

Supplementary Table 3; List of differentially expressed genes between high-REST patients and low-REST patients (volcano plot).

Gene name	Protein array	Exp diff (HR-LR)	p-value	-log10(p-value)
<i>PTPN14</i>		0.86	9.43E-14	13.03
<i>ACSF2</i>		0.75	2.19E-13	12.66
<i>IGF2R</i>		0.80	3.36E-10	9.47
<i>SPRED1</i>		0.61	5.89E-09	8.23
<i>NOTCH3</i>		0.80	8.72E-09	8.06
<i>DLL1</i>		0.53	2.63E-08	7.58
<i>NRP2</i>		0.57	3.18E-08	7.50
<i>NOTCH2</i>		0.35	5.50E-08	7.26
<i>E2F8</i>		0.72	5.80E-08	7.24
<i>GABRA1</i>		-0.70	1.11E-07	6.95
<i>TNFAIP3</i>		0.64	1.80E-07	6.75
<i>JAG1</i>		0.66	1.88E-07	6.73
<i>E2F7</i>		0.64	1.91E-07	6.72
<i>LOXL2</i>		0.65	2.11E-07	6.68
<i>GADD45A</i>		0.46	3.06E-07	6.51
<i>MIR24-1</i>		-0.65	7.55E-07	6.12
<i>ANGPT2</i>	1	0.68	7.97E-07	6.10
<i>COL4A2</i>		0.62	1.07E-06	5.97
<i>EPHB4</i>		0.36	1.49E-06	5.83
<i>PGF</i>	1	0.86	1.51E-06	5.82
<i>COL5A2</i>		0.60	1.72E-06	5.76
<i>SCG2</i>		-0.63	1.77E-06	5.75
<i>PARVA</i>		0.65	1.78E-06	5.75
<i>TGFB3</i>		0.51	1.87E-06	5.73
<i>FSTL1</i>		0.43	2.23E-06	5.65
<i>ETS1</i>		0.65	2.55E-06	5.59
<i>ITGA5</i>		0.62	3.86E-06	5.41
<i>NGFR</i>		-0.51	4.24E-06	5.37
<i>ADA</i>		0.62	5.17E-06	5.29
<i>PTK2B</i>		-0.75	9.91E-06	5.00
<i>CPE</i>		-0.44	1.49E-05	4.83
<i>HDAC7</i>		0.49	1.59E-05	4.80
<i>PECAM1</i>		0.59	1.68E-05	4.77
<i>MIR27B</i>		-0.55	2.24E-05	4.65
<i>EGF</i>	1	0.40	4.57E-05	4.34
<i>NDRG4</i>		-0.44	4.69E-05	4.33
<i>PML</i>		0.59	5.08E-05	4.29
<i>HIF1A</i>		0.51	5.48E-05	4.26
<i>MIR30C2</i>		0.52	7.39E-05	4.13
<i>CLIP3</i>		-0.26	8.26E-05	4.08
<i>NOTCH1</i>		0.56	9.30E-05	4.03
<i>DPP4</i>	1	-0.67	1.08E-04	3.97
<i>STC1</i>		0.35	1.09E-04	3.96
<i>MIR23B</i>		-0.50	1.66E-04	3.78
<i>FLT1</i>		0.52	1.74E-04	3.76

