

Table S1. Detailed gene lists related with Glaucoma, Sclera and Extracellular matrix (ECM) remodeling from text mining.

Glaucoma related genes	Sclera related genes	ECM remodeling related genes	Common genes
<i>GSTM1</i>	<i>NID1</i>	<i>AKT3</i>	<i>NID1</i>
<i>TAP2</i>	<i>EPRS</i>	<i>NID1</i>	<i>TGFB2</i>
<i>LGALS8</i>	<i>TGFB2</i>	<i>ACTA1</i>	<i>HSD11B1</i>
<i>NID1</i>	<i>PROX1</i>	<i>PARP1</i>	<i>CD34</i>
<i>TBCE</i>	<i>IRF6</i>	<i>MIXL1</i>	<i>REN</i>
<i>MIXL1</i>	<i>HSD11B1</i>	<i>TGFB2</i>	<i>DES</i>
<i>LBR</i>	<i>PLXNA2</i>	<i>PROX1</i>	<i>MPZ</i>
<i>EPRS</i>	<i>CD34</i>	<i>HSD11B1</i>	<i>ABCB6</i>
<i>TGFB2</i>	<i>CD46</i>	<i>CD34</i>	<i>FN1</i>
<i>IRF6</i>	<i>CR2</i>	<i>IL10</i>	<i>RPE</i>
<i>HSD11B1</i>	<i>CD55</i>	<i>REN</i>	<i>SST</i>
<i>PLXNA2</i>	<i>REN</i>	<i>FMOD</i>	<i>KNG1</i>
<i>CD34</i>	<i>FMOD</i>	<i>CHI3L1</i>	<i>VCAMI</i>
<i>CD46</i>	<i>PRELP</i>	<i>CHIT1</i>	<i>F3</i>
<i>IL10</i>	<i>ADORA1</i>	<i>AGXT</i>	<i>SOD2</i>
<i>NFASC</i>	<i>CFH</i>	<i>GPC1</i>	<i>RHO</i>
<i>REN</i>	<i>PRG4</i>	<i>PTPRC</i>	<i>SHH</i>
<i>OPTC</i>	<i>MYOC</i>	<i>COL6A3</i>	<i>NOS3</i>
<i>CHI3L1</i>	<i>SELE</i>	<i>PTGS2</i>	<i>GJA1</i>
<i>RNPEP</i>	<i>SLC4A3</i>	<i>LAMC2</i>	<i>TIMP2</i>
<i>LMOD1</i>	<i>DES</i>	<i>SOAT1</i>	<i>MKI67</i>
<i>PER2</i>	<i>MPZ</i>	<i>FASLG</i>	<i>APOA1</i>

<i>PTPRC</i>	<i>ABCB6</i>	<i>SERPINE2</i>	<i>CALD1</i>
<i>PRLH</i>	<i>USF1</i>	<i>SELP</i>	<i>C2</i>
<i>CRB1</i>	<i>CD244</i>	<i>POU2F1</i>	<i>VAMP8</i>
<i>CFH</i>	<i>VANGL2</i>	<i>DES</i>	<i>MMP3</i>
<i>PTGS2</i>	<i>FN1</i>	<i>DDR2</i>	<i>MMP1</i>
<i>PDC</i>	<i>NES</i>	<i>MPZ</i>	<i>GH1</i>
<i>C1orf27</i>	<i>RPE</i>	<i>ABCB6</i>	<i>SLC17A5</i>
<i>DHX9</i>	<i>TFPI</i>	<i>ADAMTS4</i>	<i>NOVA2</i>
<i>LAMC1</i>	<i>NBPF14</i>	<i>IHH</i>	<i>DMPK</i>
<i>SOAT1</i>	<i>SST</i>	<i>CYP27A1</i>	<i>NOS1</i>
<i>PSMD1</i>	<i>OLFML3</i>	<i>NHLH1</i>	<i>ACE</i>
<i>PRDX6</i>	<i>KNG1</i>	<i>CRP</i>	<i>PVR</i>
<i>TNFSF4</i>	<i>CRYGS</i>	<i>IGFBP5</i>	<i>SERPINE1</i>
<i>FASLG</i>	<i>ADORA3</i>	<i>NTRK1</i>	<i>ACHE</i>
<i>MYOC</i>	<i>GCG</i>	<i>FN1</i>	<i>ENG</i>
<i>COL4A3</i>	<i>VCAM1</i>	<i>NES</i>	<i>BGN</i>
<i>SELE</i>	<i>F3</i>	<i>RPE</i>	<i>CD79A</i>
<i>SELL</i>	<i>MBNL1</i>	<i>CREB1</i>	<i>GALNS</i>
<i>F5</i>	<i>PLG</i>	<i>MUC1</i>	<i>TGFB1</i>
<i>SELP</i>	<i>SOD2</i>	<i>NRP2</i>	<i>VEGFA</i>
<i>ATP1B1</i>	<i>RHO</i>	<i>SHC1</i>	<i>HSPA5</i>
<i>DPT</i>	<i>VIPR2</i>	<i>BMPR2</i>	<i>COL1A1</i>
<i>SLC4A3</i>	<i>B3GAT1</i>	<i>SUMO1</i>	<i>IGF1</i>
<i>DES</i>	<i>NLRP5</i>	<i>CASP8</i>	<i>GSN</i>
<i>PBX1</i>	<i>SHH</i>	<i>S100A1</i>	<i>COL1A2</i>
<i>MPZ</i>	<i>LIMS1</i>	<i>S100A4</i>	<i>DCN</i>

<i>ABCB6</i>	<i>NOS3</i>	<i>FLG</i>	<i>LUM</i>
<i>USF1</i>	<i>HGS</i>	<i>CTSK</i>	<i>TNC</i>
<i>CD244</i>	<i>HGD</i>	<i>CTSS</i>	<i>GFAP</i>
<i>VANGL2</i>	<i>GJA1</i>	<i>ECM1</i>	<i>CDH1</i>
<i>PEX19</i>	<i>TIMP2</i>	<i>TFPI</i>	<i>CDKN1A</i>
<i>ATPIA2</i>	<i>MKI67</i>	<i>CALCRL</i>	<i>PLAU</i>
<i>PNKD</i>	<i>KLK1</i>	<i>ITGAV</i>	<i>MFAP2</i>
<i>CRP</i>	<i>APOA1</i>	<i>MF12</i>	<i>CTNNA1</i>
<i>DARC</i>	<i>TFG</i>	<i>TTN</i>	<i>C10orf27</i>
<i>IGFBP2</i>	<i>CALD1</i>	<i>ATF2</i>	<i>ELN</i>
<i>NTRK1</i>	<i>C2</i>	<i>NGF</i>	<i>PTCH1</i>
<i>FNI</i>	<i>PAEP</i>	<i>TP63</i>	<i>MMP2</i>
<i>LMNA</i>	<i>TSPAN33</i>	<i>SST</i>	<i>CNOT8</i>
<i>RPE</i>	<i>CNTN3</i>	<i>ITGA6</i>	<i>EDN1</i>
<i>MAP2</i>	<i>DBH</i>	<i>ADIPOQ</i>	<i>ICAM1</i>
<i>CREB1</i>	<i>VAMP8</i>	<i>KNG1</i>	<i>VIM</i>
<i>MUC1</i>	<i>MITF</i>	<i>CRYGS</i>	<i>AGT</i>
<i>BMPR2</i>	<i>MTF1</i>	<i>GAD1</i>	<i>TWIST1</i>
<i>NPR1</i>	<i>MMP3</i>	<i>THPO</i>	<i>TIMP1</i>
<i>CFLAR</i>	<i>MMP1</i>	<i>CSF1</i>	<i>MMRN1</i>
<i>HSPD1</i>	<i>HPD</i>	<i>FAP</i>	<i>WAS</i>
<i>STAT1</i>	<i>FLNB</i>	<i>DPP4</i>	<i>FOS</i>
<i>MTMR11</i>	<i>GH1</i>	<i>PIK3CA</i>	<i>CYCS</i>
<i>PHGDH</i>	<i>TYR</i>	<i>TNFSF10</i>	<i>CAT</i>
<i>APOD</i>	<i>SLC17A5</i>	<i>CLDN11</i>	<i>TGFB3</i>
<i>OPA1</i>	<i>NOVA2</i>	<i>COL11A1</i>	<i>CD44</i>

