82x10 <sup>-26</sup>
WIPF1	1.426553	2.90x10 <sup>-39</sup>	2.57x10 <sup>-41</sup>
RAB33A	1.528129	2.67x10 <sup>-39</sup>	2.35x10 <sup>-41</sup>
SERPINA9	5.893988	6.19x10 <sup>-08</sup>	6.82x10 <sup>-09</sup>
DTHD1	2.142087	1.79x10 <sup>-30</sup>	3.88x10 <sup>-32</sup>
REM1	1.029515	3.54x10 <sup>-13</sup>	2.20x10 <sup>-14</sup>
TM6SF1	1.469074	2.25x10 <sup>-33</sup>	4.06x10 <sup>-35</sup>
IL2RG	1.083290	1.22x10 <sup>-15</sup>	6.50x10 <sup>-17</sup>
MNDA	1.877463	1.74x10 <sup>-40</sup>	1.13x10 <sup>-42</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
ULBP1	-1.252442	3.70x10 <sup>-05</sup>	7.13x10 <sup>-06</sup>
HAP1	-2.461934	9.72x10 <sup>-03</sup>	3.94x10 <sup>-03</sup>
CD3D	2.059161	2.14x10 <sup>-42</sup>	9.79x10 <sup>-45</sup>
BCHE	1.081477	1.79x10 <sup>-02</sup>	8.04x10 <sup>-03</sup>
CLC	2.846407	3.14x10 <sup>-10</sup>	2.54x10 <sup>-11</sup>
MGP	1.242265	3.22x10 <sup>-08</sup>	3.38x10 <sup>-09</sup>
PNMT	-2.600593	3.41x10 <sup>-11</sup>	2.50x10 <sup>-12</sup>
FCGR1B	1.625539	2.63x10 <sup>-27</sup>	6.88x10 <sup>-29</sup>
RHBG	-1.352425	1.16x10 <sup>-05</sup>	2.00x10 <sup>-06</sup>
CD96	1.983919	1.71x10 <sup>-40</sup>	1.10x10 <sup>-42</sup>
HLA-DPB1	1.802436	2.19x10 <sup>-39</sup>	1.91x10 <sup>-41</sup>
TNFRSF4	1.019166	4.77x10 <sup>-19</sup>	2.05x10 <sup>-20</sup>
KCNK12	1.029937	1.66x10 <sup>-11</sup>	1.19x10 <sup>-12</sup>
ADAMDEC1	2.216864	6.54x10 <sup>-33</sup>	1.23x10 <sup>-34</sup>
ZNF804A	1.538857	3.85x10 <sup>-25</sup>	1.17x10 <sup>-26</sup>
KRT32	-2.017563	7.90x10 <sup>-03</sup>	3.09x10 <sup>-03</sup>
TFEC	1.624611	1.89x10 <sup>-35</sup>	2.82x10 <sup>-37</sup>
FPR3	1.825405	1.33x10 <sup>-36</sup>	1.78x10 <sup>-38</sup>
EBF1	1.052004	9.50x10 <sup>-10</sup>	8.21x10 <sup>-11</sup>
PAGE1	-1.280432	5.82x10 <sup>-04</sup>	1.56x10 <sup>-04</sup>
ACKR1	1.482658	8.18x10 <sup>-11</sup>	6.21x10 <sup>-12</sup>
SPIB	3.033809	6.12x10 <sup>-10</sup>	5.19x10 <sup>-11</sup>
KRT6B	-1.274532	1.20x10 <sup>-03</sup>	3.56x10 <sup>-04</sup>
LAX1	2.050533	6.48x10 <sup>-33</sup>	1.21x10 <sup>-34</sup>
SLC5A12	-1.265872	5.93x10 <sup>-08</sup>	6.51x10 <sup>-09</sup>
MFAP5	1.073529	2.63x10 <sup>-07</sup>	3.21x10 <sup>-08</sup>
CST7	1.297911	8.19x10 <sup>-37</sup>	1.08x10 <sup>-38</sup>
TCL1A	3.013788	1.38x10 <sup>-15</sup>	7.38x10 <sup>-17</sup>
CLEC10A	2.099829	3.73x10 <sup>-30</sup>	8.21x10 <sup>-32</sup>
APOC3	-1.212206	4.82x10 <sup>-02</sup>	2.59x10 <sup>-02</sup>
CERKL	1.036771	1.92x10 <sup>-27</sup>	4.94x10 <sup>-29</sup>
PLAC1	-1.085479	2.18x10 <sup>-03</sup>	7.04x10 <sup>-04</sup>
DNASE2B	1.286849	4.25x10 <sup>-07</sup>	5.37x10 <sup>-08</sup>
AZU1	4.477924	3.70x10 <sup>-03</sup>	1.29x10 <sup>-03</sup>
TSHR	1.235250	7.46x10 <sup>-15</sup>	4.17x10 <sup>-16</sup>
MATN4	-1.233367	1.43x10 <sup>-04</sup>	3.23x10 <sup>-05</sup>
GKN2	1.052996	2.60x10 <sup>-03</sup>	8.66x10 <sup>-04</sup>
TRAF3IP3	2.148060	1.31x10 <sup>-43</sup>	4.87x10 <sup>-46</sup>
AQP4	1.365382	4.72x10 <sup>-02</sup>	2.53x10 <sup>-02</sup>
PADI1	-1.295356	2.98x10 <sup>-04</sup>	7.33x10 <sup>-05</sup>
KCNN3	1.377677	1.59x10 <sup>-18</sup>	7.05x10 <sup>-20</sup>
ANKRD18B	-1.445574	5.12x10 <sup>-06</sup>	8.07x10 <sup>-07</sup>
ZNF280A	-1.177689	1.67x10 <sup>-03</sup>	5.18x10 <sup>-04</sup>
MEI1	1.444697	4.54x10 <sup>-26</sup>	1.30x10 <sup>-27</sup>
LY96	1.252901	2.19x10 <sup>-34</sup>	3.62x10 <sup>-36</sup>
TLR10	2.851460	1.53x10 <sup>-23</sup>	5.09x10 <sup>-25</sup>
FDCSP	2.891816	7.08x10 <sup>-09</sup>	6.84x10 <sup>-10</sup>
SPN	1.809707	2.95x10 <sup>-37</sup>	3.71x10 <sup>-39</sup>
SLC15A3	1.128519	2.66x10 <sup>-27</sup>	6.97x10 <sup>-29</sup>
POU6F2	-1.062949	1.02x10 <sup>-02</sup>	4.15x10 <sup>-03</sup>
ZNF683	2.533698	4.91x10 <sup>-21</sup>	1.89x10 <sup>-22</sup>
GRAP	1.056737	1.29x10 <sup>-18</sup>	5.65x10 <sup>-20</sup>
IL9R	1.695204	1.62x10 <sup>-26</sup>	4.47x10 <sup>-28</sup>
CADM3	1.808510	1.17x10 <sup>-11</sup>	8.19x10 <sup>-13</sup>
MAGEA1	-1.017158	4.07x10 <sup>-04</sup>	1.05x10 <sup>-04</sup>
MAP4K1	2.191573	5.85x10 <sup>-39</sup>	5.60x10 <sup>-41</sup>
ENPP2	1.096444	1.78x10 <sup>-19</sup>	7.50x10 <sup>-21</sup>
CILP	1.593214	2.94x10 <sup>-11</sup>	2.14x10 <sup>-12</sup>
DLX5	-1.824064	3.12x10 <sup>-02</sup>	1.55x10 <sup>-02</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
OBP2B	-4.611505	3.85x10 <sup>-05</sup>	7.48x10 <sup>-06</sup>
PROC	-1.302611	2.24x10 <sup>-05</sup>	4.12x10 <sup>-06</sup>
PRR36	-1.972018	1.85x10 <sup>-09</sup>	1.66x10 <sup>-10</sup>
NKG7	2.251028	2.13x10 <sup>-36</sup>	2.89x10 <sup>-38</sup>
CCL11	1.120343	2.33x10 <sup>-16</sup>	1.18x10 <sup>-17</sup>
P2RY12	2.238555	1.13x10 <sup>-27</sup>	2.89x10 <sup>-29</sup>
PRAME	-1.423028	6.32x10 <sup>-03</sup>	2.39x10 <sup>-03</sup>
CLDN6	-2.093533	4.11x10 <sup>-04</sup>	1.06x10 <sup>-04</sup>
HLA-DRB5	1.625128	9.34x10 <sup>-21</sup>	3.67x10 <sup>-22</sup>
HTR2A	1.149661	1.40x10 <sup>-09</sup>	1.24x10 <sup>-10</sup>
CD1A	1.131877	1.68x10 <sup>-10</sup>	1.33x10 <sup>-11</sup>
VSTM1	1.088722	7.74x10 <sup>-08</sup>	8.70x10 <sup>-09</sup>
XCL2	1.822016	3.17x10 <sup>-23</sup>	1.09x10 <sup>-24</sup>
BLK	2.630764	9.82x10 <sup>-17</sup>	4.87x10 <sup>-18</sup>
MCEMP1	1.285907	1.61x10 <sup>-06</sup>	2.27x10 <sup>-07</sup>
PYHIN1	2.143272	9.01x10 <sup>-39</sup>	8.95x10 <sup>-41</sup>
TXLNB	1.084836	1.36x10 <sup>-17</sup>	6.39x10 <sup>-19</sup>
ADGRE2	1.383220	2.41x10 <sup>-25</sup>	7.20x10 <sup>-27</sup>
THEMIS	2.208109	1.38x10 <sup>-38</sup>	1.41x10 <sup>-40</sup>
KMO	1.413787	3.57x10 <sup>-28</sup>	8.87x10 <sup>-30</sup>
C20orf204	-1.779184	1.75x10 <sup>-03</sup>	5.46x10 <sup>-04</sup>
PLXNB3	-1.098870	4.40x10 <sup>-05</sup>	8.70x10 <sup>-06</sup>
MATK	1.297635	1.92x10 <sup>-29</sup>	4.45x10 <sup>-31</sup>
LRRK2	1.302259	2.53x10 <sup>-23</sup>	8.56x10 <sup>-25</sup>
ACP5	1.164848	1.55x10 <sup>-26</sup>	4.26x10 <sup>-28</sup>
NAIP	1.569840	1.50x10 <sup>-26</sup>	4.11x10 <sup>-28</sup>
TNFAIP8L2	1.615119	1.37x10 <sup>-44</sup>	3.72x10 <sup>-47</sup>
SELP	1.362904	3.63x10 <sup>-13</sup>	2.26x10 <sup>-14</sup>
PIK3CD	1.400115	3.13x10 <sup>-30</sup>	6.85x10 <sup>-32</sup>
GPR88	1.064793	8.30x10 <sup>-09</sup>	8.04x10 <sup>-10</sup>
P3H4	-1.346792	1.99x10 <sup>-08</sup>	2.03x10 <sup>-09</sup>
NODAL	-1.503565	4.67x10 <sup>-02</sup>	2.50x10 <sup>-02</sup>
KCNJ5	1.481891	1.58x10 <sup>-22</sup>	5.62x10 <sup>-24</sup>
PGAP3	-1.456664	6.22x10 <sup>-06</sup>	1.00x10 <sup>-06</sup>
TTPA	-1.775338	7.91x10 <sup>-07</sup>	1.05x10 <sup>-07</sup>
THBS4	1.672482	6.52x10 <sup>-08</sup>	7.23x10 <sup>-09</sup>
CTSW	1.829130	1.90x10 <sup>-27</sup>	4.88x10 <sup>-29</sup>
NCF4	1.473204	2.11x10 <sup>-37</sup>	2.55x10 <sup>-39</sup>
POU2AF1	2.045895	9.13x10 <sup>-22</sup>	3.35x10 <sup>-23</sup>
S1PR4	1.905952	9.14x10 <sup>-33</sup>	1.74x10 <sup>-34</sup>
GFY	-1.626220	2.38x10 <sup>-06</sup>	3.50x10 <sup>-07</sup>
DAZL	2.059447	1.46x10 <sup>-18</sup>	6.44x10 <sup>-20</sup>
SYT7	-1.420969	1.91x10 <sup>-06</sup>	2.75x10 <sup>-07</sup>
DNAJC5B	2.017977	2.21x10 <sup>-37</sup>	2.70x10 <sup>-39</sup>
STK31	-1.140781	9.02x10 <sup>-04</sup>	2.57x10 <sup>-04</sup>
MCOLN3	-1.065747	1.58x10 <sup>-03</sup>	4.87x10 <sup>-04</sup>
CD14	1.437552	9.44x10 <sup>-35</sup>	1.50x10 <sup>-36</sup>
PLCG2	1.275166	8.62x10 <sup>-20</sup>	3.56x10 <sup>-21</sup>
DNMT3B	-1.248364	1.42x10 <sup>-08</sup>	1.42x10 <sup>-09</sup>
CTCFL	-1.879918	7.89x10 <sup>-04</sup>	2.20x10 <sup>-04</sup>
CCL25	1.158154	1.14x10 <sup>-05</sup>	1.96x10 <sup>-06</sup>
RARRES3	1.280293	1.36x10 <sup>-18</sup>	6.01x10 <sup>-20</sup>
CX3CR1	1.674483	2.87x10 <sup>-14</sup>	1.66x10 <sup>-15</sup>
NUGGC	1.794856	2.28x10 <sup>-22</sup>	8.11x10 <sup>-24</sup>
GGT5	1.029234	6.22x10 <sup>-13</sup>	3.94x10 <sup>-14</sup>
CNFN	-1.942107	2.83x10 <sup>-04</sup>	6.89x10 <sup>-05</sup>
FGG	-2.510925	2.86x10 <sup>-02</sup>	1.40x10 <sup>-02</sup>
SNTB1	-1.028996	9.63x10 <sup>-03</sup>	3.90x10 <sup>-03</sup>
CLEC17A	3.078602	7.24x10 <sup>-17</sup>	3.55x10 <sup>-18</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
FMO1	1.413100	9.80x10 <sup>-12</sup>	6.83x10 <sup>-13</sup>
UBASH3A	1.917826	2.90x10 <sup>-38</sup>	3.05x10 <sup>-40</sup>
PRRG3	1.835260	4.47x10 <sup>-02</sup>	2.37x10 <sup>-02</sup>
GCSAML	1.033366	1.91x10 <sup>-08</sup>	1.95x10 <sup>-09</sup>
TNFRSF13B	2.503429	1.09x10 <sup>-20</sup>	4.30x10 <sup>-22</sup>
SPRR2G	-3.376741	3.95x10 <sup>-03</sup>	1.40x10 <sup>-03</sup>
SLC22A9	-1.035217	1.07x10 <sup>-02</sup>	4.42x10 <sup>-03</sup>
SLC9A9	1.419398	5.56x10 <sup>-29</sup>	1.34x10 <sup>-30</sup>
TMPRSS5	-1.539682	9.81x10 <sup>-05</sup>	2.12x10 <sup>-05</sup>
OXT	-1.024807	3.71x10 <sup>-02</sup>	1.91x10 <sup>-02</sup>
PSORS1C2	-1.554931	2.56x10 <sup>-06</sup>	3.80x10 <sup>-07</sup>
POU2F2	1.714425	7.47x10 <sup>-18</sup>	3.44x10 <sup>-19</sup>
AIM2	1.921325	1.58x10 <sup>-29</sup>	3.63x10 <sup>-31</sup>
OR2I1P	1.540657	1.46x10 <sup>-11</sup>	1.03x10 <sup>-12</sup>
KIF19	1.168506	3.49x10 <sup>-12</sup>	2.36x10 <sup>-13</sup>
IGSF6	1.636486	4.52x10 <sup>-39</sup>	4.24x10 <sup>-41</sup>
GNLY	1.633186	1.36x10 <sup>-16</sup>	6.80x10 <sup>-18</sup>
ITK	2.274202	1.85x10 <sup>-40</sup>	1.22x10 <sup>-42</sup>
FAM83C	-1.253270	1.67x10 <sup>-04</sup>	3.82x10 <sup>-05</sup>
ARHGEF6	1.490511	1.82x10 <sup>-35</sup>	2.71x10 <sup>-37</sup>
GLIPR1	1.062733	1.20x10 <sup>-22</sup>	4.21x10 <sup>-24</sup>
RNF182	-2.105662	4.01x10 <sup>-02</sup>	2.09x10 <sup>-02</sup>
GRAP2	1.741226	2.81x10 <sup>-35</sup>	4.23x10 <sup>-37</sup>
INHA	-3.486749	8.33x10 <sup>-07</sup>	1.11x10 <sup>-07</sup>
TLR6	1.419279	9.12x10 <sup>-29</sup>	2.24x10 <sup>-30</sup>
SCML4	1.190088	6.73x10 <sup>-18</sup>	3.09x10 <sup>-19</sup>
PSTPIP1	1.385633	3.13x10 <sup>-36</sup>	4.29x10 <sup>-38</sup>
MUC22	-1.769920	1.01x10 <sup>-02</sup>	4.14x10 <sup>-03</sup>
DSG1	-2.465163	4.18x10 <sup>-04</sup>	1.08x10 <sup>-04</sup>
RASAL3	1.857493	2.01x10 <sup>-40</sup>	1.33x10 <sup>-42</sup>
GBP4	1.916089	1.24x10 <sup>-26</sup>	3.39x10 <sup>-28</sup>
PLCB2	1.136474	5.75x10 <sup>-29</sup>	1.39x10 <sup>-30</sup>
PTPN22	1.288382	8.89x10 <sup>-35</sup>	1.40x10 <sup>-36</sup>
LINGO3	1.533984	1.73x10 <sup>-09</sup>	1.54x10 <sup>-10</sup>
VSIG8	-1.444823	3.18x10 <sup>-04</sup>	7.90x10 <sup>-05</sup>
C1QA	1.964342	1.07x10 <sup>-40</sup>	6.49x10 <sup>-43</sup>
CD1B	1.776979	1.13x10 <sup>-19</sup>	4.71x10 <sup>-21</sup>
ZNF750	-1.128205	2.64x10 <sup>-04</sup>	6.38x10 <sup>-05</sup>
FABP4	1.167507	6.59x10 <sup>-07</sup>	8.64x10 <sup>-08</sup>
FAM216B	1.814437	5.19x10 <sup>-09</sup>	4.93x10 <sup>-10</sup>
HS3ST2	1.448374	9.29x10 <sup>-12</sup>	6.46x10 <sup>-13</sup>
DAPL1	-1.172993	3.19x10 <sup>-02</sup>	1.60x10 <sup>-02</sup>
NYAP1	-1.036041	1.77x10 <sup>-03</sup>	5.52x10 <sup>-04</sup>
PPP1R14C	-1.183640	2.20x10 <sup>-06</sup>	3.22x10 <sup>-07</sup>
CCL3	1.530535	3.40x10 <sup>-17</sup>	1.63x10 <sup>-18</sup>
ARHGAP30	1.620073	5.35x10 <sup>-41</sup>	3.06x10 <sup>-43</sup>
PARP15	1.877265	2.22x10 <sup>-19</sup>	9.41x10 <sup>-21</sup>
KRTAP3-1	-5.579197	2.10x10 <sup>-06</sup>	3.05x10 <sup>-07</sup>
OXGR1	-1.465957	3.93x10 <sup>-03</sup>	1.39x10 <sup>-03</sup>
MOGAT1	-1.453488	1.35x10 <sup>-02</sup>	5.79x10 <sup>-03</sup>
ABCA8	1.426601	5.19x10 <sup>-08</sup>	5.64x10 <sup>-09</sup>
TBX4	-1.286298	2.99x10 <sup>-04</sup>	7.36x10 <sup>-05</sup>
LILRB1	1.729164	6.29x10 <sup>-45</sup>	1.48x10 <sup>-47</sup>
TBX21	1.851518	2.78x10 <sup>-35</sup>	4.17x10 <sup>-37</sup>
IL12RB1	1.629271	1.49x10 <sup>-38</sup>	1.54x10 <sup>-40</sup>
CYSLTR1	1.534270	1.16x10 <sup>-31</sup>	2.37x10 <sup>-33</sup>
CXCL9	2.457875	5.47x10 <sup>-23</sup>	1.88x10 <sup>-24</sup>
TMPRSS13	-1.996873	1.47x10 <sup>-02</sup>	6.36x10 <sup>-03</sup>
CD1D	1.514887	5.99x10 <sup>-32</sup>	1.21x10 <sup>-33</sup>

Table SI. Continued.

Gene	logFC	FDR	P-value
ADCYAP1R1	1.356428	7.65x10 <sup>-07</sup>	1.02x10 <sup>-07</sup>
IL10RA	2.113852	4.53x10 <sup>-47</sup>	2.27x10 <sup>-50</sup>
AHSG	-4.116170	1.72x10 <sup>-03</sup>	5.34x10 <sup>-04</sup>
GBP5	2.482350	1.47x10 <sup>-33</sup>	2.60x10 <sup>-35</sup>
ANKRD33B	1.474187	7.24x10 <sup>-17</sup>	3.55x10 <sup>-18</sup>
HTR2C	-2.050689	5.76x10 <sup>-06</sup>	9.17x10 <sup>-07</sup>
CXCL11	2.288870	8.10x10 <sup>-16</sup>	4.25x10 <sup>-17</sup>
CPB2	-1.770470	3.76x10 <sup>-04</sup>	9.56x10 <sup>-05</sup>
RNASE6	1.857535	2.14x10 <sup>-42</sup>	9.94x10 <sup>-45</sup>
MEOX1	1.220698	3.01x10 <sup>-14</sup>	1.74x10 <sup>-15</sup>
HOXC13	-1.627734	1.94x10 <sup>-06</sup>	2.80x10 <sup>-07</sup>
HLA-DQB2	2.151963	1.30x10 <sup>-26</sup>	3.55x10 <sup>-28</sup>
RTN1	1.344289	2.84x10 <sup>-23</sup>	9.70x10 <sup>-25</sup>
P2RX7	1.461996	1.29x10 <sup>-35</sup>	1.86x10 <sup>-37</sup>
WNT11	-1.675234	3.39x10 <sup>-03</sup>	1.17x10 <sup>-03</sup>
PLEK	2.166624	7.10x10 <sup>-44</sup>	2.30x10 <sup>-46</sup>
CD300E	1.334639	9.96x10 <sup>-10</sup>	8.63x10 <sup>-11</sup>
SULT4A1	-1.134442	3.28x10 <sup>-03</sup>	1.13x10 <sup>-03</sup>
RGS1	1.623271	1.58x10 <sup>-29</sup>	3.63x10 <sup>-31</sup>
FCRLA	3.435248	2.32x10 <sup>-23</sup>	7.82x10 <sup>-25</sup>
CD40	1.078634	4.15x10 <sup>-18</sup>	1.88x10 <sup>-19</sup>
TMIGD3	1.574394	6.31x10 <sup>-27</sup>	1.68x10 <sup>-28</sup>
CCL17	1.521848	5.91x10 <sup>-19</sup>	2.57x10 <sup>-20</sup>
PCLO	-1.669338	1.02x10 <sup>-03</sup>	2.98x10 <sup>-04</sup>
FCRL2	2.556133	1.09x10 <sup>-20</sup>	4.30x10 <sup>-22</sup>
LRRC25	1.519139	1.37x10 <sup>-38</sup>	1.39x10 <sup>-40</sup>
KRT17	-1.458868	1.04x10 <sup>-04</sup>	2.25x10 <sup>-05</sup>
IL18RAP	1.558539	2.06x10 <sup>-29</sup>	4.80x10 <sup>-31</sup>
RAET1L	-1.152438	4.69x10 <sup>-05</sup>	9.34x10 <sup>-06</sup>
RSAD2	1.075661	7.27x10 <sup>-11</sup>	5.50x10 <sup>-12</sup>
DLX2	-4.037006	1.43x10 <sup>-02</sup>	6.16x10 <sup>-03</sup>
CLPSL2	-1.490503	1.92x10 <sup>-06</sup>	2.77x10 <sup>-07</sup>
GAPT	2.471187	9.51x10 <sup>-30</sup>	2.15x10 <sup>-31</sup>
MROH2A	-1.382923	3.74x10 <sup>-03</sup>	1.31x10 <sup>-03</sup>
LILRB5	1.566084	6.70x10 <sup>-24</sup>	2.16x10 <sup>-25</sup>
AMPD1	1.817984	3.47x10 <sup>-15</sup>	1.90x10 <sup>-16</sup>
SCN2B	1.032106	3.13x10 <sup>-03</sup>	1.07x10 <sup>-03</sup>
RIPPLY3	-1.543119	1.52x10 <sup>-07</sup>	1.79x10 <sup>-08</sup>
STAB1	1.126506	7.80x10 <sup>-25</sup>	2.41x10 <sup>-26</sup>
EVX1	-1.400609	1.88x10 <sup>-04</sup>	4.38x10 <sup>-05</sup>
TNFSF13B	1.586383	2.15x10 <sup>-36</sup>	2.93x10 <sup>-38</sup>
CYP24A1	-1.853605	9.74x10 <sup>-03</sup>	3.95x10 <sup>-03</sup>
CD6	1.851939	1.67x10 <sup>-35</sup>	2.46x10 <sup>-37</sup>
SLC34A2	-1.621889	1.28x10 <sup>-04</sup>	2.84x10 <sup>-05</sup>
TFAP2C	-1.027024	2.08x10 <sup>-04</sup>	4.90x10 <sup>-05</sup>
WFDC5	-2.017932	1.09x10 <sup>-02</sup>	4.48x10 <sup>-03</sup>
SPRR2A	-1.869683	1.73x10 <sup>-02</sup>	7.69x10 <sup>-03</sup>
EPYC	1.167092	2.61x10 <sup>-03</sup>	8.69x10 <sup>-04</sup>
BCL2	1.030024	7.36x10 <sup>-19</sup>	3.21x10 <sup>-20</sup>
CD300LF	1.821948	4.49x10 <sup>-39</sup>	4.17x10 <sup>-41</sup>
C3AR1	1.856416	2.27x10 <sup>-41</sup>	1.23x10 <sup>-43</sup>
VAV1	1.505887	7.95x10 <sup>-33</sup>	1.50x10 <sup>-34</sup>
HOMER2	-1.092806	4.10x10 <sup>-05</sup>	8.02x10 <sup>-06</sup>
IGFLR1	1.112764	1.69x10 <sup>-25</sup>	4.99x10 <sup>-27</sup>

FC, fold-change; FDR, false discovery rate.

Table SII. Differentially expressed genes with regard to stromal scores.