<i>IGFBP7</i>		0.53	1.87E-04	3.73
<i>EFNB2</i>		0.49	1.94E-04	3.71
<i>SDC4</i>		0.38	2.78E-04	3.56
<i>VWF</i>		0.52	2.99E-04	3.52
<i>KDR</i>		0.44	3.03E-04	3.52
<i>NOTCH4</i>		0.53	3.08E-04	3.51
<i>CDH5</i>		0.48	3.18E-04	3.50
<i>ANG</i>	1	0.47	3.55E-04	3.45
<i>SMAD1</i>		-0.27	4.53E-04	3.34
<i>ESM1</i>		0.33	4.99E-04	3.30
<i>MIA3</i>		0.38	5.13E-04	3.29
<i>DLL4</i>		0.52	6.14E-04	3.21
<i>EPHA2</i>		0.21	6.47E-04	3.19
<i>COL18A1</i>	1	0.50	6.57E-04	3.18
<i>VEGFC</i>	1	0.34	7.12E-04	3.15
<i>IL32</i>		0.46	7.25E-04	3.14
<i>UCP2</i>		0.45	7.27E-04	3.14
<i>SLCO1A2</i>		-0.48	7.42E-04	3.13
<i>FILIP1</i>		0.43	7.57E-04	3.12
<i>VCAN</i>		0.38	9.09E-04	3.04
<i>SLCO2A1</i>		0.47	9.16E-04	3.04
<i>ROBO4</i>		0.35	1.00E-03	3.00
<i>EFNB3</i>		-0.36	1.01E-03	2.99
<i>AREG</i>	1	0.38	1.11E-03	2.96
<i>PGLYRP1</i>		-0.40	1.22E-03	2.91
<i>FGFR4</i>		-0.40	1.37E-03	2.86
<i>SRF</i>		0.37	1.39E-03	2.86
<i>MYH9</i>		0.40	1.47E-03	2.83
<i>RHOB</i>		-0.35	1.58E-03	2.80
<i>PROX1</i>		0.24	1.59E-03	2.80
<i>ADAMTS1</i>	1	0.36	1.59E-03	2.80
<i>IGFBP3</i>	1	0.45	1.73E-03	2.76
<i>FGF2</i>	1	0.28	1.92E-03	2.72
<i>MIR155</i>		0.40	1.97E-03	2.71
<i>HDAC9</i>		-0.20	2.04E-03	2.69
<i>STARD13</i>		0.32	2.08E-03	2.68
<i>CCBE1</i>		0.16	2.26E-03	2.65
<i>ACVRL1</i>		0.40	2.43E-03	2.61
<i>MIR15B</i>		0.40	2.70E-03	2.57
<i>TGFB1</i>	1	0.27	2.87E-03	2.54
<i>ITGB1</i>		0.35	2.94E-03	2.53
<i>FABP4</i>		0.41	3.05E-03	2.52
<i>BTG1</i>		-0.34	3.17E-03	2.50
<i>GDNF</i>	1	-0.21	3.51E-03	2.45
<i>LUM</i>		0.29	3.55E-03	2.45
<i>ADAMTS9</i>		0.30	3.78E-03	2.42
<i>PRG2</i>		0.38	3.80E-03	2.42
<i>LEF1</i>		-0.29	3.86E-03	2.41
<i>SMTN</i>		0.33	4.07E-03	2.39

<i>CCND2</i>		0.48	4.67E-03	2.33
<i>MMRN2</i>		0.38	4.91E-03	2.31
<i>TGFA</i>		-0.19	5.32E-03	2.27
<i>PLK2</i>		0.28	5.72E-03	2.24
<i>SERPINE2</i>		-0.37	5.81E-03	2.24
<i>CLEC14A</i>		0.38	6.16E-03	2.21
<i>MMP7</i>		0.28	6.34E-03	2.20
<i>HMOX1</i>		0.33	6.83E-03	2.17
<i>MIR495</i>		-0.29	7.26E-03	2.14
<i>MIR15A</i>		0.36	7.61E-03	2.12
<i>MIR221</i>		0.35	7.83E-03	2.11
<i>EPGN</i>		0.37	8.62E-03	2.06
<i>INHBA</i>	1	0.34	8.89E-03	2.05
<i>ETV4</i>		0.29	9.00E-03	2.05
<i>SLIT2</i>		0.28	9.32E-03	2.03
<i>ABL1</i>		0.27	9.51E-03	2.02
<i>PTX3</i>	1	0.28	1.01E-02	2.00
<i>TNFRSF21</i>		0.26	1.02E-02	1.99
<i>F2RL1</i>		0.38	1.02E-02	1.99
<i>IL18</i>	1	0.36	1.03E-02	1.99
<i>IL6</i>		0.32	1.04E-02	1.98
<i>TEK</i>		0.33	1.11E-02	1.96
<i>CSF2</i>	1	-0.36	1.18E-02	1.93
<i>THBS1</i>	1	0.27	1.19E-02	1.92
<i>JAG2</i>		0.25	1.24E-02	1.91
<i>TIMP2</i>		0.33	1.25E-02	1.90
<i>MMP9</i>	1	0.37	1.27E-02	1.89
<i>CHRNA7</i>		0.29	1.31E-02	1.88
<i>UNC5B</i>		-0.28	1.34E-02	1.87
<i>BDNF</i>		-0.40	1.36E-02	1.87
<i>ITGB5</i>		0.29	1.41E-02	1.85
<i>GPLD1</i>		-0.24	1.42E-02	1.85
<i>MIR410</i>		-0.29	1.45E-02	1.84
<i>MIR34A</i>		0.37	1.46E-02	1.84
<i>PDGFA</i>	1	0.16	1.57E-02	1.80
<i>MIR29C</i>		-0.32	1.68E-02	1.77
<i>MIR126</i>		0.32	1.71E-02	1.77
<i>SERPINA5</i>		0.32	1.86E-02	1.73
<i>AMOT</i>		0.24	1.89E-02	1.72
<i>MIR138-2</i>		-0.18	1.90E-02	1.72
<i>PDPN</i>		0.26	2.00E-02	1.70
<i>COL2A1</i>		0.10	2.03E-02	1.69
<i>FGFR2</i>		0.30	2.05E-02	1.69
<i>SPRY1</i>		0.27	2.35E-02	1.63
<i>QSOX1</i>		0.32	2.38E-02	1.62
<i>PKM</i>		0.19	2.40E-02	1.62
<i>OTULIN</i>		0.28	2.41E-02	1.62
<i>NDRG3</i>		-0.33	2.43E-02	1.61
<i>ABI3BP</i>		0.29	2.44E-02	1.61

