

Supplementary Table 1. Core Microbiome Taxonomy (Common Species Found in >90% of the Subjects)

Phylum	Species	Relative abundance, %
<i>Actinobacteria</i>	<i>Actinomyces odontolyticus</i>	0.01
<i>Actinobacteria</i>	<i>Bifidobacterium adolescentis</i> group	5.76
<i>Actinobacteria</i>	<i>Bifidobacterium catenulatum</i> group	2.12
<i>Actinobacteria</i>	<i>Bifidobacterium longum</i> group	2.55
<i>Actinobacteria</i>	<i>Collinsella aerofaciens</i> group	2.45
<i>Actinobacteria</i>	KE952139_s	0.03
<i>Bacteroidetes</i>	<i>Bacteroides dorei</i>	0.43
<i>Bacteroidetes</i>	<i>Bacteroides ovatus</i> group	0.46
<i>Bacteroidetes</i>	<i>Bacteroides uniformis</i>	0.65
<i>Bacteroidetes</i>	<i>Bacteroides vulgatus</i>	1.54
<i>Firmicutes</i>	<i>Agathobacter rectalis</i>	1.53
<i>Firmicutes</i>	<i>Agathobaculum butyriciproducens</i> group	0.39
<i>Firmicutes</i>	<i>Anaerostipes hadrus</i> group	4.29
<i>Firmicutes</i>	<i>Blautia faecis</i>	0.75
<i>Firmicutes</i>	<i>Blautia hansenii</i> group	0.37
<i>Firmicutes</i>	<i>Blautia luti</i>	0.28
<i>Firmicutes</i>	<i>Blautia obeum</i>	0.87
<i>Firmicutes</i>	<i>Blautia wexlerae</i>	7.49
<i>Firmicutes</i>	CCMM_s	0.83
<i>Firmicutes</i>	<i>Clostridium celatum</i> group	0.90
<i>Firmicutes</i>	<i>Coprococcus comes</i> group	0.71
<i>Firmicutes</i>	<i>Dorea formicigenerans</i>	0.72
<i>Firmicutes</i>	<i>Dorea longicatena</i>	2.64
<i>Firmicutes</i>	<i>Eubacterium hallii</i>	2.86
<i>Firmicutes</i>	<i>Faecalibacterium prausnitzii</i> group	4.54
<i>Firmicutes</i>	<i>Fusicatenibacter saccharivorans</i>	2.33
<i>Firmicutes</i>	<i>Gemmiger formicilis</i> group	1.86
<i>Firmicutes</i>	<i>Intestinibacter bartlettii</i>	0.91
<i>Firmicutes</i>	LN913006_s group	2.67
<i>Firmicutes</i>	LT635539_s group	0.29
<i>Firmicutes</i>	LT907848_s	1.62
<i>Firmicutes</i>	PAC001048_s group	0.53
<i>Firmicutes</i>	PAC001136_s	0.41
<i>Firmicutes</i>	PAC001173_s	1.57
<i>Firmicutes</i>	PAC001177_s	0.53
<i>Firmicutes</i>	<i>Romboutsia timonensis</i>	2.81
<i>Firmicutes</i>	<i>Roseburia cecicola</i> group	0.32
<i>Firmicutes</i>	<i>Roseburia inulinivorans</i>	0.37
<i>Firmicutes</i>	<i>Ruminococcus bromii</i>	1.44
<i>Firmicutes</i>	<i>Ruminococcus faecis</i>	2.12
<i>Firmicutes</i>	<i>Ruminococcus gnavus</i>	1.61
<i>Firmicutes</i>	<i>Streptococcus parasanguinis</i> group	0.06
<i>Firmicutes</i>	<i>Streptococcus pneumoniae</i> group	0.07
<i>Firmicutes</i>	<i>Streptococcus salivarius</i> group	1.96
<i>Firmicutes</i>	<i>Streptococcus sinensis</i> group	0.14
<i>Firmicutes</i>	<i>Turicibacter sanguinis</i>	0.40
<i>Proteobacteria</i>	<i>Escherichia coli</i> group	2.33