Gene	logFC	P-value	FDR
CYS1	1.653333	1.71x10 <sup>-21</sup>	2.62x10 <sup>-20</sup>
GIMAP1	1.272629	3.66x10 <sup>-30</sup>	1.84x10 <sup>-28</sup>
PAPPA2	2.105469	1.80x10 <sup>-02</sup>	2.93x10 <sup>-02</sup>
CD274	1.251664	6.31x10 <sup>-06</sup>	2.13x10 <sup>-05</sup>
TLR7	1.776843	5.49x10 <sup>-28</sup>	1.95x10 <sup>-26</sup>
RHOJ	1.375344	2.86x10 <sup>-35</sup>	3.68x10 <sup>-33</sup>
TSPAN11	1.608148	2.26x10 <sup>-25</sup>	5.55x10 <sup>-24</sup>
PEBP4	1.411104	1.40x10 <sup>-14</sup>	1.15x10 <sup>-13</sup>
COL15A1	1.386513	2.20x10 <sup>-31</sup>	1.35x10 <sup>-29</sup>
HOXC12	-1.570744	1.09x10 <sup>-04</sup>	2.91x10 <sup>-04</sup>
FPR1	1.466284	9.66x10 <sup>-18</sup>	1.05x10 <sup>-16</sup>
PDE4B	1.199007	9.68x10 <sup>-24</sup>	1.96x10 <sup>-22</sup>
SLAMF7	1.157845	3.57x10 <sup>-12</sup>	2.42x10 <sup>-11</sup>
ANOS1	1.264448	9.06x10 <sup>-25</sup>	2.04x10 <sup>-23</sup>
FETUB	-2.452144	1.97x10 <sup>-03</sup>	4.02x10 <sup>-03</sup>
FAM180B	2.048133	9.79x10 <sup>-08</sup>	4.28x10 <sup>-07</sup>
SPON1	1.878548	8.79x10 <sup>-27</sup>	2.60x10 <sup>-25</sup>
APOD	1.601839	1.92x10 <sup>-15</sup>	1.70x10 <sup>-14</sup>
CHODL	1.367237	6.77x10 <sup>-13</sup>	4.84x10 <sup>-12</sup>
C14orf132	1.662313	4.08x10 <sup>-22</sup>	6.60x10 <sup>-21</sup>
CXCR1	1.129905	2.83x10 <sup>-02</sup>	4.38x10 <sup>-02</sup>
UGT2B17	1.735630	2.39x10 <sup>-02</sup>	3.77x10 <sup>-02</sup>
FAP	1.673187	4.95x10 <sup>-34</sup>	4.76x10 <sup>-32</sup>
LY86	1.564906	7.64x10 <sup>-30</sup>	3.60x10 <sup>-28</sup>
THBS1	1.717242	2.00x10 <sup>-38</sup>	6.50x10 <sup>-36</sup>
ZNF835	1.308416	5.68x10 <sup>-21</sup>	8.23x10 <sup>-20</sup>
FCGR3B	1.062827	1.74x10 <sup>-02</sup>	2.83x10 <sup>-02</sup>
GPR65	1.279883	3.19x10 <sup>-25</sup>	7.71x10 <sup>-24</sup>
CRYAB	1.973489	2.25x10 <sup>-29</sup>	9.78x10 <sup>-28</sup>
RAB9B	1.547568	7.13x10 <sup>-18</sup>	7.80x10 <sup>-17</sup>
ZSCAN23	1.018846	7.91x10 <sup>-16</sup>	7.26x10 <sup>-15</sup>
KRT16	-2.633588	4.96x10 <sup>-03</sup>	9.23x10 <sup>-03</sup>
TMEM35A	2.452276	1.87x10 <sup>-20</sup>	2.57x10 <sup>-19</sup>
MYOCD	2.632528	1.79x10 <sup>-21</sup>	2.72x10 <sup>-20</sup>
MYH11	3.400916	1.49x10 <sup>-23</sup>	2.90x10 <sup>-22</sup>
GNAO1	2.285661	1.53x10 <sup>-26</sup>	4.40x10 <sup>-25</sup>
TCEAL6	1.707338	4.78x10 <sup>-13</sup>	3.46x10 <sup>-12</sup>
ADRB3	2.528602	1.00x10 <sup>-16</sup>	9.94x10 <sup>-16</sup>
SETBP1	1.438763	1.12x10 <sup>-20</sup>	1.58x10 <sup>-19</sup>
FAM78A	1.118251	4.16x10 <sup>-23</sup>	7.66x10 <sup>-22</sup>
ADAMTS16	1.996278	5.31x10 <sup>-17</sup>	5.39x10 <sup>-16</sup>
CYTIP	1.133776	2.56x10 <sup>-16</sup>	2.45x10 <sup>-15</sup>
RIMS1	1.984844	3.78x10 <sup>-08</sup>	1.74x10 <sup>-07</sup>
LSAMP	1.592509	3.30x10 <sup>-25</sup>	7.97x10 <sup>-24</sup>
JUP	-1.325623	3.06x10 <sup>-11</sup>	1.91x10 <sup>-10</sup>
CD300A	1.013717	6.64x10 <sup>-20</sup>	8.70x10 <sup>-19</sup>
SCUBE2	1.118908	9.22x10 <sup>-17</sup>	9.19x10 <sup>-16</sup>
RASGRF2	1.036858	2.13x10 <sup>-30</sup>	1.11x10 <sup>-28</sup>
IGLL5	1.043434	2.11x10 <sup>-09</sup>	1.12x10 <sup>-08</sup>
MAP6	1.641293	3.04x10 <sup>-26</sup>	8.46x10 <sup>-25</sup>
MUC5B	-1.511369	4.99x10 <sup>-04</sup>	1.16x10 <sup>-03</sup>
GFRA1	1.650116	4.28x10 <sup>-14</sup>	3.36x10 <sup>-13</sup>
ST8SIA4	1.138903	2.89x10 <sup>-27</sup>	9.28x10 <sup>-26</sup>
TWIST1	1.156810	5.16x10 <sup>-18</sup>	5.71x10 <sup>-17</sup>
CTSK	1.643755	9.31x10 <sup>-40</sup>	4.22x10 <sup>-37</sup>
CMYA5	1.359566	8.54x10 <sup>-18</sup>	9.30x10 <sup>-17</sup>
DOK6	1.409980	2.99x10 <sup>-31</sup>	1.79x10 <sup>-29</sup>
MPDZ	1.755576	4.23x10 <sup>-33</sup>	3.38x10 <sup>-31</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
IGFN1	1.493994	1.62x10 <sup>-06</sup>	6.03x10 <sup>-06</sup>
EPB41L3	1.098781	2.11x10 <sup>-23</sup>	4.02x10 <sup>-22</sup>
ATP2B4	1.350866	1.75x10 <sup>-21</sup>	2.67x10 <sup>-20</sup>
GPM6B	1.255359	1.60x10 <sup>-15</sup>	1.43x10 <sup>-14</sup>
METTL24	2.355497	5.96x10 <sup>-25</sup>	1.39x10 <sup>-23</sup>
HACD4	1.235829	2.45x10 <sup>-29</sup>	1.06x10 <sup>-27</sup>
WFDC1	1.111251	1.79x10 <sup>-10</sup>	1.05x10 <sup>-09</sup>
PREX2	1.135372	2.84x10 <sup>-20</sup>	3.83x10 <sup>-19</sup>
GRHL3	-1.735993	3.64x10 <sup>-06</sup>	1.28x10 <sup>-05</sup>
NCF1	1.312509	1.39x10 <sup>-20</sup>	1.93x10 <sup>-19</sup>
NAV3	1.556749	4.38x10 <sup>-27</sup>	1.36x10 <sup>-25</sup>
ITGAM	1.335488	2.52x10 <sup>-23</sup>	4.74x10 <sup>-22</sup>
ARRDC5	1.048964	2.23x10 <sup>-11</sup>	1.41x10 <sup>-10</sup>
PNOC	1.419234	2.56x10 <sup>-17</sup>	2.66x10 <sup>-16</sup>
GPR174	1.354749	1.28x10 <sup>-14</sup>	1.05x10 <sup>-13</sup>
CELF2	1.478438	2.00x10 <sup>-26</sup>	5.68x10 <sup>-25</sup>
CUBN	1.112320	5.17x10 <sup>-12</sup>	3.47x10 <sup>-11</sup>
DEFB4A	-1.529192	3.96x10 <sup>-03</sup>	7.51x10 <sup>-03</sup>
FCGR1A	1.265825	1.36x10 <sup>-20</sup>	1.90x10 <sup>-19</sup>
ADAMTS10	1.313440	6.58x10 <sup>-30</sup>	3.16x10 <sup>-28</sup>
CDON	1.308102	6.95x10 <sup>-11</sup>	4.20x10 <sup>-10</sup>
RORB	2.010212	6.80x10 <sup>-29</sup>	2.78x10 <sup>-27</sup>
CSF3R	1.113921	3.69x10 <sup>-14</sup>	2.90x10 <sup>-13</sup>
GPR68	1.279177	3.88x10 <sup>-32</sup>	2.71x10 <sup>-30</sup>
TRPC1	1.099003	6.51x10 <sup>-20</sup>	8.53x10 <sup>-19</sup>
PRUNE2	2.495990	3.95x10 <sup>-18</sup>	4.39x10 <sup>-17</sup>
DPEP2	1.209659	1.64x10 <sup>-25</sup>	4.09x10 <sup>-24</sup>
SCARA3	1.025095	4.08x10 <sup>-11</sup>	2.52x10 <sup>-10</sup>
CNR1	1.674190	3.88x10 <sup>-15</sup>	3.33x10 <sup>-14</sup>
KRT15	-2.557773	1.70x10 <sup>-09</sup>	9.10x10 <sup>-09</sup>
SLC2A4	2.228113	1.62x10 <sup>-12</sup>	1.13x10 <sup>-11</sup>
NXPH3	1.652987	6.43x10 <sup>-23</sup>	1.14x10 <sup>-21</sup>
LY6G6C	-2.278391	3.85x10 <sup>-06</sup>	1.35x10 <sup>-05</sup>
CD38	1.454478	1.17x10 <sup>-15</sup>	1.06x10 <sup>-14</sup>
RGS4	1.499588	7.91x10 <sup>-25</sup>	1.81x10 <sup>-23</sup>
EDNRA	1.560965	4.10x10 <sup>-36</sup>	6.24x10 <sup>-34</sup>
GLIPR2	1.302697	8.14x10 <sup>-37</sup>	1.51x10 <sup>-34</sup>
RGS5	1.089178	1.41x10 <sup>-16</sup>	1.37x10 <sup>-15</sup>
AR	1.692535	1.83x10 <sup>-23</sup>	3.52x10 <sup>-22</sup>
LPXN	1.095557	3.15x10 <sup>-19</sup>	3.89x10 <sup>-18</sup>
SALL2	1.004831	2.52x10 <sup>-14</sup>	2.02x10 <sup>-13</sup>
CRTAM	1.205956	2.41x10 <sup>-15</sup>	2.12x10 <sup>-14</sup>
KLRD1	1.002362	2.06x10 <sup>-16</sup>	1.99x10 <sup>-15</sup>
FOXP2	1.939567	2.27x10 <sup>-21</sup>	3.42x10 <sup>-20</sup>
NMUR1	1.462256	2.42x10 <sup>-21</sup>	3.62x10 <sup>-20</sup>
TUB	1.089828	1.38x10 <sup>-14</sup>	1.13x10 <sup>-13</sup>
ATP12A	-2.204618	1.10x10 <sup>-02</sup>	1.89x10 <sup>-02</sup>
PCDHGA12	1.712583	6.11x10 <sup>-36</sup>	8.74x10 <sup>-34</sup>
PTCRA	1.030211	7.92x10 <sup>-11</sup>	4.76x10 <sup>-10</sup>
GAB3	1.199483	3.23x10 <sup>-28</sup>	1.20x10 <sup>-26</sup>
C2orf40	3.489109	6.57x10 <sup>-24</sup>	1.36x10 <sup>-22</sup>
HEPPL1	-1.666453	1.70x10 <sup>-03</sup>	3.53x10 <sup>-03</sup>
TBC1D10C	1.177114	3.54x10 <sup>-16</sup>	3.35x10 <sup>-15</sup>
EBF2	1.593694	1.94x10 <sup>-23</sup>	3.69x10 <sup>-22</sup>
SYNE1	1.649505	3.00x10 <sup>-32</sup>	2.13x10 <sup>-30</sup>
ITGBL1	2.384768	1.06x10 <sup>-33</sup>	9.40x10 <sup>-32</sup>
RCAN2	1.763968	6.50x10 <sup>-28</sup>	2.27x10 <sup>-26</sup>
AMBP	-1.139957	1.10x10 <sup>-03</sup>	2.38x10 <sup>-03</sup>
EVC	1.451009	8.37x10 <sup>-29</sup>	3.38x10 <sup>-27</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
SLITRK3	2.005877	2.76x10 <sup>-15</sup>	2.40x10 <sup>-14</sup>
FLI1	1.270768	2.81x10 <sup>-33</sup>	2.31x10 <sup>-31</sup>
TMEM59L	1.697425	3.48x10 <sup>-18</sup>	3.90x10 <sup>-17</sup>
PTGIR	1.238774	2.06x10 <sup>-36</sup>	3.51x10 <sup>-34</sup>
DSEL	1.348956	2.27x10 <sup>-30</sup>	1.18x10 <sup>-28</sup>
PLSCR4	1.121915	2.22x10 <sup>-22</sup>	3.71x10 <sup>-21</sup>
GPR141	1.486682	1.83x10 <sup>-22</sup>	3.08x10 <sup>-21</sup>
ADAM33	2.129979	2.58x10 <sup>-26</sup>	7.26x10 <sup>-25</sup>
FYB1	1.149965	2.42x10 <sup>-22</sup>	4.01x10 <sup>-21</sup>
CD34	1.018322	4.27x10 <sup>-29</sup>	1.79x10 <sup>-27</sup>
ARMCX1	1.010103	9.06x10 <sup>-25</sup>	2.04x10 <sup>-23</sup>
NECAB1	1.906886	3.15x10 <sup>-19</sup>	3.89x10 <sup>-18</sup>
SLC18A2	1.300328	8.33x10 <sup>-08</sup>	3.68x10 <sup>-07</sup>
RAB31	1.461089	2.47x10 <sup>-43</sup>	7.08x10 <sup>-40</sup>
CARD18	-1.104313	2.09x10 <sup>-02</sup>	3.34x10 <sup>-02</sup>
GABRA5	2.052840	1.11x10 <sup>-06</sup>	4.22x10 <sup>-06</sup>
GPBAR1	1.674779	1.55x10 <sup>-25</sup>	3.88x10 <sup>-24</sup>
LDB3	2.941715	7.92x10 <sup>-18</sup>	8.64x10 <sup>-17</sup>
CD3G	1.113098	1.96x10 <sup>-15</sup>	1.73x10 <sup>-14</sup>
BARX1	2.258327	5.55x10 <sup>-27</sup>	1.69x10 <sup>-25</sup>
NPPC	1.239725	3.59x10 <sup>-07</sup>	1.46x10 <sup>-06</sup>
SYNC	2.479735	7.02x10 <sup>-31</sup>	3.99x10 <sup>-29</sup>
MYO1F	1.124425	4.01x10 <sup>-25</sup>	9.51x10 <sup>-24</sup>
BMX	1.166533	1.09x10 <sup>-15</sup>	9.88x10 <sup>-15</sup>
CRYBB1	1.139693	1.91x10 <sup>-23</sup>	3.66x10 <sup>-22</sup>
KIAA1755	1.357578	1.03x10 <sup>-33</sup>	9.27x10 <sup>-32</sup>
SIGLEC7	1.395112	1.41x10 <sup>-23</sup>	2.77x10 <sup>-22</sup>
CHI3L1	1.075410	5.85x10 <sup>-07</sup>	2.31x10 <sup>-06</sup>
PLA2G2E	-1.512558	2.46x10 <sup>-02</sup>	3.88x10 <sup>-02</sup>
C1QC	1.302171	5.58x10 <sup>-23</sup>	1.00x10 <sup>-21</sup>
FGL2	1.896229	9.56x10 <sup>-30</sup>	4.47x10 <sup>-28</sup>
DWORF	-1.652085	2.14x10 <sup>-02</sup>	3.41x10 <sup>-02</sup>
ZDHHC15	1.006224	1.00x10 <sup>-23</sup>	2.02x10 <sup>-22</sup>
CPE	1.602213	9.59x10 <sup>-25</sup>	2.16x10 <sup>-23</sup>
C7	2.841413	1.52x10 <sup>-23</sup>	2.95x10 <sup>-22</sup>
DTX1	1.390534	1.56x10 <sup>-15</sup>	1.39x10 <sup>-14</sup>
FGR	1.004376	6.15x10 <sup>-23</sup>	1.10x10 <sup>-21</sup>
CXorf21	1.296904	5.36x10 <sup>-27</sup>	1.64x10 <sup>-25</sup>
SERPINB11	-5.196722	8.27x10 <sup>-04</sup>	1.84x10 <sup>-03</sup>
CD80	1.041265	2.42x10 <sup>-13</sup>	1.79x10 <sup>-12</sup>
PLCL1	1.166458	3.00x10 <sup>-27</sup>	9.56x10 <sup>-26</sup>
ZBTB47	1.009321	1.68x10 <sup>-21</sup>	2.56x10 <sup>-20</sup>
ABCD2	1.467647	3.42x10 <sup>-21</sup>	5.06x10 <sup>-20</sup>
CFH	1.315563	8.19x10 <sup>-27</sup>	2.44x10 <sup>-25</sup>
LTBP1	1.564057	3.45x10 <sup>-31</sup>	2.03x10 <sup>-29</sup>
PI16	2.954770	5.01x10 <sup>-23</sup>	9.08x10 <sup>-22</sup>
REEP1	1.081998	2.80x10 <sup>-07</sup>	1.15x10 <sup>-06</sup>
TAC1	3.355896	2.78x10 <sup>-11</sup>	1.74x10 <sup>-10</sup>
TMEM156	1.111835	1.79x10 <sup>-13</sup>	1.34x10 <sup>-12</sup>
HLA-DQA1	1.428567	5.85x10 <sup>-22</sup>	9.33x10 <sup>-21</sup>
PPP2R2B	1.068838	4.03x10 <sup>-22</sup>	6.54x10 <sup>-21</sup>
KLK14	-1.468877	2.95x10 <sup>-03</sup>	5.78x10 <sup>-03</sup>
IL18BP	1.065995	1.18x10 <sup>-22</sup>	2.03x10 <sup>-21</sup>
FRRS1L	2.773826	9.92x10 <sup>-17</sup>	9.86x10 <sup>-16</sup>
DCSTAMP	1.078908	6.83x10 <sup>-13</sup>	4.88x10 <sup>-12</sup>
CYSLTR2	1.413632	5.23x10 <sup>-23</sup>	9.45x10 <sup>-22</sup>
TRIM29	-1.029898	2.55x10 <sup>-02</sup>	4.01x10 <sup>-02</sup>
MEF2C	1.424959	3.62x10 <sup>-36</sup>	5.58x10 <sup>-34</sup>
GIMAP4	1.201283	1.66x10 <sup>-31</sup>	1.04x10 <sup>-29</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
GZMM	1.167806	1.28x10 <sup>-15</sup>	1.15x10 <sup>-14</sup>
EVL	1.052585	1.45x10 <sup>-25</sup>	3.64x10 <sup>-24</sup>
DOCK8	1.028555	5.90x10 <sup>-18</sup>	6.49x10 <sup>-17</sup>
MRC1	1.386236	5.86x10 <sup>-21</sup>	8.48x10 <sup>-20</sup>
FCAR	1.017220	5.93x10 <sup>-08</sup>	2.67x10 <sup>-07</sup>
EFEMP1	2.074274	7.47x10 <sup>-35</sup>	8.55x10 <sup>-33</sup>
CFD	1.338421	1.02x10 <sup>-12</sup>	7.21x10 <sup>-12</sup>
SYT11	1.293738	2.86x10 <sup>-34</sup>	2.91x10 <sup>-32</sup>
FGF14	1.269084	1.54x10 <sup>-26</sup>	4.45x10 <sup>-25</sup>
PLP1	2.747611	4.72x10 <sup>-26</sup>	1.26x10 <sup>-24</sup>
HLA-DOB	1.024852	3.61x10 <sup>-10</sup>	2.05x10 <sup>-09</sup>
TLR8	1.585790	1.26x10 <sup>-19</sup>	1.60x10 <sup>-18</sup>
FCGR3A	1.341681	8.62x10 <sup>-20</sup>	1.12x10 <sup>-18</sup>
NCKAP1L	1.403235	2.71x10 <sup>-26</sup>	7.56x10 <sup>-25</sup>
C3	1.267598	1.40x10 <sup>-20</sup>	1.95x10 <sup>-19</sup>
SLAMF1	1.111299	8.98x10 <sup>-20</sup>	1.16x10 <sup>-18</sup>
SLC7A2	1.162722	2.36x10 <sup>-04</sup>	5.91x10 <sup>-04</sup>
CERCAM	1.112152	2.12x10 <sup>-24</sup>	4.56x10 <sup>-23</sup>
LGALS7	-3.417302	1.58x10 <sup>-03</sup>	3.30x10 <sup>-03</sup>
ATP6V1G2	1.114180	4.02x10 <sup>-16</sup>	3.79x10 <sup>-15</sup>
ZNF385D	1.738279	1.56x10 <sup>-26</sup>	4.49x10 <sup>-25</sup>
ZFPM2	1.532478	5.96x10 <sup>-27</sup>	1.80x10 <sup>-25</sup>
CD22	1.492351	2.05x10 <sup>-17</sup>	2.15x10 <sup>-16</sup>
SFMBT2	1.193471	5.11x10 <sup>-27</sup>	1.57x10 <sup>-25</sup>
IGFBP6	1.293187	1.70x10 <sup>-22</sup>	2.87x10 <sup>-21</sup>
GLT8D2	1.656058	8.38x10 <sup>-43</sup>	1.33x10 <sup>-39</sup>
BHMT2	2.101672	7.97x10 <sup>-28</sup>	2.75x10 <sup>-26</sup>
NLRC3	1.088906	4.81x10 <sup>-16</sup>	4.48x10 <sup>-15</sup>
ANKRD55	1.324393	1.01x10 <sup>-16</sup>	1.00x10 <sup>-15</sup>
CLEC6A	1.052990	4.46x10 <sup>-07</sup>	1.79x10 <sup>-06</sup>
HIC1	1.447729	1.16x10 <sup>-32</sup>	8.69x10 <sup>-31</sup>
CXorf36	1.129062	1.38x10 <sup>-28</sup>	5.38x10 <sup>-27</sup>
POPDC2	2.339886	4.32x10 <sup>-29</sup>	1.81x10 <sup>-27</sup>
PLD4	1.514784	1.28x10 <sup>-20</sup>	1.80x10 <sup>-19</sup>
FAM181B	1.061706	2.45x10 <sup>-11</sup>	1.55x10 <sup>-10</sup>
PCSK1	1.473396	2.00x10 <sup>-09</sup>	1.06x10 <sup>-08</sup>
CRISPLD2	1.496819	7.39x10 <sup>-37</sup>	1.39x10 <sup>-34</sup>
TNFAIP8L3	1.317477	4.18x10 <sup>-20</sup>	5.55x10 <sup>-19</sup>
MKX	1.616670	1.81x10 <sup>-19</sup>	2.26x10 <sup>-18</sup>
COL19A1	2.078315	4.09x10 <sup>-16</sup>	3.85x10 <sup>-15</sup>
CEBPE	1.500354	9.95x10 <sup>-18</sup>	1.07x10 <sup>-16</sup>
HAMP	1.270014	7.59x10 <sup>-15</sup>	6.40x10 <sup>-14</sup>
IGFALS	-1.853382	1.61x10 <sup>-02</sup>	2.65x10 <sup>-02</sup>
GJA5	1.088190	1.09x10 <sup>-26</sup>	3.19x10 <sup>-25</sup>
MOXD1	1.205702	9.53x10 <sup>-33</sup>	7.18x10 <sup>-31</sup>
KLHL41	1.520315	2.41x10 <sup>-09</sup>	1.27x10 <sup>-08</sup>
MRVI1	2.069476	2.37x10 <sup>-34</sup>	2.48x10 <sup>-32</sup>
PNMA8B	1.060664	1.84x10 <sup>-25</sup>	4.56x10 <sup>-24</sup>
CMA1	2.349781	9.65x10 <sup>-19</sup>	1.13x10 <sup>-17</sup>
HS3ST6	-3.245575	3.05x10 <sup>-02</sup>	4.68x10 <sup>-02</sup>
FOXN1	-1.868659	1.37x10 <sup>-04</sup>	3.59x10 <sup>-04</sup>
MEIS1	1.087810	2.50x10 <sup>-17</sup>	2.61x10 <sup>-16</sup>
LRRTM1	1.158726	4.60x10 <sup>-12</sup>	3.10x10 <sup>-11</sup>
LDLRAD4	1.019820	4.03x10 <sup>-19</sup>	4.91x10 <sup>-18</sup>
KCNJ8	1.132254	4.71x10 <sup>-36</sup>	7.01x10 <sup>-34</sup>
ALOX5AP	1.337037	1.86x10 <sup>-24</sup>	4.04x10 <sup>-23</sup>
DPYSL3	2.009739	2.37x10 <sup>-34</sup>	2.48x10 <sup>-32</sup>
PLPP7	1.471835	2.31x10 <sup>-33</sup>	1.93x10 <sup>-31</sup>
FAM129C	1.427680	9.02x10 <sup>-11</sup>	5.40x10 <sup>-10</sup>



Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
CPED1	2.183643	4.47x10 <sup>-30</sup>	2.21x10 <sup>-28</sup>
CYTL1	1.292225	3.45x10 <sup>-18</sup>	3.86x10 <sup>-17</sup>
AFF3	1.464460	1.48x10 <sup>-14</sup>	1.21x10 <sup>-13</sup>
CNKSR2	2.578031	1.42x10 <sup>-23</sup>	2.79x10 <sup>-22</sup>
SH3RF3	1.079751	5.69x10 <sup>-26</sup>	1.51x10 <sup>-24</sup>
CD52	1.333858	2.44x10 <sup>-20</sup>	3.31x10 <sup>-19</sup>
HTR7	1.359304	3.91x10 <sup>-21</sup>	5.75x10 <sup>-20</sup>
SEPT4	1.137242	1.62x10 <sup>-33</sup>	1.40x10 <sup>-31</sup>
RASGRP4	1.144727	7.87x10 <sup>-26</sup>	2.05x10 <sup>-24</sup>
DPT	2.355768	1.29x10 <sup>-29</sup>	5.93x10 <sup>-28</sup>
BMP8A	1.034540	1.46x10 <sup>-16</sup>	1.42x10 <sup>-15</sup>
GYPE	1.163861	2.53x10 <sup>-15</sup>	2.21x10 <sup>-14</sup>