<i>NGF</i>	<i>SIX5</i>	<i>EXTL2</i>	<i>NOS2</i>
<i>SST</i>	<i>DMPK</i>	<i>VCAM1</i>	<i>VTN</i>
<i>OLFML3</i>	<i>NOS1</i>	<i>SERPINI1</i>	<i>SMTN</i>
<i>KNG1</i>	<i>G6PD</i>	<i>DPYD</i>	<i>EGF</i>
<i>CAPZA1</i>	<i>ACE</i>	<i>F3</i>	<i>TGFB1</i>
<i>CHRD</i>	<i>RIMS1</i>	<i>TNFAIP6</i>	<i>KRT7</i>
<i>CLCN2</i>	<i>SFRS16</i>	<i>CTSZ</i>	<i>IL2</i>
<i>PSMD2</i>	<i>PVR</i>	<i>CXCR4</i>	<i>FGF2</i>
<i>ABCC5</i>	<i>PLAUR</i>	<i>CYR61</i>	<i>NUDT6</i>
<i>PARL</i>	<i>HCFC1</i>	<i>THBS2</i>	<i>MAPK3</i>
<i>GSTM3</i>	<i>MATN1</i>	<i>MGAT5</i>	<i>TNF</i>
<i>SORT1</i>	<i>HVCN1</i>	<i>CPB1</i>	<i>ITGAL</i>
<i>MFN1</i>	<i>TRIM37</i>	<i>AGTR1</i>	<i>MAPK8</i>
<i>GPSM2</i>	<i>SERPINE1</i>	<i>LPHN2</i>	<i>TGFBR2</i>
<i>TANK</i>	<i>ACHE</i>	<i>CFC1</i>	<i>TF</i>
<i>TNFSF10</i>	<i>COIL</i>	<i>PLG</i>	<i>GLB1</i>
<i>CNTF</i>	<i>ENG</i>	<i>LPA</i>	<i>EGFR</i>
<i>7-Mar</i>	<i>BGN</i>	<i>IGF2R</i>	<i>RPS4X</i>
<i>COL11A1</i>	<i>CD79A</i>	<i>SOD2</i>	<i>MMP9</i>
<i>OLFM3</i>	<i>RPS19P3</i>	<i>VIL2</i>	<i>MIP</i>
<i>VCAM1</i>	<i>PELI1</i>	<i>MAP3K2</i>	<i>SPARC</i>
<i>BCHE</i>	<i>MUT</i>	<i>RPE65</i>	<i>AKT1</i>
<i>DPYD</i>	<i>GALNS</i>	<i>GLI2</i>	<i>VCAN</i>
<i>F3</i>	<i>CETN2</i>	<i>LEPR</i>	<i>MAX</i>
<i>ABCA4</i>	<i>TGFB1</i>	<i>ESR1</i>	<i>CALCA</i>
<i>P2RY1</i>	<i>DHCR7</i>	<i>ATP2C1</i>	<i>IL8</i>

<i>LCT</i>	<i>GAL</i>	<i>IL1RN</i>	<i>FBNI</i>
<i>DLL1</i>	<i>VEGFA</i>	<i>IL1B</i>	<i>ALB</i>
<i>CYR61</i>	<i>CHAD</i>	<i>IL1A</i>	<i>COL18A1</i>
<i>CP</i>	<i>HSPA5</i>	<i>RHO</i>	<i>CTSD</i>
<i>AGTR1</i>	<i>AMT</i>	<i>JUN</i>	<i>PLAT</i>
<i>LPHN2</i>	<i>COL1A1</i>	<i>GRM1</i>	<i>BMP2</i>
<i>PARK2</i>	<i>IGF1</i>	<i>RAB7A</i>	<i>KIT</i>
<i>PCOLCE2</i>	<i>HHEX</i>	<i>SHH</i>	<i>PCNA</i>
<i>ATP1B3</i>	<i>OCM2</i>	<i>LIMS1</i>	<i>CDKN1B</i>
<i>ZBTB38</i>	<i>TAC1</i>	<i>ST14</i>	<i>GP1BA</i>
<i>COPB2</i>	<i>GSN</i>	<i>IL11</i>	<i>MBP</i>
<i>SOD2</i>	<i>SLC25A13</i>	<i>LRP8</i>	<i>BCL2</i>
<i>PTGER3</i>	<i>COL1A2</i>	<i>TNFAIP3</i>	<i>IGF2</i>
<i>TMEM22</i>	<i>ODZ1</i>	<i>FLI1</i>	<i>CLU</i>
<i>EPHB1</i>	<i>CALCR</i>	<i>ETS1</i>	<i>THBS1</i>
<i>TMEM37</i>	<i>TLR4</i>	<i>IL1R1</i>	<i>PNMA2</i>
<i>LEPR</i>	<i>DCN</i>	<i>CDKN2C</i>	<i>SERPINF1</i>
<i>ESR1</i>	<i>LUM</i>	<i>TAAR1</i>	<i>ALOX5AP</i>
<i>IL1RN</i>	<i>TNC</i>	<i>CTGF</i>	<i>FLT1</i>
<i>TRH</i>	<i>CFL1</i>	<i>NOS3</i>	<i>CD4</i>
<i>IL1B</i>	<i>NMT1</i>	<i>ENPP1</i>	<i>SOD1</i>
<i>IL1A</i>	<i>GFAP</i>	<i>ESAM</i>	<i>GAPDH</i>
<i>RHO</i>	<i>NTS</i>	<i>CFHR1</i>	<i>VWF</i>
<i>BCL2L11</i>	<i>SRI</i>	<i>FSTL1</i>	<i>MMP14</i>
<i>B3GAT1</i>	<i>CDH1</i>	<i>GSK3B</i>	<i>APEX1</i>
<i>NLRP5</i>	<i>SLC4A1</i>	<i>THY1</i>	

<i>SHH</i>	<i>PLA2G2D</i>	<i>EPHA1</i>
<i>OPCML</i>	<i>CDKN1A</i>	<i>FABP7</i>
<i>IL11</i>	<i>LCAT</i>	<i>ZYX</i>
<i>NCK2</i>	<i>PLAU</i>	<i>GJA1</i>
<i>FASTK</i>	<i>BRCA1</i>	<i>ADAM8</i>
<i>TBPL1</i>	<i>PTPRB</i>	<i>UTF1</i>
<i>MYLK</i>	<i>ADAMTS2</i>	<i>TIMP2</i>
<i>IL1R1</i>	<i>DDX41</i>	<i>PLN</i>
<i>CTGF</i>	<i>TDGF1</i>	<i>EPHB6</i>
<i>NOS3</i>	<i>MFAP2</i>	<i>PTCH2</i>
<i>C2orf29</i>	<i>CDH5</i>	<i>BIRC5</i>
<i>FOXE3</i>	<i>SMC2</i>	<i>PLK3</i>
<i>HGS</i>	<i>CCK</i>	<i>CXCR5</i>
<i>CD86</i>	<i>BAAT</i>	<i>ROS1</i>
<i>EAF2</i>	<i>CTNNB1</i>	<i>HAS1</i>
<i>EIF5B</i>	<i>C10orf27</i>	<i>MKI67</i>
<i>NR1I2</i>	<i>LRRC23</i>	<i>CD200</i>
<i>POMGNT1</i>	<i>ELN</i>	<i>BRAF</i>
<i>CD80</i>	<i>PTCH1</i>	<i>ADAM12</i>
<i>THY1</i>	<i>STX1A</i>	<i>KLK13</i>
<i>HEY2</i>	<i>ACAN</i>	<i>KLK3</i>
<i>MFRP</i>	<i>TNMD</i>	<i>KLK15</i>
<i>GAP43</i>	<i>ACAA1</i>	<i>KLK1</i>
<i>CLCN1</i>	<i>MMP2</i>	<i>IDS</i>
<i>GJA1</i>	<i>TAC3</i>	<i>PTN</i>
<i>TIMP2</i>	<i>CHM</i>	<i>PTGDS</i>

<i>UROD</i>	<i>BEST1</i>	<i>APOA1</i>
<i>PLN</i>	<i>PLOD1</i>	<i>HTRA1</i>
<i>BOC</i>	<i>CNOT8</i>	<i>ZBTB16</i>
<i>PLK3</i>	<i>PES1</i>	<i>ITGB4</i>
<i>ROSI</i>	<i>CDKN2A</i>	<i>YBX1</i>
<i>FPR1</i>	<i>EDN1</i>	<i>NOTCH1</i>
<i>MKI67</i>	<i>TEK</i>	<i>CALD1</i>
<i>CD200</i>	<i>USP9X</i>	<i>FGFR2</i>
<i>NPS</i>	<i>HM13</i>	<i>SEC23IP</i>
<i>CD96</i>	<i>LY96</i>	<i>GRB2</i>
<i>FYN</i>	<i>ICAM1</i>	<i>NCAM1</i>
<i>GRIN1</i>	<i>VIM</i>	<i>IL18</i>
<i>DPP7</i>	<i>AGT</i>	<i>C2</i>
<i>BACE1</i>	<i>TNXB</i>	<i>MKLN1</i>
<i>ENTPD2</i>	<i>WDR36</i>	<i>IRF3</i>
<i>WASF1</i>	<i>TWIST1</i>	<i>ZNF643</i>
<i>PTGDS</i>	<i>TIMP1</i>	<i>FCGRT</i>
<i>APOA1</i>	<i>CFP</i>	<i>CD300LF</i>
<i>EIF2AK3</i>	<i>PAX6</i>	<i>MMP17</i>
<i>TFG</i>	<i>MMRN1</i>	<i>STX2</i>
<i>ZBTB16</i>	<i>CD59</i>	<i>ATM</i>
<i>FOXO3</i>	<i>WAS</i>	<i>MAP3K7</i>
<i>CALD1</i>	<i>NPY</i>	<i>FOXP1</i>
<i>BRWD2</i>	<i>ITCH</i>	<i>SOX9</i>
<i>SEC23IP</i>	<i>FOS</i>	<i>VAMP8</i>
<i>NCAM1</i>	<i>CYCS</i>	<i>NTF4</i>

