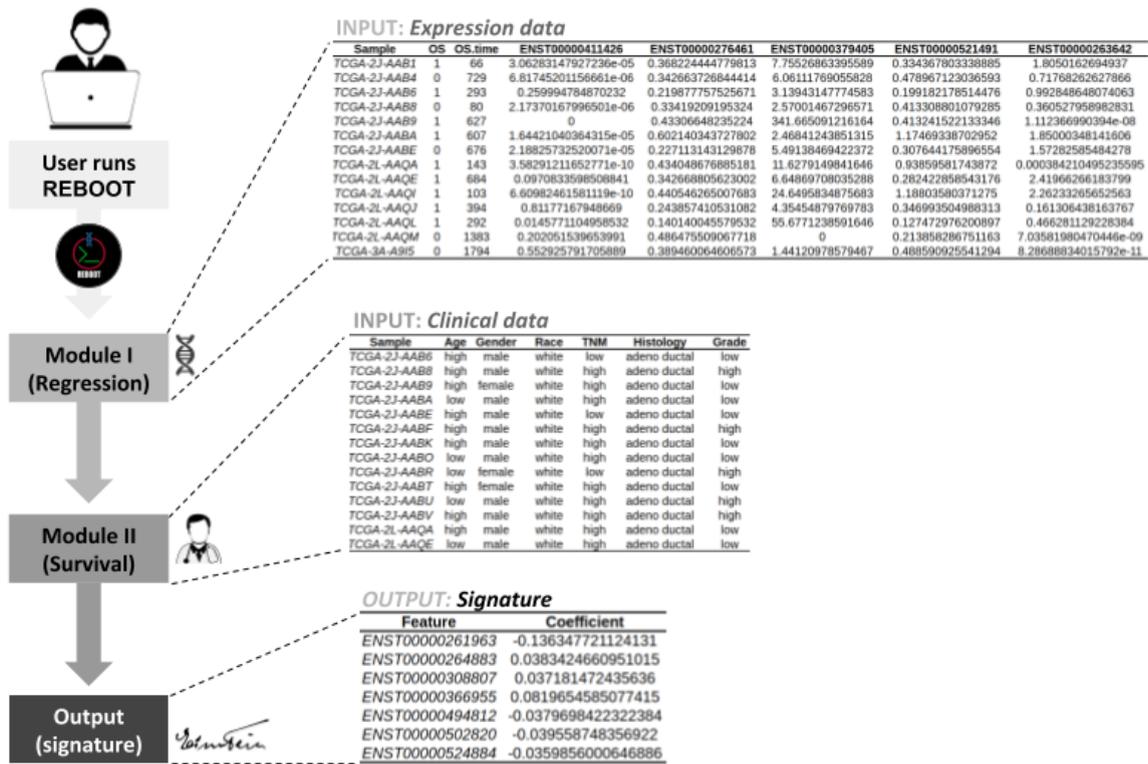
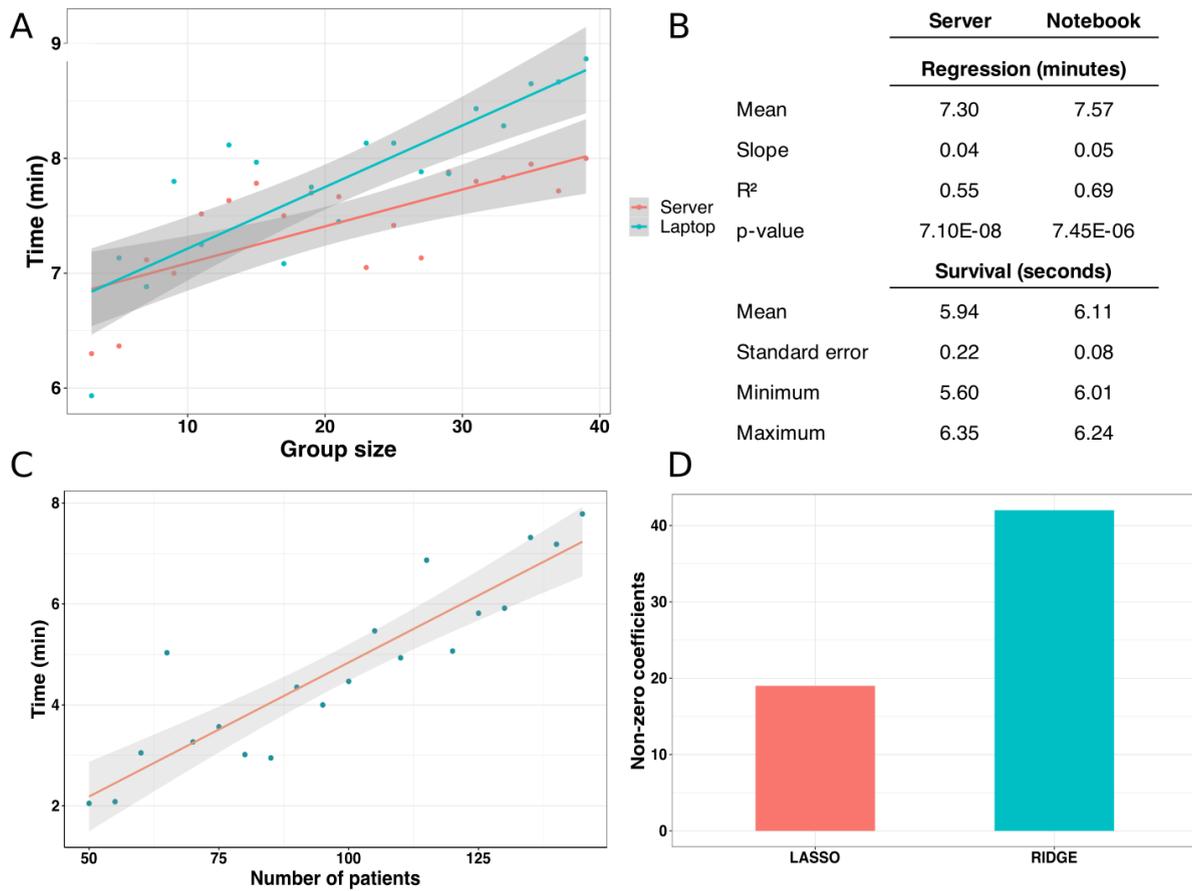


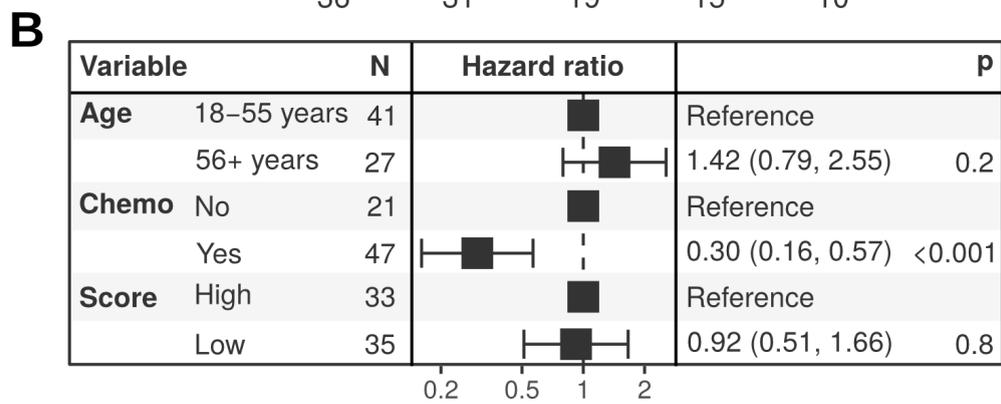
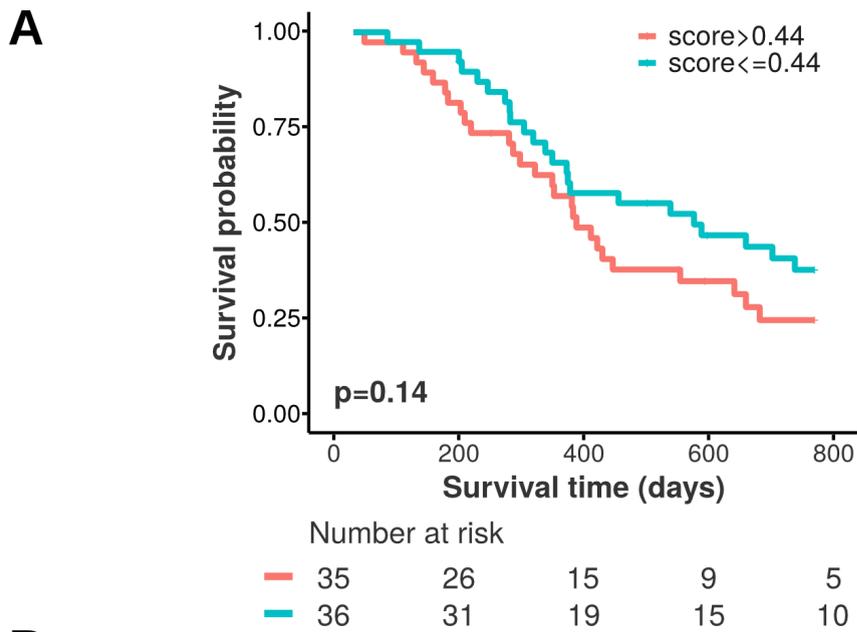
**Figure S1: Random bootstrap resampling analyses for GBM and PAAD.** Datasets of both GBM original and expanded dataset (genes) and PAAD original (transcripts) and expanded dataset (genes) were randomly resampled (patients and attributes) with bootstrap iterations in order to establish an empirical coefficient cutoff aiming to avoid false-positive results. Red dotted line for transcripts and blue dotted line for genes.



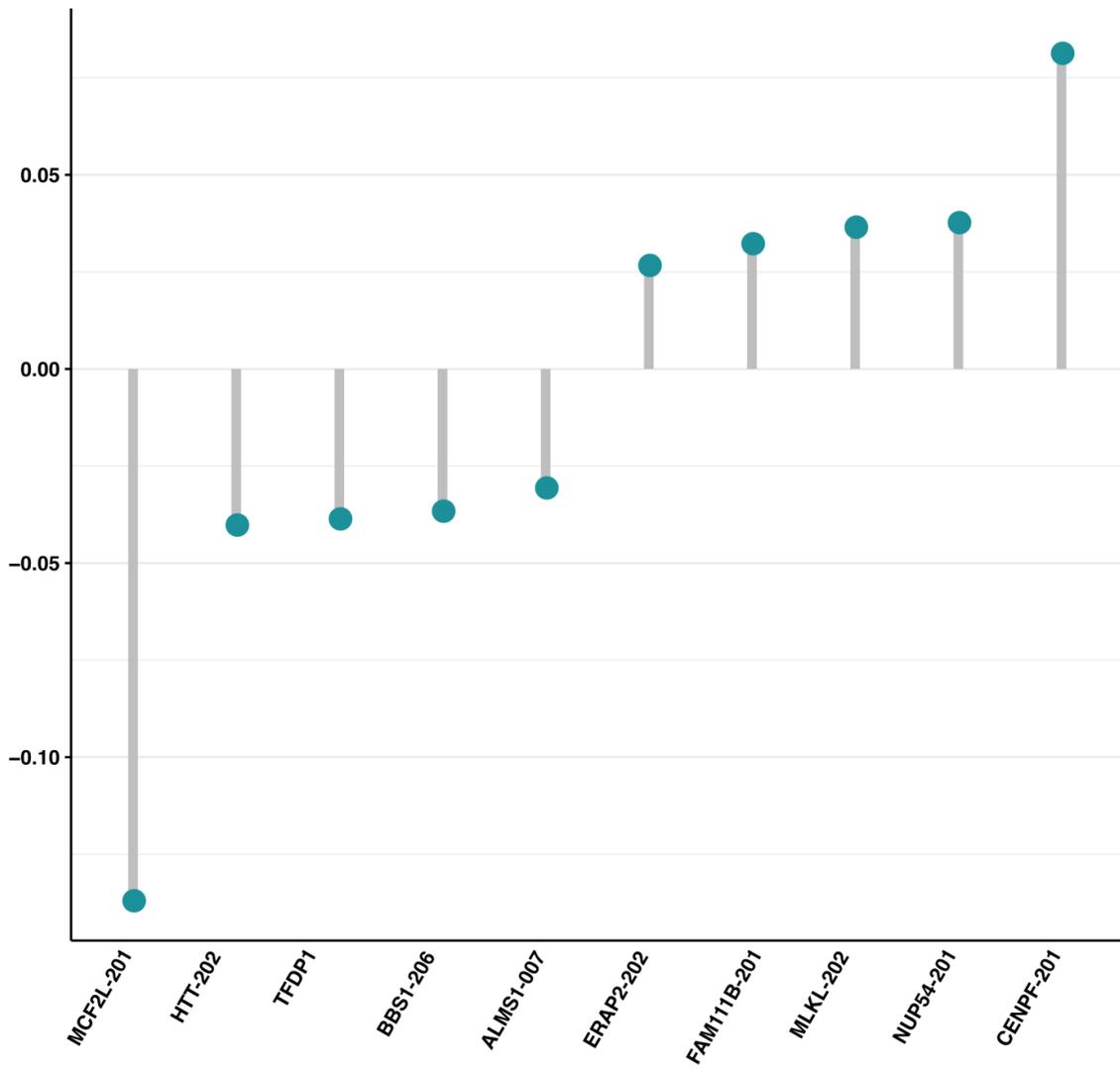
**Figure S2: Workflow of inputs to Reboot.** “Module I” requires expression data with values in TPM or FPKM. The first three columns must be the sample identifiers, patients’ status (alive = 0 or dead = 1) and follow-up times (in days). “Module II” requires clinical data for multivariate analyses, where the sample identifiers match the ones present in expression data. Finally, Reboot produces several textual and graphical outputs such as a genetic signature, which is automatically used to generate a risk score evaluated in survival analyses when the “complete” mode is chosen.



**Figure S3: Computational assessment of Reboot.** (A) Evaluation of group size impact on time performance of Reboot. Number of iterations was set to 100 and remaining parameters default. (B) Table showing numerical results for the assay performed in A splitted by module. (C) Run time analysis for instances (patients) variation. Processes were run in the laptop described in section “Usage and performance”. Group size was set to 20, the number of iterations to 100, and remaining parameters default. (D) Number of non-zero coefficients obtained by running Ridge and LASSO algorithms with group size set to 20, number of iterations set to 500, and remaining parameters default.

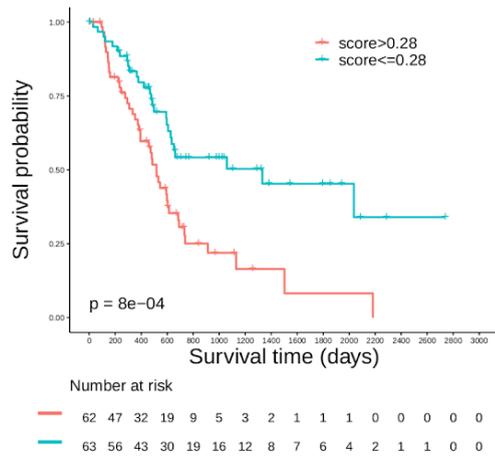


**Figure S4: Validation of the 3-gene signature score in glioblastoma patients from the CGGA cohort.** (A) Kaplan-Meier curve based on the 3-gene signature score; (B) Forest plot of a multivariate model including the 3-gene signature score along with clinical parameters relevant to prognosis in GBM.



**Figure S5: Reboot's Lollipop plot.** Top 10 transcripts present in generated signature, which are relevant for PAAD survival, where the higher the coefficients (in module), the greater the influence of that transcript to the final patients' outcome.

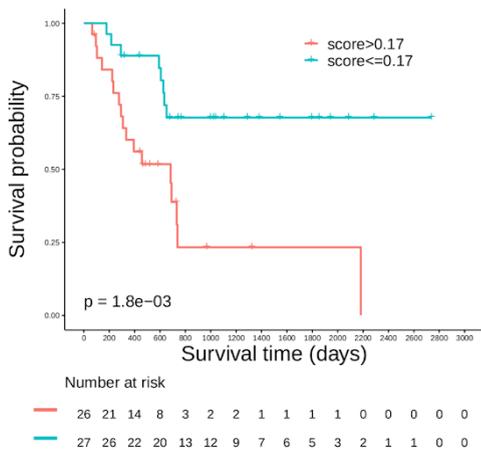
**A**



**B**

Variable		N	Hazard ratio	p
age	high	61	Reference	
	low	60	0.77 (0.47, 1.27)	0.31
grade	high	34	Reference	
	low	87	0.80 (0.47, 1.35)	0.40
histology	adeno ductal	99	Reference	
	not adeno ductal	22	0.32 (0.12, 0.84)	0.02
score	high	61	Reference	
	low	60	0.58 (0.35, 0.95)	0.03
TNM	high	86	Reference	
	low	35	0.65 (0.35, 1.20)	0.17

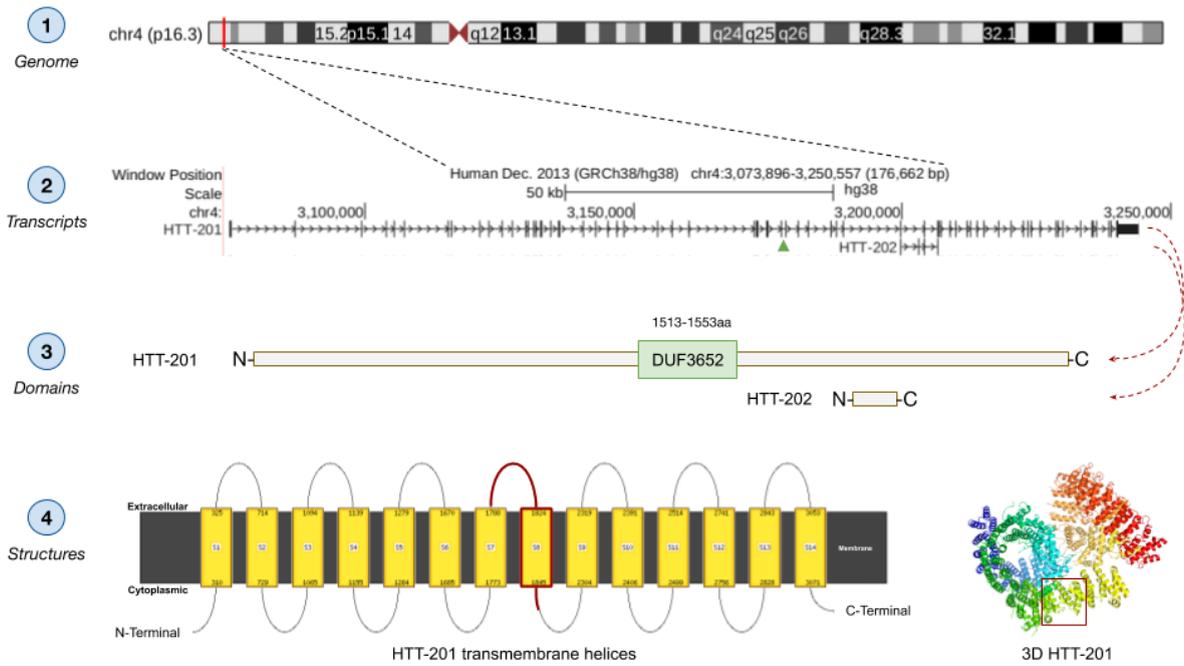
**C**



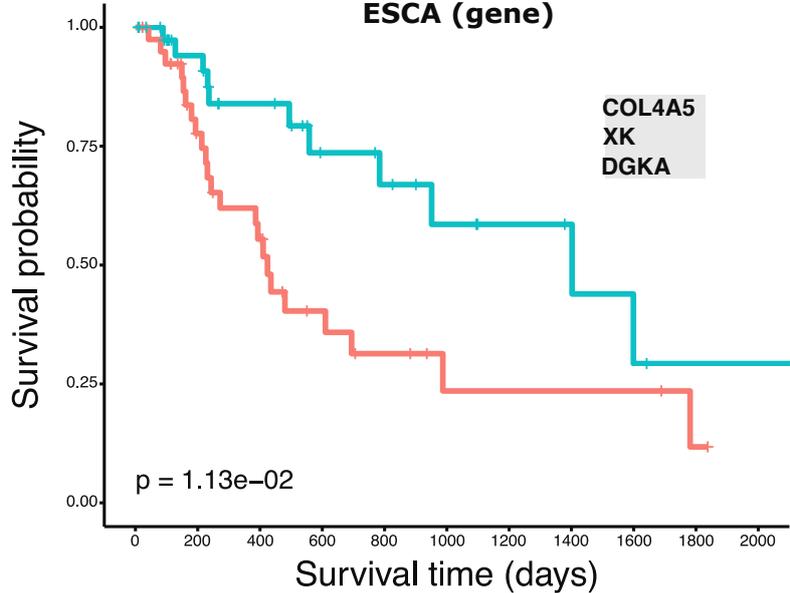
**D**

Variable		N	Hazard ratio	p
age	high	24	Reference	
	low	27	0.72 (0.29, 1.79)	0.49
grade	high	16	Reference	
	low	35	0.58 (0.24, 1.37)	0.21
histology	adeno ductal	38	Reference	
	not adeno ductal	13	0.36 (0.07, 1.79)	0.21
score	high	26	Reference	
	low	25	0.38 (0.16, 0.92)	0.03
TNM	high	34	Reference	
	low	17	0.28 (0.08, 1.04)	0.06

**Figure S6: Reboot’s outputs of PAAD outcomes.** Univariate and multivariate survival analyses for training (A) and (B) and validation (C) and (D) datasets. (A) Kaplan-Meier displaying that patients with higher scores (above median value) have worse prognosis. Follow-up time (days) is shown below curves. (B) Forest plot showing the significance of the score in predicting patients’ outcome with correction for other relevant clinical variables. Similarly, (C) Kaplan-Meier curve evidencing that patients with higher scores (above median value) have worse prognosis. Follow-up time (days) is shown below curves. (B) Forest plot confirming the significance of the score in predicting patients’ outcome with correction for other relevant clinical variables.

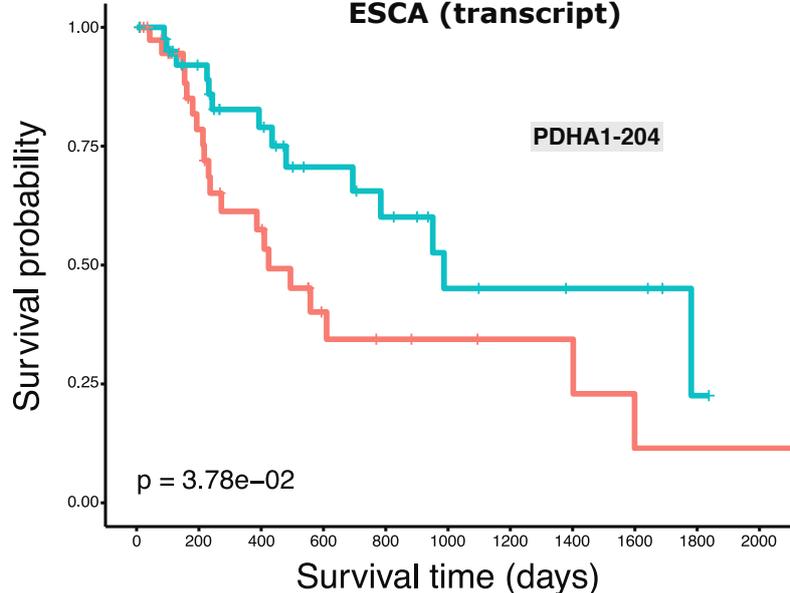


**Figure S7: Transcripts of the Huntingtin (HTT) gene.** (1) Chromosome location of HTT, which is part of the final signature that produced a score significant for survival of patients with PAAD. (2) Transcripts 201 and 202 of HTT pinpointing the lack of the DUF3652 domain in the much smaller HTT-202 isoform, which is present in the final signature. (3) Transcripts 201 and 202 of HTT evidencing the position of the DUF3652 domain in the canonical HTT-201 isoform. (4) Predicted structure of HTT-201 isoform with its 14 transmembrane helices (left), highlighting in red the portion representative of HTT-202. The modeled 3D structure of HTT-201 (right) is shown in cartoon representation with rainbow coloring, where  $\alpha$ -helix secondary structures are the helices and  $\beta$ -sheet secondary structures are the arrows heading to the C-terminal. The portion inside the red box is the part of HTT-201 representative of HTT-202.



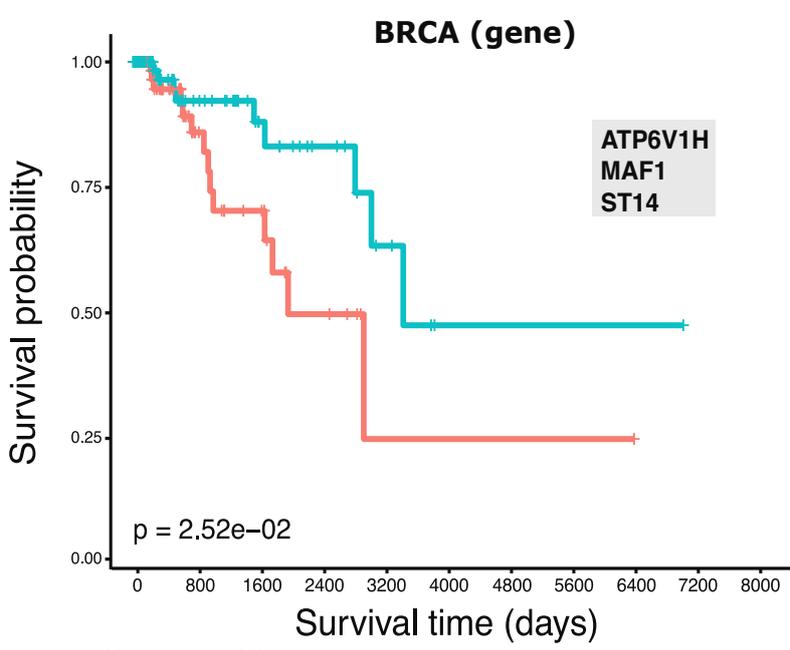
Number at risk

—	40	25	17	9	6	3	3	3	3	1	0
—	41	29	19	12	10	7	5	4	2	1	1



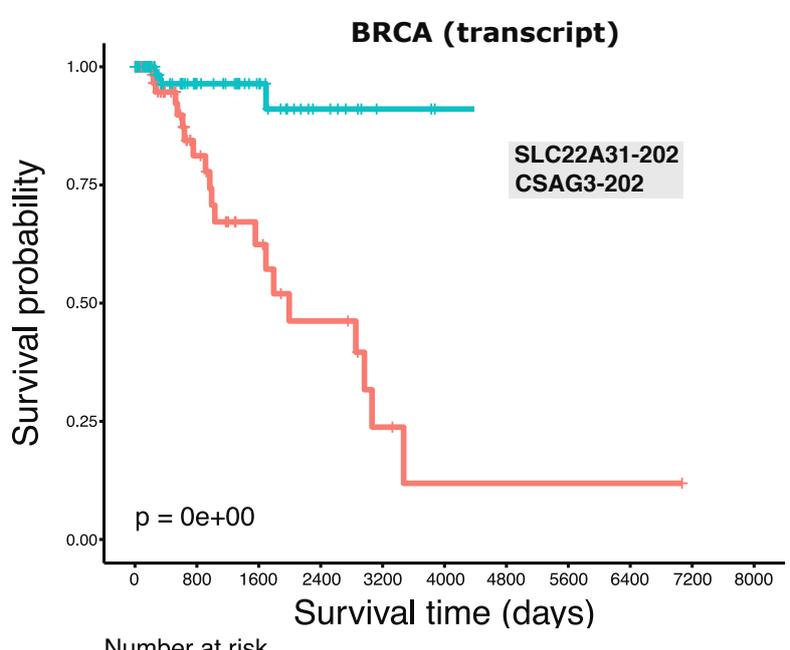
Number at risk

—	40	24	15	7	5	4	3	3	1	1	1
—	41	30	21	14	11	6	5	4	4	1	0



Number at risk

—	86	23	14	6	1	1	1	1	1	0	0
—	87	36	20	11	5	1	1	1	1	0	0



Number at risk

—	86	25	13	8	3	1	1	1	1	0	0
—	87	34	21	9	3	1	1	1	1	0	0

**Figure S8: Survival analysis for TN BRCA and ESCA tumors.** Prognosis was obtained through minimal signature, p-value lower than 0.05, by median cut off of patients' score. Genes/transcripts signatures are shown in gray boxes for each case.

**Table S1.** Clinal data from 144 patients with glioblastoma and 9 clinical variables obtained from TCGA.

sample	gender	age	race	ethnicity	cancer.status	karnofsky	chemotherapy	IDH.status	MGMT.status
TCGA.02.0047	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	no	wt	unmethylated
TCGA.02.0055	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.02.2483	male	low	no white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	mut	methylated
TCGA.02.2485	male	low	no white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.02.2486	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.0129	male	low	no white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	mut	methylated
TCGA.06.0130	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.0132	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	NA
TCGA.06.0138	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	no	wt	NA
TCGA.06.0139	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.0141	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.0152	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	NA	NA
TCGA.06.0157	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	NA
TCGA.06.0158	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	NA
TCGA.06.0168	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	NA
TCGA.06.0171	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	NA	NA
TCGA.06.0174	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	NA
TCGA.06.0178	male	low	white	not hispanic or latino	tumor free	low	yes	mut	NA
TCGA.06.0184	male	high	white	not hispanic or latino	tumor free	high	yes	wt	NA
TCGA.06.0187	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	NA
TCGA.06.0219	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	NA
TCGA.06.0221	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	NA	NA
TCGA.06.0238	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	no	wt	NA
TCGA.06.0644	male	high	no white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	NA
TCGA.06.0645	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	NA
TCGA.06.0646	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	no	wt	NA
TCGA.06.0649	female	high	no white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	NA

TCGA.06.0686	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	NA
TCGA.06.0743	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	NA
TCGA.06.0744	male	high	white	not hispanic or latino	tumor free	high	yes	wt	NA
TCGA.06.0745	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	no	wt	NA
TCGA.06.0747	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	no	wt	NA
TCGA.06.0749	male	low	no white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	NA
TCGA.06.0750	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	no	wt	NA
TCGA.06.0878	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.0882	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.1804	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	methylated
TCGA.06.2557	male	high	no white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	unmethylated
TCGA.06.2558	female	high	white	not hispanic or latino	NA	low	no	wt	unmethylated
TCGA.06.2559	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	methylated
TCGA.06.2561	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.2562	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.2563	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	methylated
TCGA.06.2564	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.2565	male	high	no white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	methylated
TCGA.06.2567	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	methylated
TCGA.06.2569	female	low	no white	not hispanic or latino	with tumor	high	no	wt	unmethylated
TCGA.06.2570	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	mut	methylated
TCGA.06.5408	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.5410	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	methylated
TCGA.06.5411	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.5412	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	methylated
TCGA.06.5413	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.5414	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.5416	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	NA	unmethylated
TCGA.06.5417	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	mut	methylated
TCGA.06.5418	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	unmethylated

TCGA.06.5856	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	unmethylated
TCGA.06.5858	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.06.5859	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	unmethylated
TCGA.08.0386	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	NA
TCGA.12.0616	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	NA
TCGA.12.0618	male	low	white	not hispanic or latino	NA	low	yes	wt	NA
TCGA.12.0619	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	NA
TCGA.12.0821	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	unmethylated
TCGA.12.1597	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.12.3650	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.12.3652	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.12.3653	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.12.5295	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	methylated
TCGA.12.5299	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.14.0736	male	low	no white	NA	with tumor	high	yes	NA	NA
TCGA.14.0781	male	low	no white	NA	with tumor	low	no	wt	unmethylated
TCGA.14.0787	male	high	no white	not hispanic or latino	NA	low	no	wt	methylated
TCGA.14.0789	male	low	white	NA	NA	low	yes	wt	methylated
TCGA.14.0790	female	high	white	NA	with tumor	low	yes	wt	methylated
TCGA.14.0817	female	high	white	NA	NA	low	no	wt	unmethylated
TCGA.14.0871	female	high	white	NA	NA	low	no	wt	unmethylated
TCGA.14.1402	female	low	white	NA	with tumor	high	yes	NA	NA
TCGA.14.1823	female	low	white	NA	with tumor	high	yes	wt	methylated
TCGA.14.1829	male	low	no white	NA	with tumor	low	yes	wt	unmethylated
TCGA.14.2554	female	low	white	NA	with tumor	low	no	wt	unmethylated
TCGA.16.0846	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	methylated
TCGA.16.1045	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	methylated
TCGA.19.0957	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	NA	NA
TCGA.19.1389	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	NA	NA
TCGA.19.1390	female	high	white	not hispanic or latino	NA	low	no	wt	methylated

TCGA.19.1787	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	NA	methylated
TCGA.19.2619	female	low	no white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	methylated
TCGA.19.2620	male	high	white	not hispanic or latino	tumor free	low	yes	wt	methylated
TCGA.19.2624	male	low	white	not hispanic or latino	tumor free	low	no	wt	unmethylated
TCGA.19.2625	female	high	white	not hispanic or latino	tumor free	low	no	wt	unmethylated
TCGA.19.2629	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	mut	unmethylated
TCGA.19.5960	male	low	white	not hispanic or latino	tumor free	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.26.1442	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	mut	methylated
TCGA.26.5132	male	high	white	not hispanic or latino	tumor free	low	yes	wt	methylated
TCGA.26.5133	male	high	white	not hispanic or latino	tumor free	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.26.5134	male	high	white	not hispanic or latino	tumor free	low	no	wt	unmethylated
TCGA.26.5136	female	high	white	not hispanic or latino	NA	low	no	wt	methylated
TCGA.26.5139	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	unmethylated
TCGA.27.1830	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.27.1831	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.27.1832	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.27.1834	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	methylated
TCGA.27.1835	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	methylated
TCGA.27.1837	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	methylated
TCGA.27.2519	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.27.2521	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	mut	methylated
TCGA.27.2523	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	methylated
TCGA.27.2524	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.27.2526	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	unmethylated
TCGA.27.2528	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	methylated
TCGA.28.1747	male	low	white	not hispanic or latino	NA	low	yes	wt	methylated
TCGA.28.1753	male	low	white	hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	unmethylated
TCGA.28.2509	female	high	white	not hispanic or latino	NA	high	yes	wt	methylated
TCGA.28.2513	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.28.2514	male	low	no white	not hispanic or latino	NA	low	yes	wt	unmethylated

TCGA.28.5207	male	high	white	NA	with tumor	low	yes	wt	unmethylated
TCGA.28.5208	male	low	white	NA	with tumor	low	yes	wt	methylated
TCGA.28.5209	female	high	white	NA	NA	low	yes	wt	methylated
TCGA.28.5215	female	high	white	NA	with tumor	high	yes	wt	methylated
TCGA.28.5216	male	low	white	NA	tumor free	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.28.5218	male	high	white	NA	NA	low	yes	wt	unmethylated
TCGA.28.5220	male	high	white	NA	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.32.1970	male	high	white	NA	with tumor	low	yes	wt	unmethylated
TCGA.32.1980	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	unmethylated
TCGA.32.1982	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	methylated
TCGA.32.2615	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.32.2616	female	low	white	hispanic or latino	with tumor	low	yes	NA	methylated
TCGA.32.2634	male	high	white	not hispanic or latino	tumor free	low	yes	wt	methylated
TCGA.32.2638	male	high	white	not hispanic or latino	tumor free	low	yes	wt	methylated
TCGA.32.4213	female	low	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	methylated
TCGA.32.5222	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	methylated
TCGA.41.2571	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	unmethylated
TCGA.41.2572	male	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	unmethylated
TCGA.41.3915	male	low	white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	methylated
TCGA.41.4097	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	low	no	wt	unmethylated
TCGA.41.5651	female	high	no white	not hispanic or latino	with tumor	low	yes	wt	methylated
TCGA.76.4925	male	high	white	not hispanic or latino	NA	high	yes	wt	methylated
TCGA.76.4926	male	high	white	NA	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.76.4927	male	low	white	NA	with tumor	high	no	wt	unmethylated
TCGA.76.4928	female	high	white	NA	with tumor	high	yes	wt	methylated
TCGA.76.4929	female	high	white	not hispanic or latino	with tumor	high	no	wt	methylated
TCGA.76.4931	female	high	white	NA	with tumor	high	yes	wt	unmethylated
TCGA.76.4932	female	low	white	NA	with tumor	high	yes	wt	methylated

IDH: Isocitrate dehydrogenase 1; MGMT: O-6-methylguanine-DNA methyltransferase; wt: wild type; mut: mutated.

Table S2. Expression (in FPKM) data from 144 patients with glioblastoma and 50 genes from TCGA.

sample	OS	OS time	ENSG00000230960	ENSG00000224747	ENSG00000104622	ENSG00000235850	ENSG00000135363	ENSG00000188226	ENSG00000120725	ENSG00000261208	ENSG00000223558	ENSG00000163666	ENSG00000170885	ENSG00000258877	ENSG00000189326	ENSG00000223996
TCGA-02.0047	1.000	448.000	0.000	0.000	9.204	0.080	8.980	0.041	9.712	0.038	0.103	0.793	0.000	0.000	0.000	0.000
TCGA-02.0055	1.000	76.000	0.016	0.000	21.978	0.113	7.614	0.023	15.523	0.000	0.029	1.180	1.916	0.000	0.000	0.000
TCGA-02.2483	0.000	466.000	0.000	0.000	27.102	0.000	14.188	0.000	6.346	0.029	0.391	0.765	0.233	0.000	0.000	0.040
TCGA-02.2485	0.000	470.000	0.016	0.000	16.174	0.023	24.699	0.012	4.840	0.000	0.000	1.938	0.180	0.000	0.000	0.000
TCGA-02.2486	1.000	450.000	0.000	0.000	13.186	0.000	35.223	0.018	10.558	0.000	0.000	3.253	0.379	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0129	1.000	889.000	0.000	0.000	10.258	0.020	17.836	0.000	6.110	0.000	0.000	0.337	3.542	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0130	1.000	320.000	0.000	0.000	20.335	0.045	18.333	0.023	10.765	0.065	0.058	3.803	2.375	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0132	1.000	570.000	0.000	0.000	11.003	0.024	11.000	0.000	9.903	0.011	0.000	0.659	1.830	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0138	1.000	674.000	0.019	0.000	13.912	0.000	23.688	0.000	6.080	0.000	0.036	2.365	1.331	0.000	0.000	0.055
TCGA-06.0139	1.000	327.000	0.000	0.000	14.633	0.000	17.352	0.000	11.643	0.077	0.000	1.736	0.891	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0141	1.000	260.000	0.014	0.000	14.773	0.000	25.310	0.021	12.189	0.047	0.000	1.633	1.947	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0152	1.000	359.000	0.014	0.000	10.824	0.020	62.678	0.032	12.759	0.038	0.026	0.975	1.524	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0157	1.000	97.000	0.000	0.065	11.754	0.000	31.265	0.000	7.729	0.010	0.000	0.990	1.413	0.012	0.000	0.000
TCGA-06.0158	1.000	166.000	0.000	0.000	10.132	0.020	25.689	0.020	8.395	0.000	0.051	1.484	1.371	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0168	1.000	579.000	0.000	0.000	16.945	0.000	27.075	0.045	13.957	0.042	0.000	1.113	2.229	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0171	1.000	396.000	0.028	0.061	6.858	0.000	29.110	0.010	13.310	0.009	0.077	1.074	1.346	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0174	1.000	67.000	0.054	0.070	10.016	0.000	14.946	0.023	7.823	0.011	0.000	0.695	0.850	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0178	1.000	1642.000	0.019	0.000	11.622	0.000	9.013	0.010	7.105	0.000	0.000	0.866	0.163	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0184	1.000	1228.000	0.014	0.000	24.213	0.041	35.817	0.000	14.828	0.010	0.106	1.211	0.352	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0187	1.000	801.000	0.000	0.000	10.510	0.000	49.377	0.023	8.476	0.000	0.000	0.606	1.182	0.000	0.000	0.044
TCGA-06.0219	1.000	11.000	0.016	0.000	13.214	0.000	21.605	0.012	7.238	0.011	0.000	2.777	0.272	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0221	1.000	96.000	0.000	0.000	5.387	0.024	7.681	0.037	4.982	0.000	0.000	0.560	0.969	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0238	1.000	359.000	0.050	0.073	7.982	0.071	13.949	0.012	8.545	0.000	0.031	1.235	2.652	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0644	1.000	375.000	0.000	0.000	16.691	0.262	7.753	0.031	17.673	0.010	0.026	0.585	1.099	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0645	1.000	98.000	0.000	0.000	12.595	0.022	34.021	0.012	11.933	0.000	0.029	0.685	1.322	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0646	1.000	136.000	0.016	0.000	13.731	0.023	19.735	0.000	7.681	0.000	0.030	0.834	2.561	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0649	1.000	62.000	0.018	0.000	11.810	0.053	12.114	0.014	14.641	0.000	0.100	2.200	2.210	0.019	0.000	0.053
TCGA-06.0696	1.000	286.000	0.097	0.000	9.490	0.027	18.734	0.000	19.744	0.042	0.000	0.692	2.328	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0743	1.000	679.000	0.000	0.000	10.763	0.023	43.945	0.000	8.449	0.022	0.000	1.861	0.722	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0744	1.000	595.000	0.000	0.000	15.762	0.047	54.637	0.012	3.531	0.000	0.000	1.785	0.184	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0745	1.000	164.000	0.013	0.000	16.767	0.000	37.151	0.010	15.607	0.000	0.000	0.698	1.472	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0747	1.000	82.000	0.000	0.000	8.451	0.020	12.292	0.010	20.115	0.000	0.026	1.748	1.977	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0749	1.000	96.000	0.016	0.000	13.557	0.023	20.910	0.000	15.296	0.000	0.181	1.130	1.782	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0750	1.000	28.000	0.000	0.000	13.309	0.000	28.105	0.000	16.375	0.011	0.378	1.775	1.684	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0878	1.000	218.000	0.000	0.000	9.873	0.000	24.197	0.024	12.636	0.000	0.000	0.884	2.105	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0882	1.000	165.000	0.000	0.000	10.893	0.022	108.259	0.000	10.575	0.000	0.056	1.554	1.452	0.000	0.000	0.043
TCGA-06.1804	1.000	414.000	0.014	0.000	8.516	0.103	12.514	0.021	8.823	0.000	0.186	1.944	1.897	0.000	0.000	0.041
TCGA-06.2557	1.000	33.000	0.000	0.000	11.154	0.000	36.333	0.032	9.730	0.020	0.027	2.400	1.557	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.2558	1.000	23.000	0.000	0.000	12.452	0.000	21.804	0.013	7.498	0.012	0.127	0.766	2.631	0.014	0.000	0.000
TCGA-06.2559	1.000	150.000	0.018	0.000	8.594	0.000	27.548	0.000	7.620	0.000	0.000	0.735	2.004	0.015	0.000	0.000
TCGA-06.2561	1.000	282.000	0.070	0.000	9.242	0.025	59.071	0.052	12.259	0.000	0.000	1.706	1.876	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.2562	1.000	86.000	0.000	0.000	12.789	0.085	60.316	0.000	11.007	0.000	0.000	0.523	0.388	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.2563	1.000	932.000	0.000	0.000	16.818	0.000	40.293	0.012	7.767	0.000	0.000	0.976	0.798	0.000	0.000	0.047
TCGA-06.2564	1.000	161.000	0.014	0.000	9.811	0.040	37.135	0.010	9.710	0.010	0.000	0.698	1.528	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.2565	1.000	207.000	0.014	0.000	12.850	0.257	84.705	0.011	8.156	0.000	0.055	1.339	0.658	0.012	0.000	0.000
TCGA-06.2567	1.000	133.000	0.000	0.000	11.547	0.063	11.804	0.000	8.743	0.000	0.054	2.286	3.954	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.2569	0.000	13.000	0.000	0.000	47.198	0.000	8.819	0.036	9.351	0.055	0.388	0.753	0.313	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.2570	1.000	958.000	0.016	0.000	13.609	0.047	16.724	0.000	7.155	0.000	0.241	0.953	2.809	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.5408	1.000	342.000	0.014	0.000	12.293	0.000	27.538	0.010	8.899	0.000	0.052	1.518	2.172	0.012	0.000	0.000
TCGA-06.5410	1.000	108.000	0.013	0.000	9.469	0.057	46.983	0.020	18.380	0.000	0.000	0.766	0.923	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.5411	1.000	254.000	0.094	0.000	14.196	0.058	22.828	0.010	7.513	0.000	0.124	0.828	2.287	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.5412	1.000	138.000	0.000	0.000	15.623	0.021	73.173	0.042	17.942	0.010	0.053	0.875	0.955	0.000	0.000	0.041
TCGA-06.5413	1.000	268.000	0.000	0.000	15.542	0.000	23.870	0.011	11.528	0.010	0.000	0.812	3.040	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.5414	1.000	273.000	0.000	0.000	12.504	0.000	57.083	0.038	9.762	0.009	0.000	0.898	1.174	0.000	0.000	0.037
TCGA-06.5416	1.000	161.000	0.024	0.000	19.321	0.000	11.933	0.000	26.523	0.016	0.000	0.886	2.941	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.5417	1.000	155.000	0.062	0.000	8.057	0.000	9.094	0.137	5.998	0.042	0.115	4.173	0.343	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.5418	1.000	83.000	0.000	0.000	14.108	0.000	30.560	0.000	12.033	0.000	0.029	1.202	1.756	0.013	0.000	0.000
TCGA-06.5856	1.000	114.000	0.000	0.000	10.683	0.000	28.607	0.032	9.724	0.000	0.000	2.520	1.768	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.5858	1.000	187.000	0.000	0.000	10.683	0.021	18.987	0.011	9.426	0.020	0.000	1.206	3.154	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.5859	1.000	139.000	0.000	0.000	7.905	0.000	25.852	0.000	22.107	0.000	0.000	1.788	5.933	0.000	0.000	0.000
TCGA-06.0398	1.000	423.000	0.014	0.000	12.604	0.000	12.604	0.000	7.612	0.011	0.000	1.883	7.029	0.000	0.000	0.000
TCGA-12.0616	1.000	439.000	0.025	0.109	18.050	0.036	14.182	0.000	9.125	0.017	0.000	2.459	1.931	0.021	0.000	0.000
TCGA-12.0618	1.000	50.000	0.039	0.000	11.864	0.037	7.941	0.000	8.092	0.009	0.024	0.441	0.186	0.000	0.000	0.000
TCGA-12.0619	1.000	316.000	0.000	0.000	10.509	0.199	14.518	0.020	14.809	0.000	0.000	1.078	3.042	0.023	0.000	0.000
TCGA-12.0821	1.000	323.000	0.015	0.068	7.888	0.000	9.069	0.023	9.558	0.011	0.286	0.592	3.546	0.000	0.000	0.000
TCGA-12.1567	1.000</															



ENSG0000016400	ENSG0000011282	ENSG0000019242	ENSG00000154198	ENSG00000070759	ENSG00000234186	ENSG00000261648	ENSG00000268529	ENSG00000263485	ENSG00000237725	ENSG00000203782	ENSG00000260488	ENSG00000392828	ENSG00000254707	
25.553	3.306	6.609	0.000	1.281	0.000	0.227	0.000	0.000	0.020	0.000	0.000	9.136	0.000	
16.307	3.418	4.079	0.013	1.641	0.171	0.071	0.000	0.000	0.000	0.017	0.000	6.946	0.000	
5.878	3.017	5.833	0.000	0.970	0.000	0.592	0.000	0.000	0.000	0.015	0.000	8.874	0.000	
65.701	3.696	7.524	0.000	0.894	0.009	0.448	0.000	0.006	0.000	0.000	0.000	8.297	0.000	
37.115	3.497	8.326	0.000	2.224	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	6.796	0.000	
6.331	8.450	3.552	0.000	2.381	0.000	0.711	0.000	0.000	0.000	0.045	0.000	10.331	12.289	
6.600	3.632	7.215	0.013	1.460	0.000	0.328	0.000	0.000	0.000	0.034	0.000	9.723	0.000	
38.585	2.335	14.118	0.014	2.080	0.009	0.338	0.000	0.000	0.000	0.054	0.000	5.050	0.000	
33.474	2.688	5.900	0.000	1.901	0.000	0.139	0.000	0.000	0.000	0.021	0.000	5.013	0.000	
8.796	3.307	4.316	0.000	2.204	0.000	0.168	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	3.907	0.000	
38.439	2.695	5.945	0.000	1.719	0.022	0.141	0.000	0.000	0.000	0.039	0.000	6.052	0.000	
19.962	4.164	8.759	0.000	0.961	0.000	0.801	0.000	0.000	0.000	0.067	0.015	10.299	0.000	
44.737	3.654	5.812	0.000	1.429	0.008	0.216	0.000	0.000	0.000	0.000	0.037	9.245	0.000	
45.018	4.963	8.871	0.000	2.203	0.000	0.319	0.000	0.000	0.000	0.064	0.015	9.811	0.000	
71.081	2.745	9.223	0.000	2.066	0.000	0.351	0.000	0.000	0.000	0.086	0.000	1.136	8.071	
30.014	3.814	5.809	0.000	2.387	0.000	0.134	0.000	0.005	0.000	0.000	0.029	8.431	0.000	
12.881	3.359	5.822	0.000	0.845	0.000	0.325	0.000	0.000	0.000	0.034	0.000	6.062	9.198	
7.329	1.760	4.486	0.000	1.732	0.000	0.075	0.000	0.000	0.000	0.102	0.000	2.650	0.000	
39.848	2.353	5.240	0.000	1.934	0.000	0.046	0.000	0.000	0.000	0.000	0.064	7.840	0.000	
51.659	1.790	6.439	0.000	1.385	0.000	0.130	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	7.896	0.000	
20.920	2.223	5.561	0.000	2.919	0.000	0.155	0.000	0.000	0.000	0.071	0.000	3.584	0.000	
28.916	5.757	11.132	0.000	2.245	0.000	2.839	0.000	0.000	0.075	0.000	0.018	12.307	0.000	
17.737	2.590	6.524	0.000	1.816	0.000	0.375	0.000	0.000	0.000	0.077	0.018	5.988	0.000	
14.458	2.201	5.710	0.000	0.953	0.023	0.165	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	7.334	0.000	
23.129	2.917	6.851	0.000	1.895	0.000	0.199	0.000	0.000	0.000	0.000	0.039	6.029	0.000	
14.580	3.589	6.322	0.000	1.286	0.000	0.657	0.000	0.000	0.000	0.106	0.041	8.203	0.000	
30.952	3.497	5.916	0.000	2.916	0.000	0.271	0.000	0.007	0.000	0.089	0.000	7.981	0.000	
20.832	2.697	10.123	0.000	1.729	0.000	0.404	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	6.583	0.000	
78.867	3.194	9.539	0.000	1.858	0.000	0.137	0.000	0.000	0.000	0.000	0.035	7.085	0.000	
22.124	3.417	6.972	0.014	1.250	0.000	0.202	0.000	0.000	0.000	0.053	0.000	6.771	0.000	
18.761	2.693	7.318	0.000	0.884	0.000	0.170	0.000	0.000	0.000	0.062	0.072	6.822	0.000	
20.098	4.150	7.247	0.000	1.728	0.000	0.199	0.000	0.000	0.000	0.061	0.000	9.150	0.000	
78.043	3.359	11.340	0.000	2.723	0.000	0.154	0.000	0.000	0.000	0.184	0.000	8.168	0.000	
27.901	1.486	8.437	0.000	1.516	0.000	0.238	0.039	0.000	0.000	0.073	0.000	6.237	0.000	
15.439	4.223	6.180	0.000	1.608	0.000	0.083	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	10.318	0.000	
90.287	3.319	9.049	0.000	2.143	0.000	0.277	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	8.308	0.000	
72.164	4.432	10.243	0.000	3.179	0.070	0.900	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.984	11.879	
49.120	3.116	6.704	0.000	2.268	0.016	0.235	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	6.883	0.000	
28.973	4.463	4.436	0.000	1.603	0.000	0.438	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.359	0.000	
14.224	5.586	6.922	0.000	1.649	0.000	0.298	0.000	0.007	0.000	0.000	0.057	11.732	0.000	
20.216	3.244	11.951	0.015	1.613	0.000	0.363	0.000	0.000	0.000	0.114	0.044	9.942	0.000	
25.435	4.121	6.884	0.000	1.036	0.016	0.251	0.000	0.012	0.000	0.069	0.016	0.033	8.626	0.000
20.390	5.298	8.196	0.014	1.146	0.000	0.085	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.214	0.040	
24.310	6.472	6.461	0.000	1.476	0.000	0.272	0.000	0.000	0.000	0.272	0.000	12.445	0.000	
16.746	6.279	6.400	0.012	1.234	0.000	0.182	0.000	0.006	0.000	0.000	0.000	11.516	0.000	
69.855	4.071	4.815	0.000	3.616	0.000	0.334	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	12.055	0.000	
14.436	11.190	3.142	0.000	1.801	0.000	0.048	0.000	0.000	0.000	0.017	0.121	11.722	0.079	
9.115	5.048	7.646	0.000	2.637	0.000	0.291	0.000	0.000	0.000	0.076	0.106	9.086	0.040	
12.621	2.652	7.116	0.000	1.265	0.000	0.238	0.000	0.000	0.000	0.015	0.000	12.270	0.000	
13.946	2.697	7.151	0.000	2.863	0.000	0.283	0.000	0.000	0.000	0.103	0.033	6.872	0.000	
33.589	3.104	12.571	0.022	2.509	0.007	0.649	0.000	0.000	0.000	0.159	0.000	6.046	0.000	
14.571	2.762	7.010	0.000	0.945	0.000	0.090	0.000	0.000	0.000	0.067	0.000	7.865	0.000	
18.858	2.394	6.670	0.000	1.649	0.000	0.339	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	10.541	0.000	
19.890	3.799	6.765	0.000	1.204	0.000	0.116	0.000	0.005	0.000	0.028	0.000	10.097	0.000	
15.532	4.423	6.026	0.000	1.423	0.000	0.272	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	7.498	0.000	
7.680	6.725	4.906	0.000	1.194	0.000	0.093	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	18.820	0.000	
26.794	4.194	5.295	0.000	1.218	0.000	0.257	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	8.809	0.000	
17.832	3.162	6.620	0.000	1.578	0.016	0.385	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	13.798	0.000	
42.963	4.737	5.914	0.000	1.992	0.000	0.119	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	14.276	0.000	
52.193	2.620	6.262	0.000	2.270	0.000	0.326	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	12.087	0.000	
69.080	6.515	7.463	0.000	1.603	0.000	0.288	0.000	0.000	0.000	0.591	0.000	9.469	0.000	
19.488	2.578	5.571	0.000	0.745	0.000	0.475	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	7.418	0.000	
19.243	4.453	6.509	0.000	0.853	0.000	0.832	0.000	0.000	0.000	0.060	0.028	9.705	0.032	
28.469	5.635	5.715	0.000	1.980	0.000	0.407	0.000	0.000	0.000	0.015	0.000	9.016	0.034	
36.747	4.330	4.595	0.000	1.062	0.000	0.088	0.000	0.000	0.000	0.000	0.033	11.236	0.000	
56.558	3.497	6.266	0.000	3.542	0.000	0.272	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	6.581	0.000	
15.173	2.753	5.945	0.000	1.384	0.000	0.189	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	10.587	0.000	
24.887	2.298	3.999	0.000	0.857	0.000	0.041	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	5.348	0.000	
45.099	2.999	6.277	0.000	1.236	0.013	0.054	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	10.105	0.000	
16.400	2.307	6.843	0.000	0.854	0.000	0.062	0.000	0.008	0.000	0.000	0.000	5.718	0.000	
31.744	1.736	6.283	0.000	0.884	0.000	0.435	0.000	0.000	0.000	0.015	0.000	8.360	0.000	
51.021	1.801	7.177	0.000	2.968	0.000	0.168	0.000	0.000	0.000	0.168	0.000	6.062	0.000	
31.831	2.602	6.916	0.000	0.856	0.000	0.098	0.000	0.000	0.000	0.014	0.000	7.350	0.000	
37.185	2.164	10.076	0.000	1.586	0.000	0.193	0.000	0.000	0.000	0.027	0.000	9.819	0.000	
12.890	3.301	6.755	0.000	1.646	0.000	0.124	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	8.882	0.000	
69.730	4.300	6.365	0.000	1.504	0.000	0.092	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.390	0.000	
28.874	3.676	6.076	0.000	1.179	0.000	0.265	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	12.918	0.000	
12.232	7.106	3.265	0.000	2.204	0.000	0.096	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	12.879	0.000	
46.368	4.616	3.620	0.000	1.259	0.000	0.056	0.000	0.000	0.000	0.044	0.000	4.993	0.000	
33.412	3.405	4.483	0.000	1.233	0.000	0.081	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	5.155	0.000	
13.592	2.690	2.911	0.000	2.102	0.000	0.005	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	3.815	0.000	
43.981	2.991	8.117	0.000	1.555	0.000	0.051	0.000	0.000	0.000	0.000	0.073	7.704	0.000	
21.176	4.436	6.463	0.000	2.212	0.000									