C1orf162	1.317634	7.45x10 <sup>-30</sup>	3.56x10 <sup>-28</sup>
MYOZ3	1.001983	1.45x10 <sup>-10</sup>	8.53x10 <sup>-10</sup>
GRIN2A	1.024574	4.78x10 <sup>-10</sup>	2.70x10 <sup>-09</sup>
MYL9	2.492698	5.50x10 <sup>-32</sup>	3.70x10 <sup>-30</sup>
TNFRSF13C	1.377207	5.11x10 <sup>-06</sup>	1.75x10 <sup>-05</sup>
SRPX	2.008852	3.94x10 <sup>-27</sup>	1.23x10 <sup>-25</sup>
FHL5	1.379267	1.46x10 <sup>-22</sup>	2.50x10 <sup>-21</sup>
FAM107A	1.608264	9.28x10 <sup>-23</sup>	1.62x10 <sup>-21</sup>
GLI3	1.896172	7.83x10 <sup>-40</sup>	4.00x10 <sup>-37</sup>
ELF5	-1.012996	1.25x10 <sup>-02</sup>	2.11x10 <sup>-02</sup>
RIC3	1.073652	1.18x10 <sup>-13</sup>	8.89x10 <sup>-13</sup>
ISM1	2.147814	6.16x10 <sup>-29</sup>	2.54x10 <sup>-27</sup>
ITGA1	1.210903	4.36x10 <sup>-26</sup>	1.17x10 <sup>-24</sup>
MUC5AC	-1.828147	1.63x10 <sup>-02</sup>	2.67x10 <sup>-02</sup>
LAPTM5	1.357353	2.33x10 <sup>-26</sup>	6.59x10 <sup>-25</sup>
CD86	1.293336	2.98x10 <sup>-25</sup>	7.25x10 <sup>-24</sup>
DOK2	1.125727	1.31x10 <sup>-22</sup>	2.25x10 <sup>-21</sup>
CD69	1.308394	5.79x10 <sup>-22</sup>	9.26x10 <sup>-21</sup>
MFAP4	2.133299	1.08x10 <sup>-31</sup>	6.93x10 <sup>-30</sup>
SCARA5	1.442484	2.20x10 <sup>-10</sup>	1.27x10 <sup>-09</sup>
FBN1	1.890723	1.91x10 <sup>-41</sup>	1.24x10 <sup>-38</sup>
PRKCB	1.718140	3.11x10 <sup>-26</sup>	8.63x10 <sup>-25</sup>
SLAMF8	1.280885	5.64x10 <sup>-23</sup>	1.01x10 <sup>-21</sup>
TUBA1A	1.435250	1.06x10 <sup>-35</sup>	1.48x10 <sup>-33</sup>
MADCAM1	1.197055	4.15x10 <sup>-04</sup>	9.86x10 <sup>-04</sup>
TNN	2.363399	2.01x10 <sup>-20</sup>	2.75x10 <sup>-19</sup>
AKT3	1.465881	2.83x10 <sup>-34</sup>	2.89x10 <sup>-32</sup>
IL17B	1.066198	1.59x10 <sup>-17</sup>	1.69x10 <sup>-16</sup>
VCX	-2.454758	1.06x10 <sup>-02</sup>	1.83x10 <sup>-02</sup>
TMPRSS11E	-3.227057	2.92x10 <sup>-02</sup>	4.50x10 <sup>-02</sup>
PLIN1	1.901993	1.06x10 <sup>-02</sup>	1.82x10 <sup>-02</sup>
MAP1LC3C	1.140006	7.23x10 <sup>-13</sup>	5.16x10 <sup>-12</sup>
CAVIN1	1.494746	2.93x10 <sup>-33</sup>	2.39x10 <sup>-31</sup>
CDC42EP3	1.130972	3.89x10 <sup>-20</sup>	5.19x10 <sup>-19</sup>
PRSS2	-1.848949	6.51x10 <sup>-03</sup>	1.18x10 <sup>-02</sup>
FCRL4	1.155701	1.90x10 <sup>-08</sup>	9.09x10 <sup>-08</sup>
PRKAR2B	1.427576	1.81x10 <sup>-21</sup>	2.74x10 <sup>-20</sup>
LILRB4	1.347458	1.07x10 <sup>-23</sup>	2.14x10 <sup>-22</sup>
STAP1	1.370023	1.16x10 <sup>-15</sup>	1.05x10 <sup>-14</sup>
C1R	1.617882	4.79x10 <sup>-46</sup>	3.43x10 <sup>-42</sup>
WISP2	1.911671	5.51x10 <sup>-17</sup>	5.58x10 <sup>-16</sup>
TSPAN2	1.621347	8.76x10 <sup>-25</sup>	1.98x10 <sup>-23</sup>
CD19	1.346917	1.22x10 <sup>-09</sup>	6.63x10 <sup>-09</sup>
REEP2	1.219217	4.36x10 <sup>-16</sup>	4.08x10 <sup>-15</sup>
ECSCR	1.021182	3.67x10 <sup>-27</sup>	1.16x10 <sup>-25</sup>
EBF3	1.268724	3.92x10 <sup>-28</sup>	1.43x10 <sup>-26</sup>
PARVG	1.128499	3.53x10 <sup>-25</sup>	8.49x10 <sup>-24</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
CH25H	1.293840	2.66x10 <sup>-22</sup>	4.38x10 <sup>-21</sup>
ZNF135	1.468222	1.89x10 <sup>-29</sup>	8.38x10 <sup>-28</sup>
ADAMTS8	2.504390	1.29x10 <sup>-20</sup>	1.81x10 <sup>-19</sup>
WNT2	1.254787	4.02x10 <sup>-13</sup>	2.93x10 <sup>-12</sup>
PODN	2.203197	4.48x10 <sup>-37</sup>	9.28x10 <sup>-35</sup>
RBM24	1.568116	2.07x10 <sup>-17</sup>	2.17x10 <sup>-16</sup>
GALNT17	1.033357	1.24x10 <sup>-17</sup>	1.32x10 <sup>-16</sup>
AQP12B	-2.556999	6.75x10 <sup>-03</sup>	1.22x10 <sup>-02</sup>
COL14A1	2.647041	3.82x10 <sup>-39</sup>	1.52x10 <sup>-36</sup>
IL2RA	1.145927	3.04x10 <sup>-17</sup>	3.14x10 <sup>-16</sup>
NLGN4Y	1.225058	4.84x10 <sup>-05</sup>	1.39x10 <sup>-04</sup>
FAM49A	1.460741	1.77x10 <sup>-34</sup>	1.89x10 <sup>-32</sup>
RASSF8	1.295284	1.11x10 <sup>-24</sup>	2.48x10 <sup>-23</sup>
CXCL10	1.439645	1.66x10 <sup>-08</sup>	8.02x10 <sup>-08</sup>
CST2	1.217390	2.79x10 <sup>-19</sup>	3.46x10 <sup>-18</sup>
KCNA5	2.289321	1.37x10 <sup>-25</sup>	3.45x10 <sup>-24</sup>
VGLL3	1.974793	5.55x10 <sup>-36</sup>	8.19x10 <sup>-34</sup>
S100A2	-1.753335	1.75x10 <sup>-03</sup>	3.62x10 <sup>-03</sup>
PCBP3	1.045211	1.04x10 <sup>-20</sup>	1.47x10 <sup>-19</sup>
PDZRN3	1.110842	1.63x10 <sup>-15</sup>	1.45x10 <sup>-14</sup>
TH	-1.114828	1.87x10 <sup>-03</sup>	3.84x10 <sup>-03</sup>
TIGIT	1.030645	6.23x10 <sup>-15</sup>	5.28x10 <sup>-14</sup>
CD36	1.424868	9.12x10 <sup>-22</sup>	1.42x10 <sup>-20</sup>
NHSL2	2.151371	1.05x10 <sup>-34</sup>	1.16x10 <sup>-32</sup>
POU6F1	1.072338	1.25x10 <sup>-23</sup>	2.48x10 <sup>-22</sup>
ADA2	1.235983	8.02x10 <sup>-24</sup>	1.63x10 <sup>-22</sup>
ADH1B	2.643526	2.17x10 <sup>-19</sup>	2.71x10 <sup>-18</sup>
ARHGAP9	1.131488	8.76x10 <sup>-21</sup>	1.25x10 <sup>-19</sup>
TIMD4	1.415867	1.89x10 <sup>-13</sup>	1.41x10 <sup>-12</sup>
NLGN1	1.300093	9.02x10 <sup>-15</sup>	7.54x10 <sup>-14</sup>
ZBTB16	1.887269	5.36x10 <sup>-18</sup>	5.92x10 <sup>-17</sup>
BCL2A1	1.008804	2.21x10 <sup>-12</sup>	1.52x10 <sup>-11</sup>
SAMD3	1.140252	1.61x10 <sup>-18</sup>	1.86x10 <sup>-17</sup>
GIMAP7	1.283027	1.93x10 <sup>-27</sup>	6.29x10 <sup>-26</sup>
DYNAP	-3.149262	1.77x10 <sup>-02</sup>	2.88x10 <sup>-02</sup>
TSPAN4	1.007582	7.00x10 <sup>-30</sup>	3.35x10 <sup>-28</sup>
CAVIN2	1.267032	2.69x10 <sup>-21</sup>	4.01x10 <sup>-20</sup>
F2R	1.166581	1.35x10 <sup>-29</sup>	6.15x10 <sup>-28</sup>
CCL2	1.264947	2.26x10 <sup>-25</sup>	5.55x10 <sup>-24</sup>
TM4SF4	-1.090379	1.18x10 <sup>-02</sup>	2.00x10 <sup>-02</sup>
FSTL1	1.546444	7.78x10 <sup>-43</sup>	1.33x10 <sup>-39</sup>
TYROBP	1.295605	2.61x10 <sup>-26</sup>	7.33x10 <sup>-25</sup>
MSR1	1.429623	1.17x10 <sup>-26</sup>	3.41x10 <sup>-25</sup>
GPM6A	2.014383	1.05x10 <sup>-17</sup>	1.13x10 <sup>-16</sup>
ANGPTL1	3.204576	4.45x10 <sup>-31</sup>	2.59x10 <sup>-29</sup>
PCDH10	3.159226	2.62x10 <sup>-23</sup>	4.92x10 <sup>-22</sup>
SHISAL2A	1.496403	1.90x10 <sup>-18</sup>	2.18x10 <sup>-17</sup>
FBLN1	1.773847	3.15x10 <sup>-26</sup>	8.71x10 <sup>-25</sup>
WAS	1.350884	4.15x10 <sup>-25</sup>	9.81x10 <sup>-24</sup>
SYPL2	1.072585	5.11x10 <sup>-17</sup>	5.20x10 <sup>-16</sup>
SDS	1.036028	1.61x10 <sup>-14</sup>	1.31x10 <sup>-13</sup>
PPP1R16B	1.246372	2.46x10 <sup>-19</sup>	3.06x10 <sup>-18</sup>
PIK3R5	1.263724	1.62x10 <sup>-25</sup>	4.06x10 <sup>-24</sup>
DLX3	-1.991699	4.42x10 <sup>-04</sup>	1.04x10 <sup>-03</sup>
KLRG2	-1.446892	8.24x10 <sup>-04</sup>	1.83x10 <sup>-03</sup>
TSHZ3	1.210190	1.07x10 <sup>-42</sup>	1.39x10 <sup>-39</sup>
RARRES2	1.115305	2.25x10 <sup>-29</sup>	9.78x10 <sup>-28</sup>
CD248	1.141432	1.72x10 <sup>-24</sup>	3.77x10 <sup>-23</sup>
ABCC9	2.345205	2.33x10 <sup>-36</sup>	3.84x10 <sup>-34</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
P2RY13	1.341507	2.27x10 <sup>-20</sup>	3.10x10 <sup>-19</sup>
CASS4	1.168616	2.22x10 <sup>-22</sup>	3.71x10 <sup>-21</sup>
IL7R	1.394573	2.09x10 <sup>-20</sup>	2.86x10 <sup>-19</sup>
BMP3	1.739340	3.80x10 <sup>-09</sup>	1.97x10 <sup>-08</sup>
NALCN	1.146017	1.79x10 <sup>-23</sup>	3.44x10 <sup>-22</sup>
ITIH3	1.640523	1.66x10 <sup>-22</sup>	2.83x10 <sup>-21</sup>
MAGEA11	-1.196746	1.92x10 <sup>-03</sup>	3.93x10 <sup>-03</sup>
CERS3	-2.770832	7.88x10 <sup>-03</sup>	1.40x10 <sup>-02</sup>
BBOX1	-1.143940	3.48x10 <sup>-03</sup>	6.71x10 <sup>-03</sup>
CAMK4	1.231888	5.65x10 <sup>-20</sup>	7.46x10 <sup>-19</sup>
LILRA1	1.438063	1.22x10 <sup>-26</sup>	3.57x10 <sup>-25</sup>
MYBPH	3.743286	5.50x10 <sup>-06</sup>	1.87x10 <sup>-05</sup>
ATP8B4	1.201169	1.29x10 <sup>-25</sup>	3.28x10 <sup>-24</sup>
CSAG3	-1.277077	2.08x10 <sup>-02</sup>	3.33x10 <sup>-02</sup>
IL16	1.368911	5.96x10 <sup>-26</sup>	1.57x10 <sup>-24</sup>
VPREB3	2.119342	3.29x10 <sup>-11</sup>	2.05x10 <sup>-10</sup>
BMP7	-1.270197	7.43x10 <sup>-06</sup>	2.48x10 <sup>-05</sup>
GPR17	1.374636	6.68x10 <sup>-12</sup>	4.44x10 <sup>-11</sup>
ASB5	3.542708	3.68x10 <sup>-15</sup>	3.17x10 <sup>-14</sup>
CLEC14A	1.032744	2.55x10 <sup>-26</sup>	7.19x10 <sup>-25</sup>
ITGA7	1.684082	5.93x10 <sup>-17</sup>	6.00x10 <sup>-16</sup>
LPAR4	1.306992	1.65x10 <sup>-24</sup>	3.62x10 <sup>-23</sup>
ITLN2	-1.722284	2.77x10 <sup>-02</sup>	4.30x10 <sup>-02</sup>
MAB21L3	-1.681211	2.16x10 <sup>-02</sup>	3.45x10 <sup>-02</sup>
MARCO	1.374865	5.27x10 <sup>-07</sup>	2.09x10 <sup>-06</sup>
SCHIP1	1.298376	1.86x10 <sup>-18</sup>	2.14x10 <sup>-17</sup>
LYVE1	1.698176	3.91x10 <sup>-21</sup>	5.75x10 <sup>-20</sup>
SRPX2	1.122099	4.10x10 <sup>-25</sup>	9.71x10 <sup>-24</sup>
TLR1	1.265952	5.06x10 <sup>-23</sup>	9.16x10 <sup>-22</sup>
TGFB1I1	1.587276	3.96x10 <sup>-31</sup>	2.32x10 <sup>-29</sup>
RERG	1.857838	6.09x10 <sup>-23</sup>	1.09x10 <sup>-21</sup>
ANKS1B	1.338916	3.52x10 <sup>-11</sup>	2.18x10 <sup>-10</sup>
ANXA6	1.254169	5.16x10 <sup>-32</sup>	3.50x10 <sup>-30</sup>
AL645941.2	1.162323	1.66x10 <sup>-09</sup>	8.90x10 <sup>-09</sup>
GUCY1B1	1.650476	3.30x10 <sup>-43</sup>	7.86x10 <sup>-40</sup>
TMPRSS11F	-2.437639	1.84x10 <sup>-03</sup>	3.78x10 <sup>-03</sup>
KLHL6	1.274897	6.10x10 <sup>-22</sup>	9.72x10 <sup>-21</sup>
GZMK	1.803858	1.94x10 <sup>-21</sup>	2.95x10 <sup>-20</sup>
TMEM213	-2.003639	6.12x10 <sup>-03</sup>	1.12x10 <sup>-02</sup>
CCR8	1.343190	6.61x10 <sup>-19</sup>	7.92x10 <sup>-18</sup>
NPTX1	1.047343	6.55x10 <sup>-14</sup>	5.04x10 <sup>-13</sup>
NPAS4	1.739868	5.57x10 <sup>-13</sup>	4.02x10 <sup>-12</sup>
SPARC	1.406784	5.09x10 <sup>-34</sup>	4.85x10 <sup>-32</sup>
GPR142	1.323858	3.04x10 <sup>-06</sup>	1.08x10 <sup>-05</sup>
CAND2	1.286597	5.57x10 <sup>-15</sup>	4.74x10 <sup>-14</sup>
FILIP1L	1.479419	2.82x10 <sup>-35</sup>	3.67x10 <sup>-33</sup>
OR51E2	1.043282	1.04x10 <sup>-11</sup>	6.77x10 <sup>-11</sup>
RSPO2	1.871029	9.89x10 <sup>-18</sup>	1.07x10 <sup>-16</sup>
BCL6B	1.020535	4.43x10 <sup>-27</sup>	1.38x10 <sup>-25</sup>
ADCY2	1.127983	6.02x10 <sup>-23</sup>	1.08x10 <sup>-21</sup>
CPXM2	2.471286	3.06x10 <sup>-35</sup>	3.91x10 <sup>-33</sup>
TWIST2	1.874971	1.43x10 <sup>-33</sup>	1.26x10 <sup>-31</sup>
CLEC9A	1.316200	9.84x10 <sup>-18</sup>	1.06x10 <sup>-16</sup>
TREM1	1.027282	6.66x10 <sup>-07</sup>	2.61x10 <sup>-06</sup>
SHISA3	2.611626	1.88x10 <sup>-24</sup>	4.08x10 <sup>-23</sup>
ASCL5	-1.273980	6.06x10 <sup>-04</sup>	1.39x10 <sup>-03</sup>
FNBP1	1.374727	2.46x10 <sup>-23</sup>	4.65x10 <sup>-22</sup>
TNS2	1.155708	3.53x10 <sup>-23</sup>	6.55x10 <sup>-22</sup>
HTRA3	1.401949	1.53x10 <sup>-29</sup>	6.85x10 <sup>-28</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
DHH	1.516379	3.12x10 <sup>-25</sup>	7.56x10 <sup>-24</sup>
SNAP91	1.533689	9.44x10 <sup>-12</sup>	6.16x10 <sup>-11</sup>
HCLS1	1.231454	2.46x10 <sup>-26</sup>	6.96x10 <sup>-25</sup>
GLI2	1.182133	2.26x10 <sup>-23</sup>	4.27x10 <sup>-22</sup>
RNF150	2.348455	2.74x10 <sup>-30</sup>	1.41x10 <sup>-28</sup>
MGARP	1.326281	2.04x10 <sup>-11</sup>	1.30x10 <sup>-10</sup>
DUSP26	1.118070	1.39x10 <sup>-17</sup>	1.48x10 <sup>-16</sup>
NNMT	1.351347	1.92x10 <sup>-33</sup>	1.61x10 <sup>-31</sup>
HGF	1.405670	1.54x10 <sup>-22</sup>	2.63x10 <sup>-21</sup>
CORO1A	1.247851	1.49x10 <sup>-19</sup>	1.88x10 <sup>-18</sup>
MN1	1.234890	1.30x10 <sup>-21</sup>	2.01x10 <sup>-20</sup>
TMEM200B	1.027177	5.32x10 <sup>-25</sup>	1.24x10 <sup>-23</sup>
CAP2	1.471668	8.06x10 <sup>-15</sup>	6.79x10 <sup>-14</sup>
SLITRK4	1.048260	2.37x10 <sup>-18</sup>	2.69x10 <sup>-17</sup>
AQP9	1.198221	4.06x10 <sup>-06</sup>	1.41x10 <sup>-05</sup>
CD72	1.051358	2.13x10 <sup>-18</sup>	2.43x10 <sup>-17</sup>
GPR171	1.112869	1.53x10 <sup>-15</sup>	1.37x10 <sup>-14</sup>
FGFBP1	-1.380626	5.99x10 <sup>-05</sup>	1.68x10 <sup>-04</sup>
AQP12A	-3.369983	2.38x10 <sup>-02</sup>	3.76x10 <sup>-02</sup>
TAGAP	1.333091	2.23x10 <sup>-23</sup>	4.23x10 <sup>-22</sup>
SCN1B	1.077685	8.33x10 <sup>-26</sup>	2.16x10 <sup>-24</sup>
MTNR1A	-1.269631	3.90x10 <sup>-06</sup>	1.36x10 <sup>-05</sup>
CRCT1	-3.929140	4.51x10 <sup>-04</sup>	1.06x10 <sup>-03</sup>
APOBEC3H	1.158623	2.69x10 <sup>-17</sup>	2.80x10 <sup>-16</sup>
SIRPB2	1.406913	1.02x10 <sup>-27</sup>	3.46x10 <sup>-26</sup>
CNTN4	1.439564	1.48x10 <sup>-22</sup>	2.52x10 <sup>-21</sup>
CCDC80	2.627040	2.64x10 <sup>-41</sup>	1.65x10 <sup>-38</sup>
DGKI	1.662496	2.25x10 <sup>-27</sup>	7.30x10 <sup>-26</sup>
CD40LG	1.196764	1.07x10 <sup>-16</sup>	1.05x10 <sup>-15</sup>
P2RY8	1.773133	5.64x10 <sup>-23</sup>	1.01x10 <sup>-21</sup>
MS4A6A	1.458033	2.45x10 <sup>-29</sup>	1.06x10 <sup>-27</sup>
LAIR1	1.335547	1.35x10 <sup>-29</sup>	6.15x10 <sup>-28</sup>
UGT1A8	-1.030006	2.67x10 <sup>-02</sup>	4.18x10 <sup>-02</sup>
GPR84	1.134835	1.70x10 <sup>-13</sup>	1.27x10 <sup>-12</sup>
AOAH	1.415181	9.12x10 <sup>-22</sup>	1.42x10 <sup>-20</sup>
NFAM1	1.051423	3.51x10 <sup>-20</sup>	4.71x10 <sup>-19</sup>
LTA	1.222680	2.23x10 <sup>-17</sup>	2.34x10 <sup>-16</sup>
PNCK	1.890347	1.82x10 <sup>-06</sup>	6.69x10 <sup>-06</sup>
BPIFB2	-4.622922	2.20x10 <sup>-02</sup>	3.50x10 <sup>-02</sup>
SELPLG	1.070609	1.10x10 <sup>-21</sup>	1.71x10 <sup>-20</sup>
MMP19	1.277906	9.13x10 <sup>-34</sup>	8.33x10 <sup>-32</sup>
TMEM255A	1.579490	1.97x10 <sup>-25</sup>	4.87x10 <sup>-24</sup>
CORO2B	1.402994	2.22x10 <sup>-20</sup>	3.04x10 <sup>-19</sup>
FCGR2A	1.197277	2.64x10 <sup>-26</sup>	7.40x10 <sup>-25</sup>
SEZ6L	1.104522	9.26x10 <sup>-17</sup>	9.23x10 <sup>-16</sup>
PLAC9	1.073264	1.32x10 <sup>-16</sup>	1.29x10 <sup>-15</sup>
LILRA2	1.419970	6.70x10 <sup>-21</sup>	9.64x10 <sup>-20</sup>
CPA3	1.453829	1.58x10 <sup>-16</sup>	1.54x10 <sup>-15</sup>
SLC2A5	1.003801	6.61x10 <sup>-18</sup>	7.25x10 <sup>-17</sup>
NPY1R	1.592831	6.34x10 <sup>-08</sup>	2.84x10 <sup>-07</sup>
PMP22	1.102828	3.85x10 <sup>-35</sup>	4.79x10 <sup>-33</sup>
C8orf48	1.268745	1.21x10 <sup>-31</sup>	7.68x10 <sup>-30</sup>
INSYN1	1.262264	3.81x10 <sup>-23</sup>	7.05x10 <sup>-22</sup>
TNFSF4	1.240108	4.03x10 <sup>-24</sup>	8.44x10 <sup>-23</sup>
FAM19A5	1.143974	9.61x10 <sup>-21</sup>	1.36x10 <sup>-19</sup>
PDE5A	1.038721	2.34x10 <sup>-16</sup>	2.24x10 <sup>-15</sup>
MMP23B	1.339098	1.80x10 <sup>-20</sup>	2.47x10 <sup>-19</sup>
HAVCR2	1.236279	1.14x10 <sup>-23</sup>	2.28x10 <sup>-22</sup>
FGF10	2.668021	3.04x10 <sup>-26</sup>	8.46x10 <sup>-25</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
RGS13	2.180419	9.48x10 <sup>-11</sup>	5.66x10 <sup>-10</sup>
SCN4B	1.751699	9.34x10 <sup>-20</sup>	1.21x10 <sup>-18</sup>
ARMH4	1.027168	1.79x10 <sup>-23</sup>	3.44x10 <sup>-22</sup>
FAM124B	1.404043	7.58x10 <sup>-31</sup>	4.27x10 <sup>-29</sup>
EFNA3	-1.027187	1.24x10 <sup>-09</sup>	6.70x10 <sup>-09</sup>
GSDMB	-1.026628	6.55x10 <sup>-03</sup>	1.19x10 <sup>-02</sup>
PDE1C	1.087839	5.87x10 <sup>-10</sup>	3.28x10 <sup>-09</sup>
CCL4	1.141843	6.41x10 <sup>-16</sup>	5.92x10 <sup>-15</sup>
RECK	1.533455	1.22x10 <sup>-37</sup>	2.91x10 <sup>-35</sup>
TCTEX1D1	1.210436	2.46x10 <sup>-24</sup>	5.26x10 <sup>-23</sup>
JAML	1.145820	3.66x10 <sup>-20</sup>	4.90x10 <sup>-19</sup>
PGM5	2.866895	5.51x10 <sup>-25</sup>	1.29x10 <sup>-23</sup>
LMOD1	2.858750	5.49x10 <sup>-28</sup>	1.95x10 <sup>-26</sup>
MILR1	1.306134	6.52x10 <sup>-33</sup>	5.13x10 <sup>-31</sup>
LEP	1.229365	1.69x10 <sup>-04</sup>	4.35x10 <sup>-04</sup>
RASL12	1.301872	1.63x10 <sup>-29</sup>	7.27x10 <sup>-28</sup>
PECAM1	1.134121	4.14x10 <sup>-32</sup>	2.85x10 <sup>-30</sup>
CD300C	1.168015	1.90x10 <sup>-18</sup>	2.18x10 <sup>-17</sup>
SULF1	1.552024	2.00x10 <sup>-30</sup>	1.05x10 <sup>-28</sup>
EVI2A	1.283108	9.31x10 <sup>-28</sup>	3.18x10 <sup>-26</sup>
IRS4	1.924362	7.25x10 <sup>-03</sup>	1.30x10 <sup>-02</sup>
MRC2	1.361074	4.09x10 <sup>-32</sup>	2.83x10 <sup>-30</sup>
SASH3	1.345846	3.26x10 <sup>-22</sup>	5.32x10 <sup>-21</sup>