<i>IL18</i>	<i>CAT</i>	<i>LEP</i>
<i>C2</i>	<i>TGFB3</i>	<i>BAX</i>
<i>CPA1</i>	<i>CD44</i>	<i>HABP2</i>
<i>PAEP</i>	<i>AP003117.1</i>	<i>TCF7L2</i>
<i>POU1F1</i>	<i>SYP</i>	<i>MMP13</i>
<i>ZMPSTE24</i>	<i>NOS2</i>	<i>FUT1</i>
<i>OLFM1</i>	<i>VTN</i>	<i>MMP12</i>
<i>MCHR2</i>	<i>SMTN</i>	<i>MMP3</i>
<i>RDX</i>	<i>EGF</i>	<i>MMP1</i>
<i>TSPAN33</i>	<i>PITX2</i>	<i>MMP10</i>
<i>TRIT1</i>	<i>BBS9</i>	<i>MMP8</i>
<i>CNTN3</i>	<i>TGFB1</i>	<i>SLC16A6</i>
<i>ATM</i>	<i>GRASP</i>	<i>MMP7</i>
<i>HEYL</i>	<i>SLC6A6</i>	<i>BIRC3</i>
<i>CASP8AP2</i>	<i>KRT7</i>	<i>FEZF2</i>
<i>ADRB1</i>	<i>MAZ</i>	<i>PRKCA</i>
<i>SSTR2</i>	<i>PML</i>	<i>CLIP1</i>
<i>VAMP5</i>	<i>IL2</i>	<i>CAV1</i>
<i>VAMP8</i>	<i>FGF2</i>	<i>HTRA2</i>
<i>NTF4</i>	<i>NUDT6</i>	<i>ICAM2</i>
<i>IMPDH1</i>	<i>CD14</i>	<i>C5AR1</i>
<i>BAX</i>	<i>ANXA13</i>	<i>GHI</i>
<i>PDGFD</i>	<i>MAPK3</i>	<i>CYP17A1</i>
<i>CNRI</i>	<i>SERPINA4</i>	<i>CTSC</i>
<i>ABO</i>	<i>TNF</i>	<i>SLC17A5</i>
<i>MMP12</i>	<i>SDC1</i>	<i>PXN</i>

<i>MTF1</i>	<i>ITGAL</i>	<i>NRCAM</i>
<i>MMP3</i>	<i>EDA</i>	<i>CHDH</i>
<i>MMP1</i>	<i>CYB5R3</i>	<i>NOVA2</i>
<i>WASL</i>	<i>MAPK8</i>	<i>PPP2R4</i>
<i>MMP8</i>	<i>IGFBP3</i>	<i>DMPK</i>
<i>FUT2</i>	<i>TNFRSF9</i>	<i>SLC26A3</i>
<i>ATXN7</i>	<i>ENO1</i>	<i>VASP</i>
<i>FEZF2</i>	<i>TGFBR2</i>	<i>ITIH4</i>
<i>MTMR2</i>	<i>UPP1</i>	<i>NOS1</i>
<i>KNTC1</i>	<i>SLC18A3</i>	<i>PIK3CG</i>
<i>PRKCA</i>	<i>TF</i>	<i>ACE</i>
<i>APOH</i>	<i>ASL</i>	<i>MRC2</i>
<i>COL8A2</i>	<i>GLB1</i>	<i>STAB1</i>
<i>DIABLO</i>	<i>EGFR</i>	<i>DYSF</i>
<i>DNASE1L3</i>	<i>RPS4X</i>	<i>RELN</i>
<i>FLNB</i>	<i>PDGFRB</i>	<i>BCL3</i>
<i>NUP214</i>	<i>MMP9</i>	<i>PVR</i>
<i>IMPG1</i>	<i>ANGPTL7</i>	<i>EMD</i>
<i>FOXP2</i>	<i>EYA2</i>	<i>SERPINH1</i>
<i>GHI</i>	<i>MIP</i>	<i>FLNA</i>
<i>HESX1</i>	<i>SPARC</i>	<i>CHUK</i>
<i>SAE1</i>	<i>AKT1</i>	<i>RPS6KB1</i>
<i>ASS1</i>	<i>VCAN</i>	<i>IRAK1</i>
<i>TYR</i>	<i>MAX</i>	<i>PLAUR</i>
<i>CTSC</i>	<i>CALCA</i>	<i>SDC3</i>
<i>SLC17A5</i>	<i>EMP2</i>	<i>HPSE2</i>

<i>PXN</i>	<i>SDCBP</i>	<i>ARD1A</i>
<i>TOR1B</i>	<i>IL8</i>	<i>MATN1</i>
<i>CHDH</i>	<i>AFM</i>	<i>TEX101</i>
<i>NOVA2</i>	<i>AFP</i>	<i>LEFTY2</i>
<i>DMPK</i>	<i>FBN1</i>	<i>LCN2</i>
<i>SLC26A4</i>	<i>ARSB</i>	<i>SERPINE1</i>
<i>F8</i>	<i>ALB</i>	<i>MPO</i>
<i>OPA3</i>	<i>COL18A1</i>	<i>ACHE</i>
<i>NOS1</i>	<i>LYVE1</i>	<i>TRPV4</i>
<i>ZBTB8OS</i>	<i>MN1</i>	<i>POU2F2</i>
<i>PIK3CG</i>	<i>IL2RA</i>	<i>IL17A</i>
<i>IKBKG</i>	<i>FOXC1</i>	<i>HYAL1</i>
<i>ERCC2</i>	<i>LECT1</i>	<i>EPHB4</i>
<i>G6PD</i>	<i>TUBB4</i>	<i>ACTR2</i>
<i>ACE</i>	<i>MLANA</i>	<i>ENG</i>
<i>UBL4A</i>	<i>SNAP25</i>	<i>BGN</i>
<i>RIMS1</i>	<i>CTSD</i>	<i>CD79A</i>
<i>APOE</i>	<i>SERPINB2</i>	<i>EPO</i>
<i>PAX2</i>	<i>SMN1</i>	<i>SEMA3B</i>
<i>PVR</i>	<i>EIF5A</i>	<i>ETV5</i>
<i>SCD</i>	<i>SMN2</i>	<i>GALNS</i>
<i>SERPINH1</i>	<i>GGT1</i>	<i>CD2AP</i>
<i>CA4</i>	<i>PLAT</i>	<i>TNFRSF21</i>
<i>FLNA</i>	<i>BMP2</i>	<i>IL18BP</i>
<i>CHUK</i>	<i>KIT</i>	<i>TGFB1</i>
<i>ABCC2</i>	<i>PCNA</i>	<i>CYBA</i>

<i>HCFC1</i>	<i>ADAL</i>	<i>GABRQ</i>
<i>XRCC1</i>	<i>PTGER2</i>	<i>DNTT</i>
<i>GRM2</i>	<i>NID2</i>	<i>SFN</i>
<i>AVPR2</i>	<i>RBI</i>	<i>CTTN</i>
<i>ZNHIT1</i>	<i>PRNP</i>	<i>RUNX2</i>
<i>GCLC</i>	<i>SMARCA2</i>	<i>CCND1</i>
<i>SERPINE1</i>	<i>ESD</i>	<i>VEGFA</i>
<i>CEACAM1</i>	<i>AMELX</i>	<i>MAPKAP1</i>
<i>MPO</i>	<i>BCR</i>	<i>TRIM63</i>
<i>LPO</i>	<i>FGFR1</i>	<i>DAG1</i>
<i>ACHE</i>	<i>RIPK4</i>	<i>HSPA5</i>
<i>ZMYND10</i>	<i>UCHL1</i>	<i>MBTPS1</i>
<i>IL17A</i>	<i>STAP2</i>	<i>XYLT2</i>
<i>SCPEP1</i>	<i>MMP26</i>	<i>RHOA</i>
<i>COIL</i>	<i>CDKN1B</i>	<i>CDH13</i>
<i>ENG</i>	<i>GP1BA</i>	<i>COL1A1</i>
<i>MMD</i>	<i>MBP</i>	<i>IGF1</i>
<i>BGN</i>	<i>MATK</i>	<i>EFEMP1</i>
<i>CD79A</i>	<i>ITGA2</i>	<i>CD40LG</i>
<i>RPS19P3</i>	<i>GSR</i>	<i>MAF</i>
<i>EPO</i>	<i>SOD3</i>	<i>FHL1</i>
<i>PELI1</i>	<i>BCL2</i>	<i>SAGE1</i>
<i>GALNS</i>	<i>LDB2</i>	<i>NGFR</i>
<i>TNFRSF21</i>	<i>IGF2</i>	<i>PHB</i>
<i>CDT1</i>	<i>CLU</i>	<i>BCAR1</i>
<i>TGFB1</i>	<i>PROM1</i>	<i>GPC3</i>