ENSG00000220924	ENSG00000117682	ENSG00000137218	ENSG00000211958
0.055	6.939	2.442	0.000
0.234	7.949	2.459	0.049
0.083	6.754	4.103	0.000
0.047	7.959	3.630	0.000
0.263	7.859	2.486	0.000
0.208	8.619	3.752	0.000
0.327	12.122	2.542	0.000
0.198	5.971	3.451	0.000
0.000	6.913	3.144	0.000
0.666	6.516	2.065	0.000
0.164	8.261	1.869	0.000
0.169	10.127	3.644	0.000
0.131	8.781	3.190	0.000
0.041	7.846	3.985	0.000
0.182	4.922	3.374	0.000
0.082	5.413	2.255	0.000
0.141	8.595	4.207	0.000
0.112	5.901	3.781	0.000
0.043	11.407	2.538	0.000
0.091	13.324	2.547	0.000
0.243	6.313	2.333	0.000
0.000	7.529	6.417	0.000
0.098	6.058	3.666	0.052
0.334	10.816	1.605	0.000
0.093	8.085	2.750	0.000
0.048	8.202	4.096	0.000
0.055	7.993	2.574	0.058
0.288	7.846	5.882	0.000
0.000	6.486	3.243	0.000
0.096	7.257	4.858	0.000
0.119	4.202	5.795	0.000
0.083	7.012	5.081	0.000
0.048	6.167	4.789	0.000
0.233	8.849	3.498	0.000
0.590	7.708	2.441	0.000
0.267	9.713	3.387	0.000
0.043	7.819	4.137	0.000
0.170	10.740	3.591	0.134
0.152	7.978	4.148	0.000
0.105	8.129	2.780	0.000
0.052	5.213	2.079	0.056
0.220	9.831	2.954	0.000
0.048	8.798	3.091	0.000
0.125	7.498	2.581	0.000
0.133	8.715	3.453	0.000
0.173	8.400	4.074	0.000
0.095	11.188	2.056	0.000
0.289	7.011	4.261	0.000
0.125	10.084	3.760	0.000
0.316	7.138	2.167	0.042
0.159	6.814	7.970	0.000
0.428	7.662	2.627	0.000
0.217	7.955	2.593	0.000
0.077	7.948	2.370	0.000
0.212	7.016	3.853	0.000
0.552	9.115	3.818	0.000
0.137	8.390	3.329	0.000
0.216	9.396	1.963	0.000
0.086	7.232	2.936	0.000
0.160	7.522	2.979	0.000
0.000	11.701	5.378	0.000
0.368	6.971	3.637	0.000
0.115	7.074	7.521	0.000
0.082	13.824	3.874	0.043
0.137	7.211	3.140	0.000
0.118	7.972	4.874	0.000
0.000	7.869	4.241	0.000
0.322	7.075	2.777	0.000
0.357	10.105	3.838	0.000
0.282	10.982	2.057	0.000
0.206	7.438	2.998	0.000
0.562	8.263	2.338	0.263
0.113	7.063	1.983	0.000
0.149	8.764	3.453	0.000
0.170	7.630	1.922	0.000
0.068	6.971	2.670	0.000
0.334	8.569	2.751	0.000
0.572	9.297	3.776	0.000
0.240	6.230	2.087	0.000
0.000	7.655	1.092	0.000
0.440	5.000	0.984	0.232
0.172	5.815	1.625	0.000
0.051	6.388	4.003	0.000
0.058	8.258	2.366	0.000
0.097	6.833	4.143	0.000
0.103	6.921	2.673	0.000
0.162	8.285	6.079	0.000
0.127	11.152	2.465	0.000
0.000	7.449	4.036	0.000
0.075	6.635	3.159	0.000
0.120	7.148	5.557	0.000
0.124	7.974	4.106	0.000
0.120	8.149	4.477	0.000
0.042	9.208	2.743	0.000
0.121	6.264	4.528	0.000
0.140	8.525	4.370	0.000
0.098	10.923	3.700	0.000
0.200	6.019	4.149	0.000
0.253	7.763	4.914	0.000
0.197	7.367	2.880	0.000
0.049	7.129	2.970	0.000
0.256	3.634	1.025	0.000
0.125	5.952	1.933	0.000
0.161	7.878	2.710	0.000
0.123	7.854	3.802	0.000
0.108	8.481	3.213	0.000
0.099	8.713	3.158	0.000
0.131	6.765	4.507	0.000
0.041	8.528	4.328	0.000
0.103	7.961	2.174	0.000
0.243	7.188	1.280	0.000
0.046	8.313	2.439	0.000
0.047	8.094	3.657	0.000
0.403	8.875	3.213	0.000
0.191	11.193	2.098	0.000
0.000	7.376	1.828	0.000
0.044	5.033	3.003	0.000
0.203	8.654	3.277	0.000
0.308	8.078	3.093	0.046
0.168	8.927	2.863	0.000
0.152	8.020	3.328	0.040
0.228	8.538	3.021	0.000
0.250	4.905	1.531	0.158
0.496	8.260	1.957	0.000
0.140	9.822	3.074	0.000
0.178	7.979	5.082	0.000
0.435	6.361	3.413	0.000
0.151	10.152	4.109	0.000
0.071	10.037	2.254	0.000
0.231	5.440	5.464	0.000
0.000	7.943	3.614	0.000
0.345	6.542	2.207	0.000
0.333	7.488	2.340	0.000
0.321	8.658	8.867	0.000
0.327	7.649	2.942	0.000
0.181	7.270	2.991	0.000
0.204	7.648	2.528	0.000
0.165	7.266	5.102	0.000
0.269	10.563	2.034	0.000
0.236	6.792	2.587	0.000
0.352	7.496	2.474	0.000
0.183	7.434	2.112	0.000
0.099	8.750	5.994	0.000
0.312	10.522	4.336	0.000
0.000	20.518	2.964	0.000

Table S3. Expression data (n FPKM) from 144 patients with glioblastoma and 500 genes from TCGA.

sample	OS	OS time	ENSG00000231056	ENSG00000251127	ENSG00000104629	ENSG00000258779	ENSG00000133372	ENSG00000195869	ENSG00000120729	ENSG00000261395	ENSG00000223624	ENSG00000163682	ENSG00000170099	ENSG00000259030	ENSG00000189366	ENSG00000223982
TCGA_02.0047	1.000	448.000	0.000	0.000	7.119	0.000	6.006	0.161	1.240	0.354	0.354	0.855	0.080	0.079	0.793	0.000
TCGA_02.0055	1.000	76.000	0.000	0.000	13.132	0.000	7.238	0.084	0.291	0.387	0.150	327.347	0.045	0.063	0.000	0.000
TCGA_02.2483	0.000	466.000	0.000	0.000	27.896	0.000	11.981	0.049	0.272	0.344	0.803	383.848	0.020	0.032	0.622	0.000
TCGA_02.2485	0.000	470.000	0.000	0.000	11.477	0.000	13.102	0.203	0.059	0.196	0.465	149.144	0.000	0.113	0.881	0.000
TCGA_06.2486	1.000	265.000	0.000	0.000	10.725	0.256	9.248	0.062	0.341	0.361	0.525	207.012	0.020	0.020	0.000	0.000
TCGA_06.0129	1.000	986.000	0.000	0.000	13.080	0.000	13.500	0.000	2.469	0.000	0.696	0.000	0.000	0.128	1.062	0.000
TCGA_06.0130	1.000	320.000	0.000	0.000	8.848	0.023	10.497	0.182	0.203	0.463	0.150	172.895	0.057	0.031	0.125	0.000
TCGA_06.0132	1.000	570.000	0.000	0.000	7.379	0.000	7.505	0.029	1.643	0.183	0.000	233.771	0.000	0.040	2.398	0.000
TCGA_06.0138	1.000	674.000	0.000	0.000	6.978	0.000	5.475	0.056	1.304	0.189	0.733	282.288	0.000	0.033	3.167	0.000
TCGA_06.0139	1.000	327.000	0.000	0.000	7.321	0.000	5.702	0.000	0.620	0.824	2.135	268.804	0.000	0.040	0.000	0.000
TCGA_06.0141	1.000	280.000	0.000	0.000	5.603	0.000	7.330	0.072	1.193	0.337	1.753	149	0.000	0.000	0.104	0.000
TCGA_06.0152	1.000	359.000	0.014	0.000	10.042	0.000	12.199	0.157	0.085	0.140	0.000	84.985	0.000	0.061	1.738	0.000
TCGA_06.0157	1.000	97.000	0.000	0.000	6.541	0.000	11.013	0.051	0.020	0.433	0.420	82.944	0.000	0.042	0.814	0.000
TCGA_06.0158	1.000	166.000	0.000	0.000	11.082	0.020	11.769	0.202	0.292	0.524	0.524	64.511	0.000	0.051	0.674	0.000
TCGA_06.0188	1.000	579.000	0.000	0.000	9.017	0.000	11.054	0.138	0.311	0.801	2.335	135.714	0.000	0.017	0.388	0.000
TCGA_06.0171	1.000	396.000	0.000	0.000	7.051	0.000	6.995	0.151	0.444	0.057	0.131	76.338	0.020	0.045	0.246	0.000
TCGA_06.0174	1.000	57.000	0.000	0.000	10.357	0.000	10.357	0.037	0.300	0.165	128.907	0.000	0.059	0.059	0.064	0.000
TCGA_06.0178	1.000	1642.000	0.000	0.000	8.503	0.000	6.084	0.011	1.042	0.277	0.898	847.948	0.000	0.038	2.862	0.000
TCGA_06.0184	1.000	1228.000	0.000	0.000	10.904	0.021	6.848	0.133	0.899	0.281	0.273	233.361	0.021	0.084	2.223	0.000
TCGA_06.0187	1.000	801.000	0.000	0.000	7.254	0.000	11.704	0.142	0.064	0.451	0.292	86.129	0.000	0.035	0.776	0.000
TCGA_06.0219	1.000	11.000	0.000	0.000	6.794	0.024	6.523	0.047	1.062	0.561	0.311	449.794	0.000	0.021	0.103	0.000
TCGA_06.0221	1.000	69.000	0.016	0.000	7.332	0.000	14.817	0.518	0.459	0.166	1.448	65.955	0.000	0.048	0.641	0.000
TCGA_06.0238	1.000	359.000	0.000	0.000	7.507	0.000	7.714	0.076	0.077	0.486	0.472	343.512	0.024	0.040	0.836	0.000
TCGA_06.0644	1.000	375.000	0.000	0.000	8.476	0.000	11.257	0.041	0.168	0.207	0.535	131.215	0.040	0.012	0.533	0.000
TCGA_06.0645	1.000	98.000	0.015	0.000	9.162	0.000	9.988	0.091	0.252	0.153	0.447	159.284	0.000	0.031	0.989	0.000
TCGA_06.0646	1.000	136.000	0.000	0.000	12.124	0.000	14.993	0.688	0.570	0.319	0.465	64.143	0.000	0.058	0.592	0.000
TCGA_06.0649	1.000	62.000	0.018	0.000	7.962	0.000	8.855	0.268	0.581	0.325	0.119	176.596	0.000	0.119	1.290	0.000
TCGA_06.0696	1.000	296.000	0.000	0.000	10.365	0.000	10.365	0.000	0.131	1.149	0.478	338	0.000	0.028	0.068	0.000
TCGA_06.0743	1.000	679.000	0.000	0.000	11.420	0.000	12.548	0.243	0.639	0.237	0.461	111.405	0.012	0.032	2.372	0.000
TCGA_06.0744	1.000	595.000	0.000	0.000	14.240	0.000	8.828	0.423	0.157	0.772	0.772	308.058	0.000	0.049	0.770	0.000
TCGA_06.0745	1.000	164.000	0.000	0.000	12.422	0.000	9.390	0.039	1.525	0.327	0.327	215.439	0.000	0.034	4.178	0.000
TCGA_06.0747	1.000	82.000	0.000	0.000	13.492	0.021	15.512	0.308	0.174	0.137	0.399	88.562	0.000	0.092	1.681	0.000
TCGA_06.0749	1.000	95.000	0.000	0.000	10.964	0.000	9.672	0.098	2.202	0.272	0.272	221.546	0.000	0.021	0.596	0.000
TCGA_06.0750	1.000	28.000	0.000	0.000	7.293	0.000	10.496	0.109	0.318	0.692	0.149	131.124	0.000	0.076	0.099	0.000
TCGA_06.0878	1.000	218.000	0.032	0.000	7.993	0.000	12.347	0.153	0.473	1.461	0.946	147.751	0.000	0.109	1.676	0.000
TCGA_06.0882	1.000	165.000	0.015	0.000	7.924	0.000	9.964	0.269	0.498	0.515	0.000	147.781	0.000	0.074	1.186	0.000
TCGA_06.1804	1.000	414.000	0.000	0.000	21.581	0.000	10.194	0.391	0.733	0.582	0.273	35.872	0.000	0.043	0.408	0.057
TCGA_06.2557	1.000	33.000	0.000	0.000	10.925	0.000	14.035	0.133	0.343	0.140	0.817	96.279	0.000	0.094	0.453	0.000
TCGA_06.2558	1.000	23.000	0.000	0.000	8.434	0.000	8.434	0.000	1.148	0.335	0.335	246.858	0.000	0.012	0.574	0.000
TCGA_06.2559	1.000	150.000	0.000	0.000	0.256	0.000	11.302	0.204	1.365	0.259	0.358	244.350	0.000	0.111	0.307	0.000
TCGA_06.2561	1.000	282.000	0.000	0.000	7.730	0.000	13.651	0.356	0.396	0.258	0.167	105.189	0.000	0.040	0.655	0.000
TCGA_06.2562	1.000	86.000	0.014	0.000	7.369	0.022	11.892	0.180	0.116	0.218	0.000	108.935	0.000	0.057	0.962	0.000
TCGA_06.2563	1.000	932.000	0.000	0.000	10.426	0.024	13.600	0.057	0.098	0.400	0.000	185.555	0.000	0.049	1.626	0.000
TCGA_06.2564	1.000	61.000	0.014	0.000	8.227	0.000	12.692	0.130	0.503	0.137	0.133	108.157	0.000	0.110	1.053	0.000
TCGA_06.2565	1.000	207.000	0.000	0.000	0.216	0.000	11.710	0.708	0.055	0.146	0.294	142.143	0.032	0.053	1.275	0.000
TCGA_06.2567	1.000	133.000	0.000	0.000	9.989	0.000	14.028	0.624	0.221	0.357	0.416	97.833	0.010	0.058	0.368	0.000
TCGA_06.2569	0.000	13.000	0.016	0.000	0.232	0.000	10.682	0.111	0.236	0.179	0.000	870.573	0.000	0.071	0.811	0.000
TCGA_06.2570	1.000	958.000	0.016	0.000	15.257	0.000	6.915	0.207	0.942	0.080	0.154	217.959	0.000	0.057	1.334	0.000
TCGA_06.2578	1.000	342.000	0.000	0.000	8.990	0.000	18.787	0.081	0.344	0.344	0.134	135.391	0.030	0.052	1.290	0.000
TCGA_06.5410	1.000	198.000	0.000	0.000	8.453	0.000	8.453	0.000	0.862	0.586	0.586	183.527	0.000	0.040	0.652	0.000
TCGA_06.5411	1.000	254.000	0.000	0.000	6.874	0.000	7.835	0.178	1.194	0.327	0.254	176.863	0.038	0.063	2.768	0.053
TCGA_06.5412	1.000	138.000	0.000	0.208	9.707	0.000	10.002	0.108	0.139	0.563	0.684	189.027	0.041	0.027	0.522	0.000
TCGA_06.5413	1.000	268.000	0.000	0.000	8.925	0.000	11.044	0.085	0.128	0.502	0.557	176.082	0.000	0.096	1.295	0.000
TCGA_06.5414	1.000	273.000	0.000	0.000	8.606	0.000	11.829	0.900	0.131	0.317	0.123	135.445	0.019	0.039	1.124	0.000
TCGA_06.5416	1.000	161.000	0.000	0.000	10.184	0.000	9.786	0.268	4.208	0.268	0.268	205.566	0.000	0.017	0.037	0.000
TCGA_06.5417	1.000	155.000	0.000	0.000	12.008	0.000	8.500	0.308	4.572	0.608	1.181	322.707	0.000	0.097	1.177	0.000
TCGA_06.5418	1.000	83.000	0.015	0.000	9.641	0.000	12.022	0.453	0.305	0.453	0.147	197.875	0.000	0.070	0.024	0.000
TCGA_06.5856	1.000	114.000	0.000	0.000	6.974	0.000	10.952	0.169	0.357	0.893	142.077	0.010	0.116	1.773	0.058	
TCGA_06.5858	1.000	187.000	0.000	0.000	5.960	0.000	10.941	0.352	0.600	0.638	0.689	82.336	0.000	0.095	0.892	0.000
TCGA_06.5859	1.000	139.000	0.000	0.000	7.118	0.000	14.900	0.336	3.652	0.662	0.257	87.638	0.029	0.015	0.683	0.000
TCGA_06.0398	1.000	61.000	0.000	0.000	8.453	0.000	8.453	0.000	0.614	0.148	0.335	69.233	0.000	0.071	1.206	0.000
TCGA_12.0616	1.000	439.000	0.000	0.000	14.431	0.037	6.611	0.115	0.686	0.728	1.179	425.626	0.000	0.049	2.114	0.000
TCGA_12.0618	1.000	50.000	0.000	0.000	9.377	0.000	13.428	0.231	1.057	0.253	0.859	132.943	0.000	0.101	0.102	0.652
TCGA_12.0619	1.000	316.000	0.000	0.000	11.433	0.000	9.834	0.098	2.057	0.068	0.263	61.127	0.119	0.134	0.066	0.655
TCGA_12.0821	1.000	323.000	0.000	0.000	6.823	0.000	14.620	0.000	1.285	0.302	0.263	167.378	0.033	0.033	1.851	0.000
TCGA																

ENSG0000022884	ENSG0000025189	ENSG0000026233	ENSG0000026927	ENSG00000129354	ENSG00000265692	ENSG00000231229	ENSG00000280959	ENSG00000274425	ENSG00000229887	ENSG00000241438	ENSG00000197891	ENSG00000298489	ENSG00000252061
1.096	0.062	12.247	0.000	0.065	0.000	0.062	0.000	0.155	4.904	0.129	0.055	0.000	0.276
0.418	0.079	118.656	0.000	0.495	0.266	0.047	0.055	0.000	0.297	3.928	0.087	0.000	0.000
0.515	0.105	13.726	0.000	0.024	0.017	0.135	0.000	0.470	3.368	0.350	0.000	0.000	0.000
0.389	0.040	32.528	0.000	0.111	0.029	0.070	0.000	0.000	0.100	5.211	0.110	0.237	0.000
1.225	0.069	60.619	0.000	0.031	0.001	0.001	0.000	0.000	0.000	10.252	0.059	0.000	0.000
0.712	0.023	6.303	0.000	0.024	0.034	0.268	0.000	0.005	0.205	7.216	0.155	0.083	0.011
1.283	0.588	51.648	0.000	0.165	0.009	0.093	0.000	0.000	0.560	5.619	0.065	0.094	0.000
0.882	0.083	28.159	0.000	0.000	0.161	0.049	0.000	0.000	0.035	3.897	0.115	0.000	0.007
1.881	0.080	52.606	0.000	0.134	0.012	0.298	0.000	0.000	0.563	7.317	0.080	0.057	0.000
1.483	0.186	73.215	0.000	0.098	0.000	0.124	0.000	0.000	0.000	5.376	0.155	0.000	0.044
1.121	0.091	59.007	0.000	0.192	0.058	0.132	0.000	0.000	0.115	9.079	0.057	0.000	0.005
0.464	0.059	25.580	0.000	0.099	0.052	0.052	0.000	0.000	0.030	5.973	0.217	0.000	0.011
1.168	0.073	23.570	0.000	0.026	0.000	0.076	0.000	0.000	0.031	5.329	0.020	0.088	0.000
0.532	0.000	10.829	0.000	0.072	0.058	0.051	0.000	0.000	0.201	6.562	0.076	0.082	0.005
0.873	0.000	18.434	0.000	0.107	0.074	0.045	0.000	0.000	0.128	4.875	0.085	0.000	0.024
0.673	0.377	30.442	0.000	0.048	0.075	0.081	0.000	0.000	0.000	4.618	0.087	0.000	0.000
1.131	0.000	25.965	0.000	0.111	0.019	0.070	0.000	0.000	0.398	2.804	0.176	0.047	0.006
1.918	0.016	19.484	0.000	0.000	0.057	0.014	0.000	0.000	0.551	7.059	0.028	0.056	0.000
1.226	0.048	63.972	0.019	0.250	0.043	0.127	0.025	0.000	0.090	2.680	0.079	0.043	0.006
0.312	0.051	36.741	0.000	0.214	0.000	0.056	0.000	0.000	0.032	4.395	0.127	0.000	0.000
1.963	0.041	59.084	0.000	0.171	0.069	0.072	0.000	0.000	0.137	9.675	0.158	0.000	0.013
0.447	0.014	2.715	0.022	0.059	0.092	0.100	0.000	0.000	0.212	2.819	0.164	0.050	0.060
1.277	0.014	13.839	0.000	0.058	0.040	0.085	0.000	0.000	0.725	4.258	0.183	0.000	0.007
0.486	0.035	54.874	0.000	0.147	0.008	0.093	0.000	0.000	0.205	6.510	0.058	0.000	0.019
0.477	0.117	39.876	0.000	0.000	0.009	0.046	0.000	0.000	0.131	3.827	0.087	0.000	0.000
1.125	0.027	23.214	0.021	0.057	0.069	0.192	0.000	0.000	0.442	7.555	0.090	0.145	0.019
1.198	0.186	20.162	0.024	0.032	0.022	0.325	0.000	0.000	0.077	9.770	0.127	0.164	0.000
1.252	0.134	11.479	0.000	0.093	0.020	0.043	0.000	0.000	0.474	3.347	0.129	0.000	0.026
0.919	0.040	16.735	0.000	0.056	0.019	0.168	0.000	0.000	0.404	10.784	0.112	0.192	0.000
1.156	0.054	14.262	0.000	0.000	0.029	0.108	0.000	0.000	0.475	5.658	0.112	0.000	0.006
1.901	0.100	64.861	0.000	0.023	0.024	0.138	0.000	0.000	0.307	9.401	0.092	0.079	0.005
0.711	0.012	8.993	0.000	0.000	0.017	0.072	0.000	0.000	0.205	8.227	0.136	0.000	0.000
1.131	0.000	11.310	0.000	0.057	0.225	0.168	0.000	0.000	0.170	6.168	0.023	0.000	0.000
0.882	0.026	27.994	0.000	0.246	0.009	0.219	0.000	0.000	0.229	9.378	0.043	0.000	0.000
0.741	0.000	46.088	0.000	0.000	0.020	0.073	0.000	0.000	0.277	11.666	0.229	0.000	0.000
0.855	0.050	39.215	0.000	0.183	0.045	0.044	0.000	0.000	0.031	6.388	0.083	0.045	0.006
1.166	0.131	4.529	0.037	0.000	0.086	0.897	0.025	0.000	0.090	11.275	0.040	0.085	0.034
1.048	0.332	14.126	0.000	0.000	0.017	0.095	0.000	0.000	0.209	4.174	0.059	0.085	0.000
1.424	0.024	13.880	0.000	0.089	0.020	0.265	0.000	0.000	0.151	4.937	0.047	0.054	0.000
0.574	0.059	38.148	0.000	0.031	0.021	0.075	0.000	0.000	0.553	5.387	0.098	0.052	0.035
0.857	0.116	60.336	0.000	0.183	0.032	0.065	0.000	0.000	0.000	13.090	0.073	0.104	0.000
0.875	0.062	61.592	0.000	0.103	0.000	0.044	0.000	0.000	0.124	8.413	0.062	0.000	0.006
0.664	0.027	35.507	0.000	0.000	0.010	0.072	0.000	0.000	0.136	7.991	0.113	0.097	0.000
0.295	0.020	26.432	0.000	0.024	0.025	0.062	0.024	0.000	0.000	7.265	0.058	0.042	0.011
1.276	0.037	54.634	0.000	0.026	0.000	0.121	0.078	0.000	0.094	9.231	0.062	0.044	0.006
1.333	0.121	8.422	0.000	0.101	0.053	0.407	0.000	0.000	0.091	10.157	0.020	0.000	0.017
0.163	0.013	18.494	0.000	0.056	0.019	0.047	0.000	0.000	0.301	2.011	0.222	0.095	0.006
0.825	0.054	13.782	0.000	0.000	0.029	0.084	0.000	0.000	0.271	3.864	0.225	0.145	0.006
0.429	0.035	37.282	0.000	0.049	0.017	0.031	0.000	0.000	0.206	6.696	0.156	0.000	0.000
1.596	0.176	74.328	0.000	0.093	0.040	0.059	0.000	0.000	0.169	3.747	0.119	0.000	0.000
1.523	0.011	16.542	0.000	0.163	0.137	0.039	0.000	0.000	0.084	4.231	0.111	0.080	0.028
1.608	0.131	111.218	0.000	0.000	0.009	0.254	0.000	0.000	0.030	7.895	0.099	0.000	0.000
0.893	0.049	35.804	0.000	0.102	0.035	0.043	0.000	0.000	0.367	6.041	0.263	0.000	0.006
0.763	0.075	31.782	0.000	0.068	0.008	0.038	0.000	0.000	0.000	6.179	0.161	0.000	0.000
1.454	0.041	52.919	0.000	0.000	0.000	0.062	0.000	0.000	0.000	5.058	0.071	0.056	0.000
0.505	0.000	12.088	0.000	0.000	0.037	0.137	0.000	0.000	0.130	3.322	0.258	0.000	0.049
0.784	0.026	52.011	0.000	0.027	0.000	0.091	0.000	0.000	0.097	5.787	0.064	0.046	0.006
0.889	0.097	66.637	0.000	0.025	0.026	0.150	0.000	0.000	0.517	5.300	0.141	0.000	0.006
0.942	0.048	19.944	0.000	0.025	0.028	0.160	0.000	0.000	0.212	7.294	0.100	0.043	0.034
0.604	0.190	24.842	0.000	0.047	0.008	0.089	0.000	0.000	0.254	13.562	0.150	0.000	0.000
1.143	0.055	12.470	0.000	0.062	0.000	0.062	0.000	0.000	0.284	4.151	0.046	0.105	0.042
0.605	0.103	15.128	0.000	0.086	0.000	0.091	0.000	0.000	0.517	7.033	0.240	0.000	0.000
1.312	0.043	21.956	0.000	0.000	0.000	0.133	0.000	0.000	0.242	5.052	0.107	0.038	0.030
1.097	0.080	27.351	0.000	0.289	0.042	0.061	0.000	0.000	0.231	5.472	0.096	0.000	0.016
1.097	0.000	26.002	0.000	0.000	0.009	0.068	0.000	0.000	0.396	9.706	0.192	0.000	0.000
0.946	0.020	35.159	0.000	0.000	0.000	0.062	0.000	0.000	0.000	5.268	0.110	0.000	0.000
0.829	0.023	39.459	0.000	0.047	0.000	0.040	0.000	0.000	0.113	5.271	0.150	0.000	0.000
1.289	0.000	174.245	0.000	0.063	0.000	0.040	0.000	0.000	0.303	7.867	0.075	0.000	0.000
1.175	0.100	17.069	0.000	0.084	0.014	0.041	0.000	0.019	0.302	8.439	0.133	0.000	0.000
0.696	0.095	40.492	0.000	0.033	0.000	0.042	0.000	0.000	0.000	8.478	0.132	0.000	0.007
0.310	0.011	65.890	0.000	0.048	0.017	0.020	0.000	0.000	0.087	6.100	0.153	0.000	0.000
2.109	0.139	60.647	0.000	0.000	0.000	0.792	0.000	0.000	0.124	7.752	0.011	0.000	0.000
0.542	0.053	59.617	0.000	0.111	0.031	0.131	0.000	0.000	0.027	5.538	0.053	0.038	0.000
1.374	0.062	43.507	0.000	0.044	0.000	0.166	0.000	0.000	0.105	9.456	0.035	0.000	0.000
0.466	0.016	62.728	0.000	0.000	0.011	0.028	0.000	0.000	0.040	7.054	0.053	0.057	0.000
0.842	0.000	18.779	0.000	0.000	0.014	0.051	0.000	0.000	0.144	6.113	0.127	0.000	0.027
1.088	0.000	30.919	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.111	5.668	0.110	0.000	0.000
0.196	0.000	7.932	0.000	0.158	0.058	0.142	0.000	0.000	1.409	1.765	0.534	0.000	0.000
1.813	0.084	89.820	0.000	0.071	0.012	0.075	0.000	0.000	0.296	9.229	0.028	0.000	0.000
0.698	0.067	64.814	0.000	0.000	0.012	0.074	0.000	0.000	0.042	9.021	0.112	0.000	0.000
2.223	0.322	92.925	0.000	0.129	0.022	0.000	0.000	0.000	0.077	9.952	0.077	0.055	0.000
0.857	0.048	30.605	0.000	0.025	0.009	0.000	0.000	0.000	0.243	12.903	0.121	0.000	0.000
0.982	0.071	14.965	0.000	0.000	0.000	0.105	0.000	0.000					

ENSG0000016407	ENSG0000011293	ENSG0000019283	ENSG0000015422	ENSG00000070761	ENSG00000234382	ENSG0000074317	ENSG00000261838	ENSG00000268678	ENSG00000263793	ENSG00000274055	ENSG00000203865	ENSG00000208345	ENSG00000260676	ENSG00000360584	ENSG00000245857
5.586	0.564	2.187	4.167	14.902	0.000	17.162	0.000	0.000	0.000	0.017	0.000	0.000	0.000	9.482	0.000
8.315	0.154	0.025	6.031	12.439	0.000	10.248	0.000	0.000	0.000	0.599	0.088	0.000	0.000	12.585	0.000
8.924	0.217	1.205	3.176	32.271	0.000	6.895	0.076	0.044	0.000	0.000	0.655	0.000	0.000	8.860	0.000
8.191	0.380	0.171	3.680	21.066	0.043	9.804	0.000	0.000	0.000	0.751	0.000	0.000	0.000	7.838	0.000
4.140	0.254	0.140	5.360	15.200	0.000	5.979	0.074	0.000	0.000	0.590	0.000	0.000	0.000	9.156	0.000
12.368	0.535	0.598	5.594	32.458	0.038	3.989	0.038	0.131	0.000	0.358	0.026	0.000	0.000	9.831	0.019
8.881	0.081	0.014	5.234	16.262	0.000	0.555	0.127	0.049	0.000	0.000	0.564	0.000	0.000	13.146	0.000
4.637	0.307	0.164	4.479	13.039	0.000	99.136	0.537	0.104	0.000	0.000	0.759	0.000	0.000	8.215	0.000
5.766	0.209	0.391	3.891	26.037	0.000	11.171	0.000	0.000	0.377	0.000	1.149	0.000	0.000	8.926	0.000
4.287	0.137	0.032	5.284	13.025	0.000	1.974	0.000	0.000	0.000	1.003	0.000	0.000	0.000	6.559	0.000
4.476	0.254	0.140	5.360	15.200	0.000	5.979	0.074	0.000	0.000	0.590	0.000	0.000	0.000	9.161	0.000
11.604	0.599	0.094	4.845	14.043	0.000	22.225	0.077	0.000	0.000	0.835	0.000	0.006	0.000	8.875	0.000
9.785	0.562	0.235	3.851	18.960	0.000	1.300	0.040	0.184	0.000	0.000	0.925	0.000	0.013	7.680	0.000
8.852	1.156	0.083	5.846	17.474	0.112	10.578	0.074	0.000	0.000	1.045	0.000	0.006	0.000	7.892	0.000
7.846	0.332	0.202	4.918	11.390	0.000	37.236	0.824	0.000	0.000	1.263	0.000	0.000	0.000	6.657	0.000
8.402	0.258	0.020	6.471	9.013	0.074	0.979	0.074	0.000	0.000	1.314	0.000	0.000	0.000	8.294	0.000
6.857	0.087	0.295	2.795	29.923	0.043	12.984	0.043	0.000	0.000	0.741	0.000	0.000	0.000	7.993	0.000
4.696	0.255	0.203	3.088	63.246	0.051	4.585	0.101	0.000	0.000	1.646	0.000	0.000	0.000	7.280	0.000
6.212	0.144	0.016	5.848	13.858	0.078	3.842	0.039	0.000	0.000	0.809	0.000	0.000	0.000	7.712	0.000
8.651	0.499	0.013	6.535	17.250	0.041	2.405	0.124	0.048	0.000	1.056	0.000	0.000	0.000	7.128	0.000
4.584	0.372	0.056	3.440	23.914	0.000	30.747	0.044	0.051	0.000	1.108	0.000	0.000	0.000	8.333	0.000
9.783	1.365	1.077	5.360	13.556	0.183	77.304	0.138	0.000	0.000	1.146	0.000	0.000	0.000	7.071	0.000
6.885	0.304	1.083	4.006	57.160	0.000	29.453	0.000	0.000	0.000	1.370	0.000	0.000	0.000	9.439	0.000
6.983	0.156	0.004	5.507	19.366	0.000	0.504	0.038	0.000	0.000	0.465	0.026	0.000	0.000	8.588	0.000
6.927	0.335	0.101	5.158	14.196	0.000	10.352	0.000	0.000	0.000	0.628	0.000	0.000	0.000	7.597	0.000
7.072	0.714	3.087	6.448	21.799	0.000	9.978	0.131	0.000	0.000	1.376	0.000	0.007	0.000	8.143	0.000
6.857	0.484	0.087	6.893	23.022	0.000	2.965	0.148	0.000	0.000	0.986	0.000	0.000	0.000	9.964	0.000
6.275	0.222	0.989	4.989	40.103	0.000	25.534	0.087	0.000	0.000	0.986	0.000	0.000	0.000	6.892	0.000
11.719	0.450	0.097	4.874	17.609	0.087	9.719	0.043	0.000	0.000	1.295	0.000	0.000	0.000	6.299	0.000
6.339	0.659	0.044	4.824	26.315	0.000	9.799	0.218	0.000	0.000	0.827	0.030	0.000	0.000	7.415	0.000
10.362	0.315	1.646	3.332	31.388	0.108	12.992	0.036	0.084	0.000	1.201	0.000	0.000	0.000	4.836	0.000
12.236	0.527	0.338	5.253	27.852	0.151	5.473	0.038	0.000	0.000	0.705	0.000	0.000	0.000	7.077	0.000
4.925	0.807	1.295	2.795	16.931	0.132	89.353	0.043	0.000	0.000	0.345	0.000	0.000	0.000	8.961	0.000
8.361	0.255	0.074	6.437	23.896	0.000	4.700	0.000	0.000	0.000	1.029	0.000	0.000	0.000	5.780	0.000
6.683	0.960	0.099	4.730	18.365	0.000	2.443	0.089	0.000	0.000	0.736	0.000	0.000	0.000	9.491	0.000
7.041	0.455	0.064	5.619	14.878	0.243	22.729	0.040	0.047	0.000	1.285	0.000	0.000	0.000	8.474	0.000
12.183	1.072	0.102	9.747	13.816	0.349	12.073	0.154	0.000	0.000	2.976	0.080	0.000	0.000	9.535	0.000
11.230	1.206	0.295	7.790	11.429	0.039	3.575	0.000	0.000	0.000	1.498	0.000	0.000	0.000	7.736	0.000
8.156	0.414	1.862	4.445	33.074	0.046	25.692	0.046	0.000	0.000	1.385	0.032	0.000	0.000	11.521	0.000
8.141	0.191	1.722	5.006	18.214	0.000	8.428	0.000	0.000	0.000	0.583	0.033	0.000	0.000	12.965	0.072
6.173	0.509	0.198	6.535	14.035	0.095	20.885	0.141	0.000	0.000	1.313	0.000	0.000	0.000	8.125	0.000
9.013	0.744	0.042	5.022	15.517	0.000	16.886	0.040	0.046	0.000	0.732	0.000	0.006	0.000	10.654	0.000
10.351	0.765	0.056	4.107	18.220	0.088	16.878	0.263	0.153	0.000	0.611	0.000	0.000	0.000	8.188	0.000
8.159	0.067	0.046	5.949	15.984	0.076	5.779	0.113	0.000	0.000	1.132	0.000	0.000	0.000	10.742	0.000
11.533	1.416	0.030	4.546	17.519	0.081	2.430	0.120	0.047	0.000	0.712	0.000	0.000	0.000	9.749	0.000
9.892	0.647	0.042	6.284	15.166	0.197	5.708	0.352	0.000	0.000	3.513	0.000	0.000	0.000	9.351	0.000
9.271	0.969	0.073	5.392	20.868	0.043	0.437	0.086	0.000	0.000	1.087	0.000	0.007	0.000	10.256	0.000
9.310	0.435	0.862	5.278	30.006	0.000	8.550	0.087	0.152	0.000	0.941	0.000	0.000	0.000	9.132	0.000
8.973	0.698	0.525	5.112	25.190	0.076	5.329	0.151	0.000	0.000	0.993	0.000	0.000	0.000	7.116	0.000
4.381	0.054	0.013	6.391	9.329	0.036	9.209	0.036	0.000	0.000	1.126	0.000	0.000	0.000	7.693	0.000
7.432	1.021	1.180	4.750	32.658	0.036	113.731	0.036	0.042	0.000	0.828	0.000	0.000	0.000	8.584	0.000
5.267	0.467	0.023	5.460	14.949	0.000	9.613	0.039	0.000	0.000	0.896	0.000	0.000	0.000	8.122	0.000
8.585	0.662	0.128	3.941	30.591	0.000	1.895	0.000	0.000	0.000	1.190	0.000	0.000	0.000	11.002	0.000
8.657	0.434	0.039	4.603	12.553	0.035	0.430	0.174	0.000	0.000	0.624	0.000	0.000	0.000	10.607	0.000
8.159	0.467	0.046	5.949	15.984	0.076	5.779	0.113	0.000	0.000	1.132	0.000	0.000	0.000	9.249	0.000
8.266	0.571	0.071	3.772	16.151	0.000	0.742	0.167	0.194	0.000	1.547	0.000	0.000	0.000	11.420	0.000
5.771	0.459	0.020	5.447	10.036	0.042	8.266	0.124	0.000	0.000	1.145	0.000	0.000	0.000	11.848	0.000
11.916	0.359	0.454	4.450	30.770	0.000	5.343	0.000	0.000	0.286	1.280	0.000	0.000	0.000	12.450	0.000
7.012	0.165	0.072	6.535	15.506	0.000	1.144	0.039	0.045	0.000	1.224	0.000	0.000	0.000	8.886	0.000
7.598	1.760	0.343	4.910	14.276	0.146	1.794	0.036	0.042	0.000	1.428	0.000	0.000	0.000	4.842	0.000
8.616	0.486	1.862	4.445	33.074	0.046	25.692	0.046	0.000	0.000	1.385	0.032	0.000	0.000	11.521	0.000
8.024	0.235	0.499	3.073	39.172	0.000	3.702	0.000	0.000	0.000	1.007	0.000	0.000	0.000	9.809	0.000
9.770	0.720	3.368	4.177	15.937	0.070	14.749	0.035	0.040	0.253	0.119	1.035	0.024	0.000	8.730	0.000
8.362	0.375	0.217	8.950	14.079	0.112	0.854	0.074	0.000	0.000	1.199	0.000	0.000	0.000	7.975	0.000
9.082	0.597	0.315	5.093	25.195	0.208	12.366	0.083	0.000	0.000	1.111	0.000	0.000	0.000	11.634	0.000
10.431	0.245	0.046	4.270	25.568	0.076	4.270	0.076	0.000	0.000	0.784	0.000	0.000	0.000	9.742	0.000
6.714	0.456	0.241	3.370	31.904	0.000	11.743	0.000	0.000	0.000	0.309	0.000	0.000	0.000	7.450	0.000
6.560	0.628	0.026	2.272	23.698	0.049	8.491	0.000	0.000	0.000	0.510	0.000	0.000	0.000	10.643	0.000
9.152	1.011	0.034	4.489	19.299	0.130	0.338	0.000	0.000	0.000	1.018	0.000	0.000	0.000	6.821	0.000
6.347	0.350	0.030	3.201	15.874	0.000	1.339	0.000	0.059	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	10.849	0.000
5.079	0.345	0.030	4.097	23.139	0.037	16.868	0.037	0.000	0.000	0.984	0.000	0.000	0.000	9.265	0.000
4.379	0.054	0.013	6.391	9.329	0.036	9.209	0.036	0.000	0.000	1.126	0.000	0.000	0.000	7.693	0.000
4.707	0.248	0.020													

ENGG0000121263	ENGG0000117697	ENGG000017225	ENGG0000121138	ENGG0000278628	ENGG0000073898	ENGG0000248722	ENGG0000233369	ENGG0000103353	ENGG0000189275	ENGG0000169852	ENGG0000232122	ENGG0000199473	ENGG0000212446	ENGG0000236039	ENGG0000160888
0.000	14.731	0.112	0.000	0.140	0.125	0.000	6.145	10.915	0.073	1.135	0.142	0.000	0.000	0.000	14.510
0.000	9.279	0.071	0.000	0.953	0.121	0.000	2.612	6.055	0.037	0.848	0.096	0.000	0.000	0.000	34.297
0.223	16.152	0.032	0.000	2.619	0.135	0.000	4.271	11.281	0.006	0.260	0.077	0.000	0.000	0.000	53.440
0.000	15.134	0.036	0.000	0.343	0.382	0.000	6.632	8.860	0.019	0.358	0.061	0.000	0.000	0.000	106.235
0.065	7.722	0.000	0.000	1.374	0.000	0.000	4.761	6.722	0.001	0.728	0.001	0.000	0.000	0.000	10.272
0.000	12.419	0.068	0.000	0.980	0.282	0.000	10.905	12.277	0.000	0.728	0.458	0.000	0.000	0.000	17.158
0.750	9.990	0.272	0.000	1.647	0.121	0.000	3.230	11.116	0.000	2.978	0.224	0.000	0.000	0.000	26.040
0.000	15.270	0.044	0.000	0.377	0.016	0.000	5.127	6.181	0.243	5.196	0.018	0.000	0.000	0.043	12.467
0.000	21.855	0.029	0.000	0.540	0.037	0.000	5.961	8.372	0.053	1.181	0.032	0.000	0.000	0.000	27.985
0.000	17.425	0.253	0.000	1.027	0.000	0.000	2.133	4.413	0.000	0.945	0.153	0.000	0.698	0.000	20.334
1.093	7.719	0.135	0.000	3.117	0.013	0.000	4.441	3.975	0.000	0.883	0.090	0.000	0.000	0.000	8.176
0.000	12.073	0.027	0.000	0.768	0.137	0.000	6.461	10.686	0.483	0.787	0.117	0.000	0.000	0.000	27.529
0.000	14.864	0.050	0.000	0.523	0.127	0.000	7.754	8.803	0.000	0.780	0.080	0.000	0.000	0.000	14.637
0.218	10.647	0.041	0.159	0.519	0.106	0.000	10.371	9.415	0.049	0.696	0.233	0.000	0.000	0.000	26.267
0.000	16.021	0.115	0.000	0.859	0.177	0.000	6.023	6.049	0.169	1.945	0.034	0.000	0.000	0.000	14.791
0.219	8.602	0.067	0.000	1.336	0.040	0.000	3.103	6.136	0.000	1.138	0.106	0.000	0.000	0.000	53.454
0.000	14.823	0.018	0.000	2.531	0.395	0.000	10.408	10.621	0.000	2.246	0.070	0.000	0.198	0.000	24.755
0.000	40.378	0.057	0.000	2.682	0.054	0.000	4.206	6.030	0.052	0.417	0.031	0.000	0.000	0.000	8.140
0.000	13.435	0.081	0.000	2.613	0.041	0.000	3.407	5.687	0.006	0.647	0.056	0.000	0.000	0.000	20.201
0.000	9.455	0.029	0.000	2.165	0.206	0.000	5.149	9.872	0.000	0.190	0.117	0.000	0.000	0.000	14.807
0.519	34.175	0.088	0.000	1.409	0.126	0.000	2.246	4.531	0.058	1.767	0.000	0.000	0.000	0.000	10.067
0.000	7.871	0.044	0.588	0.364	0.211	0.000	11.538	12.607	0.067	4.203	0.194	0.000	0.211	0.043	9.996
0.282	21.981	0.050	0.000	3.096	0.095	0.000	7.356	9.445	0.046	3.084	0.081	0.000	0.000	0.000	18.038
0.000	8.739	0.164	0.163	0.969	0.135	0.000	3.056	12.040	0.000	0.156	0.015	0.000	0.000	0.000	11.290
0.248	13.435	0.065	0.000	0.590	0.045	0.000	6.355	6.969	0.000	0.700	0.068	0.000	0.000	0.000	37.659
0.516	11.881	0.122	0.000	0.754	0.141	0.000	7.449	12.446	0.006	0.116	0.258	0.000	0.000	0.000	52.175
0.000	10.396	0.000	0.000	1.903	0.053	0.000	4.572	4.896	0.008	0.358	0.131	0.000	0.000	0.000	16.225
0.000	12.844	0.584	0.000	0.158	0.051	0.000	8.051	8.967	0.077	1.477	0.053	0.000	0.000	0.000	17.821
0.000	11.957	0.079	0.000	0.574	0.046	0.000	4.415	6.152	0.006	0.104	0.132	0.000	0.201	0.000	26.500
0.257	15.293	0.128	0.188	0.245	0.078	0.000	7.005	6.024	0.070	0.359	0.133	0.000	0.000	0.000	28.264
0.000	17.754	0.050	0.000	1.265	0.051	0.000	7.743	9.209	0.005	0.355	0.066	0.000	0.000	0.000	32.705
0.000	9.214	0.021	0.162	0.271	0.081	0.000	6.209	9.324	0.011	0.155	0.161	0.000	0.000	0.000	39.758
0.000	14.452	0.018	0.000	0.145	0.026	0.000	3.353	4.613	0.237	1.244	0.027	0.000	0.000	0.000	24.755
0.000	11.068	0.206	0.000	1.676	0.075	0.000	3.296	8.280	0.006	0.200	0.051	0.000	0.000	0.000	26.402
0.000	12.162	0.062	0.000	0.678	0.191	0.000	7.242	13.738	0.000	0.170	0.109	0.000	0.000	0.000	13.681
0.000	13.115	0.068	0.000	0.453	0.101	0.000	11.559	5.624	0.118	1.626	0.107	0.000	0.000	0.000	23.708
0.227	10.005	0.065	0.166	1.621	0.151	0.000	4.154	12.467	0.643	0.791	0.321	0.000	0.000	0.000	17.439
0.000	16.324	0.113	0.186	0.740	0.165	0.000	5.016	8.419	0.000	0.915	0.251	0.000	0.000	0.000	31.809
0.000	20.430	0.071	0.168	1.104	0.082	0.000	7.421	11.862	0.241	1.862	0.121	0.000	0.000	0.000	16.622
0.000	16.527	0.046	0.000	1.348	0.085	0.000	5.055	10.960	0.056	1.518	0.241	0.000	0.000	0.000	15.834
0.000	11.979	0.066	0.203	0.870	0.067	0.000	4.245	11.993	0.090	1.482	0.259	0.000	0.000	0.000	15.046
0.000	12.937	0.123	0.000	0.400	0.114	0.000	5.681	11.825	0.111	0.772	0.081	0.000	0.000	0.000	19.404
0.000	16.528	0.061	0.000	0.985	0.078	0.000	5.588	10.808	0.051	0.596	0.054	0.000	0.000	0.000	14.617
0.222	14.997	0.007	0.000	0.526	0.094	0.000	6.738	10.635	0.061	0.593	0.245	0.000	0.000	0.000	15.597
0.000	15.321	0.062	0.173	0.756	0.172	0.000	7.427	10.539	0.006	0.202	0.090	0.000	0.000	0.000	27.198
0.000	19.744	0.164	0.000	1.506	0.084	0.000	2.689	8.541	0.023	0.491	0.215	0.000	0.000	0.000	32.446
0.000	13.577	0.114	0.000	1.987	0.123	0.000	3.109	11.121	0.000	3.063	0.333	0.000	0.000	0.000	36.315
0.000	13.280	0.030	0.000	0.577	0.140	0.000	7.857	9.985	0.019	1.046	0.222	0.000	0.000	0.000	12.912
0.000	11.273	0.021	0.000	1.996	0.122	0.000	10.518	14.305	0.006	0.091	0.077	0.000	0.000	0.000	20.769
0.000	15.813	0.065	0.000	2.976	0.051	0.000	4.186	6.170	0.005	0.051	0.005	0.000	0.000	0.000	22.688
0.000	14.327	0.020	0.000	2.289	0.090	0.000	10.422	12.704	0.432	4.954	0.095	0.000	0.000	0.000	17.526
0.228	12.866	0.135	0.167	0.697	0.110	0.000	4.420	7.876	0.028	0.586	0.063	0.000	0.000	0.000	42.849
0.000	24.599	0.291	0.000	2.538	0.197	0.000	13.069	12.115	0.000	0.203	0.096	0.000	0.000	0.000	13.793
0.000	14.264	0.019	0.150	0.627	0.137	0.000	5.195	8.416	0.000	0.068	0.064	0.000	0.000	0.000	14.350
0.000	18.823	0.007	0.000	2.540	0.107	0.000	6.527	10.256	0.061	0.593	0.245	0.000	0.000	0.000	24.464
0.000	20.147	0.063	0.000	1.270	0.119	0.000	6.597	8.939	0.000	0.082	0.204	0.000	0.000	0.000	7.427
0.000	17.323	0.012	0.000	0.648	0.148	0.035	4.361	4.866	0.012	0.262	0.160	0.000	0.000	0.000	17.457
0.000	15.429	0.027	0.000	6.262	0.224	0.000	6.084	13.687	0.000	0.416	0.128	0.000	0.000	0.000	16.678
0.000	12.604	0.103	0.188	2.963	0.195	0.000	5.949	10.967	0.000	0.569	0.150	0.000	0.000	0.000	11.680
0.000	14.350	0.020	0.000	1.469	0.143	0.000	12.517	10.098	0.000	0.203	0.052	0.000	0.000	0.000	42.438
0.000	14.160	0.035	0.210	0.228	0.082	0.000	8.421	8.961	0.202	0.861	0.202	0.000	0.000	0.000	25.942
0.000	20.950	0.019	0.000	0.934	0.143	0.000	9.785	11.158	0.000	0.450	0.054	0.000	0.000	0.000	25.944
0.000	10.919	0.073	0.000	0.514	0.198	0.000	11.183	14.299	0.005	3.135	0.190	0.000	0.000	0.000	13.389
0.000	10.173	0.073	0.000	8.266	0.053	0.000	4.360	8.651	0.000	0.758	0.182	0.000	0.000	0.000	45.939
0.000	20.454	0.088	0.000	1.876	0.044	0.000	11.505	14.714	0.012	0.285	0.093	0.000	0.000	0.000	16.688
0.066	16.965	0.007	0.000	0.526	0.094	0.000	6.156	8.270	0.016	0.196	0.066	0.000	0.000	0.000	15.597
0.000	23.006	0.315	0.000	0.527	0.052	0.000	7.720	8.728	0.021	1.485	0.000	0.000	0.000	0.000	17.940
0.000	24.886	0.014	0.210	1.502	0.000	0.000	4.218	5.713	0.021	0.096	0.020	0.000	0.000	0.000	15.934
0.382	15.790	0.018	0.000	1.608	0.069	0.000	6.168	10.293	0.019	0.076	0.079	0.000	0.000	0.000	8.165
0.000	26.562	0.029	0.000	0.717	0.055	0.000	3.447	7.528	0.000	0.317	0.052	0.000	0.000	0.000	7.942
0.000	15.625	0.005	0.000	1.553	0.120	0.000	6.769	12.456	0.016	0.204	0.038	0.000	0.000	0.000	15.064
0.000	24.344	0.071	0.168	1.024	0.105	0.000	4.444	6.209	0.000	1.869	0.249	0.000	0.000	0.000	17.04