RNF225	-2.339839	3.33x10 <sup>-03</sup>	6.44x10 <sup>-03</sup>
FPR2	1.195763	4.21x10 <sup>-07</sup>	1.69x10 <sup>-06</sup>
PVALB	1.339192	1.81x10 <sup>-12</sup>	1.25x10 <sup>-11</sup>
PTH1R	1.225772	4.31x10 <sup>-19</sup>	5.26x10 <sup>-18</sup>
SFRP1	2.905923	1.40x10 <sup>-28</sup>	5.43x10 <sup>-27</sup>
CEACAM21	1.078707	5.26x10 <sup>-22</sup>	8.42x10 <sup>-21</sup>
PLEKHO2	1.050795	1.18x10 <sup>-37</sup>	2.87x10 <sup>-35</sup>
LTBP2	1.441706	1.08x10 <sup>-31</sup>	6.93x10 <sup>-30</sup>
CCL18	1.353741	5.03x10 <sup>-08</sup>	2.28x10 <sup>-07</sup>
MS4A7	1.502709	1.34x10 <sup>-29</sup>	6.11x10 <sup>-28</sup>
MPEG1	1.544061	5.03x10 <sup>-25</sup>	1.18x10 <sup>-23</sup>
APELA	1.145758	2.51x10 <sup>-06</sup>	9.05x10 <sup>-06</sup>
WISP1	1.591132	4.17x10 <sup>-37</sup>	8.79x10 <sup>-35</sup>
FUT7	1.041090	1.28x10 <sup>-11</sup>	8.25x10 <sup>-11</sup>
CD300LB	1.427874	1.68x10 <sup>-24</sup>	3.70x10 <sup>-23</sup>
APBB1	1.033319	2.06x10 <sup>-16</sup>	1.99x10 <sup>-15</sup>
SCRG1	3.280958	8.05x10 <sup>-26</sup>	2.09x10 <sup>-24</sup>
HLA-DPA1	1.152487	1.67x10 <sup>-15</sup>	1.49x10 <sup>-14</sup>
ACSM5	1.390145	2.79x10 <sup>-19</sup>	3.46x10 <sup>-18</sup>
P2RY14	1.686385	1.15x10 <sup>-26</sup>	3.38x10 <sup>-25</sup>
PI15	1.466669	1.43x10 <sup>-08</sup>	6.95x10 <sup>-08</sup>
SORCS2	1.549065	3.00x10 <sup>-27</sup>	9.56x10 <sup>-26</sup>
ITPR1	1.118667	2.99x10 <sup>-20</sup>	4.03x10 <sup>-19</sup>
RGS9	1.707539	4.79x10 <sup>-23</sup>	8.71x10 <sup>-22</sup>
RSPO1	2.611418	9.12x10 <sup>-28</sup>	3.12x10 <sup>-26</sup>
CDH12	-1.776940	3.25x10 <sup>-02</sup>	4.93x10 <sup>-02</sup>
CD163	1.499322	1.73x10 <sup>-22</sup>	2.93x10 <sup>-21</sup>
ACTG2	3.416017	1.45x10 <sup>-23</sup>	2.84x10 <sup>-22</sup>
IL21R	1.287169	4.79x10 <sup>-17</sup>	4.88x10 <sup>-16</sup>
NLRP3	1.423833	3.33x10 <sup>-29</sup>	1.42x10 <sup>-27</sup>
MEDAG	1.818525	1.52x10 <sup>-30</sup>	8.14x10 <sup>-29</sup>
ICAM2	1.147239	3.41x10 <sup>-19</sup>	4.19x10 <sup>-18</sup>
CCL7	1.618405	2.03x10 <sup>-05</sup>	6.25x10 <sup>-05</sup>
ESR1	1.612803	7.32x10 <sup>-29</sup>	2.98x10 <sup>-27</sup>
CD209	1.124420	2.99x10 <sup>-16</sup>	2.84x10 <sup>-15</sup>
PMP2	2.300008	4.47x10 <sup>-14</sup>	3.50x10 <sup>-13</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
CTHRC1	1.071549	6.01x10 <sup>-20</sup>	7.90x10 <sup>-19</sup>
C1QTNF2	1.575989	8.69x10 <sup>-27</sup>	2.58x10 <sup>-25</sup>
TLX1	-1.360156	3.81x10 <sup>-06</sup>	1.33x10 <sup>-05</sup>
SCRT1	-2.026128	4.40x10 <sup>-03</sup>	8.29x10 <sup>-03</sup>
SCARF2	1.407182	1.29x10 <sup>-29</sup>	5.93x10 <sup>-28</sup>
FLNA	2.048863	6.09x10 <sup>-29</sup>	2.52x10 <sup>-27</sup>
CYYR1	1.037476	1.05x10 <sup>-26</sup>	3.09x10 <sup>-25</sup>
CFP	1.361850	1.40x10 <sup>-21</sup>	2.15x10 <sup>-20</sup>
WSCD2	2.260644	1.25x10 <sup>-19</sup>	1.59x10 <sup>-18</sup>
IL36RN	-3.053549	2.10x10 <sup>-03</sup>	4.26x10 <sup>-03</sup>
DCHS1	1.201871	1.19x10 <sup>-24</sup>	2.65x10 <sup>-23</sup>
ADCY5	2.018554	5.85x10 <sup>-19</sup>	7.04x10 <sup>-18</sup>
FCMR	1.273766	3.36x10 <sup>-15</sup>	2.91x10 <sup>-14</sup>
DLC1	1.227754	2.81x10 <sup>-31</sup>	1.68x10 <sup>-29</sup>
CLECL1	1.540054	3.10x10 <sup>-20</sup>	4.17x10 <sup>-19</sup>
PTPRC	1.431939	2.18x10 <sup>-21</sup>	3.29x10 <sup>-20</sup>
SLC14A2	1.058855	5.80x10 <sup>-04</sup>	1.33x10 <sup>-03</sup>
CNTNAP1	1.534607	3.67x10 <sup>-27</sup>	1.16x10 <sup>-25</sup>
RCSD1	1.317441	9.42x10 <sup>-28</sup>	3.20x10 <sup>-26</sup>
DCAF12L2	1.106785	4.72x10 <sup>-09</sup>	2.42x10 <sup>-08</sup>
ARHGEF15	1.096130	5.83x10 <sup>-28</sup>	2.05x10 <sup>-26</sup>
C16orf54	1.275139	1.67x10 <sup>-19</sup>	2.09x10 <sup>-18</sup>
RGMA	2.566289	4.16x10 <sup>-28</sup>	1.50x10 <sup>-26</sup>
RSPO3	2.009461	1.04x10 <sup>-33</sup>	9.33x10 <sup>-32</sup>
RNF180	1.413967	7.59x10 <sup>-24</sup>	1.55x10 <sup>-22</sup>
PKP1	-3.129251	8.31x10 <sup>-03</sup>	1.47x10 <sup>-02</sup>
PPL	-1.261550	2.99x10 <sup>-02</sup>	4.61x10 <sup>-02</sup>
TMEM119	1.845386	6.34x10 <sup>-37</sup>	1.23x10 <sup>-34</sup>
NUDT11	1.228456	1.74x10 <sup>-26</sup>	4.98x10 <sup>-25</sup>
TREML1	1.169891	3.94x10 <sup>-17</sup>	4.04x10 <sup>-16</sup>
MAP1B	1.740917	4.62x10 <sup>-26</sup>	1.24x10 <sup>-24</sup>
CD8A	1.250036	1.60x10 <sup>-14</sup>	1.30x10 <sup>-13</sup>
LCP1	1.218638	1.70x10 <sup>-19</sup>	2.13x10 <sup>-18</sup>
ADAM12	1.456937	6.27x10 <sup>-19</sup>	7.52x10 <sup>-18</sup>
ELN	1.777945	1.76x10 <sup>-25</sup>	4.37x10 <sup>-24</sup>
CHN1	1.002275	1.66x10 <sup>-23</sup>	3.20x10 <sup>-22</sup>
SIGLEC9	1.248876	1.72x10 <sup>-24</sup>	3.77x10 <sup>-23</sup>
LRRC4C	1.330714	1.30x10 <sup>-22</sup>	2.24x10 <sup>-21</sup>
COL5A2	1.213525	4.16x10 <sup>-26</sup>	1.13x10 <sup>-24</sup>
MMRN1	1.782270	1.08x10 <sup>-22</sup>	1.86x10 <sup>-21</sup>
CRTAC1	1.398302	3.11x10 <sup>-23</sup>	5.82x10 <sup>-22</sup>
ZNF454	1.364618	7.96x10 <sup>-26</sup>	2.07x10 <sup>-24</sup>
C3orf80	1.046051	5.54x10 <sup>-20</sup>	7.31x10 <sup>-19</sup>
FNDC1	2.185866	4.46x10 <sup>-33</sup>	3.52x10 <sup>-31</sup>
SPOCK1	1.276513	2.09x10 <sup>-29</sup>	9.16x10 <sup>-28</sup>
GREM1	2.268606	5.14x10 <sup>-37</sup>	1.02x10 <sup>-34</sup>
OGN	3.638150	1.28x10 <sup>-28</sup>	5.02x10 <sup>-27</sup>
FOXH1	-1.375923	4.57x10 <sup>-06</sup>	1.58x10 <sup>-05</sup>
TCF23	1.927817	1.45x10 <sup>-09</sup>	7.79x10 <sup>-09</sup>
OLFML2B	1.721577	2.15x10 <sup>-36</sup>	3.61x10 <sup>-34</sup>
LYL1	1.122053	1.49x10 <sup>-20</sup>	2.07x10 <sup>-19</sup>
CD2	1.193925	1.46x10 <sup>-17</sup>	1.55x10 <sup>-16</sup>
PON1	-1.590993	2.98x10 <sup>-02</sup>	4.60x10 <sup>-02</sup>
PPP1R1B	-1.627524	5.94x10 <sup>-04</sup>	1.36x10 <sup>-03</sup>
PRR29	1.220382	4.07x10 <sup>-09</sup>	2.10x10 <sup>-08</sup>
CACNA2D1	1.116247	1.21x10 <sup>-16</sup>	1.19x10 <sup>-15</sup>
SERPINB4	-1.073920	2.38x10 <sup>-02</sup>	3.76x10 <sup>-02</sup>
GFPT2	1.803240	1.02x10 <sup>-36</sup>	1.84x10 <sup>-34</sup>
NEGR1	1.994124	4.54x10 <sup>-23</sup>	8.32x10 <sup>-22</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
CLDN5	1.137981	1.06x10 <sup>-19</sup>	1.36x10 <sup>-18</sup>
DCX	1.692950	2.64x10 <sup>-07</sup>	1.09x10 <sup>-06</sup>
GJB6	-2.888729	5.71x10 <sup>-03</sup>	1.05x10 <sup>-02</sup>
GUCY1A1	2.164598	1.70x10 <sup>-42</sup>	2.02x10 <sup>-39</sup>
KLHL38	1.104884	2.75x10 <sup>-23</sup>	5.16x10 <sup>-22</sup>
HTRA1	1.091140	1.24x10 <sup>-24</sup>	2.77x10 <sup>-23</sup>
CLEC7A	1.127092	3.67x10 <sup>-21</sup>	5.42x10 <sup>-20</sup>
PCDH7	1.070043	3.04x10 <sup>-14</sup>	2.41x10 <sup>-13</sup>
CD53	1.375107	5.20x10 <sup>-25</sup>	1.22x10 <sup>-23</sup>
TEK	1.204706	3.35x10 <sup>-28</sup>	1.24x10 <sup>-26</sup>
ISLR2	1.651258	6.04x10 <sup>-22</sup>	9.62x10 <sup>-21</sup>
TREM2	1.470050	1.52x10 <sup>-25</sup>	3.81x10 <sup>-24</sup>
DMGDH	1.161560	6.29x10 <sup>-16</sup>	5.82x10 <sup>-15</sup>
IGFBP7	1.372881	8.15x10 <sup>-39</sup>	2.84x10 <sup>-36</sup>
EMP3	1.196815	4.40x10 <sup>-33</sup>	3.50x10 <sup>-31</sup>
CDH19	1.885607	3.50x10 <sup>-18</sup>	3.91x10 <sup>-17</sup>
PIWIL1	-1.038754	2.73x10 <sup>-03</sup>	5.38x10 <sup>-03</sup>
CPXM1	1.757150	2.16x10 <sup>-28</sup>	8.21x10 <sup>-27</sup>
TYRP1	1.588790	2.63x10 <sup>-14</sup>	2.10x10 <sup>-13</sup>
ASB2	2.368834	1.09x10 <sup>-25</sup>	2.79x10 <sup>-24</sup>
ZCCHC18	1.251267	1.27x10 <sup>-23</sup>	2.52x10 <sup>-22</sup>
HPGDS	1.551771	9.35x10 <sup>-19</sup>	1.10x10 <sup>-17</sup>
GAS7	1.607352	1.92x10 <sup>-36</sup>	3.35x10 <sup>-34</sup>
ITM2A	1.002702	1.01x10 <sup>-19</sup>	1.30x10 <sup>-18</sup>
MAGI2	1.060280	1.28x10 <sup>-14</sup>	1.05x10 <sup>-13</sup>
FAM163A	1.356289	3.52x10 <sup>-09</sup>	1.83x10 <sup>-08</sup>
IL21	1.422073	5.77x10 <sup>-07</sup>	2.28x10 <sup>-06</sup>
PABPC5	1.808368	1.33x10 <sup>-37</sup>	3.11x10 <sup>-35</sup>
DUOXA1	-1.542242	1.42x10 <sup>-05</sup>	4.50x10 <sup>-05</sup>
FAM43B	1.841195	6.83x10 <sup>-25</sup>	1.58x10 <sup>-23</sup>
FGF1	1.081724	3.94x10 <sup>-24</sup>	8.28x10 <sup>-23</sup>
TIE1	1.113626	1.48x10 <sup>-28</sup>	5.74x10 <sup>-27</sup>
SH3BP5	1.108717	8.96x10 <sup>-24</sup>	1.82x10 <sup>-22</sup>
VSTM4	1.905981	3.47x10 <sup>-42</sup>	3.82x10 <sup>-39</sup>
NCR3	1.259142	5.87x10 <sup>-13</sup>	4.23x10 <sup>-12</sup>
CLIC2	1.203109	2.50x10 <sup>-31</sup>	1.52x10 <sup>-29</sup>
FCER2	1.656674	2.21x10 <sup>-11</sup>	1.40x10 <sup>-10</sup>
SPAG17	-1.073256	1.72x10 <sup>-03</sup>	3.56x10 <sup>-03</sup>
SERPINE1	1.077797	2.57x10 <sup>-14</sup>	2.05x10 <sup>-13</sup>
POU3F3	1.431898	6.99x10 <sup>-06</sup>	2.34x10 <sup>-05</sup>
CD79B	2.055525	1.26x10 <sup>-21</sup>	1.95x10 <sup>-20</sup>
ZNF185	-1.025850	2.01x10 <sup>-02</sup>	3.23x10 <sup>-02</sup>
GIMAP8	1.289451	1.10x10 <sup>-31</sup>	7.08x10 <sup>-30</sup>
CD27	1.466047	3.54x10 <sup>-16</sup>	3.35x10 <sup>-15</sup>
MAGEA6	-1.377634	2.50x10 <sup>-02</sup>	3.94x10 <sup>-02</sup>
KRT4	-4.213916	2.15x10 <sup>-02</sup>	3.43x10 <sup>-02</sup>
GSTM5	1.873279	2.93x10 <sup>-28</sup>	1.10x10 <sup>-26</sup>
FAXC	1.173095	5.15x10 <sup>-05</sup>	1.47x10 <sup>-04</sup>
CXCR5	1.935533	4.54x10 <sup>-16</sup>	4.24x10 <sup>-15</sup>
PAMR1	1.016459	5.32x10 <sup>-14</sup>	4.13x10 <sup>-13</sup>
TCF21	1.610216	8.58x10 <sup>-33</sup>	6.57x10 <sup>-31</sup>
EHD2	1.087702	2.32x10 <sup>-22</sup>	3.85x10 <sup>-21</sup>
CORIN	1.214500	5.35x10 <sup>-17</sup>	5.43x10 <sup>-16</sup>
CHRDL1	2.787126	4.93x10 <sup>-27</sup>	1.52x10 <sup>-25</sup>
HSPB8	2.069776	5.76x10 <sup>-26</sup>	1.52x10 <sup>-24</sup>
SYNDIG1	1.615339	2.09x10 <sup>-31</sup>	1.29x10 <sup>-29</sup>
C5AR1	1.343309	2.41x10 <sup>-26</sup>	6.81x10 <sup>-25</sup>
MAB21L1	1.277479	3.30x10 <sup>-13</sup>	2.42x10 <sup>-12</sup>
FCRL1	1.577191	2.67x10 <sup>-14</sup>	2.12x10 <sup>-13</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
ANTXR1	1.526956	2.79x10 <sup>-34</sup>	2.87x10 <sup>-32</sup>
SEMA3G	1.109785	2.53x10 <sup>-19</sup>	3.15x10 <sup>-18</sup>
ZNF354C	1.051861	2.39x10 <sup>-20</sup>	3.25x10 <sup>-19</sup>
ACTL8	-1.198290	7.62x10 <sup>-04</sup>	1.71x10 <sup>-03</sup>
MDFIC	1.117670	1.46x10 <sup>-30</sup>	7.92x10 <sup>-29</sup>
PTGER3	1.695565	1.39x10 <sup>-32</sup>	1.04x10 <sup>-30</sup>
MS4A3	4.387839	1.92x10 <sup>-02</sup>	3.10x10 <sup>-02</sup>
FOXF1	1.610431	3.49x10 <sup>-25</sup>	8.42x10 <sup>-24</sup>
TENM2	1.008867	6.58x10 <sup>-08</sup>	2.94x10 <sup>-07</sup>
ASB4	-1.299642	3.10x10 <sup>-02</sup>	4.74x10 <sup>-02</sup>
KRTAP4-1	-1.367560	1.43x10 <sup>-03</sup>	3.02x10 <sup>-03</sup>
AVPR2	1.360541	6.11x10 <sup>-13</sup>	4.39x10 <sup>-12</sup>
HSD11B1	1.690613	4.57x10 <sup>-34</sup>	4.45x10 <sup>-32</sup>
KLB	-1.488706	8.15x10 <sup>-03</sup>	1.44x10 <sup>-02</sup>
GPC6	1.492130	1.70x10 <sup>-33</sup>	1.47x10 <sup>-31</sup>
TACR2	3.247868	8.56x10 <sup>-15</sup>	7.18x10 <sup>-14</sup>
C8orf88	2.654584	1.84x10 <sup>-27</sup>	6.04x10 <sup>-26</sup>
PKNOX2	1.634109	3.94x10 <sup>-23</sup>	7.28x10 <sup>-22</sup>
TPM1	1.290977	2.63x10 <sup>-16</sup>	2.51x10 <sup>-15</sup>
TMEM132E	1.238307	1.09x10 <sup>-14</sup>	9.04x10 <sup>-14</sup>
NKPD1	-1.083241	5.04x10 <sup>-07</sup>	2.00x10 <sup>-06</sup>
CCL22	1.001336	1.58x10 <sup>-16</sup>	1.54x10 <sup>-15</sup>
TNXB	2.085036	7.05x10 <sup>-19</sup>	8.41x10 <sup>-18</sup>
FAM13C	1.571294	7.68x10 <sup>-29</sup>	3.12x10 <sup>-27</sup>
PTGFR	2.075438	6.77x10 <sup>-32</sup>	4.48x10 <sup>-30</sup>
BNC2	2.277459	8.42x10 <sup>-40</sup>	4.13x10 <sup>-37</sup>
KCNA3	1.504748	1.51x10 <sup>-18</sup>	1.75x10 <sup>-17</sup>
FGF19	-1.513765	2.13x10 <sup>-02</sup>	3.41x10 <sup>-02</sup>
GDF10	1.785641	9.05x10 <sup>-21</sup>	1.28x10 <sup>-19</sup>
DPPA2	-1.872346	1.68x10 <sup>-02</sup>	2.75x10 <sup>-02</sup>
TENM4	1.154370	3.78x10 <sup>-25</sup>	9.07x10 <sup>-24</sup>
ADGRD1	1.546526	1.26x10 <sup>-23</sup>	2.50x10 <sup>-22</sup>
DOCK2	1.415386	2.06x10 <sup>-24</sup>	4.44x10 <sup>-23</sup>
SLIT2	2.429585	7.78x10 <sup>-35</sup>	8.76x10 <sup>-33</sup>
SLC7A3	1.635708	3.58x10 <sup>-05</sup>	1.05x10 <sup>-04</sup>
SLITRK5	1.378720	4.79x10 <sup>-12</sup>	3.21x10 <sup>-11</sup>
CCL19	1.968715	2.41x10 <sup>-24</sup>	5.16x10 <sup>-23</sup>
TIFAB	1.436136	1.86x10 <sup>-16</sup>	1.80x10 <sup>-15</sup>
FCGR2B	1.511723	2.77x10 <sup>-29</sup>	1.19x10 <sup>-27</sup>
SLC22A17	1.133884	8.47x10 <sup>-22</sup>	1.32x10 <sup>-20</sup>
ANK2	2.154909	2.95x10 <sup>-25</sup>	7.18x10 <sup>-24</sup>
INMT	1.921300	5.07x10 <sup>-29</sup>	2.11x10 <sup>-27</sup>
PLA2G7	1.123588	5.31x10 <sup>-16</sup>	4.94x10 <sup>-15</sup>
GAS1	2.154424	6.05x10 <sup>-34</sup>	5.69x10 <sup>-32</sup>
DACT3	2.305154	1.36x10 <sup>-30</sup>	7.37x10 <sup>-29</sup>
PILRA	1.286310	1.76x10 <sup>-24</sup>	3.84x10 <sup>-23</sup>
KRT81	2.513532	3.26x10 <sup>-02</sup>	4.95x10 <sup>-02</sup>
REP15	-1.286845	3.10x10 <sup>-02</sup>	4.74x10 <sup>-02</sup>
TGFBI	1.025972	1.97x10 <sup>-22</sup>	3.31x10 <sup>-21</sup>
CASQ2	3.464719	1.34x10 <sup>-26</sup>	3.90x10 <sup>-25</sup>
TMEM200C	1.108801	3.24x10 <sup>-16</sup>	3.07x10 <sup>-15</sup>
DUOX1	-1.252734	1.49x10 <sup>-05</sup>	4.70x10 <sup>-05</sup>
VIP	3.923050	1.64x10 <sup>-23</sup>	3.17x10 <sup>-22</sup>
LAMA4	1.272790	5.86x10 <sup>-36</sup>	8.47x10 <sup>-34</sup>
GRIK5	1.869345	7.87x10 <sup>-22</sup>	1.23x10 <sup>-20</sup>
CD4	1.216585	5.26x10 <sup>-25</sup>	1.23x10 <sup>-23</sup>
CLEC11A	1.349751	2.22x10 <sup>-29</sup>	9.72x10 <sup>-28</sup>
ITGA4	1.277515	4.39x10 <sup>-23</sup>	8.06x10 <sup>-22</sup>
FCER1G	1.139450	4.91x10 <sup>-21</sup>	7.17x10 <sup>-20</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
SIGLEC14	1.301733	1.25x10 <sup>-15</sup>	1.13x10 <sup>-14</sup>
CD177	1.174112	9.06x10 <sup>-06</sup>	2.97x10 <sup>-05</sup>
ACTA2	2.247343	9.32x10 <sup>-38</sup>	2.43x10 <sup>-35</sup>
CCDC187	-1.029924	1.45x10 <sup>-04</sup>	3.78x10 <sup>-04</sup>
CSF1R	1.533601	5.88x10 <sup>-30</sup>	2.85x10 <sup>-28</sup>
GNGT2	1.129984	6.83x10 <sup>-25</sup>	1.58x10 <sup>-23</sup>
NEXN	2.017705	2.79x10 <sup>-28</sup>	1.05x10 <sup>-26</sup>
ERG	1.253791	6.61x10 <sup>-33</sup>	5.17x10 <sup>-31</sup>
RASGRP2	1.582809	8.14x10 <sup>-26</sup>	2.12x10 <sup>-24</sup>
BTLA	1.447928	2.95x10 <sup>-16</sup>	2.80x10 <sup>-15</sup>
DOK5	1.423497	8.32x10 <sup>-34</sup>	7.69x10 <sup>-32</sup>
BEND5	1.219994	2.14x10 <sup>-16</sup>	2.06x10 <sup>-15</sup>
STX11	1.094897	5.34x10 <sup>-23</sup>	9.64x10 <sup>-22</sup>
TDRD6	1.001084	2.03x10 <sup>-15</sup>	1.79x10 <sup>-14</sup>
PRSS1	-3.218185	2.23x10 <sup>-02</sup>	3.55x10 <sup>-02</sup>
PLA2G4C	1.042228	6.86x10 <sup>-23</sup>	1.22x10 <sup>-21</sup>
CTSG	2.378458	2.21x10 <sup>-21</sup>	3.32x10 <sup>-20</sup>
MAGEA10	-1.448739	3.27x10 <sup>-02</sup>	4.97x10 <sup>-02</sup>
LAMA2	1.896968	3.12x10 <sup>-33</sup>	2.54x10 <sup>-31</sup>
SFRP2	2.650458	2.19x10 <sup>-32</sup>	1.59x10 <sup>-30</sup>
C12orf56	-1.032729	6.39x10 <sup>-04</sup>	1.46x10 <sup>-03</sup>
GUCA1A	1.034891	1.92x10 <sup>-07</sup>	8.08x10 <sup>-07</sup>
FAM110D	1.174903	1.75x10 <sup>-21</sup>	2.67x10 <sup>-20</sup>
WDFY4	1.475097	2.20x10 <sup>-21</sup>	3.32x10 <sup>-20</sup>
KRTAP5-5	-1.688686	4.54x10 <sup>-05</sup>	1.31x10 <sup>-04</sup>
SHISAL1	2.323027	9.28x10 <sup>-23</sup>	1.62x10 <sup>-21</sup>
FGFRL1	-1.003850	3.65x10 <sup>-08</sup>	1.69x10 <sup>-07</sup>
NGF	1.099117	5.01x10 <sup>-21</sup>	7.29x10 <sup>-20</sup>
PAPLN	1.233113	1.57x10 <sup>-18</sup>	1.81x10 <sup>-17</sup>
FBXL22	1.877674	2.22x10 <sup>-18</sup>	2.52x10 <sup>-17</sup>
SH2D1A	1.206996	2.54x10 <sup>-16</sup>	2.43x10 <sup>-15</sup>
VENTX	1.031436	1.80x10 <sup>-25</sup>	4.46x10 <sup>-24</sup>
MXRA7	1.133632	7.96x10 <sup>-20</sup>	1.03x10 <sup>-18</sup>
LCN12	-1.310795	6.02x10 <sup>-07</sup>	2.37x10 <sup>-06</sup>
CCL3L1	1.167684	1.82x10 <sup>-05</sup>	5.66x10 <sup>-05</sup>