<i>GABRQ</i>	<i>COCH</i>	<i>CNR2</i>
<i>DNTT</i>	<i>TBX1</i>	<i>FAS</i>
<i>SLC9A1</i>	<i>GRP</i>	<i>SLC25A3</i>
<i>AXL</i>	<i>KCNE1</i>	<i>CTSF</i>
<i>CA5A</i>	<i>THBS1</i>	<i>TAC1</i>
<i>MST1R</i>	<i>PNMA2</i>	<i>GSN</i>
<i>RUNX2</i>	<i>NEFM</i>	<i>PTEN</i>
<i>CYP2B7P1</i>	<i>SERPINF1</i>	<i>COL7A1</i>
<i>FADD</i>	<i>STC1</i>	<i>ITGB3</i>
<i>FOXC2</i>	<i>ENO2</i>	<i>SNCG</i>
<i>FOXF1</i>	<i>ALOX5AP</i>	<i>EPHB2</i>
<i>FGF19</i>	<i>FLT1</i>	<i>NSF</i>
<i>LMX1B</i>	<i>CD4</i>	<i>COL1A2</i>
<i>GAL</i>	<i>CHRNA7</i>	<i>RYR1</i>
<i>TXNRD1</i>	<i>MRAP</i>	<i>TFPI2</i>
<i>FMR1</i>	<i>HUNK</i>	<i>CDC42</i>
<i>VEGFA</i>	<i>SOD1</i>	<i>CST6</i>
<i>MAGEC2</i>	<i>CHRFAM7A</i>	<i>BANF1</i>
<i>TRIM63</i>	<i>TJP1</i>	<i>CDK6</i>
<i>REL</i>	<i>GAPDH</i>	<i>HSPG2</i>
<i>HSPA5</i>	<i>PRTN3</i>	<i>DCN</i>
<i>AMT</i>	<i>SETBP1</i>	<i>LUM</i>
<i>RHOA</i>	<i>VWF</i>	<i>PAPPA</i>
<i>COL1A1</i>	<i>MMP14</i>	<i>MAP3K14</i>
<i>SGCA</i>	<i>CDH2</i>	<i>XIAP</i>
<i>IGF1</i>	<i>RNASE3</i>	<i>TNC</i>

<i>GSTP1</i>	<i>APEX1</i>	<i>KRIT1</i>
<i>LAMB2</i>	<i>TGIF1</i>	<i>GFAP</i>
<i>CD40LG</i>	<i>LPIN2</i>	<i>NQO1</i>
<i>GNPTAB</i>		<i>SETD2</i>
<i>CYP26A1</i>		<i>ITGA2B</i>
<i>HHEX</i>		<i>HAS3</i>
<i>SAGE1</i>		<i>CDH1</i>
<i>CLCF1</i>		<i>CDH3</i>
<i>RHOD</i>		<i>CDKN1A</i>
<i>GPC3</i>		<i>LTF</i>
<i>SPTBN1</i>		<i>CCR5</i>
<i>LIPA</i>		<i>ETV7</i>
<i>CNR2</i>		<i>AGTR2</i>
<i>APAF1</i>		<i>SEMA3A</i>
<i>FAS</i>		<i>MAPK14</i>
<i>GSN</i>		<i>VCL</i>
<i>AC009087.2</i>		<i>PLAU</i>
<i>HP</i>		<i>SLCO4A1</i>
<i>LGALS4</i>		<i>HGF</i>
<i>AIFM1</i>		<i>CD36</i>
<i>UCN2</i>		<i>PPARD</i>
<i>PON1</i>		<i>MEN1</i>
<i>SNCG</i>		<i>LAMA5</i>
<i>CIQB</i>		<i>ADRM1</i>
<i>SASH3</i>		<i>PTPRB</i>
<i>TAT</i>		<i>SPDEF</i>

<i>COL1A2</i>	<i>PDLIM7</i>
<i>OCRL</i>	<i>IFNG</i>
<i>CALB2</i>	<i>MFAP2</i>
<i>SOCS2</i>	<i>GRIP1</i>
<i>CALCR</i>	<i>ESRRA</i>
<i>MAPT</i>	<i>TH1L</i>
<i>TLR4</i>	<i>HMGA2</i>
<i>HSPG2</i>	<i>LTBP1</i>
<i>DCN</i>	<i>STAT3</i>
<i>LUM</i>	<i>LEMD3</i>
<i>KERA</i>	<i>VEGFB</i>
<i>XIAP</i>	<i>CTNNB1</i>
<i>TNC</i>	<i>INVS</i>
<i>KRIT1</i>	<i>TLR3</i>
<i>CSPG5</i>	<i>C10orf27</i>
<i>KITLG</i>	<i>MMP15</i>
<i>GFAP</i>	<i>PEPD</i>
<i>DNAJC5</i>	<i>TGFBR1</i>
<i>ECE1</i>	<i>NODAL</i>
<i>PFTK1</i>	<i>ACLY</i>
<i>GLO1</i>	<i>AIFM2</i>
<i>CDA</i>	<i>NKX2-5</i>
<i>SRI</i>	<i>RPSA</i>
<i>CDH1</i>	<i>BMP7</i>
<i>SLC4A1</i>	<i>JUP</i>
<i>PLA2G2A</i>	<i>CDK4</i>

<i>KCNMA1</i>	<i>GAST</i>
<i>CDKN1A</i>	<i>DUSP1</i>
<i>PSMB10</i>	<i>AGAP2</i>
<i>CCR5</i>	<i>KRT17</i>
<i>CTRL</i>	<i>KRT19</i>
<i>AGTR2</i>	<i>FGF18</i>
<i>MAPK14</i>	<i>FURIN</i>
<i>TCFL5</i>	<i>GORASP1</i>
<i>ACD</i>	<i>BLM</i>
<i>VCL</i>	<i>DOCK2</i>
<i>CTCF</i>	<i>CTSL2</i>
<i>SOS1</i>	<i>TYMP</i>
<i>PLAU</i>	<i>LAT2</i>
<i>NTSR1</i>	<i>ANPEP</i>
<i>AGRP</i>	<i>VEGFC</i>
<i>HGF</i>	<i>LIMK1</i>
<i>FKBP5</i>	<i>CCR7</i>
<i>BRCA1</i>	<i>HSD17B3</i>
<i>CYP11B1</i>	<i>HMMR</i>
<i>RAMP2</i>	<i>ARHGAP9</i>
<i>LYZ</i>	<i>GLI1</i>
<i>CPM</i>	<i>MT3</i>
<i>CDH4</i>	<i>ELN</i>
<i>EIF2AK2</i>	<i>CLDN4</i>
<i>TSC22D3</i>	<i>CEBPB</i>
<i>HSPB1</i>	<i>AMFR</i>

<i>LSR</i>	<i>NOX1</i>
<i>IFNG</i>	<i>PTCH1</i>
<i>MFAP2</i>	<i>MYD88</i>
<i>F12</i>	<i>CES1</i>
<i>GRIP1</i>	<i>ACAN</i>
<i>HPN</i>	<i>LRP1</i>
<i>BAK1</i>	<i>TNFRSF1B</i>
<i>LTBP1</i>	<i>MMP2</i>
<i>WIF1</i>	<i>SCRT1</i>
<i>SMC2</i>	<i>PALLD</i>
<i>VEGFB</i>	<i>HSF1</i>
<i>BIRC6</i>	<i>HSD17B6</i>
<i>POR</i>	<i>ERBB2</i>
<i>TBK1</i>	<i>CNOT8</i>
<i>GNAS</i>	<i>CYP21A2</i>
<i>IGF1R</i>	<i>NPPB</i>
<i>CNOT1</i>	<i>CPE</i>
<i>GPI</i>	<i>NPPA</i>
<i>SRD5A2</i>	<i>JAG2</i>
<i>CYP4V2</i>	<i>CYSLTR1</i>
<i>XDH</i>	<i>HAPLN1</i>
<i>CTNNB1</i>	<i>CXCL9</i>
<i>INVS</i>	<i>EDIL3</i>
<i>C10orf27</i>	<i>SOX6</i>
<i>NODAL</i>	<i>CXCL10</i>
<i>ACLY</i>	<i>RASA1</i>

<i>BMP7</i>	<i>CXCL11</i>
<i>FES</i>	<i>TFAP2A</i>
<i>ARSA</i>	<i>PHYH</i>
<i>BLM</i>	<i>CYP19A1</i>
<i>C19orf2</i>	<i>RAC1</i>
<i>AURKA</i>	<i>IFNB1</i>
<i>HK1</i>	<i>THBD</i>
<i>TAP1</i>	<i>CXCL13</i>
<i>SCN5A</i>	<i>ARG2</i>
<i>TYMP</i>	<i>CYBB</i>
<i>LAT2</i>	<i>IFNA1</i>
<i>DDIT3</i>	<i>FRAS1</i>
<i>VEGFC</i>	<i>CST3</i>
<i>CCR7</i>	<i>EDN1</i>
<i>HLA-DQB1</i>	<i>ANTXR2</i>
<i>PLIN</i>	<i>ACTN1</i>
<i>SBF1</i>	<i>TEK</i>
<i>ELN</i>	<i>MUC16</i>
<i>HPGD</i>	<i>BMP3</i>
<i>CEBPB</i>	<i>LY75</i>
<i>HAND2</i>	<i>MAP2K4</i>
<i>PTCH1</i>	<i>PIN1</i>
<i>SLC25A16</i>	<i>ABCC6</i>
<i>SNAIL</i>	<i>ETV1</i>
<i>STX1A</i>	<i>NELL2</i>
<i>LRP1</i>	<i>HPSE</i>