<i>CARD10</i>		0.15	2.45E-02	1.61
<i>ANGPTL4</i>		0.35	2.56E-02	1.59
<i>MIR377</i>		-0.24	2.58E-02	1.59
<i>LEP</i>	1	-0.28	2.61E-02	1.58
<i>F2RL2</i>		-0.37	2.66E-02	1.57
<i>BMPER</i>		-0.34	2.68E-02	1.57
<i>MIR17</i>		0.30	2.72E-02	1.57
<i>MIR18A</i>		0.30	2.72E-02	1.57
<i>MIR19A</i>		0.30	2.72E-02	1.57
<i>MIR19B1</i>		0.30	2.72E-02	1.57
<i>MIR20A</i>		0.30	2.72E-02	1.57
<i>MIR92A1</i>		0.30	2.72E-02	1.57
<i>DKK3</i>		-0.36	2.73E-02	1.56
<i>VEGFA</i>		0.29	2.76E-02	1.56
<i>VEGFA</i>	1	0.33	2.78E-02	1.56
<i>TBXA2R</i>		0.32	2.83E-02	1.55
<i>PDCD10</i>		0.31	2.85E-02	1.54
<i>MST1R</i>		-0.28	2.86E-02	1.54
<i>RHOA</i>		0.20	2.90E-02	1.54
<i>ENG</i>	1	0.28	3.11E-02	1.51
<i>MMP13</i>		0.31	3.11E-02	1.51
<i>TIMP1</i>	1	0.25	3.13E-02	1.50
<i>POSTN</i>		0.23	3.32E-02	1.48
<i>DMD</i>		-0.16	3.38E-02	1.47
<i>EMCN</i>		0.29	3.39E-02	1.47
<i>COL3A1</i>		0.22	3.48E-02	1.46
<i>MIR26A1</i>		-0.28	3.49E-02	1.46
<i>EGLN1</i>		0.27	3.62E-02	1.44
<i>EPN2</i>		-0.25	3.72E-02	1.43
<i>NUAK1</i>		0.25	3.93E-02	1.41
<i>NNAT</i>		0.23	3.97E-02	1.40
<i>TIMP3</i>		0.24	4.02E-02	1.40
<i>E2F2</i>		0.26	4.03E-02	1.40
<i>THBS2</i>	1	0.25	4.31E-02	1.37
<i>RNH1</i>		-0.26	4.58E-02	1.34
<i>RHOJ</i>		-0.26	4.69E-02	1.33
<i>MIR150</i>		-0.26	4.79E-02	1.32
<i>FBXW7</i>		-0.39	4.82E-02	1.32
<i>MIR22</i>		-0.26	4.86E-02	1.31