ENSG00000164625	ENSG00000228793	ENSG00000256899	ENSG00000227979	ENSG00000179902	ENSG00000233489	ENSG00000230585	ENSG00000101460	ENSG00000179919	ENSG00000217889	ENSG00000224470	ENSG00000224297	ENSG00000222567	ENSG00000275409	ENSG00000172809	ENSG00000106278
9475	0.125	0.000	0.000	6.192	0.000	0.033	23.808	0.000	0.112	0.000	0.000	0.850	59.908	142.235	
0.000	0.320	0.000	0.000	0.443	0.000	0.018	23.968	0.000	0.024	0.022	0.000	0.100	0.152	106.047	8.203
0.118	0.404	0.000	0.000	1.790	0.000	0.025	4.794	0.000	0.021	0.000	0.000	0.000	0.305	145.379	118.122
0.089	1.022	0.000	0.000	2.611	0.000	0.028	17.545	0.000	0.120	0.000	0.000	0.000	0.499	87.083	172.467
1.728	0.372	0.000	0.000	12.594	0.000	0.021	10.154	0.000	0.161	0.000	0.000	0.000	0.251	103.151	40.087
0.156	0.473	0.000	0.166	0.951	0.000	0.016	2.032	0.000	0.127	0.039	0.000	0.089	0.472	68.598	162.763
0.747	0.080	0.000	0.000	0.478	0.000	0.028	22.420	0.000	0.285	0.022	0.000	0.100	0.238	55.018	4.725
0.139	1.380	0.000	0.000	1.835	0.000	0.000	38.290	0.000	0.201	0.000	0.000	0.000	0.683	89.649	55.740
0.107	1.301	0.000	0.000	3.617	0.028	0.045	32.707	0.000	0.203	0.000	0.000	0.000	0.603	110.899	158.521
0.625	1.231	0.000	0.000	0.363	0.000	0.000	22.688	0.000	0.254	0.000	0.000	0.000	0.076	108.247	40.137
0.115	0.372	0.000	0.000	1.531	0.000	0.040	23.152	0.000	0.270	0.000	0.000	0.000	0.531	71.782	159.403
0.119	0.313	0.000	0.000	0.585	0.020	0.017	32.346	0.000	0.043	0.020	0.000	0.000	0.515	51.354	415.942
0.123	0.149	0.000	0.000	2.572	0.000	0.086	28.079	0.000	0.177	0.020	0.038	0.000	0.213	42.870	131.012
0.038	0.930	0.000	0.000	2.005	0.000	0.008	43.808	0.000	0.228	0.000	0.000	0.000	0.597	39.648	156.997
0.171	0.725	0.000	0.000	7.941	0.000	0.000	44.434	0.000	0.092	0.000	0.000	0.000	0.148	77.456	77.596
0.230	1.499	0.000	0.000	1.323	0.000	0.032	16.191	0.000	0.208	0.115	0.000	0.000	0.452	45.135	52.419
0.044	0.955	0.000	0.094	1.224	0.000	0.000	20.473	0.000	0.267	0.000	0.000	0.000	0.383	14.413	289.521
0.368	1.147	0.000	0.000	5.718	0.000	0.000	13.635	0.000	0.057	0.028	0.000	0.000	0.273	257.920	43.904
0.080	3.127	0.000	0.000	1.053	0.000	0.000	34.524	0.000	0.195	0.000	0.000	0.000	0.138	64.433	143.990
0.000	0.207	0.000	0.000	2.288	0.000	0.000	22.285	0.000	0.162	0.000	0.000	0.000	0.555	42.276	147.961
0.091	3.259	0.000	0.000	5.012	0.000	0.000	35.054	0.000	0.222	0.000	0.042	0.000	0.355	158.298	108.416
0.000	1.256	0.000	0.000	1.995	0.000	0.039	19.921	0.000	0.178	0.023	0.000	0.000	0.407	49.450	166.650
0.230	0.698	0.000	0.000	2.442	0.000	0.019	24.087	0.000	0.340	0.000	0.000	0.105	0.270	124.393	122.808
0.000	0.095	0.000	0.000	0.349	0.000	0.016	14.997	0.000	0.148	0.000	0.000	0.000	0.203	61.935	110.097
0.087	0.291	0.000	0.000	0.709	0.000	0.000	38.174	0.000	0.000	0.022	0.000	0.000	0.829	68.241	92.450
0.000	0.495	0.000	0.000	2.809	0.000	0.028	22.837	0.000	0.294	0.000	0.042	0.000	0.470	50.149	196.373
0.056	0.000	0.000	0.000	21.860	0.006	0.021	29.738	0.000	0.196	0.000	0.000	0.000	0.576	68.046	80.572
0.271	0.876	0.000	0.000	1.154	0.000	0.031	32.271	0.000	0.057	0.000	0.000	0.388	0.200	68.454	164.555
0.045	0.055	0.000	0.000	7.521	0.000	0.019	49.131	0.000	0.584	0.045	0.000	0.000	1.672	58.341	111.627
0.000	1.151	0.000	0.000	2.294	0.000	0.019	22.251	0.000	0.171	0.000	0.000	0.000	0.274	156.851	204.974
0.000	0.564	0.000	0.000	3.529	0.000	0.008	69.095	0.000	0.141	0.000	0.000	0.000	0.386	94.806	231.932
0.000	0.260	0.000	0.000	0.860	0.020	0.000	53.543	0.000	0.358	0.000	0.000	0.000	1.315	65.466	187.279
0.000	0.955	0.000	0.000	7.822	0.000	0.019	80.956	0.000	0.019	0.000	0.000	0.000	0.373	14.237	71.237
0.000	0.238	0.000	0.000	7.800	0.000	0.018	34.986	0.000	0.260	0.000	0.040	0.000	0.945	73.358	71.558
0.000	0.615	0.000	0.000	3.896	0.000	0.019	23.577	0.000	0.100	0.000	0.000	0.000	0.798	49.048	281.754
0.000	2.889	0.000	0.000	5.182	0.000	0.026	40.279	0.000	0.204	0.042	0.000	0.000	0.651	62.160	170.101
0.120	0.073	0.000	0.000	3.263	0.041	0.050	15.067	0.000	0.059	0.000	0.000	0.000	0.622	31.739	159.087
0.080	1.305	0.000	0.000	3.027	0.000	0.017	28.135	0.020	0.324	0.040	0.000	0.000	0.931	54.214	78.308
0.143	1.154	0.000	0.000	3.740	0.000	0.040	27.882	0.024	0.154	0.040	0.000	0.000	0.247	83.457	103.542
0.098	1.222	0.000	0.000	1.237	0.000	0.010	16.745	0.000	0.585	0.000	0.000	0.000	0.956	66.642	254.283
0.147	0.267	0.000	0.000	7.254	0.000	0.031	25.729	0.000	0.397	0.000	0.000	0.000	0.465	47.621	243.173
0.041	0.251	0.000	0.000	1.361	0.000	0.043	30.150	0.000	0.134	0.000	0.038	0.000	0.393	56.281	219.609
0.091	0.193	0.000	0.000	0.846	0.000	0.019	29.263	0.000	0.320	0.000	0.000	0.000	0.315	44.887	295.058
0.000	0.116	0.000	0.000	2.946	0.000	0.025	16.521	0.000	0.169	0.000	0.000	0.000	0.338	49.074	379.260
0.083	0.454	0.000	0.000	1.950	0.000	0.078	20.869	0.000	0.180	0.021	0.038	0.000	0.900	54.523	367.175
0.081	0.344	0.068	0.000	5.154	0.000	0.034	16.213	0.000	0.483	0.000	0.000	0.000	0.562	58.464	137.806
0.179	0.515	0.000	0.000	0.415	0.000	0.019	11.947	0.000	0.363	0.000	0.000	0.000	0.155	151.180	2.810
0.136	0.411	0.000	0.000	1.383	0.000	0.057	8.224	0.000	0.196	0.000	0.000	0.000	0.587	80.316	159.599
0.000	0.428	0.000	0.000	1.898	0.000	0.033	35.891	0.000	0.042	0.000	0.000	0.000	0.339	69.862	259.199
0.148	0.963	0.000	0.000	0.574	0.000	0.031	26.866	0.000	0.031	0.000	0.000	0.000	0.098	70.916	70.350
0.224	3.499	0.000	0.000	2.005	0.000	0.031	63.588	0.000	0.242	0.000	0.000	0.000	0.515	91.003	65.616
0.040	0.170	0.000	0.000	0.729	0.000	0.034	17.932	0.000	0.043	0.020	0.000	0.000	0.190	65.800	198.201
0.041	0.272	0.000	0.000	7.768	0.021	0.018	22.199	0.000	0.022	0.000	0.000	0.000	0.141	89.580	174.321
0.000	0.764	0.000	0.000	1.312	0.000	0.007	32.824	0.000	0.039	0.018	0.000	0.000	0.249	50.273	349.657
0.199	0.199	0.000	0.000	2.159	0.000	0.042	17.111	0.000	0.242	0.000	0.000	0.000	0.344	141.508	142.908
0.000	0.524	0.000	0.000	3.012	0.000	0.000	10.979	0.000	0.374	0.000	0.000	0.000	0.299	124.056	159.362
0.043	0.469	0.000	0.000	0.849	0.000	0.000	25.573	0.000	0.163	0.000	0.000	0.000	0.409	92.835	302.328
0.081	0.148	0.000	0.000	2.327	0.000	0.017	21.431	0.000	0.154	0.000	0.000	0.000	0.925	76.473	177.755
0.081	2.494	0.000	0.000	8.810	0.000	0.059	16.466	0.000	0.087	0.020	0.000	0.000	0.523	54.597	154.737
0.038	0.274	0.000	0.000	8.860	0.000	0.016	29.851	0.000	0.061	0.038	0.000	0.000	0.423	53.244	136.170
0.000	0.132	0.000	0.000	2.442	0.000	0.040	27.604	0.000	0.073	0.000	0.000	0.000	0.247	83.457	103.542
0.000	0.480	0.000	0.000	1.790	0.000	0.014	26.559	0.000	0.075	0.000	0.000	0.000	0.597	123.157	150.308
0.108	0.457	0.000	0.000	1.141	0.000	0.008	38.897	0.000	0.136	0.000	0.000	0.000	0.466	73.230	216.708
0.116	0.070	0.000	0.082	1.939	0.020	0.105	20.023	0.000	0.479	0.019	0.000	0.088	0.133	61.175	70.783
0.043	0.599	0.000	0.000	2.694	0.022	0.045	29.777	0.000	0.163	0.000	0.039	0.000	1.003	71.359	134.313
0.000	0.247	0.000	0.000	1.367	0.000	0.025	16.521	0.000	0.025	0.000	0.000	0.000	0.143	103.037	103.037
0.000	0.550	0.000	0.000	0.938	0.000	0.000	49.195	0.000	0.109	0.000	0.000	0.000	0.218	121.104	185.741
0.201	0.488	0.000	0.000	1.740	0.000	0.000	30.509	0.000	0.073	0.000	0.000	0.000	1.044	47.446	228.200
0.000	1.028	0.000	0.000	4.329	0.000	0.000	42.117	0.000	0.057	0.000	0.000	0.000	0.137	151.506	219.564
0.077	0.070	0.000	0.000	4.904	0.000	0.000	29.114	0.000	0.063	0.000	0.000	0.000	0.167	101.994	136.162
0.045	1.895	0.000	0.000	2.559	0.000	0.016	53.447	0.000	0.047	0.000	0.000	0.000	0.098	124.056	159.362
0.000	0.214	0.000	0.000												

ENGG000022217	ENGG000025303	ENGG000027826	ENGG000023304	ENGG0000212518	ENGG0000136052	ENGG0000200645	ENGG0000266107	ENGG0000227271	ENGG000025374	ENGG0000169223	ENGG0000199483	ENGG0000230628	ENGG0000260721	ENGG0000066136
0.908	0.155	0.000	0.000	0.000	3.950	0.000	0.330	0.000	0.044	0.000	41.624	0.000	0.021	4.472
0.000	0.496	0.000	0.000	0.000	2.582	0.000	0.000	0.000	0.000	97.784	0.000	0.000	0.035	6.776
0.516	0.206	0.000	0.000	0.000	1.665	0.000	0.000	0.007	0.000	50.906	0.000	0.054	0.000	9.211
1.557	0.466	0.000	0.000	0.000	2.867	0.000	0.000	0.038	0.000	46.995	0.000	0.000	0.000	8.490
0.217	0.111	0.000	0.000	0.000	2.772	0.000	0.000	0.000	0.000	71.173	0.000	0.000	0.000	6.367
0.265	0.265	0.000	0.000	0.000	1.600	0.000	0.249	0.000	0.050	0.000	47.940	0.000	0.054	12.593
0.000	0.528	0.000	0.000	0.000	3.221	0.000	0.000	0.000	0.038	0.137	64.937	0.000	0.000	10.594
0.408	0.314	0.000	0.000	0.000	2.609	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	43.977	0.000	0.000	7.414
0.236	0.121	0.000	0.000	0.000	1.864	0.000	0.000	0.046	0.000	52.091	0.000	0.000	0.000	7.420
0.000	0.117	0.000	0.000	0.000	2.190	0.000	0.000	0.000	0.000	76.465	0.000	0.000	0.000	6.920
0.337	0.289	0.000	0.000	0.000	4.234	0.000	0.245	0.000	0.000	64.862	0.000	0.000	0.000	7.765
2.267	0.448	0.000	0.000	0.000	2.446	0.000	0.000	0.000	0.034	0.062	62.479	0.000	0.000	7.175
0.720	0.185	0.000	0.000	0.000	2.486	0.000	0.000	0.000	0.018	0.000	52.555	0.000	0.000	6.996
1.514	0.173	0.000	0.000	0.000	2.407	0.000	0.000	0.049	0.060	43.923	0.000	0.000	0.000	7.770
0.000	0.257	0.000	0.000	0.000	2.047	0.000	0.000	0.000	0.000	72.224	0.000	0.000	0.000	6.411
0.337	1.210	0.000	0.000	0.000	2.837	0.000	0.000	0.000	0.000	49.528	0.000	0.000	0.000	6.223
0.388	0.133	0.000	0.000	0.000	1.915	0.000	0.000	0.000	0.000	67.255	0.000	0.000	0.000	6.387
0.231	0.278	0.000	0.000	0.000	0.673	0.000	0.000	0.000	0.023	0.000	67.748	0.000	0.000	7.360
0.528	0.210	0.000	0.000	0.000	0.798	0.000	0.000	0.017	0.000	83.626	0.000	0.000	0.000	9.247
0.188	0.096	0.000	0.000	0.000	2.246	0.000	0.000	0.018	0.067	52.866	0.000	0.000	0.034	13.146
0.000	0.205	0.000	0.000	0.000	1.663	0.000	0.291	0.000	0.039	0.000	63.071	0.000	0.000	7.173
0.388	0.133	0.000	0.000	0.000	1.915	0.000	0.000	0.065	0.000	46.254	0.000	0.000	0.000	6.387
0.202	0.069	0.000	0.000	0.000	1.586	0.000	0.000	0.020	0.000	56.280	0.000	0.000	0.185	8.932
0.000	1.205	0.000	0.000	0.000	2.156	0.000	0.000	0.000	0.017	104.874	0.000	0.000	0.000	8.105
0.000	0.262	0.000	0.000	0.000	2.020	0.000	0.000	0.000	0.068	68.849	0.000	0.000	0.000	7.333
1.790	0.136	0.000	0.000	0.000	4.066	0.000	0.289	0.000	0.136	0.000	59.927	0.000	0.063	5.227
0.000	0.162	0.000	0.000	0.000	2.390	0.000	0.000	0.022	0.000	59.881	0.000	0.000	0.000	6.831
0.000	0.203	0.000	0.000	0.000	1.199	0.000	0.000	0.000	0.000	61.383	0.000	0.000	0.036	6.823
0.395	0.101	0.000	0.000	0.000	1.878	0.000	0.000	0.000	0.000	58.140	0.000	0.000	0.000	7.562
1.587	0.102	0.000	0.000	0.000	1.667	0.000	0.000	0.058	0.000	40.590	0.000	0.000	0.000	6.468
0.490	0.056	0.000	0.000	0.000	1.775	0.000	0.000	0.032	0.000	99.290	0.000	0.000	0.000	9.677
1.197	0.088	0.000	0.000	0.000	2.161	0.000	0.000	0.055	0.000	93.022	0.000	0.000	0.000	6.805
0.000	0.136	0.000	0.000	0.000	1.915	0.000	0.000	0.000	0.000	46.254	0.000	0.000	0.000	6.387
0.192	0.131	0.000	0.000	0.000	2.609	0.000	0.000	0.000	0.075	74.187	0.000	0.000	0.000	7.014
2.025	0.624	0.000	0.000	0.000	5.048	0.000	0.000	0.000	0.079	66.512	0.000	0.000	0.111	8.178
0.367	0.722	0.000	0.000	0.000	4.507	0.000	0.000	0.036	0.000	44.364	0.000	0.000	0.000	6.201
4.556	0.090	0.000	0.073	0.000	1.898	0.000	0.255	0.000	0.240	41.253	0.000	0.000	0.000	11.057
1.575	0.419	0.000	0.000	0.000	1.896	0.000	0.000	0.000	0.017	59.275	0.000	0.000	0.000	14.444
0.418	0.607	0.000	0.000	0.000	2.249	0.000	0.303	0.000	0.234	51.119	0.000	0.000	0.000	6.910
2.588	0.148	0.000	0.000	0.000	2.300	0.000	0.000	0.000	0.042	45.932	0.000	0.000	0.000	7.261
2.146	0.441	0.000	0.022	0.000	9.191	0.000	0.312	0.000	0.021	47.379	0.000	0.000	0.020	8.897
0.726	0.248	0.000	0.000	0.000	3.961	0.000	0.000	0.000	0.089	63.371	0.000	0.000	0.050	4.669
3.194	0.378	0.000	0.000	0.000	1.909	0.000	0.000	0.000	0.020	56.185	0.000	0.000	0.073	6.938
1.713	0.440	0.000	0.000	0.000	2.712	0.000	0.468	0.000	0.061	46.445	0.000	0.000	0.000	7.453
16.430	0.625	0.000	0.000	0.000	1.520	0.000	0.000	0.036	0.065	52.949	0.000	0.000	0.000	8.723
0.000	0.305	0.000	0.000	0.000	2.291	0.000	0.000	0.000	0.063	48.233	0.000	0.000	0.000	8.974
0.196	0.168	0.000	0.000	0.000	1.514	0.000	0.855	0.000	0.058	0.000	37.883	0.000	0.000	10.341
1.389	0.373	0.000	0.000	0.000	1.008	0.000	0.000	0.058	0.000	46.129	0.000	0.000	0.000	11.374
0.344	0.206	0.000	0.000	0.000	2.571	0.000	0.000	0.000	0.000	69.345	0.000	0.000	0.315	11.366
0.000	0.566	0.000	0.000	0.000	2.566	0.000	0.000	0.000	0.000	78.897	0.000	0.000	0.000	6.441
0.817	0.308	0.000	0.000	0.000	2.804	0.000	0.237	0.000	0.032	46.410	0.000	0.000	0.015	7.414
0.176	0.331	0.000	0.000	0.000	2.368	0.000	0.000	0.052	0.000	102.353	0.000	0.000	0.016	7.258
0.716	0.367	0.000	0.000	0.000	3.100	0.000	0.000	0.000	0.000	64.064	0.000	0.000	0.000	9.280
1.265	0.216	0.000	0.000	0.000	2.215	0.000	0.000	0.000	0.000	56.394	0.000	0.000	0.014	6.106
0.000	0.260	0.000	0.000	0.000	1.926	0.000	0.000	0.000	0.000	120.789	0.000	0.000	0.000	6.216
1.517	0.130	0.000	0.000	0.000	1.926	0.000	0.000	0.000	0.539	19.957	0.000	0.000	0.000	8.836
1.131	0.194	0.000	0.000	0.000	2.166	0.000	0.000	0.018	0.000	69.461	0.000	0.000	0.000	5.828
0.891	0.457	0.000	0.000	0.000	1.538	0.000	0.000	0.000	0.000	72.676	0.000	0.000	0.000	12.171
0.708	0.273	0.000	0.000	0.000	4.528	0.000	0.000	0.052	0.000	47.813	0.000	0.000	0.000	8.119
0.660	0.113	0.000	0.052	0.000	4.214	0.000	0.000	0.000	0.000	73.775	0.000	0.000	0.000	8.402
0.418	0.607	0.000	0.000	0.000	2.249	0.000	0.303	0.000	0.234	46.445	0.000	0.000	0.000	12.635
0.606	0.207	0.000	0.000	0.000	1.589	0.000	0.000	0.000	0.000	66.777	0.000	0.000	0.028	7.696
1.419	0.081	0.000	0.000	0.000	2.171	0.000	0.458	0.000	0.046	47.578	0.000	0.000	0.000	7.062
0.845	0.434	0.000	0.000	0.000	2.275	0.000	0.000	0.000	0.000	81.042	0.000	0.000	0.000	9.245
0.377	0.097	0.000	0.000	0.000	3.807	0.000	0.000	0.000	0.000	56.625	0.000	0.000	0.000	11.621
0.000	0.465	0.000	0.000	0.000	0.076	0.000	0.000	0.000	0.000	70.507	0.000	0.000	0.000	7.771
0.000	0.114	0.000	0.035	0.000	1.848	0.000	0.000	0.000	0.000	74.766	0.000	0.000	0.000	6.386
0.000	0.038	0.000	0.000	0.000	1.349	0.000	0.000	0.000	0.000	126.869	0.000	0.000	0.040	6.027
1.766	0.252	0.000	0.000	0.249	2.067	0.000	0.000	0.000	0.000	84.915	0.000	0.000	0.000	11.613
0.465	0.080	0.000	0.000	0.000	2.853	0.000	0.000	0.000	0.063	104.170	0.000	0.000	0.021	9.023
0.169	0.116	0.000	0.018	0.000	2.241	0.000	0.000	0.000	0.000	87.002	0.000	0.000	0.000	7.678
0.000	0.203	0.000	0.000	0.000	1.199	0.000	0.000	0.000	0.000	61.383	0.000	0.000	0.000	6.823
0.310	0.319	0.000	0.016	0.000	3.882	0.000	0.000	0.000	0.015	0.000	51.720	0.000	0.000	5.209
0.000	0.209	0.000	0.000	0.000	2.835	0.000	0.000	0.000	0.000	77.816	0.000	0.000	0.028	8.149
0.233	0.200	0.000	0.000	0.000	3.031	0.000	0.000	0.000	0.063	66.444	0.000	0.000	0.000	5.356
2.249	0.096	0.000	0.000	0.000	2.315	0.000	0.000	0.028	0.000	52.553	0.000	0.000	0.000	7.343
0.015	0.205	0.000	0.000	0.000	1.926	0.000	0.000	0.000	0.000	71.004	0.000	0.000	0.000	10.033
0.000	0.000	0.000	0.											

ENSG000026917	ENSG0000241102	ENSG0000227161	ENSG0000227140	ENSG0000114405	ENSG000016894	ENSG0000192367	ENSG0000164111	ENSG0000225484	ENSG0000227518	ENSG0000171302	ENSG0000245112	ENSG0000272124	ENSG0000166013	ENSG0000240889
0.000	0.000	2.003	0.000	0.535	0.185	0.050	0.904	114.921	0.600	0.000	15.676	0.210	0.238	0.000
0.000	0.059	3.906	0.000	0.000	0.102	0.000	1.071	273.217	0.595	0.000	24.835	0.045	0.135	0.000
0.000	0.000	4.958	0.000	0.000	0.084	0.013	1.854	97.595	0.435	0.000	39.235	0.079	0.120	0.000
0.000	0.000	3.984	0.437	0.000	0.325	0.000	2.340	123.987	0.210	0.015	22.682	0.045	0.544	0.000
0.000	0.450	2.165	0.000	0.000	0.160	0.000	1.165	269.212	0.165	0.000	30.165	0.050	0.365	0.000
0.000	0.872	0.577	0.034	0.244	0.006	0.006	2.184	59.278	0.453	0.019	17.980	0.118	0.538	0.000
0.000	0.000	3.854	0.650	0.000	0.102	0.000	1.554	303.654	0.518	0.000	19.833	0.000	0.067	0.000
0.000	0.000	2.237	0.229	0.000	1.428	0.015	0.796	153.322	0.492	0.000	24.915	0.094	0.000	0.000
0.000	0.000	1.516	0.265	0.000	0.853	0.004	1.155	188.117	0.398	0.000	37.355	0.000	0.165	0.000
0.000	0.000	2.309	0.000	0.000	0.363	0.025	1.092	211.751	0.522	0.000	32.859	0.079	0.239	0.000
0.000	0.000	1.804	0.000	0.000	1.810	0.009	0.895	173.645	0.477	0.013	30.838	0.019	0.471	0.000
0.000	0.000	2.220	0.196	0.000	0.248	0.006	1.379	246.138	0.452	0.000	17.634	0.161	0.183	0.000
0.000	0.000	5.900	0.202	0.035	1.501	0.000	2.209	292.325	0.342	0.000	15.611	0.145	0.314	0.000
0.000	0.051	2.711	0.189	0.000	0.602	0.000	2.411	245.544	0.275	0.025	15.808	0.155	0.470	0.000
0.000	0.000	3.376	0.000	0.147	0.580	0.000	1.098	184.944	0.260	0.000	22.220	0.086	0.000	0.000
0.000	0.000	3.032	0.379	0.000	0.233	0.003	1.501	139.795	0.518	0.006	13.159	0.086	0.118	0.000
0.000	0.000	3.469	0.000	0.000	0.379	0.060	1.323	189.662	0.393	0.007	28.809	0.134	0.339	0.000
0.000	0.000	2.038	0.259	0.000	0.225	0.003	0.989	168.976	0.744	0.034	43.688	0.000	0.242	0.000
0.000	0.000	4.060	0.000	0.000	0.314	0.000	1.320	386.140	0.378	0.000	17.568	0.061	0.306	0.000
0.000	0.000	3.565	0.000	0.000	0.527	0.000	1.122	250.069	0.331	0.000	18.212	0.087	0.393	0.000
0.000	0.000	1.491	0.000	0.000	0.976	0.004	1.155	199.159	0.390	0.015	75.843	0.092	0.349	0.000
0.000	0.000	4.235	0.929	0.284	0.505	0.023	1.709	53.703	0.817	0.031	15.244	0.215	0.505	0.000
0.000	0.000	4.390	0.227	0.000	0.411	0.140	1.369	127.712	0.485	0.000	33.575	0.070	0.212	0.000
0.000	0.000	3.508	0.000	0.000	0.105	0.003	0.719	285.151	0.357	0.006	24.012	0.040	0.000	0.000
0.000	0.000	2.575	0.845	0.000	0.257	0.004	1.513	215.154	0.589	0.007	21.065	0.022	0.334	0.000
0.000	0.000	1.580	0.224	0.000	0.332	0.004	1.369	96.039	0.447	0.015	19.088	0.046	0.069	0.000
0.000	0.000	1.823	0.247	0.000	0.177	0.008	1.053	192.724	0.399	0.006	21.868	0.026	0.393	0.000
0.000	0.000	1.054	0.000	0.000	0.371	0.008	0.977	173.212	0.524	0.012	20.409	0.137	0.048	0.046
0.000	0.000	1.930	0.222	1.279	1.469	0.000	1.738	391.197	0.415	0.015	24.093	0.046	0.896	0.000
0.000	0.000	1.399	0.446	0.078	0.646	0.000	2.079	288.109	0.353	0.015	28.641	0.092	0.000	0.000
0.000	0.000	0.744	0.183	0.032	0.046	0.000	0.801	219.092	0.473	0.006	40.890	0.094	0.057	0.000
0.000	0.000	2.215	0.384	0.000	0.230	0.000	0.861	192.459	0.244	0.019	16.760	0.079	0.836	0.033
0.000	0.000	0.945	0.224	0.078	0.449	0.000	1.323	159.662	0.451	0.006	18.946	0.046	0.139	0.000
0.000	0.000	1.159	0.216	0.000	0.390	0.000	1.153	147.766	0.408	0.021	32.400	0.000	0.402	0.000
0.000	0.000	1.730	0.000	0.000	0.511	0.000	1.227	218.338	0.359	0.030	24.143	0.047	0.283	0.000
0.000	0.000	2.627	0.206	0.000	0.684	0.003	1.159	198.571	0.431	0.007	23.416	0.000	0.192	0.000
0.000	0.000	5.949	0.197	0.344	2.203	0.003	1.233	190.192	0.294	0.013	10.759	0.202	0.735	0.011
0.000	0.000	5.970	0.590	0.034	0.413	0.000	1.721	129.436	0.516	0.013	20.705	0.081	0.428	0.000
0.000	0.000	6.307	0.397	0.041	0.357	0.149	1.507	157.652	0.387	0.016	25.802	0.217	0.365	0.000
0.000	0.000	4.487	0.485	0.000	0.448	0.004	1.972	355.556	0.354	0.016	21.984	0.124	0.603	0.000
0.000	0.000	1.232	0.482	0.000	0.952	0.000	0.573	211.954	0.411	0.000	24.067	0.074	0.300	0.000
0.000	0.000	3.506	0.408	0.000	0.096	0.010	0.536	327.061	0.390	0.020	20.218	0.105	0.317	0.000
0.000	0.000	3.819	0.224	0.000	0.219	0.004	1.456	294.136	0.420	0.015	27.290	0.092	0.349	0.000
0.000	0.000	5.154	0.365	0.000	0.335	0.000	1.430	289.294	0.561	0.026	11.844	0.079	0.568	0.000
0.000	0.000	2.302	0.205	0.036	0.275	0.003	2.105	288.249	0.379	0.007	19.550	0.021	1.467	0.000
0.000	0.000	4.207	0.200	0.000	0.681	0.007	1.280	210.579	0.335	0.013	19.687	0.062	0.560	0.000
0.000	0.000	15.652	0.681	0.000	0.965	0.000	0.811	68.031	0.459	0.029	25.773	0.000	0.822	0.000
0.000	0.000	5.347	0.223	0.234	0.291	0.087	1.361	122.946	0.701	0.000	17.953	0.137	0.485	0.000
0.000	0.000	1.875	0.193	0.000	0.338	0.000	1.863	200.272	0.355	0.006	23.429	0.000	0.000	0.000
0.000	0.000	1.863	0.000	0.000	0.345	0.000	0.863	233.524	0.524	0.012	20.409	0.094	0.114	0.000
0.000	0.000	0.963	0.184	0.000	0.758	0.063	0.982	102.656	0.578	0.030	47.523	0.132	0.057	0.000
0.000	0.000	2.154	0.197	0.069	0.365	0.000	0.961	157.791	0.467	0.000	25.638	0.142	0.000	0.000
0.000	0.000	4.916	0.402	0.000	0.408	0.026	1.240	187.687	0.324	0.007	36.447	0.124	0.437	0.000
0.000	0.000	1.702	0.888	0.000	0.360	0.000	2.233	451.250	0.377	0.006	23.587	0.073	0.221	0.000
0.000	0.000	5.154	0.365	0.000	0.335	0.000	1.430	289.294	0.561	0.026	11.844	0.079	0.568	0.000
0.000	0.000	1.879	0.000	0.745	0.339	0.028	1.558	123.266	0.482	0.028	31.841	0.000	0.265	0.000
0.000	0.000	2.974	0.212	0.000	0.591	0.003	1.322	293.756	0.384	0.014	27.911	0.087	0.329	0.000
0.000	0.000	2.765	0.200	0.000	0.261	0.013	1.423	428.883	0.382	0.007	18.975	0.144	0.311	0.000
0.000	0.000	2.768	0.000	0.000	0.223	0.000	1.395	211.796	0.705	0.000	18.615	0.020	0.000	0.000
0.000	0.000	2.884	0.000	0.000	0.578	0.000	1.035	78.189	0.520	0.000	28.637	0.038	0.173	0.000
0.000	0.000	6.307	0.397	0.041	0.357	0.149	1.507	157.652	0.387	0.016	25.802	0.217	0.365	0.000
0.000	0.000	1.942	0.340	0.000	0.148	0.006	1.454	208.182	0.394	0.011	35.517	0.024	0.423	0.000
0.000	0.000	6.573	0.177	0.031	0.629	0.095	1.498	104.940	0.633	0.024	17.712	0.164	0.716	0.000
0.000	0.000	2.506	0.190	0.033	0.083	0.000	1.185	184.309	0.448	0.025	15.767	0.039	0.177	0.000
0.000	0.000	0.946	0.000	0.000	2.315	0.017	1.452	263.107	0.283	0.000	33.245	0.065	0.000	0.000
0.000	0.000	1.871	0.000	0.000	0.561	0.000	0.711	107.683	0.369	0.010	27.741	0.000	0.305	0.000
0.000	0.000	2.606	0.000	0.000	0.081	0.000	1.833	435.012	0.446	0.012	23.142	0.153	0.348	0.000
0.000	0.000	1.071	0.000	0.000	0.315	0.000	1.592	664.767	0.353	0.000	35.430	0.077	0.077	0.000
0.000	0.000	2.851	0.000	0.000	0.227	0.011	1.852	164.338	0.267	0.022	17.177	0.000	0.411	0.000
0.000	0.000	1.181	0.000	0.000	0.189	0.004	0.704	255.020	0.292	0.000	41.096	0.000	0.000	0.000
0.000	0.000	2.132	0.000	0.000	0.165	0.003	1.231	394.887	0.290	0.006	25.122	0.059	0.000	0.000
0.000	0.000	1.776	0.468	0.385	0.000	0.000	1.844	219.597	0.468	0.000	59.844	0.000	0.239	0.000
0.000	0.000	2.747	0.174	0.000	0.297	0.017	0.658	317.879	0.401	0.000	23.384	0.054	0.163	0.000
0.000	0.000	1.597	0.000	0.060	0.174	0.000	1.524	414.592	0.484	0.011	33.856	0.035	0.214	0.000
0.000	0.000	2.695	0.000	0.000	0.104	0.000	1.894	184.100	0.078	0.000	14.772	0.108	0.000	0.000
0.000	0.000	4.986	0.316	0.055	2.860	0.000	1.755	399.327	0.239	0.000	27.773	0.000	0.295	0.000
0.000	0.000	2.025	0.114	0.000	0.339									



ENSG0000021611	ENSG0000016487	ENSG0000027202	ENSG0000023161	ENSG0000012283	ENSG0000026304	ENSG0000010172	ENSG0000012451	ENSG0000022873	ENSG0000026493	ENSG0000024856	ENSG0000027899	ENSG0000010624	ENSG0000017660	ENSG0000025479
0.009	6.462	0.158	0.000	2.308	0.063	0.000	0.000	0.000	0.867	3.524	0.022	107.329	2.127	0.016
0.015	6.689	0.188	0.000	1.327	0.162	0.197	0.000	0.000	0.010	0.041	5.840	0.000	114.176	2.352
0.000	1.779	0.048	0.000	2.164	0.048	0.000	0.000	0.039	0.015	0.160	9.947	0.008	11.159	9.588
0.008	2.861	0.297	0.000	3.332	0.054	0.000	0.000	0.000	0.003	0.735	5.333	0.009	116.615	3.895
0.009	8.160	0.023	0.000	1.070	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	276.248	0.030
0.027	5.208	0.546	0.000	5.458	0.048	0.000	0.000	0.026	0.027	0.203	7.453	0.083	2.880	6.888
0.015	9.763	0.054	0.000	2.264	0.000	0.000	0.000	0.000	0.007	0.025	7.125	0.019	192.246	4.743
0.073	2.778	0.028	0.000	1.588	0.000	0.000	0.000	0.000	0.014	1.834	5.689	0.010	40.915	0.230
0.009	3.820	0.033	0.000	1.860	0.000	0.240	0.000	0.000	0.012	0.560	8.653	0.011	57.417	3.841
0.027	8.718	0.000	0.000	1.637	0.000	0.000	0.000	0.052	0.038	0.145	5.645	0.033	43.687	0.869
0.020	14.768	0.023	0.000	2.124	0.047	0.000	0.000	0.013	0.009	0.172	8.062	0.016	47.534	0.763
0.042	14.190	0.169	0.000	3.718	0.000	0.355	0.000	0.013	0.015	0.052	4.204	0.025	75.966	4.065
0.000	3.650	0.050	0.000	1.617	0.000	0.000	0.000	0.000	0.006	1.565	4.260	0.026	131.718	2.382
0.007	7.437	0.164	0.000	1.823	0.000	0.000	0.000	0.000	0.041	0.221	3.058	0.057	149.790	2.056
0.080	4.297	0.000	0.000	2.055	0.000	0.000	0.000	0.000	0.013	1.018	4.542	0.000	77.883	3.433
0.000	3.635	0.047	0.000	2.866	0.000	0.000	0.000	0.013	0.003	0.238	2.241	0.025	126.289	0.166
0.000	2.700	0.055	0.000	3.369	0.054	0.000	0.000	0.000	0.000	0.049	15.818	0.000	53.329	5.862
0.009	1.495	0.032	0.000	1.084	0.000	0.000	0.000	0.017	0.008	0.890	21.772	0.000	9.216	4.921
0.014	13.324	0.049	0.000	1.218	0.098	0.000	0.000	0.000	0.012	0.328	3.570	0.017	38.143	1.699
0.000	7.053	0.078	0.000	2.346	0.052	0.191	0.000	0.014	0.006	0.501	4.307	0.027	84.441	2.490
0.024	2.755	0.000	0.000	0.859	0.112	0.000	0.000	0.000	0.010	2.180	19.830	0.000	16.003	7.154
0.008	2.214	0.402	0.000	4.120	0.000	0.000	0.000	0.016	0.025	0.875	5.810	0.030	14.086	3.283
0.144	2.405	0.028	0.000	2.243	0.113	0.206	0.000	0.000	0.000	0.100	0.660	0.049	18.361	8.832
0.075	15.206	0.048	0.000	2.030	0.000	0.000	0.000	0.013	0.003	0.073	3.537	0.000	189.920	4.326
0.000	5.560	0.053	0.000	1.664	0.000	0.000	0.000	0.014	0.003	0.106	3.946	0.028	129.246	1.650
0.000	12.702	0.138	0.000	2.734	0.000	0.203	0.000	0.000	0.010	0.633	5.355	0.019	192.817	6.115
0.009	6.799	0.031	0.000	2.004	0.189	0.000	0.000	0.000	0.000	0.302	5.157	0.000	105.578	1.790
0.036	8.041	0.000	0.000	2.110	0.111	0.449	0.000	0.000	0.027	2.847	17.281	0.039	89.625	7.043
0.000	16.253	0.082	0.000	2.132	0.055	0.402	0.000	0.000	0.010	1.038	6.178	0.077	123.833	1.786
0.000	6.965	0.083	0.000	2.875	0.111	0.202	0.000	0.000	0.017	0.236	6.897	0.029	48.719	3.899
0.045	4.474	0.091	0.000	1.621	0.046	0.166	0.000	0.012	0.003	0.679	9.001	0.016	130.060	4.736
0.000	10.091	0.190	0.000	2.745	0.048	0.174	0.000	0.013	0.009	0.044	4.110	0.067	178.801	1.741
0.000	2.700	0.081	0.000	1.250	0.000	0.203	0.000	0.000	0.000	0.751	7.114	0.000	163.400	0.028
0.053	19.916	0.000	0.000	1.621	0.054	0.000	0.000	0.000	0.020	0.252	4.832	0.019	287.614	1.459
0.016	11.627	0.112	0.000	3.343	0.000	0.000	0.000	0.000	0.007	0.086	4.057	0.039	298.895	2.938
0.095	13.161	0.127	0.000	2.304	0.051	0.374	0.000	0.014	0.013	1.969	5.419	0.018	89.337	0.536
0.049	8.801	0.268	0.000	2.279	0.049	0.000	0.000	0.013	0.057	3.591	4.822	0.043	34.189	1.395
0.021	3.288	0.243	0.000	2.567	0.049	0.000	0.000	0.013	0.015	0.802	4.116	0.017	129.048	4.154
0.033	6.106	0.116	0.000	2.161	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	2.960	9.530	0.010	57.221	6.110
0.017	6.894	0.389	0.000	4.075	0.000	0.439	0.000	0.000	0.015	0.366	8.770	0.053	157.489	7.938
0.051	10.941	0.089	0.000	2.767	0.060	0.219	0.000	0.033	0.022	0.219	7.945	0.052	89.862	1.217
0.036	25.188	0.756	0.000	3.465	0.000	0.185	0.000	0.014	0.013	0.100	8.654	0.053	85.031	1.731
0.063	4.920	0.139	0.000	2.362	0.000	0.203	0.000	0.000	0.007	0.059	8.187	0.029	62.853	3.255
0.046	20.309	0.214	0.000	3.736	0.046	0.175	0.000	0.000	0.003	0.749	5.996	0.017	200.263	2.369
0.020	8.290	0.081	0.000	4.088	0.204	0.000	0.000	0.000	0.013	0.063	6.817	0.027	57.770	1.993
0.021	9.874	0.000	0.000	4.088	0.000	0.000	0.000	0.013	0.061	2.085	5.210	0.026	125.587	4.603
0.047	2.033	0.681	0.000	2.399	0.000	0.000	0.000	0.015	0.000	0.641	6.288	0.048	35.536	10.206
0.016	4.410	0.303	0.000	3.191	0.055	0.809	0.000	0.000	0.021	1.238	7.078	0.029	47.254	2.509
0.014	5.154	0.263	0.000	2.236	0.096	0.000	0.000	0.000	0.000	0.044	7.146	0.000	207.497	4.030
0.033	6.945	0.000	0.000	1.720	0.045	0.000	0.000	0.000	0.000	0.083	5.108	0.010	31.255	0.023
0.110	2.916	0.068	0.000	1.766	0.000	0.000	0.000	0.000	0.011	0.964	14.213	0.048	23.374	3.631
0.042	4.792	0.049	0.000	1.195	0.000	0.000	0.000	0.013	0.003	0.313	6.782	0.034	36.757	1.827
0.000	3.526	0.124	0.000	2.301	0.050	0.000	0.000	0.014	0.006	0.471	8.832	0.017	68.940	9.305
0.000	9.430	0.066	0.000	2.098	0.044	0.000	0.000	0.000	0.005	0.094	5.603	0.008	61.143	2.194
0.000	11.162	0.105	0.000	1.538	0.046	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.628	0.016	17.351	2.618
0.000	1.412	0.105	0.000	1.842	0.212	0.000	0.000	0.000	0.013	3.250	8.168	0.000	21.758	4.487
0.007	19.220	0.183	0.000	2.380	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.256	8.620	0.018	280.677	1.965
0.000	3.219	0.099	0.000	1.714	0.000	0.000	0.000	0.013	0.000	0.242	6.121	0.009	65.447	7.666
0.021	5.107	0.172	0.000	3.116	0.049	0.000	0.000	0.013	0.009	4.348	4.513	0.034	55.384	5.472
0.013	2.994	0.115	0.000	2.557	0.000	0.000	0.000	0.000	0.037	2.389	9.708	0.000	80.690	5.811
0.000	6.866	0.000	0.000	4.293	0.238	0.000	0.000	0.000	0.007	2.860	6.530	0.010	57.221	6.088
0.012	2.788	0.000	0.000	2.150	0.000	0.617	0.000	0.046	0.010	0.090	7.768	0.015	56.587	9.618
0.000	5.906	0.219	0.000	2.990	0.000	0.161	0.000	0.012	0.027	0.261	8.962	0.038	84.350	4.713
0.013	11.267	0.211	0.000	2.628	0.047	0.000	0.000	0.000	0.309	0.251	3.887	0.033	110.333	4.536
0.022	3.613	0.131	0.000	2.759	0.000	0.000	0.023	0.000	0.003	8.689	6.810	0.028	113.760	5.480
0.016	20.309	0.000	0.000	1.538	0.046	0.175	0.000	0.000	0.003	0.749	5.996	0.017	16.775	4.143
0.000	3.560	0.000	0.000	1.720	0.000	0.000	0.000	0.025	0.000	0.239	9.779	0.032	48.738	10.429
0.009	3.907	0.092	0.000	0.613	0.124	0.000	0.000	0.000	0.004	0.056	14.012	0.011	31.277	4.731
0.152	3.790	0.041	0.000	1.604	0.000	0.000	0.000	0.000	0.005	0.150	4.847	0.000	214.282	0.710
0.000	3.103	0.000	0.000	1.064	0.130	0.000	0.000	0.018	0.008	0.779	8.973	0.011	45.032	7.564
0.000	7.321	0.047	0.000	1.895	0.000	0.000	0.000	0.013	0.000	0.065	5.606	0.008	116.741	4.713
0.000	20.327	0.000	0.000	1.842	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.083	5.108	0.010	61.748	10.040
0.031	18.479	0.043	0.000	1.634	0.043	0.000	0.000	0.000	0.005	0.356	3.688	0.023	77.403	1.121
0.012	10.067	0.127	0.000	1.404	0.256	0.000	0.000	0.000	0.005	0.130	6.613	0.000	106.679	2.585
0.000	8.493	0.097	0.000	2.250	0.000	0.000	0.000	0.000	0.008	0.109	3.603	0.000	222.448	0.419
0.011	3.618	0.039	0.000	2.612	0.079	0.286	0.000	0.043	0.010	2.445	6.256	0.000	26.242	3.693
0.000	3.055	0.000	0.000	1.791	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.346	6.010	0.016	25.245	6.01