<i>AGER</i>	<i>DNMT1</i>
<i>CLCN3</i>	<i>XYLT1</i>
<i>CSF3</i>	<i>SOX4</i>
<i>MLXIPL</i>	<i>PRL</i>
<i>MMP2</i>	<i>ICAM1</i>
<i>TNFRSF8</i>	<i>VIM</i>
<i>NTRK3</i>	<i>AC136618.1</i>
<i>HSF1</i>	<i>AHR</i>
<i>CHM</i>	<i>TIMP3</i>
<i>MFN2</i>	<i>AGT</i>
<i>BEST1</i>	<i>TNXB</i>
<i>SGCD</i>	<i>FABP4</i>
<i>CNOT8</i>	<i>PDE4A</i>
<i>TCAP</i>	<i>APC</i>
<i>NPPA</i>	<i>TWIST1</i>
<i>FEN1</i>	<i>RAPGEF3</i>
<i>NOD2</i>	<i>MCC</i>
<i>EGR2</i>	<i>HMOX1</i>
<i>MLC1</i>	<i>EFNB2</i>
<i>CLCN6</i>	<i>DNMT3B</i>
<i>GPHN</i>	<i>BDNF</i>
<i>TFAP2A</i>	<i>ANXA2</i>
<i>DCT</i>	<i>SPARCL1</i>
<i>PES1</i>	<i>MAPRE1</i>
<i>PDE7A</i>	<i>ZNF410</i>
<i>CYP19A1</i>	<i>DSPP</i>

<i>NUCB2</i>	<i>TIMP1</i>
<i>IFNB1</i>	<i>DMP1</i>
<i>ARG2</i>	<i>IBSP</i>
<i>IFNA2</i>	<i>MEPE</i>
<i>IFNA1</i>	<i>COL4A1</i>
<i>EDN1</i>	<i>SPP1</i>
<i>ADAMTS10</i>	<i>COL2A1</i>
<i>ANTXR2</i>	<i>HIST1H1C</i>
<i>VSX1</i>	<i>DNM2</i>
<i>SAA2</i>	<i>COL4A2</i>
<i>SAA1</i>	<i>IL6</i>
<i>BMP3</i>	<i>MMP16</i>
<i>USP9X</i>	<i>LOX</i>
<i>CD83</i>	<i>SMARCA4</i>
<i>CAST</i>	<i>CCL19</i>
<i>MAP2K4</i>	<i>LTBP2</i>
<i>NYX</i>	<i>MMRN1</i>
<i>LDHA</i>	<i>PGF</i>
<i>NINL</i>	<i>WAS</i>
<i>OLFM2</i>	<i>WNT1</i>
<i>ABCC6</i>	<i>FBN2</i>
<i>PTPN5</i>	<i>FOS</i>
<i>ANGPTL6</i>	<i>DHH</i>
<i>HM13</i>	<i>CYCS</i>
<i>ID1</i>	<i>CAT</i>
<i>BCL2L1</i>	<i>ELAVL3</i>

<i>PRL</i>	<i>TGFB3</i>
<i>ICAM1</i>	<i>CD44</i>
<i>VIM</i>	<i>CCNE2</i>
<i>ICAM4</i>	<i>VHL</i>
<i>AC136618.1</i>	<i>LAMP1</i>
<i>SMG1</i>	<i>PRPH</i>
<i>HEY1</i>	<i>PIM2</i>
<i>AHR</i>	<i>IL3</i>
<i>TIMP3</i>	<i>DPP8</i>
<i>AGT</i>	<i>CSF2</i>
<i>WDR36</i>	<i>SDC2</i>
<i>APC</i>	<i>PPP3CA</i>
<i>SNX16</i>	<i>MMP24</i>
<i>TWIST1</i>	<i>TRAF6</i>
<i>ERCC5</i>	<i>RAG1</i>
<i>HMOX1</i>	<i>MATN2</i>
<i>EFNB2</i>	<i>NFKB1</i>
<i>CA1</i>	<i>PPP3R1</i>
<i>CA2</i>	<i>PRKCB</i>
<i>BDNF</i>	<i>IL5</i>
<i>ARAF</i>	<i>LGALS1</i>
<i>TIMP1</i>	<i>AGRN</i>
<i>COL4A1</i>	<i>IL13</i>
<i>SPP1</i>	<i>IL4</i>
<i>COL2A1</i>	<i>EXT2</i>
<i>HFE</i>	<i>RECK</i>

<i>IL6</i>	<i>MAP2K1</i>
<i>SENP1</i>	<i>MAP2K3</i>
<i>PAX6</i>	<i>TIMP4</i>
<i>VSX2</i>	<i>PPARG</i>
<i>ABCD4</i>	<i>SMAD6</i>
<i>LOX</i>	<i>NOS2</i>
<i>DECRI</i>	<i>SMAD3</i>
<i>WT1</i>	<i>SEL1L</i>
<i>TPM1</i>	<i>RAF1</i>
<i>CCL19</i>	<i>LEF1</i>
<i>CCL21</i>	<i>HLA-E</i>
<i>LTBP2</i>	<i>VTN</i>
<i>GPNUMB</i>	<i>ZEB1</i>
<i>CA12</i>	<i>CALR</i>
<i>SNCA</i>	<i>TGOLN2</i>
<i>LDLR</i>	<i>SMTN</i>
<i>MMRN1</i>	<i>SPAG5</i>
<i>CD59</i>	<i>GLCE</i>
<i>PDLIM5</i>	<i>CTHRC1</i>
<i>PGF</i>	<i>EGF</i>
<i>WAS</i>	<i>WNT7A</i>
<i>PVALB</i>	<i>TGFBI</i>
<i>SLC12A2</i>	<i>LRP12</i>
<i>FBN2</i>	<i>TBX20</i>
<i>EPOR</i>	<i>ANGPT1</i>
<i>FOS</i>	<i>ACVRL1</i>

<i>F7</i>	<i>NPTXR</i>
<i>CYCS</i>	<i>KRT7</i>
<i>CAT</i>	<i>PDGFB</i>
<i>HINT1</i>	<i>ADAM17</i>
<i>IL2RB</i>	<i>EBAG9</i>
<i>TGFB3</i>	<i>DDR1</i>
<i>RAC2</i>	<i>CD19</i>
<i>RASL12</i>	<i>FBLN5</i>
<i>MAPK7</i>	<i>EGR1</i>
<i>CD44</i>	<i>ODC1</i>
<i>VHL</i>	<i>KRT8P9</i>
<i>LAMP1</i>	<i>SRC</i>
<i>CA9</i>	<i>ANXA5</i>
<i>SLC1A2</i>	<i>EXT1</i>
<i>CSF2</i>	<i>GIT1</i>
<i>GSTT1</i>	<i>TNFRSF11B</i>
<i>NGB</i>	<i>NOV</i>
<i>GSTZ1</i>	<i>ENPP2</i>
<i>NFKB1</i>	<i>TGM2</i>
<i>IRF1</i>	<i>LOXL1</i>
<i>IL5</i>	<i>COL14A1</i>
<i>MOG</i>	<i>HBEGF</i>
<i>RAD50</i>	<i>EP300</i>
<i>LGALS1</i>	<i>IL2</i>
<i>AQP2</i>	<i>RET</i>
<i>ALKBH1</i>	<i>FGF2</i>

<i>IL4</i>	<i>NUDT6</i>
<i>HLA-A</i>	<i>HAS2</i>
<i>SYP</i>	<i>CXCL12</i>
<i>PRDX2</i>	<i>MYCN</i>
<i>BAMBI</i>	<i>AEBP1</i>
<i>SMAD6</i>	<i>MAPK3</i>
<i>NOS2</i>	<i>CSK</i>
<i>SMAD3</i>	<i>SERPINA1</i>
<i>RAF1</i>	<i>ANXA1</i>
<i>HADH</i>	<i>SP1</i>
<i>CLCN5</i>	<i>MYL7</i>
<i>HLA-E</i>	<i>KAT2B</i>
<i>VTN</i>	<i>MSN</i>
<i>ZEB1</i>	<i>MATN3</i>
<i>CALR</i>	<i>TNF</i>
<i>CLN6</i>	<i>MYC</i>
<i>SMTN</i>	<i>SDC1</i>
<i>SPAG5</i>	<i>ITGAL</i>
<i>EGF</i>	<i>CCL2</i>
<i>ALLC</i>	<i>APOB</i>
<i>RIMS2</i>	<i>CCL7</i>
<i>NEUROG1</i>	<i>EDA</i>
<i>PITX2</i>	<i>CCL11</i>
<i>BBS9</i>	<i>CCL8</i>
<i>TGFBI</i>	<i>PPIA</i>
<i>SLC6A6</i>	<i>CSPG4</i>

<i>NR2E3</i>	<i>FGF1</i>
<i>KRT7</i>	<i>MIF</i>
<i>UGT8</i>	<i>SERPING1</i>
<i>PDGFB</i>	<i>WISP1</i>
<i>FLOT1</i>	<i>ITGA5</i>
<i>LPHN1</i>	<i>MAPK8</i>
<i>PDE5A</i>	<i>FOXO4</i>
<i>EGR1</i>	<i>IGFBP1</i>
<i>KRT3</i>	<i>IGFBP3</i>
<i>HSPA9</i>	<i>VAMP3</i>
<i>GRAP2</i>	<i>PARK7</i>
<i>PTGER1</i>	<i>MMP28</i>
<i>KRT8P9</i>	<i>PPP1R1A</i>
<i>ANXA5</i>	<i>EDNRA</i>
<i>CTNNB1</i>	<i>SDC4</i>
<i>KRT18P19</i>	<i>ADCY3</i>
<i>ROCK2</i>	<i>CCL5</i>
<i>TGM2</i>	<i>TGFBR2</i>
<i>LOXL1</i>	<i>NONO</i>
<i>NRG2</i>	<i>CCL3</i>
<i>COL14A1</i>	<i>PTK2</i>
<i>IL2</i>	<i>CCL4</i>
<i>RET</i>	<i>POMC</i>
<i>FGF2</i>	<i>TF</i>
<i>CDIPT</i>	<i>BST2</i>
<i>NUDT6</i>	<i>NCOA4</i>