S1PR3	1.530130	5.06x10 <sup>-30</sup>	2.50x10 <sup>-28</sup>
AIF1	1.253754	5.49x10 <sup>-28</sup>	1.95x10 <sup>-26</sup>
FLNC	3.074174	1.29x10 <sup>-19</sup>	1.63x10 <sup>-18</sup>
IL6	1.223304	1.45x10 <sup>-09</sup>	7.79x10 <sup>-09</sup>
RPTN	-2.994910	1.81x10 <sup>-03</sup>	3.73x10 <sup>-03</sup>
MEF2B	1.829923	1.72x10 <sup>-02</sup>	2.81x10 <sup>-02</sup>
COL4A3	1.183641	2.16x10 <sup>-10</sup>	1.25x10 <sup>-09</sup>
THSD7A	1.287614	8.59x10 <sup>-27</sup>	2.55x10 <sup>-25</sup>
XCR1	1.686735	1.49x10 <sup>-14</sup>	1.22x10 <sup>-13</sup>
HMCN1	1.995107	2.01x10 <sup>-29</sup>	8.88x10 <sup>-28</sup>
AQP2	-2.386435	1.18x10 <sup>-02</sup>	2.01x10 <sup>-02</sup>
PRDM6	1.568824	1.30x10 <sup>-27</sup>	4.36x10 <sup>-26</sup>
WFDC12	-1.080321	7.57x10 <sup>-03</sup>	1.35x10 <sup>-02</sup>
ADAMTS12	1.319634	3.87x10 <sup>-21</sup>	5.70x10 <sup>-20</sup>
ROR2	1.590901	6.73x10 <sup>-28</sup>	2.35x10 <sup>-26</sup>
PTGIS	2.409712	1.37x10 <sup>-29</sup>	6.20x10 <sup>-28</sup>
PPFIA2	1.475364	2.67x10 <sup>-24</sup>	5.68x10 <sup>-23</sup>
GDF6	1.888724	1.91x10 <sup>-28</sup>	7.30x10 <sup>-27</sup>
COL4A4	1.258008	3.54x10 <sup>-16</sup>	3.35x10 <sup>-15</sup>
ATP10A	1.015571	3.94x10 <sup>-27</sup>	1.23x10 <sup>-25</sup>
PDGFRB	1.432809	2.73x10 <sup>-38</sup>	8.49x10 <sup>-36</sup>
TMEM273	1.446877	2.43x10 <sup>-36</sup>	3.95x10 <sup>-34</sup>
KCNA1	3.340945	9.03x10 <sup>-21</sup>	1.28x10 <sup>-19</sup>
EVI2B	1.343468	2.15x10 <sup>-24</sup>	4.63x10 <sup>-23</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
TNFSF18	1.293555	7.42x10 <sup>-09</sup>	3.74x10 <sup>-08</sup>
KNG1	-1.220889	1.30x10 <sup>-02</sup>	2.18x10 <sup>-02</sup>
LILRA4	1.826671	9.98x10 <sup>-22</sup>	1.55x10 <sup>-20</sup>
VCAM1	1.427813	1.77x10 <sup>-33</sup>	1.50x10 <sup>-31</sup>
FCRL5	1.196888	4.14x10 <sup>-12</sup>	2.79x10 <sup>-11</sup>
CD1E	1.599363	1.69x10 <sup>-18</sup>	1.95x10 <sup>-17</sup>
SIRPG	1.041194	1.55x10 <sup>-12</sup>	1.08x10 <sup>-11</sup>
RASD2	1.011750	3.56x10 <sup>-14</sup>	2.81x10 <sup>-13</sup>
PRKD1	1.400782	1.79x10 <sup>-30</sup>	9.44x10 <sup>-29</sup>
TSC22D3	1.142432	1.46x10 <sup>-20</sup>	2.03x10 <sup>-19</sup>
DTNA	1.154736	1.22x10 <sup>-14</sup>	1.00x10 <sup>-13</sup>
SYNPO2	3.263366	5.82x10 <sup>-27</sup>	1.76x10 <sup>-25</sup>
S100A7	-1.390279	1.05x10 <sup>-03</sup>	2.29x10 <sup>-03</sup>
DAB2	1.000952	9.46x10 <sup>-29</sup>	3.79x10 <sup>-27</sup>
CD3E	1.068665	1.45x10 <sup>-14</sup>	1.19x10 <sup>-13</sup>
SLFN12L	1.089449	8.08x10 <sup>-16</sup>	7.40x10 <sup>-15</sup>
SUSD5	1.864666	1.49x10 <sup>-19</sup>	1.88x10 <sup>-18</sup>
DDR2	2.109748	4.68x10 <sup>-42</sup>	4.46x10 <sup>-39</sup>
PRSS23	1.234271	1.52x10 <sup>-30</sup>	8.14x10 <sup>-29</sup>
ANGPTL2	1.687981	1.97x10 <sup>-38</sup>	6.50x10 <sup>-36</sup>
TCEAL2	1.719375	5.86x10 <sup>-21</sup>	8.48x10 <sup>-20</sup>
TTC28	1.098385	1.18x10 <sup>-19</sup>	1.50x10 <sup>-18</sup>
CNRIP1	1.422267	8.60x10 <sup>-42</sup>	6.83x10 <sup>-39</sup>
TMEM130	1.659129	4.30x10 <sup>-23</sup>	7.90x10 <sup>-22</sup>
MAGEA3	-1.038283	2.70x10 <sup>-02</sup>	4.21x10 <sup>-02</sup>
IGFBP4	1.335459	4.16x10 <sup>-28</sup>	1.50x10 <sup>-26</sup>
MYBPC2	1.944744	4.80x10 <sup>-07</sup>	1.91x10 <sup>-06</sup>
CALML5	-1.216137	3.34x10 <sup>-04</sup>	8.08x10 <sup>-04</sup>
SHH	-1.359937	3.13x10 <sup>-02</sup>	4.78x10 <sup>-02</sup>
MUSK	1.164727	4.43x10 <sup>-14</sup>	3.47x10 <sup>-13</sup>
STMN2	1.755174	1.87x10 <sup>-17</sup>	1.97x10 <sup>-16</sup>
DOK3	1.176273	1.09x10 <sup>-21</sup>	1.69x10 <sup>-20</sup>
DLX4	-1.348688	4.19x10 <sup>-05</sup>	1.22x10 <sup>-04</sup>
ADGRB3	1.517849	1.48x10 <sup>-23</sup>	2.89x10 <sup>-22</sup>
MYOC	2.467884	2.47x10 <sup>-18</sup>	2.79x10 <sup>-17</sup>
S100B	1.238195	1.03x10 <sup>-18</sup>	1.20x10 <sup>-17</sup>
CD180	1.200692	2.50x10 <sup>-22</sup>	4.13x10 <sup>-21</sup>
PPP1R1A	1.386445	1.55x10 <sup>-08</sup>	7.51x10 <sup>-08</sup>
ARHGAP31	1.265661	2.02x10 <sup>-37</sup>	4.58x10 <sup>-35</sup>
ST6GALNAC5	1.734291	4.98x10 <sup>-35</sup>	5.99x10 <sup>-33</sup>
PAH	-1.763229	4.27x10 <sup>-04</sup>	1.01x10 <sup>-03</sup>
PLCXD3	1.196320	1.98x10 <sup>-12</sup>	1.37x10 <sup>-11</sup>
FBXL7	1.593280	8.66x10 <sup>-40</sup>	4.13x10 <sup>-37</sup>
ICAM3	1.263579	3.37x10 <sup>-17</sup>	3.47x10 <sup>-16</sup>
PSD	2.252837	3.51x10 <sup>-19</sup>	4.31x10 <sup>-18</sup>
CCL13	1.215423	2.22x10 <sup>-14</sup>	1.79x10 <sup>-13</sup>
AC004233.2	-1.176795	1.81x10 <sup>-05</sup>	5.64x10 <sup>-05</sup>
CDO1	1.864826	1.77x10 <sup>-33</sup>	1.50x10 <sup>-31</sup>
MZB1	1.036473	5.53x10 <sup>-09</sup>	2.82x10 <sup>-08</sup>
CCDC69	1.628020	1.71x10 <sup>-27</sup>	5.68x10 <sup>-26</sup>
CXCL12	1.398923	1.73x10 <sup>-27</sup>	5.72x10 <sup>-26</sup>
TMEM204	1.018959	1.03x10 <sup>-30</sup>	5.72x10 <sup>-29</sup>
GPR162	1.127483	8.46x10 <sup>-28</sup>	2.90x10 <sup>-26</sup>
GAP43	1.606339	1.09x10 <sup>-15</sup>	9.88x10 <sup>-15</sup>
CD37	1.501743	1.31x10 <sup>-25</sup>	3.31x10 <sup>-24</sup>
PDZD4	2.023730	1.81x10 <sup>-22</sup>	3.05x10 <sup>-21</sup>
OLR1	1.479325	4.25x10 <sup>-22</sup>	6.86x10 <sup>-21</sup>
ITGB2	1.409761	7.39x10 <sup>-25</sup>	1.71x10 <sup>-23</sup>
LRRC32	1.564513	5.78x10 <sup>-39</sup>	2.07x10 <sup>-36</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
TSPAN9	1.061527	3.19x10 <sup>-22</sup>	5.21x10 <sup>-21</sup>
MIEN1	-1.063676	5.03x10 <sup>-05</sup>	1.44x10 <sup>-04</sup>
PLA2G4D	-1.041489	1.13x10 <sup>-06</sup>	4.29x10 <sup>-06</sup>
PALLD	1.543258	1.03x10 <sup>-31</sup>	6.73x10 <sup>-30</sup>
CALML3	-4.987752	1.54x10 <sup>-02</sup>	2.55x10 <sup>-02</sup>
ZFHX4	1.506786	1.49x10 <sup>-24</sup>	3.28x10 <sup>-23</sup>
CCL21	1.378081	6.08x10 <sup>-24</sup>	1.26x10 <sup>-22</sup>
SIRPB1	1.145845	1.61x10 <sup>-15</sup>	1.44x10 <sup>-14</sup>
GPR34	1.452649	9.57x10 <sup>-29</sup>	3.83x10 <sup>-27</sup>
OR7E47P	1.182328	4.53x10 <sup>-19</sup>	5.51x10 <sup>-18</sup>
RHCG	-3.668857	1.01x10 <sup>-02</sup>	1.75x10 <sup>-02</sup>
NTN1	1.597980	7.52x10 <sup>-16</sup>	6.91x10 <sup>-15</sup>
CLCA4	-2.448420	2.88x10 <sup>-03</sup>	5.65x10 <sup>-03</sup>
DEFB1	-1.416709	2.86x10 <sup>-04</sup>	7.04x10 <sup>-04</sup>
GPNMB	1.569534	2.09x10 <sup>-29</sup>	9.16x10 <sup>-28</sup>
HCK	1.178283	8.19x10 <sup>-25</sup>	1.87x10 <sup>-23</sup>
PCDH9	1.938856	2.58x10 <sup>-21</sup>	3.85x10 <sup>-20</sup>
FLRT2	1.815441	6.30x10 <sup>-34</sup>	5.89x10 <sup>-32</sup>
CYSRT1	-1.679160	2.28x10 <sup>-03</sup>	4.60x10 <sup>-03</sup>
CCL8	1.186163	5.33x10 <sup>-12</sup>	3.57x10 <sup>-11</sup>
CNR2	1.614262	4.52x10 <sup>-11</sup>	2.78x10 <sup>-10</sup>
RIPOR2	1.276089	5.85x10 <sup>-22</sup>	9.33x10 <sup>-21</sup>
SVEP1	2.269616	6.89x10 <sup>-35</sup>	7.95x10 <sup>-33</sup>
CLMP	2.071824	1.44x10 <sup>-37</sup>	3.33x10 <sup>-35</sup>
TEX19	-1.208349	2.83x10 <sup>-03</sup>	5.57x10 <sup>-03</sup>
SLC26A9	-1.048413	1.58x10 <sup>-02</sup>	2.60x10 <sup>-02</sup>
CACNA1H	1.636507	5.21x10 <sup>-22</sup>	8.34x10 <sup>-21</sup>
CCM2L	1.126496	3.87x10 <sup>-22</sup>	6.29x10 <sup>-21</sup>
CD79A	1.534624	1.58x10 <sup>-13</sup>	1.19x10 <sup>-12</sup>
CLIP3	1.889773	2.34x10 <sup>-34</sup>	2.48x10 <sup>-32</sup>
HSPA12B	1.115717	5.80x10 <sup>-29</sup>	2.40x10 <sup>-27</sup>
SLAMF6	1.262125	1.05x10 <sup>-17</sup>	1.13x10 <sup>-16</sup>
TIMP2	1.333465	3.95x10 <sup>-34</sup>	3.87x10 <sup>-32</sup>
C1QTNF4	1.600157	2.10x10 <sup>-14</sup>	1.69x10 <sup>-13</sup>
CHI3L2	1.217346	9.71x10 <sup>-21</sup>	1.37x10 <sup>-19</sup>
TRAT1	1.434524	4.29x10 <sup>-17</sup>	4.38x10 <sup>-16</sup>
GIMAP5	1.347167	9.09x10 <sup>-23</sup>	1.59x10 <sup>-21</sup>
STUM	1.902428	5.63x10 <sup>-19</sup>	6.79x10 <sup>-18</sup>
RTL5	1.410250	7.91x10 <sup>-27</sup>	2.36x10 <sup>-25</sup>
SOX17	1.139200	3.87x10 <sup>-25</sup>	9.23x10 <sup>-24</sup>
CXCR3	1.171082	1.72x10 <sup>-14</sup>	1.40x10 <sup>-13</sup>
SYNM	3.161476	5.41x10 <sup>-19</sup>	6.54x10 <sup>-18</sup>
CLIC4	1.215473	1.73x10 <sup>-31</sup>	1.07x10 <sup>-29</sup>
TMPRSS11B	-3.902398	7.23x10 <sup>-04</sup>	1.63x10 <sup>-03</sup>
SPINK4	-1.220637	5.00x10 <sup>-03</sup>	9.30x10 <sup>-03</sup>
PRPH	1.001091	4.10x10 <sup>-07</sup>	1.65x10 <sup>-06</sup>
FAM124A	1.534966	1.55x10 <sup>-23</sup>	3.01x10 <sup>-22</sup>
TMTC1	1.416373	2.01x10 <sup>-24</sup>	4.35x10 <sup>-23</sup>
ICOS	1.053674	1.05x10 <sup>-12</sup>	7.38x10 <sup>-12</sup>
GIMAP6	1.325289	3.66x10 <sup>-33</sup>	2.96x10 <sup>-31</sup>
MSRB3	2.088653	7.57x10 <sup>-35</sup>	8.60x10 <sup>-33</sup>
LSP1	1.260262	2.45x10 <sup>-27</sup>	7.91x10 <sup>-26</sup>
FMN2	1.128204	2.49x10 <sup>-14</sup>	2.00x10 <sup>-13</sup>
CA9	-1.338450	1.20x10 <sup>-02</sup>	2.05x10 <sup>-02</sup>
LUM	1.755592	2.45x10 <sup>-40</sup>	1.30x10 <sup>-37</sup>
FCRL6	1.393550	3.59x10 <sup>-18</sup>	4.00x10 <sup>-17</sup>
CSF2RB	1.549117	1.24x10 <sup>-26</sup>	3.60x10 <sup>-25</sup>
CACNB2	1.211336	5.02x10 <sup>-14</sup>	3.91x10 <sup>-13</sup>
AKAP6	1.865497	1.17x10 <sup>-12</sup>	8.20x10 <sup>-12</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
KCTD8	1.431153	1.17x10 <sup>-11</sup>	7.61x10 <sup>-11</sup>
SPI1	1.214539	2.30x10 <sup>-26</sup>	6.53x10 <sup>-25</sup>
NAP1L3	2.091020	5.86x10 <sup>-38</sup>	1.68x10 <sup>-35</sup>
SEPT1	1.014796	7.05x10 <sup>-13</sup>	5.03x10 <sup>-12</sup>
PDGFRL	1.560517	8.12x10 <sup>-22</sup>	1.27x10 <sup>-20</sup>
MAMDC2	1.756727	2.24x10 <sup>-16</sup>	2.15x10 <sup>-15</sup>
TGFB3	1.690636	3.32x10 <sup>-35</sup>	4.20x10 <sup>-33</sup>
GRASP	1.084384	3.01x10 <sup>-25</sup>	7.32x10 <sup>-24</sup>
LYPD2	-2.085967	5.84x10 <sup>-03</sup>	1.07x10 <sup>-02</sup>
ASPG	-1.577761	2.13x10 <sup>-05</sup>	6.53x10 <sup>-05</sup>
KLF9	1.152200	6.25x10 <sup>-20</sup>	8.21x10 <sup>-19</sup>
SHISA8	1.170494	3.01x10 <sup>-04</sup>	7.37x10 <sup>-04</sup>
HDC	1.028956	9.28x10 <sup>-14</sup>	7.07x10 <sup>-13</sup>
NRP2	1.381977	7.63x10 <sup>-33</sup>	5.90x10 <sup>-31</sup>
TSPAN18	1.155699	7.13x10 <sup>-16</sup>	6.57x10 <sup>-15</sup>
SNURF	1.012405	9.66x10 <sup>-18</sup>	1.05x10 <sup>-16</sup>
SERPINF1	1.742665	3.82x10 <sup>-41</sup>	2.28x10 <sup>-38</sup>
LILRA5	1.014727	1.06x10 <sup>-16</sup>	1.04x10 <sup>-15</sup>
LCE1E	1.430037	1.32x10 <sup>-02</sup>	2.21x10 <sup>-02</sup>
LCP2	1.051326	1.81x10 <sup>-22</sup>	3.05x10 <sup>-21</sup>
KLK12	-2.734883	1.90x10 <sup>-04</sup>	4.85x10 <sup>-04</sup>
LPP	1.131202	3.56x10 <sup>-10</sup>	2.02x10 <sup>-09</sup>
SPARCL1	2.182996	5.16x10 <sup>-34</sup>	4.89x10 <sup>-32</sup>
KCNA2	1.237699	2.75x10 <sup>-16</sup>	2.62x10 <sup>-15</sup>
VIPR2	1.647677	8.76x10 <sup>-25</sup>	1.98x10 <sup>-23</sup>
MS4A4E	1.477023	1.67x10 <sup>-17</sup>	1.76x10 <sup>-16</sup>
FAXDC2	1.232135	7.31x10 <sup>-11</sup>	4.41x10 <sup>-10</sup>
DES	3.385201	3.80x10 <sup>-19</sup>	4.64x10 <sup>-18</sup>
SEPT6	1.123196	2.63x10 <sup>-19</sup>	3.27x10 <sup>-18</sup>
ACTC1	1.675646	3.90x10 <sup>-13</sup>	2.84x10 <sup>-12</sup>
VIT	1.060171	7.78x10 <sup>-06</sup>	2.58x10 <sup>-05</sup>
ADGRE3	1.394784	1.29x10 <sup>-09</sup>	6.97x10 <sup>-09</sup>
CCR1	1.200546	4.74x10 <sup>-23</sup>	8.62x10 <sup>-22</sup>
PLA2G2D	1.509345	2.42x10 <sup>-14</sup>	1.94x10 <sup>-13</sup>
LRRC55	1.293962	1.21x10 <sup>-16</sup>	1.19x10 <sup>-15</sup>
NRXN1	1.746740	4.92x10 <sup>-18</sup>	5.45x10 <sup>-17</sup>
IKZF3	1.384096	1.66x10 <sup>-11</sup>	1.06x10 <sup>-10</sup>
AKAP2	1.335448	2.63x10 <sup>-22</sup>	4.34x10 <sup>-21</sup>
TRARG1	2.356144	1.92x10 <sup>-07</sup>	8.06x10 <sup>-07</sup>
ATP6V0A4	-1.143966	1.76x10 <sup>-03</sup>	3.63x10 <sup>-03</sup>
CXCL13	1.616486	2.77x10 <sup>-14</sup>	2.20x10 <sup>-13</sup>
FMNL1	1.045733	5.94x10 <sup>-24</sup>	1.23x10 <sup>-22</sup>
PDCD1LG2	1.475705	6.32x10 <sup>-29</sup>	2.59x10 <sup>-27</sup>
NCAM2	1.668706	2.51x10 <sup>-29</sup>	1.08x10 <sup>-27</sup>
SLA2	1.010200	1.03x10 <sup>-14</sup>	8.54x10 <sup>-14</sup>
PDLIM7	1.109331	1.49x10 <sup>-22</sup>	2.55x10 <sup>-21</sup>
ADAMTS2	1.522722	1.10x10 <sup>-29</sup>	5.11x10 <sup>-28</sup>
LGI4	1.688467	1.50x10 <sup>-31</sup>	9.42x10 <sup>-30</sup>
FOXS1	1.424068	3.87x10 <sup>-25</sup>	9.23x10 <sup>-24</sup>
PLPPR1	-1.036161	1.63x10 <sup>-02</sup>	2.67x10 <sup>-02</sup>
DNAH2	-1.022935	2.76x10 <sup>-04</sup>	6.82x10 <sup>-04</sup>
P4HA3	1.470415	7.50x10 <sup>-28</sup>	2.60x10 <sup>-26</sup>
IFFO1	1.248158	1.80x10 <sup>-41</sup>	1.24x10 <sup>-38</sup>
FERMT2	1.798269	6.53x10 <sup>-35</sup>	7.59x10 <sup>-33</sup>
CHSY3	1.075447	1.48x10 <sup>-29</sup>	6.66x10 <sup>-28</sup>
NOTUM	-3.170327	2.65x10 <sup>-03</sup>	5.25x10 <sup>-03</sup>
FNDC5	1.339441	1.27x10 <sup>-13</sup>	9.54x10 <sup>-13</sup>
GAL3ST4	1.047191	3.95x10 <sup>-22</sup>	6.41x10 <sup>-21</sup>
APLN	1.151846	1.45x10 <sup>-20</sup>	2.01x10 <sup>-19</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
NKX3-2	2.171451	2.11x10 <sup>-18</sup>	2.41x10 <sup>-17</sup>
AMOTL1	1.035118	7.13x10 <sup>-18</sup>	7.80x10 <sup>-17</sup>
FAM198B	1.096898	1.39x10 <sup>-26</sup>	4.03x10 <sup>-25</sup>
AGXT	-1.140131	1.39x10 <sup>-03</sup>	2.95x10 <sup>-03</sup>
MYLK	2.772038	2.60x10 <sup>-36</sup>	4.19x10 <sup>-34</sup>
PABPC4L	1.545725	1.95x10 <sup>-32</sup>	1.43x10 <sup>-30</sup>
EBI3	1.400728	1.51x10 <sup>-18</sup>	1.75x10 <sup>-17</sup>
CNTN2	1.852863	1.69x10 <sup>-12</sup>	1.18x10 <sup>-11</sup>
SELE	1.188084	5.54x10 <sup>-12</sup>	3.71x10 <sup>-11</sup>
HLA-DOA	1.323824	4.62x10 <sup>-21</sup>	6.75x10 <sup>-20</sup>
C4B	1.451421	2.18x10 <sup>-18</sup>	2.48x10 <sup>-17</sup>
ZCCHC24	1.878078	2.78x10 <sup>-35</sup>	3.65x10 <sup>-33</sup>
FAM19A4	2.462282	1.62x10 <sup>-11</sup>	1.04x10 <sup>-10</sup>
STARD9	1.280055	3.62x10 <sup>-20</sup>	4.86x10 <sup>-19</sup>
SYDE1	1.389613	6.88x10 <sup>-42</sup>	6.15x10 <sup>-39</sup>
SNX20	1.188144	6.30x10 <sup>-22</sup>	1.00x10 <sup>-20</sup>
KANK2	1.433266	2.69x10 <sup>-25</sup>	6.56x10 <sup>-24</sup>
SCIMP	1.430167	3.58x10 <sup>-27</sup>	1.14x10 <sup>-25</sup>
BGN	1.470590	3.76x10 <sup>-33</sup>	3.02x10 <sup>-31</sup>
CRHBP	1.233238	9.48x10 <sup>-16</sup>	8.63x10 <sup>-15</sup>
HLA-DMB	1.018478	2.65x10 <sup>-16</sup>	2.53x10 <sup>-15</sup>
ARHGAP15	1.421187	1.05x10 <sup>-30</sup>	5.84x10 <sup>-29</sup>
FMNL3	1.096608	5.62x10 <sup>-35</sup>	6.65x10 <sup>-33</sup>
PGR	2.150130	1.00x10 <sup>-27</sup>	3.39x10 <sup>-26</sup>
ZNF781	1.129332	3.37x10 <sup>-19</sup>	4.15x10 <sup>-18</sup>
DCN	1.920128	3.85x10 <sup>-42</sup>	3.94x10 <sup>-39</sup>
CCR5	1.405921	5.40x10 <sup>-23</sup>	9.74x10 <sup>-22</sup>
OLFML1	1.454146	9.72x10 <sup>-40</sup>	4.22x10 <sup>-37</sup>
AVPR1A	1.232723	7.31x10 <sup>-22</sup>	1.15x10 <sup>-20</sup>
CLEC4D	1.345077	6.85x10 <sup>-10</sup>	3.80x10 <sup>-09</sup>
PTGDR	1.444186	1.49x10 <sup>-26</sup>	4.31x10 <sup>-25</sup>
CYBB	1.370461	2.07x10 <sup>-25</sup>	5.09x10 <sup>-24</sup>
C1S	1.701025	1.14x10 <sup>-46</sup>	1.63x10 <sup>-42</sup>
FGD2	1.122937	1.03x10 <sup>-22</sup>	1.79x10 <sup>-21</sup>
BVES	1.849361	2.32x10 <sup>-21</sup>	3.49x10 <sup>-20</sup>
SELL	1.459601	3.19x10 <sup>-24</sup>	6.72x10 <sup>-23</sup>
ALDH1A3	1.003946	1.42x10 <sup>-18</sup>	1.65x10 <sup>-17</sup>
PALM	1.143597	8.21x10 <sup>-22</sup>	1.28x10 <sup>-20</sup>
LIPN	1.158493	1.96x10 <sup>-03</sup>	4.01x10 <sup>-03</sup>
CLEC4A	1.021197	1.24x10 <sup>-19</sup>	1.58x10 <sup>-18</sup>
ABI3	1.104130	8.53x10 <sup>-26</sup>	2.21x10 <sup>-24</sup>
PTPN5	1.660466	7.57x10 <sup>-20</sup>	9.85x10 <sup>-19</sup>
PIK3CG	1.513782	1.45x10 <sup>-21</sup>	2.22x10 <sup>-20</sup>
PLXNC1	1.249687	1.93x10 <sup>-30</sup>	1.01x10 <sup>-28</sup>
AC119396.1	1.854062	4.52x10 <sup>-16</sup>	4.22x10 <sup>-15</sup>
THEMIS2	1.076414	2.38x10 <sup>-24</sup>	5.11x10 <sup>-23</sup>