ENSG00000264619	ENSG00000264387	ENSG00000264883	ENSG00000273001	ENSG00000272518	ENSG00000125841	ENSG00000196139	ENSG00000224003	ENSG00000132179	ENSG00000263516	ENSG00000165957	ENSG00000252747	ENSG00000299114	ENSG00000229138	ENSG00000220988	ENSG0000020884
0.000	32.822	0.037	0.771	8.253	32.994	4.651	0.182	38.413	0.000	8.748	0.049	0.000	0.000	0.157	0.000
0.000	66.562	0.000	0.801	5.755	26.488	1.709	0.129	37.909	0.000	10.397	0.135	0.000	0.000	0.045	0.000
0.000	96.133	0.056	0.745	8.790	18.909	1.160	0.115	24.208	0.000	9.191	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	58.623	0.000	0.330	8.837	27.085	0.685	0.248	20.187	0.000	9.042	0.115	0.030	0.000	0.000	0.000
0.000	102.677	0.000	0.000	5.143	11.165	2.629	0.116	39.780	0.000	24.922	0.116	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	44.627	0.418	1.033	10.829	21.520	1.061	0.390	24.002	0.000	5.455	0.129	0.027	0.011	0.000	0.000
0.000	37.688	0.000	0.545	8.781	31.412	2.222	0.542	39.376	0.000	13.123	0.187	0.000	0.000	0.044	0.206
0.000	70.962	0.033	0.922	6.054	39.082	3.014	0.287	49.584	0.000	14.225	0.055	0.000	0.000	0.094	0.000
0.000	74.516	0.038	0.622	5.022	31.333	2.412	0.189	29.706	0.000	13.136	0.114	0.037	0.000	0.000	0.000
0.259	66.880	0.000	0.517	8.144	14.623	5.479	0.413	50.127	0.000	20.193	0.037	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	47.932	0.000	0.635	4.905	25.714	7.860	0.259	35.487	0.000	22.136	0.172	0.000	0.000	0.011	0.000
0.000	69.368	0.000	0.921	9.687	51.135	1.126	0.105	27.112	0.000	4.966	0.094	0.000	0.000	0.040	0.000
0.000	52.644	0.146	0.339	7.131	40.409	1.180	0.205	23.857	0.000	10.637	0.058	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	60.323	0.062	0.508	9.134	47.934	0.833	0.169	27.644	0.000	8.871	0.054	0.104	0.011	0.000	0.000
0.000	62.938	0.000	0.848	7.357	47.388	3.857	0.201	25.500	0.000	8.494	0.040	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	33.166	0.000	0.413	9.537	24.999	2.309	0.101	39.999	0.000	8.910	0.109	0.000	0.000	0.076	0.000
0.000	76.816	0.000	0.586	8.923	35.980	2.516	0.351	18.588	0.000	3.782	0.172	0.000	0.025	0.000	0.000
0.000	140.460	0.000	0.739	3.855	47.889	9.931	0.046	48.954	0.000	21.735	0.037	0.000	0.256	0.000	0.000
0.000	55.746	0.000	0.331	5.988	48.569	1.394	0.094	42.390	0.000	8.709	0.057	0.000	0.000	0.041	0.000
0.000	57.585	0.092	0.707	8.345	37.556	0.552	0.075	28.316	0.000	7.798	0.020	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	126.325	0.000	0.830	3.471	27.940	4.478	0.054	56.793	0.000	17.517	0.022	0.031	0.000	0.000	0.000
0.000	44.271	0.034	1.403	11.377	41.703	1.088	0.249	27.521	0.000	4.520	0.122	0.128	0.040	0.000	0.000
0.000	47.885	0.000	0.162	8.284	35.929	0.773	0.081	35.584	0.000	10.919	0.028	0.027	0.011	0.000	0.000
0.145	83.922	0.000	0.397	7.301	44.992	1.657	0.128	29.439	0.234	10.801	0.041	0.000	0.000	0.044	0.204
0.000	51.089	0.000	0.413	10.097	46.073	0.676	0.107	26.483	0.000	7.284	0.129	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	48.427	0.000	0.255	6.529	31.508	0.624	0.108	33.413	0.000	11.214	0.057	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	105.720	0.000	0.896	8.587	39.451	1.485	0.212	24.303	0.000	13.339	0.062	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	76.041	0.032	0.744	6.649	48.421	2.072	0.291	22.239	0.000	12.578	0.149	0.000	0.013	0.000	0.000
0.000	109.580	0.032	0.711	7.443	33.010	1.695	0.770	21.754	0.000	12.885	0.171	0.062	0.000	0.000	0.000
0.000	142.141	0.106	1.139	7.229	75.291	0.515	0.164	26.720	0.000	14.048	0.000	0.000	0.011	0.075	0.000
0.000	59.360	0.028	0.581	8.422	53.115	0.634	0.149	24.334	0.000	10.923	0.055	0.000	0.000	0.039	0.000
0.000	86.204	0.000	0.927	6.925	50.786	2.957	0.109	34.921	0.000	11.265	0.062	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	75.722	0.031	0.542	5.958	46.397	1.852	0.244	29.595	0.000	15.795	0.031	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	69.176	0.066	0.687	8.193	36.682	0.601	0.108	32.964	0.000	12.112	0.022	0.000	0.000	0.094	0.000
0.000	67.865	0.030	1.972	7.259	64.990	1.220	0.147	34.049	0.000	14.308	0.020	0.000	0.012	0.000	0.000
0.000	49.736	0.143	1.190	9.593	34.513	3.518	0.059	17.384	0.000	7.096	0.349	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	100.636	0.171	0.561	8.815	37.069	1.399	0.223	30.838	0.000	11.541	0.057	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	70.603	0.204	1.336	8.986	31.243	1.743	0.084	29.420	0.000	17.411	0.086	0.032	0.000	0.000	0.000
0.082	61.065	0.175	2.522	9.554	27.125	0.905	0.347	20.232	0.000	8.501	0.592	0.000	0.000	0.050	0.000
0.081	31.653	0.000	0.728	8.005	45.037	0.817	0.273	31.712	0.000	17.104	0.370	0.033	0.000	0.000	0.000
0.000	63.044	0.030	1.197	7.412	58.408	1.250	0.061	29.552	0.000	8.521	0.029	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	76.490	0.067	0.555	7.919	43.200	0.716	0.120	27.047	0.000	11.301	0.301	0.000	0.000	0.046	0.000
0.000	55.426	0.000	0.743	9.364	33.162	0.267	0.229	29.994	0.000	11.126	0.074	0.000	0.022	0.079	0.000
0.000	47.972	0.059	0.856	7.450	30.339	0.695	0.147	24.709	0.000	10.788	0.147	0.028	0.000	0.000	0.195
0.000	55.624	0.000	1.041	9.499	43.631	1.875	0.072	27.802	0.000	10.499	0.221	0.000	0.000	0.000	0.000
0.074	193.518	0.064	0.592	8.422	22.494	0.034	0.131	29.100	0.000	16.195	0.158	0.000	0.013	0.000	0.000
0.000	61.101	0.032	0.748	6.337	25.861	2.165	0.465	28.460	0.000	7.162	0.192	0.031	0.000	0.046	0.000
0.000	76.539	0.028	0.714	8.463	40.374	0.379	0.012	28.564	0.000	9.665	0.028	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	51.959	0.000	0.368	6.567	45.967	2.866	0.109	43.860	0.000	11.101	0.086	0.032	0.000	0.036	0.174
0.000	90.789	0.159	1.787	7.799	48.991	5.040	0.022	46.864	0.000	12.523	0.141	0.051	0.021	0.113	0.000
0.000	62.031	0.000	0.431	5.981	35.093	1.980	0.047	39.885	0.000	14.104	0.028	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	87.793	0.058	0.472	6.099	38.093	1.537	0.084	36.129	0.000	15.672	0.096	0.000	0.012	0.000	0.000
0.000	62.197	0.000	0.447	7.107	51.324	0.522	0.085	33.034	0.000	9.860	0.043	0.000	0.000	0.037	0.000
0.000	65.190	0.000	0.463	6.196	35.162	0.267	0.229	29.994	0.000	11.126	0.074	0.000	0.022	0.079	0.000
0.000	83.448	0.000	0.429	6.058	23.676	6.860	0.203	52.281	0.000	7.953	0.041	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	121.127	0.000	1.493	6.871	39.812	0.618	0.189	32.091	0.000	13.321	0.020	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	40.479	0.000	0.605	6.029	42.828	2.289	0.072	30.554	0.000	7.377	0.048	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	56.019	0.029	2.236	8.141	26.795	0.796	0.178	38.224	0.000	7.587	0.057	0.055	0.000	0.000	0.000
0.000	59.357	0.054	0.093	7.396	38.080	0.739	0.044	34.629	0.000	7.378	0.062	0.000	0.011	0.114	0.000
0.000	62.672	0.000	0.368	6.567	45.967	2.866	0.109	43.860	0.000	11.101	0.086	0.032	0.000	0.036	0.174
0.000	84.787	0.049	0.171	9.289	38.819	1.029	0.182	23.074	0.000	10.458	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	83.941	0.000	1.575	11.036	38.973	1.339	0.475	10.212	0.000	6.230	0.221	0.000	0.144	0.036	0.000
0.064	62.877	0.000	0.446	10.101	41.345	3.940	0.147	25.054	0.000	6.804	0.036	0.000	0.022	0.039	0.000
0.000	94.794	0.123	0.853	7.414	36.925	1.587	0.088	32.043	0.000	12.618	0.010	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	75.461	0.000	0.075	10.259	49.641	2.264	0.056	25.546	0.000	9.463	0.016	0.000	0.000	0.000	0.000
0.126	144.360	0.108	0.250	7.479	45.007	1.343	0.022	23.087	0.000	10.339	0.036	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	97.491	0.000	0.459	4.838	68.188	0.244	0.030	27.438	0.000	14.853	0.024	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	60.552	0.000	0.222	7.834	37.193	0.507	0.100	29.710	0.000	13.111	0.000	0.019	0.068	0.000	0.000
0.000	125.956	0.038	0.044	4.821	34.959	3.376	0.062	39.792	0.000	16.371	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	90.586	0.000	0.639	6.891	46.136	1.005	0.034	28.434	0.000	9.168	0.018	0.000	0.011	0.000	0.000
0.000	61.254	0.000	0.946	5.353	45.823	4.467	0.060	30.629	0.000	9.843	0.052	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	51.191	0.025	0.820</												

ENSG00000146424	ENSG00000246989	ENSG00000254929	ENSG00000280629	ENSG00000274066	ENSG00000169906	ENSG00000279752	ENSG00000458683	ENSG00000253030	ENSG00000229961	ENSG00000170471	ENSG00000239887	ENSG00000066427	ENSG00000230564	ENSG00000204422
4.654	9.495	0.000	0.122	0.113	0.000	0.000	0.007	0.000	0.285	5.552	0.000	0.576	0.000	0.000
6.798	4.621	0.000	0.039	0.014	0.301	0.000	0.000	0.045	0.000	0.029	4.786	0.000	0.576	0.000
11.114	8.302	0.000	0.035	0.025	0.268	0.000	0.000	0.010	0.234	0.078	4.865	0.000	0.770	0.000
3.728	14.581	0.000	0.065	0.014	0.909	0.000	0.000	0.017	0.000	1.691	4.755	0.000	0.706	0.000
4.527	4.165	0.000	0.031	0.001	0.460	0.000	0.000	0.000	0.000	4.027	3.402	0.000	0.645	0.000
4.738	13.378	0.000	0.156	0.061	0.533	0.000	0.000	0.005	0.233	4.811	7.473	0.000	1.311	0.000
6.500	5.387	0.000	0.103	0.000	0.600	0.000	0.000	0.000	0.788	4.044	5.447	0.000	0.658	0.000
5.348	5.286	0.000	0.014	0.000	0.000	0.000	0.000	0.030	0.000	2.845	3.528	0.000	0.483	0.370
6.354	4.039	0.000	0.063	0.000	0.000	0.056	0.000	0.000	0.000	1.703	3.016	0.000	0.472	0.428
4.215	2.860	0.000	0.046	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.516	2.705	0.000	0.670	0.000
5.512	5.394	0.000	0.023	0.000	0.262	0.000	0.005	0.000	2.954	4.198	6.000	0.000	0.613	0.255
5.020	10.513	0.000	0.012	0.025	0.543	0.000	0.000	0.010	0.000	1.007	7.751	0.000	0.782	0.000
5.870	6.654	0.000	0.048	0.013	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.894	5.362	0.000	0.601	0.000
6.501	8.451	0.000	0.068	0.024	0.524	0.000	0.000	0.015	0.000	4.418	6.806	0.000	0.899	0.000
7.104	5.812	0.000	0.101	0.053	0.000	0.000	0.000	0.022	0.000	1.619	3.855	0.000	0.493	0.000
3.005	6.895	0.000	0.068	0.000	0.262	0.040	0.000	0.005	0.229	0.939	7.537	0.000	0.795	0.000
4.901	9.131	0.000	0.026	0.000	0.302	0.000	0.000	0.000	0.000	0.907	5.943	0.000	0.583	0.000
6.817	2.335	0.000	0.062	0.018	0.359	0.000	0.000	0.000	0.314	0.648	2.210	0.000	0.441	0.000
7.363	4.956	0.000	0.012	0.000	0.546	0.000	0.000	0.000	0.000	12.640	3.445	0.000	0.532	0.000
6.233	8.115	0.000	0.038	0.027	0.292	0.000	0.000	0.000	0.000	0.499	4.104	0.000	0.480	0.341
11.690	2.118	0.000	0.040	0.000	0.311	0.000	0.000	0.023	0.000	14.506	2.213	0.000	0.371	0.000
3.743	21.282	0.000	0.097	0.044	0.000	0.000	0.108	1.890	1.941	8.522	0.000	1.118	0.000	0.000
5.605	5.398	0.000	0.068	0.000	0.314	0.000	0.000	0.012	0.000	5.313	3.453	0.000	0.703	0.367
8.723	9.005	0.000	0.035	0.000	0.288	0.000	0.000	0.000	0.000	0.338	4.795	0.000	0.297	0.000
4.692	4.609	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.259	4.577	0.290	0.000	0.613	0.000
8.889	8.712	0.000	0.067	0.014	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.399	5.606	0.000	0.525	0.000
7.732	6.172	0.000	0.075	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	4.050	4.468	0.000	0.468	0.000
7.293	7.629	0.000	0.027	0.234	0.000	0.000	0.000	0.540	3.421	3.174	0.000	0.655	0.000	0.000
5.787	4.940	0.007	0.026	0.000	0.307	0.000	0.000	0.000	0.000	0.763	5.193	0.000	1.125	0.000
6.093	7.455	0.000	0.053	0.000	0.309	0.000	0.000	0.270	0.717	3.625	0.000	1.093	0.360	0.000
10.764	4.896	0.000	0.120	0.000	0.000	0.039	0.000	0.000	0.000	1.024	5.076	0.000	0.539	0.000
5.281	10.434	0.000	0.011	0.024	0.000	0.000	0.019	0.005	0.233	0.558	6.293	0.000	1.452	0.000
7.301	3.965	0.000	0.020	0.000	0.302	0.000	0.000	0.017	0.000	48.238	2.807	0.000	0.538	0.000
7.172	4.553	0.000	0.013	0.014	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.385	3.255	0.000	0.494	0.000
5.008	7.546	0.000	0.027	0.000	0.631	0.000	0.000	0.552	2.928	5.581	0.000	0.535	0.000	0.000
5.493	7.234	0.000	0.086	0.079	1.143	0.000	0.000	0.032	0.000	6.043	6.764	0.278	0.844	0.000
13.730	9.017	0.027	0.047	0.050	0.819	0.042	0.000	0.005	0.239	2.613	6.669	0.000	1.548	0.000
5.310	6.648	0.000	0.070	0.025	0.272	0.000	0.000	0.000	0.000	2.838	6.359	0.000	0.806	0.000
5.857	8.526	0.000	0.056	0.015	0.650	0.000	0.000	0.008	0.853	0.681	6.022	0.000	0.829	0.000
3.522	10.834	0.000	0.072	0.077	0.338	0.000	0.024	0.000	0.588	0.379	6.011	0.000	1.037	0.392
6.115	11.656	0.016	0.043	0.031	0.334	0.000	0.000	0.008	0.000	2.349	6.469	0.000	0.563	0.000
6.424	17.511	0.000	0.109	0.026	0.000	0.043	0.000	0.032	0.247	0.428	8.742	0.000	0.717	0.330
5.593	8.870	0.000	0.067	0.014	0.000	0.000	0.000	0.012	1.088	3.397	7.936	0.000	0.881	0.363
3.621	9.650	0.000	0.138	0.049	0.267	0.041	0.000	0.010	0.700	9.459	7.121	0.000	0.697	0.000
4.846	15.555	0.014	0.073	0.052	0.569	0.000	0.000	0.457	1.877	9.883	0.000	1.254	0.000	0.000
9.189	6.279	0.000	0.096	0.064	0.554	0.000	0.000	0.005	0.243	4.791	5.680	0.000	0.780	0.000
4.838	10.693	0.000	0.158	0.014	0.611	0.000	0.000	0.000	0.138	0.729	0.000	1.912	0.000	0.000
4.840	12.419	0.000	0.067	0.028	0.000	0.000	0.000	0.006	0.270	0.926	5.140	0.000	1.120	0.360
5.845	9.552	0.000	0.035	0.025	0.268	0.000	0.000	0.000	0.234	0.147	6.116	0.000	0.682	0.000
5.235	7.734	0.000	0.011	0.023	0.300	0.000	0.000	0.021	0.800	0.280	0.000	0.518	0.000	0.000
6.517	7.548	0.006	0.044	0.000	0.509	0.039	0.000	0.048	0.223	4.241	4.263	0.000	0.479	0.000
7.202	6.782	0.000	0.118	0.000	0.547	0.000	0.000	0.005	0.239	0.776	3.729	0.000	0.503	0.000
5.909	4.880	0.007	0.084	0.013	0.557	0.043	0.000	0.005	0.244	0.665	4.952	0.000	0.665	0.000
5.424	11.442	0.000	0.053	0.056	0.000	0.000	0.000	0.005	0.000	2.032	6.839	0.000	0.590	0.000
7.002	7.002	0.000	0.062	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.745	5.745	0.000	0.491	0.000
4.128	17.705	0.000	0.051	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.381	7.505	0.000	0.642	0.000	0.000
6.036	6.996	0.000	0.139	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.836	4.302	0.000	0.697	0.000
6.063	6.089	0.000	0.036	0.013	0.000	0.000	0.000	0.000	0.939	6.096	0.000	0.431	0.000	0.000
5.602	8.219	0.000	0.036	0.000	0.551	0.000	0.000	0.000	0.482	2.923	6.326	0.000	0.654	0.322
8.433	9.380	0.000	0.044	0.047	1.028	0.000	0.000	0.000	0.225	0.224	5.416	0.000	0.339	0.000
11.249	11.249	0.000	0.059	0.054	0.650	0.000	0.000	0.000	0.154	0.000	6.143	0.000	0.460	0.000
5.351	7.065	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.238	0.152	3.555	0.000	0.465	0.550	0.000
4.629	12.555	0.000	0.053	0.011	0.245	0.000	0.000	0.009	0.644	2.200	5.716	0.000	0.752	0.000
3.743	10.304	0.000	0.023	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.230	0.059	5.649	0.000	0.766	0.307
3.836	9.208	0.000	0.051	0.013	0.587	0.000	0.000	0.000	0.770	0.917	4.945	0.000	0.474	0.000
7.156	6.660	0.000	0.035	0.049	0.267	0.041	0.000	0.010	0.700	9.459	7.121	0.000	0.528	0.000
6.880	4.823	0.000	0.067	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	5.667	3.239	0.000	0.522	0.000
8.218	3.971	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.302	0.144	3.039	0.000	0.266	0.000	0.000
5.883	9.641	0.000	0.039	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.561	6.144	0.000	0.469	0.000	0.000
9.005	4.388	0.000	0.031	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.654	3.213	0.000	0.273	0.000	0.000
5.430	7.602	0.000	0.045	0.000	1.055	0.000	0.000	0.005	0.000	1.051	4.555	0.000	0.385	0.000
6.036	8.297	0.000	0.020	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.381	2.298	0.000	0.381	0.000	0.000
6.034	11.482	0.000	0.042	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.086	4.427	0.000	0.516	0.282
8.572	8.224	0.000	0.021	0.087	0.000	0.000	0.000	0.417	2.227	6.711	0.000	0.683	0.000	0.000
3.073	9.444	0.000	0.031	0.017	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.305	4.690	0.000	0.677	0.000
5.016	6.832	0.000	0.000	0.000	0.438	0.000	0.000	0.000	0.268	4.714	0.000	0.683	0.000	0.000
7.910	7.910	0.000	0.046	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.517	6.000	0.000	0.545	0.000
3.188	13.251	0.000	0.158	0.000	0.000	0.000	0.000	0.						

ENSG0000026705	ENSG0000022703	ENSG0000016833	ENSG00000262141	ENSG00000267323	ENSG0000016435	ENSG00000198366	ENSG00000227679	ENSG00000240731	ENSG00000229782	ENSG00000235894	ENSG00000228367	ENSG00000202330	ENSG00000226165	ENSG00000226872	ENSG00000199121
0.000	0.000	0.397	0.158	0.063	0.089	64.391	0.000	4.809	0.067	0.000	0.000	29.575	0.283	0.000	0.675
0.000	0.000	0.031	0.670	0.027	0.228	66.942	0.074	3.107	0.000	0.000	0.000	24.455	0.240	0.000	0.956
0.000	0.000	0.881	0.596	0.167	0.086	85.714	0.022	5.968	0.152	0.000	0.000	30.376	0.250	0.000	0.170
0.000	0.000	0.124	0.135	0.054	0.124	129.876	0.000	9.125	0.000	0.000	0.000	28.100	0.283	0.000	0.193
0.000	0.000	0.462	0.325	0.151	0.026	86.275	0.000	5.026	0.000	0.000	0.000	42.396	0.315	0.000	0.215
0.000	0.000	0.018	0.238	0.119	0.105	58.374	0.044	18.912	0.202	0.000	0.000	29.250	0.457	0.000	0.038
0.000	0.000	0.010	0.401	0.241	0.073	55.669	0.025	11.099	0.057	0.000	0.000	19.612	0.360	0.000	0.573
0.000	0.000	0.097	0.424	0.085	0.192	77.026	0.026	2.014	0.060	0.000	0.000	31.384	0.339	0.000	0.202
0.000	0.000	1.147	0.491	0.033	0.196	114.847	0.000	4.988	0.278	0.000	0.000	32.929	0.538	0.000	0.000
0.000	0.000	0.073	1.428	0.191	0.094	89.512	0.000	4.065	0.000	0.000	0.000	21.480	0.996	0.000	0.000
0.000	0.000	0.006	0.070	0.163	0.065	69.937	0.065	1.566	0.099	0.000	0.000	26.367	0.315	0.000	0.334
0.000	0.000	0.009	0.605	0.146	0.145	83.114	0.067	8.074	0.103	0.000	0.000	20.551	0.253	0.000	0.854
0.000	0.000	0.467	0.375	0.200	0.319	70.212	0.000	6.553	0.053	0.000	0.000	25.602	0.374	0.000	0.178
0.000	0.000	0.187	0.117	0.422	0.390	88.910	0.000	10.405	0.297	0.000	0.000	27.981	0.559	0.000	1.167
0.000	0.000	0.754	0.521	0.000	1.818	82.417	0.000	3.176	0.000	0.000	0.000	44.594	0.623	0.000	0.743
0.000	0.000	0.036	0.000	0.084	0.462	42.794	0.065	2.996	0.000	0.000	0.000	15.348	0.175	0.000	0.354
0.034	0.000	0.298	0.135	0.108	0.109	119.229	0.025	5.539	0.057	0.000	0.000	25.210	0.081	0.000	0.152
0.000	0.000	0.012	0.640	0.193	0.087	277.978	0.029	1.888	0.000	0.000	0.000	18.855	1.675	0.000	0.228
0.000	0.000	0.046	0.609	0.147	0.043	112.299	0.000	5.400	0.103	0.000	0.000	28.417	0.328	0.000	0.522
0.000	0.000	0.119	0.260	0.026	0.293	72.655	0.024	7.839	0.055	0.000	0.000	28.739	0.584	0.000	0.186
0.000	0.000	4.731	0.694	0.362	0.036	191.677	0.026	2.371	0.118	0.000	0.000	54.741	1.204	0.000	0.198
0.000	0.000	0.000	0.431	0.230	0.047	55.670	0.026	13.308	0.122	0.000	0.000	21.092	0.215	0.000	0.205
0.000	0.000	0.032	0.421	0.112	0.080	107.374	0.052	7.585	0.238	0.000	0.000	24.552	0.671	0.000	0.200
0.000	0.000	0.009	0.000	0.072	0.029	70.626	0.000	2.377	0.000	0.000	0.000	32.478	0.642	0.000	0.681
0.000	0.000	0.192	1.062	0.107	0.736	85.521	0.000	5.240	0.000	0.000	0.000	25.184	0.079	0.000	0.000
0.000	0.000	0.021	0.138	0.083	0.606	78.991	0.000	9.773	0.234	0.000	0.000	31.061	0.578	0.000	0.394
0.000	0.000	0.036	0.000	0.063	0.126	91.261	0.000	9.141	0.000	0.000	0.000	34.253	0.061	0.000	0.559
0.000	0.000	1.189	1.100	0.165	0.108	95.529	0.000	9.819	0.585	0.000	0.000	31.623	0.082	0.000	0.000
0.000	0.000	0.073	0.411	0.082	0.260	123.509	0.025	15.208	0.058	0.000	0.000	49.627	0.614	0.000	0.586
0.000	0.000	0.032	0.551	0.304	0.135	171.668	0.000	15.631	0.175	0.000	0.000	53.874	0.659	0.000	0.444
0.000	0.000	0.199	0.113	0.091	0.040	122.840	0.042	3.779	0.096	0.000	0.000	53.449	0.745	0.000	0.000
0.000	0.000	0.344	0.831	0.143	0.200	94.008	0.022	7.824	0.151	0.000	0.000	24.131	0.710	0.000	0.847
0.000	0.000	0.008	0.000	0.139	0.115	107.853	0.025	9.264	0.178	0.000	0.000	59.243	0.248	0.000	0.344
0.000	0.000	0.193	0.399	0.053	0.413	82.463	0.025	8.773	0.000	0.000	0.000	44.918	0.119	0.000	0.150
0.071	0.000	0.322	0.844	0.113	0.749	66.863	0.000	8.807	0.239	0.000	0.000	26.959	0.168	0.000	0.000
0.000	0.000	0.058	0.000	0.077	0.195	59.593	0.023	7.564	0.000	0.000	0.000	35.944	0.267	0.000	0.000
0.000	0.000	0.928	0.000	0.341	0.098	53.656	0.045	21.128	0.103	0.000	0.000	27.027	0.764	0.000	4.341
0.000	0.000	0.083	0.364	0.292	0.167	73.861	0.000	20.162	0.103	0.000	0.000	21.018	0.400	0.000	0.399
0.000	0.000	1.636	0.680	0.145	0.076	86.365	0.000	5.198	0.431	0.000	0.000	27.831	0.380	0.000	1.561
0.000	0.000	0.065	0.150	0.120	0.065	72.677	0.000	14.878	0.127	0.000	0.000	17.982	0.134	0.000	1.069
0.000	0.000	0.023	0.298	0.090	0.075	64.144	0.055	9.514	0.126	0.000	0.000	30.089	0.223	0.000	1.276
0.000	0.000	0.019	0.000	0.101	0.113	60.556	0.000	7.376	0.107	0.000	0.000	23.729	0.113	0.000	0.539
0.000	0.000	0.000	0.139	0.194	0.073	136.408	0.026	8.752	0.000	0.000	0.000	30.965	0.373	0.000	1.187
0.000	0.000	0.016	0.000	0.119	0.060	59.753	0.000	4.245	0.000	0.000	0.000	20.833	0.265	0.000	0.559
0.000	0.000	0.116	0.253	0.229	0.094	102.983	0.023	17.289	0.000	0.000	0.000	23.090	0.227	0.000	0.181
0.000	0.000	0.085	0.618	0.149	0.912	77.558	0.000	9.754	0.000	0.000	0.000	37.519	0.407	0.000	0.353
0.000	0.000	0.021	0.408	0.082	0.080	68.293	0.050	17.164	0.116	0.000	0.000	34.735	0.692	0.000	0.971
0.000	0.000	0.137	0.827	0.138	0.078	76.274	0.025	13.840	0.234	0.000	0.000	22.996	0.577	0.000	0.786
0.000	0.000	0.173	0.597	0.024	0.485	73.123	0.088	8.940	0.096	0.000	0.000	34.632	0.322	0.000	0.341
0.000	0.000	0.008	0.045	0.909	0.909	59.721	0.000	9.742	0.000	0.000	0.000	27.900	0.708	0.000	0.000
0.000	0.000	0.121	0.681	0.136	0.074	97.156	0.000	6.367	0.433	0.000	0.000	40.228	0.339	0.000	0.488
0.000	0.000	0.009	0.488	0.098	0.032	74.349	0.045	3.026	0.207	0.000	0.000	28.601	0.511	0.000	0.870
0.000	0.000	0.095	0.124	0.025	0.358	109.167	0.023	3.486	0.105	0.000	0.000	33.643	0.409	0.000	0.355
0.000	0.000	0.042	0.549	0.198	0.125	105.894	0.000	5.804	0.000	0.000	0.000	29.765	0.394	0.000	0.157
0.000	0.000	0.057	0.276	0.050	0.155	103.544	0.000	10.265	0.000	0.000	0.000	35.286	0.544	0.000	0.268
0.000	0.000	0.883	0.527	0.211	0.080	82.968	0.007	11.565	0.000	0.000	0.000	25.894	0.315	0.000	0.000
0.000	0.000	0.190	0.393	0.110	0.114	74.515	0.048	9.528	0.056	0.000	0.000	40.228	0.352	0.000	0.042
0.000	0.000	0.011	0.495	0.074	0.097	81.385	0.068	10.311	0.052	0.000	0.000	19.733	0.814	0.000	0.000
0.000	0.000	0.225	0.246	0.123	0.035	73.215	0.023	5.947	0.104	0.000	0.000	23.582	0.257	0.000	0.175
0.000	0.000	0.201	0.229	0.115	0.215	85.148	0.021	1.725	0.000	0.000	0.000	34.582	0.480	0.000	0.000
0.000	0.000	0.008	0.044	0.133	0.104	83.172	0.000	8.154	0.232	0.000	0.000	28.922	0.473	0.000	0.627
0.000	0.000	0.048	0.841	0.295	0.064	123.319	0.000	7.866	0.000	0.000	0.000	35.630	0.251	0.000	0.300
0.000	0.000	0.876	0.219	0.197	0.088	68.964	0.020	13.042	0.186	0.000	0.000	29.222	0.458	0.000	0.156
0.000	0.000	0.805	0.117	0.165	0.290	53.096	0.022	14.939	0.199	0.000	0.000	22.458	0.491	0.000	1.172
0.000	0.000	8.657	0.765	0.052	0.080	98.087	0.024	5.479	0.055	0.000	0.000	39.663	0.430	0.000	0.373
0.000	0.000	0.293	0.000	0.135	0.060	127.742	0.000	4.265	0.000	0.000	0.000	46.881	0.260	0.000	0.000
0.000	0.000	0.123	0.922	0.323	0.050	221.698	0.085	5.531	0.098	0.000	0.000	68.820	0.414	0.000	0.329
0.000	0.000	0.258	0.768	0.246	0.040	216.293	0.000	2.563	0.065	0.000	0.000	65.567	0.505	0.000	0.219
0.000	0.000	0.031	1.021	0.123	0.058	107.174	0.038	6.481	0.000	0.000	0.000	34.460	0.244	0.000	0.000
0.000	0.000	0.025	0.968	0.162	0.004	187.335	0.000	2.100	0.000	0.000	0.000	102.011	0.627	0.000	0.000
0.000	0.000	0.045	0.588	0.189	0.108	94.777	0.043	2.153	0.349	0.000	0.000	39.699	0.598	0.000	0.000
0.000	0.000	0.000	0.000	0.045	0.076	159.234	0.000	19.924	0.000	0.000	0.000	61.169			

ENSG0000119874	ENSG0000115307	ENSG00000653747	ENSG0000202231	ENSG0000267794	ENSG0000229917	ENSG000011943	ENSG0000264994	ENSG0000203620	ENSG0000204120	ENSG0000276770	ENSG0000249045	ENSG0000251443	ENSG0000118017	ENSG0000217860	ENSG0000218961
0.208	35.855	0.062	0.000	0.134	0.955	0.000	0.099	4.813	0.000	0.048	0.056	0.171	0.000		
0.000	73.888	0.903	0.000	0.483	6.385	0.000	0.000	3.145	0.000	0.000	0.000	0.036	0.106	0.000	
0.157	57.726	0.044	0.000	0.658	8.867	0.000	0.000	4.442	0.000	0.000	0.000	0.021	0.024	0.000	
0.000	50.934	0.053	0.000	0.029	8.849	0.250	0.019	4.827	0.000	0.000	0.000	0.012	0.067	0.000	
0.000	60.526	0.161	0.000	0.000	5.942	0.000	0.000	3.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
0.157	50.815	0.087	0.000	0.000	0.151	6.852	0.000	0.000	6.953	0.000	0.000	0.032	0.094	0.000	
0.176	51.929	0.791	0.000	0.000	0.114	6.268	0.247	0.000	3.705	0.000	0.000	0.000	0.047	0.026	0.000
0.187	44.084	0.115	0.000	0.000	0.030	7.171	0.000	0.010	3.307	0.000	0.000	0.000	0.025	0.040	0.000
0.216	64.818	0.097	0.000	0.000	0.035	6.530	0.000	0.000	2.235	0.000	0.000	0.000	0.014	0.032	0.024
0.000	69.984	0.133	0.000	0.000	0.101	5.405	0.000	0.000	2.595	0.000	0.000	0.000	0.000	0.141	0.000
0.000	63.150	0.151	0.000	0.000	0.138	6.808	0.000	0.061	1.073	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	52.734	0.094	0.000	0.000	0.026	10.693	0.000	0.008	5.832	0.000	0.000	0.000	0.021	0.050	0.000
0.000	45.033	0.038	0.000	0.000	0.079	8.069	0.000	0.026	3.854	0.000	0.000	0.000	0.033	0.062	0.019
0.000	48.014	0.209	0.000	0.000	0.050	9.238	0.000	0.024	5.393	0.000	0.000	0.000	0.031	0.104	0.000
0.000	53.116	0.157	0.000	0.000	0.000	5.729	0.000	0.000	4.008	0.000	0.000	0.000	0.000	0.154	0.000
0.000	36.311	0.361	0.000	0.000	0.050	5.274	0.000	0.008	6.374	0.000	0.000	0.000	0.000	0.246	0.000
0.000	48.265	0.059	0.000	0.000	0.000	8.972	0.000	0.009	4.022	0.000	0.000	0.000	0.012	0.067	0.000
0.000	122.373	0.032	0.000	0.000	0.034	9.528	0.000	0.000	1.980	0.318	0.000	0.000	0.028	0.047	0.000
0.161	63.876	0.328	0.000	0.177	0.620	6.009	0.000	0.008	2.944	0.000	0.000	0.000	0.011	0.048	0.000
0.000	45.219	0.115	0.000	0.000	0.083	6.774	0.000	0.000	4.768	0.000	0.000	0.040	0.012	0.064	0.000
0.000	90.495	0.058	0.000	0.000	0.029	8.810	0.000	0.251	2.110	0.000	0.000	0.000	0.025	0.027	0.000
0.000	29.740	0.193	0.000	0.213	10.465	0.000	0.020	5.973	0.285	0.000	0.000	0.064	0.057	0.000	
0.185	57.114	0.111	0.000	0.000	0.089	6.328	0.000	0.000	2.768	0.000	0.000	0.000	0.082	0.042	0.000
0.000	67.446	0.053	0.000	0.000	0.051	6.153	0.000	0.025	4.336	0.000	0.000	0.000	0.000	0.035	0.000
0.000	55.862	0.105	0.000	0.000	0.535	8.367	0.000	0.009	3.700	0.000	0.000	0.000	0.024	0.066	0.000
0.000	44.974	0.173	0.000	0.000	0.029	7.884	0.000	0.019	5.184	0.000	0.000	0.000	0.073	0.088	0.000
0.000	56.268	0.025	0.000	0.000	0.033	5.220	0.000	0.103	3.806	0.000	0.000	0.000	0.014	0.046	0.000
0.000	57.599	0.075	0.000	0.000	0.058	7.958	0.000	0.019	3.089	0.000	0.000	0.000	0.000	0.054	0.000
0.181	67.152	0.078	0.000	0.000	0.029	9.972	0.000	0.029	3.247	0.000	0.000	0.000	0.012	0.041	0.000
0.363	86.666	0.042	0.000	0.000	0.029	10.539	0.000	0.000	3.773	0.000	0.042	0.012	0.014	0.000	
0.000	99.776	0.121	0.000	0.000	0.024	9.046	0.000	0.008	3.241	0.000	0.000	0.000	0.070	0.011	0.017
0.000	66.030	0.291	0.000	0.000	0.025	7.868	0.000	0.000	5.255	0.000	0.000	0.000	0.042	0.082	0.000
0.000	68.247	0.069	0.000	0.000	0.000	8.212	0.000	0.067	4.211	0.000	0.000	0.000	0.034	0.024	0.000
0.000	69.838	0.071	0.000	0.000	0.028	8.135	0.000	0.000	3.126	0.000	0.000	0.000	0.024	0.026	0.000
0.000	48.405	0.291	0.000	0.000	0.060	7.998	0.000	0.039	5.367	0.000	0.000	0.000	0.025	0.111	0.000
0.168	43.745	0.120	0.000	0.000	0.000	8.801	0.000	0.080	4.831	0.000	0.000	0.000	0.056	0.075	0.000
0.321	56.812	0.773	0.000	0.000	0.077	6.623	0.000	0.017	5.998	0.000	0.000	0.037	0.108	0.108	0.018
0.000	53.081	0.116	0.000	0.000	0.052	6.998	0.000	0.000	6.564	0.483	0.000	0.000	0.022	0.060	0.000
0.000	51.191	0.509	0.000	0.000	0.021	7.286	0.000	0.000	4.673	0.000	0.000	0.000	0.000	0.082	0.000
0.000	51.196	0.064	0.000	0.000	0.032	6.037	0.277	0.031	5.005	0.000	0.000	0.000	0.066	0.074	0.000
0.000	50.922	0.213	0.000	0.000	0.126	5.206	0.000	0.000	5.939	0.000	0.000	0.045	0.066	0.118	0.000
0.166	56.805	0.124	0.000	0.000	0.027	7.830	0.233	0.009	1.111	0.000	0.000	0.038	0.033	0.075	0.000
0.000	64.012	0.092	0.000	0.000	0.088	8.131	0.000	0.116	4.722	0.000	0.000	0.042	0.012	0.055	0.000
0.101	47.830	0.072	0.140	0.000	0.101	6.969	0.000	0.008	6.203	0.000	0.000	0.000	0.000	0.094	0.018
0.167	49.322	0.099	0.000	0.000	0.153	10.071	0.000	0.000	6.454	0.000	0.000	0.000	0.146	0.088	0.000
0.000	48.540	0.544	0.000	0.000	0.079	5.785	0.000	0.026	4.966	0.000	0.000	0.038	0.011	0.085	0.000
0.000	113.868	0.046	0.000	0.000	0.087	3.271	0.251	0.009	5.849	0.000	0.000	0.000	0.000	0.094	0.000
0.182	61.362	0.091	0.000	0.000	0.088	5.626	0.000	0.010	5.476	0.274	0.000	0.000	0.081	0.122	0.000
0.000	47.805	0.218	0.000	0.000	0.025	8.366	0.000	0.025	7.307	0.000	0.000	0.000	0.024	0.084	0.000
0.000	51.602	0.111	0.000	0.000	0.048	6.342	0.000	0.162	3.421	0.000	0.000	0.070	0.056	0.017	0.000
0.000	52.050	0.124	0.000	0.000	0.120	11.130	0.000	0.016	3.248	0.000	0.000	0.000	0.060	0.078	0.000
0.000	55.907	0.092	0.000	0.000	0.078	7.178	0.000	0.085	3.660	0.000	0.000	0.000	0.043	0.120	0.000
0.000	61.820	0.078	0.000	0.000	0.079	7.781	0.000	0.009	3.838	0.000	0.000	0.000	0.033	0.159	0.000
0.000	53.127	0.061	0.000	0.000	0.070	10.770	0.000	0.008	5.399	0.000	0.000	0.000	0.029	0.163	0.000
0.000	61.125	0.129	0.000	0.000	0.126	10.388	0.000	0.000	3.146	0.000	0.000	0.000	0.000	0.046	0.000
0.000	63.806	0.067	0.000	0.000	0.112	6.225	0.000	0.000	5.872	0.000	0.000	0.000	0.047	0.000	0.000
0.000	55.861	0.097	0.000	0.000	0.167	7.955	0.483	0.009	4.031	0.000	0.000	0.000	0.070	0.129	0.020
0.000	55.444	0.152	0.000	0.000	0.236	5.754	0.228	0.000	3.684	0.000	0.000	0.000	0.044	0.098	0.000
0.324	37.512	0.188	0.000	0.000	0.078	5.251	0.000	0.009	5.638	0.000	0.000	0.000	0.033	0.097	0.000
0.000	53.724	0.061	0.000	0.000	0.097	7.422	0.000	0.000	6.306	0.000	0.000	0.000	0.000	0.045	0.000
0.000	57.710	0.240	0.000	0.000	0.112	6.156	0.000	0.000	6.433	0.000	0.000	0.000	0.022	0.062	0.000
0.000	78.872	0.085	0.000	0.000	0.000	7.143	0.388	0.029	5.535	0.000	0.000	0.000	0.037	0.083	0.031
0.144	42.549	0.177	0.000	0.000	0.255	6.041	0.000	0.030	4.960	0.000	0.000	0.000	0.039	0.043	0.016
0.155	57.922	1.861	0.000	0.000	0.473	4.889	0.000	0.033	5.735	0.000	0.000	0.000	0.073	0.023	0.000
0.000	63.709	0.287	0.000	0.000	0.055	8.316	0.000	0.000	5.062	0.000	0.000	0.000	0.012	0.090	0.000
0.000	51.780	0.072	0.000	0.000	0.143	6.969	0.000	0.000	6.270	0.000	0.000	0.000	0.000	0.045	0.000
0.000	70.255	0.029	0.000	0.000	0.049	10.294	0.000	0.016	2.627	0.000	0.000	0.000	0.000	0.046	0.000
0.000	94.091	0.136	0.000	0.000	0.033	11.331	0.000	0.011	2.179	0.000	0.000	0.000	0.000	0.076	0.000
0.000	68.107	0.111	0.000	0.000	0.043	7.759	0.000	0.000	5.764	0.000	0.000	0.000	0.000	0.262	0.000
0.000	78.739	0.101	0.000	0.000	0.068	7.184	0.000	0.034	2.600	0.000	0.000	0.000	0.029	0.048	0.000
0.000	54.458	0.085	0.000	0.000	0.100	7.623	0.000	0.000	4.217	0.000	0.000	0.000	0.000	0.116	0.000
0.000	51.164	0.144	0.000	0.000	0.050	6.231	0.000	0.000	6.231	0.000	0.000	0.000	0.021	0.044	0.000
0.000	46.101	0.090	0.000	0.000	0.069	7.135	0.000	0.015	3.744	0.000	0.000	0.000			

ENSG0000255134	ENSG0000182545	ENSG0000175319	ENSG0000226957	ENSG0000011021	ENSG0000229090	ENSG0000126238	ENSG0000139180	ENSG0000175701	ENSG0000254309	ENSG0000176791	ENSG0000252365	ENSG0000227458	ENSG0000162694	ENSG0000234693	ENSG0000140673
0.000	0.206	0.055	0.114	91.354	0.052	28.688	3.285	5.206	0.000	0.944	0.166	0.100	8.827	0.000	0.356
0.000	0.070	0.000	0.000	91.115	0.000	10.922	3.469	4.485	0.000	1.606	0.129	0.170	7.243	0.022	0.088
0.000	0.156	0.000	0.115	93.655	0.031	52.043	5.016	1.568	0.000	0.311	0.230	0.000	7.614	0.000	0.238
0.000	0.071	0.000	0.163	118.208	0.035	34.172	2.753	1.919	0.000	0.200	0.178	0.000	9.125	0.044	0.737
0.020	0.046	0.000	0.000	96.077	0.000	28.914	4.765	7.966	0.000	8.522	0.164	0.000	5.166	0.026	0.028
0.000	0.016	0.000	0.172	65.218	0.031	31.752	4.768	0.756	0.000	0.331	0.604	0.000	8.538	0.019	0.148
0.000	0.053	0.000	0.227	127.175	0.000	12.402	4.388	6.510	0.000	1.849	0.235	0.085	11.109	0.240	0.050
0.000	0.167	0.000	0.000	90.838	0.019	11.587	4.759	4.460	0.000	0.438	0.174	0.000	4.706	0.046	0.253
0.000	0.107	0.000	0.079	78.561	0.000	34.297	5.850	7.093	0.000	0.281	0.100	0.104	11.513	0.000	0.277
0.000	0.062	0.000	0.000	85.194	0.000	10.858	5.048	5.100	0.000	1.609	0.417	0.303	5.657	0.155	0.056
0.000	0.095	0.000	0.000	84.449	0.046	17.420	4.265	4.371	0.000	2.870	0.164	0.000	6.952	0.000	0.044
0.000	0.111	0.000	0.117	115.978	0.048	23.972	3.928	6.140	0.000	0.287	0.127	0.000	8.739	0.020	0.958
0.000	0.114	0.000	0.091	96.497	0.082	24.643	3.901	2.468	0.000	0.356	0.263	0.000	9.318	0.061	1.759
0.000	0.183	0.000	0.085	110.104	0.015	18.042	3.124	3.409	0.000	1.012	0.246	0.000	7.758	0.019	0.500
0.000	0.068	0.000	0.252	84.406	0.068	16.355	3.955	2.524	0.000	1.173	0.000	0.331	7.916	0.000	0.196
0.000	0.184	0.000	0.000	104.439	0.031	9.760	2.371	4.051	0.000	1.165	0.164	0.000	3.619	0.000	0.371
0.000	0.141	0.047	0.000	112.488	0.053	37.357	4.162	3.339	0.000	0.240	0.095	0.088	9.944	0.000	0.488
0.027	0.063	0.000	0.000	72.832	0.063	35.932	20.045	1.945	0.000	2.174	0.281	0.000	11.349	0.052	0.056
0.000	0.000	0.000	0.029	66.507	0.064	14.938	5.714	4.340	0.000	0.405	0.171	0.000	6.761	0.020	0.905
0.000	0.136	0.000	0.032	107.794	0.017	19.515	6.282	4.910	0.000	0.085	0.171	0.000	6.428	0.000	0.070
0.000	0.018	0.000	0.000	100.581	0.018	28.129	11.123	5.363	0.000	2.594	0.097	0.000	11.005	0.023	0.307
0.000	0.151	0.000	0.000	97.787	0.016	30.166	7.385	5.162	0.000	0.162	0.491	0.000	9.979	0.000	0.189
0.000	0.018	0.000	0.034	92.697	0.037	39.180	8.885	2.235	0.000	1.031	0.200	0.089	7.578	0.046	0.171
0.000	0.062	0.000	0.029	137.032	0.000	14.248	4.372	5.042	0.000	2.561	0.125	0.000	7.787	0.058	0.283
0.000	0.139	0.000	0.000	99.498	0.017	17.737	3.550	5.584	0.000	0.347	0.151	0.084	6.586	0.043	0.390
0.000	0.361	0.000	0.100	112.870	0.018	18.795	4.129	7.950	0.076	1.556	0.169	0.000	7.230	0.000	0.419
0.000	0.000	0.000	0.000	84.917	0.000	27.760	3.862	4.862	0.000	5.688	0.086	0.000	10.733	0.102	0.173
0.000	0.108	0.000	0.067	100.382	0.072	28.431	3.928	4.030	0.000	0.245	0.127	0.000	7.983	0.044	0.262
0.000	0.108	0.000	0.099	83.756	0.000	21.461	4.633	6.161	0.000	0.845	0.420	0.000	9.921	0.268	0.155
0.000	0.108	0.000	0.167	92.571	0.018	21.220	5.938	2.298	0.000	0.221	0.350	0.000	7.766	0.067	0.165
0.000	0.193	0.000	0.027	87.665	0.015	21.366	5.802	5.277	0.000	0.759	0.109	0.000	9.170	0.018	0.320
0.000	0.016	0.042	0.086	82.340	0.000	19.974	3.313	3.486	0.000	1.014	0.312	0.000	7.192	0.039	3.004
0.000	0.023	0.000	0.000	86.111	0.000	17.321	4.866	4.866	0.000	0.254	0.266	0.000	9.579	0.157	0.138
0.000	0.070	0.000	0.032	78.869	0.035	19.928	5.677	8.950	0.000	0.237	0.082	0.000	7.217	0.043	0.081
0.000	0.294	0.000	0.000	152.633	0.111	21.765	3.624	12.352	0.000	1.034	0.197	0.000	8.539	0.000	0.291
0.000	0.050	0.000	0.031	126.531	0.033	20.747	3.914	7.631	0.000	4.193	0.145	0.000	7.699	0.124	0.024
0.000	0.223	0.043	0.059	79.797	0.000	34.200	2.270	2.801	0.000	6.378	0.395	0.000	8.040	0.059	0.718
0.000	0.048	0.000	0.059	100.899	0.016	24.807	3.864	1.211	0.000	0.303	0.351	0.000	12.185	0.000	0.089
0.000	0.310	0.040	0.000	113.298	0.038	33.237	4.833	5.383	0.000	0.292	0.343	0.000	11.447	0.000	0.637
0.000	0.157	0.052	0.072	118.754	0.020	29.068	4.109	6.557	0.000	0.231	0.210	0.000	10.626	0.000	0.591
0.025	0.039	0.000	0.072	117.249	0.020	30.013	6.218	9.871	0.000	2.360	0.196	0.000	10.075	0.097	0.063
0.000	0.379	0.000	0.000	124.466	0.000	21.962	3.841	17.942	0.000	4.519	0.077	0.000	8.037	0.041	0.320
0.000	0.091	0.000	0.101	142.429	0.055	12.156	5.230	2.348	0.076	0.271	0.219	0.000	11.400	0.000	0.290
0.000	0.076	0.000	0.144	136.946	0.076	25.997	3.217	4.729	0.000	1.227	0.261	0.000	11.228	0.039	0.249
0.000	0.099	0.000	0.184	129.906	0.033	30.599	8.853	2.586	0.000	2.443	0.222	0.000	11.139	0.021	0.721
0.000	0.210	0.000	0.000	82.893	0.032	33.629	3.702	2.711	0.000	0.301	0.282	0.000	7.182	0.040	0.195
0.000	0.000	0.000	0.263	65.080	0.018	19.627	5.744	1.787	0.000	1.784	0.322	0.000	24.475	0.044	0.061
0.000	0.036	0.000	0.133	86.144	0.000	31.851	2.329	4.419	0.000	0.229	0.254	0.000	8.975	0.000	0.557
0.000	0.141	0.000	0.029	137.185	0.063	23.402	5.180	5.830	0.000	1.254	0.105	0.000	10.862	0.009	0.351
0.000	0.040	0.000	0.067	92.349	0.074	18.801	3.928	4.030	0.000	0.188	0.368	0.143	8.752	0.000	0.469
0.000	0.119	0.000	0.027	138.299	0.060	25.634	5.267	7.224	0.000	0.464	0.219	0.000	9.505	0.000	0.184
0.000	0.463	0.000	0.000	104.303	0.016	17.191	4.511	8.829	0.000	2.894	0.331	0.000	6.140	0.000	0.883
0.000	0.081	0.000	0.030	148.542	0.033	37.511	6.234	5.069	0.000	5.981	0.218	0.000	13.698	0.000	0.155
0.000	0.144	0.000	0.027	129.005	0.043	23.660	4.007	5.513	0.000	0.313	0.115	0.000	8.039	0.018	0.330
0.000	0.053	0.000	0.000	137.630	0.000	38.724	4.572	6.323	0.000	0.372	0.202	0.000	10.564	0.000	0.269
0.000	0.069	0.000	0.255	97.740	0.069	31.749	2.920	3.097	0.000	0.344	0.185	0.000	16.571	0.000	0.136
0.000	0.068	0.000	0.095	101.523	0.034	15.286	4.793	9.995	0.000	0.109	0.321	0.000	6.954	0.043	0.154
0.000	0.162	0.000	0.179	76.677	0.000	31.916	7.031	3.748	0.000	0.689	0.238	0.000	13.929	0.020	0.855
0.000	0.096	0.000	0.000	135.353	0.065	21.595	3.258	6.168	0.000	1.137	0.129	0.000	8.739	0.040	1.664
0.000	0.000	0.000	0.028	137.717	0.030	31.580	6.046	1.187	0.000	7.132	0.191	0.000	11.986	0.037	0.024
0.000	0.095	0.000	0.000	142.598	0.038	33.237	4.833	5.383	0.000	0.292	0.343	0.000	9.293	0.100	0.000
0.000	0.028	0.000	0.254	102.488	0.055	35.717	6.193	2.206	0.000	1.671	0.240	0.000	10.084	0.034	0.069
0.000	0.100	0.000	0.132	127.884	0.014	16.816	4.565	2.098	0.000	0.195	0.355	0.000	7.226	0.018	0.062
0.000	0.046	0.000	0.227	91.675	0.015	21.432	2.488	1.905	0.000	1.891	0.185	0.000	8.537	0.038	0.615
0.000	0.068	0.000	0.000	156.745	0.034	32.707	4.729	2.415	0.000	4.220	0.115	0.000	11.601	0.000	0.867
0.000	0.121	0.000	0.000	71.821	0.000	25.997	3.217	4.729	0.000	1.227	0.261	0.000	11.228	0.039	0.249
0.000	0.109	0.000	0.000	160.825	0.000	48.312	5.523	2.290	0.000	0.219	0.121	0.000	8.601	0.000	0.623
0.000	0.101	0.000	0.000	100.704	0.000	25.543	7.748	0.835	0.000	0.611	0.242	0.000	10.925	0.000	0.683
0.000	0.107	0.000	0.049	109.899	0.054	23.445	6.038	0.493	0.000	0.061	0.197	0.000	11.688	0.067	0.178
0.000	0.021	0.000	0.000	137.267	0.042	31.243	7.551	0.632	0.000	1.618	0.198	0.103	9.518	0.026	0.915
0.020	0.077	0.041	0.028	113.693	0.031	25.094	5.141	11.755	0.000	2.665	0.113	0.000	8.696	0.000	0.155
0.000	0.085	0.000	0.000	89.727	0.025	34.169	6.782	4.862	0.000	0.332	0.33				