<i>TRPM3</i>	<i>ADRB2</i>
<i>INTU</i>	<i>HSP90AA2</i>
<i>NOTCH3</i>	<i>CTSH</i>
<i>CYP1A1</i>	<i>MMP19</i>
<i>ANXA13</i>	<i>ITGAM</i>
<i>CYP1A2</i>	<i>CDK2</i>
<i>MAPK3</i>	<i>GLB1</i>
<i>SERPINA6</i>	<i>CXCR3</i>
<i>SERPINA1</i>	<i>MS4A2</i>
<i>MTSSI</i>	<i>ERBB3</i>
<i>SERPINA3</i>	<i>EGFR</i>
<i>CYP4F3</i>	<i>RPS4X</i>
<i>HEPH</i>	<i>FBLN1</i>
<i>LTA</i>	<i>CTSL1</i>
<i>CD2BP2</i>	<i>CSF1R</i>
<i>TNF</i>	<i>CCRK</i>
<i>CYP2D6</i>	<i>PDGFRB</i>
<i>ITGAL</i>	<i>MMP9</i>
<i>RAB8A</i>	<i>CD40</i>
<i>ACOT7</i>	<i>PPARA</i>
<i>CBX5</i>	<i>CKB</i>
<i>EFNB1</i>	<i>JUND</i>
<i>GYPB</i>	<i>MAPRE3</i>
<i>FGF1</i>	<i>SYK</i>
<i>SMTNL1</i>	<i>ROR2</i>
<i>YWHAB</i>	<i>SPTLC1</i>

<i>ADCY1</i>	<i>RXFP1</i>
<i>MAPK8</i>	<i>COMP</i>
<i>WARS</i>	<i>MIP</i>
<i>TNFRSF9</i>	<i>SPARC</i>
<i>SLPI</i>	<i>AKT1</i>
<i>POU4F2</i>	<i>ADCY7</i>
<i>PPP1R1A</i>	<i>OGN</i>
<i>EDNRA</i>	<i>VCAN</i>
<i>GJB1</i>	<i>MAX</i>
<i>ADCY3</i>	<i>DMD</i>
<i>ENO1</i>	<i>CALCA</i>
<i>TGFBR2</i>	<i>FSCN1</i>
<i>UPP1</i>	<i>DSP</i>
<i>CHAT</i>	<i>FGF7</i>
<i>EIF2C2</i>	<i>EDNRB</i>
<i>SLC18A3</i>	<i>CIITA</i>
<i>POMC</i>	<i>OSM</i>
<i>NTRK2</i>	<i>LIF</i>
<i>H6PD</i>	<i>COPS2</i>
<i>TF</i>	<i>ACTB</i>
<i>GLYAT</i>	<i>EPGN</i>
<i>GDF11</i>	<i>ESR2</i>
<i>ADRB2</i>	<i>PTH</i>
<i>HSP90AA2</i>	<i>CXCL5</i>
<i>WDR20</i>	<i>PPBP</i>
<i>SLURP1</i>	<i>PF4</i>

<i>SILV</i>	<i>IL8</i>
<i>HSPA1A</i>	<i>RETN</i>
<i>HSPA1B</i>	<i>F13A1</i>
<i>CCR4</i>	<i>AFM</i>
<i>BCL2A1</i>	<i>COL6A2</i>
<i>GLB1</i>	<i>PARVA</i>
<i>NEU1</i>	<i>FBN1</i>
<i>EGFR</i>	<i>ALB</i>
<i>GAS1</i>	<i>FREM1</i>
<i>RPS4X</i>	<i>PHEX</i>
<i>PDE6A</i>	<i>F2RL1</i>
<i>ALI17209.1</i>	<i>F2R</i>
<i>CSF1R</i>	<i>RRBP1</i>
<i>MMP9</i>	<i>PTHLH</i>
<i>APOBEC3G</i>	<i>COL18A1</i>
<i>CD40</i>	<i>DSTN</i>
<i>ANGPTL7</i>	<i>GNA12</i>
<i>PLEC1</i>	<i>EWSR1</i>
<i>COMP</i>	<i>HIF1A</i>
<i>MLH1</i>	<i>HMGCR</i>
<i>CPNE1</i>	<i>LYVE1</i>
<i>RBM12</i>	<i>ITGB2</i>
<i>BRD1</i>	<i>SNAI2</i>
<i>MIP</i>	<i>ADM</i>
<i>SPARC</i>	<i>SSPN</i>
<i>AKT1</i>	<i>STATH</i>

<i>ADCY7</i>	<i>CSN2</i>
<i>MTHFR</i>	<i>CEBPD</i>
<i>OGN</i>	<i>TP53</i>
<i>VCAN</i>	<i>LECT1</i>
<i>OPTN</i>	<i>CREBBP</i>
<i>MAX</i>	<i>TUBB4</i>
<i>XRCC4</i>	<i>JAG1</i>
<i>CALCA</i>	<i>TMPRSS11D</i>
<i>BMP6</i>	<i>CTSD</i>
<i>MAP2K7</i>	<i>SERPINB2</i>
<i>CDC123</i>	<i>RLN2</i>
<i>POU4F1</i>	<i>OTX2</i>
<i>FGF7</i>	<i>JAK2</i>
<i>EDNRB</i>	<i>IGFBP7</i>
<i>ACTB</i>	<i>IKBKB</i>
<i>MTHFD1</i>	<i>HOPX</i>
<i>ESR2</i>	<i>MMP25</i>
<i>PTH</i>	<i>PLAT</i>
<i>CXCL2</i>	<i>BMP2</i>
<i>SDCBP</i>	<i>PDGFA</i>
<i>FCER2</i>	<i>NRTN</i>
<i>IL8</i>	<i>LGALS3</i>
<i>USP6NL</i>	<i>CLDN7</i>
<i>TEAD1</i>	<i>GRPR</i>
<i>NF2</i>	<i>OCLN</i>
<i>PER1</i>	<i>KLF6</i>

<i>PSIP1</i>	<i>TAF9</i>
<i>FBN1</i>	<i>KDR</i>
<i>OVOL2</i>	<i>AC145132.3</i>
<i>NEFH</i>	<i>FIGF</i>
<i>RP1</i>	<i>KIT</i>
<i>TMTC1</i>	<i>CBS</i>
<i>ALB</i>	<i>BMP4</i>
<i>PHEX</i>	<i>SFRP1</i>
<i>COL18A1</i>	<i>ILK</i>
<i>PPL</i>	<i>IDO1</i>
<i>OTOR</i>	<i>PCNA</i>
<i>HIF1A</i>	<i>RASSF2</i>
<i>SLC4A4</i>	<i>ADRA1D</i>
<i>SIX1</i>	<i>MMP11</i>
<i>TYRP1</i>	<i>ADAM9</i>
<i>ADM</i>	<i>MGP</i>
<i>HMOX2</i>	<i>ATL1</i>
<i>VAV1</i>	<i>FGFR1</i>
<i>SBF2</i>	<i>MLST8</i>
<i>MN1</i>	<i>MAPK1</i>
<i>IL2RA</i>	<i>MMP26</i>
<i>B2M</i>	<i>BACE2</i>
<i>OLFM4</i>	<i>CDKN1B</i>
<i>SULT1E1</i>	<i>MAP3K1</i>
<i>TP53</i>	<i>EPST11</i>
<i>ADCY9</i>	<i>TNFSF11</i>

<i>FOXC1</i>	<i>GPIBA</i>
<i>FOXQ1</i>	<i>IL6ST</i>
<i>SHBG</i>	<i>MBP</i>
<i>TNFSF14</i>	<i>ESM1</i>
<i>CREBBP</i>	<i>FST</i>
<i>BTBD3</i>	<i>ITGA2</i>
<i>CARTPT</i>	<i>ITGA1</i>
<i>CD68</i>	<i>ETS2</i>
<i>JAG1</i>	<i>FGF10</i>
<i>AIRE</i>	<i>OLR1</i>
<i>TMPRSS11D</i>	<i>NFKB1A</i>
<i>PDCD1LG2</i>	<i>DUSP4</i>
<i>CTSD</i>	<i>POSTN</i>
<i>CD274</i>	<i>SOD3</i>
<i>LPHN3</i>	<i>PPARGC1A</i>
<i>NHS</i>	<i>CD81</i>
<i>PLCB4</i>	<i>A2M</i>
<i>IKBKB</i>	<i>SERPINB5</i>
<i>AKR1C4</i>	<i>BCL2</i>
<i>AKR1C3</i>	<i>C4A</i>
<i>EIF5A</i>	<i>TNFRSF11A</i>
<i>GGT1</i>	<i>INS</i>
<i>PLAT</i>	<i>IGF2</i>
<i>BMP2</i>	<i>CLU</i>
<i>PDGFA</i>	<i>PROM1</i>
<i>LGALS3</i>	<i>TPSAB1</i>