SLC38A3	-2.524508	1.22x10 <sup>-02</sup>	2.07x10 <sup>-02</sup>
FOLR2	1.416620	6.98x10 <sup>-20</sup>	9.12x10 <sup>-19</sup>
GRB7	-1.069319	8.81x10 <sup>-13</sup>	6.25x10 <sup>-12</sup>
CD84	1.379645	3.26x10 <sup>-26</sup>	8.97x10 <sup>-25</sup>
IGFBP5	1.562042	9.34x10 <sup>-32</sup>	6.13x10 <sup>-30</sup>
ITGAL	1.234965	1.22x10 <sup>-18</sup>	1.42x10 <sup>-17</sup>
COL6A2	1.514556	2.20x10 <sup>-37</sup>	4.91x10 <sup>-35</sup>
SGCD	2.084230	4.39x10 <sup>-36</sup>	6.62x10 <sup>-34</sup>
MAN1C1	1.189483	4.81x10 <sup>-25</sup>	1.13x10 <sup>-23</sup>
SIGLEC6	1.682049	1.72x10 <sup>-20</sup>	2.37x10 <sup>-19</sup>
MAGEA12	-1.396728	1.94x10 <sup>-02</sup>	3.12x10 <sup>-02</sup>
BTK	1.477769	6.70x10 <sup>-27</sup>	2.02x10 <sup>-25</sup>
SFRP4	2.386777	1.25x10 <sup>-34</sup>	1.35x10 <sup>-32</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
SSC4D	-1.035826	2.03x10 <sup>-03</sup>	4.13x10 <sup>-03</sup>
ZEB2	1.547273	1.03x10 <sup>-42</sup>	1.39x10 <sup>-39</sup>
ADCYAP1	1.570532	1.13x10 <sup>-20</sup>	1.59x10 <sup>-19</sup>
ANO3	-1.409780	1.37x10 <sup>-02</sup>	2.29x10 <sup>-02</sup>
PLA2G5	1.201429	3.98x10 <sup>-23</sup>	7.35x10 <sup>-22</sup>
NRG4	-1.078814	5.48x10 <sup>-03</sup>	1.01x10 <sup>-02</sup>
FGF2	1.697589	3.66x10 <sup>-26</sup>	1.00x10 <sup>-24</sup>
PTGDS	1.786796	1.27x10 <sup>-19</sup>	1.62x10 <sup>-18</sup>
LZTS1	1.275693	9.12x10 <sup>-29</sup>	3.68x10 <sup>-27</sup>
SIGLEC5	1.344242	1.48x10 <sup>-20</sup>	2.05x10 <sup>-19</sup>
PTCH2	1.691746	2.33x10 <sup>-23</sup>	4.40x10 <sup>-22</sup>
DDN	-1.178001	1.66x10 <sup>-03</sup>	3.45x10 <sup>-03</sup>
ADAMTS1	1.548496	1.22x10 <sup>-28</sup>	4.79x10 <sup>-27</sup>
SLC8A2	1.179918	1.95x10 <sup>-05</sup>	6.03x10 <sup>-05</sup>
C10orf99	-1.779415	1.70x10 <sup>-02</sup>	2.78x10 <sup>-02</sup>
KCNB1	2.600579	1.23x10 <sup>-18</sup>	1.43x10 <sup>-17</sup>
SH2D3C	1.078764	1.17x10 <sup>-29</sup>	5.40x10 <sup>-28</sup>
SERPINB13	-3.104527	7.71x10 <sup>-03</sup>	1.37x10 <sup>-02</sup>
GLP2R	2.034496	4.62x10 <sup>-21</sup>	6.75x10 <sup>-20</sup>
EPHA7	2.088573	7.73x10 <sup>-19</sup>	9.15x10 <sup>-18</sup>
PBX3	1.083666	7.56x10 <sup>-23</sup>	1.34x10 <sup>-21</sup>
CNGA3	1.806815	5.52x10 <sup>-17</sup>	5.59x10 <sup>-16</sup>
ELANE	6.372447	8.12x10 <sup>-16</sup>	7.43x10 <sup>-15</sup>
PLPP4	1.439956	2.24x10 <sup>-11</sup>	1.42x10 <sup>-10</sup>
NMRK2	1.167881	1.41x10 <sup>-03</sup>	2.97x10 <sup>-03</sup>
ARHGEF26	1.333760	9.77x10 <sup>-06</sup>	3.18x10 <sup>-05</sup>
CD1C	1.682793	1.01x10 <sup>-18</sup>	1.18x10 <sup>-17</sup>
BHLHE22	2.041711	2.81x10 <sup>-38</sup>	8.55x10 <sup>-36</sup>
DOCK10	1.351211	3.67x10 <sup>-27</sup>	1.16x10 <sup>-25</sup>
USH1G	-1.839157	1.76x10 <sup>-04</sup>	4.53x10 <sup>-04</sup>
GPR183	1.427531	3.19x10 <sup>-28</sup>	1.19x10 <sup>-26</sup>
ABCA6	1.700753	1.01x10 <sup>-26</sup>	2.99x10 <sup>-25</sup>
EN2	-1.374821	1.27x10 <sup>-02</sup>	2.14x10 <sup>-02</sup>
PIRT	1.240738	1.84x10 <sup>-07</sup>	7.75x10 <sup>-07</sup>
TGM3	-5.056067	1.95x10 <sup>-03</sup>	3.98x10 <sup>-03</sup>
CADM2	1.577143	2.30x10 <sup>-08</sup>	1.09x10 <sup>-07</sup>
GRPR	1.733449	1.07x10 <sup>-14</sup>	8.92x10 <sup>-14</sup>
TMOD1	1.764421	1.63x10 <sup>-16</sup>	1.58x10 <sup>-15</sup>
CLEC2D	1.057926	6.50x10 <sup>-15</sup>	5.50x10 <sup>-14</sup>
COLEC12	1.713229	3.45x10 <sup>-31</sup>	2.03x10 <sup>-29</sup>
KCNQ5	1.285394	8.27x10 <sup>-15</sup>	6.96x10 <sup>-14</sup>
RANBP3L	1.176230	4.92x10 <sup>-13</sup>	3.56x10 <sup>-12</sup>
CACNA1C	1.473769	7.55x10 <sup>-18</sup>	8.25x10 <sup>-17</sup>
HLA-DQA2	1.240751	2.98x10 <sup>-08</sup>	1.39x10 <sup>-07</sup>
ANKRD44	1.138078	5.06x10 <sup>-23</sup>	9.16x10 <sup>-22</sup>
CCR4	1.652175	1.01x10 <sup>-23</sup>	2.04x10 <sup>-22</sup>
SPP1	1.085396	6.16x10 <sup>-04</sup>	1.41x10 <sup>-03</sup>
GZMH	1.249394	2.73x10 <sup>-13</sup>	2.01x10 <sup>-12</sup>
CIDEA	1.558391	1.43x10 <sup>-02</sup>	2.38x10 <sup>-02</sup>
NAP1L2	1.332477	2.97x10 <sup>-20</sup>	4.01x10 <sup>-19</sup>
PDE1A	1.775599	5.47x10 <sup>-35</sup>	6.53x10 <sup>-33</sup>
PRSS56	-3.387969	8.82x10 <sup>-03</sup>	1.55x10 <sup>-02</sup>
SRGN	1.367023	2.60x10 <sup>-27</sup>	8.38x10 <sup>-26</sup>
MUC21	-4.452713	3.32x10 <sup>-04</sup>	8.04x10 <sup>-04</sup>
EPHA3	2.138254	1.33x10 <sup>-27</sup>	4.46x10 <sup>-26</sup>
TCF4	1.105133	2.40x10 <sup>-32</sup>	1.74x10 <sup>-30</sup>
ST8SIA1	1.116665	4.01x10 <sup>-25</sup>	9.51x10 <sup>-24</sup>
MSC	1.264493	8.55x10 <sup>-34</sup>	7.84x10 <sup>-32</sup>
SORCS1	2.226036	3.54x10 <sup>-18</sup>	3.95x10 <sup>-17</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
SPRR2F	-3.278233	2.58x10 <sup>-02</sup>	4.05x10 <sup>-02</sup>
NRXN2	2.006279	6.28x10 <sup>-24</sup>	1.30x10 <sup>-22</sup>
NRXN3	2.242216	7.00x10 <sup>-22</sup>	1.11x10 <sup>-20</sup>
FLT3	1.313277	9.74x10 <sup>-16</sup>	8.85x10 <sup>-15</sup>
F13A1	2.175568	2.76x10 <sup>-24</sup>	5.86x10 <sup>-23</sup>
SSBP2	1.108790	1.42x10 <sup>-17</sup>	1.51x10 <sup>-16</sup>
COL1A2	1.533517	5.66x10 <sup>-31</sup>	3.24x10 <sup>-29</sup>
LRFN5	1.395239	4.39x10 <sup>-22</sup>	7.08x10 <sup>-21</sup>
FHL1	2.600716	9.42x10 <sup>-28</sup>	3.20x10 <sup>-26</sup>
DKK2	1.263139	2.75x10 <sup>-20</sup>	3.72x10 <sup>-19</sup>
COX7A1	1.359085	4.47x10 <sup>-28</sup>	1.61x10 <sup>-26</sup>
TFPI2	1.179403	3.71x10 <sup>-09</sup>	1.92x10 <sup>-08</sup>
NR4A3	1.269838	3.54x10 <sup>-16</sup>	3.35x10 <sup>-15</sup>
ZEB1	1.624362	1.17x10 <sup>-34</sup>	1.28x10 <sup>-32</sup>
MRLN	-2.235815	2.16x10 <sup>-03</sup>	4.36x10 <sup>-03</sup>
ARHGAP20	1.706190	2.40x10 <sup>-33</sup>	1.99x10 <sup>-31</sup>
PPP1R14A	1.478037	1.18x10 <sup>-13</sup>	8.89x10 <sup>-13</sup>
MEOX2	2.469433	5.94x10 <sup>-35</sup>	6.96x10 <sup>-33</sup>
ALDH3B2	-1.244149	2.73x10 <sup>-02</sup>	4.25x10 <sup>-02</sup>
CLEC3B	1.450129	3.91x10 <sup>-16</sup>	3.69x10 <sup>-15</sup>
PIK3R6	1.051966	1.76x10 <sup>-26</sup>	5.03x10 <sup>-25</sup>
LMO1	3.356503	2.00x10 <sup>-10</sup>	1.16x10 <sup>-09</sup>
KCNT2	1.350631	1.12x10 <sup>-20</sup>	1.58x10 <sup>-19</sup>
CTSV	-1.167711	1.87x10 <sup>-02</sup>	3.03x10 <sup>-02</sup>
FBLN2	1.799699	3.93x10 <sup>-32</sup>	2.73x10 <sup>-30</sup>
PRR20G	-2.059484	1.20x10 <sup>-02</sup>	2.04x10 <sup>-02</sup>
SORBS1	2.212569	5.51x10 <sup>-17</sup>	5.58x10 <sup>-16</sup>
CFL2	1.711462	2.63x10 <sup>-23</sup>	4.94x10 <sup>-22</sup>
PLIN4	2.834739	2.54x10 <sup>-15</sup>	2.23x10 <sup>-14</sup>
CNN1	3.483773	4.81x10 <sup>-28</sup>	1.73x10 <sup>-26</sup>
RAB23	1.537979	1.05x10 <sup>-23</sup>	2.10x10 <sup>-22</sup>
KRT78	-4.588626	6.45x10 <sup>-05</sup>	1.80x10 <sup>-04</sup>
FCRLB	1.202876	7.06x10 <sup>-06</sup>	2.37x10 <sup>-05</sup>
CCL14	1.088288	1.86x10 <sup>-15</sup>	1.64x10 <sup>-14</sup>
IGF1	2.374822	7.39x10 <sup>-31</sup>	4.18x10 <sup>-29</sup>
RASSF2	1.540566	7.55x10 <sup>-30</sup>	3.56x10 <sup>-28</sup>
HSPB7	3.023354	1.61x10 <sup>-27</sup>	5.36x10 <sup>-26</sup>
OMD	2.862110	4.47x10 <sup>-35</sup>	5.47x10 <sup>-33</sup>
SRL	1.015036	3.06x10 <sup>-13</sup>	2.25x10 <sup>-12</sup>
VCAN	1.442501	2.41x10 <sup>-31</sup>	1.47x10 <sup>-29</sup>
CYP1B1	2.499727	1.73x10 <sup>-33</sup>	1.48x10 <sup>-31</sup>
ITGAX	1.075519	1.79x10 <sup>-22</sup>	3.03x10 <sup>-21</sup>
CDC6	-1.160786	1.04x10 <sup>-09</sup>	5.67x10 <sup>-09</sup>
FAM129A	1.901310	1.25x10 <sup>-25</sup>	3.18x10 <sup>-24</sup>
PCDHGA3	1.583196	7.70x10 <sup>-22</sup>	1.21x10 <sup>-20</sup>
COL1A1	1.433477	7.26x10 <sup>-24</sup>	1.49x10 <sup>-22</sup>
SERPING1	1.619538	1.38x10 <sup>-41</sup>	1.04x10 <sup>-38</sup>
HSPB6	3.371855	6.10x10 <sup>-26</sup>	1.61x10 <sup>-24</sup>
CPZ	1.435071	3.71x10 <sup>-27</sup>	1.17x10 <sup>-25</sup>
PRICKLE1	1.313689	1.87x10 <sup>-23</sup>	3.59x10 <sup>-22</sup>
NCAM1	1.210897	1.19x10 <sup>-20</sup>	1.67x10 <sup>-19</sup>
ADH1A	1.769337	8.38x10 <sup>-04</sup>	1.86x10 <sup>-03</sup>
ITIH5	1.705749	6.29x10 <sup>-23</sup>	1.12x10 <sup>-21</sup>
GZMB	1.087999	6.51x10 <sup>-07</sup>	2.56x10 <sup>-06</sup>
COL11A1	1.447872	1.00x10 <sup>-10</sup>	5.99x10 <sup>-10</sup>
MPO	5.403332	4.03x10 <sup>-10</sup>	2.29x10 <sup>-09</sup>
RBFOX3	2.268245	4.42x10 <sup>-05</sup>	1.28x10 <sup>-04</sup>
CLEC4E	1.436075	1.96x10 <sup>-15</sup>	1.73x10 <sup>-14</sup>
ARHGDIIB	1.107917	6.46x10 <sup>-26</sup>	1.70x10 <sup>-24</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
GHR	1.822844	3.73x10 <sup>-29</sup>	1.58x10 <sup>-27</sup>
SSPN	1.132956	1.33x10 <sup>-22</sup>	2.27x10 <sup>-21</sup>
OSCAR	1.034075	3.91x10 <sup>-18</sup>	4.35x10 <sup>-17</sup>
PHOX2A	2.461111	5.52x10 <sup>-08</sup>	2.49x10 <sup>-07</sup>
CEACAM4	1.428215	5.17x10 <sup>-21</sup>	7.52x10 <sup>-20</sup>
CALY	1.130202	1.05x10 <sup>-05</sup>	3.40x10 <sup>-05</sup>
VNN3	-1.058636	3.83x10 <sup>-03</sup>	7.30x10 <sup>-03</sup>
GMFG	1.026265	7.87x10 <sup>-26</sup>	2.05x10 <sup>-24</sup>
RAMP3	1.073165	9.57x10 <sup>-24</sup>	1.94x10 <sup>-22</sup>
CLEC1A	1.034946	3.54x10 <sup>-26</sup>	9.68x10 <sup>-25</sup>
IRF4	1.065942	5.69x10 <sup>-14</sup>	4.40x10 <sup>-13</sup>
MSN	1.093069	4.12x10 <sup>-35</sup>	5.08x10 <sup>-33</sup>
OLFML3	1.550117	4.91x10 <sup>-35</sup>	5.96x10 <sup>-33</sup>
SMOC2	1.893340	1.78x10 <sup>-24</sup>	3.88x10 <sup>-23</sup>
WNT3A	-1.151292	1.44x10 <sup>-02</sup>	2.40x10 <sup>-02</sup>
HVCN1	1.141597	1.09x10 <sup>-27</sup>	3.66x10 <sup>-26</sup>
RHOH	1.273417	6.70x10 <sup>-21</sup>	9.64x10 <sup>-20</sup>
ASPA	1.186047	1.47x10 <sup>-19</sup>	1.85x10 <sup>-18</sup>
MS4A14	1.078645	4.13x10 <sup>-20</sup>	5.50x10 <sup>-19</sup>
TNS1	2.221994	1.30x10 <sup>-30</sup>	7.15x10 <sup>-29</sup>
BOC	2.450199	1.73x10 <sup>-35</sup>	2.29x10 <sup>-33</sup>
SLIT3	1.868013	2.50x10 <sup>-28</sup>	9.45x10 <sup>-27</sup>
ADAMTSL1	1.267311	1.00x10 <sup>-22</sup>	1.74x10 <sup>-21</sup>
IFNG	1.039938	2.79x10 <sup>-04</sup>	6.89x10 <sup>-04</sup>
COL5A1	1.408912	6.11x10 <sup>-30</sup>	2.95x10 <sup>-28</sup>
COL6A1	1.026726	1.25x10 <sup>-25</sup>	3.18x10 <sup>-24</sup>
IKZF1	1.468981	4.69x10 <sup>-23</sup>	8.57x10 <sup>-22</sup>
PMCH	1.026215	7.35x10 <sup>-03</sup>	1.31x10 <sup>-02</sup>
RUNX1T1	1.560156	6.94x10 <sup>-32</sup>	4.58x10 <sup>-30</sup>
CD33	1.528278	4.01x10 <sup>-28</sup>	1.46x10 <sup>-26</sup>
CRISPLD1	1.320766	3.24x10 <sup>-19</sup>	4.00x10 <sup>-18</sup>
PLEKHO1	1.447681	1.06x10 <sup>-37</sup>	2.66x10 <sup>-35</sup>
CCR2	1.722590	1.31x10 <sup>-25</sup>	3.31x10 <sup>-24</sup>
PDE2A	1.394433	1.40x10 <sup>-21</sup>	2.15x10 <sup>-20</sup>
FAT4	1.535031	3.98x10 <sup>-24</sup>	8.36x10 <sup>-23</sup>
IGLL1	2.567697	1.93x10 <sup>-08</sup>	9.25x10 <sup>-08</sup>
FRZB	1.767413	5.55x10 <sup>-27</sup>	1.69x10 <sup>-25</sup>
SLC5A7	2.721422	5.31x10 <sup>-08</sup>	2.40x10 <sup>-07</sup>
KLK13	-2.898528	3.50x10 <sup>-03</sup>	6.75x10 <sup>-03</sup>
LST1	1.159304	1.06x10 <sup>-25</sup>	2.73x10 <sup>-24</sup>
GFRA2	1.567984	5.46x10 <sup>-18</sup>	6.03x10 <sup>-17</sup>
CR2	1.400731	4.01x10 <sup>-09</sup>	2.07x10 <sup>-08</sup>
ECM2	1.506692	8.26x10 <sup>-37</sup>	1.51x10 <sup>-34</sup>
MMP16	1.420333	7.82x10 <sup>-25</sup>	1.79x10 <sup>-23</sup>
HS3ST3A1	1.067205	1.15x10 <sup>-22</sup>	1.99x10 <sup>-21</sup>
LAYN	1.717734	1.21x10 <sup>-39</sup>	5.08x10 <sup>-37</sup>
ZNF471	1.071004	2.52x10 <sup>-22</sup>	4.17x10 <sup>-21</sup>
LILRB2	1.215289	1.02x10 <sup>-22</sup>	1.77x10 <sup>-21</sup>
GNG2	1.226345	3.07x10 <sup>-31</sup>	1.82x10 <sup>-29</sup>
NEBL	-1.102811	6.77x10 <sup>-05</sup>	1.88x10 <sup>-04</sup>
ENTPD8	-1.877829	2.56x10 <sup>-14</sup>	2.05x10 <sup>-13</sup>
GLIS1	1.092187	2.63x10 <sup>-14</sup>	2.10x10 <sup>-13</sup>
SIGLEC8	1.672832	2.09x10 <sup>-18</sup>	2.39x10 <sup>-17</sup>
MRGPRF	2.574052	1.51x10 <sup>-35</sup>	2.03x10 <sup>-33</sup>
DNAJB5	2.036216	1.77x10 <sup>-30</sup>	9.39x10 <sup>-29</sup>
NPR3	1.404266	2.10x10 <sup>-14</sup>	1.69x10 <sup>-13</sup>
IL2RB	1.041836	1.52x10 <sup>-14</sup>	1.24x10 <sup>-13</sup>
MUC3A	-1.010272	4.35x10 <sup>-04</sup>	1.03x10 <sup>-03</sup>
OCA2	-1.223268	1.56x10 <sup>-02</sup>	2.58x10 <sup>-02</sup>



Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
GALNT15	1.680270	1.06x10 <sup>-24</sup>	2.38x10 <sup>-23</sup>
FILIP1	2.079859	3.22x10 <sup>-26</sup>	8.89x10 <sup>-25</sup>
CDH11	1.690459	1.94x10 <sup>-43</sup>	6.95x10 <sup>-40</sup>
RETN	1.545515	6.85x10 <sup>-08</sup>	3.06x10 <sup>-07</sup>
BIN2	1.080822	2.99x10 <sup>-22</sup>	4.90x10 <sup>-21</sup>
ADIPOQ	2.626537	5.02x10 <sup>-06</sup>	1.73x10 <sup>-05</sup>
C1QB	1.383857	3.64x10 <sup>-21</sup>	5.37x10 <sup>-20</sup>
NTNG2	1.172874	7.69x10 <sup>-34</sup>	7.14x10 <sup>-32</sup>
CLEC4G	1.489471	5.16x10 <sup>-15</sup>	4.40x10 <sup>-14</sup>
LOX	1.377864	7.97x10 <sup>-28</sup>	2.75x10 <sup>-26</sup>
SIT1	1.385408	6.15x10 <sup>-17</sup>	6.20x10 <sup>-16</sup>
NCS1	1.330839	1.39x10 <sup>-11</sup>	8.93x10 <sup>-11</sup>
CSPG4	1.354373	8.27x10 <sup>-15</sup>	6.96x10 <sup>-14</sup>
SCN7A	2.942718	8.04x10 <sup>-22</sup>	1.26x10 <sup>-20</sup>
TAGLN	2.627727	5.70x10 <sup>-36</sup>	8.33x10 <sup>-34</sup>
COL4A6	1.004373	3.41x10 <sup>-06</sup>	1.21x10 <sup>-05</sup>
PYGM	2.472403	1.13x10 <sup>-23</sup>	2.25x10 <sup>-22</sup>
NR2F1	1.277281	2.03x10 <sup>-21</sup>	3.07x10 <sup>-20</sup>
BICC1	1.794458	4.11x10 <sup>-38</sup>	1.20x10 <sup>-35</sup>
ANGPTL7	2.499487	1.67x10 <sup>-22</sup>	2.84x10 <sup>-21</sup>
HLA-DQB1	1.016060	1.63x10 <sup>-12</sup>	1.13x10 <sup>-11</sup>
TMEM40	-2.002645	1.65x10 <sup>-02</sup>	2.70x10 <sup>-02</sup>
BMPER	1.607101	5.57x10 <sup>-19</sup>	6.73x10 <sup>-18</sup>
ACTN2	2.937983	1.26x10 <sup>-15</sup>	1.13x10 <sup>-14</sup>
CDK15	1.017253	3.94x10 <sup>-15</sup>	3.37x10 <sup>-14</sup>
GEM	1.312473	4.01x10 <sup>-25</sup>	9.51x10 <sup>-24</sup>
CBX7	1.003682	2.35x10 <sup>-15</sup>	2.06x10 <sup>-14</sup>
LILRA6	1.030157	4.82x10 <sup>-14</sup>	3.76x10 <sup>-13</sup>
CD247	1.037752	1.56x10 <sup>-14</sup>	1.27x10 <sup>-13</sup>
PAX9	-1.862291	7.62x10 <sup>-06</sup>	2.54x10 <sup>-05</sup>
CLEC2B	1.092385	6.95x10 <sup>-27</sup>	2.08x10 <sup>-25</sup>
SLC24A3	1.217002	2.18x10 <sup>-23</sup>	4.15x10 <sup>-22</sup>
SIGLEC1	1.423578	9.91x10 <sup>-23</sup>	1.72x10 <sup>-21</sup>
COL21A1	1.277294	4.08x10 <sup>-12</sup>	2.75x10 <sup>-11</sup>
FCER1A	2.254863	1.78x10 <sup>-17</sup>	1.88x10 <sup>-16</sup>
GLRB	1.114134	3.69x10 <sup>-19</sup>	4.52x10 <sup>-18</sup>
SCGB2A1	-1.447584	4.95x10 <sup>-04</sup>	1.16x10 <sup>-03</sup>
LY9	1.395347	8.32x10 <sup>-19</sup>	9.79x10 <sup>-18</sup>
ADGRF1	-1.679550	1.24x10 <sup>-04</sup>	3.27x10 <sup>-04</sup>
SP9	-2.749142	4.08x10 <sup>-03</sup>	7.72x10 <sup>-03</sup>
GYPE	1.657443	9.45x10 <sup>-40</sup>	4.22x10 <sup>-37</sup>
LIX1L	1.091024	3.53x10 <sup>-25</sup>	8.49x10 <sup>-24</sup>
CRNN	-5.012687	3.44x10 <sup>-04</sup>	8.32x10 <sup>-04</sup>
JAM2	1.838299	2.03x10 <sup>-32</sup>	1.48x10 <sup>-30</sup>
IL24	1.038672	3.99x10 <sup>-09</sup>	2.06x10 <sup>-08</sup>
ATP1A2	3.188050	1.33x10 <sup>-24</sup>	2.95x10 <sup>-23</sup>
TIMP3	1.841386	1.53x10 <sup>-34</sup>	1.64x10 <sup>-32</sup>
CALHM3	-1.192887	2.60x10 <sup>-03</sup>	5.16x10 <sup>-03</sup>
TLL1	1.688485	4.87x10 <sup>-28</sup>	1.74x10 <sup>-26</sup>
CLEC5A	1.220091	4.72x10 <sup>-12</sup>	3.17x10 <sup>-11</sup>
HEG1	1.358926	4.80x10 <sup>-39</sup>	1.81x10 <sup>-36</sup>
LRRN2	1.352370	7.77x10 <sup>-19</sup>	9.18x10 <sup>-18</sup>
JPH2	2.694678	4.62x10 <sup>-21</sup>	6.75x10 <sup>-20</sup>
NOVA1	1.187598	5.81x10 <sup>-16</sup>	5.39x10 <sup>-15</sup>
PTPN7	1.046129	7.73x10 <sup>-16</sup>	7.10x10 <sup>-15</sup>
FXFD6	1.770488	2.37x10 <sup>-33</sup>	1.97x10 <sup>-31</sup>
LGALS7B	-1.144393	1.01x10 <sup>-04</sup>	2.71x10 <sup>-04</sup>
PHLDB1	1.057816	4.38x10 <sup>-27</sup>	1.36x10 <sup>-25</sup>