ENSG0000018787	ENSG00000227018	ENSG00000243364	ENSG00000104863	ENSG00000177465	ENSG00000136715	ENSG00000226854	ENSG00000254203	ENSG00000299886	ENSG00000184847	ENSG00000112081	ENSG00000145198	ENSG00000222004	ENSG00000263958	ENSG00000259378	ENSG00000234272
0.000	0.121	1.548	3.290	0.616	7.901	0.000	0.000	0.000	0.029	24.645	0.574	0.000	3.847	1.378	0.000
0.000	0.083	4.965	4.141	0.517	5.423	0.000	0.000	0.000	0.435	34.836	0.268	0.000	0.079	0.628	0.072
0.000	0.018	2.951	3.846	0.634	11.316	0.000	0.000	0.000	0.076	67.323	0.562	0.000	50.017	0.707	0.000
0.000	0.021	2.167	5.616	0.422	9.869	0.000	0.000	0.000	0.093	47.533	0.544	0.021	0.119	2.194	0.000
0.000	0.003	3.270	2.000	1.679	6.453	0.000	0.000	0.000	0.144	23.353	0.247	0.018	0.000	0.000	0.000
0.000	0.073	1.447	3.556	0.625	12.651	0.000	0.000	0.000	0.255	140.062	0.673	0.009	3.458	1.632	0.152
0.000	0.021	5.836	3.402	0.791	9.082	0.000	0.000	0.000	0.514	32.597	0.088	0.010	0.000	0.877	0.144
0.000	0.065	2.937	5.855	1.401	5.710	0.000	0.000	0.000	0.091	23.881	1.644	0.000	0.915	2.694	0.382
0.000	0.101	2.825	4.452	0.902	5.307	0.000	0.000	0.000	0.015	40.993	0.376	0.013	16.633	3.113	0.000
0.000	0.000	4.496	3.666	1.866	5.024	0.000	0.000	0.000	0.131	30.180	0.196	0.037	0.280	1.040	0.257
0.000	0.090	4.201	1.745	5.815	10.167	0.000	0.000	0.000	0.144	23.452	0.247	0.018	0.756	1.762	0.000
0.000	0.093	1.655	3.957	0.660	11.295	0.000	0.000	0.000	0.017	31.309	1.350	0.019	0.890	1.587	0.261
0.000	0.058	3.400	5.101	0.374	9.551	0.000	0.000	0.000	0.034	34.155	0.421	0.000	0.000	4.600	0.135
0.000	0.090	2.570	5.346	0.427	11.298	0.000	0.000	0.000	0.011	30.596	0.867	0.018	0.172	4.412	0.000
0.000	0.160	2.653	3.077	1.453	9.269	0.000	0.000	0.000	0.119	28.830	1.763	0.000	0.765	5.037	0.281
0.000	0.126	2.776	1.634	0.653	7.544	0.000	0.000	0.000	0.043	16.723	0.700	0.006	0.004	0.620	0.000
0.000	0.062	1.906	5.205	1.457	10.994	0.000	0.000	0.000	0.092	43.922	0.708	0.010	0.000	1.852	0.000
0.000	0.000	3.482	11.440	0.628	5.574	0.000	0.000	0.000	0.022	63.428	0.396	0.000	7.906	8.444	0.000
0.000	0.019	6.708	4.593	0.559	6.770	0.000	0.000	0.000	0.011	23.033	0.310	0.000	0.143	5.171	0.000
0.000	0.080	5.115	3.219	0.459	10.313	0.017	0.000	0.000	0.000	28.520	0.288	0.030	0.000	1.951	0.070
0.000	0.043	5.487	10.394	1.522	4.471	0.000	0.000	0.133	0.019	55.129	0.711	0.000	1.918	3.900	0.000
0.000	0.110	1.108	5.179	0.754	16.167	0.000	0.000	0.000	0.046	28.072	3.087	0.011	5.611	0.269	0.155
0.000	0.022	2.214	6.580	0.951	6.700	0.018	0.000	0.000	0.170	56.756	0.972	0.022	0.371	2.455	0.000
0.000	0.037	4.093	3.269	0.460	8.972	0.000	0.000	0.000	0.812	28.663	0.157	0.000	0.035	0.037	0.000
0.000	0.082	3.500	4.912	0.689	7.886	0.000	0.074	0.000	0.079	33.191	0.342	0.010	0.117	1.451	0.000
0.000	0.043	2.592	3.784	0.263	11.700	0.000	0.000	0.000	0.044	30.708	0.549	0.084	5.887	0.905	0.149
0.000	0.048	8.523	4.504	0.770	7.867	0.000	0.000	0.000	0.079	27.602	0.300	0.012	2.709	2.535	0.169
0.000	0.000	1.676	4.921	0.603	9.567	0.000	0.000	0.000	0.031	39.311	0.355	0.000	0.298	0.282	0.148
0.000	0.042	4.495	10.009	0.583	7.444	0.000	0.000	0.000	0.106	30.943	1.006	0.021	0.081	3.976	0.000
0.000	0.021	2.448	11.251	0.787	8.877	0.018	0.000	0.000	0.013	45.390	1.204	0.000	0.243	3.010	0.000
0.000	0.017	4.113	3.592	0.746	8.921	0.014	0.000	0.000	0.021	44.222	0.871	0.026	9.561	4.102	0.000
0.000	0.018	2.996	5.009	0.300	9.378	0.000	0.000	0.000	0.016	30.714	0.673	0.000	0.070	1.594	0.000
0.000	0.021	4.985	10.568	1.341	6.785	0.000	0.000	0.000	0.158	47.424	1.877	0.043	2.843	2.548	0.000
0.000	0.020	4.005	5.163	0.460	6.874	0.000	0.000	0.000	0.030	28.798	0.171	0.021	3.445	1.330	0.072
0.000	0.433	2.761	0.856	0.635	9.601	0.000	0.000	0.000	0.000	39.242	0.223	0.000	0.083	0.790	0.152
0.000	0.118	5.352	2.316	1.219	6.667	0.000	0.000	0.000	0.029	29.035	0.621	0.000	0.487	3.220	0.069
0.000	0.243	4.431	4.325	1.229	11.897	0.000	0.000	0.000	0.072	24.063	1.417	0.075	0.393	3.152	0.066
0.000	0.075	4.833	4.690	0.630	12.732	0.000	0.000	0.000	0.022	39.777	0.186	0.038	3.322	1.327	0.131
0.000	0.112	3.603	5.166	0.684	9.403	0.000	0.000	0.000	0.053	47.432	0.622	0.011	0.315	3.664	0.000
0.000	0.069	1.712	3.970	0.388	10.489	0.000	0.000	0.000	0.007	49.855	0.095	0.000	7.000	1.122	0.000
0.000	0.138	2.500	2.869	0.366	8.067	0.000	0.000	0.000	0.075	21.789	1.413	0.012	0.701	1.349	0.000
0.000	0.194	3.381	2.977	0.711	7.957	0.000	0.000	0.000	0.006	31.722	0.645	0.000	0.592	2.201	0.000
0.000	0.085	1.671	3.785	0.700	10.074	0.000	0.000	0.000	0.008	46.727	0.620	0.000	0.407	0.303	0.075
0.000	0.110	3.105	2.951	0.591	9.505	0.000	0.000	0.000	0.011	42.406	0.717	0.016	0.210	0.631	0.000
0.000	0.117	2.584	5.505	0.674	10.543	0.000	0.000	0.000	0.116	42.968	1.278	0.010	0.037	0.475	0.137
0.021	0.152	6.361	3.199	0.797	9.568	0.000	0.000	0.000	0.294	31.455	0.467	0.000	0.509	6.520	0.000
0.000	0.042	23.571	4.218	0.262	20.159	0.000	0.000	0.000	0.012	42.755	0.354	0.053	0.040	0.765	0.147
0.000	0.127	1.730	3.615	0.522	10.203	0.035	0.000	0.000	0.025	41.761	0.849	0.011	10.450	1.978	0.074
0.000	0.110	4.499	3.616	0.071	11.854	0.000	0.000	0.000	0.044	44.239	0.442	0.000	1.756	0.932	0.129
0.000	0.069	3.407	4.941	1.057	5.589	0.000	0.000	0.000	0.031	29.542	0.355	0.000	0.298	0.282	0.000
0.000	0.070	1.608	13.604	2.511	7.534	0.000	0.000	0.000	0.088	40.664	3.391	0.000	4.736	1.806	0.000
0.000	0.319	3.260	3.397	0.462	5.522	0.000	0.000	0.000	0.072	31.089	0.381	0.019	0.179	1.637	0.132
0.000	0.115	4.786	3.493	0.347	8.570	0.000	0.000	0.000	0.017	58.861	0.204	0.029	7.303	3.024	0.000
0.000	0.186	2.019	4.561	0.482	7.665	0.000	0.000	0.000	0.000	34.605	0.385	0.008	0.032	2.296	0.118
0.000	0.152	2.111	1.522	0.491	10.152	0.000	0.000	0.000	0.000	49.259	0.606	0.000	0.384	1.162	0.000
0.000	0.162	2.880	1.556	0.070	11.702	0.000	0.000	0.000	0.024	46.583	0.447	0.000	3.096	0.986	0.284
0.000	0.121	3.725	4.630	0.522	8.359	0.000	0.000	0.000	0.030	36.744	0.298	0.000	0.038	3.064	0.212
0.000	0.152	3.566	3.577	0.230	8.804	0.000	0.000	0.000	0.045	33.437	0.488	0.019	0.036	0.926	0.000
0.000	0.057	3.070	2.267	0.408	15.501	0.000	0.000	0.000	0.095	29.716	0.128	0.019	7.911	0.575	0.000
0.000	0.176	4.845	0.975	0.213	10.832	0.000	0.000	0.000	0.037	32.858	0.204	0.009	0.000	5.546	0.000
0.000	0.112	2.603	3.185	0.493	9.403	0.000	0.000	0.000	0.053	47.432	0.622	0.011	0.315	3.664	0.000
0.000	0.065	1.954	4.932	0.140	6.649	0.000	0.186	0.000	0.115	65.186	0.253	0.000	12.546	2.034	0.113
0.000	0.051	1.551	6.488	0.276	14.679	0.000	0.000	0.000	0.286	32.036	1.064	0.000	5.727	2.049	0.177
0.000	0.126	9.409	2.890	0.710	14.286	0.000	0.000	0.000	0.225	29.781	0.277	0.018	0.035	1.905	0.000
0.000	0.040	7.495	4.065	0.478	12.744	0.000	0.000	0.000	0.084	56.781	0.362	0.000	3.192	0.408	0.000
0.000	0.110	3.105	2.951	0.591	9.505	0.000	0.000	0.000	0.011	42.406	0.717	0.016	0.210	0.631	0.000
0.000	0.000	1.433	12.798	0.674	7.776	0.000	0.000	0.000	0.032	61.863	0.512	0.000	0.407	0.115	0.000
0.000	0.024	3.265	15.771	0.531	4.568	0.020	0.000	0.000	0.028	46.352	0.274	0.000	0.045	2.350	0.000
0.000	0.094	3.809	3.916	0.095	13.224	0.000	0.000	0.000	0.000	36.279	0.313	0.016	0.000	1.275	0.000
0.000	0.174	3.089	2.529	0.504	5.762	0.000	0.000	0.000	0.081	39.399	0.221	0.000	0.047	4.231	0.174
0.000	0.094	6.243	3.002	0.594	8.547	0.015	0.000	0.000	0.016	39.398	0.548	0.000	0.899	1.542	0.000
0.000	0.050	5.201	4.935	0.201	10.548	0.000	0.000	0.000	0.120	37.413	0.200	0.000	1.747	0.222	0.000
0.000	0.050	3.590	2.9												

ENGG0000238121	ENGG0000277515	ENGG0000271174	ENGG0000260886	ENGG0000281000	ENGG0000221087	ENGG0000254308	ENGG0000256533	ENGG000016514	ENGG0000206852	ENGG0000165474	ENGG0000100505	ENGG0000137440	ENGG0000267315	ENGG0000192227	ENGG0000229614
0.087	0.000	0.000	0.018	0.000	0.059	0.000	0.000	11.019	0.000	27.972	26.648	0.000	0.000	0.738	0.520
0.042	0.000	0.000	0.265	0.000	0.404	0.000	0.146	14.367	0.000	31.048	3.611	0.000	0.240	1.835	1.011
0.024	0.000	0.000	0.139	0.000	0.090	0.000	0.000	14.266	0.000	0.286	19.764	0.000	0.000	1.703	1.012
0.091	0.000	0.000	0.042	0.000	0.080	0.000	0.147	13.202	0.000	7.798	36.076	0.000	0.161	1.203	0.319
0.151	0.000	0.000	0.184	0.000	0.060	0.000	0.000	15.155	0.000	10.696	10.696	0.000	0.086	0.785	0.496
0.070	0.000	0.000	0.028	0.000	0.275	0.000	0.065	15.226	0.000	0.453	26.647	0.000	0.000	3.311	0.224
0.360	0.000	0.000	0.041	0.000	0.144	0.000	0.073	27.768	0.000	11.491	9.072	0.015	0.160	2.309	0.189
0.101	0.000	0.000	0.055	0.000	0.867	0.000	0.000	13.057	0.000	1.565	12.278	0.000	0.000	2.103	0.467
0.103	0.000	0.000	0.038	0.000	0.378	0.000	0.089	10.475	0.000	31.075	12.641	0.000	0.098	3.829	0.308
0.132	0.000	0.000	0.074	0.000	0.537	0.000	0.000	14.772	0.000	6.435	5.045	0.000	0.000	0.977	0.449
0.222	0.000	0.000	0.075	0.000	0.748	0.000	0.318	13.661	0.000	14.328	8.403	0.000	0.209	4.768	0.165
0.273	0.000	0.000	0.028	0.000	0.260	0.000	0.132	16.341	0.000	1.793	38.883	0.014	0.072	3.634	0.228
0.044	0.000	0.000	0.019	0.000	0.101	0.000	0.000	12.442	0.000	5.114	25.700	0.000	0.075	4.067	0.177
0.032	0.000	0.000	0.045	0.000	0.207	0.000	0.381	19.667	0.000	2.849	29.376	0.013	0.139	4.546	0.165
0.041	0.000	0.000	0.081	0.000	0.140	0.000	0.283	10.020	0.000	8.216	14.426	0.000	0.000	3.156	0.736
0.300	0.000	0.000	0.041	0.000	0.415	0.000	0.064	24.379	0.000	2.171	10.337	0.065	0.070	2.801	0.331
0.011	0.000	0.000	0.052	0.000	0.094	0.000	0.000	12.272	0.000	3.315	28.985	0.000	0.000	2.822	0.191
0.038	0.000	0.000	0.019	0.000	0.318	0.000	0.000	10.505	0.000	0.621	5.936	0.000	0.000	2.872	0.830
0.077	0.000	0.000	0.028	0.000	0.498	0.000	0.132	20.501	0.000	2.127	27.543	0.000	0.073	2.501	0.345
0.031	0.000	0.000	0.010	0.000	0.035	0.000	0.354	21.791	0.198	0.590	42.396	0.000	0.078	1.789	0.246
0.038	0.000	0.000	0.124	0.000	5.516	0.000	0.075	13.611	0.000	0.557	7.202	0.000	0.249	2.274	0.854
0.045	0.000	0.000	0.039	0.000	0.370	0.000	0.156	13.000	0.000	0.982	21.507	0.000	0.171	3.908	0.135
0.061	0.000	0.000	0.043	0.000	0.264	0.000	0.229	10.492	0.214	3.283	11.527	0.000	0.000	1.686	0.595
0.071	0.000	0.000	0.333	0.000	0.122	0.000	0.000	15.599	0.000	53.050	4.593	0.000	0.142	0.268	0.394
0.047	0.000	0.000	0.242	0.000	0.264	0.000	0.072	17.695	0.000	2.577	16.694	0.000	0.159	3.344	0.626
0.071	0.000	0.000	0.005	0.000	0.111	0.000	0.075	16.862	0.000	7.557	15.398	0.000	0.165	3.160	0.130
0.142	0.000	0.000	0.073	0.000	0.218	0.000	0.065	14.073	0.000	16.860	9.095	0.000	0.066	2.994	0.442
0.033	0.000	0.000	0.053	0.000	0.813	0.000	0.000	14.464	0.000	4.127	21.049	0.000	0.154	2.635	0.167
0.087	0.000	0.000	0.032	0.181	0.464	0.000	1.190	8.181	0.000	1.931	27.560	0.000	0.000	6.757	0.387
0.011	0.000	0.000	0.059	0.000	0.237	0.000	0.374	10.001	0.000	0.312	27.348	0.016	0.000	6.122	0.195
0.040	0.000	0.000	0.070	0.000	2.358	0.000	0.062	13.808	0.000	1.999	15.261	0.000	0.088	5.545	0.588
0.033	0.000	0.000	0.018	0.000	0.070	0.000	0.000	16.077	0.000	0.591	16.820	0.000	0.425	3.373	0.448
0.071	0.000	0.000	0.102	0.000	0.094	0.000	0.075	12.615	0.000	17.338	9.822	0.000	0.070	2.364	0.329
0.063	0.000	0.000	0.052	0.000	0.365	0.000	0.289	16.723	0.000	1.731	8.221	0.000	0.159	3.353	0.063
0.133	0.000	0.000	0.022	0.000	0.091	0.000	0.000	15.020	0.000	1.874	14.895	0.000	0.168	0.962	0.663
0.055	0.000	0.000	0.123	0.000	0.883	0.000	0.000	15.676	0.000	6.073	24.576	0.000	0.228	4.148	0.240
0.072	0.000	0.000	0.184	0.000	0.517	0.000	0.463	8.957	0.000	4.273	46.615	0.000	0.218	4.639	0.172
0.182	0.000	0.000	0.075	0.000	0.346	0.000	0.065	22.707	0.000	0.102	24.182	0.000	0.073	4.705	0.057
0.017	0.000	0.000	0.034	0.000	0.397	0.000	0.079	14.481	0.000	2.860	28.827	0.000	0.286	3.631	0.271
0.071	0.000	0.000	0.041	0.000	0.161	0.000	0.325	8.557	0.000	8.952	60.723	0.017	0.179	1.479	0.282
0.124	0.000	0.000	0.064	0.000	0.224	0.000	0.162	12.037	0.000	11.392	19.851	0.000	0.000	3.999	0.421
0.045	0.000	0.000	0.015	0.000	0.582	0.000	0.088	9.696	0.000	6.704	39.128	0.015	0.075	3.888	0.119
0.049	0.000	0.000	0.011	0.000	0.216	0.000	0.075	11.978	0.000	0.206	36.799	0.000	0.000	1.430	0.131
0.020	0.000	0.000	0.065	0.000	0.220	0.000	0.065	19.284	0.000	4.100	49.368	0.000	0.071	2.284	0.168
0.080	0.000	0.000	0.069	0.000	0.109	0.000	0.680	12.785	0.000	6.559	45.061	0.000	0.303	3.848	0.299
0.078	0.000	0.000	0.168	0.000	1.243	0.000	0.000	20.708	0.000	0.248	33.789	0.000	0.074	2.454	0.233
0.113	0.000	0.000	0.053	0.000	0.037	0.000	0.830	0.000	0.211	2.418	0.000	0.000	0.325	0.479	0.963
0.033	0.091	0.000	0.032	0.000	0.141	0.000	0.075	12.090	0.000	1.337	33.713	0.000	0.000	2.290	0.455
0.009	0.000	0.000	0.014	0.000	0.328	0.000	0.065	23.059	0.000	1.229	20.036	0.000	0.214	2.336	0.225
0.067	0.000	0.000	0.114	0.000	0.397	0.000	0.000	13.808	0.000	6.443	9.962	0.000	0.286	4.798	0.282
0.094	0.000	0.000	0.106	0.000	1.165	0.000	0.062	14.111	0.000	1.945	8.952	0.000	0.135	3.921	0.588
0.135	0.000	0.000	0.005	0.000	0.177	0.000	0.066	17.550	0.000	8.758	23.827	0.000	0.073	1.443	0.518
0.162	0.000	0.000	0.048	0.000	0.147	0.000	0.000	16.697	0.000	3.856	25.123	0.000	0.074	2.994	0.468
0.065	0.000	0.000	0.013	0.000	0.130	0.000	0.000	16.758	0.000	3.359	31.037	0.000	0.086	3.499	0.155
0.106	0.000	0.000	0.157	0.000	0.708	0.000	0.000	16.822	0.000	1.708	15.718	0.000	0.000	1.364	0.355
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.085	0.331	0.000	9.027	0.000	0.715	33.797	0.000	0.000	1.848	0.993
0.062	0.000	0.000	0.046	0.000	0.091	0.000	0.355	9.652	0.000	2.167	38.694	0.015	0.156	2.201	0.432
0.039	0.000	0.000	0.048	0.000	0.086	0.000	0.202	13.866	0.000	1.528	22.488	0.029	0.221	3.162	0.292
0.024	0.000	0.000	0.029	0.000	0.905	0.000	0.000	11.220	0.000	0.493	32.029	0.014	0.073	2.205	0.290
0.127	0.000	0.000	0.013	0.000	0.031	0.000	0.249	15.411	0.000	1.750	18.993	0.013	0.137	1.278	0.216
0.058	0.000	0.000	0.034	0.000	0.397	0.000	0.079	14.481	0.000	10.432	10.432	0.000	0.237	0.962	0.327
0.150	0.000	0.000	0.033	0.000	0.904	0.000	0.114	9.825	0.000	0.666	14.334	0.000	0.251	1.614	1.189
0.000	0.072	0.000	0.025	0.000	0.341	0.000	0.059	9.808	0.000	2.669	39.583	0.013	0.000	2.815	0.258
0.107	0.000	0.000	0.046	0.000	1.028	0.000	0.191	17.852	0.000	1.420	25.035	0.000	0.070	6.030	0.443
0.052	0.000	0.000	0.010	0.000	0.239	0.000	0.000	10.287	0.000	4.273	14.419	0.000	0.078	1.791	0.432
0.020	0.000	0.000	0.065	0.000	0.220	0.000	0.065	19.284	0.000	4.100	49.368	0.000	0.071	2.284	0.168
0.046	0.000	0.000	0.063	0.000	0.471	0.000	0.000	14.468	0.000	0.750	34.401	0.000	0.138	2.254	0.326
0.030	0.000	0.000	0.012	0.000	0.083	0.000	0.083	9.958	0.000	0.616	31.477	0.000	0.092	2.502	0.507
0.065	0.000	0.000	0.024	0.000	0.000	0.000	0.222	25.094	0.000	0.119	40.354	0.000	0.000	1.458	0.385
0.038	0.000	0.000	0.006	0.000	1.241	0.000	0.000	12.183	0.000	0.261	13.349	0.000	0.000	4.277	0.457
0.019	0.000	0.000	0.027	0.000	0.171	0.000	0.000	16.159	0.000	1.195	32.574	0.000	0.070	1.282	0.277
0.160	0.000	0.000	0.065	0.000	0.065	0.000	0.000	12.615	0.000	1.821	9.822	0.000	0.142	3.603	0.254
0.038	0.000	0.000													

ENSG0000011989	ENSG0000023675	ENSG0000019940	ENSG0000019824	ENSG00000259162	ENSG00000127688	ENSG00000063372	ENSG00000083814	ENSG00000182021	ENSG00000229688	ENSG0000014324	ENSG00000099905	ENSG00000149343	ENSG00000160151	ENSG00000267170	ENSG00000198218	
0.175	0.000	0.000	6.596	0.171	0.327	13.550	3.497	0.029	0.000	8.821	4.554	4.081	0.994	0.226	11.850	
2.476	0.000	0.000	3.825	0.000	0.150	31.385	1.799	0.013	0.000	4.329	3.038	6.396	2.451	0.192	9.390	
1.014	0.000	0.000	6.737	0.130	0.078	33.604	5.870	0.041	0.000	3.359	3.751	8.158	6.529	0.128	15.838	
0.250	0.000	0.000	4.211	0.184	0.345	24.594	7.569	0.013	0.000	6.981	5.809	7.939	1.056	0.242	14.732	
2.055	0.000	0.000	4.226	0.010	0.076	16.851	4.266	0.128	0.000	2.455	6.125	6.565	0.251	0.056	6.795	
0.827	0.000	0.168	6.715	0.953	1.384	18.682	8.080	0.033	0.000	12.507	8.896	8.045	1.194	0.170	19.063	
2.471	0.000	0.000	4.918	0.018	0.107	18.732	2.694	0.012	0.000	6.339	6.487	6.505	1.090	0.144	11.744	
1.045	0.000	0.000	2.935	0.192	1.693	13.839	2.944	0.009	0.000	3.408	2.445	7.138	0.631	0.304	9.510	
0.000	0.000	0.000	3.819	0.378	0.365	21.886	3.743	0.010	0.000	4.225	3.795	9.095	1.528	0.176	12.380	
36.679	0.000	0.000	3.313	0.032	0.000	10.781	2.877	0.000	0.000	3.089	2.285	6.886	1.325	0.853	9.811	
2.419	0.000	0.000	3.048	0.048	0.037	17.365	3.145	0.025	0.000	3.821	4.942	7.879	2.023	0.202	12.368	
0.179	0.000	0.000	5.332	0.008	0.695	15.933	4.977	0.079	0.000	9.251	5.969	6.162	1.286	0.174	15.790	
0.323	0.000	0.000	5.263	0.017	0.339	18.366	5.713	0.008	0.000	8.497	5.179	7.994	0.461	0.000	14.795	
0.433	0.000	0.000	7.257	0.032	0.447	14.856	8.038	0.010	0.000	8.429	7.441	6.510	1.553	0.042	15.191	
0.577	0.000	0.000	7.586	0.035	0.997	12.589	4.026	0.016	0.021	6.077	2.232	5.125	1.375	0.746	11.889	
2.117	0.000	0.000	3.528	0.040	0.000	5.965	3.669	0.008	0.000	6.099	5.577	5.435	0.747	0.042	11.918	
0.000	0.000	0.000	6.570	0.110	0.237	23.795	6.152	0.008	0.000	5.982	4.274	6.139	0.048	0.283	15.569	
1.124	0.068	0.000	3.694	0.239	0.179	56.808	6.518	0.020	0.000	2.838	1.214	8.995	0.691	0.230	9.085	
0.045	0.000	0.000	2.321	0.033	0.155	21.509	4.229	0.008	0.052	5.364	3.772	5.748	1.131	0.175	13.810	
0.000	0.000	0.000	6.697	0.000	0.145	26.507	4.567	0.008	0.000	6.027	4.953	6.275	1.024	0.093	13.707	
0.103	0.000	0.000	2.114	0.170	0.598	40.221	3.881	0.000	0.000	2.492	1.297	9.382	1.585	0.199	9.167	
0.106	0.000	0.000	6.737	0.078	2.908	16.111	5.398	0.004	0.061	9.107	9.891	7.117	0.656	0.033	19.314	
11.913	0.000	0.000	4.556	0.000	0.410	12.75	24.283	4.357	0.004	0.000	2.587	3.806	8.382	0.705	0.251	11.509
0.705	0.000	0.000	4.725	0.000	0.000	26.758	2.190	0.048	0.000	4.720	3.171	7.706	0.623	0.385	10.867	
0.196	0.000	0.000	4.901	0.009	0.275	17.828	4.534	0.000	0.000	6.890	3.388	5.844	1.033	0.095	12.171	
0.000	0.000	0.000	4.702	0.009	0.815	19.690	4.002	0.013	0.000	7.245	6.299	6.585	1.690	0.099	15.380	
11.366	0.000	0.000	3.884	0.011	0.150	16.144	3.777	0.005	0.000	6.194	6.339	6.044	0.348	0.000	14.424	
6.203	0.000	0.000	7.940	0.000	0.395	4.498	4.498	0.017	0.000	44.020	8.565	4.984	0.883	0.483	17.705	
0.708	0.000	0.000	6.052	0.102	0.175	22.424	7.689	0.021	0.349	7.229	7.137	6.605	1.112	0.049	11.961	
0.000	0.000	0.000	5.939	0.009	0.571	31.350	5.290	0.030	0.000	7.024	5.359	5.874	1.267	0.148	13.265	
0.044	0.000	0.000	8.960	0.039	0.018	15.198	2.362	0.007	0.000	4.756	3.063	6.652	1.043	0.000	7.541	
0.044	0.000	0.000	5.630	0.016	0.303	14.387	6.175	0.004	0.000	11.322	8.073	7.193	1.096	0.213	16.041	
9.952	0.000	0.000	6.260	0.357	0.237	23.795	6.152	0.008	0.000	5.565	2.143	6.853	0.247	0.000	15.207	
1.476	0.000	0.000	5.044	0.072	0.054	17.852	4.522	0.000	0.056	4.345	4.842	5.984	1.558	0.143	11.826	
0.208	0.000	0.000	3.573	0.076	0.045	19.978	4.925	0.000	0.000	7.283	6.663	7.986	0.907	0.926	8.992	
0.000	0.000	0.000	4.260	0.130	0.305	18.786	4.767	0.000	0.054	7.903	3.405	7.469	2.000	0.183	13.433	
2.562	0.000	0.000	2.921	0.347	0.699	13.069	3.893	0.011	0.000	16.745	16.138	4.127	1.399	0.174	20.843	
59.467	0.000	0.000	4.705	0.165	0.407	23.414	6.027	0.008	0.052	11.863	5.895	6.254	0.687	0.000	19.564	
0.161	0.000	0.000	7.940	0.046	0.395	18.442	4.877	0.023	0.062	6.045	5.912	7.402	0.889	0.152	15.413	
0.168	0.000	0.000	4.344	0.097	0.693	22.335	4.979	0.000	0.000	9.174	8.751	10.155	1.425	0.161	18.774	
0.055	0.000	0.000	6.716	0.344	0.309	15.360	2.550	0.005	0.000	8.748	7.332	7.485	2.349	0.160	13.736	
0.000	0.000	0.000	4.747	0.000	0.261	22.881	3.997	0.012	0.000	6.501	6.202	7.292	2.210	0.045	14.583	
0.000	0.000	0.000	4.130	0.019	0.354	20.689	6.264	0.069	0.000	12.348	5.996	8.247	0.925	0.149	16.371	
0.044	0.000	0.000	6.067	0.067	0.266	14.153	4.975	0.007	0.000	10.046	8.925	6.225	1.968	0.000	15.871	
7.702	0.000	0.000	4.754	0.017	0.647	21.569	8.890	0.047	0.000	16.710	10.144	8.642	1.051	0.136	18.809	
0.137	0.000	0.000	2.979	0.092	0.256	18.836	3.819	0.027	0.000	10.545	7.417	6.205	1.485	0.044	16.513	
0.050	0.056	0.000	5.920	0.000	0.087	30.141	2.063	0.000	0.000	13.060	9.413	8.229	0.131	0.098	18.713	
0.051	0.000	0.000	5.843	0.893	0.593	22.195	4.097	0.004	0.000	9.456	7.377	4.507	0.935	0.099	17.947	
21.005	0.000	0.000	5.589	0.138	0.248	23.696	6.914	0.026	0.000	6.434	6.403	8.489	0.000	0.000	17.094	
6.167	0.000	0.000	2.661	0.000	0.388	18.442	2.357	0.000	0.000	10.388	10.387	6.138	0.686	0.283	12.112	
1.844	0.000	0.000	5.405	0.131	2.950	25.232	4.145	0.014	0.000	4.591	3.614	6.834	0.818	0.732	13.784	
1.126	0.050	0.000	3.504	0.033	0.058	22.393	2.944	0.019	0.000	5.668	2.629	6.895	2.120	0.306	10.809	
2.202	0.000	0.000	7.652	0.228	0.159	24.743	4.814	0.000	0.000	4.887	3.420	6.892	1.266	0.312	15.148	
0.284	0.000	0.000	5.492	0.000	0.088	20.311	5.967	0.041	0.000	7.464	5.541	6.518	2.179	0.157	12.015	
0.000	0.000	0.000	4.225	0.014	0.065	14.465	7.768	0.000	0.000	5.455	4.768	5.573	1.768	0.202	16.874	
0.000	0.000	0.000	3.198	0.107	0.168	23.670	2.785	0.033	0.223	10.165	4.586	5.878	1.226	0.755	16.862	
0.193	0.000	0.000	4.879	0.053	0.063	25.542	3.938	0.004	0.000	8.329	5.663	8.008	1.275	0.469	13.164	
0.137	0.000	0.000	2.732	0.034	1.874	27.568	4.452	0.050	0.000	8.572	6.385	4.970	1.064	0.266	16.936	
0.091	0.000	0.000	5.338	0.050	0.137	16.392	3.031	0.004	0.000	7.214	5.892	6.485	2.104	0.396	14.246	
0.212	0.000	0.000	5.092	0.234	0.201	11.301	2.594	0.004	0.000	7.941	4.887	7.836	2.370	0.247	9.020	
0.000	0.000	0.000	4.565	0.325	0.717	22.553	4.877	0.023	0.062	6.045	5.912	7.402	0.889	0.152	15.413	
7.998	0.000	0.000	6.343	0.014	0.067	39.270	4.307	0.111	0.089	5.479	3.529	7.005	1.400	0.226	14.260	
0.000	0.000	0.155	6.221	0.060	0.227	20.305	4.816	0.031	0.000	6.884	7.055	9.562	0.721	0.235	17.034	
0.824	0.048	0.000	4.045	0.008	0.094	19.011	4.037	0.040	0.000	10.710	6.490	4.853	1.483	0.084	15.355	
0.000	0.000	0.000	5.682	0.068	0.271	27.338	3.924	0.000	0.000	7.536	4.410	10.425	1.631	0.234	19.134	
0.000	0.000	0.000	4.244	0.000	0.163	14.734	6.264	0.000	0.000	10.046	8.925	6.225	1.968	0.000	15.871	
0.000	0.000	0.000	6.309	0.063	0.331	25.961	7.069	0.007	0.000	4.661	2.852	6.167	0.733	0.576	14.793	
0.114	0.000	0.000	3.273	0.021	0.000	33.384	8.142	0.010	0.000	3.998	1.516	8.167	0.916	0.220	8.586	
0.000	0.000	0.000	9.104	0.000	0.065	24.244	5.485	0.032	0.000	9.239	4.442	6.390	0.673	0.439	12.389	
0.417	0.000	0.000	3.633	0.000	0.000	57.486	2.353	0.005	0.068	3.251	1.544	6.577	0.467	0.521	6.823	
0.043	0.000	0.000	6.544	0.040	0.038	23.623	4.439	0.011	0.050	5.870	3.129	6.704	1.236	0.084	12.284	
6.819	0.000	0.000	4.000	0.000	0.000	29.888	3.218	0.000	0.000	2.704	6.710	6.959	0.710	0.372		

ENGG0000223636	ENGG0000234287	ENGG0000265849	ENGG0000272821	ENGG0000282609	ENGG0000318324	ENGG0000346876	ENGG0000379187	ENGG0000412188	ENGG00004479841	ENGG0000482618	ENGG00005163492	ENGG00005501625418	ENGG000058392107	ENGG0000617657		
0.000	5.047	0.051	0.214	0.000	0.000	10.043	0.060	0.077	0.503	0.028	0.042	13.721	0.043	0.216	16.627	
0.000	18.154	0.000	0.137	0.000	0.000	5.863	0.000	0.059	0.138	0.038	0.010	10.705	0.146	0.258	23.784	
0.000	19.538	0.038	0.446	0.000	0.000	5.313	0.038	0.041	0.289	0.053	0.084	15.761	0.032	0.229	21.248	
0.000	10.401	0.043	0.000	0.000	0.009	5.999	0.000	0.053	0.994	0.216	0.110	10.865	0.000	0.185	13.653	
0.000	10.410	0.000	0.000	0.000	0.000	7.415	0.000	0.065	0.103	0.048	0.027	6.676	0.122	0.243	20.413	
0.000	8.465	0.076	0.444	0.000	0.000	6.859	0.331	0.064	0.527	0.243	0.117	10.965	0.086	0.098	12.269	
0.000	8.895	0.000	0.773	0.000	0.045	6.963	0.034	0.315	0.033	0.048	0.039	8.716	0.036	0.698	25.793	
0.000	10.454	0.000	0.337	0.000	0.000	5.614	0.107	0.040	0.961	0.063	0.118	11.259	0.077	0.039	19.285	
0.000	16.107	0.157	0.722	0.000	0.028	6.719	0.021	0.024	0.804	0.189	0.066	12.286	0.178	0.718	26.983	
0.000	24.321	0.000	0.485	0.000	0.000	3.473	0.090	0.280	0.078	0.085	0.019	5.841	0.000	0.653	32.481	
0.000	9.792	0.000	0.146	0.000	0.000	12.234	0.354	0.028	0.339	0.109	0.042	0.033	9.314	0.032	0.417	27.650
0.000	7.751	0.039	0.329	1.056	0.021	6.178	0.038	0.475	0.504	0.065	0.036	11.858	0.066	0.498	15.248	
0.000	5.844	0.040	0.722	0.000	0.042	5.989	0.032	0.153	1.211	0.121	0.123	11.195	0.102	0.137	13.067	
0.000	6.113	0.037	0.397	0.000	0.000	9.719	0.096	0.040	0.305	0.031	0.050	11.289	0.190	0.385	14.371	
0.413	35.574	0.000	0.177	0.000	0.088	6.908	0.000	0.128	0.677	0.046	0.037	7.561	0.000	0.143	14.698	
0.000	7.343	0.075	0.278	0.000	0.000	8.145	0.074	0.465	0.106	0.042	0.050	4.503	0.000	0.225	13.889	
0.214	10.933	0.000	0.275	0.000	0.000	7.503	0.043	0.000	0.346	0.072	0.058	15.734	0.256	0.111	14.514	
0.000	14.980	0.051	0.544	0.000	0.027	3.296	0.000	0.016	0.100	0.057	0.015	11.397	0.000	0.351	26.265	
0.000	12.599	0.000	0.331	0.000	0.000	4.524	0.031	0.066	0.067	0.022	0.037	7.040	0.232	0.234	16.152	
0.000	5.692	0.000	0.354	0.000	0.000	9.088	0.033	0.026	0.008	0.046	0.054	11.945	0.318	0.107	14.032	
0.000	15.384	0.000	0.472	0.000	0.024	3.610	0.053	0.034	0.326	0.062	0.021	22.493	0.189	0.191	34.129	
0.000	7.156	0.046	0.146	0.000	0.000	12.234	0.354	0.028	0.365	0.051	0.127	7.784	0.039	0.039	11.841	
0.000	13.467	0.090	0.286	0.000	0.024	4.586	0.035	0.145	0.716	0.075	0.038	14.909	0.152	0.115	24.070	
0.000	8.666	0.000	0.486	0.000	0.000	4.766	0.015	0.100	0.048	0.000	0.008	13.494	0.032	0.033	26.369	
0.000	11.447	0.000	0.451	0.000	0.022	6.821	0.072	0.072	0.308	0.035	0.031	6.540	0.180	0.255	20.446	
0.000	5.101	0.088	0.375	0.000	0.000	8.361	0.061	0.054	1.448	0.098	0.059	11.869	0.000	0.872	12.717	
0.000	10.105	0.000	0.890	0.000	0.000	6.165	0.086	0.153	0.272	0.105	0.048	9.866	0.085	0.171	22.658	
0.000	20.437	0.000	0.467	0.000	0.008	8.253	0.057	0.104	0.214	0.048	0.048	9.702	0.234	0.302	23.254	
0.000	7.673	0.088	0.279	0.000	0.000	6.284	0.087	0.202	0.249	0.207	0.049	7.335	0.223	0.150	17.471	
0.000	15.095	0.000	0.328	0.000	0.000	4.085	0.157	0.183	0.259	0.061	0.067	10.831	0.262	0.189	22.409	
0.000	13.533	0.000	0.693	0.000	0.038	8.811	0.086	0.033	1.066	0.091	0.021	15.611	0.062	0.187	37.635	
0.000	7.895	0.076	0.202	0.000	0.000	6.140	0.113	0.035	0.137	0.063	0.012	14.011	0.129	0.065	13.174	
0.000	11.823	0.044	0.292	0.000	0.023	6.853	0.017	0.333	0.222	0.132	0.038	8.426	0.226	0.569	20.855	
0.000	11.395	0.085	1.403	0.000	0.045	6.053	0.051	0.235	0.129	0.071	0.007	8.585	0.072	0.256	21.993	
0.000	12.638	0.000	0.764	0.000	0.000	7.581	0.125	0.041	0.066	0.075	0.029	16.317	0.076	0.309	17.999	
0.000	7.293	0.062	1.125	0.000	0.043	6.972	0.081	0.081	0.757	0.034	0.054	9.881	0.138	0.454	18.159	
0.000	6.816	0.039	1.158	0.000	0.062	10.713	0.077	0.125	0.408	0.022	0.215	9.675	0.000	0.267	8.982	
0.000	7.480	0.000	0.626	0.000	0.041	7.474	0.046	0.644	0.124	0.119	0.111	11.222	0.036	0.367	16.068	
0.000	8.667	0.046	0.460	0.000	0.008	6.253	0.073	0.057	0.870	0.077	0.177	16.624	0.000	0.210	21.410	
0.000	8.085	0.000	0.407	0.000	0.000	5.374	0.057	0.059	0.474	0.160	0.053	12.224	0.244	0.123	14.806	
0.000	5.596	0.065	0.405	0.000	0.025	6.628	0.075	0.132	0.554	0.079	0.030	12.443	0.121	0.277	17.245	
0.000	5.970	0.000	0.984	0.000	0.085	7.905	0.032	0.037	0.196	0.067	0.036	15.540	0.088	0.772	18.206	
0.000	8.532	0.000	0.283	0.000	0.047	7.553	0.053	0.048	0.248	0.049	0.089	8.129	0.226	0.304	17.283	
0.000	9.672	0.076	0.566	0.000	0.029	7.233	0.060	0.105	0.222	0.065	0.067	10.704	0.067	0.294	19.276	
0.000	6.769	0.122	5.117	72.407	0.021	11.727	0.080	0.106	0.114	0.135	0.173	15.299	0.310	0.035	13.955	
0.000	4.947	0.158	0.630	0.000	0.000	7.453	0.070	0.085	0.326	0.022	0.340	7.804	0.034	0.102	12.808	
0.000	26.316	0.000	0.370	0.000	0.069	6.011	0.121	0.027	0.401	0.036	0.014	11.966	0.037	0.224	12.353	
0.000	9.754	0.088	0.047	0.000	0.000	8.008	0.096	0.041	0.868	0.061	0.062	8.573	0.075	0.151	19.683	
0.000	14.195	0.000	0.325	0.000	0.000	7.367	0.015	0.029	0.324	0.021	0.034	14.809	0.166	0.066	17.676	
0.000	8.723	0.036	0.460	0.000	0.008	4.962	0.038	0.048	0.862	0.020	0.046	5.516	0.082	0.302	25.655	
0.000	14.457	0.073	0.385	0.000	0.000	7.472	0.036	0.368	2.675	0.050	0.033	32.248	0.154	0.311	26.757	
0.097	19.976	0.039	1.078	0.000	0.000	5.715	0.023	0.072	0.138	0.000	0.151	12.608	0.133	0.335	28.599	
0.000	18.122	0.040	0.464	0.000	0.063	6.146	0.071	0.171	0.500	0.066	0.050	21.988	0.135	0.268	28.862	
0.000	12.435	0.000	0.298	0.000	0.000	7.839	0.035	0.027	0.007	0.039	0.064	15.678	0.089	0.211	19.969	
0.000	28.100	0.000	0.566	0.000	0.029	6.263	0.060	0.105	0.222	0.065	0.067	10.704	0.067	0.294	19.276	
0.000	53.491	0.000	0.358	0.000	0.000	9.558	0.167	0.026	0.310	0.084	0.091	18.794	0.286	0.000	20.779	
0.000	13.134	0.000	0.178	0.000	0.000	6.716	0.124	0.039	0.116	0.047	0.016	11.013	0.107	0.144	27.226	
0.000	18.349	0.079	0.756	0.000	0.000	10.287	0.047	0.085	0.235	0.055	0.082	14.606	0.168	0.034	18.564	
0.000	11.574	0.039	0.960	0.000	0.021	8.427	0.155	0.030	0.543	0.033	0.057	14.079	0.334	0.304	14.656	
0.000	13.268	0.037	0.195	0.000	0.000	12.844	0.007	0.197	0.531	0.031	0.190	5.060	0.125	0.346	10.483	
0.000	14.522	0.046	0.286	0.000	0.000	6.152	0.128	0.062	0.174	0.082	0.177	16.624	0.000	0.230	21.410	
0.000	20.448	0.202	0.286	0.000	0.071	5.262	0.053	0.093	0.418	0.037	0.011	15.045	0.000	0.288	28.451	
0.000	7.277	0.035	0.149	0.000	0.000	7.389	0.152	0.021	1.804	0.068	0.053	11.887	0.327	0.120	12.279	
0.000	9.754	0.113	0.319	0.256	0.000	8.864	0.134	0.092	0.135	0.031	0.156	8.822	0.084	0.161	17.900	
0.000	11.516	0.042	0.622	0.000	0.000	7.588	0.041	0.064	0.254	0.070	0.109	19.735	0.107	0.000	22.283	
0.000	34.844	0.000	0.283	0.000	0.000	6.086	0.046	0.036	0.065	0.075	0.066	11.270	0.046	0.306	19.276	
0.000	14.900	0.074	0.470	0.000	0.000	6.053	0.044	0.023	0.634	0.041	0.037	17.457	0.250	0.063	19.019	
0.000	19.868	0.000	0.104	0.000	0.000	5.171	0.019	0.000	0.019	0.014	0.012	15.849	0.083	0.000	23.527	
0.000	12.578	0.000	0.208	0.000	0.000	10.460	0.080	0.010	0.018	0.073	0.083	14.109	0.055	0.056	15.645	
0.000	19.275	0.000	0.055	0.000	0.000	4.958	0.010	0.040	0.158	0.000	0.043	18.867	0.132	0.177	36.295	
0.000	18.031	0.000	0.200	0.000	0.020	6.876	0.000	0.023	0.092	0.031	0.013	18.214	0.032	0.129	29.660	
0.000	14.345	0.000	0.443	0.000	0.040	6.466	0.015	0.268	0.354	0.027	0.046	14.603	0.126	0.136	20.	

ENSG00000165816	ENSG00000244537	ENSG00000244060	ENSG00000213638	ENSG00000279204	ENSG00000217179	ENSG00000235429	ENSG00000227892	ENSG00000109854	ENSG00000171713	ENSG00000255326	ENSG00000217107	ENSG00000239420	ENSG00000263282	ENSG00000187833
4797	0.000	0.000	1.084	1.283	0.000	8.404	0.000	0.000	4.876	1.935	0.456	0.217	0.000	0.000
4995	0.000	0.000	1.308	0.348	0.083	10.616	0.052	0.000	3.558	2.138	0.291	0.061	0.000	0.000
6858	0.123	0.031	1.273	0.720	0.000	5.695	0.000	0.000	4.460	9.857	0.259	0.091	0.000	0.000
5819	0.000	0.070	1.489	0.446	0.084	6.287	0.000	0.000	1.274	4.958	0.163	0.041	0.035	0.000
7187	0.000	0.003	0.183	0.451	0.000	21.907	0.000	0.020	22.841	2.057	0.592	0.069	0.000	0.000
6246	0.000	0.000	0.218	0.233	0.074	6.465	0.000	0.000	3.921	0.785	0.860	0.190	0.000	0.012
3512	0.000	0.070	1.361	1.295	0.000	16.381	0.000	0.000	6.795	2.660	0.323	0.102	0.000	0.000
5332	0.000	0.000	0.785	0.268	0.000	14.239	0.000	0.000	8.498	1.747	0.546	0.086	0.000	0.000
5.103	0.000	0.128	0.815	1.032	0.101	8.266	0.000	0.000	8.040	7.336	0.789	0.037	0.000	0.008
5527	0.000	0.124	1.102	0.701	0.000	13.441	0.184	0.000	23.699	2.221	0.918	0.073	0.000	0.000
3.787	0.000	0.183	0.525	0.451	0.000	21.907	0.000	0.020	22.841	2.057	0.592	0.069	0.000	0.000
4803	0.000	0.158	1.240	0.450	0.000	8.235	0.000	0.000	4.946	4.968	0.438	0.129	0.032	0.000
5747	0.000	0.033	0.859	0.447	0.078	11.501	0.000	0.021	1.458	9.935	0.241	0.038	0.000	0.000
6292	0.000	0.030	1.697	0.303	0.145	9.143	0.000	0.000	2.380	5.199	0.704	0.036	0.000	0.000
4338	0.000	0.136	1.279	0.183	0.000	7.498	0.000	0.000	3.068	3.401	0.377	0.040	0.000	0.000
3.939	0.000	0.000	1.034	0.398	0.145	23.622	0.078	0.000	10.921	2.216	0.761	0.045	0.000	0.000
5.344	0.000	0.035	1.542	0.378	0.000	6.830	0.000	0.000	4.942	5.237	0.233	0.062	0.000	0.000
12.821	0.000	0.000	1.146	0.371	0.000	5.042	0.000	0.000	6.092	2.390	0.425	0.000	0.000	0.000
5471	0.000	0.000	1.667	0.530	0.000	22.828	0.000	0.000	5.511	5.605	0.147	0.000	0.000	0.000
4211	0.000	0.034	0.813	0.210	0.081	7.894	0.000	0.000	1.360	5.590	0.126	0.050	0.000	0.007
6.228	0.000	0.038	0.740	0.341	0.000	9.362	0.108	0.000	5.688	2.860	0.502	0.021	0.000	0.000
5.344	0.000	0.035	1.542	0.378	0.000	6.830	0.000	0.000	4.942	5.237	0.233	0.062	0.000	0.000
6.844	0.000	0.037	0.934	0.649	0.000	7.352	0.000	0.000	7.650	1.872	0.440	0.021	0.000	0.000
2.672	0.000	0.000	0.661	1.372	0.000	9.884	0.000	0.000	12.019	6.714	0.374	0.064	0.000	0.006
4.967	0.027	0.000	1.948	0.512	0.000	9.591	0.000	0.000	6.098	4.595	0.352	0.041	0.035	0.000
3.331	0.000	0.036	1.909	0.484	0.171	11.645	0.000	0.000	5.201	3.658	0.799	0.253	0.000	0.000
4.086	0.000	0.081	0.799	0.581	0.000	7.365	0.000	0.000	12.396	2.455	0.351	0.048	0.000	0.000
4.699	0.023	0.000	0.879	0.733	0.000	5.268	0.000	0.000	9.231	6.969	0.133	0.063	0.072	0.000
6.704	0.028	0.143	1.230	0.423	0.085	4.484	0.000	0.000	6.742	6.263	0.462	0.052	0.000	0.034
7.179	0.000	0.430	1.750	0.570	0.000	5.122	0.000	0.000	1.701	9.878	0.399	0.021	0.000	0.000
4.064	0.000	0.059	1.543	0.668	0.000	6.419	0.000	0.000	17.044	12.331	0.801	0.086	0.000	0.000
7.232	0.000	0.155	1.217	0.108	0.074	8.319	0.000	0.000	12.783	1.960	0.372	0.072	0.000	0.000
5.077	0.000	0.184	0.242	0.184	0.000	15.420	0.000	0.000	6.177	4.768	0.168	0.032	0.000	0.000
3.184	0.000	0.035	1.093	1.121	0.000	7.558	0.000	0.000	7.033	4.129	0.321	0.112	0.000	0.000
3.737	0.000	0.000	0.553	0.493	0.000	13.337	0.000	0.000	6.787	3.270	0.746	0.064	0.000	0.000
6.261	0.000	0.000	0.670	0.268	0.079	20.866	0.000	0.000	11.818	2.195	0.860	0.097	0.000	0.000
12.787	0.000	0.127	1.110	0.094	0.075	10.706	0.000	0.000	1.557	4.856	1.819	0.223	0.000	0.006
5.189	0.000	0.063	0.810	0.256	0.377	10.681	0.000	0.000	5.769	3.016	0.410	0.111	0.000	0.000
7.170	0.000	0.075	1.824	0.468	0.000	10.712	0.000	0.000	3.718	13.027	0.769	0.168	0.000	0.000
5.712	0.000	0.117	0.715	0.294	0.000	7.839	0.000	0.000	2.513	5.138	0.542	0.114	0.000	0.000
3.269	0.000	0.039	0.669	0.157	0.000	21.743	0.000	0.000	6.758	1.840	0.647	0.045	0.000	0.000
4.575	0.000	0.000	0.495	0.663	0.078	14.318	0.000	0.000	8.970	5.849	0.729	0.240	0.000	0.006
6.017	0.000	0.038	0.603	0.632	0.086	21.909	0.000	0.000	2.318	11.937	0.401	0.032	0.000	0.000
6.355	0.000	0.000	0.242	0.242	0.074	21.395	0.000	0.000	3.116	6.640	0.668	0.045	0.000	0.000
7.013	0.000	0.099	1.032	0.667	0.157	16.998	0.000	0.000	1.209	7.597	1.039	0.058	0.000	0.000
10.970	0.000	0.000	0.642	0.208	0.000	11.145	0.000	0.000	8.874	3.124	0.865	0.075	0.000	0.000
10.450	0.000	0.284	2.025	0.812	0.084	6.579	0.000	0.023	3.247	49.144	0.886	0.073	0.038	0.000
7.866	0.028	0.108	1.702	0.203	0.000	5.754	0.053	0.000	3.271	7.091	0.399	0.042	0.000	0.007
3.709	0.000	0.000	0.956	0.560	0.000	8.045	0.000	0.000	6.095	3.559	0.046	0.064	0.000	0.000
4.528	0.000	0.282	1.382	0.332	0.000	15.157	0.000	0.000	18.253	5.138	0.034	0.000	0.000	0.000
7.992	0.000	0.030	0.677	0.525	0.000	9.004	0.000	0.019	8.488	2.484	0.410	0.182	0.000	0.000
5.372	0.000	0.064	0.659	0.565	0.076	18.915	0.000	0.000	4.217	4.474	1.206	0.140	0.000	0.000
7.322	0.000	0.000	0.558	0.810	0.000	11.292	0.048	0.000	8.380	4.627	0.509	0.057	0.000	0.000
6.220	0.000	0.000	1.079	0.339	0.068	9.527	0.043	0.000	2.169	10.047	0.424	0.042	0.000	0.027
6.155	0.000	0.000	0.241	0.705	0.126	15.799	0.000	0.000	4.567	7.799	0.769	0.016	0.000	0.000
9.341	0.000	0.137	0.443	0.185	0.000	9.834	0.204	0.000	3.044	2.485	0.254	0.000	0.000	0.054
6.199	0.000	0.068	0.716	0.156	0.000	12.951	0.051	0.000	13.363	1.362	0.600	0.070	0.000	0.000
4.118	0.000	0.064	1.258	0.373	0.000	8.959	0.000	0.000	3.214	6.916	0.298	0.066	0.000	0.000
4.912	0.000	0.000	0.811	0.612	0.000	8.738	0.000	0.000	14.587	2.999	0.415	0.019	0.000	0.000
4.430	0.000	0.000	0.740	0.314	0.000	12.784	0.000	0.000	11.144	1.446	0.387	0.009	0.000	0.000
4.699	0.000	0.075	0.824	0.468	0.000	10.712	0.000	0.000	3.718	13.027	0.769	0.168	0.000	0.000
4.858	0.000	0.000	1.933	0.177	0.000	6.674	0.000	0.000	6.245	4.621	1.011	0.032	0.000	0.000
6.774	0.045	0.057	1.467	0.154	0.136	5.667	0.000	0.000	4.036	1.752	0.713	0.200	0.000	0.011
5.359	0.000	0.000	1.573	0.469	0.146	6.160	0.045	0.000	13.358	1.651	0.311	0.090	0.081	0.000
3.947	0.000	0.034	0.716	0.587	0.081	9.257	0.000	0.000	8.215	4.836	0.473	0.040	0.000	0.000
6.964	0.000	0.000	0.603	0.242	0.074	21.395	0.000	0.000	4.567	7.799	0.769	0.016	0.000	0.000
7.013	0.000	0.099	1.032	0.667	0.157	16.998	0.000	0.000	1.209	7.597	1.039	0.058	0.000	0.000
10.450	0.000	0.284	2.025	0.812	0.084	6.579	0.000	0.023	3.247	49.144	0.886	0.073	0.038	0.000
7.866	0.028	0.108	1.702	0.203	0.000	5.754	0.053	0.000	3.271	7.091	0.399	0.042	0.000	0.007
3.709	0.000	0.000	0.956	0.560	0.000	8.045	0.000	0.000	6.095	3.559	0.046	0.064	0.000	0.000
4.528	0.000	0.282	1.382	0.332	0.000	15.157	0.000	0.000	18.253	5.138	0.034	0.000	0.000	0.000
7.992	0.000	0.030	0.677	0.525	0.000	9.004	0.000	0.019	8.488	2.484	0.410	0.182	0.000	0.000
5.372	0.000	0.064	0.659	0.565	0.076	18.915	0.000	0.000	4.217	4.474	1.206	0.140	0.000	0.000
7.322	0.000	0.000	0.558	0.810	0.000	11.292	0.048	0.000	8.380	4.627	0.509	0.057	0.000	0.000
6.220	0.000	0.000	1.079	0.339	0.068	9.527	0.043	0.000	2.169	10.047	0.424	0.042	0.000	0.027
6.155	0.000	0.000	0.241	0.705	0.126	15.799	0.000	0.000	4.567	7.799	0.769	0.016	0.000	0.000
9.341	0.000	0.137	0.443	0.185	0.000	9.834	0.204	0.000	3.044	2.485	0.254	0.000	0.000	0.054
6.199	0.000	0.068	0.716	0.156	0.000									