<i>AKRIC2</i>	<i>RUNX1</i>
<i>GLIS3</i>	<i>PTK2B</i>
<i>AKRIC1</i>	<i>RCAN1</i>
<i>ACE2</i>	<i>PRKD1</i>
<i>PIR</i>	<i>SLC5A3</i>
<i>KIT</i>	<i>GZMB</i>
<i>CBS</i>	<i>THBS1</i>
<i>BMP4</i>	<i>PNMA2</i>
<i>SFRP1</i>	<i>C1R</i>
<i>ILK</i>	<i>C1S</i>
<i>FANCB</i>	<i>STUB1</i>
<i>PCNA</i>	<i>SERPINF1</i>
<i>PTGER2</i>	<i>PTPN6</i>
<i>HBB</i>	<i>SERPINF2</i>
<i>RBI</i>	<i>ALOX5AP</i>
<i>PRNP</i>	<i>HMGB1</i>
<i>ADRA1D</i>	<i>LOXL2</i>
<i>SMPD1</i>	<i>SMAD4</i>
<i>TFF1</i>	<i>FLT1</i>
<i>GTPBP4</i>	<i>CD151</i>
<i>HTR2A</i>	<i>CD4</i>
<i>HTR1A</i>	<i>YWHAE</i>
<i>AC055839.1</i>	<i>ZNF384</i>
<i>BCR</i>	<i>LIPG</i>
<i>MGP</i>	<i>MSX1</i>
<i>SAV1</i>	<i>DYM</i>

<i>ERCC8</i>	<i>SMAD7</i>
<i>EMP1</i>	<i>SMAD2</i>
<i>TPT1</i>	<i>BMP1</i>
<i>MAPK1</i>	<i>JPH4</i>
<i>TSC22D1</i>	<i>TRIO</i>
<i>BACE2</i>	<i>LRPAP1</i>
<i>CDKN1B</i>	<i>SOD1</i>
<i>SLC4A11</i>	<i>MYH7</i>
<i>ARSD</i>	<i>C16orf35</i>
<i>ADRB3</i>	<i>TJP1</i>
<i>TRIM21</i>	<i>GAPDH</i>
<i>UBE2K</i>	<i>IFITM1</i>
<i>GP1BA</i>	<i>ELANE</i>
<i>TSC2</i>	<i>PRTN3</i>
<i>STK19P</i>	<i>FGF9</i>
<i>MBP</i>	<i>LPL</i>
<i>ESM1</i>	<i>ADAMTS5</i>
<i>CNDP1</i>	<i>FSTL3</i>
<i>FOXO1</i>	<i>JUB</i>
<i>TBC1D1</i>	<i>ADAMTS1</i>
<i>SSTR1</i>	<i>VWF</i>
<i>ISL1</i>	<i>APP</i>
<i>FGF10</i>	<i>NTF3</i>
<i>CCL28</i>	<i>BSG</i>
<i>GSR</i>	<i>BGLAP</i>
<i>NFKB1A</i>	<i>MMP14</i>

<i>POSTN</i>	<i>FGF23</i>
<i>PTGER4</i>	<i>NRIP1</i>
<i>SERPINB3</i>	<i>MEP1B</i>
<i>A2M</i>	<i>CDH2</i>
<i>CTNS</i>	<i>CTSB</i>
<i>BCL2</i>	<i>GATA4</i>
<i>PBK</i>	<i>APEX1</i>
<i>C4A</i>	<i>GATA6</i>
<i>LDB2</i>	<i>ANGPT2</i>
<i>TNFRSF11A</i>	<i>ROCK1</i>
<i>COMT</i>	<i>TWSG1</i>
<i>INS</i>	
<i>IGF2</i>	
<i>GDNF</i>	
<i>CLU</i>	
<i>COCH</i>	
<i>HLA-DRB3</i>	
<i>EPHX2</i>	
<i>ADCY10</i>	
<i>SLC1A3</i>	
<i>MSLN</i>	
<i>PEX5</i>	
<i>THBS1</i>	
<i>PNMA2</i>	
<i>NEFL</i>	
<i>NEFM</i>	

C1S

STUB1

SERPINF1

SERPINF2

ENO2

ALOX5AP

LOXL2

C4B

NPR3

TNFRSF10A

BID

FLT1

TNFRSF10B

PDX1

CD4

YWHAE

SNPH

NRL

GREM1

SMAD7

SMAD2

BMP1

MRAP

LRPAP1

CENPJ

SOD1

C16orf35

MPG

HTT

GAPDH

SGCG

SETBP1

TNFRSF1A

PSMB5

VWF

AQP1

APP

TERT

NTF3

BSG

GJB2

MMP14

SLC7A7

BTG3

IDUA

FOXM1

TTR

FKBP4

PDE6B

AQP4

APEX1

MIB1

ROCK1

ZFP161

DLGAP1

TGIF1

AC217779.1

Table S2. Summary of biological process gene set enrichment analysis of text mining genes.

Process	Genes in query set	Total genes in genome	Corrected hypergeometric P value	Genes
Extracellular matrix organization	31	257	3.47E-27	<i>CDH1, CD44, VWF, VTN, VCAM1, TNF, THBS1, TGFBI, SPARC, BGN, SERPINE1, NID1, MMP14, MMP9, MMP3, MMP2, MMP1, MFAP2, LUM, ITGAL, ICAM1, TNC, FNI, FGF2, FBNI, ELN, COL18A1, DCN, VCAN, COL1A2, COL1A1</i>
Platelet degranulation	20	125	2.44E-19	<i>CLU, MMRN1, VWF, VEGFA, TIMP1, THBS1, TGFB3, TGFB2, TGFB1, TF, SPARC, SOD1, SERPINE1, KNG1, IGF2, IGF1, APOA1, FNI, ALB, EGF</i>
Cytokine-mediated signaling pathway	25	290	3.99E-18	<i>CDKN1A, CD4, VIM, VEGFA, VCAM1, TWIST1, TNF, TIMP1, TGFBI, BCL2, NOS2, MMP9, MMP3, MMP2, MMP1, KIT, IL8, IL2, ICAM1, FOS, FNI, FGF2, AKT1, F3, COL1A2</i>
Response to drug	22	305	3.82E-14	<i>CDKN1B, CDKN1A, CDH1, CAT, TIMP2, THBS1, TGFB2, TGFB1, SST, SOD1, BCL2, REN, PTCH1, APOA1, ICAM1, APEX1, FOS, ENG, EDNI, COL18A1, CTNNB1, COL1A1</i>
Positive regulation of cell population Proliferation	27	557	1.45E-13	<i>CDKN1B, CNOT8, VEGFA, TIMP1, THBS1, TGFB2, TGFB3, TGFB1, SHH, RPS4X, BCL2, KIT, IL2, IGF2, IGF1, TNC, FNI, FLT1, FGF2, AKT1, AGT, EGFR, EGF, EDNI, COL18A1, CTNNB1</i>
Response to hypoxia	17	174	7.16E-13	<i>CDKN1B, CAT, VEGFA, THBS1, TGFB2, TGFB3, TGFB1, BMP2, PLAU, PLAT, NOS2, NOS1, MMP14, MMP2, ICAM1, ENG, EDNI</i>
Wound healing	14	103	1.99E-12	<i>TIMP1, TGFB2, TGFB3, TGFB1, SPARC, IGF1, TNC, GSN, FNI, FGF2, ENG, EGFR, DCN, COL1A1</i>
Regulation of cell population Proliferation	18	222	2.05E-12	<i>CLU, CDKN1B, TNF, TGFB2, TGFB3, TGFB1, SPARC, SHH, PTCH1, PLAU, NOS2, KIT, TNC, ENG, AGT, EGFR, CTNNB1</i>
Negative regulation of gene expression	20	310	4.16E-12	<i>CDKN1A, CD34, VEGFA, TNF, TGFB2, TGFB1, BMP2, SHH, SERPINF1, NOS2, MAX, IL8, IGF1, FGF2, AKT1, ENG, AGT, EDNI, ACE, CTNNB1</i>
Positive regulation of gene expression	24	498	4.56E-12	<i>CLU, CD34, VIM, VEGFA, TWIST1, TNF, TGFB1, BMP2, SHH, MAPK8, MAPK3, NOS3, KIT, IL8, IGF1, TNC, GSN, GJA1, FN1, AKT1, F3, ENG, EGF, CTNNB1</i>
Positive regulation of cell migration	18	255	1.66E-11	<i>VEGFA, THBS1, TGFB1, BMP2, SOD2, PLAU, MMP14, MMP9, KIT, IGF1, HSPA5, FLT1, F3, EGFR, EGF, EDNI, COL18A1, COL1A1</i>
Aging	15	178	1.57E-10	<i>CAT, CALCA, TIMP2, TIMP1, TGFB2, TGFB3, SOD1, MAPK3, SERPINF1, APEX1, GSN, FOS, AKT1, AGT, DCN</i>
Cellular protein metabolic process	16	226	3.55E-10	<i>CALCA, TIMP1, TGFBI, TF, MMP2, MMP1, KNG1, IGF2, IGF1, APOA1, TNC, GSN, FNI, ALB, FBNI, VCAN</i>
Regulation of blood pressure	10	63	1.50E-09	<i>CD34, CALCA, SOD2, SOD1, REN, NOS3, AGT, EDNI, ACE, COL1A2</i>
Positive regulation of MAP kinase activity	10	63	1.50E-09	<i>VEGFA, TNF, TGFB1, KIT, GHI, FLT1, FGF2, EGFR, EGF, EDNI</i>
Response to estradiol	12	111	1.51E-09	<i>CDKN1B, CD4, CAT, TGFB1, PTCH1, PCNA, GJA1, GHI, AGT, EGFR, CTNNB1, COL1A1</i>
Extracellular matrix disassembly	10	67	2.69E-09	<i>CD44, TIMP2, TIMP1, MMP14, MMP9, MMP3, MMP2, MMP1, GSN, ENG</i>
Positive regulation of peptidyl-tyrosine phosphorylation	11	92	2.93E-09	<i>CD44, CD4, VTN, VEGFA, TGFB1, IGF2, IGF1, ICAM1, GHI, AGT, EGF</i>
Cellular response to growth factor stimulus	10	69	3.26E-09	<i>CAT, TWIST1, THBS1, TGFB2, SPARC, BMP2, NOS1, AKT1, EGFR, CTNNB1</i>
Kidney development	12	122	3.28E-09	<i>CAT, VEGFA, TGFB2, SHH, BCL2, REN, SERPINF1, FBNI, AGT, ACE, DCN, CTNNB1</i>
Cell adhesion	23	655	5.32E-09	<i>MMRN1, CDH1, CD44, CD34, CD4, VWF, VTN, VCAM1, THBS1, TGFBI, PVR, NID1, ACHE, ITGAL, IL2, ICAM1, TNC, GP1BA, FNI, ENG, COL18A1, CTNNB1, VCAN</i>

