

Supplementary Table 1. Primer sequences

Gene name	Forward (5' - 3')	Reverse (5' - 3')
<i>Acly</i>	CTGTGCCACCATGTTCTCCTC	AGGCCTGGTTCTTGGCTACTG
<i>Acaca</i>	TTCCACGTAGGAGGAGCTTCC	CCTCCGGTGCCTTCTCATTAC
<i>Fasn</i>	AGAAGAGCCATGGAGGAGGTG	ATGTCCACACCACCAATGAGG
<i>Mlxipl</i>	CGGATACGGACTTGGAGGATC	GAAGTGTCCGCTGTGGATGAC
<i>Srebf1</i>	GATCAAAGAGGAGCCAGTGC	TAGATGGTGGCTGCTGAGTG
<i>Emr1</i>	GACTGACAACCAGACGGCTTG	TCACTGCCTCCACTAGCATCC
<i>Tnf</i>	GCACAGAAAGCA TGACCCG	GCCCCCA TCTTTTGGG
<i>Ccl2</i>	GCCAGCTCTCTTCCCTCCA	CCCAGAAGCA TGACAGGGAC
<i>Ccl5</i>	AATCCCCTACTCCACTCGG	TTCTTGGGTTTGTGTGCAG
<i>Il1b</i>	CAACCAACAAGTGATATTCTCCAT G	GATCCACACTCTCCAGCTGCA
<i>Il6</i>	GAGGATACCACTCCCAACAGACC	AAGTGCATCATCGTTGTTCATACA
<i>Cldn1</i>	ATCACCTTCGGGAGCTCAGGT	TGATGGGGGTCAAGGGGTCAT
<i>Cldn3</i>	CTGGTCGGCCAACACCATCAT	ATGGTTTGCCTGTCTCTGCC
<i>Cldn4</i>	GCAGAGCACAGGTCAGATGCA	AGGGCAGGTCCTGGAGAATGT
<i>Cldn5</i>	TGGACCACAACATCGTGACGG	TGCCTCCCGCCCTTAGACATA
<i>Cldn6</i>	CCCTTGGTGGCTGATGCTCAA	AGGTGGAGCTTGGACTCAGGT
<i>Cldn7</i>	AACATCATCACAGCCCAGGCC	ATGTTTGGAGGTGGAGTGGCC
<i>Cldn8</i>	GTGCTTGGTGGTGTGGCATG	CGTTGAGTGGTGCATGGGAT
<i>Cldn9</i>	AAGTGGTATGGGAGGGGCTGT	CGCAGGTGGAAGCTTCTGGAA
<i>Cldn12</i>	TGTGTGCAGATGTGCTCCTGT	GCAGGAGGGCTTGAGCTGTAT
<i>Cldn13</i>	GGCTCTTGGAAATCCTGCATCT	TGGCATCTGGGTCTGTCTCAT
<i>Cldn14</i>	CTAACCAGAGGGCATGTGTGC	AGTCCCATCCACCTTGATGCT
<i>Cldn19</i>	GGAATTCTTCAACCCAGCAC	ATAGGGCTGTGGGATGCTGTT
<i>Ocln</i>	TCCGGATCCTGTCTATGCTCA	ATAGCCACCTCCGTAGCCAAA
<i>Tjp1</i>	GAAACTCTGCTGAGCCCCCTA	GTTTTAGGGTCACCCGACGAG
<i>Tjp2</i>	CGAAGCAGTCTGGGTCTCTGA	CCGGCTCCTCTAGCTCATTGT
<i>Tjp3</i>	ATGGTATGCCATTTTCGGAACC	CCGGGTACAACGTGTCCACTA
<i>Ctgf</i>	CAGAGTGGAGCGCCTGTTCTA	AGGTGTCCGGATGCACTTTTT
<i>Ccne</i>	GTCTGCAAGATGCCTTGGATG	CAACCTACAACACCCGAGCAG
<i>Reg3b</i>	ATGGCTCCTACTGCTATGCC	GTGTCCTCCAGGCCTCTTT
<i>Reg3g</i>	ATGGCTCCTATTGCTATGCC	GATGTCCTGAGGGCCTCTT
<i>Lcn2</i>	ACATTTGTTCCAAGCTCCAGGGC	CATGGCGAACTGGTTGTAGTCGG
<i>Il22</i>	GGCCAGCCTTGACAGATAACA	GCTGATGTGACAGGAGCTGA
<i>S100a9</i>	GGTGGAAAGCACAGTTGGCA	GTGTCCAGGTCCTCCATGATG
<i>18s</i>	AGCCCCTGCCCTTTGTACACA	CGATCCGAGGGCCTCACTA

Supplementary Table 2

Analytes	Retention Time (min)	Precursor Ion	Product Ion	Dwell	Fragmen tor	Collision Energy	Cell Accelerat or Volta ge
Fructose 1 Phosphate	8.41	259.02	259.02	200	380	0	5