ENSG0000024862	ENSG0000011089	ENSG00000123636	ENSG0000023193	ENSG00000201815	ENSG00000272506	ENSG00000199709	ENSG00000246669	ENSG0000029421	ENSG00000260586	ENSG00000220999	ENSG00000249818	ENSG0000017906	ENSG00000213216	ENSG00000251656	ENSG00000122176
0.078	0.240	1.631	0.105	0.000	0.530	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.340	0.780	0.161	1.316
0.000	1.166	0.698	0.059	0.000	0.102	0.301	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	12.051	1.049	0.000	23.019
0.059	0.208	1.524	0.040	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	23.299	1.180	0.000	1.002
0.022	0.823	2.557	0.030	0.000	0.034	0.152	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.147	0.613	0.000	6.128
0.025	0.129	3.554	0.056	0.000	0.221	0.026	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	10.075	0.526	0.000	6.567
0.217	0.129	3.554	0.056	0.000	0.241	0.000	0.072	0.000	0.000	0.000	0.000	11.125	0.539	0.000	0.659
0.000	0.436	1.167	0.030	0.000	0.034	0.750	0.000	0.081	0.030	0.000	0.000	9.626	0.441	0.000	23.837
0.023	0.215	0.746	0.078	0.629	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	8.463	0.408	0.048	16.443
0.000	0.107	1.169	0.018	0.000	0.125	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	10.740	0.674	0.167	8.275
0.000	0.414	0.998	0.053	0.000	0.000	1.067	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	8.979	1.373	0.000	13.590
0.019	0.305	1.195	0.150	0.000	0.119	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.460	0.289	0.000	0.000	18.210
0.140	0.395	1.638	0.054	0.000	0.031	0.138	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.884	0.499	0.000	8.779
0.000	0.299	1.779	0.194	0.000	0.032	0.140	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	6.396	0.154	0.128	33.603
0.077	0.610	1.813	0.091	0.000	0.208	0.393	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	7.851	0.289	0.040	6.388
0.086	0.679	0.662	0.520	0.000	0.132	0.584	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	6.664	2.574	0.000	4.123
0.000	0.458	1.815	0.130	0.000	0.149	0.131	0.051	0.000	0.000	0.000	0.000	5.570	0.040	0.000	7.510
0.045	0.147	1.964	0.090	0.000	0.099	0.302	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.349	0.389	0.046	9.459
0.027	0.070	0.995	0.038	0.000	0.041	0.180	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	12.660	1.121	0.055	2.399
0.000	0.450	0.735	0.162	0.000	0.031	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	7.026	0.301	0.042	4.709
0.043	0.368	0.900	0.043	0.000	0.033	0.000	0.000	0.000	0.000	0.256	0.000	7.580	0.322	0.000	20.635
0.000	0.453	0.908	0.169	0.000	0.106	0.623	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	13.978	0.972	0.000	14.025
0.046	0.216	4.359	0.143	0.000	0.219	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	12.042	0.177	0.000	5.364
0.046	0.183	1.081	0.108	0.000	0.100	0.000	0.000	0.000	0.000	0.275	0.000	14.692	0.867	0.000	5.507
0.020	0.311	0.722	0.079	0.000	0.000	0.401	0.000	0.000	0.027	0.000	0.000	11.225	0.393	0.000	22.049
0.022	0.433	0.921	0.118	0.000	0.034	0.149	0.058	0.000	0.000	0.000	0.000	6.314	0.493	0.045	15.338
0.114	0.480	1.520	0.061	0.000	0.105	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	6.392	0.341	0.000	8.580
0.000	0.306	1.026	0.104	0.000	0.208	1.051	0.026	0.000	0.000	0.000	0.000	8.044	0.837	0.000	16.608
0.000	0.419	0.714	0.183	0.000	0.070	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.774	1.133	0.000	6.283
0.227	0.387	2.053	0.122	0.000	0.278	0.154	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.802	0.282	0.093	37.840
0.023	0.479	1.874	0.031	0.000	0.105	0.154	0.000	0.000	0.000	0.270	0.000	18.453	0.454	0.000	8.350
0.188	0.345	0.832	0.138	0.000	0.029	0.254	0.000	0.000	0.000	0.222	0.000	11.051	0.747	0.116	19.159
0.039	0.491	2.113	0.105	0.000	0.181	0.133	0.000	0.000	0.000	0.233	0.000	14.782	0.196	0.000	9.688
0.023	0.465	1.965	0.095	0.000	0.105	0.155	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	7.623	0.285	0.000	15.084
0.088	0.290	0.914	0.030	0.000	0.169	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.756	0.658	0.091	105.857
0.047	0.795	1.756	0.156	0.000	0.071	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	14.471	3.592	0.000	20.487
0.063	0.415	1.900	0.071	0.000	0.065	0.429	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	10.904	0.472	0.043	31.585
0.000	0.529	3.662	0.040	0.000	0.371	0.546	0.000	0.000	0.000	0.239	0.000	7.831	0.251	0.125	40.847
0.040	0.317	2.641	0.040	0.000	0.278	0.981	0.053	0.000	0.000	0.238	0.000	7.929	0.300	0.083	59.777
0.034	0.419	1.939	0.096	0.000	0.378	0.110	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	7.611	0.717	0.148	21.714
0.025	0.358	2.863	0.050	0.000	0.114	0.338	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	8.483	0.555	0.051	22.742
0.025	0.227	2.139	0.017	0.000	0.076	0.334	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	8.653	0.553	0.000	41.180
0.104	0.712	1.330	0.098	0.000	0.160	0.424	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	16.311	0.467	0.043	15.440
0.046	0.573	2.371	0.062	0.000	0.035	0.155	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	11.813	0.742	0.047	10.917
0.079	0.672	2.033	0.079	0.000	0.060	0.400	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	11.016	0.343	0.081	16.458
0.000	0.441	4.810	0.084	0.000	0.129	0.000	0.000	0.000	0.249	0.000	0.000	14.085	0.470	0.000	38.305
0.020	0.591	1.584	0.041	0.000	0.157	0.277	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	14.378	0.255	0.253	43.381
0.023	0.326	2.723	0.045	0.000	0.069	0.000	0.000	0.000	0.184	0.000	0.000	18.963	1.122	0.093	129.185
0.137	0.240	2.659	0.092	0.000	0.245	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	10.565	0.965	0.000	0.764
0.040	0.545	2.863	0.086	0.000	0.081	0.402	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	12.527	0.738	0.000	53.228
0.025	0.419	1.939	0.096	0.000	0.150	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.733	0.883	0.031	19.211
0.019	0.395	1.268	0.126	0.000	0.058	0.382	0.049	0.000	0.000	0.000	0.000	19.557	0.701	0.000	7.027
0.020	0.716	1.184	0.108	0.181	0.062	0.137	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	10.717	0.955	0.042	70.269
0.103	0.378	1.700	0.138	0.000	0.000	0.139	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	18.664	0.563	0.170	38.338
0.036	0.430	1.541	0.207	0.000	0.028	0.123	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.502	0.588	0.000	8.757
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	17.059	0.383	0.000	73.331
0.175	0.572	3.226	0.467	0.000	0.134	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	21.181	2.170	0.000	4.720
0.022	0.512	1.439	0.102	0.000	0.066	1.027	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	11.519	0.647	0.045	15.500
0.021	0.323	1.325	0.137	0.000	0.126	0.139	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	13.753	0.408	0.084	18.787
0.000	0.748	1.538	0.136	0.000	0.000	0.138	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	11.770	0.456	0.084	6.230
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.129	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	10.941	0.378	0.235	10.787
0.070	0.411	0.808	0.117	0.000	0.160	0.707	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	8.784	0.819	0.000	21.448
0.127	0.452	1.701	0.097	0.000	0.028	0.859	0.000	0.000	0.000	0.215	0.000	6.053	0.451	0.000	4.641
0.019	1.046	1.430	0.130	0.000	0.030	0.263	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	6.065	0.290	0.040	26.094
0.000	0.341	2.255	0.145	0.000	0.066	0.880	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	16.370	1.132	0.045	27.899
0.045	0.160	1.993	0.160	0.000	0.163	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.721	0.554	0.115	4.765
0.076	0.251	1.061	0.128	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	10.000	0.380	0.000	26.183
0.051	0.267	1.151	0.088	0.000	0.156	0.172	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	15.481	0.760	0.000	32.142
0.034	0.533	2.173	0.091	0.000	0.052	0.229	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	8.615	0.505	0.139	1.909
0.054	0.456	0.517	0.233	0.000	0.000	0.000	0.070	0.000	0.000	0.000	0.000	16.407	0.798	0.055	1.952
0.097	0.384	0.946	0.117	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.231	0.000	13.405	0.872	0.000	9.657
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	15.088	1.372	0.000	23.538
0.125	0.797	0.978	0.108	0.000	0.055	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.991	0.711	0.037	31.733
0.106	0.323	1.115	0.212	0.000	0.054	0.714</									

ENSG00000122383	ENSG00000180770	ENSG00000138134	ENSG00000216174	ENSG00000254824	ENSG00000128450	ENSG00000640985	ENSG00002240228	ENSG00000186890	ENSG00000261617	ENSG00000234882	ENSG00000248984	ENSG00000179744	ENSG00000253818	ENSG00000164896	
0.000	0.000	1.867	8.128	0.000	4.659	18.907	0.000	5.823	0.145	0.000	0.000	4.158	0.000	2.371	11.536
0.000	0.000	1.138	4.585	0.000	8.362	23.080	0.000	4.184	0.020	0.000	0.000	4.657	0.052	6.212	8.859
0.000	0.000	1.137	10.509	0.000	3.888	34.295	0.000	5.777	0.000	0.000	0.000	3.742	0.000	2.914	33.001
0.000	0.000	0.544	8.975	0.000	1.429	20.815	0.000	3.421	0.160	0.000	0.000	3.227	0.000	3.477	16.901
0.000	0.000	1.715	8.570	0.000	6.570	16.750	0.000	5.247	0.060	0.000	0.000	2.947	0.000	7.871	6.819
0.000	0.000	1.676	11.442	0.000	5.194	28.539	0.000	4.757	0.056	0.000	0.000	3.303	0.000	2.985	24.225
0.000	0.000	2.544	4.444	0.269	8.081	16.057	0.000	5.134	0.024	0.000	0.000	3.099	0.000	2.989	20.798
0.000	0.000	1.328	5.804	0.000	10.429	14.018	0.000	9.481	0.159	0.000	0.000	3.833	0.055	3.482	5.585
0.000	0.000	1.502	5.825	0.000	5.449	22.794	0.000	7.929	0.325	0.058	0.000	2.972	0.063	4.358	7.024
0.000	0.000	1.355	5.862	0.000	17.981	24.403	0.000	9.640	0.028	0.000	0.000	4.834	0.368	4.524	4.975
0.000	0.000	1.445	6.235	0.255	1.038	18.743	0.000	3.762	0.132	0.000	0.000	3.105	0.138	4.029	7.113
0.000	0.000	1.229	6.628	0.000	4.730	17.224	0.000	3.859	0.039	0.000	0.000	2.896	0.000	2.681	18.757
0.000	0.000	0.530	7.049	0.000	2.858	18.232	0.000	4.360	0.122	0.000	0.000	2.404	0.000	2.977	15.225
0.000	0.000	0.624	6.565	0.000	4.103	17.039	0.000	3.652	0.256	0.000	0.000	2.789	0.000	4.050	10.679
0.000	0.000	0.918	4.781	0.000	7.049	13.914	0.000	7.443	0.000	0.000	0.000	4.638	0.000	3.701	27.208
0.000	0.000	1.492	5.546	0.235	17.656	11.073	0.000	3.488	0.256	0.000	0.000	2.334	0.045	2.586	4.889
0.000	0.000	1.951	9.937	0.000	2.243	18.835	0.000	5.217	0.020	0.000	0.000	3.340	0.000	2.442	23.307
0.000	0.000	1.554	11.356	0.000	2.989	38.460	0.000	16.214	0.005	0.000	0.000	6.247	0.186	2.463	9.097
0.000	0.000	0.965	4.457	0.000	8.730	12.382	0.000	6.345	0.040	0.000	0.000	3.538	0.000	2.197	8.566
0.000	0.000	0.627	4.616	0.000	5.258	12.357	0.000	3.034	0.066	0.000	0.000	2.924	0.000	1.860	12.763
0.000	0.000	1.124	6.171	0.000	3.657	37.961	0.000	14.088	0.049	0.000	0.000	4.502	0.000	4.874	6.320
0.000	0.000	1.083	12.678	0.000	1.038	16.427	0.000	4.531	0.055	0.000	0.000	3.989	0.000	1.327	19.920
0.000	0.000	1.145	7.778	0.000	4.144	29.565	0.000	7.009	0.021	0.000	0.000	2.499	0.000	3.197	11.469
0.000	0.000	1.576	4.767	0.000	5.141	14.793	0.000	4.347	0.007	0.000	0.000	4.294	1.015	2.365	20.927
0.000	0.000	0.968	5.552	0.000	14.987	17.327	0.000	3.989	0.047	0.000	0.000	3.100	0.000	3.493	9.752
0.000	0.000	1.807	6.883	0.000	8.991	18.648	0.000	4.507	0.176	0.000	0.000	3.002	0.053	2.510	16.037
0.000	0.000	1.194	8.194	0.000	4.771	18.142	0.000	4.547	0.403	0.000	0.000	2.262	0.046	2.777	6.911
0.000	0.000	0.929	6.115	0.000	25.222	18.113	0.000	5.523	0.055	0.000	0.000	6.910	0.000	4.481	17.232
0.000	0.000	0.945	4.636	0.000	2.524	23.163	0.000	4.567	0.317	0.000	0.000	2.001	0.000	3.881	10.881
0.000	0.000	0.544	5.389	0.000	2.146	27.360	0.000	5.189	0.061	0.000	0.000	2.455	0.107	5.024	11.773
0.000	0.000	1.052	5.552	0.000	5.150	24.048	0.000	6.553	0.037	0.000	0.000	4.018	0.000	4.014	14.558
0.000	0.000	0.398	4.613	0.000	1.645	18.629	0.000	2.966	0.070	0.000	0.000	2.433	0.000	3.047	13.225
0.000	0.000	1.595	5.126	0.000	4.792	18.446	0.000	3.822	0.250	0.000	0.000	3.340	0.000	4.542	6.367
0.000	0.000	1.465	4.198	0.000	4.067	20.322	0.000	5.661	0.107	0.000	0.000	2.041	0.000	3.064	9.769
0.000	0.000	1.012	6.326	0.000	6.364	19.783	0.000	4.606	0.158	0.000	0.000	4.259	0.000	3.977	13.255
0.000	0.000	1.053	6.387	0.000	6.545	15.745	0.000	4.455	0.060	0.000	0.000	2.497	0.000	4.480	6.956
0.000	0.000	1.616	4.990	0.000	2.054	16.222	0.000	2.852	0.108	0.000	0.000	2.536	0.047	2.055	22.922
0.000	0.000	1.922	7.396	0.000	6.423	16.072	0.000	4.815	0.155	0.000	0.000	2.078	0.06	1.717	14.148
0.000	0.000	0.946	11.310	0.292	3.325	30.417	0.051	5.933	0.107	0.000	0.000	2.738	0.000	4.463	20.863
0.000	0.000	0.478	9.791	0.301	3.111	21.903	0.000	3.068	0.080	0.000	0.000	2.615	0.000	3.237	16.280
0.000	0.000	1.143	6.982	0.000	6.007	10.971	0.000	5.176	0.057	0.000	0.000	2.177	0.000	2.010	10.063
0.000	0.000	0.922	5.958	0.000	7.172	22.461	0.000	4.512	0.052	0.000	0.000	2.626	0.049	2.884	12.414
0.000	0.000	0.595	7.429	0.000	1.988	21.632	0.000	4.362	0.021	0.000	0.000	2.198	0.000	3.459	10.860
0.000	0.000	2.238	8.776	0.000	5.501	20.162	0.000	3.815	0.070	0.000	0.000	2.119	0.000	3.087	11.273
0.000	0.000	0.469	8.844	0.000	1.459	28.474	0.000	3.872	0.083	0.000	0.000	2.033	0.049	5.050	10.069
0.000	0.000	0.878	5.822	0.000	5.221	15.710	0.000	4.338	0.037	0.000	0.000	2.071	0.048	2.586	31.554
0.000	0.000	2.379	15.333	0.000	0.286	40.782	0.000	4.800	0.004	0.000	0.000	3.881	0.000	5.535	27.650
0.000	0.000	1.591	7.758	0.000	5.562	20.560	0.000	7.449	0.057	0.000	0.000	3.952	0.000	2.065	14.008
0.000	0.000	1.059	6.422	0.000	3.065	18.921	0.000	3.252	0.000	0.000	0.000	4.705	0.046	2.586	21.227
0.000	0.000	1.961	4.916	0.000	23.974	18.113	0.000	5.211	0.000	0.000	0.000	4.985	0.044	4.829	6.269
0.000	0.000	1.746	9.754	0.000	4.931	33.365	0.000	11.290	0.074	0.000	0.000	6.810	0.088	4.193	13.922
0.000	0.000	1.402	4.199	0.000	10.740	20.228	0.000	4.889	0.011	0.000	0.000	5.412	0.000	4.292	12.527
0.000	0.000	1.1051	7.053	0.000	3.809	27.866	0.000	6.945	0.052	0.000	0.000	4.360	0.048	2.143	22.843
0.000	0.000	0.264	4.751	0.000	7.045	14.725	0.000	3.201	0.052	0.000	0.000	3.247	0.000	3.964	8.791
0.000	0.000	0.238	8.776	0.000	0.812	20.945	0.000	7.629	0.021	0.000	0.000	11.565	0.000	2.443	22.463
0.000	0.000	0.885	4.144	14.098	0.000	1.693	25.899	0.000	8.114	0.016	0.000	11.823	0.000	2.251	15.546
0.000	0.000	0.920	6.831	0.000	5.616	21.874	0.000	3.480	0.019	0.000	0.000	3.522	0.000	4.577	9.967
0.000	0.000	0.930	6.745	0.000	4.588	15.876	0.087	5.164	0.059	0.000	0.000	5.642	0.000	2.846	17.064
0.000	0.000	0.813	8.204	0.000	5.060	18.912	0.000	7.367	0.080	0.000	0.000	5.080	0.000	3.285	29.053
0.000	0.000	1.304	7.750	0.000	4.381	20.116	0.000	3.484	0.034	0.000	0.000	4.474	0.000	2.459	21.527
0.000	0.000	0.945	11.310	0.292	3.325	30.417	0.051	5.933	0.107	0.000	0.000	2.738	0.000	4.463	20.863
0.000	0.000	0.034	7.230	0.000	2.873	31.039	0.000	4.571	0.037	0.000	0.000	3.933	0.081	3.533	13.531
0.000	0.000	0.913	10.553	0.441	1.272	22.086	0.000	3.215	0.019	0.000	0.000	3.744	0.042	2.200	13.333
0.000	0.000	0.367	4.976	0.236	8.308	24.056	0.000	3.519	0.059	0.000	0.000	2.990	0.000	5.092	20.654
0.000	0.000	0.815	10.927	0.263	1.876	28.905	0.000	5.162	0.326	0.000	0.000	2.494	0.000	5.417	16.201
0.000	0.000	0.501	8.776	0.000	2.484	21.165	0.000	5.366	0.070	0.000	0.000	6.016	0.000	3.087	11.273
0.000	0.000	0.464	8.302	0.000	2.508	18.711	0.000	8.813	0.041	0.000	0.000	4.929	0.000	4.022	22.766
0.000	0.000	0.378	6.002	0.000	1.112	21.865	0.000	3.730	0.000	0.000	0.000	5.696	0.000	6.765	12.608
0.000	0.000	1.385	6.233	0.000	2.653	19.204	0.000	4.394	0.012	0.000	0.000	4.915	0.000	2.936	22.444
0.000	0.000	0.709	5.463	0.000	4.401	25.673	0.000	5.690	0.033	0.000	0.000	5.694	0.000	9.223	15.449
0.000	0.000	0.038	6.345	0.237	5.462	17.250	0.000	3.796	0.021	0.000	0.000	3.962	0.000	1.935	14.837
0.000	0.000	0.945	11.310	0.292	3.325	30.417	0.051	5.933	0.107	0.000	0.000	2.738	0.000	4.463	20.863
0.000	0.00														



ENSG00000264769	ENSG00000224711	ENSG00000124613	ENSG00000261621	ENSG00000274569	ENSG00000240882	ENSG00000198824	ENSG00000244230	ENSG00000268005	ENSG00000135740	ENSG00000261553	ENSG00000223883	ENSG00000146122	ENSG00000201086	ENSG00000278322	ENSG00000238616
0.440	0.000	1.075	0.000	0.000	0.343	5.993	0.000	0.000	0.502	0.101	0.000	13.935	0.000	0.044	0.000
0.150	0.000	0.609	0.009	0.000	0.103	3.350	0.000	0.000	0.804	0.081	0.000	3.564	0.000	0.037	0.000
0.133	0.000	1.484	0.000	0.047	0.214	13.858	0.000	0.000	0.712	0.126	0.000	2.576	0.000	0.000	0.000
0.377	0.000	1.859	0.000	0.053	0.259	9.055	0.000	0.000	1.120	0.076	0.000	18.223	0.000	0.000	0.000
0.042	0.000	1.811	0.000	0.000	0.075	6.075	0.000	0.046	0.475	0.046	0.000	2.763	0.000	0.042	0.000
0.563	0.000	1.281	0.004	0.053	0.258	13.838	0.006	0.000	0.535	0.030	0.000	9.753	0.000	0.000	0.000
0.187	0.000	1.160	0.013	0.000	0.154	4.723	0.000	0.000	1.446	0.111	0.000	1.695	0.000	0.037	0.000
0.079	0.000	1.443	0.000	0.000	0.091	4.224	0.078	0.000	0.484	0.144	0.000	20.064	0.000	0.000	0.000
0.000	0.000	0.770	0.005	0.000	0.188	4.394	0.181	0.000	0.528	0.172	0.000	7.554	0.000	0.000	0.000
0.133	0.000	0.634	0.000	0.167	0.304	3.977	0.000	0.000	0.703	0.179	0.000	3.483	0.000	0.000	0.000
0.457	0.000	0.763	0.000	0.150	0.150	4.388	0.130	0.000	1.748	0.138	0.000	7.408	0.000	0.000	0.000
0.405	0.000	1.258	0.012	0.095	0.201	8.470	0.000	0.000	0.407	0.182	0.000	4.419	0.000	0.033	0.000
0.244	0.000	1.915	0.012	0.246	0.224	7.818	0.069	0.000	0.521	0.141	0.000	29.602	0.000	0.000	0.000
0.261	0.000	2.417	0.004	0.000	0.164	4.884	0.065	0.000	0.884	0.057	0.000	36.777	0.154	0.000	0.000
0.145	0.000	1.116	0.000	0.000	0.133	6.583	0.000	0.000	0.377	0.039	0.000	13.996	0.000	0.000	0.000
0.620	0.000	1.189	0.004	0.046	0.105	6.747	0.000	0.000	0.400	0.114	0.000	16.430	0.000	0.065	0.000
0.113	0.000	1.441	0.000	0.000	0.259	10.973	0.075	0.000	0.845	0.182	0.000	2.684	0.000	0.000	0.000
0.045	0.000	0.411	0.000	0.000	0.266	7.254	0.089	0.035	1.577	0.138	0.000	16.977	0.000	0.000	0.000
0.068	0.000	0.550	0.008	0.000	0.140	3.150	0.135	0.000	0.727	0.073	0.000	9.370	0.000	0.034	0.000
0.254	0.000	0.922	0.000	0.000	0.317	9.450	0.144	0.000	0.370	0.142	0.000	7.145	0.000	0.036	0.000
0.000	0.000	0.906	0.009	0.000	0.142	2.733	0.616	0.000	0.458	0.156	0.000	11.967	0.000	0.000	0.000
0.720	0.000	1.431	0.005	0.000	0.184	10.614	0.080	0.000	1.108	0.248	0.000	25.515	0.000	0.000	0.000
0.078	0.000	1.626	0.004	0.000	0.287	9.025	0.156	0.000	0.557	0.105	0.000	8.649	0.000	0.039	0.000
0.067	0.000	0.655	0.008	0.094	0.137	6.591	0.066	0.000	0.628	0.031	0.000	2.095	0.000	0.000	0.000
0.111	0.000	1.126	0.000	0.000	0.102	6.139	0.000	0.000	0.385	0.135	0.000	6.130	0.000	0.000	0.000
0.616	0.000	2.050	0.018	0.054	0.265	10.047	0.000	0.000	0.908	0.208	0.000	28.844	0.000	0.000	0.000
0.174	0.000	1.638	0.015	0.000	0.360	4.421	0.347	0.000	1.593	0.076	0.000	15.812	0.000	0.000	0.000
0.283	0.000	1.527	0.009	0.000	0.633	4.879	0.325	0.000	0.816	0.165	0.000	6.408	0.000	0.000	0.000
0.306	0.000	1.899	0.035	0.000	0.140	4.660	0.152	0.000	1.123	0.077	0.000	27.562	0.000	0.076	0.000
0.269	0.000	1.016	0.022	0.108	0.123	7.741	0.000	0.000	1.181	0.057	0.000	7.114	0.000	0.000	0.000
0.063	0.000	1.406	0.000	0.045	0.232	5.762	0.189	0.000	0.709	0.170	0.000	2.279	0.000	0.000	0.000
0.662	0.000	2.464	0.011	0.000	0.137	7.160	0.263	0.000	0.974	0.120	0.000	1.923	0.000	0.000	0.000
0.077	0.000	1.051	0.000	0.000	0.144	10.443	0.077	0.000	0.845	0.153	0.000	11.771	0.000	0.000	0.000
0.074	0.000	1.427	0.046	0.000	0.119	4.846	0.074	0.000	0.791	0.140	0.033	2.985	0.000	0.000	0.000
0.392	0.000	2.667	0.009	0.000	0.216	10.828	0.156	0.000	0.301	0.053	0.000	3.641	0.000	0.000	0.000
0.391	0.000	2.226	0.028	0.050	0.114	7.273	0.000	0.000	0.971	0.129	0.000	9.173	0.000	0.035	0.000
1.018	0.000	3.062	0.209	0.048	0.311	5.252	0.135	0.000	2.481	0.046	0.000	160.458	0.160	0.000	0.000
0.339	0.000	1.405	0.004	0.048	0.202	8.346	0.000	0.000	0.658	0.160	0.000	15.713	0.000	0.000	0.000
0.000	0.000	2.627	0.000	0.000	0.130	10.920	0.000	0.000	0.983	0.125	0.000	9.622	0.000	0.040	0.000
0.543	0.000	1.449	0.000	0.059	0.077	9.971	0.166	0.000	0.607	0.090	0.000	3.720	0.000	0.083	0.000
0.748	0.000	1.123	0.005	0.059	0.076	7.554	0.165	0.000	0.708	0.159	0.000	8.637	0.000	0.041	0.000
0.737	0.000	2.249	0.088	0.050	0.145	7.958	1.886	0.000	1.302	0.027	0.000	4.034	0.000	0.000	0.000
0.270	0.000	2.003	0.000	0.109	0.124	9.269	0.000	0.000	0.373	0.062	0.000	3.670	0.000	0.000	0.000
0.464	0.000	2.260	0.004	0.047	0.122	10.165	0.000	0.000	0.451	0.060	0.000	5.463	0.157	0.000	0.359
1.090	0.000	3.198	0.020	0.000	0.178	10.629	0.000	0.000	0.851	0.090	0.000	4.340	0.000	0.000	0.000
0.483	0.000	2.814	0.008	0.000	0.190	10.306	0.137	0.000	1.393	0.046	0.000	166.087	0.326	0.000	0.000
1.784	0.000	1.813	0.095	0.589	0.192	8.731	0.000	0.000	1.132	0.041	0.034	13.127	0.000	0.113	0.000
0.384	0.000	1.602	0.009	0.217	0.300	10.666	0.076	0.000	0.950	0.083	0.000	14.909	0.000	0.000	0.000
0.200	0.000	2.173	0.023	0.000	0.138	11.853	0.000	0.000	0.547	0.081	0.000	3.882	0.000	0.000	0.000
0.283	0.000	0.403	0.000	0.000	0.087	4.945	0.188	0.000	0.238	0.167	0.000	13.378	0.446	0.000	0.000
0.348	0.000	1.234	0.007	0.045	0.305	7.507	0.063	0.000	0.864	0.239	0.000	18.032	0.000	0.000	0.000
0.068	0.000	1.010	0.000	0.000	0.172	3.838	0.068	0.000	0.353	0.105	0.000	3.112	0.000	0.000	0.000
0.139	0.000	2.255	0.004	0.049	0.159	10.135	0.069	0.000	0.554	0.173	0.000	7.679	0.000	0.000	0.000
0.245	0.000	1.594	0.000	0.043	0.225	5.859	0.122	0.000	0.188	0.045	0.000	4.687	0.000	0.000	0.000
0.169	0.000	1.050	0.000	0.000	0.141	10.920	0.000	0.000	0.501	0.126	0.000	2.988	0.000	0.000	0.000
0.000	0.000	2.873	0.000	0.000	0.202	5.840	0.876	0.000	0.220	0.000	0.000	99.091	0.000	0.000	0.000
0.255	0.000	2.130	0.000	0.051	0.151	9.999	0.073	0.000	0.542	0.054	0.000	1.052	0.000	0.072	0.000
0.241	0.000	1.032	0.008	0.049	0.332	6.940	0.000	0.000	0.487	0.051	0.000	6.825	0.000	0.034	0.000
0.480	0.000	0.798	0.004	0.145	0.189	9.671	0.068	0.000	0.399	0.083	0.000	10.997	0.000	0.000	0.000
0.128	0.000	2.401	0.000	0.226	0.161	5.303	0.000	0.000	0.139	0.034	0.000	33.787	0.000	0.000	0.000
0.000	0.000	1.369	0.000	0.000	0.152	11.141	0.000	0.000	0.983	0.125	0.000	70.829	0.000	0.047	0.000
0.000	0.000	1.488	0.007	0.000	0.242	7.327	0.117	0.000	0.719	0.118	0.000	2.318	0.000	0.058	0.000
0.244	0.000	2.275	0.010	0.000	0.350	9.293	0.121	0.000	1.119	0.148	0.000	24.199	0.000	0.000	0.000
0.851	0.000	2.184	0.004	0.092	0.285	8.884	0.000	0.000	1.173	0.075	0.088	2.831	0.000	0.000	0.000
0.219	0.000	2.488	0.029	0.000	0.201	9.507	0.000	0.000	0.261	0.113	0.033	37.528	0.000	0.000	0.000
0.046	0.000	0.748	0.000	0.000	0.047	6.748	0.000	0.000	0.676	0.068	0.000	16.814	0.000	0.157	0.000
1.129	0.000	1.048	0.000	0.000	0.265	8.181	0.384	0.000	0.247	0.123	0.000	4.369	0.000	0.000	0.000
0.043	0.000	1.003	0.000	0.000	0.157	4.639	0.085	0.000	0.294	0.115	0.000	0.940	0.000	0.000	0.000
0.114	0.000	2.667	0.000	0.000	0.368	12.327	0.000	0.000	0.225	0.038	0.000	1.495	0.000	0.000	0.000
0.000	0.000	1.111	0.000	0.000	0.165	3.207	0.358	0.000	0.056	0.079	0.040	1.827	0.000	0.000	0.000
0.033	0.000	1.100	0.000	0.000	0.075	9.328	0.131	0.000	0.204	0.053	0.000	1.654	0.000	0.033	0.000
0.283	0.000	1.283	0.000	0.000	0.130	10.920	0.000	0.000	0.983	0.125	0.000	15.958	0.000	0.000	0.000
0.301	0.000	1.519	0.003	0.042	0.083	5.217	0.000	0.000	0.690						

ENSG00000227973	ENSG00000228985	ENSG00000222059	ENSG00000248537	ENSG00000225494	ENSG00000230377	ENSG00000105497	ENSG00000204287	ENSG00000278983	ENSG00000138722	ENSG00000254917	ENSG00000268744	ENSG00000238066	ENSG00000126758	ENSG00000202478
0.875	0.015	0.771	0.063	0.000	0.000	1.810	803.874	0.091	1.114	0.000	0.057	0.000	0.000	16.611
0.744	0.000	0.510	0.054	0.000	0.000	1.169	1441.366	0.053	0.260	0.000	0.049	0.000	0.000	16.776
0.804	0.000	0.454	0.000	0.000	0.000	2.421	773.243	0.193	2.230	0.019	0.094	0.044	0.000	18.314
0.589	0.000	2.863	0.054	0.000	0.000	2.550	357.904	0.126	0.851	0.000	0.115	0.000	0.000	9.584
1.182	0.000	1.334	0.000	0.000	0.000	1.404	1057.601	0.247	0.404	0.000	0.056	0.000	0.000	19.267
0.942	0.009	0.774	0.000	0.000	0.000	3.707	857.270	0.126	0.220	0.000	0.086	0.087	0.000	19.051
0.477	0.021	0.509	0.000	0.000	0.000	1.644	2916.180	0.053	0.983	0.000	0.040	0.049	0.000	15.978
0.449	0.011	0.307	0.000	0.000	0.000	1.102	1436.470	0.113	2.568	0.023	0.086	0.000	0.000	9.955
0.389	0.000	0.533	0.000	0.000	0.000	1.944	797.114	0.036	1.225	0.000	0.129	0.060	0.000	9.414
0.981	0.000	1.293	0.000	0.000	0.000	1.111	2855.521	0.021	2.116	0.000	0.086	0.000	0.000	14.302
0.720	0.000	1.334	0.000	0.000	0.000	1.839	1057.988	0.021	0.733	0.019	0.057	0.000	0.000	11.511
0.347	0.010	0.271	0.000	0.000	0.000	1.801	796.535	0.171	2.335	0.000	0.081	0.089	0.000	12.107
0.648	0.000	0.317	0.000	0.000	0.000	2.805	844.033	0.083	1.787	0.000	0.083	0.000	0.000	7.913
0.825	0.000	0.1414	0.000	0.000	0.000	3.043	693.943	0.010	0.849	0.000	0.127	0.043	0.000	9.856
0.510	0.000	0.191	0.000	0.000	0.000	1.459	1088.162	0.115	1.053	0.000	0.126	0.000	0.000	9.314
0.929	0.000	0.147	0.000	0.000	0.000	2.157	1586.481	0.062	1.273	0.000	0.065	0.000	0.000	19.817
0.444	0.000	1.044	0.000	0.000	0.000	1.756	179.581	0.263	1.594	0.000	0.085	0.000	0.000	8.610
0.628	0.000	0.596	0.049	0.000	0.000	1.945	1445.507	0.028	0.575	0.000	0.128	0.000	0.000	9.438
0.465	0.000	0.424	0.000	0.000	0.000	1.738	1038.604	0.016	1.777	0.040	0.103	0.000	0.000	10.353
0.628	0.011	0.528	0.000	0.000	0.000	2.051	428.812	0.081	1.180	0.021	0.079	0.143	0.000	8.950
0.628	0.000	0.147	0.000	0.000	0.000	1.341	612.762	0.049	0.878	0.000	0.101	0.000	0.000	7.297
0.945	0.011	0.381	0.056	0.020	0.000	2.872	158.239	0.171	0.372	0.023	0.087	0.210	0.000	16.559
0.757	0.000	0.454	0.096	0.000	0.000	1.452	1403.670	0.188	0.683	0.000	0.051	0.051	0.000	8.979
0.684	0.011	0.361	0.053	0.000	0.000	0.950	739.044	0.016	0.588	0.000	0.072	0.000	0.000	13.757
0.438	0.000	0.525	0.055	0.000	0.000	2.013	910.760	0.147	2.876	0.000	0.008	0.049	0.000	10.921
0.495	0.000	0.953	0.063	0.000	0.000	2.345	529.134	0.183	1.200	0.000	0.033	0.152	0.000	10.182
1.308	0.022	0.868	0.045	0.000	0.000	2.195	147.685	0.035	1.428	0.000	0.114	0.000	0.000	8.631
0.708	0.011	0.372	0.000	0.000	0.000	1.353	403.517	0.130	2.734	0.000	0.050	0.100	0.000	12.442
1.201	0.000	0.224	0.055	0.000	0.000	2.404	728.563	0.364	0.457	0.000	0.182	0.100	0.000	7.950
0.943	0.000	0.471	0.091	0.000	0.000	2.336	439.723	0.293	0.852	0.000	0.092	0.151	0.000	7.848
0.753	0.000	0.774	0.000	0.000	0.000	1.010	762.672	0.030	1.808	0.018	0.082	0.000	0.000	7.397
0.602	0.000	0.126	0.000	0.000	0.000	1.956	203.204	0.236	0.805	0.000	0.180	0.217	0.000	9.083
0.581	0.000	0.434	0.053	0.000	0.000	1.958	655.325	0.023	0.673	0.000	0.142	0.000	0.000	11.221
0.669	0.000	0.458	0.000	0.000	0.000	1.465	1177.612	0.342	1.157	0.022	0.113	0.097	0.000	8.114
0.404	0.010	0.346	0.000	0.018	0.000	1.033	479.349	0.112	1.643	0.000	0.051	0.000	0.000	13.217
1.061	0.039	0.727	0.000	0.000	0.000	1.766	662.510	0.085	1.426	0.000	0.023	0.140	0.000	11.020
0.674	0.000	0.330	0.000	0.017	0.000	3.068	319.562	0.221	0.385	0.000	0.125	0.134	0.071	11.803
0.804	0.000	0.868	0.045	0.000	0.000	2.834	1505.509	0.172	0.478	0.000	0.132	0.000	0.000	10.657
1.247	0.000	0.244	0.000	0.000	0.000	1.799	619.796	0.040	0.818	0.000	0.054	0.000	0.000	11.824
0.591	0.000	0.324	0.060	0.000	0.000	2.358	284.024	0.199	1.882	0.000	0.073	0.000	0.000	19.481
0.449	0.000	0.547	0.000	0.000	0.000	1.218	664.899	0.028	1.753	0.000	0.027	0.055	0.000	12.004
0.440	0.000	0.226	0.000	0.000	0.000	1.251	376.258	0.167	3.136	0.000	0.030	0.000	0.000	10.555
0.424	0.000	0.256	0.000	0.000	0.000	3.650	387.899	0.061	3.538	0.000	0.092	0.051	0.000	10.316
1.156	0.000	0.689	0.000	0.000	0.000	2.266	250.738	0.158	1.362	0.000	0.044	0.044	0.000	16.942
0.490	0.000	0.338	0.000	0.000	0.000	4.283	593.115	0.073	3.131	0.000	0.092	0.100	0.000	10.946
0.540	0.000	1.183	0.000	0.000	0.000	1.968	740.453	0.060	1.095	0.020	0.067	0.136	0.000	9.747
1.202	0.000	0.748	0.000	0.000	0.000	0.838	46.049	0.188	1.222	0.000	0.058	0.100	0.000	28.903
0.758	0.000	0.909	0.000	0.000	0.000	2.796	457.889	0.335	2.049	0.000	0.050	0.252	0.000	15.112
1.207	0.000	0.868	0.045	0.000	0.000	2.358	487.685	0.037	1.212	0.000	0.063	0.000	0.000	12.247
0.765	0.000	0.986	0.046	0.000	0.000	2.286	228.881	0.040	1.353	0.000	0.109	0.274	0.000	12.740
1.016	0.000	1.126	0.000	0.000	0.000	1.738	412.492	0.025	2.023	0.018	0.096	0.083	0.000	10.931
1.182	0.000	1.080	0.000	0.000	0.000	1.463	1909.938	0.027	3.302	0.000	0.052	0.000	0.000	11.582
0.783	0.000	0.716	0.000	0.000	0.000	1.963	1623.489	0.033	2.976	0.000	0.128	0.000	0.000	12.898
1.202	0.000	0.428	0.000	0.000	0.000	3.374	898.588	0.034	1.855	0.000	0.146	1.406	0.000	10.904
0.626	0.042	1.144	0.000	0.000	0.000	1.426	191.125	0.156	1.020	0.000	0.074	0.000	0.000	11.624
0.571	0.000	0.284	0.105	0.000	0.000	1.945	209.578	0.000	1.425	0.000	0.084	0.000	0.000	21.346
1.275	0.000	0.470	0.000	0.000	0.000	1.614	406.208	0.075	1.264	0.000	0.055	0.000	0.000	11.283
1.413	0.010	0.200	0.000	0.000	0.000	2.347	551.082	0.088	2.762	0.000	0.052	0.091	0.072	11.972
1.636	0.009	0.311	0.000	0.016	0.000	1.677	451.038	0.109	2.612	0.000	0.052	0.090	0.000	19.025
0.917	0.000	1.142	0.000	0.000	0.000	2.219	1039.128	0.000	0.519	0.019	0.090	0.000	0.067	9.073
0.911	0.009	0.357	0.000	0.000	0.000	1.444	525.144	0.045	1.752	0.040	0.040	0.000	0.000	11.524
0.884	0.009	0.829	0.000	0.000	0.000	2.133	1081.801	0.112	1.366	0.054	0.051	0.000	0.123	8.819
0.985	0.000	0.751	0.000	0.000	0.000	2.379	194.337	0.436	0.923	0.018	0.073	0.160	0.000	9.131
0.933	0.000	0.491	0.000	0.000	0.000	1.711	783.002	0.119	1.679	0.000	0.021	0.043	0.000	12.358
0.822	0.000	0.501	0.000	0.000	0.000	1.744	178.091	0.029	2.542	0.000	0.016	0.000	0.000	12.405
0.670	0.000	0.334	0.000	0.000	0.000	4.461	441.538	0.036	0.596	0.000	0.044	0.044	0.000	6.962
1.053	0.000	0.555	0.000	0.000	0.000	2.827	526.017	0.031	1.445	0.000	0.037	0.056	0.000	6.793
1.024	0.013	0.088	0.000	0.000	0.000	2.130	218.445	0.027	0.644	0.000	0.167	0.000	0.000	5.749
0.653	0.009	0.447	0.000	0.000	0.000	2.823	775.580	0.027	1.717	0.000	0.062	0.000	0.000	9.926
0.822	0.000	0.751	0.000	0.000	0.000	1.117	1635.627	0.021	0.818	0.026	0.059	0.000	0.000	9.433
0.726	0.009	0.820	0.000	0.000	0.000	1.838	619.026	0.010	1.548	0.000	0.057	0.000	0.000	10.530
0.842	0.000	0.231	0.000	0.000	0.000	1.033	946.159	0.029	2.813	0.000	0.029	0.067	0.000	8.863
0.193	0.026	0.264	0.000	0.000	0.000	1.139	1054.044	0.005	1.241	0.000	0.039	0.000	0.000	9.863
1.006	0.000	1.060	0.000	0.000	0.000	2.403	560.527	0.197	0.847	0.000	0.155	0.000	0.000	9.437
0.379	0.000	0.148	0.000	0.000	0.000	2.834	745.958	0.029	1.454	0.000	0.088	0.000	0.000	11.078
1.258	0.000	2.223	0.000	0.000	0.000	2.507	250.380	0.164	0.706	0.000	0.165	0.071	0.000	8.598
0.341	0.000	0.560	0.069	0.000</										

ENGG000012774	ENGG0000068729	ENGG0000142273	ENGG0000015126	ENGG0000100368	ENGG00000280398	ENGG0000263512	ENGG0000274987	ENGG0000170425	ENGG0000222860	ENGG0000069011	ENGG0000278107	ENGG0000173326	ENGG00000271763	ENGG0000125812	ENGG0000221982
5375	3059	0.000	0.126	1.676	0.000	0.000	0.553	2.028	0.300	0.882	0.436	0.112	0.000	0.539	0.000
6731	4161	2.545	0.186	2.874	0.000	0.000	0.217	3.887	0.087	5.082	1.221	0.030	0.000	5.974	0.000
7648	3963	0.000	0.301	1.124	0.000	0.000	0.386	3.759	0.127	3.158	4.635	0.040	0.000	5.530	0.000
4277	3301	0.000	0.231	0.990	0.000	0.000	1.021	3.402	0.075	0.592	2.084	0.025	0.048	6.141	0.000
4816	3026	0.000	0.075	2.867	0.000	0.000	0.015	2.867	0.000	3.595	0.028	0.378	0.000	3.783	0.000
4778	5424	0.012	0.438	1.862	0.000	0.000	1.731	2.384	0.347	0.489	1.942	0.031	0.042	7.006	0.099
4096	5199	0.239	0.481	4.519	0.000	0.210	0.613	2.947	0.124	2.165	2.329	0.005	0.047	6.097	0.000
4044	2903	0.000	0.122	2.426	0.000	0.000	0.382	2.125	0.092	0.259	2.502	0.095	0.000	5.494	0.000
8278	3672	0.033	0.395	1.171	0.000	0.000	1.808	5.142	0.083	0.051	2.541	0.067	0.000	4.741	0.000
7171	3653	0.189	0.359	7.188	0.000	0.000	0.042	2.665	0.088	0.383	1.275	0.000	0.000	4.295	0.000
5363	3831	0.058	0.342	3.452	0.000	1.073	1.396	0.061	0.204	0.309	0.063	0.041	0.000	4.845	0.000
5338	3568	0.012	0.256	3.603	0.000	0.190	0.588	9.774	0.270	2.349	1.589	0.027	0.000	7.399	0.050
6604	3539	0.012	0.247	1.261	0.000	0.000	1.146	4.343	0.110	1.100	2.242	0.023	0.000	7.000	0.052
4794	3637	0.023	0.215	1.992	0.000	0.000	0.599	5.679	0.309	5.568	2.222	0.070	0.041	7.859	0.000
8289	2733	0.000	0.102	1.226	0.000	0.000	0.421	2.627	0.024	1.071	3.088	0.039	0.000	5.430	0.000
4130	3220	0.058	0.147	15.982	0.000	0.000	0.536	2.209	0.179	0.362	1.880	0.059	0.000	7.191	0.048
4537	4594	0.014	0.278	0.771	0.000	0.000	0.436	3.761	0.181	0.374	1.425	0.073	0.000	4.543	0.000
11079	3444	0.000	0.295	0.437	0.000	0.000	0.475	2.315	0.059	1.911	1.072	0.030	0.000	3.216	0.000
6341	4025	0.073	0.167	2.237	0.000	0.000	1.314	1.117	0.220	0.485	2.415	0.114	0.043	4.701	0.000
4918	3827	0.039	0.138	1.124	0.000	0.000	0.808	1.851	0.242	0.501	2.233	0.005	0.000	6.755	0.000
11195	3850	0.014	0.182	0.427	0.000	0.000	0.337	4.673	0.084	1.037	1.116	0.047	0.000	4.109	0.000
4858	3960	0.029	0.280	0.948	0.000	0.000	0.542	2.906	0.233	1.912	1.845	0.128	0.101	6.730	0.000
8441	5441	0.000	0.190	1.087	0.000	0.000	0.454	1.363	0.091	1.060	3.719	0.042	0.000	4.227	0.291
4919	4364	0.012	0.342	1.783	0.000	0.000	0.161	2.775	0.155	8.945	1.374	0.018	0.000	4.570	0.000
5667	4422	0.028	0.249	3.682	0.000	0.000	0.287	4.013	0.092	1.217	1.993	0.213	0.000	6.301	0.055
6484	3747	0.000	0.361	2.320	0.000	0.000	1.006	2.193	0.327	0.945	2.072	0.088	0.049	7.001	0.000
5070	1627	0.031	0.245	2.967	0.000	0.000	1.138	1.278	0.203	3.010	2.050	0.035	0.000	5.836	0.000
9467	3465	0.055	0.382	0.781	0.000	0.000	0.382	4.908	0.088	0.197	4.568	0.072	0.000	3.985	0.000
7410	2740	0.041	0.406	0.989	0.000	0.000	1.071	1.888	0.064	1.758	4.220	0.061	0.098	6.550	0.000
7199	3526	0.014	0.553	0.631	0.000	0.000	0.557	1.873	0.070	3.030	0.591	0.010	0.000	4.671	0.000
13324	3078	0.045	0.229	0.719	0.000	0.000	0.811	4.233	0.142	0.274	2.671	0.059	0.000	5.817	0.000
8193	3534	0.035	0.181	0.615	0.000	0.000	1.121	0.877	0.231	0.228	2.545	0.027	0.000	7.551	0.000
2969	4594	0.014	0.378	0.969	0.000	0.000	0.871	2.253	0.077	0.210	2.524	0.198	0.031	4.203	0.000
7557	3169	0.053	0.386	1.559	0.000	0.000	1.113	2.163	0.105	0.155	3.781	0.025	0.047	4.557	0.000
3559	5015	0.000	0.140	1.316	0.000	0.000	0.834	2.561	0.261	0.228	3.390	0.031	0.000	5.988	0.000
5227	4238	0.000	0.396	2.688	0.000	0.000	0.928	2.399	0.213	0.120	4.027	0.057	0.000	8.254	0.000
6259	4773	0.012	0.652	1.795	0.000	0.000	0.361	0.846	0.728	0.740	2.216	0.100	0.043	15.086	0.000
5134	4340	0.000	0.149	3.956	0.000	0.191	1.114	1.540	0.265	1.222	1.920	0.027	0.000	7.500	0.000
7131	5141	0.000	0.220	4.078	0.000	0.000	0.428	3.869	0.198	0.207	2.798	0.088	0.041	6.708	0.000
4097	4709	0.000	0.427	1.607	0.000	0.000	1.010	4.009	0.229	1.587	0.762	0.028	0.053	6.692	0.000
3589	3546	0.044	0.167	1.923	0.000	0.000	4.100	0.954	0.256	0.147	1.677	0.072	0.000	6.774	0.000
5090	4154	0.188	0.333	1.447	0.000	0.000	0.713	4.821	0.316	3.502	2.092	0.146	0.089	7.017	0.000
5800	4235	0.000	0.324	0.918	0.000	0.000	0.598	3.514	0.257	0.384	1.893	0.036	0.000	7.415	0.000
4412	4330	0.000	0.309	1.203	0.000	0.000	0.578	2.752	0.297	0.955	2.071	0.013	0.000	4.695	0.000
5072	5627	0.000	0.199	1.317	0.000	0.000	2.452	2.535	0.523	2.454	1.250	0.028	0.045	9.652	0.000
4215	4642	0.012	0.394	3.191	0.000	0.000	0.667	1.917	0.470	0.287	2.053	0.032	0.087	7.538	0.000
3613	3313	0.014	0.175	0.171	0.000	0.214	0.404	0.880	0.120	0.067	1.678	0.010	0.144	5.978	0.000
6328	3821	0.000	0.356	2.046	0.000	0.000	0.520	4.231	0.243	0.080	2.694	0.056	0.048	6.073	0.000
7097	5147	0.024	0.294	0.716	0.000	0.000	0.844	2.161	0.144	9.225	2.144	0.192	0.000	5.836	0.000
7231	3544	0.034	0.225	6.806	0.000	0.000	0.517	4.369	0.073	1.473	1.481	0.029	0.000	4.848	0.000
6299	4289	0.011	0.255	1.293	0.000	0.000	0.673	4.552	0.063	0.695	1.793	0.211	0.000	4.991	0.000
4806	4695	0.200	0.208	2.260	0.000	0.000	0.823	2.387	0.300	1.451	2.091	0.059	0.000	4.865	0.000
6035	6578	0.037	0.383	2.550	0.000	0.000	0.670	2.278	0.190	2.294	1.198	0.028	0.000	5.629	0.000
8625	4435	0.044	0.204	1.423	0.000	0.000	0.622	4.188	0.270	4.040	1.294	0.008	0.039	7.095	0.000
7080	4594	0.000	0.369	1.203	0.000	0.000	0.578	10.022	0.162	0.710	1.113	0.020	0.000	4.655	0.000
2580	8249	0.000	0.422	0.347	0.000	0.000	0.852	1.815	0.098	0.918	1.129	0.059	0.000	9.231	0.000
6974	5109	0.026	0.176	1.438	0.000	0.000	0.318	2.134	0.140	1.100	1.999	0.122	0.000	5.476	0.000
6236	7121	0.025	0.280	1.029	0.000	0.000	1.501	2.709	0.178	1.040	1.524	0.028	0.000	6.624	0.000
4540	4702	0.024	0.325	1.563	0.000	0.193	0.464	4.704	0.239	0.253	3.424	0.018	0.000	7.824	0.000
6693	4622	0.057	0.187	1.231	0.000	0.180	0.588	0.120	0.149	3.614	1.290	0.034	0.000	7.182	0.000
5171	4213	0.000	0.427	1.230	0.000	0.000	0.704	3.488	0.195	0.207	2.798	0.081	0.000	4.658	0.000
12102	4445	0.000	0.359	0.469	0.000	0.000	0.454	3.428	0.039	0.667	2.084	0.008	0.000	3.981	0.000
5965	4441	0.011	0.737	0.454	0.000	0.000	0.886	2.532	0.203	2.784	1.964	0.147	0.000	6.145	0.000
3857	3610	0.117	0.385	3.136	0.000	0.553	0.760	1.611	0.321	0.499	3.678	0.166	0.000	6.418	0.000
7904	5934	0.013	0.117	0.394	0.000	0.000	0.670	1.666	0.212	0.076	4.135	0.020	0.000	9.063	0.000
3071	4000	0.000	0.309	0.596	0.000	0.000	0.616	3.026	0.066	0.276	1.893	0.013	0.000	6.355	0.000
9055	3341	0.000	0.223	0.815	0.000	0.000	0.435	2.512	0.107	6.184	1.791	0.017	0.000	4.584	0.000
11263	3731	0.031	0.042	0.265	0.000	0.000	0.415	3.821	0.057	5.703	1.070	0.046	0.000	4.685	0.000
8550	3838	0.000	0.130	0.731	0.000	0.000	0.551	0.654	0.085	0.110	2.408	0.010	0.000	6.382	0.000
17165	4626	0.000	0.095	0.790	0.000	0.000	0.218	1.952	0.112	5.513	0.994	0.012	0.000	4.999	0.000
8669	5353	0.012	0.211	0.547	0.000	0.165	0.381	1.745	0.131	2.609	2.615	0.039	0.000	4.337	0.000
7080	2800	0.000	0.653	0.324	0.000	0.000	0.101	0.288	0.121	3.823	1.847	0.098	0.000	4.162	0.000
5104	2805	0.129	0.155	1.367	0.000	0.000	0.552	5.598	0.140	0.371	2.685	0.028	0.000	4.042	0.000
8498	4224	0.000	0.273	0.754	0.000	0.333	1.318	2.431	0.069	5.508	5.406	0.079	0.0		