NTM	1.409583	4.74x10 <sup>-23</sup>	8.62x10 <sup>-22</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
CD200	1.243185	8.55x10 <sup>-35</sup>	9.56x10 <sup>-33</sup>
KERA	3.055449	1.22x10 <sup>-28</sup>	4.79x10 <sup>-27</sup>
CYTH4	1.200129	1.78x10 <sup>-25</sup>	4.42x10 <sup>-24</sup>
MS4A1	1.531080	1.48x10 <sup>-15</sup>	1.32x10 <sup>-14</sup>
HOXA9	-1.051476	1.25x10 <sup>-03</sup>	2.68x10 <sup>-03</sup>
KLRC4	1.068766	3.82x10 <sup>-08</sup>	1.76x10 <sup>-07</sup>
SIGLEC10	1.609576	6.24x10 <sup>-25</sup>	1.45x10 <sup>-23</sup>
CLEC12A	1.380035	7.12x10 <sup>-19</sup>	8.48x10 <sup>-18</sup>
GPR15	1.338855	1.22x10 <sup>-04</sup>	3.23x10 <sup>-04</sup>
QKI	1.022018	1.43x10 <sup>-31</sup>	9.03x10 <sup>-30</sup>
HCST	1.255425	3.49x10 <sup>-21</sup>	5.17x10 <sup>-20</sup>
FBLN5	1.610721	4.76x10 <sup>-34</sup>	4.60x10 <sup>-32</sup>
CD93	1.032987	7.48x10 <sup>-25</sup>	1.72x10 <sup>-23</sup>
FCRL3	1.462219	1.48x10 <sup>-14</sup>	1.21x10 <sup>-13</sup>
GREM2	1.980385	2.64x10 <sup>-15</sup>	2.30x10 <sup>-14</sup>
P2RY10	1.520657	1.33x10 <sup>-19</sup>	1.68x10 <sup>-18</sup>
MS4A2	1.237225	1.74x10 <sup>-15</sup>	1.55x10 <sup>-14</sup>
CHRNA3	2.782873	2.40x10 <sup>-13</sup>	1.77x10 <sup>-12</sup>
PRG4	2.449932	8.96x10 <sup>-25</sup>	2.03x10 <sup>-23</sup>
LRRC10B	1.305286	1.79x10 <sup>-07</sup>	7.54x10 <sup>-07</sup>
PRKG1	1.430829	8.13x10 <sup>-30</sup>	3.82x10 <sup>-28</sup>
NKX2-8	-1.410713	6.39x10 <sup>-03</sup>	1.16x10 <sup>-02</sup>
MAPK10	1.912879	8.15x10 <sup>-33</sup>	6.27x10 <sup>-31</sup>
MYOM1	1.150179	1.62x10 <sup>-06</sup>	6.02x10 <sup>-06</sup>
PLN	2.811133	1.08x10 <sup>-30</sup>	5.94x10 <sup>-29</sup>
SERTM2	3.167372	7.68x10 <sup>-22</sup>	1.21x10 <sup>-20</sup>
RGL3	-1.197899	2.63x10 <sup>-05</sup>	7.96x10 <sup>-05</sup>
SLC18A3	2.164369	1.70x10 <sup>-14</sup>	1.38x10 <sup>-13</sup>
CTGF	1.296417	7.55x10 <sup>-30</sup>	3.56x10 <sup>-28</sup>
CCL5	1.107619	6.24x10 <sup>-14</sup>	4.81x10 <sup>-13</sup>
DAAM2	1.560936	1.93x10 <sup>-24</sup>	4.16x10 <sup>-23</sup>
FAM198A	1.669894	4.21x10 <sup>-22</sup>	6.80x10 <sup>-21</sup>
IGFL4	-1.339490	1.06x10 <sup>-02</sup>	1.83x10 <sup>-02</sup>
FCN1	1.855597	3.15x10 <sup>-25</sup>	7.64x10 <sup>-24</sup>
TNFSF8	1.614259	6.03x10 <sup>-27</sup>	1.82x10 <sup>-25</sup>
ST6GAL2	1.215123	4.96x10 <sup>-20</sup>	6.56x10 <sup>-19</sup>
MARCH1	1.061145	4.96x10 <sup>-21</sup>	7.23x10 <sup>-20</sup>
COL8A2	1.713269	3.50x10 <sup>-35</sup>	4.39x10 <sup>-33</sup>
CMKLR1	1.239718	3.39x10 <sup>-30</sup>	1.73x10 <sup>-28</sup>
PDE3A	1.434235	1.31x10 <sup>-24</sup>	2.92x10 <sup>-23</sup>
PCDHB7	1.024348	1.01x10 <sup>-21</sup>	1.57x10 <sup>-20</sup>
MYO1G	1.294867	4.63x10 <sup>-22</sup>	7.45x10 <sup>-21</sup>
CD28	1.257099	7.20x10 <sup>-21</sup>	1.03x10 <sup>-19</sup>
ADGRE1	1.319680	4.52x10 <sup>-15</sup>	3.86x10 <sup>-14</sup>
THRSP	1.725861	4.87x10 <sup>-05</sup>	1.40x10 <sup>-04</sup>
IGSF21	1.164697	1.28x10 <sup>-14</sup>	1.05x10 <sup>-13</sup>
PROM2	-1.129685	1.08x10 <sup>-06</sup>	4.11x10 <sup>-06</sup>
SPIC	1.167037	6.38x10 <sup>-04</sup>	1.46x10 <sup>-03</sup>
HLF	1.498061	9.07x10 <sup>-08</sup>	3.98x10 <sup>-07</sup>
MS4A4A	1.540188	8.36x10 <sup>-28</sup>	2.88x10 <sup>-26</sup>
PRAM1	1.268032	1.16x10 <sup>-28</sup>	4.61x10 <sup>-27</sup>
MAB21L2	1.974814	1.08x10 <sup>-10</sup>	6.41x10 <sup>-10</sup>
MEFV	1.059761	1.41x10 <sup>-12</sup>	9.88x10 <sup>-12</sup>
TESPA1	1.375491	2.29x10 <sup>-22</sup>	3.82x10 <sup>-21</sup>
PDZRN4	3.244755	9.04x10 <sup>-33</sup>	6.88x10 <sup>-31</sup>
ARHGAP25	1.179963	3.26x10 <sup>-24</sup>	6.86x10 <sup>-23</sup>
GALNT16	1.307351	7.75x10 <sup>-17</sup>	7.74x10 <sup>-16</sup>
SYNPO	1.040229	4.44x10 <sup>-20</sup>	5.90x10 <sup>-19</sup>
FIBIN	1.832206	5.60x10 <sup>-41</sup>	3.21x10 <sup>-38</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
CD48	1.397237	7.98x10 <sup>-23</sup>	1.40x10 <sup>-21</sup>
ATP1B2	1.296802	4.53x10 <sup>-19</sup>	5.51x10 <sup>-18</sup>
NTRK1	1.248352	3.14x10 <sup>-20</sup>	4.23x10 <sup>-19</sup>
MAFB	1.374526	5.14x10 <sup>-37</sup>	1.02x10 <sup>-34</sup>
SCUBE1	1.136035	7.61x10 <sup>-09</sup>	3.83x10 <sup>-08</sup>
FXYP1	1.756881	1.65x10 <sup>-20</sup>	2.28x10 <sup>-19</sup>
LGALS1	1.080225	3.51x10 <sup>-28</sup>	1.30x10 <sup>-26</sup>
OPRL1	1.061012	1.12x10 <sup>-14</sup>	9.26x10 <sup>-14</sup>
ADAMTSL3	2.054731	1.27x10 <sup>-27</sup>	4.27x10 <sup>-26</sup>
ORM2	-1.265921	1.99x10 <sup>-02</sup>	3.20x10 <sup>-02</sup>
SAMSN1	1.128590	1.12x10 <sup>-23</sup>	2.23x10 <sup>-22</sup>
RBMS3	1.700310	1.84x10 <sup>-31</sup>	1.14x10 <sup>-29</sup>
HOXA4	1.017510	8.21x10 <sup>-11</sup>	4.93x10 <sup>-10</sup>
ABCA9	2.031632	2.00x10 <sup>-26</sup>	5.68x10 <sup>-25</sup>
CYR61	1.313479	9.32x10 <sup>-21</sup>	1.32x10 <sup>-19</sup>
PRRX1	1.739976	2.99x10 <sup>-36</sup>	4.70x10 <sup>-34</sup>
CCR7	1.641101	4.81x10 <sup>-20</sup>	6.37x10 <sup>-19</sup>
GPRASP1	1.811367	1.43x10 <sup>-25</sup>	3.61x10 <sup>-24</sup>
LMO3	1.578754	1.80x10 <sup>-17</sup>	1.90x10 <sup>-16</sup>
SOD3	1.538411	1.56x10 <sup>-28</sup>	6.00x10 <sup>-27</sup>
AEBP1	1.669103	2.24x10 <sup>-36</sup>	3.72x10 <sup>-34</sup>
CARTPT	4.445904	4.01x10 <sup>-13</sup>	2.92x10 <sup>-12</sup>
EPHA6	1.845257	2.31x10 <sup>-12</sup>	1.59x10 <sup>-11</sup>
APCDD1L	1.224516	1.04x10 <sup>-19</sup>	1.34x10 <sup>-18</sup>
VEGFD	2.629351	1.70x10 <sup>-14</sup>	1.37x10 <sup>-13</sup>
PDPN	1.258568	1.79x10 <sup>-30</sup>	9.44x10 <sup>-29</sup>
BPI	2.132786	1.02x10 <sup>-17</sup>	1.10x10 <sup>-16</sup>
NFASC	1.782083	3.77x10 <sup>-20</sup>	5.04x10 <sup>-19</sup>
RBPM3	2.211929	3.45x10 <sup>-18</sup>	3.86x10 <sup>-17</sup>
RGS18	1.326506	2.34x10 <sup>-22</sup>	3.89x10 <sup>-21</sup>
CR1	1.530276	9.53x10 <sup>-20</sup>	1.23x10 <sup>-18</sup>
SLA	1.486402	8.79x10 <sup>-27</sup>	2.60x10 <sup>-25</sup>
VIM	1.138392	1.53x10 <sup>-43</sup>	6.95x10 <sup>-40</sup>
RNASE3	2.608801	2.22x10 <sup>-10</sup>	1.28x10 <sup>-09</sup>
HSPB2	1.627826	1.07x10 <sup>-30</sup>	5.89x10 <sup>-29</sup>
ZNF423	1.508576	9.83x10 <sup>-32</sup>	6.42x10 <sup>-30</sup>
CMTM3	1.104246	7.15x10 <sup>-33</sup>	5.56x10 <sup>-31</sup>
ENOX1	1.324084	3.00x10 <sup>-32</sup>	2.13x10 <sup>-30</sup>
AOC3	2.420459	2.11x10 <sup>-38</sup>	6.72x10 <sup>-36</sup>
RFTN1	1.381008	6.68x10 <sup>-41</sup>	3.68x10 <sup>-38</sup>
SAMD4A	1.140633	7.57x10 <sup>-20</sup>	9.85x10 <sup>-19</sup>
PPP1R12B	2.263149	7.89x10 <sup>-17</sup>	7.87x10 <sup>-16</sup>
HTR2B	1.121784	7.19x10 <sup>-19</sup>	8.55x10 <sup>-18</sup>
SGIP1	1.141834	8.17x10 <sup>-29</sup>	3.31x10 <sup>-27</sup>
KCNIP1	1.382606	1.37x10 <sup>-21</sup>	2.11x10 <sup>-20</sup>
CYP7B1	1.204925	1.06x10 <sup>-23</sup>	2.12x10 <sup>-22</sup>
MYOT	1.068902	3.48x10 <sup>-08</sup>	1.61x10 <sup>-07</sup>
ABI3BP	2.512288	3.10x10 <sup>-29</sup>	1.32x10 <sup>-27</sup>
A2M	1.503734	6.61x10 <sup>-37</sup>	1.26x10 <sup>-34</sup>
DUSP9	-1.290147	2.31x10 <sup>-04</sup>	5.80x10 <sup>-04</sup>
LOXL1	1.014039	1.44x10 <sup>-24</sup>	3.18x10 <sup>-23</sup>
CHRDL2	3.030290	4.80x10 <sup>-31</sup>	2.78x10 <sup>-29</sup>
EML1	1.600163	1.84x10 <sup>-26</sup>	5.26x10 <sup>-25</sup>
CEL	-3.552914	1.20x10 <sup>-02</sup>	2.04x10 <sup>-02</sup>
PLXDC2	1.786909	6.90x10 <sup>-43</sup>	1.33x10 <sup>-39</sup>
NRROS	1.074993	2.11x10 <sup>-25</sup>	5.20x10 <sup>-24</sup>
CXCR4	1.184306	5.77x10 <sup>-23</sup>	1.03x10 <sup>-21</sup>
VSIG4	1.492236	2.30x10 <sup>-24</sup>	4.95x10 <sup>-23</sup>
WIPF1	1.309000	3.39x10 <sup>-37</sup>	7.45x10 <sup>-35</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
SMTN	1.463613	3.83x10 <sup>-13</sup>	2.79x10 <sup>-12</sup>
COL8A1	2.161409	1.88x10 <sup>-41</sup>	1.24x10 <sup>-38</sup>
SHE	1.139059	4.03x10 <sup>-27</sup>	1.26x10 <sup>-25</sup>
RAB33A	1.178369	3.08x10 <sup>-26</sup>	8.55x10 <sup>-25</sup>
SERPINA9	4.475983	2.72x10 <sup>-05</sup>	8.20x10 <sup>-05</sup>
DTHD1	1.235618	6.35x10 <sup>-13</sup>	4.57x10 <sup>-12</sup>
DGKB	1.243494	4.23x10 <sup>-07</sup>	1.70x10 <sup>-06</sup>
REM1	1.364057	2.57x10 <sup>-31</sup>	1.55x10 <sup>-29</sup>
ZPLD1	1.057915	8.64x10 <sup>-04</sup>	1.91x10 <sup>-03</sup>
TM6SF1	1.439113	3.69x10 <sup>-34</sup>	3.67x10 <sup>-32</sup>
NKAPL	1.753796	6.24x10 <sup>-29</sup>	2.57x10 <sup>-27</sup>
JAM3	1.459493	1.39x10 <sup>-35</sup>	1.91x10 <sup>-33</sup>
ITGB3	1.314109	1.20x10 <sup>-21</sup>	1.85x10 <sup>-20</sup>
FAT3	2.555848	1.75x10 <sup>-23</sup>	3.38x10 <sup>-22</sup>
MNDA	1.493313	2.33x10 <sup>-28</sup>	8.81x10 <sup>-27</sup>
CD3D	1.080086	2.80x10 <sup>-15</sup>	2.44x10 <sup>-14</sup>
BCHE	2.214548	1.52x10 <sup>-19</sup>	1.92x10 <sup>-18</sup>
CLC	2.287100	1.03x10 <sup>-07</sup>	4.47x10 <sup>-07</sup>
MGP	2.452642	8.37x10 <sup>-36</sup>	1.19x10 <sup>-33</sup>
RTL3	1.816080	3.27x10 <sup>-26</sup>	8.98x10 <sup>-25</sup>
DZIP1	1.083100	1.25x10 <sup>-26</sup>	3.64x10 <sup>-25</sup>
FN1	1.456631	4.39x10 <sup>-25</sup>	1.04x10 <sup>-23</sup>
PNMT	-1.462146	1.05x10 <sup>-03</sup>	2.28x10 <sup>-03</sup>
CRISP3	-2.405102	1.65x10 <sup>-02</sup>	2.71x10 <sup>-02</sup>
DMD	1.708898	6.02x10 <sup>-15</sup>	5.11x10 <sup>-14</sup>
FCGR1B	1.254808	5.04x10 <sup>-22</sup>	8.09x10 <sup>-21</sup>
KIRREL1	1.153475	1.46x10 <sup>-31</sup>	9.23x10 <sup>-30</sup>
CD96	1.130924	1.15x10 <sup>-16</sup>	1.13x10 <sup>-15</sup>
HLA-DPB1	1.051917	1.45x10 <sup>-17</sup>	1.54x10 <sup>-16</sup>
ZNF366	1.083977	1.87x10 <sup>-22</sup>	3.14x10 <sup>-21</sup>
IL1R1	1.250599	3.46x10 <sup>-32</sup>	2.45x10 <sup>-30</sup>
BEND6	1.353691	1.41x10 <sup>-24</sup>	3.11x10 <sup>-23</sup>
ZNF853	1.042402	9.84x10 <sup>-17</sup>	9.79x10 <sup>-16</sup>
SYNGR4	-1.604811	1.13x10 <sup>-04</sup>	3.00x10 <sup>-04</sup>
KCNK2	1.628692	1.37x10 <sup>-20</sup>	1.91x10 <sup>-19</sup>
LIMS2	2.037874	3.99x10 <sup>-30</sup>	1.99x10 <sup>-28</sup>
ADAMDEC1	1.296564	2.48x10 <sup>-13</sup>	1.83x10 <sup>-12</sup>
ZNF804A	1.266704	7.55x10 <sup>-19</sup>	8.94x10 <sup>-18</sup>
KRT32	-2.446739	1.66x10 <sup>-02</sup>	2.72x10 <sup>-02</sup>
SERPINB3	-1.699187	6.99x10 <sup>-03</sup>	1.26x10 <sup>-02</sup>
PCOLCE	1.400086	5.72x10 <sup>-32</sup>	3.81x10 <sup>-30</sup>
TFEC	1.191484	2.32x10 <sup>-20</sup>	3.16x10 <sup>-19</sup>
FPR3	1.478648	5.23x10 <sup>-27</sup>	1.61x10 <sup>-25</sup>
EBF1	1.467883	7.91x10 <sup>-27</sup>	2.36x10 <sup>-25</sup>
TNFSF12	1.129167	2.78x10 <sup>-30</sup>	1.42x10 <sup>-28</sup>
PAGE1	-2.150629	4.92x10 <sup>-03</sup>	9.18x10 <sup>-03</sup>
PDE1B	1.400634	1.36x10 <sup>-30</sup>	7.37x10 <sup>-29</sup>
ITPKB	1.279054	1.45x10 <sup>-18</sup>	1.68x10 <sup>-17</sup>
ACKR1	2.016686	2.78x10 <sup>-23</sup>	5.21x10 <sup>-22</sup>
SPIB	2.343338	6.48x10 <sup>-07</sup>	2.54x10 <sup>-06</sup>
EMILIN1	1.738029	2.78x10 <sup>-39</sup>	1.14x10 <sup>-36</sup>
KRT6B	-2.306840	5.07x10 <sup>-03</sup>	9.41x10 <sup>-03</sup>
LAX1	1.397690	2.93x10 <sup>-17</sup>	3.04x10 <sup>-16</sup>
FGF7	2.138632	4.80x10 <sup>-37</sup>	9.81x10 <sup>-35</sup>
SVIL	1.486837	2.63x10 <sup>-14</sup>	2.10x10 <sup>-13</sup>
KCNMB1	2.544607	9.69x10 <sup>-29</sup>	3.86x10 <sup>-27</sup>
SMPX	1.890521	1.72x10 <sup>-08</sup>	8.31x10 <sup>-08</sup>
PLXNA4	1.575556	3.50x10 <sup>-26</sup>	9.58x10 <sup>-25</sup>
THBS2	1.594489	5.04x10 <sup>-28</sup>	1.80x10 <sup>-26</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
LGI2	1.630190	1.18x10 <sup>-28</sup>	4.64x10 <sup>-27</sup>
MFAP5	2.274193	1.17x10 <sup>-36</sup>	2.09x10 <sup>-34</sup>
VXN	1.657517	8.62x10 <sup>-12</sup>	5.66x10 <sup>-11</sup>
NACAD	1.450190	8.57x10 <sup>-19</sup>	1.01x10 <sup>-17</sup>
PDE7B	1.636312	1.28x10 <sup>-18</sup>	1.49x10 <sup>-17</sup>
TCL1A	1.523493	4.25x10 <sup>-11</sup>	2.62x10 <sup>-10</sup>
CLEC10A	1.824458	6.64x10 <sup>-22</sup>	1.05x10 <sup>-20</sup>
TRABD2B	1.029319	3.98x10 <sup>-17</sup>	4.08x10 <sup>-16</sup>
CTNNA3	2.138564	1.82x10 <sup>-18</sup>	2.09x10 <sup>-17</sup>
AZU1	4.430710	6.72x10 <sup>-04</sup>	1.52x10 <sup>-03</sup>
VEGFC	1.121333	3.94x10 <sup>-38</sup>	1.18x10 <sup>-35</sup>
TRAF3IP3	1.299412	2.35x10 <sup>-21</sup>	3.52x10 <sup>-20</sup>
DACT1	1.335473	5.59x10 <sup>-30</sup>	2.72x10 <sup>-28</sup>
NID2	1.172682	1.54x10 <sup>-28</sup>	5.94x10 <sup>-27</sup>
PADI1	-2.360914	2.25x10 <sup>-02</sup>	3.58x10 <sup>-02</sup>
KCNN3	1.747332	8.60x10 <sup>-31</sup>	4.81x10 <sup>-29</sup>
LHFPL6	1.497658	1.82x10 <sup>-36</sup>	3.21x10 <sup>-34</sup>
ATP8B2	1.420210	1.13x10 <sup>-33</sup>	9.98x10 <sup>-32</sup>
ANKRD18B	-1.165486	2.40x10 <sup>-04</sup>	6.00x10 <sup>-04</sup>
MAP1A	1.837720	3.48x10 <sup>-36</sup>	5.41x10 <sup>-34</sup>
DLG2	1.055555	2.91x10 <sup>-13</sup>	2.14x10 <sup>-12</sup>
UNC45B	1.155664	1.35x10 <sup>-11</sup>	8.68x10 <sup>-11</sup>
CALHM5	1.298294	2.83x10 <sup>-36</sup>	4.50x10 <sup>-34</sup>
IL17C	-1.493887	1.63x10 <sup>-03</sup>	3.40x10 <sup>-03</sup>
LY96	1.224275	5.53x10 <sup>-30</sup>	2.71x10 <sup>-28</sup>
PRND	1.349291	1.09x10 <sup>-17</sup>	1.17x10 <sup>-16</sup>
INSYN2B	1.268910	6.99x10 <sup>-17</sup>	7.01x10 <sup>-16</sup>
DIXDC1	1.582215	3.24x10 <sup>-23</sup>	6.03x10 <sup>-22</sup>
LRRC26	-1.176286	2.27x10 <sup>-04</sup>	5.70x10 <sup>-04</sup>
TFR2	-1.026952	1.86x10 <sup>-08</sup>	8.94x10 <sup>-08</sup>
TLR10	1.729322	4.85x10 <sup>-16</sup>	4.52x10 <sup>-15</sup>
FDCSP	1.584119	2.75x10 <sup>-09</sup>	1.44x10 <sup>-08</sup>
SPN	1.143678	3.05x10 <sup>-18</sup>	3.42x10 <sup>-17</sup>
ZNF683	1.411614	1.90x10 <sup>-10</sup>	1.10x10 <sup>-09</sup>
WNT9A	1.475070	2.76x10 <sup>-11</sup>	1.73x10 <sup>-10</sup>
PTX3	1.530561	2.16x10 <sup>-16</sup>	2.07x10 <sup>-15</sup>
TMEM47	1.546318	1.61x10 <sup>-32</sup>	1.19x10 <sup>-30</sup>
TNFAIP6	1.335511	4.73x10 <sup>-16</sup>	4.41x10 <sup>-15</sup>
CHRM2	3.588861	2.35x10 <sup>-22</sup>	3.90x10 <sup>-21</sup>
ANO7	-1.161484	1.00x10 <sup>-08</sup>	4.98x10 <sup>-08</sup>
GRAP	1.005312	3.54x10 <sup>-19</sup>	4.35x10 <sup>-18</sup>
DSE	1.014394	3.11x10 <sup>-28</sup>	1.16x10 <sup>-26</sup>
ITGA11	1.612765	1.49x10 <sup>-29</sup>	6.72x10 <sup>-28</sup>
IL9R	1.091175	3.55x10 <sup>-15</sup>	3.05x10 <sup>-14</sup>
ATOH1	-1.386509	5.31x10 <sup>-03</sup>	9.82x10 <sup>-03</sup>
CADM3	2.793044	1.79x10 <sup>-27</sup>	5.90x10 <sup>-26</sup>
PTGER1	1.344240	2.54x10 <sup>-09</sup>	1.33x10 <sup>-08</sup>
MAP4K1	1.340802	2.17x10 <sup>-15</sup>	1.91x10 <sup>-14</sup>
CILP	3.258318	5.72x10 <sup>-32</sup>	3.81x10 <sup>-30</sup>
OBP2B	-4.397443	1.12x10 <sup>-03</sup>	2.42x10 <sup>-03</sup>
ITGA9	1.472772	2.79x10 <sup>-24</sup>	5.92x10 <sup>-23</sup>
GNG11	1.132741	1.68x10 <sup>-30</sup>	8.97x10 <sup>-29</sup>
PRR36	-1.828281	3.46x10 <sup>-08</sup>	1.60x10 <sup>-07</sup>
NEXMIF	1.739450	1.64x10 <sup>-18</sup>	1.89x10 <sup>-17</sup>
NKG7	1.252857	4.21x10 <sup>-14</sup>	3.30x10 <sup>-13</sup>
CCL11	1.699468	8.28x10 <sup>-25</sup>	1.88x10 <sup>-23</sup>
IL31RA	1.620018	1.51x10 <sup>-08</sup>	7.33x10 <sup>-08</sup>
MRAS	1.132291	3.95x10 <sup>-34</sup>	3.87x10 <sup>-32</sup>
RYR3	1.632338	1.59x10 <sup>-07</sup>	6.75x10 <sup>-07</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
P2RY12	1.825346	8.73x10 <sup>-22</sup>	1.36x10 <sup>-20</sup>
CALD1	1.965693	1.21x10 <sup>-34</sup>	1.33x10 <sup>-32</sup>
DMPK	1.185058	2.19x10 <sup>-09</sup>	1.16x10 <sup>-08</sup>
RGS7BP	1.586143	7.31x10 <sup>-22</sup>	1.15x10 <sup>-20</sup>
C1QTNF7	2.035576	2.29x10 <sup>-22</sup>	3.82x10 <sup>-21</sup>
LAMP5	1.373984	2.20x10 <sup>-20</sup>	3.01x10 <sup>-19</sup>
HTR2A	2.412825	4.94x10 <sup>-39</sup>	1.81x10 <sup>-36</sup>
VSTM1	1.001556	1.68x10 <sup>-07</sup>	7.13x10 <sup>-07</sup>
AZGP1	-1.133219	2.68x10 <sup>-05</sup>	8.10x10 <sup>-05</sup>
ITGA5	1.288268	3.13x10 <sup>-23</sup>	5.85x10 <sup>-22</sup>
F2RL3	1.013886	8.88x10 <sup>-13</sup>	6.30x10 <sup>-12</sup>