Heart development	15	248	1.01E-08	<i>CDKN1B, CDKN1A, TGFB2, TGFB2, TGFB1, SPARC, BMP2, SHH, PCNA, GJA1, FN1, FBN1, ENG, EDN1, CTNNB1</i>
Cellular response to cadmium ion	8	38	1.19E-08	<i>SOD1, MAPK8, MAPK3, MMP9, GSN, FOS, AKT1, EGFR</i>
Response to mechanical stimulus	9	65	4.01E-08	<i>THBS1, TGFB2, PTCH1, MAPK8, MMP14, TNC, FOS, DCN, COL1A1</i>
Positive regulation of angiogenesis	12	156	4.35E-08	<i>CD34, VEGFA, TWIST1, THBS1, TGFB2, SERPINE1, NOS3, IL8, FLT1, FGF2, F3, ENG</i>
Skeletal system development	12	155	4.36E-08	<i>TGFB2, BMP2, MMP14, MMP9, IGF2, IGF1, FBN1, EDN1, CTNNB1, VCAN, COL1A2, COL1A1</i>
Negative regulation of apoptotic process	20	547	4.51E-08	<i>CDKN1B, CDKN1A, CD44, CAT, VEGFA, TWIST1, TIMP1, THBS1, SOD1, SHH, BCL2, MAPK8, MMP9, IL2, IGF1, HSPA5, ALB, AKT1, EGFR, CTNNB1</i>
Positive regulation of epithelial to mesenchymal transition	8	46	5.01E-08	<i>TWIST1, TGFB2, TGFB3, TGFB2, TGFB1, BMP2, CTNNB1, COL1A1</i>
Positive regulation of cell division	8	48	6.69E-08	<i>CAT, VEGFA, TGFB3, TGFB2, TGFB1, SHH, IGF2, FGF2</i>
Activation of MAPK activity	11	128	6.74E-08	<i>TNF, THBS1, TGFB3, BMP2, SOD1, MAPK3, KIT, IGF1, FGF2, AGT, EGF</i>

Table S3. Summary of Kyoto Encyclopedia of Genes and Genomes (KEGG) pathway gene set enrichment analysis.

Process	Genes in query set	Total genes in genome	Corrected hypergeometric P value	Genes
AGE-RAGE signaling pathway in diabetic complications	23	100	1.04E-22	<i>CDKN1B, VEGFA, VCAM1, TNF, TGFBR2, TGFB3, TGFB2, TGFB1, BCL2, MAPK8, MAPK3, SERPINE1, NOS3, MMP2, IL8, ICAM1, FN1, AKT1, F3, AGT, EDN1, COL1A2, COL1A1</i>
Proteoglycans in cancer	26	205	3.04E-19	<i>CDKN1A, CD44, VTN, VEGFA, TWIST1, TNF, THBS1, TGFB2, TGFB1, SHH, PTCH1, MAPK3, PLAU, MMP9, MMP2, LUM, IGF2, IGF1, FN1, FGF2, AKT1, EGFR, DCN, CTNNB1, COL1A2, COL1A1</i>
Pathways in cancer	34	531	1.88E-16	<i>CDKN1B, CDKN1A, CDH1, VEGFA, TGFBR2, TGFB3, TGFB2, TGFB1, BMP2, SHH, BCL2, PTCH1, MAPK8, MAPK3, NOS2, MMP9, MMP2, MMP1, MAX, KNG1, KIT, IL8, IL2, IGF2, IGF1, FOS, FN1, FGF2, AKT1, AGT, EGFR, EGF, EDN1, CTNNB1</i>
HIF-1 signaling pathway	16	109	1.17E-12	<i>CDKN1B, CDKN1A, VEGFA, TIMP1, TF, BCL2, MAPK3, SERPINE1, NOS3, NOS2, IGF1, FLT1, AKT1, EGFR, EGF, EDN1</i>
Relaxin signaling pathway	17	129	1.34E-12	<i>VEGFA, TGFBR2, TGFB1, MAPK8, MAPK3, NOS3, NOS2, NOS1, MMP9, MMP2, MMP1, FOS, AKT1, EGFR, EDN1, COL1A2, COL1A1</i>
Chagas disease	15	102	6.57E-12	<i>TNF, TGFBR2, TGFB3, TGFB2, TGFB1, MAPK8, MAPK3, SERPINE1, NOS2, KNG1, IL8, IL2, FOS, AKT1, ACE</i>
Bladder cancer	11	41	1.05E-11	<i>CDKN1A, CDH1, VEGFA, THBS1, MAPK3, MMP9, MMP2, MMP1, IL8, EGFR, EGF</i>
PI3K-Akt signaling pathway	23	354	5.42E-11	<i>CDKN1B, CDKN1A, VWF, VTN, VEGFA, THBS1, BCL2, MAPK3, NOS3, KIT, IL2, IGF2, IGF1, TNC, GHI, FN1, FLT1, FGF2, AKT1, EGFR, EGF, COL1A2, COL1A1</i>
Colorectal cancer	13	86	1.41E-10	<i>CDKN1A, TGFBR2, TGFB3, TGFB2, TGFB1, BCL2, MAPK8, MAPK3, FOS, AKT1, EGFR, EGF, CTNNB1</i>
Prostate cancer	13	97	6.18E-10	<i>CDKN1B, CDKN1A, BCL2, MAPK3, PLAU, PLAT, MMP9, MMP3, IGF1, AKT1, EGFR, EGF, CTNNB1</i>
Focal adhesion	17	201	7.47E-10	<i>VWF, VTN, VEGFA, THBS1, BCL2, MAPK8, MAPK3, IGF1, TNC, FN1, FLT1, AKT1, EGFR, EGF, CTNNB1, COL1A2, COL1A1</i>
Gastric cancer	15	149	9.16E-10	<i>CDKN1B, CDKN1A, CDH1, TGFBR2, TGFB3, TGFB2, TGFB1, SHH, BCL2, MAPK3, FGF2, AKT1, EGFR, EGF, CTNNB1</i>
FoxO signaling pathway	14	131	1.761E-09	<i>CDKN1B, CDKN1A, CAT, TGFBR2, TGFB3, TGFB2, TGFB1, SOD2, MAPK8, MAPK3, IGF1, AKT1, EGFR, EGF</i>
Fluid shear stress and atherosclerosis	14	139	3.65E-09	<i>VEGFA, VCAM1, TNF, BCL2, MAPK8, PLAT, NOS3, MMP9, MMP2, ICAM1, FOS, AKT1, EDN1, CTNNB1</i>
Rheumatoid arthritis	12	93	3.967E-09	<i>VEGFA, TNF, TGFB3, TGFB2, TGFB1, MMP3, MMP1, ITGAL, IL8, ICAM1, FOS, FLT1</i>
Pancreatic cancer	11	76	6.112E-09	<i>CDKN1A, VEGFA, TGFBR2, TGFB3, TGFB2, TGFB1, MAPK8, MAPK3, AKT1, EGFR, EGF</i>
Hepatitis B	14	162	2.3154E-08	<i>CDKN1A, TNF, TGFBR2, TGFB3, TGFB2, TGFB1, BCL2, MAPK8, MAPK3, PCNA, MMP9, IL8, FOS, AKT1</i>
MAPK signaling pathway	18	294	2.3289E-08	<i>VEGFA, TNF, TGFBR2, TGFB3, TGFB2, TGFB1, MAPK8, MAPK3, MAX, KIT, IGF2, IGF1, FOS, FLT1, FGF2, AKT1, EGFR, EGF</i>
Malaria	9	50	2.9003E-08	<i>VCAM1, TNF, THBS1, TGFB3, TGFB2, TGFB1, ITGAL, IL8, ICAM1</i>
Endocrine resistance	11	98	7.869E-08	<i>CDKN1B, CDKN1A, BCL2, MAPK8, MAPK3, MMP9, MMP2, IGF1, FOS, AKT1, EGFR</i>