ENSG00000273674	ENSG0000026620	ENSG00000265665	ENSG00000199335	ENSG00000265995	ENSG00000109911	ENSG00000238457	ENSG00000229332	ENSG00000165670	ENSG00000232501	ENSG00000205636	ENSG00000199075	ENSG00000136111	ENSG00000153707	ENSG00000251501	ENSG00000101000
0.074	0.000	0.000	0.000	0.000	5.209	0.000	0.044	1.249	0.000	0.000	0.000	2.350	6.095	0.000	5.343
0.047	0.000	0.000	0.000	0.000	5.500	0.000	0.000	0.723	0.000	0.000	0.000	2.484	2.370	0.000	31.688
0.077	0.064	0.000	0.000	0.000	7.284	0.000	0.033	1.936	0.000	0.000	0.000	2.447	4.200	0.000	4.849
0.127	0.000	0.000	0.198	0.000	13.568	0.000	0.038	1.806	0.000	0.000	0.000	4.146	9.163	0.000	4.974
0.027	0.000	0.000	0.000	0.000	9.506	0.000	0.000	1.426	0.000	0.000	0.000	2.031	1.261	0.000	15.845
0.058	0.064	0.296	0.174	0.000	6.809	0.000	0.000	2.384	0.000	0.000	0.000	5.023	8.065	0.000	3.265
0.047	0.072	0.000	0.000	0.000	6.691	0.000	0.000	1.744	0.000	0.000	0.000	5.309	2.746	0.000	22.061
0.166	0.000	0.353	0.000	0.000	8.149	0.000	0.000	1.374	0.000	0.000	0.000	4.194	7.379	0.000	10.597
0.308	0.087	0.000	0.240	0.000	9.428	0.000	0.000	1.687	0.000	0.000	0.000	3.474	6.436	0.015	13.635
0.084	0.127	0.000	0.000	0.000	6.364	0.000	0.000	1.562	0.000	0.000	0.000	4.972	1.698	0.000	17.738
0.069	0.000	0.000	0.343	0.000	7.045	0.000	0.000	1.468	0.000	0.000	0.000	3.463	2.545	0.000	21.124
0.057	0.000	0.000	0.355	0.000	10.131	0.000	0.000	1.952	0.000	0.000	0.000	2.811	7.956	0.000	8.755
0.044	0.033	0.000	0.000	0.000	12.867	0.000	0.279	1.968	0.000	0.000	0.000	4.103	5.864	0.011	9.339
0.172	0.000	0.000	0.000	0.000	11.909	0.000	0.065	1.917	0.000	0.000	0.000	3.322	6.522	0.010	5.782
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	9.355	0.000	0.000	2.075	0.000	0.000	0.000	2.860	3.004	0.000	16.612
0.048	0.031	0.000	0.172	0.000	5.973	0.000	0.043	1.853	0.000	0.000	0.000	6.135	4.044	0.000	9.002
0.087	0.000	0.000	0.458	0.000	10.618	0.000	0.044	1.921	0.000	0.000	0.000	2.362	8.671	0.000	4.652
0.339	0.000	0.000	0.000	0.000	11.948	0.000	0.089	2.244	0.000	0.000	0.000	1.431	1.251	0.000	19.277
0.129	0.033	0.000	0.715	0.000	7.610	0.000	0.102	1.428	0.000	0.000	0.248	3.981	2.448	0.000	10.668
0.031	0.035	0.000	0.000	0.000	9.572	0.000	0.000	1.991	0.000	0.000	0.000	2.932	1.303	0.000	6.248
0.278	0.000	0.000	0.204	0.000	13.770	0.000	0.000	2.155	0.000	0.000	0.000	1.205	4.375	0.012	16.346
0.059	0.077	0.000	0.000	0.000	6.072	0.000	0.000	2.355	0.000	0.000	0.585	3.976	11.370	0.013	2.440
0.082	0.000	0.000	0.000	0.000	8.184	0.361	0.039	1.282	0.000	0.000	0.000	2.338	3.787	0.012	10.892
0.035	0.000	0.000	0.000	0.000	7.317	0.000	0.067	1.169	0.000	0.000	0.243	1.977	3.123	0.000	22.618
0.078	0.038	0.000	0.000	0.000	7.771	0.000	0.000	1.644	0.000	0.000	0.000	3.263	1.852	0.000	11.322
0.041	0.000	0.000	0.405	0.000	7.552	0.000	0.000	1.884	0.000	0.000	0.282	3.155	4.903	0.000	8.605
0.073	0.042	0.000	0.458	0.000	9.498	0.000	0.044	1.966	0.000	0.000	0.000	3.344	1.666	0.000	14.970
0.065	0.000	0.000	0.000	0.000	7.847	0.000	0.000	1.959	0.000	0.000	0.000	2.607	2.807	0.024	7.719
0.242	0.000	0.000	0.000	0.000	11.880	0.000	0.038	2.453	0.000	0.000	0.279	3.656	2.233	0.000	9.347
0.251	0.000	0.000	0.202	0.000	10.116	0.000	0.038	2.086	0.000	0.000	0.000	2.267	1.811	0.000	9.385
0.193	0.030	0.000	0.000	0.000	12.185	0.000	0.000	1.886	0.000	0.000	0.000	1.980	3.002	0.000	11.877
0.217	0.000	0.000	0.000	0.000	8.275	0.000	0.000	2.155	0.000	0.000	0.000	1.316	1.791	0.000	4.162
0.187	0.000	0.000	0.199	0.000	10.658	0.000	0.039	2.297	0.000	0.000	0.000	2.394	5.809	0.000	4.920
0.078	0.038	0.000	0.977	0.000	7.159	0.000	0.037	1.861	0.000	0.000	0.000	1.325	1.966	0.000	13.584
0.066	0.000	0.000	0.000	0.000	9.948	0.000	0.000	2.360	0.000	0.000	0.000	2.427	3.797	0.000	8.024
0.045	0.000	0.000	0.748	0.000	13.040	0.000	0.000	1.941	0.000	0.000	0.000	3.820	3.525	0.034	11.022
0.200	0.033	0.000	0.714	0.000	8.452	0.000	0.204	2.704	0.000	0.000	0.496	4.240	23.419	0.000	3.060
0.093	0.065	0.000	0.178	0.000	10.943	0.000	0.068	2.125	0.000	0.000	0.000	5.939	4.321	0.000	4.632
0.102	0.000	0.000	0.000	0.000	9.824	0.000	0.000	2.229	0.000	0.000	0.000	4.423	10.485	0.028	10.961
0.106	0.040	0.373	0.000	0.000	11.654	0.000	0.000	2.233	0.000	0.000	0.000	3.312	6.701	0.000	4.151
0.105	0.000	0.000	0.000	0.000	9.846	0.000	0.000	1.523	0.000	0.000	0.000	3.808	3.971	0.000	8.972
0.015	0.000	0.000	0.185	0.000	9.631	0.000	0.000	1.612	0.000	0.000	0.257	2.186	1.708	0.000	19.903
0.073	0.074	0.345	0.000	0.000	13.138	0.000	0.000	1.501	0.000	0.000	0.000	3.670	2.758	0.000	10.313
0.077	0.000	0.296	0.175	0.000	13.439	0.000	0.033	2.058	0.000	0.000	0.000	4.561	6.150	0.000	6.574
0.253	0.102	0.000	0.558	0.000	13.908	0.000	0.035	2.294	0.000	0.000	0.258	5.102	2.275	0.000	9.167
0.182	0.000	0.000	0.000	0.000	12.200	0.000	0.000	2.950	0.000	0.000	0.000	3.279	2.490	0.000	8.393
0.048	0.109	0.000	0.000	0.000	2.841	0.000	0.000	1.577	0.000	0.000	0.000	7.781	14.677	0.000	18.993
0.113	0.037	0.000	0.000	0.000	6.823	0.000	0.038	1.776	0.000	0.000	0.000	4.057	7.805	0.000	7.288
0.021	0.032	0.000	0.000	0.000	10.616	0.000	0.000	2.330	0.000	0.000	0.000	2.113	2.583	0.000	6.205
0.040	0.000	0.000	0.000	0.000	8.523	0.000	0.000	1.121	0.000	0.000	0.000	3.878	3.568	0.000	18.550
0.127	0.182	0.000	0.499	0.000	7.986	0.000	0.000	1.261	0.000	0.000	0.000	3.023	5.457	0.000	7.914
0.057	0.033	0.000	0.000	0.000	9.458	0.000	0.034	0.898	0.000	0.000	0.000	4.369	1.753	0.000	28.923
0.080	0.033	0.619	0.000	0.000	14.833	0.000	0.069	1.479	0.000	0.000	0.000	2.873	4.661	0.000	12.802
0.052	0.000	0.000	0.161	0.000	11.798	0.000	0.061	2.394	0.000	0.000	0.000	2.298	0.903	0.000	8.629
0.195	0.000	0.000	0.000	0.000	10.258	0.000	0.113	2.419	0.000	0.000	0.000	5.163	5.508	0.000	4.600
0.217	0.000	0.000	0.000	0.000	9.761	0.000	0.000	1.901	0.000	0.000	0.000	2.309	4.102	0.047	3.866
0.131	0.000	0.000	0.192	0.000	10.732	0.000	0.000	2.228	0.000	0.000	0.000	1.987	2.238	0.000	6.707
0.131	0.099	0.308	0.181	0.000	9.922	0.000	0.035	1.119	0.000	0.000	0.000	3.429	2.025	0.000	7.345
0.036	0.000	0.306	0.000	0.000	10.258	0.000	0.034	1.377	0.000	0.000	0.000	4.575	4.571	0.000	6.325
0.094	0.000	0.000	0.338	0.000	14.623	0.000	0.160	1.822	0.000	0.000	0.000	2.825	2.793	0.000	18.424
0.101	0.000	0.000	0.291	0.000	9.342	0.000	0.000	2.222	0.000	0.000	0.000	3.272	4.407	0.000	5.138
0.148	0.000	0.000	0.617	0.000	15.676	0.000	0.117	1.291	0.000	0.000	0.000	2.077	1.524	0.000	4.407
0.058	0.000	0.000	0.000	0.000	10.608	0.000	0.000	1.837	0.000	0.000	0.000	2.163	10.453	0.000	2.957
0.055	0.000	0.877	0.000	0.000	6.269	0.000	0.033	1.156	0.000	0.000	0.000	2.175	1.266	0.000	14.897
0.077	0.000	1.956	0.000	0.000	14.288	0.000	0.256	2.055	0.000	0.053	0.000	1.844	6.693	0.000	8.089
0.079	0.000	0.296	0.175	0.000	6.619	0.000	0.066	1.767	0.000	0.000	0.000	2.148	6.262	0.000	4.834
0.163	0.000	0.000	0.000	0.000	10.753	0.000	0.000	1.891	0.000	0.000	0.000	2.457	5.275	0.020	7.677
0.136	0.000	0.000	0.225	0.000	15.667	0.000	0.000	2.241	0.000	0.000	0.000	1.058	0.900	0.014	6.121
0.048	0.000	0.000	0.000	0.000	10.306	0.000	0.000	1.954	0.000	0.000	0.000	3.252	1.501	0.000	5.235
0.123	0.043	0.000	0.000	0.000	14.215	0.000	0.000	1.286	0.000	0.000	0.000	2.675	0.897	0.000	11.521
0.028	0.000	0.000	0.173	0.000	13.198	0.000	0.000	1.423	0.000	0.000	0.000	1.373	5.168	0.000	6.137
0.040	0.000	0.000	0.000	0.000	10.210	0.000	0.000	1.427	0.000	0.000	0.000	2.689	2.092	0.000	27.022
0.038	0.000	0.000	0.000	0.000	8.616	0.000	0.241								

ENSG0000028615	ENSG00000281479	ENSG00000222301	ENSG00000289088	ENSG00000261476	ENSG00000260037	ENSG00000227312	ENSG00000274449	ENSG00000226403	ENSG00000261291	ENSG00000245967	ENSG00000229809	ENSG00000214244	ENSG00000276230	ENSG00000270317	ENSG00000297822
0.024	0.000	0.000	0.718	0.058	0.121	0.000	0.365	4.785	0.000	2.819	3.717	0.139	0.000	0.000	0.030
0.000	0.000	0.000	0.235	0.025	0.000	0.000	0.171	0.140	0.000	3.435	3.928	0.094	0.010	0.000	0.050
0.000	0.000	0.000	0.962	0.000	0.061	0.000	0.547	1.540	0.037	3.389	5.967	0.315	0.053	0.000	0.022
0.000	0.079	0.000	0.284	0.025	0.000	0.000	1.277	1.179	0.042	1.890	5.334	0.095	0.020	0.000	0.025
0.011	0.069	0.000	0.366	0.000	0.000	0.000	0.367	0.367	0.000	0.367	0.367	0.132	0.034	0.000	0.113
0.000	0.035	0.049	1.374	0.263	0.030	0.000	1.139	0.870	0.110	3.244	5.621	0.146	0.188	0.075	0.111
0.020	0.000	0.000	0.938	0.123	0.000	0.000	0.246	0.047	0.124	4.202	4.606	0.141	0.060	0.000	0.201
0.000	0.000	0.000	0.843	0.026	0.000	0.000	0.227	2.518	0.087	2.709	4.953	0.050	0.021	0.000	0.000
0.012	0.048	0.000	0.688	0.030	0.126	0.000	0.873	3.252	0.000	2.172	5.435	0.029	0.024	0.000	0.061
0.000	0.000	0.000	0.334	0.000	0.000	0.000	0.135	0.996	0.000	4.125	6.995	0.335	0.035	0.000	0.179
0.000	0.000	0.000	0.369	0.000	0.030	0.000	0.304	1.958	0.072	3.215	5.866	0.062	0.017	0.000	0.023
0.009	0.036	0.000	0.848	0.156	0.031	0.000	0.686	1.858	0.037	3.988	4.539	0.149	0.036	0.076	0.136
0.028	0.000	0.000	0.875	0.023	0.000	0.056	0.879	0.261	0.077	1.951	4.268	0.044	0.000	0.000	0.047
0.027	0.171	0.000	0.327	0.151	0.060	0.000	1.159	0.489	0.036	4.493	5.672	0.144	0.061	0.000	0.110
0.000	0.000	0.000	0.182	0.000	0.000	0.235	0.344	0.363	0.000	1.861	4.677	0.366	0.039	0.000	0.195
0.018	0.034	0.024	0.901	0.043	0.000	0.000	0.171	0.204	0.072	4.788	4.063	0.041	0.026	0.000	0.076
0.000	0.000	0.028	0.786	0.025	0.069	0.000	0.986	1.600	0.083	2.234	3.957	0.077	0.040	0.000	0.052
0.000	0.000	0.000	0.280	0.000	0.041	0.000	0.567	2.346	0.000	1.491	10.599	0.000	0.024	0.101	0.090
0.000	0.036	0.025	0.726	0.045	0.031	0.110	0.270	4.207	0.037	2.998	4.941	0.064	0.000	0.000	0.114
0.010	0.000	0.000	0.319	0.048	0.000	0.000	0.689	0.273	0.080	3.467	3.611	0.000	0.000	0.000	0.098
0.000	0.000	0.029	0.486	0.000	0.000	0.063	0.302	4.988	0.000	1.669	8.161	0.122	0.010	0.000	0.078
0.000	0.000	0.000	0.704	0.053	0.037	0.000	1.119	0.701	0.044	2.452	3.995	0.177	0.053	0.000	0.054
0.000	0.000	0.000	0.558	0.103	0.000	0.000	0.629	1.565	0.173	2.061	6.139	0.123	0.010	0.000	0.237
0.000	0.000	0.000	0.209	0.000	0.000	0.000	0.158	0.666	0.037	4.790	3.909	0.063	0.000	0.000	0.045
0.000	0.000	0.000	0.419	0.000	0.034	0.000	0.276	1.688	0.000	4.347	4.125	0.070	0.049	0.000	0.000
0.021	0.000	0.029	0.678	0.076	0.035	0.000	0.548	1.686	0.043	4.077	5.867	0.073	0.021	0.000	0.052
0.000	0.000	0.000	1.532	0.049	0.000	0.000	0.325	1.907	0.048	2.455	7.115	0.275	0.048	0.000	0.029
0.000	0.000	0.023	0.830	0.021	0.000	0.000	1.919	0.124	0.000	4.473	6.670	0.242	0.030	0.000	0.025
0.021	0.040	0.000	0.720	0.050	0.070	0.124	1.598	1.338	0.042	3.122	8.720	0.072	0.051	0.000	0.180
0.000	0.000	0.000	0.434	0.076	0.000	0.000	1.321	0.288	0.000	2.275	9.436	0.073	0.010	0.000	0.233
0.009	0.000	0.000	0.953	0.000	0.029	0.000	0.262	8.818	0.070	3.894	9.509	0.020	0.000	0.000	0.021
0.018	0.000	0.000	0.957	0.066	0.030	0.054	1.111	1.491	0.073	2.380	5.920	0.042	0.018	0.075	0.111
0.000	0.000	0.076	0.076	0.000	0.000	0.000	0.885	8.826	0.000	2.398	6.056	0.024	0.010	0.000	0.152
0.000	0.000	0.000	0.607	0.000	0.102	0.060	0.528	1.068	0.041	2.245	8.249	0.094	0.040	0.000	0.075
0.000	0.000	0.000	0.394	0.000	0.072	0.000	0.412	0.988	0.000	2.723	4.629	0.099	0.042	0.000	0.000
0.000	0.075	0.053	0.714	0.047	0.000	0.000	0.325	0.667	0.000	3.027	4.763	0.112	0.000	0.000	0.048
0.018	0.036	0.051	4.604	0.291	0.000	0.000	0.512	0.382	0.000	2.556	7.828	0.043	0.045	0.000	0.160
0.000	0.000	0.000	1.022	0.045	0.000	0.110	0.689	0.848	0.000	4.444	4.877	0.086	0.072	0.000	0.046
0.000	0.000	0.000	2.235	0.134	0.037	0.000	0.425	3.315	0.045	2.440	5.977	0.173	0.039	0.000	0.027
0.046	0.178	0.031	0.892	0.110	0.384	0.000	0.778	2.873	0.092	3.466	4.705	0.079	0.011	0.000	0.197
0.000	0.000	0.000	0.574	0.082	0.000	0.000	0.324	8.317	0.046	3.937	4.991	0.079	0.033	0.000	0.224
0.019	0.000	0.000	0.618	0.046	0.032	0.114	0.327	1.010	0.078	3.268	4.244	0.089	0.019	0.000	0.165
0.032	0.041	0.029	0.437	0.077	0.000	0.000	0.681	0.822	0.000	2.767	4.980	0.073	0.021	0.000	0.026
0.036	0.000	0.000	1.167	0.066	0.000	0.000	0.566	2.116	0.000	2.596	3.966	0.042	0.016	0.000	0.067
0.058	0.000	0.000	0.533	0.187	0.032	0.114	1.317	3.759	0.000	2.534	4.943	0.089	0.066	0.000	0.214
0.019	0.036	0.000	2.123	0.091	0.032	0.000	0.228	0.906	0.076	4.359	6.863	0.109	0.009	0.000	0.116
0.021	0.040	0.028	0.716	0.201	0.000	0.000	0.064	0.760	0.042	2.383	4.928	0.216	0.020	0.000	0.102
0.021	0.000	0.029	0.676	0.051	0.000	0.000	0.618	2.740	0.000	2.850	7.233	0.097	0.092	0.000	0.155
0.000	0.000	0.000	0.754	0.044	0.000	0.054	0.310	0.417	0.000	2.634	6.322	0.063	0.008	0.000	0.066
0.000	0.043	0.000	1.235	0.134	0.037	0.000	0.425	1.998	0.141	4.852	6.975	0.099	0.026	0.000	0.000
0.009	0.000	0.024	0.795	0.021	0.058	0.000	0.327	3.364	0.000	3.209	5.320	0.020	0.059	0.071	0.043
0.019	0.072	0.000	0.855	0.000	0.062	0.000	0.150	1.787	0.000	3.450	5.707	0.021	0.018	0.000	0.000
0.009	0.000	0.000	0.958	0.046	0.000	0.056	0.264	1.517	0.000	2.578	6.128	0.175	0.009	0.000	0.047
0.000	0.000	0.000	0.385	0.182	0.056	0.000	0.539	1.838	0.068	2.339	4.105	0.097	0.008	0.069	0.041
0.000	0.178	0.168	0.407	0.000	0.000	0.000	0.497	2.714	0.000	2.447	6.249	0.249	0.039	0.000	0.000
0.000	0.000	0.000	0.923	0.000	0.000	0.000	0.396	1.470	0.000	1.713	2.926	0.000	0.000	0.000	0.000
0.000	0.000	0.000	0.963	0.072	0.067	0.000	0.408	1.005	0.040	2.850	5.839	0.138	0.049	0.000	0.049
0.009	0.109	0.000	0.477	0.182	0.000	0.000	0.538	1.941	0.000	2.251	5.665	0.152	0.018	0.078	0.023
0.009	0.000	0.000	0.646	0.068	0.031	0.000	0.232	1.843	0.076	2.920	3.695	0.151	0.027	0.000	0.000
0.009	0.000	0.000	0.803	0.021	0.029	0.000	0.211	1.560	0.035	3.416	7.031	0.101	0.017	0.000	0.022
0.000	0.000	0.000	0.946	0.024	0.000	0.000	0.378	2.974	0.000	2.856	5.728	0.163	0.032	0.000	0.000
0.000	0.000	0.000	0.442	0.054	0.000	0.000	0.655	5.647	0.129	1.749	6.441	0.185	0.094	0.000	0.039
0.000	0.000	0.023	0.805	0.040	0.000	0.000	0.729	0.687	0.034	3.549	4.342	0.096	0.016	0.069	0.123
0.000	0.000	0.024	0.658	0.173	0.030	0.000	0.416	1.515	0.036	3.823	4.156	0.103	0.026	0.000	0.088
0.000	0.000	0.000	0.917	0.000	0.067	0.000	0.328	9.994	0.000	1.864	5.692	0.092	0.000	0.000	0.025
0.000	0.000	0.000	1.167	0.066	0.000	0.000	0.566	2.116	0.000	2.596	3.966	0.042	0.016	0.000	0.067
0.018	0.000	0.000	0.727	0.000	0.000	0.000	0.425	5.950	0.000	3.961	6.428	0.203	0.000	0.000	0.000
0.000	0.000	0.000	0.646	0.000	0.000	0.000	0.319	25.036	0.000	2.557	7.326	0.054	0.000	0.000	0.097
0.016	0.000	0.000	0.215	0.038	0.000	0.000	0.425	6.696	0.000	3.075	5.220	0.072	0.000	0.000	0.153
0.000	0.047	0.000	0.283	0.000	0.000	0.000	0.160	39.862	0.000	2.641	6.026	0.057	0.000	0.000	0.000
0.000	0.000	0.000	0.948	0.000	0.030	0.000	0.233	1.806	0.000	1.957	5.901	0.104	0.008	0.000	0.000
0.000	0.000	0.000	0.417	0.000	0.000	0.000	0.327	1.682	0.000	1.652	6.859	0.042	0.000	0.000	0.069
0.000	0.032	0.000	1.133	0.040	0.000	0.000	0.239	2.782	0.000	3.605	4.629	0.057	0.032	0.	

ENSG0000021466	ENSG0000013776	ENSG00000244753	ENSG0000012002	ENSG0000013376	ENSG0000011865	ENSG0000017104	ENSG0000026170	ENSG0000013114	ENSG00000074219	ENSG00000187166	ENSG0000018236	ENSG0000024989	ENSG0000018073	ENSG0000029345	ENSG0000017270
0.159	6.948	0.175	36.113	2.945	4.083	8.351	0.022	0.000	5.191	0.095	68.606	0.049	0.189	0.000	7.356
0.135	5.933	0.148	99.985	1.602	3.146	5.751	0.014	0.000	14.193	0.049	6.791	0.200	0.064	0.000	14.022
0.264	8.280	0.099	39.118	3.776	6.594	2.065	0.081	0.000	16.172	0.000	20.780	0.000	0.057	1.055	13.796
0.163	8.467	0.187	76.470	3.162	4.858	6.766	0.042	0.000	16.398	0.082	7.553	0.005	0.172	0.000	21.402
0.091	6.066	0.163	141.069	3.104	3.576	2.976	0.065	0.000	15.265	0.145	6.265	0.002	0.152	0.000	13.261
0.311	9.640	0.033	19.653	6.004	4.935	5.004	0.053	0.052	14.872	0.215	51.452	0.025	0.123	2.408	7.742
0.108	8.347	0.037	43.061	3.205	6.146	3.372	0.014	0.030	15.786	0.129	12.028	0.046	0.043	0.000	12.521
0.057	4.202	0.078	39.838	1.380	3.062	4.529	0.010	0.000	2.997	0.085	28.483	0.010	0.034	0.104	8.143
0.395	3.509	0.272	49.334	2.759	3.531	5.474	0.022	0.000	8.158	0.138	27.945	0.011	0.026	0.000	16.283
0.192	4.278	0.264	50.079	1.638	3.053	2.394	0.000	0.105	6.093	0.057	3.152	0.099	0.228	0.000	20.849
0.165	6.075	0.164	62.748	2.205	2.801	5.052	0.032	0.052	5.778	0.325	15.339	0.109	0.056	0.000	15.369
0.049	9.978	0.101	71.664	4.241	5.855	3.022	0.045	0.000	9.425	0.029	4.239	0.042	0.106	0.089	8.135
0.201	5.731	0.035	72.676	2.586	4.977	3.293	0.021	0.000	12.924	0.030	36.369	0.013	0.100	0.000	12.812
0.141	8.649	0.129	137.385	4.048	5.292	4.617	0.032	0.000	8.807	0.141	13.742	0.024	0.112	0.043	9.360
0.105	5.160	0.288	79.031	3.125	9.085	4.568	0.000	0.000	10.174	0.063	11.519	0.072	0.249	0.000	13.455
0.186	9.448	0.085	51.554	1.984	4.002	4.920	0.038	0.026	2.563	0.028	3.320	0.067	0.103	0.000	5.775
0.109	6.003	0.075	60.846	4.720	2.068	4.212	0.028	0.030	7.672	0.065	28.332	0.009	0.118	0.000	9.913
0.064	1.965	0.222	55.785	2.142	2.528	2.957	0.038	0.035	31.270	0.019	13.699	0.017	0.038	0.885	19.992
0.049	4.811	0.169	107.195	4.120	3.436	4.837	0.029	0.000	11.301	0.103	8.584	0.017	0.097	0.000	16.920
0.131	6.907	0.072	57.679	4.933	4.265	6.961	0.022	0.000	15.923	0.110	14.872	0.027	0.062	0.000	10.558
0.140	1.934	0.192	62.018	3.104	2.782	3.536	0.014	0.000	15.322	0.050	9.512	0.000	0.011	0.051	27.649
0.520	12.959	0.000	22.235	3.116	6.050	5.797	0.089	0.000	11.915	0.243	36.309	0.040	0.183	0.000	4.447
0.028	4.191	0.039	75.458	2.289	3.755	3.161	0.053	0.000	8.015	0.051	23.424	0.000	0.078	0.052	16.998
0.024	5.910	0.033	62.196	2.161	3.270	2.448	0.008	0.000	17.364	0.029	1.402	0.351	0.029	0.000	10.532
0.027	6.986	0.074	121.314	2.375	4.562	3.806	0.082	0.000	8.949	0.019	9.779	0.258	0.064	0.000	10.407
0.250	7.362	0.268	106.630	3.884	5.602	5.078	0.047	0.000	4.525	0.033	46.625	0.010	0.044	0.000	9.093
0.157	4.296	0.046	44.746	1.722	3.578	13.148	0.021	0.000	10.121	0.170	6.048	0.049	0.067	0.000	11.171
0.111	1.111	0.152	71.295	3.345	4.365	4.967	0.019	0.000	17.966	0.033	14.321	0.048	0.088	0.000	8.455
0.303	9.102	0.083	54.072	1.453	2.892	2.828	0.084	0.000	11.494	0.430	22.418	0.019	0.022	0.000	14.962
0.499	7.983	0.038	50.294	2.983	3.222	2.343	0.089	0.000	25.747	0.063	3.926	0.014	0.044	0.000	14.860
0.048	5.500	0.157	64.227	2.941	5.770	2.984	0.012	0.000	5.265	0.027	20.887	0.031	0.018	0.000	13.765
0.406	10.453	0.033	53.477	3.930	3.757	5.011	0.114	0.000	6.387	0.143	11.391	0.000	0.104	0.000	12.422
0.139	6.576	0.268	128.148	1.090	2.068	4.802	0.031	0.000	2.802	0.065	28.332	0.005	0.011	0.000	15.337
0.027	6.335	0.111	43.225	1.960	2.886	4.169	0.009	0.029	5.443	0.032	10.703	0.009	0.011	0.000	9.836
0.113	8.990	0.467	60.511	3.493	5.423	2.971	0.000	0.000	7.615	0.170	2.004	0.019	0.157	0.104	6.427
0.205	9.304	0.071	62.280	1.978	4.015	4.676	0.030	0.028	5.013	0.108	10.212	0.004	0.122	0.047	11.090
0.171	12.559	0.168	36.601	3.450	6.733	6.488	0.017	0.054	7.370	0.088	33.650	0.034	0.320	0.000	9.037
0.196	9.475	0.067	30.757	5.222	7.838	4.370	0.029	0.027	19.260	0.161	17.794	0.013	0.116	0.000	10.711
0.146	1.945	0.080	49.836	3.289	5.244	4.704	0.024	0.000	6.984	0.138	34.084	0.025	0.139	0.000	11.628
0.271	9.133	0.166	99.538	5.988	6.080	3.903	0.031	0.000	11.621	0.018	13.547	0.057	0.096	0.000	11.470
0.210	9.145	0.246	69.577	2.649	3.782	8.246	0.051	0.000	3.854	0.306	16.782	0.021	0.024	0.055	7.135
0.076	11.476	0.035	105.723	2.069	4.596	1.384	0.017	0.000	9.341	0.106	3.008	0.031	0.070	0.000	11.273
0.446	8.369	0.038	80.613	3.708	3.727	1.901	0.024	0.000	6.359	0.100	1.890	0.014	0.166	0.000	21.002
0.361	9.814	0.033	42.202	3.166	4.351	6.923	0.004	0.053	19.335	0.043	3.507	0.029	0.133	0.000	10.210
0.816	12.885	0.105	49.062	4.821	7.772	1.942	0.104	0.000	19.030	0.321	5.272	0.031	0.182	0.000	11.759
0.174	7.490	0.240	82.406	7.057	7.029	6.384	0.008	0.000	12.419	0.224	18.184	0.013	0.197	0.000	17.288
0.318	10.546	0.188	38.750	5.812	8.234	2.574	0.034	0.030	68.948	0.082	0.961	0.005	0.087	3.411	13.723
0.386	8.524	0.343	49.588	3.176	4.984	5.699	0.118	0.000	8.586	0.083	50.964	0.014	0.121	2.132	9.333
0.098	10.813	0.165	99.519	4.247	5.355	5.483	0.012	0.000	12.134	0.115	15.380	0.012	0.114	0.088	13.327
0.145	6.057	0.136	68.050	3.345	4.495	4.465	0.012	0.000	2.465	0.087	11.689	0.025	0.108	0.000	11.628
0.274	6.548	0.063	39.582	1.438	3.833	3.859	0.027	0.025	2.677	0.123	28.426	0.028	0.190	0.334	12.866
0.074	7.285	0.101	108.044	2.219	4.408	1.861	0.012	0.054	5.269	0.074	5.329	0.030	0.146	0.000	15.598
0.050	8.168	0.275	40.214	4.123	6.770	7.283	0.017	0.000	20.480	0.060	42.407	0.034	0.257	0.000	26.038
0.088	9.129	0.091	74.650	3.500	4.741	4.177	0.037	0.048	15.041	0.080	9.927	0.011	0.123	0.000	16.441
0.162	10.576	0.033	102.746	2.925	4.351	6.923	0.004	0.053	19.335	0.043	3.507	0.029	0.133	0.000	10.210
0.000	9.040	0.000	35.143	3.979	6.315	17.561	0.032	0.000	8.045	0.064	31.039	0.000	0.462	5.045	9.743
0.079	6.862	0.036	105.562	3.732	5.116	5.738	0.071	0.000	10.832	0.016	7.111	0.014	0.115	0.000	12.784
0.075	7.733	0.137	57.547	3.139	6.450	10.502	0.097	0.000	3.688	0.090	21.796	0.026	0.128	0.046	13.426
0.099	11.572	0.238	47.517	4.009	7.339	7.415	0.025	0.000	13.380	0.045	3.388	0.017	0.372	0.000	9.963
0.208	7.711	0.000	60.656	8.217	5.276	7.994	0.012	0.025	16.481	0.374	29.287	0.024	0.165	0.000	11.712
0.145	6.988	0.080	54.377	3.296	4.837	4.734	0.026	0.000	10.846	0.035	19.028	0.005	0.139	0.000	6.687
0.000	5.769	0.233	118.000	2.921	4.272	2.634	0.072	0.000	6.483	0.025	22.153	0.000	0.084	0.000	14.671
0.176	4.925	0.061	64.865	3.673	4.413	5.750	0.071	0.000	3.206	0.053	41.224	0.015	0.192	0.040	6.000
0.094	5.979	0.097	140.043	5.551	7.645	5.817	0.012	0.052	11.870	0.071	2.420	0.012	0.140	0.000	13.858
0.132	5.395	0.072	70.697	4.810	5.790	6.804	0.063	0.000	22.284	0.000	12.893	0.005	0.094	1.157	10.552
0.076	9.140	0.033	42.202	3.166	4.351	6.923	0.004	0.053	19.335	0.043	3.507	0.029	0.133	0.000	10.210
0.232	4.946	0.046	58.801	4.420	6.455	4.626	0.016	0.000	7.553	0.056	29.704	0.000	0.165	0.000	13.232
0.000	3.165	0.000	208.920	3.177	2.908	4.890	0.021	0.000	15.438	0.037	12.365	0.000	0.098	0.000	23.519
0.288	8.434	0.113	37.001	7.534	7.131	8.471	0.001	0.000	10.979	0.000	0.642	0.007	0.195	0.000	11.979
0.065	4.162	0.089	84.943	3.128	5.472	5.889	0.022	0.000	8.289	0.019	22.204	0.011	0.129	0.000	14.578
0.047	7.520	0.098	54.889	4.279	4.743	5.135	0.008	0.026	17.047	0.000	9.994	0.008	0.122	0.000	16.194
0.100	11.620	0.045	99.245	4.837	5.244	4.704	0.024	0.000							

ENSG00000004852	ENSG00000100055	ENSG00000001666	ENSG00000251281	ENSG00000166619	ENSG00000272623	ENSG00000274333	ENSG00000272627	ENSG00000280333	ENSG00000285194	ENSG000000992208	ENSG00000189241	ENSG00000268421	ENSG00000101951	ENSG00000296119	ENSG00000118849
2014	4467	0325	0058	11.977	0.978	0.393	0.050	0.185	0.049	3.020	29.839	0.000	0.000	0.000	1.671
1473	6079	0039	0050	7.800	0.384	0.549	0.043	0.000	0.112	4.008	20.169	0.204	0.000	0.000	21.343
1853	4554	1728	0000	14.051	0.285	0.638	0.114	0.000	0.012	7.457	29.204	0.086	0.000	0.000	0.712
3432	1446	0205	0000	12.708	0.451	0.217	0.043	0.158	0.141	6.059	21.620	0.012	0.011	0.000	0.958
1894	6375	0375	0000	9.514	0.072	0.262	0.103	0.000	0.030	4.155	16.422	0.000	0.000	0.000	6.877
0988	6715	4361	0000	12.108	0.487	0.427	0.114	0.418	0.773	6.598	27.333	0.359	0.000	0.000	0.083
1882	15.687	0.145	0000	13.654	0.255	0.477	0.043	1.254	0.271	4.371	16.828	0.036	0.000	0.000	3.607
1407	10.810	0.362	0000	19.660	1.283	0.530	0.090	0.000	0.015	3.825	62.510	0.000	0.000	0.000	5.484
2124	4.600	0.337	0000	13.264	0.780	1.457	0.104	0.192	0.094	6.610	18.160	0.044	0.000	0.000	0.032
0972	14.875	0.059	0000	7.900	0.000	1.357	0.000	0.558	0.025	4.840	16.647	0.000	0.000	0.000	37.952
1150	6.887	0.338	0000	11.368	0.725	0.438	0.261	0.000	0.030	4.755	16.422	0.000	0.000	0.000	0.031
2332	4.716	0.068	0000	13.884	0.578	0.431	0.077	0.567	0.006	3.820	26.398	0.011	0.000	0.000	3.553
3197	4.628	0.211	0000	17.040	0.477	0.334	0.040	0.148	0.078	4.012	28.886	0.056	0.000	0.000	0.588
1326	5.298	0.056	0000	15.818	0.279	0.354	0.037	0.274	0.043	3.310	28.821	0.042	0.000	0.000	0.223
0733	7.335	0.325	0000	15.007	0.745	1.020	0.000	0.000	0.000	4.131	28.380	0.000	0.000	0.000	2.230
1257	25.756	0.188	1.857	10.330	0.279	0.229	0.112	0.548	0.079	1.929	33.349	0.126	0.000	0.000	7.726
4085	2.453	0.768	0000	20.842	0.322	0.457	0.043	0.000	0.091	5.878	28.477	0.038	0.000	0.000	1.761
0950	5.164	2.952	0000	13.465	1.222	2.111	0.153	0.000	0.025	10.303	10.752	0.000	0.000	0.000	0.438
1888	9.560	0.035	0000	12.399	0.407	0.391	0.039	0.000	0.051	4.109	20.584	0.153	0.000	0.000	0.898
2112	5.535	0.106	0000	9.898	0.062	0.255	0.041	0.153	0.000	3.892	12.343	0.012	0.000	0.000	0.987
1783	3.778	0.046	0000	8.722	0.994	1.039	0.088	0.000	0.029	9.451	15.788	0.062	0.000	0.000	2.183
2782	2.223	1.135	0000	20.463	1.575	0.409	0.046	0.168	0.052	3.702	82.089	0.502	0.000	0.000	0.463
4882	5.452	0.003	0000	14.659	1.472	1.049	0.000	0.821	0.044	8.433	29.949	0.000	0.000	0.000	0.027
1884	5.359	0.060	0000	9.201	0.057	0.425	0.000	0.000	0.000	2.145	21.389	0.000	0.000	0.000	12.999
1113	15.415	0.067	0000	12.297	0.190	0.260	0.000	0.000	0.028	3.607	26.003	0.012	0.000	0.000	4.989
1279	8.899	1.207	0051	13.112	0.461	0.246	0.088	0.162	0.180	2.697	23.734	0.012	0.000	0.000	5.789
3002	9.783	1.729	0000	15.194	0.522	0.301	0.000	0.163	0.122	3.070	22.515	0.028	0.000	0.000	1.711
1049	3.735	0.073	0000	10.805	0.377	0.362	0.088	0.000	0.057	6.125	25.261	0.025	0.000	0.000	1.650
1156	4.310	0.673	0000	19.360	1.111	0.391	0.044	0.000	0.014	2.853	19.957	0.000	0.000	0.000	1.933
2338	3.359	0.324	0000	11.443	0.986	0.962	0.000	0.323	0.007	6.047	17.757	0.000	0.011	0.000	0.832
1848	4.764	0.205	0000	19.873	1.108	0.646	0.072	0.000	0.024	3.927	20.869	0.010	0.000	0.000	1.146
1079	2.051	0.099	0000	14.199	0.453	0.550	0.000	0.278	0.062	3.843	24.386	0.064	0.000	0.000	0.392
4085	2.453	0.768	0000	20.842	0.322	0.457	0.043	0.000	0.091	5.878	28.477	0.038	0.000	0.000	1.761
0988	6.392	0.252	0000	13.250	0.381	0.237	0.085	0.156	0.000	2.749	15.838	0.000	0.000	0.000	4.039
2894	5.611	0.304	0000	11.569	0.403	0.501	0.000	1.318	0.000	2.284	28.565	0.000	0.000	0.000	24.088
1815	8.277	0.459	0000	24.610	0.790	0.454	0.081	0.149	0.046	3.333	41.011	0.011	0.000	0.000	1.270
0958	3.894	0.514	0000	17.716	0.232	0.260	0.077	0.713	0.127	4.345	22.246	0.033	0.000	0.000	0.547
2971	12.836	0.321	0000	19.094	0.252	0.108	0.116	0.000	0.171	4.452	27.000	0.000	0.000	0.000	2.175
4076	4.868	0.688	0000	18.243	0.415	0.284	0.132	0.284	0.000	3.124	31.258	0.000	0.000	0.000	1.577
2002	3.022	0.524	0000	8.512	0.857	0.320	0.143	0.175	0.296	6.806	21.905	0.027	0.000	0.000	0.568
1984	5.547	0.397	0000	15.717	0.498	0.159	0.095	0.000	0.054	2.171	22.210	0.000	0.012	0.000	2.730
2722	7.426	0.218	0000	13.620	0.961	0.157	0.080	0.295	0.092	5.083	28.162	0.000	0.000	0.000	2.405
3667	3.454	0.046	0000	13.055	0.132	0.420	0.000	0.000	0.022	5.989	22.940	0.012	0.000	0.000	0.934
4295	4.895	0.213	0000	9.250	0.341	0.276	0.000	0.279	0.056	4.440	21.244	0.060	0.000	0.000	0.651
1452	3.100	0.214	0000	12.401	1.089	0.700	0.000	0.445	0.013	4.684	27.759	0.000	0.000	0.000	0.258
0633	6.483	0.625	0000	12.418	0.354	0.419	0.039	0.145	0.039	5.296	27.710	0.000	0.000	0.000	0.816
0432	0.538	0.142	0000	17.146	0.065	0.606	0.390	0.797	0.128	6.930	32.751	0.000	0.000	0.000	0.803
3321	9.822	0.505	0000	13.234	1.118	0.393	0.088	0.484	0.237	4.869	30.049	0.309	0.000	0.000	0.687
1749	3.250	0.336	0000	15.289	1.482	0.426	0.006	0.006	0.006	2.822	23.345	0.000	0.000	0.000	3.003
1049	3.735	0.073	0000	10.805	0.377	0.362	0.088	0.000	0.057	6.125	25.261	0.025	0.000	0.000	1.650
1826	3.796	0.203	0000	25.410	1.678	0.465	0.036	0.000	0.118	5.866	50.051	0.010	0.027	0.000	2.230
1689	8.594	0.048	0000	11.384	0.175	0.652	0.039	0.000	0.013	4.152	28.738	0.068	0.000	0.000	5.712
3600	5.621	0.150	0000	13.895	0.593	0.775	0.040	0.146	0.006	9.888	14.604	0.011	0.010	0.000	5.058
2602	4.856	0.030	0000	10.503	0.210	0.469	0.000	0.000	0.023	4.710	17.306	0.000	0.000	0.000	1.557
0172	0.345	0.000	0000	17.746	0.276	0.241	0.000	0.128	0.056	3.440	21.244	0.060	0.000	0.000	1.747
1091	1.543	0.734	0000	11.082	0.251	0.938	0.000	0.000	0.110	7.020	45.311	0.000	0.000	0.000	0.222
2476	5.486	0.599	0000	9.079	0.125	0.700	0.000	0.460	0.014	8.391	19.040	0.012	0.000	0.000	0.026
3430	4.642	1.181	0000	13.114	0.118	0.573	0.000	0.000	0.109	4.608	16.146	0.011	0.000	0.000	0.729
2405	4.916	1.877	0000	9.602	0.821	0.307	0.039	0.720	0.115	4.175	26.077	0.033	0.000	0.000	0.561
2367	3.643	0.410	0000	19.488	0.492	0.102	0.073	0.269	0.024	4.997	27.033	0.000	0.018	0.000	0.523
1145	2.753	0.214	0000	11.719	0.210	0.845	0.000	0.138	0.000	3.124	31.258	0.014	0.000	0.000	0.363
2002	3.022	0.524	0000	8.512	0.857	0.320	0.143	0.175	0.296	6.806	21.905	0.027	0.000	0.000	0.568
5510	1.244	5.969	0000	22.889	0.836	0.293	0.139	0.256	0.216	6.596	29.584	0.010	0.000	0.000	0.499
1590	6.803	0.381	0000	10.953	0.392	0.397	0.037	0.550	0.214	4.460	29.258	0.032	0.009	0.000	5.850
1806	2.013	1.394	0000	15.289	1.186	0.536	0.042	0.000	0.048	4.469	34.649	0.070	0.000	0.000	2.076
2176	4.265	0.213	0000	9.250	0.341	0.276	0.000	0.279	0.056	4.440	21.244	0.060	0.000	0.000	0.651
3107	2.226	0.883	0000	9.892	0.440	0.760	0.000	0.000	0.000	5.273	28.744	0.021	0.000	0.000	1.214
1435	0.979	0.038	0000	8.305	0.367	0.904	0.049	0.000	0.000	7.508	19.584	0.000	0.000	0.000	0.030
2981	2.915	0.213	0000	14.980	0.195	0.291	0.000	0.000	0.021	2.762	15.671	0.073	0.000	0.000	1.554
0553	2.583	0.074	0060	7.277	0.077	0.661	0.051	0.000	0.000	4.343	15.265	0.000	0.000	0.000	0.442
3902	4.775	0.135	0000	10.652	0.112	0.650	0.037	0.000	0.000	6.024	13.619	0.021	0.000	0.000	2.023
1176	3.416	0.000	0000	14.928	0.704	0.284	0.000	0.132	0.000	4.763	31.258	0.010	0.000	0.000	4.841
0860	5.737	0.175	0000	9.734	0.514	0.442	0.034	0.128	0.017	2.840	21.249	0.019	0.000	0.000	1.211