BLK	1.523790	1.62x10 <sup>-12</sup>	1.13x10 <sup>-11</sup>
PLPPR4	1.789748	4.20x10 <sup>-30</sup>	2.09x10 <sup>-28</sup>
SMYD1	3.733768	1.60x10 <sup>-10</sup>	9.37x10 <sup>-10</sup>
MCEMP1	1.229824	2.06x10 <sup>-05</sup>	6.33x10 <sup>-05</sup>
PRICKLE2	1.802914	1.53x10 <sup>-25</sup>	3.84x10 <sup>-24</sup>
S1PR1	1.312441	1.11x10 <sup>-29</sup>	5.16x10 <sup>-28</sup>
PYHIN1	1.187933	1.06x10 <sup>-14</sup>	8.82x10 <sup>-14</sup>
HPSE2	1.664522	1.89x10 <sup>-06</sup>	6.92x10 <sup>-06</sup>
TXLNB	1.328317	1.91x10 <sup>-27</sup>	6.23x10 <sup>-26</sup>
KCND2	1.368191	3.21x10 <sup>-20</sup>	4.31x10 <sup>-19</sup>
TCEAL7	1.861364	1.81x10 <sup>-32</sup>	1.33x10 <sup>-30</sup>
THEMIS	1.312520	7.60x10 <sup>-17</sup>	7.60x10 <sup>-16</sup>
HMCN2	1.326264	8.05x10 <sup>-12</sup>	5.30x10 <sup>-11</sup>
AXL	1.128560	9.86x10 <sup>-38</sup>	2.52x10 <sup>-35</sup>
C20orf204	-1.507671	3.28x10 <sup>-02</sup>	4.97x10 <sup>-02</sup>
KCNE4	1.782787	1.15x10 <sup>-35</sup>	1.59x10 <sup>-33</sup>
TPM2	1.888840	5.86x10 <sup>-15</sup>	4.99x10 <sup>-14</sup>
C16orf89	1.100927	4.18x10 <sup>-14</sup>	3.28x10 <sup>-13</sup>
COL6A3	1.573158	1.98x10 <sup>-36</sup>	3.41x10 <sup>-34</sup>
FEZ1	1.230279	1.42x10 <sup>-27</sup>	4.72x10 <sup>-26</sup>
NFATC4	1.040926	3.30x10 <sup>-17</sup>	3.41x10 <sup>-16</sup>
LRRK2	1.280172	7.65x10 <sup>-25</sup>	1.76x10 <sup>-23</sup>
ISLR	1.930855	7.88x10 <sup>-38</sup>	2.13x10 <sup>-35</sup>
ADHFE1	1.039316	1.90x10 <sup>-12</sup>	1.32x10 <sup>-11</sup>
COL4A2	1.019717	3.46x10 <sup>-23</sup>	6.42x10 <sup>-22</sup>
NAIP	1.289341	7.26x10 <sup>-19</sup>	8.62x10 <sup>-18</sup>
TNFAIP8L2	1.123602	4.73x10 <sup>-26</sup>	1.26x10 <sup>-24</sup>
SELP	1.725856	5.94x10 <sup>-24</sup>	1.23x10 <sup>-22</sup>
BAG2	1.070972	5.04x10 <sup>-10</sup>	2.83x10 <sup>-09</sup>
NGFR	1.934461	7.05x10 <sup>-21</sup>	1.01x10 <sup>-19</sup>
C11orf96	1.476001	7.69x10 <sup>-26</sup>	2.01x10 <sup>-24</sup>
GPR88	1.993213	9.22x10 <sup>-26</sup>	2.38x10 <sup>-24</sup>
P3H4	-1.047781	6.21x10 <sup>-04</sup>	1.42x10 <sup>-03</sup>
PGAP3	-1.106131	1.19x10 <sup>-05</sup>	3.81x10 <sup>-05</sup>
TTPA	-1.467673	1.27x10 <sup>-03</sup>	2.71x10 <sup>-03</sup>
DCLK2	1.565193	7.55x10 <sup>-30</sup>	3.56x10 <sup>-28</sup>
THBS4	4.062219	1.61x10 <sup>-35</sup>	2.16x10 <sup>-33</sup>
CTSW	1.076667	1.39x10 <sup>-11</sup>	8.93x10 <sup>-11</sup>
NCF4	1.043482	3.76x10 <sup>-19</sup>	4.60x10 <sup>-18</sup>
POU2AF1	1.200886	4.82x10 <sup>-09</sup>	2.47x10 <sup>-08</sup>
S1PR4	1.070610	1.70x10 <sup>-16</sup>	1.65x10 <sup>-15</sup>
DAZL	2.080499	8.85x10 <sup>-24</sup>	1.80x10 <sup>-22</sup>
DNAJC5B	1.161269	3.53x10 <sup>-15</sup>	3.04x10 <sup>-14</sup>
CD14	1.180922	5.82x10 <sup>-27</sup>	1.76x10 <sup>-25</sup>
F2RL2	1.049393	6.83x10 <sup>-13</sup>	4.88x10 <sup>-12</sup>
LRRN4CL	1.711408	5.76x10 <sup>-28</sup>	2.03x10 <sup>-26</sup>
DPP6	2.430362	1.61x10 <sup>-09</sup>	8.65x10 <sup>-09</sup>
GNB4	1.289736	3.89x10 <sup>-37</sup>	8.44x10 <sup>-35</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
TCEAL5	1.429710	6.03x10 <sup>-17</sup>	6.09x10 <sup>-16</sup>
AKAP12	1.302869	7.27x10 <sup>-20</sup>	9.48x10 <sup>-19</sup>
SPEG	1.978089	2.12x10 <sup>-12</sup>	1.46x10 <sup>-11</sup>
CTCFL	-1.457534	1.90x10 <sup>-02</sup>	3.07x10 <sup>-02</sup>
QRSL1	-1.582704	3.08x10 <sup>-02</sup>	4.72x10 <sup>-02</sup>
ADGRA2	1.521787	8.33x10 <sup>-38</sup>	2.21x10 <sup>-35</sup>
CX3CR1	1.847605	9.22x10 <sup>-21</sup>	1.31x10 <sup>-19</sup>
GGT5	1.651959	8.47x10 <sup>-42</sup>	6.83x10 <sup>-39</sup>
CNFN	-3.455097	8.13x10 <sup>-04</sup>	1.81x10 <sup>-03</sup>
PENK	1.614792	3.44x10 <sup>-18</sup>	3.86x10 <sup>-17</sup>
GPIHBP1	1.490208	8.30x10 <sup>-18</sup>	9.05x10 <sup>-17</sup>
C1QTNF3	1.691063	2.30x10 <sup>-16</sup>	2.20x10 <sup>-15</sup>
SCNN1A	-1.033300	7.62x10 <sup>-10</sup>	4.22x10 <sup>-09</sup>
CLEC17A	2.015014	1.97x10 <sup>-13</sup>	1.47x10 <sup>-12</sup>
FMO1	1.896487	2.69x10 <sup>-27</sup>	8.66x10 <sup>-26</sup>
UBASH3A	1.072636	4.13x10 <sup>-16</sup>	3.88x10 <sup>-15</sup>
CPEB1	1.731787	7.59x10 <sup>-24</sup>	1.55x10 <sup>-22</sup>
KCNMA1	2.898860	5.66x10 <sup>-31</sup>	3.24x10 <sup>-29</sup>
PRRG3	1.478349	4.46x10 <sup>-07</sup>	1.79x10 <sup>-06</sup>
PRIMA1	2.306271	3.61x10 <sup>-15</sup>	3.11x10 <sup>-14</sup>
LEXM	-1.178437	6.17x10 <sup>-03</sup>	1.12x10 <sup>-02</sup>
HAND2	3.442361	2.56x10 <sup>-32</sup>	1.84x10 <sup>-30</sup>
TNFRSF13B	1.423786	1.10x10 <sup>-12</sup>	7.71x10 <sup>-12</sup>
SLC22A9	-1.009033	1.74x10 <sup>-02</sup>	2.83x10 <sup>-02</sup>
LRCH2	1.564607	3.59x10 <sup>-32</sup>	2.53x10 <sup>-30</sup>
SLC9A9	1.416079	3.69x10 <sup>-32</sup>	2.59x10 <sup>-30</sup>
HEYL	1.596824	1.83x10 <sup>-30</sup>	9.65x10 <sup>-29</sup>
CYP2F1	-1.729468	1.07x10 <sup>-02</sup>	1.84x10 <sup>-02</sup>
PSORS1C2	-1.304240	5.35x10 <sup>-05</sup>	1.52x10 <sup>-04</sup>
POU2F2	1.342047	7.33x10 <sup>-17</sup>	7.34x10 <sup>-16</sup>
NRK	2.626822	6.34x10 <sup>-30</sup>	3.05x10 <sup>-28</sup>
EMCN	1.104337	1.54x10 <sup>-24</sup>	3.39x10 <sup>-23</sup>
GXYLT2	1.538435	4.26x10 <sup>-26</sup>	1.15x10 <sup>-24</sup>
FBXO32	1.427897	6.61x10 <sup>-18</sup>	7.25x10 <sup>-17</sup>
KIF19	1.081137	9.61x10 <sup>-13</sup>	6.79x10 <sup>-12</sup>
PRELP	2.523209	2.57x10 <sup>-31</sup>	1.55x10 <sup>-29</sup>
ITGA8	1.623739	1.90x10 <sup>-12</sup>	1.32x10 <sup>-11</sup>
ITK	1.445511	8.87x10 <sup>-18</sup>	9.65x10 <sup>-17</sup>
FAM83C	-2.975373	7.31x10 <sup>-05</sup>	2.02x10 <sup>-04</sup>
MDGA1	1.205412	3.31x10 <sup>-23</sup>	6.16x10 <sup>-22</sup>
ARHGEF6	1.344872	1.19x10 <sup>-31</sup>	7.61x10 <sup>-30</sup>
PALMD	1.011008	1.35x10 <sup>-25</sup>	3.42x10 <sup>-24</sup>
SLC8A1	1.414228	4.48x10 <sup>-32</sup>	3.07x10 <sup>-30</sup>
THSD7B	1.983808	6.06x10 <sup>-20</sup>	7.97x10 <sup>-19</sup>
GLIPR1	1.413836	1.17x10 <sup>-37</sup>	2.87x10 <sup>-35</sup>
PCDHGB6	1.147234	2.92x10 <sup>-24</sup>	6.18x10 <sup>-23</sup>
TP53AIP1	-1.502201	2.53x10 <sup>-06</sup>	9.13x10 <sup>-06</sup>
GRAP2	1.100798	6.04x10 <sup>-17</sup>	6.10x10 <sup>-16</sup>
SH3BGR	1.153729	1.56x10 <sup>-10</sup>	9.12x10 <sup>-10</sup>
TLR6	1.063252	4.86x10 <sup>-21</sup>	7.10x10 <sup>-20</sup>
BNIPL	-1.950016	7.51x10 <sup>-04</sup>	1.69x10 <sup>-03</sup>
MUC22	-3.782697	8.55x10 <sup>-03</sup>	1.51x10 <sup>-02</sup>
DSG1	-3.358944	6.65x10 <sup>-05</sup>	1.85x10 <sup>-04</sup>
RASAL3	1.205349	1.10x10 <sup>-20</sup>	1.55x10 <sup>-19</sup>
PCP4L1	1.068612	8.22x10 <sup>-10</sup>	4.53x10 <sup>-09</sup>
NOX4	1.386860	5.59x10 <sup>-30</sup>	2.72x10 <sup>-28</sup>
TMPRSS11A	-2.518819	6.24x10 <sup>-03</sup>	1.13x10 <sup>-02</sup>
ASPN	2.096070	1.43x10 <sup>-35</sup>	1.94x10 <sup>-33</sup>
AMPH	1.525455	1.68x10 <sup>-28</sup>	6.43x10 <sup>-27</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
LINGO3	1.581432	6.28x10 <sup>-15</sup>	5.32x10 <sup>-14</sup>
HSPB3	2.170479	3.71x10 <sup>-07</sup>	1.50x10 <sup>-06</sup>
C1QA	1.263936	1.07x10 <sup>-22</sup>	1.85x10 <sup>-21</sup>
PGLYRP3	-2.327858	1.96x10 <sup>-02</sup>	3.16x10 <sup>-02</sup>
CD1B	1.082684	4.85x10 <sup>-08</sup>	2.21x10 <sup>-07</sup>
AGTR1	1.939860	7.68x10 <sup>-21</sup>	1.10x10 <sup>-19</sup>
FABP4	2.634002	1.38x10 <sup>-20</sup>	1.92x10 <sup>-19</sup>
MXRA8	1.223185	1.82x10 <sup>-29</sup>	8.10x10 <sup>-28</sup>
FAM216B	1.565403	4.64x10 <sup>-12</sup>	3.12x10 <sup>-11</sup>
HS3ST2	1.261900	1.17x10 <sup>-13</sup>	8.84x10 <sup>-13</sup>
MMP11	1.237078	1.57x10 <sup>-08</sup>	7.60x10 <sup>-08</sup>
DAPL1	-1.225294	2.40x10 <sup>-03</sup>	4.81x10 <sup>-03</sup>
PKD2	1.156236	1.50x10 <sup>-30</sup>	8.09x10 <sup>-29</sup>
TMEM252	2.319324	1.89x10 <sup>-16</sup>	1.83x10 <sup>-15</sup>
PPP1R14C	-1.021220	1.71x10 <sup>-03</sup>	3.54x10 <sup>-03</sup>
HAS1	1.908832	5.69x10 <sup>-17</sup>	5.75x10 <sup>-16</sup>
GJC1	1.293817	5.89x10 <sup>-20</sup>	7.76x10 <sup>-19</sup>
CCL3	1.102405	2.53x10 <sup>-08</sup>	1.20x10 <sup>-07</sup>
TNC	2.085402	3.05x10 <sup>-24</sup>	6.44x10 <sup>-23</sup>
ARHGAP30	1.081885	6.36x10 <sup>-21</sup>	9.18x10 <sup>-20</sup>
PRDM8	1.033936	4.66x10 <sup>-24</sup>	9.73x10 <sup>-23</sup>
MMRN2	1.147150	2.66x10 <sup>-28</sup>	1.00x10 <sup>-26</sup>
PARP15	1.148329	2.84x10 <sup>-11</sup>	1.78x10 <sup>-10</sup>
THY1	1.506233	4.40x10 <sup>-39</sup>	1.70x10 <sup>-36</sup>
KRTAP3-1	-4.876821	1.84x10 <sup>-04</sup>	4.71x10 <sup>-04</sup>
TPSB2	1.069334	3.63x10 <sup>-12</sup>	2.46x10 <sup>-11</sup>
PRR16	1.072932	1.43x10 <sup>-28</sup>	5.55x10 <sup>-27</sup>
BEST3	-2.063558	1.44x10 <sup>-03</sup>	3.03x10 <sup>-03</sup>
POSTN	1.370298	2.99x10 <sup>-22</sup>	4.90x10 <sup>-21</sup>
COL12A1	1.249312	6.22x10 <sup>-23</sup>	1.11x10 <sup>-21</sup>
SYNE4	-1.076599	1.23x10 <sup>-07</sup>	5.30x10 <sup>-07</sup>
ADAMTS3	1.115595	1.12x10 <sup>-25</sup>	2.88x10 <sup>-24</sup>
NPTX2	1.604605	3.21x10 <sup>-16</sup>	3.04x10 <sup>-15</sup>
LCN6	1.543044	1.98x10 <sup>-17</sup>	2.08x10 <sup>-16</sup>
RGL1	1.038033	4.90x10 <sup>-26</sup>	1.30x10 <sup>-24</sup>
ABCA8	2.010137	6.87x10 <sup>-17</sup>	6.90x10 <sup>-16</sup>
MORN5	3.176312	2.99x10 <sup>-09</sup>	1.56x10 <sup>-08</sup>
TBX4	-1.023769	9.97x10 <sup>-03</sup>	1.73x10 <sup>-02</sup>
LILRB1	1.138866	1.10x10 <sup>-24</sup>	2.46x10 <sup>-23</sup>
STON1	2.008394	5.30x10 <sup>-32</sup>	3.57x10 <sup>-30</sup>
MLNR	2.219472	4.03x10 <sup>-10</sup>	2.29x10 <sup>-09</sup>
TBX21	1.043747	9.16x10 <sup>-13</sup>	6.48x10 <sup>-12</sup>
COL10A1	1.681974	2.03x10 <sup>-20</sup>	2.78x10 <sup>-19</sup>
CYSLTR1	1.651728	3.32x10 <sup>-34</sup>	3.34x10 <sup>-32</sup>
CYBRD1	1.411149	3.71x10 <sup>-27</sup>	1.17x10 <sup>-25</sup>
TRPC4	1.541346	2.64x10 <sup>-15</sup>	2.30x10 <sup>-14</sup>
CXCL9	1.380051	1.13x10 <sup>-08</sup>	5.56x10 <sup>-08</sup>
SSC5D	2.275290	6.17x10 <sup>-37</sup>	1.21x10 <sup>-34</sup>
TMPRSS13	-1.540136	9.74x10 <sup>-03</sup>	1.69x10 <sup>-02</sup>
CD1D	1.227142	3.84x10 <sup>-26</sup>	1.04x10 <sup>-24</sup>
ADCYAP1R1	2.538045	4.66x10 <sup>-26</sup>	1.25x10 <sup>-24</sup>
IL10RA	1.518456	3.00x10 <sup>-27</sup>	9.56x10 <sup>-26</sup>
NDN	1.674039	1.44x10 <sup>-38</sup>	4.91x10 <sup>-36</sup>
AHSG	-2.913233	1.31x10 <sup>-02</sup>	2.21x10 <sup>-02</sup>
GBP5	1.027379	3.31x10 <sup>-12</sup>	2.25x10 <sup>-11</sup>
ANKRD33B	1.321337	5.52x10 <sup>-19</sup>	6.67x10 <sup>-18</sup>
ADAM19	1.199974	3.60x10 <sup>-34</sup>	3.60x10 <sup>-32</sup>
CXCL11	1.247789	8.23x10 <sup>-06</sup>	2.72x10 <sup>-05</sup>
CSDC2	1.684487	6.86x10 <sup>-27</sup>	2.06x10 <sup>-25</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
SULT2B1	-1.012069	1.21x10 <sup>-03</sup>	2.60x10 <sup>-03</sup>
CCIN	1.602461	6.57x10 <sup>-31</sup>	3.74x10 <sup>-29</sup>
ARHGEF25	1.798657	3.64x10 <sup>-28</sup>	1.34x10 <sup>-26</sup>
PDLIM3	2.270555	6.94x10 <sup>-38</sup>	1.91x10 <sup>-35</sup>
CALCRL	1.109965	9.77x10 <sup>-28</sup>	3.31x10 <sup>-26</sup>
MYCT1	1.043388	4.16x10 <sup>-29</sup>	1.76x10 <sup>-27</sup>
CPB2	-1.747105	7.12x10 <sup>-04</sup>	1.61x10 <sup>-03</sup>
TRIM61	1.129532	3.30x10 <sup>-21</sup>	4.90x10 <sup>-20</sup>
DOCK11	1.048021	9.07x10 <sup>-20</sup>	1.17x10 <sup>-18</sup>
SNAI2	1.250308	3.70x10 <sup>-30</sup>	1.86x10 <sup>-28</sup>
GLI1	1.675401	6.82x10 <sup>-28</sup>	2.37x10 <sup>-26</sup>
RNASE6	1.424873	1.43x10 <sup>-27</sup>	4.77x10 <sup>-26</sup>
WNT2B	1.438716	1.82x10 <sup>-15</sup>	1.62x10 <sup>-14</sup>
MEOX1	1.493752	6.50x10 <sup>-22</sup>	1.03x10 <sup>-20</sup>
CEACAM20	-1.659083	2.69x10 <sup>-02</sup>	4.20x10 <sup>-02</sup>
PHLDB2	1.264711	8.58x10 <sup>-21</sup>	1.22x10 <sup>-19</sup>
PAK3	1.214428	5.28x10 <sup>-14</sup>	4.10x10 <sup>-13</sup>
CCDC136	1.800182	4.12x10 <sup>-09</sup>	2.12x10 <sup>-08</sup>
SAMD11	1.188849	2.16x10 <sup>-16</sup>	2.07x10 <sup>-15</sup>
HLA-DQB2	1.227899	9.75x10 <sup>-10</sup>	5.34x10 <sup>-09</sup>
COL3A1	1.676002	9.38x10 <sup>-34</sup>	8.50x10 <sup>-32</sup>
PTN	1.159163	7.19x10 <sup>-19</sup>	8.55x10 <sup>-18</sup>
RTN1	1.227326	4.12x10 <sup>-24</sup>	8.62x10 <sup>-23</sup>
SGCA	2.375656	5.92x10 <sup>-21</sup>	8.55x10 <sup>-20</sup>
P2RX7	1.262568	4.43x10 <sup>-29</sup>	1.85x10 <sup>-27</sup>
PLEK	1.287327	3.34x10 <sup>-19</sup>	4.11x10 <sup>-18</sup>
CD300E	1.435100	2.43x10 <sup>-09</sup>	1.28x10 <sup>-08</sup>
RGS1	1.361401	4.59x10 <sup>-23</sup>	8.40x10 <sup>-22</sup>
FCRLA	2.164865	1.18x10 <sup>-18</sup>	1.38x10 <sup>-17</sup>
LRRC17	1.475234	5.03x10 <sup>-24</sup>	1.05x10 <sup>-22</sup>
PLXDC1	1.048789	3.48x10 <sup>-30</sup>	1.77x10 <sup>-28</sup>
TMIGD3	1.354389	1.49x10 <sup>-23</sup>	2.90x10 <sup>-22</sup>
NPR1	1.420818	1.73x10 <sup>-27</sup>	5.72x10 <sup>-26</sup>
MMP2	1.661778	9.22x10 <sup>-33</sup>	6.98x10 <sup>-31</sup>
PODNL1	1.215024	8.82x10 <sup>-19</sup>	1.04x10 <sup>-17</sup>
JAKMIP2	1.340136	6.91x10 <sup>-25</sup>	1.60x10 <sup>-23</sup>
FCRL2	1.508587	5.46x10 <sup>-12</sup>	3.65x10 <sup>-11</sup>
RAI2	1.195097	1.02x10 <sup>-17</sup>	1.10x10 <sup>-16</sup>
LRRC25	1.223520	7.50x10 <sup>-28</sup>	2.60x10 <sup>-26</sup>
RNF165	1.168998	2.93x10 <sup>-17</sup>	3.04x10 <sup>-16</sup>
DIO2	1.136688	6.30x10 <sup>-18</sup>	6.93x10 <sup>-17</sup>
RAET1L	-1.423420	1.09x10 <sup>-02</sup>	1.88x10 <sup>-02</sup>
MCAM	1.219384	6.86x10 <sup>-23</sup>	1.22x10 <sup>-21</sup>
ZNF521	1.452110	2.68x10 <sup>-34</sup>	2.78x10 <sup>-32</sup>
FAM180A	1.954160	8.60x10 <sup>-31</sup>	4.81x10 <sup>-29</sup>
GAPT	1.954116	4.21x10 <sup>-29</sup>	1.77x10 <sup>-27</sup>
MROH2A	-1.087381	6.12x10 <sup>-03</sup>	1.12x10 <sup>-02</sup>
INHBA	1.176444	3.95x10 <sup>-22</sup>	6.41x10 <sup>-21</sup>
PEAK3	1.070464	4.53x10 <sup>-22</sup>	7.30x10 <sup>-21</sup>
CASQ1	2.229517	2.45x10 <sup>-12</sup>	1.69x10 <sup>-11</sup>
LILRB5	1.044393	1.04x10 <sup>-13</sup>	7.90x10 <sup>-13</sup>
EFEMP2	1.351079	4.06x10 <sup>-37</sup>	8.67x10 <sup>-35</sup>
AMPD1	1.032596	2.72x10 <sup>-08</sup>	1.28x10 <sup>-07</sup>
C4A	1.523372	8.41x10 <sup>-21</sup>	1.20x10 <sup>-19</sup>
NOS1	1.222028	1.14x10 <sup>-06</sup>	4.31x10 <sup>-06</sup>
KLHL4	2.170823	1.30x10 <sup>-29</sup>	5.98x10 <sup>-28</sup>
SCN2B	2.136483	1.69x10 <sup>-22</sup>	2.87x10 <sup>-21</sup>
RIPPLY3	-1.367557	2.92x10 <sup>-05</sup>	8.74x10 <sup>-05</sup>
LRRC15	1.429123	1.13x10 <sup>-16</sup>	1.11x10 <sup>-15</sup>

Table SII. Continued.

Gene	logFC	P-value	FDR
AQP3	-1.532499	7.12x10 <sup>-03</sup>	1.28x10 <sup>-02</sup>
STAB1	1.198162	5.39x10 <sup>-30</sup>	2.65x10 <sup>-28</sup>
EVX1	-1.402052	3.47x10 <sup>-03</sup>	6.70x10 <sup>-03</sup>
PTCHD1	1.572747	8.86x10 <sup>-10</sup>	4.87x10 <sup>-09</sup>
SELENOM	1.087404	7.27x10 <sup>-18</sup>	7.95x10 <sup>-17</sup>
CD6	1.141683	1.03x10 <sup>-14</sup>	8.54x10 <sup>-14</sup>
PCDHGB7	1.199479	5.18x10 <sup>-31</sup>	2.99x10 <sup>-29</sup>
SLC34A2	-1.072289	8.58x10 <sup>-03</sup>	1.51x10 <sup>-02</sup>
WFDC5	-2.666693	9.97x10 <sup>-03</sup>	1.73x10 <sup>-02</sup>
SPRR2A	-2.977568	7.82x10 <sup>-03</sup>	1.39x10 <sup>-02</sup>
EPYC	1.872852	5.51x10 <sup>-11</sup>	3.36x10 <sup>-10</sup>
TMEM100	2.557852	1.25x10 <sup>-23</sup>	2.48x10 <sup>-22</sup>
BCL2	1.029903	1.49x10 <sup>-19</sup>	1.88x10 <sup>-18</sup>
COPZ2	1.452393	1.66x10 <sup>-31</sup>	1.04x10 <sup>-29</sup>
CD300LF	1.091241	1.04x10 <sup>-16</sup>	1.03x10 <sup>-15</sup>
C3AR1	1.503940	2.51x10 <sup>-30</sup>	1.30x10 <sup>-28</sup>
CSRP1	1.625327	6.37x10 <sup>-22</sup>	1.01x10 <sup>-20</sup>
VAV1	1.060411	2.34x10 <sup>-16</sup>	2.24x10 <sup>-15</sup>
HOMER2	-1.316117	7.39x10 <sup>-03</sup>	1.32x10 <sup>-02</sup>
KRT13	-4.009145	3.31x10 <sup>-03</sup>	6.42x10 <sup>-03</sup>
NUDT10	1.951649	5.53x10 <sup>-28</sup>	1.96x10 <sup>-26</sup>

FC, fold-change; FDR, false discovery rate.