ENSG0000017434	ENSG00000143751	ENSG0000025208	ENSG0000010787	ENSG00000162528	ENSG00000254892	ENSG00000272040	ENSG00000239197	ENSG0000012182	ENSG00000131480	ENSG00000266327	ENSG00000202139	ENSG00000265801	ENSG00000275086	ENSG0000024765
2352	8113	0.000	3935	0.136	0.000	0.679	0.000	0.066	0.158	0.000	0.105	0.026	0.000	0.074
1880	9772	0.000	7877	0.125	0.000	0.831	0.000	0.028	0.586	0.000	0.036	0.022	0.000	0.378
2987	8943	0.063	1480	0.239	0.000	0.449	0.000	0.012	0.409	0.000	0.064	0.040	0.000	0.168
3480	7601	0.000	2108	0.339	0.000	0.691	0.000	0.057	0.751	0.000	0.054	0.187	0.000	0.191
2090	6727	0.000	1325	0.097	0.000	0.987	0.000	0.075	0.266	0.000	0.063	0.020	0.000	0.707
2086	8263	0.000	2957	0.885	0.000	0.981	0.000	0.037	1.151	0.000	0.143	0.068	0.000	0.335
1996	7571	0.000	6549	0.211	0.000	1.008	0.030	0.070	0.292	0.000	0.054	0.015	0.000	2.830
2588	5035	0.000	4751	0.030	0.000	0.247	0.000	0.059	0.184	0.000	0.057	0.039	0.000	0.399
5169	7904	0.000	1491	0.164	0.000	0.704	0.037	0.051	0.493	0.000	0.000	0.018	0.000	0.615
1014	5940	0.000	3591	0.000	0.000	0.448	0.000	0.249	0.422	0.000	0.000	0.026	0.000	2.461
2325	6919	0.000	8922	0.109	0.000	0.865	0.000	0.069	0.269	0.000	0.031	0.043	0.000	1.863
1096	8065	0.000	2473	0.234	0.000	0.762	0.027	0.063	0.401	0.000	0.129	0.007	0.000	0.455
1109	7010	0.000	2010	0.089	0.000	0.538	0.000	0.131	0.339	0.000	0.083	0.014	0.000	0.294
1473	7391	0.000	3767	0.218	0.069	0.959	0.026	0.037	0.849	0.000	0.078	0.000	0.000	0.220
1479	6908	0.000	2357	0.112	0.000	0.420	0.000	0.164	0.215	0.000	0.209	0.000	0.000	0.245
0374	6784	0.000	6295	0.101	0.000	0.535	0.026	0.086	0.926	0.000	0.064	0.013	0.046	0.064
2882	8958	0.000	1178	0.164	0.000	0.363	0.000	0.056	0.528	0.000	0.036	0.045	0.000	0.063
8784	6246	0.000	0554	0.092	0.000	0.431	0.000	0.050	0.492	0.000	0.009	0.000	0.000	0.226
1320	6076	0.000	1375	0.140	0.000	0.377	0.000	0.051	0.274	0.000	0.065	0.000	0.000	0.802
1549	7488	0.000	3619	0.196	0.077	0.368	0.000	0.088	0.423	0.000	0.104	0.007	0.000	0.122
7100	7342	0.000	1670	0.030	0.000	0.149	0.000	0.000	0.082	0.000	0.037	0.008	0.000	0.653
0943	7211	0.000	8922	0.720	0.000	0.579	0.000	0.075	0.729	0.000	0.096	0.040	0.000	0.067
4557	4547	0.000	1835	0.111	0.000	0.490	0.000	0.015	0.472	0.000	0.037	0.062	0.000	1.516
2182	7816	0.000	5470	0.043	0.000	0.273	0.027	0.075	0.063	0.000	0.064	0.000	0.000	0.280
0967	8608	0.000	2286	0.067	0.079	0.482	0.000	0.028	0.534	0.000	0.053	0.022	0.000	0.437
1888	8863	0.000	3300	0.297	0.000	0.965	0.000	0.058	0.228	0.000	0.055	0.023	0.050	0.519
3138	5058	0.000	1337	0.112	0.000	0.336	0.000	0.063	0.249	0.000	0.063	0.234	0.114	0.361
3419	5941	0.000	7485	0.059	0.000	0.553	0.000	0.000	0.227	0.000	0.257	0.015	0.000	0.129
3235	4279	0.000	4465	0.128	0.000	2.100	0.031	0.000	0.332	0.000	0.037	0.030	0.050	0.901
6238	5489	0.000	1435	0.257	0.000	1.390	0.000	0.029	0.505	0.000	0.129	0.023	0.000	0.388
4125	6194	0.000	1274	0.065	0.000	0.335	0.000	0.012	0.328	0.000	0.061	0.000	0.000	0.286
1940	6453	0.000	0572	0.221	0.070	1.821	0.000	0.000	0.568	0.000	0.063	0.026	0.000	0.167
3123	8945	0.000	3153	0.059	0.000	0.363	0.000	0.014	0.855	0.000	0.055	0.008	0.000	0.974
2507	5054	0.000	1882	0.057	0.000	1.164	0.000	0.028	0.149	0.000	0.018	0.015	0.000	1.001
3146	9507	0.000	2542	0.201	0.000	1.211	0.000	0.059	0.150	0.000	0.150	0.000	0.000	0.793
1878	6122	0.000	2541	0.137	0.000	0.617	0.000	0.133	0.203	0.000	0.034	0.007	0.000	0.539
1944	5583	0.000	3361	0.697	0.144	1.080	0.000	0.051	0.216	0.000	0.049	0.216	0.000	1.258
0108	8757	0.000	5199	0.444	0.000	0.915	0.000	0.064	0.258	0.000	0.032	0.000	0.000	0.971
1523	8941	0.000	2988	0.197	0.000	0.468	0.000	0.081	0.468	0.000	0.051	0.217	0.000	0.613
1835	9388	0.000	2816	0.172	0.000	1.108	0.000	0.047	0.734	0.000	0.080	0.008	0.055	0.483
1270	7597	0.000	1924	0.256	0.000	0.802	0.000	0.218	0.229	0.000	0.060	0.008	0.054	0.700
0738	8699	0.000	2169	0.162	0.000	0.559	0.000	0.040	0.238	0.000	0.084	0.028	0.000	0.474
2412	8035	0.000	1997	0.228	0.000	0.615	0.000	0.029	0.172	0.000	0.074	0.000	0.051	0.391
1479	7967	0.000	2943	0.264	0.000	0.962	0.000	0.062	0.323	0.000	0.046	0.007	0.000	0.391
5311	10767	0.000	2943	0.445	0.000	1.483	0.000	0.013	0.337	0.000	0.000	0.007	0.000	0.298
2130	6816	0.000	1542	0.283	0.000	0.482	0.028	0.028	0.475	0.000	0.116	0.089	0.000	0.465
1209	20893	0.000	14782	0.527	0.081	0.348	0.000	0.057	0.499	0.034	0.073	0.023	0.000	0.384
2496	7411	0.000	3486	0.336	0.000	0.964	0.000	0.101	0.627	0.000	0.000	0.000	0.000	0.389
2419	9026	0.000	1232	0.120	0.000	0.530	0.000	0.038	0.134	0.000	0.006	0.013	0.000	0.112
1419	4571	0.000	3490	0.057	0.000	0.137	0.000	0.000	0.137	0.000	0.059	0.000	0.174	0.848
4432	6425	0.000	4846	0.106	0.000	0.338	0.000	0.107	0.463	0.000	0.045	0.025	0.041	0.427
0845	7544	0.000	1604	0.131	0.000	0.295	0.000	0.064	0.303	0.000	0.065	0.007	0.000	0.860
1963	8560	0.000	2563	0.089	0.000	0.301	0.000	0.026	0.227	0.000	0.083	0.000	0.000	0.175
1365	8324	0.000	1813	0.094	0.000	0.502	0.000	0.034	0.292	0.000	0.117	0.000	0.000	0.103
3375	8429	0.000	1478	0.130	0.000	0.789	0.148	0.000	0.789	0.000	0.044	0.000	0.000	0.391
1870	12021	0.000	4381	0.226	0.000	0.921	0.000	0.276	0.591	0.000	0.281	0.204	0.000	0.810
1929	11889	0.000	3351	0.047	0.000	0.757	0.000	0.041	0.673	0.000	0.087	0.007	0.000	0.000
2723	8718	0.000	1756	0.284	0.000	0.715	0.000	0.091	0.658	0.000	0.050	0.021	0.000	0.233
3972	8493	0.000	5791	0.158	0.000	0.430	0.000	0.103	0.428	0.000	0.148	0.048	0.000	0.462
2038	8666	0.000	1413	0.115	0.000	0.509	0.000	0.060	0.183	0.000	0.077	0.108	0.000	0.108
5003	8511	0.000	2911	0.465	0.000	0.778	0.000	0.241	0.723	0.000	0.212	0.401	0.000	0.613
5003	8352	0.000	1415	0.181	0.000	0.622	0.000	0.044	0.621	0.000	0.169	0.000	0.000	0.099
1808	8649	0.000	2815	0.298	0.000	0.883	0.025	0.023	1.119	0.000	0.102	0.467	0.000	0.206
1626	11383	0.000	3288	0.513	0.070	0.931	0.000	0.037	0.381	0.000	0.125	0.026	0.000	0.662
2389	8389	0.000	7322	0.122	0.000	0.528	0.000	0.041	0.131	0.000	0.035	0.288	0.000	0.184
5237	5020	0.000	0169	0.452	0.000	0.452	0.000	0.452	0.452	0.000	0.452	0.007	0.000	0.000
3479	9322	0.000	0880	0.149	0.000	0.210	0.000	0.048	0.056	0.000	0.123	0.000	0.000	0.108
2101	7532	0.000	0704	0.044	0.000	0.579	0.000	0.080	0.454	0.000	0.041	0.009	0.056	0.144
0943	11266	0.000	1509	0.117	0.000	0.550	0.000	0.021	0.072	0.000	0.109	0.011	0.000	0.288
5732	7406	0.000	1142	0.023	0.000	0.239	0.000	0.118	0.057	0.000	0.172	0.000	0.000	0.076
5765	10096	0.000	1213	0.034	0.000	0.411	0.000	0.025	0.181	0.000	0.063	0.007	0.000	0.055
1803	4948	0.000	2988	0.102	0.000	0.295	0.000	0.029	0.320	0.000	0.042	0.000	0.000	0.000
0812	5482	0.000	1576	0.108	0.064	0.507	0.000	0.034	0.140	0.000	0.043	0.018	0.000	1.013
2980	5880	0.000	0913	0.076	0.000	0.686	0.000	0.067	0.264	0.000	0.028	0.035	0.000	0.200
0345	7799	0.000	2187	0.116	0.000	0.719	0.000	0.085	0.766	0.000	0.065	0.000	0.000	0.152
1803	5728	0.000	12471	0.210	0.347	0.867	0.000	0.020	0.277	0.000	0.052	0.000	0.071	0.000
3247	8429	0.000	0988	0.106	0.000	0.169	0.000	0.116	0.294	0.000	0.010	0.000	0.000	0.000
0217	15868	0.000	0548	0.000	0.000	0.550	0.000	0.086	0.532	0.000	0.109	0.045	0.000	0.759
5403	8730	0.000	0943	0.099	0.000	0.902	0.000	0.038	0.223	0.000	0.000	0.029	0.000	0.242
1948	7514	0.000	04											



ENSG00000251286	ENSG00000274764	ENSG00000005844	ENSG00000241088	ENSG00000243824	ENSG00000251296
0.000	0.000	2.654	0.090	0.596	0.000
0.000	0.000	0.735	0.115	0.887	0.000
0.000	0.000	1.681	0.000	1.354	0.000
0.000	0.000	1.675	0.000	0.511	0.000
0.000	0.000	5.962	0.215	0.427	0.000
0.000	0.000	9.767	0.034	0.637	0.000
0.000	0.000	10.089	0.191	0.843	0.000
0.000	0.000	3.453	0.000	0.535	0.000
0.000	0.000	1.420	0.093	0.928	0.000
0.000	0.000	5.415	0.543	1.500	0.000
0.000	0.000	1.801	0.134	0.408	0.000
0.000	0.000	6.125	0.000	0.878	0.000
0.000	0.000	2.830	0.036	0.709	0.000
0.000	0.000	3.290	0.033	0.442	0.000
0.000	0.000	2.576	0.297	1.313	0.000
0.000	0.000	12.673	0.033	0.405	0.000
0.000	0.000	1.142	0.038	0.255	0.000
0.000	0.000	1.429	0.137	0.807	0.000
0.000	0.000	2.340	0.035	0.883	0.000
0.000	0.000	1.564	0.000	0.205	0.000
0.000	0.000	1.108	0.040	0.744	0.000
0.000	0.000	1.208	0.000	0.352	0.000
0.000	0.000	2.167	0.120	0.751	0.000
0.000	0.000	1.930	0.170	0.827	0.000
0.000	0.000	4.037	0.152	0.377	0.000
0.000	0.000	3.635	0.000	0.305	0.000
0.000	0.000	2.561	0.045	1.063	0.000
0.000	0.000	1.281	0.000	0.867	0.000
0.000	0.000	1.671	0.039	0.432	0.035
0.000	0.000	0.865	0.079	1.216	0.000
0.000	0.000	1.457	0.129	0.429	0.000
0.000	0.000	1.322	0.203	0.599	0.000
0.000	0.000	3.528	0.000	0.653	0.000
0.000	0.000	1.250	0.000	0.588	0.000
0.000	0.000	2.094	0.060	1.064	0.000
0.000	0.000	3.878	0.073	0.482	0.000
0.000	0.000	2.789	0.035	0.077	0.000
0.000	0.000	10.080	0.069	0.230	0.000
0.000	0.000	2.911	0.041	0.594	0.000
0.000	0.000	1.449	0.000	0.378	0.000
0.000	0.000	4.128	0.000	0.329	0.039
0.000	0.000	1.659	0.000	0.357	0.000
0.000	0.000	2.282	0.040	0.349	0.000
0.000	0.000	3.038	0.102	0.337	0.000
0.000	0.000	1.085	0.000	0.479	0.000
0.000	0.000	3.637	0.106	0.390	0.000
0.000	0.000	0.185	0.039	1.245	0.000
0.000	0.000	3.793	0.039	0.695	0.000
0.000	0.000	1.556	0.102	0.791	0.000
0.000	0.000	3.907	0.161	0.889	0.000
0.000	0.000	1.467	0.097	0.536	0.000
0.000	0.000	2.971	0.035	0.808	0.000
0.000	0.000	1.250	0.106	0.548	0.000
0.000	0.000	2.876	0.063	0.415	0.000
0.000	0.000	0.530	0.289	1.529	0.000
0.000	0.000	0.703	0.301	1.162	0.000
0.000	0.000	1.286	0.112	0.660	0.000
0.000	0.000	1.974	0.071	0.468	0.000
0.000	0.000	3.133	0.105	0.659	0.000
0.000	0.000	2.130	0.065	0.796	0.000
0.000	0.000	0.817	0.000	0.585	0.000
0.000	0.000	1.652	0.180	1.127	0.000
0.000	0.000	0.688	0.062	0.587	0.000
0.000	0.000	1.907	0.067	0.370	0.000
0.000	0.000	0.679	0.112	0.330	0.000
0.000	0.000	0.965	0.096	0.636	0.000
0.000	0.000	0.873	0.000	0.509	0.000
0.000	0.000	0.309	0.132	0.388	0.000
0.000	0.000	2.612	0.175	0.515	0.000
0.000	0.000	0.849	0.138	0.763	0.000
0.000	0.000	1.275	0.101	1.038	0.000
0.000	0.000	1.748	0.000	0.450	0.000
0.000	0.000	0.993	0.062	0.713	0.000
0.000	0.000	1.927	0.000	0.603	0.000
0.000	0.000	3.462	0.046	0.511	0.000
0.000	0.000	0.568	0.056	0.492	0.000
0.000	0.000	2.346	0.039	1.720	0.000
0.000	0.000	0.437	0.234	1.548	0.000
0.000	0.000	0.884	0.098	0.975	0.000
0.000	0.000	1.917	0.098	0.919	0.000
0.000	0.000	0.793	0.090	1.140	0.000
0.000	0.000	1.342	0.035	0.466	0.000
0.000	0.000	6.457	0.042	0.546	0.000
0.000	0.000	3.897	0.189	0.366	0.000
0.000	0.000	1.803	0.039	0.262	0.000
0.000	0.000	0.974	0.042	0.463	0.000
0.000	0.000	1.324	0.066	0.437	0.000
0.000	0.000	4.652	0.103	0.360	0.000
0.000	0.000	0.692	0.000	0.347	0.000
0.000	0.000	0.895	0.184	1.488	0.000
0.000	0.000	0.411	0.065	0.542	0.000
0.000	0.000	0.364	0.000	0.834	0.000
0.000	0.000	6.354	0.098	0.648	0.000
0.000	0.000	1.104	0.034	0.642	0.000
0.000	0.000	1.470	0.099	0.764	0.000
0.000	0.000	1.267	0.076	0.211	0.000
0.000	0.000	0.909	0.080	0.885	0.000
0.000	0.000	2.234	0.163	0.721	0.000
0.000	0.000	4.798	0.413	1.827	0.000
0.000	0.000	1.671	0.000	0.942	0.000
0.000	0.000	1.760	0.060	0.442	0.000
0.000	0.000	0.750	0.104	1.269	0.000
0.000	0.000	2.771	0.000	0.487	0.000
0.000	0.012	6.515	0.044	0.483	0.000
0.000	0.000	0.724	0.100	0.222	0.000
0.000	0.000	3.480	0.000	0.873	0.000
0.000	0.000	2.095	0.000	0.133	0.000
0.000	0.000	0.400	0.000	0.552	0.000
0.000	0.000	1.427	0.101	0.481	0.000
0.000	0.000	2.673	0.168	1.436	0.000
0.000	0.000	1.306	0.000	0.594	0.000
0.000	0.000	0.363	0.000	0.410	0.000
0.000	0.000	8.744	0.000	0.254	0.000
0.000	0.000	3.907	0.164	0.727	0.000
0.000	0.000	1.112	0.000	0.906	0.000
0.000	0.000	1.752	0.124	0.825	0.000
0.000	0.000	1.250	0.038	0.316	0.000
0.000	0.000	2.011	0.041	0.869	0.000
0.000	0.000	1.662	0.000	1.032	0.000
0.000	0.000	0.994	0.000	0.755	0.000
0.000	0.000	2.579	0.031	0.547	0.000
0.000	0.000	1.452	0.233	0.772	0.000
0.000	0.000	3.381	0.082	1.127	0.000
0.000	0.000	2.414	0.162	0.537	0.000
0.000	0.011	1.729	0.000	0.462	0.000
0.000	0.000	3.474	0.073	1.042	0.000
0.000	0.000	2.673	0.000	1.306	0.000
0.000	0.000	1.926	0.094	0.587	0.000
0.000	0.000	1.779	0.058	0.352	0.000
0.000	0.000	0.749	0.031	0.728	0.028
0.000	0.000	1.882	0.060	0.297	0.000
0.000	0.000	2.517	0.084	0.935	0.000
0.000	0.000	1.833	0.170	0.975	0.000
0.000	0.000	1.587	0.175	0.819	0.000
0.000	0.000	0.944	0.089	0.393	0.000
0.000	0.000	2.302	0.099	0.436	0.045
0.000	0.000	2.153	0.166	0.367	0.000
0.000	0.000	0.811	0.045	0.845	0.000
0.000	0.000	0.819	0.157	1.178	0.000
0.000	0.000	1.028	0.032	0.639	0.000
0.000	0.000	2.278	0.115	1.711	0.000
0.000	0.000	1.306	0.060	0.727	0.000
0.000	0.000	1.780	0.041	0.403	0.000
0.000	0.000	1.293	0.036	0.603	0.000
0.000	0.000	1.029	0.036	0.987	0.000

**Table S4.** Summary of the main features of Reboot and similar tools.

<b>Tool</b>	<b>Reboot</b>	<b>HDMAC</b>	<b>Biospear</b>	<b>BhGLM</b>	<b>KM-Plotter</b>
<i>Penalized cox regression</i>	YES	YES	YES	YES	NO
<i>Bootstrap</i>	YES	NO	YES#	NO	NO
<i>Web interface</i>	YES	YES	NO	NO	YES
<i>Detailed Documentation</i>	YES	NO*	YES	NO*	NO*
<i>High-dimensional data</i>	YES	YES+	YES	YES	NO
<i>Evaluation of Clinical parameters</i>	YES	YES	NO	NO	YES
<i>Pre-filtering</i>	YES	NO	NO	NO	NO~
<i>Integrative approach</i>	YES	NO	NO	NO	NO
<i>Validation</i>	YES	NO	NO	NO	NO
<i>Graphical Signature</i>	YES	NO	YES	YES	NO
<i>Graphical Survival Outcome</i>	YES	NO	NO	NO	YES
<i>Command line</i>	YES	NO	YES	YES	NO

(#) Biospear calculates expected survival using bootstrap, but does not attribute significance this way;  
 (\*) Detailed documentation available, including usage example, command features, explained parameters and installation guide is proposed. All tools provide some sort of usage guidance, yet maintain implicit some parameters and analysis steps; (+) HDMAC claims to perform high dimension analysis, but all attempts with more than 1000 genes returned errors; (~) KM-Plotter allows user to subset the raw datasets available in order to perform further analysis.

**Table S5.** Protein-coding genes up-regulated in glioblastoma in comparison to low-grade glioma patients (log2FoldChange  $\geq 2$  and FDR adjusted p-value  $< 0.05$ ).

gene.symbol	log2FoldChange	FDR
HOXC13	8.31267	3.08E-187
HOXC11	8.16204	6.40E-194
SAA1	8.13785	2.19E-160
PLA2G2A	7.69151	2.85E-129
HOXD13	7.62622	8.26E-188
SFT2D3	7.56194	9.28E-11
PRAC2	6.91535	2.78E-108
HOXD11	6.84318	3.23E-112
PI3	6.82494	8.89E-146
HOXB8	6.76164	5.14E-115
DAZ2	6.30930	1.50E-15
SAA2-SAA4	6.10032	3.03E-76
LBX1	5.97443	5.57E-91
PITX2	5.93513	3.38E-117
OTP	5.90006	1.60E-135
POSTN	5.89122	1.88E-104
SAA2	5.88792	5.68E-210
C5orf46	5.73150	5.73E-78
C6orf15	5.69659	9.17E-42
NKX2-5	5.64422	3.07E-139
MMP9	5.57707	4.99E-172
CCL7	5.55751	1.23E-60
CA3	5.54211	4.34E-230
HOXD10	5.52211	5.91E-113
IBSP	5.51025	7.14E-85
HOXC8	5.50481	3.11E-97
CHI3L1	5.49907	2.74E-113
HOXC10	5.43846	5.37E-67
HOXC9	5.41247	3.78E-75
KRT75	5.38595	1.66E-92
AL445238.1	5.38364	2.06E-69
CAPN6	5.36698	4.60E-126
HOXB9	5.36390	2.92E-124
NNMT	5.34006	1.39E-224
CD70	5.32724	5.51E-151
IL36B	5.27517	2.13E-54
VGLL2	5.25022	9.48E-109
HIST1H3F	5.17573	8.89E-66
GATA4	5.14183	1.93E-78
DAZ4	5.10323	1.59E-30
FMOD	5.09929	5.24E-212
HOXB3	5.05409	5.72E-129

HOXA5	5.04195	5.70E-90
HOXD12	5.01753	1.61E-88
PRDM13	5.00345	2.14E-54
UNCX	4.97530	4.57E-30
HOXB13	4.95180	5.31E-141
IGFBP2	4.86835	3.23E-264
SCNN1B	4.85387	1.56E-127
HOXA9	4.85242	8.56E-72
SHOX2	4.85171	1.08E-106
MEOX2	4.84083	1.94E-115
LTF	4.82009	3.87E-60
CHRNA9	4.79487	9.24E-115
PTX3	4.78183	5.50E-230
STOML3	4.77738	4.67E-51
HOXA6	4.77692	3.28E-104
OR51E1	4.75088	3.80E-150
MCEMP1	4.73554	2.94E-98
COL3A1	4.70929	2.41E-154
HIST1H2BH	4.70528	8.58E-194
COL1A1	4.70070	3.27E-133
HOXA4	4.66575	2.45E-50
HOXC6	4.65932	1.04E-82
IGF2BP3	4.65073	8.34E-298
HOXA3	4.64331	1.13E-51
GALNT5	4.64184	3.99E-136
HOXA2	4.64103	2.48E-50
SEC61G	4.63731	2.87E-252
CCDC140	4.59655	1.28E-32
EN1	4.57932	5.85E-84
CA9	4.57170	3.60E-134
COL6A2	4.55410	1.02E-232
HOXB4	4.53749	3.55E-84
MYBPH	4.52562	3.95E-151
SIX6	4.52395	4.90E-39
LRRC15	4.52202	2.30E-87
LIF	4.51518	1.21E-172
HIST1H3B	4.47404	5.24E-96
CXCL8	4.46174	2.38E-102
IL2RA	4.44521	3.48E-133
POTEE	4.42879	4.57E-123
CXCL10	4.41041	3.10E-120
COL1A2	4.40471	1.32E-182
TREM1	4.39183	3.49E-106
HOXB5	4.38818	1.83E-50
LOX	4.37588	5.33E-227
MMP7	4.37513	8.59E-75

HIST1H1B	4.37354	4.47E-87
TIMP1	4.37282	1.39E-144
HOXB2	4.34426	1.11E-116
COL6A3	4.29016	1.59E-135
CXCL6	4.28692	4.82E-87
OTOR	4.28107	3.99E-39
MMP13	4.27360	3.16E-99
MMP12	4.26752	1.52E-41
MAB21L2	4.24710	1.09E-54
PPDPFL	4.23814	1.14E-78
SLAMF9	4.23810	9.47E-162
AC008763.3	4.22549	3.82E-13
CAMP	4.22269	5.05E-50
CNPY1	4.22252	4.75E-130
HP	4.19105	7.19E-122
MAGEC2	4.18327	3.90E-51
HIST1H3G	4.17711	5.96E-107
IDO1	4.14817	4.43E-67
HIST1H2AJ	4.13446	2.27E-54
C15orf48	4.13266	1.29E-187
WISP1	4.12861	5.87E-119
TNFAIP6	4.12564	3.16E-201
GDF15	4.12411	2.10E-149
LUM	4.10820	9.17E-144
CHRNA1	4.10693	9.09E-88
ZNF679	4.10616	1.84E-25
HOXA7	4.10495	5.03E-45
PDPN	4.10011	7.54E-158
MFAP2	4.08419	7.97E-114
BPIFB4	4.03207	1.53E-53
CTHRC1	4.03075	3.12E-172
IGF2BP2	4.02947	1.69E-147
ABCC3	4.01352	1.09E-104
RETN	3.99422	1.13E-60
STC1	3.99277	5.78E-145
MMP8	3.97893	2.54E-49
PNLIPRP3	3.97298	2.57E-47
AC112229.3	3.96238	3.59E-21
MSMP	3.95505	1.37E-70
PHLDA2	3.94588	3.55E-137
ADAM12	3.94557	2.99E-221
DAZ1	3.94499	8.11E-30
CCL23	3.94346	6.43E-55
FOXB1	3.91604	6.45E-57
COL5A1	3.89977	7.87E-132
ESM1	3.88452	8.79E-77

DEPDC1	3.88330	1.22E-227
OTX2	3.88197	2.26E-23
FOXA2	3.87297	4.80E-31
IL13RA2	3.86368	6.83E-82
MYBL2	3.85369	2.84E-161
CLEC5A	3.84107	4.89E-92
PRAME	3.83463	1.05E-85
PCOLCE	3.82779	4.31E-221
CYP27B1	3.82291	1.19E-153
DMRTA2	3.81083	1.56E-80
SRY	3.80632	6.56E-24
PITX1	3.79025	1.69E-96
CXCL11	3.78613	7.99E-92
FGF19	3.78566	2.78E-20
EDN2	3.78282	7.19E-63
SERPINE1	3.76472	1.95E-94
F13A1	3.76418	1.27E-91
VEGFA	3.73759	3.94E-241
EPYC	3.73653	9.47E-22
CD1A	3.73571	6.86E-36
FAM183A	3.73164	4.66E-48
PLEK2	3.72202	3.90E-193
DPEP1	3.72172	6.39E-88
HIST1H3I	3.72076	7.33E-39
DPP4	3.70556	3.75E-174
EMP3	3.70284	1.66E-119
MMP1	3.67176	2.99E-40
METTL7B	3.66914	1.05E-90
ADM	3.66113	6.95E-140
HIST1H1D	3.65837	5.21E-83
HIST1H2BI	3.65674	2.11E-40
GPX8	3.64202	1.23E-140
HOXA1	3.63780	3.62E-92
FGF3	3.63624	3.85E-12
CHI3L2	3.63058	8.44E-71
CTAGE6	3.61969	2.84E-26
CENPA	3.61937	6.76E-222
PDX1	3.61821	7.22E-28
AC087632.1	3.61225	1.76E-140
CWH43	3.61087	2.03E-33
AC034102.2	3.60830	4.20E-06
KDEL3	3.60552	3.14E-207
FCGR2B	3.60222	1.49E-103
APCDD1L	3.59324	2.88E-33
GABRR1	3.58574	8.55E-65
OCIAD2	3.58269	3.42E-162

FABP5	3.58203	4.68E-127
HMGA2	3.57920	7.02E-128
S100A4	3.57121	3.00E-146
CSF2	3.56857	7.58E-22
GDF3	3.56562	6.13E-26
BIRC5	3.56028	2.58E-160
FAM92B	3.54097	9.71E-68
COL4A1	3.53991	1.10E-156
CDC20	3.53576	1.21E-210
HCAR3	3.53297	4.81E-48
RARRES2	3.52997	5.85E-92
ALPK2	3.52943	3.48E-104
HIST1H2BM	3.51533	1.33E-38
WT1	3.50449	8.84E-52
G0S2	3.49811	5.31E-81
UBE2C	3.49210	4.00E-140
MARCO	3.49000	1.21E-64
DLGAP5	3.48997	1.38E-139
HIST1H2AI	3.48885	1.68E-62
RRM2	3.47267	1.24E-172
POTEF	3.46244	1.08E-109
CD248	3.45935	1.41E-195
ISL2	3.45615	9.01E-81
CHODL	3.45227	5.19E-106
HOXB7	3.45190	5.45E-102
HOXD9	3.43918	2.01E-42
AQP9	3.43349	9.58E-81
GPR1	3.43316	8.35E-126
TNFRSF12A	3.41921	2.81E-131
CCL11	3.41504	3.96E-09
SPOCD1	3.41244	8.44E-77
GSX2	3.40634	2.12E-54
BMP5	3.40442	3.23E-48
CCL20	3.40000	1.46E-131
AREG	3.39823	9.88E-45
FBXO39	3.39530	1.31E-90
HGD	3.39372	1.67E-103
LIPN	3.37537	9.90E-42
DLK1	3.37386	1.33E-33
MAGEA3	3.37253	1.63E-26
GPR139	3.36918	2.47E-30
E2F7	3.36415	2.63E-182
KIF20A	3.36151	3.63E-147
IL36RN	3.35487	1.61E-21
AGR3	3.34241	2.06E-28
S100A9	3.33271	2.52E-88

ASF1B	3.32919	5.68E-207
STAC	3.32627	1.26E-57
SRPX2	3.32234	1.41E-102
GAGE2E	3.31842	1.48E-34
CCNB2	3.31678	8.65E-173
C22orf42	3.29918	1.06E-85
HIST1H2AL	3.28266	7.01E-55
NOS2	3.27858	4.52E-82
HOXC12	3.27584	4.79E-11
MELK	3.27484	1.38E-165
TFPI2	3.27421	8.54E-75
KRT32	3.27132	2.08E-22
MS4A6E	3.26665	1.89E-41
MCUB	3.26479	1.34E-233
TFAP2B	3.25599	5.20E-22
COL5A2	3.25431	3.37E-174
REG1B	3.25232	1.20E-15
VSTM1	3.25104	3.12E-58
HTRA3	3.24488	1.05E-140
MMP11	3.24321	1.61E-152
CDCA8	3.23189	1.19E-221
CD163	3.23152	2.10E-81
AC012531.2	3.23110	5.40E-18
HOXB6	3.22628	1.83E-59
CCL18	3.22468	2.76E-32
AL645922.1	3.22120	3.54E-23
S100A8	3.20032	1.52E-73
PIMREG	3.19631	6.47E-122
MUC3A	3.19618	2.14E-93
TDO2	3.19382	2.70E-95
TEX101	3.19208	1.67E-134
CSAG3	3.18806	4.75E-44
HOXA10	3.18082	7.65E-30
HIST1H3C	3.17957	7.17E-68
HMX3	3.17887	2.30E-14
PTTG1	3.17766	1.64E-232
HOXC5	3.17685	5.87E-23
BARX1	3.17331	1.47E-44
SPP1	3.17128	6.63E-119
IFI30	3.16787	1.16E-138
LOXL1	3.16310	6.89E-90
LGALS3	3.15861	4.51E-127
MAP1LC3C	3.15574	2.04E-112
MMP19	3.15367	1.77E-75
HIST1H2AH	3.15197	4.01E-44
AP000781.2	3.15159	1.64E-127

COL4A2	3.14731	4.47E-158
AURKB	3.14498	4.53E-121
AC126283.2	3.14402	9.70E-78
SPINK8	3.14293	3.02E-154
HCAR2	3.14142	4.47E-71
NEIL3	3.14096	2.67E-152
TROAP	3.14062	9.49E-149
ANXA1	3.13932	4.91E-88
GAS2L3	3.13877	2.08E-247
ANXA2	3.13503	2.10E-148
SCNN1G	3.13414	5.53E-98
SDC1	3.13168	1.77E-153
CDK4	3.12724	2.21E-112
PLP2	3.12182	5.25E-165
ZAR1	3.11965	3.17E-56
PLAT	3.11622	1.42E-208
CPXCR1	3.11598	2.93E-12
ENTHD1	3.10856	1.91E-45
TMEM270	3.10485	2.30E-45
ARL14EPL	3.10440	6.10E-34
CDCA2	3.10356	8.23E-159
AGTR1	3.09990	1.52E-105
C6orf141	3.09204	6.95E-107
ACOT12	3.08758	6.48E-83
FAM20A	3.07745	6.23E-120
HMX2	3.07492	1.51E-13
TUBA1C	3.07043	7.12E-231
STEAP3	3.06987	8.60E-134
IGFBP3	3.06647	1.51E-87
PDLIM4	3.05591	2.02E-69
TAGLN2	3.05358	7.18E-212
RFPL4A	3.04798	1.52E-10
ADAMDEC1	3.04445	8.94E-34
TBX20	3.04318	6.43E-09
CDC25C	3.03855	2.34E-155
PBK	3.03838	1.32E-106
NODAL	3.03756	5.11E-133
NOX4	3.03746	8.03E-253
HAND2	3.03558	4.53E-26
THBS1	3.03255	7.09E-74
ERVV-1	3.03038	2.34E-25
RARRES1	3.02715	1.40E-103
IL1R2	3.02708	3.26E-69
HJURP	3.01987	6.74E-163
TNFRSF11B	3.01973	1.66E-96
CEP55	3.01895	2.77E-160

COL8A1	3.01503	8.07E-68
UCN2	3.01375	9.53E-68
TMEM71	3.00767	7.05E-127
TNFSF12-TNFSF13	3.00578	3.73E-31
TTK	3.00551	7.54E-137
RAB42	3.00275	2.76E-246
SLPI	2.99449	3.24E-74
CCL13	2.99268	5.14E-35
HIST1H4A	2.99119	8.26E-36
CLEC12A	2.99118	4.53E-64
NAMPT	2.99074	2.91E-170
CLCF1	2.98994	3.25E-97
OTOS	2.98819	3.87E-43
SPAG4	2.98705	8.38E-116
NEK2	2.98337	6.99E-158
CXCL9	2.98272	1.60E-58
BDKRB2	2.98170	7.80E-75
KIF2C	2.98108	1.42E-159
CDC45	2.97576	3.96E-145
CCNB1	2.97485	6.83E-303
EYA4	2.97483	1.17E-53
ESPNL	2.97180	8.25E-66
CER1	2.97099	1.04E-46
PLAU	2.96551	4.16E-85
EBF3	2.96542	3.86E-59
CXCL13	2.96330	2.17E-36
IL6	2.95598	2.65E-51
SPON2	2.95531	1.88E-94
VWDE	2.95280	1.54E-44
TWIST1	2.95144	2.21E-127
CDKN3	2.95005	1.92E-235
RBP1	2.94505	2.99E-79
SP8	2.93905	1.64E-35
PLSCR2	2.93784	2.43E-60
SSX1	2.93320	1.08E-42
SOCS2	2.92906	3.69E-137
AC005832.4	2.92849	4.12E-79
MSR1	2.92786	1.84E-127
TMEM114	2.92595	6.78E-42
CLIC1	2.92533	5.62E-200
GAL	2.92526	3.24E-53
DMP1	2.92366	1.27E-70
PGK2	2.92284	9.37E-36
AC011455.2	2.92244	1.36E-07
PAX3	2.92033	1.87E-36
JCHAIN	2.91255	4.47E-39

CCKAR	2.90941	6.96E-32
KISS1R	2.90900	2.43E-40
FEZF1	2.90891	1.95E-32
NHLH1	2.90863	6.24E-74
ULBP1	2.90785	7.05E-121
HS3ST3B1	2.90559	2.23E-72
TK1	2.90535	3.06E-205
FAM83D	2.90144	3.06E-163
PRRX2	2.90082	3.99E-51
SERPINH1	2.89829	3.48E-196
PLAUR	2.89559	1.67E-163
MEDAG	2.89533	3.38E-53
FBP2	2.89234	9.73E-13
EXOC3L2	2.88407	1.38E-169
FCGBP	2.88069	2.54E-71
TGFBI	2.87424	3.99E-81
KLHDC7A	2.87123	2.46E-28
AC005258.1	2.86560	2.67E-04
CSTA	2.86372	2.68E-64
SERPINB7	2.86025	2.77E-20
AC013470.2	2.85631	1.12E-63
NKX3-2	2.85475	4.61E-56
DEFA4	2.85471	2.61E-16
SH2D4A	2.85141	1.54E-100
LUZP6	2.85022	1.01E-20
DKK1	2.84811	3.04E-39
CCNA2	2.84567	8.63E-207
FCN3	2.84351	1.38E-99
STAP1	2.84251	3.56E-61
GJB2	2.84064	9.39E-48
KIF4A	2.83515	2.76E-170
CENPK	2.83419	1.90E-229
C20orf141	2.83234	3.93E-14
TLX3	2.83175	9.45E-10
SOCS3	2.83064	5.25E-59
AL035460.1	2.83033	2.45E-05
FEV	2.82849	6.59E-36
NCAPG	2.82739	9.39E-128
CSF3	2.82736	2.68E-29
AL022318.4	2.82694	4.24E-09
KIF23	2.82670	3.94E-150
CENPU	2.82095	3.45E-137
AC006486.1	2.82009	9.60E-17
MOXD1	2.81113	3.26E-38
PRL	2.80953	4.12E-15
AQP5	2.80903	8.14E-37

IGLL5	2.80566	8.80E-16
TOP2A	2.80523	3.19E-79
E2F8	2.80392	1.50E-136
BUB1	2.80263	5.91E-145
SERPINA3	2.80235	2.10E-50
SAA4	2.79428	3.60E-30
PKIB	2.79127	1.70E-79
KRT80	2.78940	1.30E-64
ADAM33	2.78804	3.34E-104
DEPDC1B	2.78704	6.54E-174
AL358472.7	2.78640	1.70E-05
LSP1	2.78155	1.56E-110
IL36G	2.78093	6.13E-36
DPYD	2.78023	9.50E-175
MAGEC1	2.77922	8.38E-25
NDC80	2.77119	1.27E-142
ANPEP	2.77055	1.98E-134
HIST2H2AC	2.77044	6.10E-112
TBX1	2.76967	8.52E-79
ULBP3	2.76828	5.57E-82
FPR2	2.76637	5.34E-86
RTL3	2.76560	2.19E-18
SIM1	2.76314	5.47E-39
RNASE2	2.76179	1.26E-66
DMBX1	2.76020	9.42E-98
GAGE13	2.75676	7.76E-10
HOXC4	2.75588	4.02E-84
CLEC18B	2.75576	4.51E-94
NSUN7	2.75556	7.78E-128
IL31RA	2.74420	1.28E-40
PDLIM1	2.74205	2.10E-104
BCAT1	2.74140	3.49E-137
NPPB	2.73875	4.50E-56
AFP	2.73698	3.66E-26
EXO1	2.73183	2.80E-153
ERVV-2	2.72948	3.41E-09
PPY	2.72794	5.47E-31
PRF1	2.72776	6.07E-90
FNDC11	2.72709	5.76E-75
VDR	2.72437	2.63E-94
LILRA5	2.72424	2.80E-97
MAGEA1	2.71754	2.61E-10
MXRA5	2.70976	2.18E-70
AOX1	2.70798	6.97E-97
SERPINA1	2.70632	8.36E-93
LAMB1	2.70624	2.98E-123

IQGAP3	2.70349	8.80E-127
EEF1AKMT3	2.70342	6.98E-102
DES	2.70270	1.32E-34
PXDNL	2.70229	2.52E-107
CDK1	2.69642	4.71E-123
C1orf158	2.69328	5.59E-47
CAVIN3	2.69306	2.39E-117
MAP3K7CL	2.69097	1.01E-107
SKA3	2.68891	3.66E-130
AC005943.1	2.68079	3.52E-51
RHOD	2.68044	2.45E-59
SGO1	2.67913	1.02E-142
TYMS	2.67847	1.38E-170
HBG1	2.67739	4.18E-46
HK3	2.67483	1.15E-124
SKA1	2.67296	1.51E-216
ICOS	2.66881	8.10E-44
EVC2	2.66770	9.37E-87
ADGRE3	2.66744	4.53E-43
HBE1	2.66385	2.28E-110
SMIM3	2.66343	2.28E-161
DEFA1	2.66136	3.12E-23
NUF2	2.66056	2.20E-165
SNAI2	2.65949	1.24E-95
S100A11	2.65905	1.08E-130
ASPM	2.65809	5.19E-85
HNRNPCL2	2.65793	2.48E-26
KLF14	2.65763	1.65E-10
RDM1	2.65692	3.10E-123
HIST1H4L	2.65449	4.53E-07
C7orf57	2.65124	3.78E-34
HIST1H2BO	2.65082	2.79E-61
CYP19A1	2.65023	1.44E-80
PTPN22	2.64361	3.94E-146
FBLIM1	2.64318	7.42E-148
CASP4	2.64087	1.27E-190
C9orf135	2.64072	6.79E-52
RAB34	2.64055	4.34E-107
APOL4	2.64051	3.26E-100
CARD16	2.63928	4.42E-117
CCDC182	2.63765	2.58E-53
CKAP2L	2.63465	2.21E-117
HPD	2.63395	1.61E-49
ORC1	2.63132	6.11E-174
NUSAP1	2.63052	2.79E-118
DPT	2.62831	2.52E-31

KIF18A	2.62758	3.14E-165
AC023055.1	2.62738	2.22E-129
OIP5	2.62494	1.76E-207
CPA4	2.62473	2.64E-117
OLIG3	2.61996	4.25E-07
STEAP1	2.61983	1.21E-75
SECTM1	2.61841	5.68E-81
PIGY	2.60614	3.34E-21
VAV3	2.60037	1.80E-72
CLRN1	2.59911	5.10E-41
CFAP45	2.59597	1.69E-51
ALX1	2.59447	3.48E-22
TCTEX1D1	2.59354	3.04E-36
MROH9	2.59071	1.28E-21
MMP3	2.59050	9.43E-28
SPRY1	2.59038	1.97E-132
HIST1H2AM	2.58998	8.20E-65
CATSPER1	2.58966	1.78E-82
HASPIN	2.58936	2.27E-122
DDIT4L	2.58867	2.21E-35
APOBEC3B	2.58781	1.13E-119
TPX2	2.58633	1.13E-130
HIST1H3J	2.58595	6.35E-39
PLA2G5	2.58554	7.41E-44
CD2	2.58418	4.80E-58
MARCH9	2.58271	6.92E-83
SH2D2A	2.58125	3.87E-93
ASPN	2.58087	2.14E-78
FOSL1	2.58045	4.41E-70
C1orf189	2.58005	2.83E-41
SLC18A3	2.57951	3.31E-18
FMO1	2.57939	4.41E-59
PRG2	2.57719	1.37E-27
NCAPH	2.57663	1.00E-133
LOXL2	2.57648	1.14E-89
PRR33	2.57603	5.19E-65
DEFA3	2.57599	6.66E-13
SPTA1	2.57547	8.09E-38
HIST1H2BJ	2.57387	1.00E-112
ALOX5AP	2.57229	1.13E-94
C11orf88	2.57121	1.37E-46
TRPM8	2.56881	3.66E-53
TMPRSS7	2.56679	5.72E-38
GBP5	2.56601	5.70E-84
CDC6	2.56024	3.43E-203
FOXM1	2.55909	1.92E-113

AL603832.3	2.55731	9.95E-138
ERCC6L	2.55683	4.13E-171
SOCS1	2.55639	1.53E-105
CKS2	2.55632	3.61E-213
MYO1G	2.55441	1.14E-109
SOST	2.55373	1.63E-25
METTL1	2.54726	3.15E-112
HIST1H3H	2.54264	2.32E-85
CHRD2L	2.54069	2.41E-54
LIMS4	2.53898	7.71E-65
CDKN2C	2.53647	1.79E-135
CISH	2.53636	9.52E-101
ANGPT2	2.53563	9.13E-101
MDK	2.53504	5.77E-135
PHOX2B	2.53496	3.13E-09
TEAD2	2.53464	9.52E-163
PINLYP	2.53441	1.24E-118
TRIM48	2.53384	1.52E-07
TERT	2.53279	1.84E-25
NKX2-1	2.53060	7.46E-25
CD3D	2.52984	2.55E-54
CHST4	2.52965	4.83E-32
XCR1	2.52854	1.15E-43
SLN	2.52790	9.97E-30
LGALS1	2.52687	3.89E-132
CCR2	2.52668	3.53E-41
AC020909.1	2.52564	1.63E-06
C1orf232	2.52543	2.32E-19
KLHDC8A	2.52367	6.06E-118
SLC43A3	2.51848	7.77E-165
CD58	2.51767	1.26E-162
RAD51	2.51546	2.33E-176
ITGB3	2.51249	2.90E-77
HILPDA	2.51114	1.15E-143
CD48	2.50955	5.19E-54
DIRAS3	2.50895	4.24E-72
IL1RAP	2.50863	9.67E-121
ITGA5	2.50712	6.00E-147
SEMA3F	2.50269	1.67E-135
HIST1H2AB	2.50261	1.16E-37
AURKA	2.49800	2.91E-253
HMMR	2.49652	2.84E-111
SLC7A3	2.49092	3.97E-44
ROPN1L	2.49015	2.85E-44
DEFA1B	2.49015	1.37E-02
MEST	2.48923	2.49E-140

LYZ	2.48897	1.74E-46
SLAMF1	2.48556	1.11E-50
CATSPERD	2.48535	6.43E-38
SPC24	2.48126	1.27E-147
GTSE1	2.48000	1.02E-128
KIAA0040	2.47858	2.33E-105
SLAMF8	2.47799	4.12E-56
CFB	2.47735	1.60E-90
CD52	2.47705	7.40E-70
TSPAN31	2.47516	1.54E-84
ADAMTS3	2.47420	3.25E-61
RAB32	2.47344	1.46E-137
GBP1	2.47273	5.40E-88
GZMA	2.47115	2.53E-48
TEAD3	2.46559	1.80E-136
PAGE5	2.46268	2.15E-15
FAM3D	2.46243	2.72E-65
FABP7	2.46208	2.60E-76
APOBEC4	2.46093	1.37E-13
RAD54L	2.45746	3.21E-147
CXCR3	2.45670	7.39E-41
DSG2	2.45606	1.56E-31
SBK2	2.45533	7.23E-17
HIST1H4B	2.45517	1.55E-25
CYTL1	2.45358	1.36E-91
FN1	2.45293	6.64E-119
DTL	2.45050	1.37E-95
GPR141	2.44857	1.52E-64
SIT1	2.44796	2.07E-59
PCLAF	2.44679	1.66E-168
EMILIN3	2.44591	3.00E-32
C2orf70	2.44443	4.20E-48
AL645941.2	2.44260	1.28E-12
TNFSF14	2.44175	3.29E-87
SHCBP1	2.43853	1.29E-216
BCL2A1	2.43839	9.97E-54
PPIAL4D	2.43815	1.53E-16
SERPINA5	2.43631	6.75E-25
HMOX1	2.43547	4.72E-108
PLIN2	2.43431	4.36E-161
IL1RN	2.43334	2.61E-44
TMPRSS15	2.43151	1.85E-31
CD300E	2.43121	8.34E-102
ENPEP	2.43077	5.39E-104
SERINC2	2.42738	3.26E-81
TRAT1	2.42682	5.75E-43

CD80	2.42583	1.36E-61
CEACAM16	2.42304	2.34E-14
AC010422.5	2.42096	2.32E-08
GPRC5A	2.41972	4.52E-65
PDCD1LG2	2.41913	1.24E-80
TCTEX1D4	2.41831	2.02E-35
WNT16	2.41818	2.40E-32
EDDM3A	2.41637	2.77E-11
NKX6-1	2.41604	1.36E-77
PMCH	2.41597	4.51E-17
RDH10	2.41534	9.69E-117
EVA1B	2.41046	1.77E-164
UBE2T	2.41032	6.62E-158
VNN2	2.40977	1.63E-78
MND1	2.40908	8.54E-134
RPS4Y2	2.40485	8.83E-25
DLX5	2.40427	4.65E-33
SERPING1	2.40339	2.89E-87
EFEMP2	2.40241	8.81E-111
IFNG	2.40238	2.43E-18
EMILIN2	2.39860	3.45E-86
AL451007.3	2.39833	1.93E-42
GPR65	2.39767	4.66E-73
LDHA	2.39369	7.80E-179
ITGA4	2.39329	1.17E-90
GRB14	2.39290	5.31E-52
ZNF280A	2.39098	2.71E-17
TSTD1	2.38752	5.42E-55
ESPL1	2.38248	1.13E-106
GATA3	2.38237	3.02E-40
MMP14	2.38065	5.66E-103
AC117378.1	2.37994	9.57E-38
ESCO2	2.37790	7.39E-116
ACTBL2	2.37482	4.35E-09
BUB1B	2.37323	2.50E-93
FAM111B	2.37212	4.18E-108
ERP27	2.37203	1.78E-66
ARSJ	2.37153	1.16E-76
PARPBP	2.37063	0.00E+00
MIA	2.37044	4.25E-31
RGS16	2.37043	2.83E-80
SLC16A3	2.36862	1.73E-130
CENPE	2.36758	1.43E-111
HIST1H2AD	2.36473	7.69E-22
WEE1	2.36447	8.58E-142
CALHM6	2.36244	4.44E-69

CSAG2	2.36185	1.07E-26
FOXD2	2.36042	2.18E-76
HIST1H4F	2.35887	9.71E-11
MATN4	2.35541	2.51E-46
WDR38	2.35473	6.36E-27
HIST2H2AA3	2.35436	1.86E-24
PLEKHN1	2.35426	1.42E-55
ISL1	2.35193	2.87E-10
MGP	2.35082	4.68E-38
HSPA6	2.34394	1.23E-51
DOK2	2.34040	9.31E-66
SOD2	2.34035	4.50E-93
FSTL1	2.33976	3.30E-154
C7orf33	2.33954	7.83E-09
CCL26	2.33315	4.00E-56
SIRPG	2.33202	7.24E-60
EGFR	2.33155	1.58E-55
GPR31	2.33012	4.02E-28
OSMR	2.32484	6.39E-98
PMEL	2.32361	8.15E-110
GNGT1	2.31678	1.03E-11
HLA-DRA	2.31645	2.78E-60
GJA3	2.31509	6.23E-27
C2orf66	2.31485	1.03E-86
KIFC1	2.31299	1.64E-80
IL4I1	2.31246	1.20E-83
MS4A6A	2.31195	2.57E-58
LRRC9	2.31159	1.09E-30
OSR2	2.30830	2.85E-21
AC092143.1	2.30787	1.57E-21
PLBD1	2.30715	9.12E-92
FGF21	2.30654	2.16E-10
ARAP3	2.30587	1.31E-166
BGN	2.30529	2.22E-104
GLI1	2.30485	5.73E-45
PHETA2	2.30396	1.36E-187
NT5DC4	2.30342	8.09E-36
CFD	2.30236	8.44E-71
OTX1	2.29921	6.10E-47
CD36	2.29808	1.17E-49
HDC	2.29724	1.02E-21
EBF2	2.29684	9.55E-77
TYMP	2.29462	1.10E-65
FAM19A3	2.29417	4.97E-36
TRIM6-TRIM34	2.29367	1.02E-02
C1orf185	2.29028	1.70E-12

PLK1	2.29020	2.73E-170
FBLN7	2.28867	4.53E-53
OASL	2.28810	3.50E-51
RPL39L	2.28702	1.18E-71
LY96	2.28594	1.22E-83
TULP1	2.28291	4.91E-54
CXCR6	2.28159	4.00E-48
TENT5B	2.28158	2.20E-42
ITLN2	2.28109	9.86E-17
CDKN2A	2.28044	1.18E-34
MPZL2	2.28003	2.63E-68
CELSR1	2.27945	1.58E-54
ITIH6	2.27922	5.46E-08
SFRP4	2.27920	8.65E-51
ADM2	2.27478	2.11E-66
CLDN23	2.27429	2.34E-85
FCGR3A	2.27422	1.39E-63
IRX5	2.27362	3.82E-28
BPIFB3	2.27278	9.11E-13
TMEM158	2.27200	1.27E-81
NKX2-3	2.27065	1.42E-09
TP73	2.27018	2.46E-49
DDIAS	2.26967	1.35E-171
LCTL	2.26589	3.08E-102
SPRY4	2.26543	6.35E-55
BCL3	2.26129	2.94E-129
BTN1A1	2.25739	8.06E-35
FBXO17	2.25694	1.34E-88
P2RY10	2.25538	2.47E-25
DCN	2.25486	7.90E-65
XCL2	2.25401	7.90E-31
DLX2	2.25358	3.76E-28
IL17B	2.24844	1.40E-56
ISG20	2.24742	2.85E-125
ITGBL1	2.24515	4.39E-39
AP002748.4	2.24366	2.16E-09
REG1A	2.24343	1.01E-08
AKAP14	2.24173	2.78E-32
HIST1H4D	2.23980	1.38E-31
TREML4	2.23969	9.54E-23
HIST1H4C	2.23885	1.85E-38
PRG4	2.23540	6.14E-45
DNAH11	2.23313	1.01E-79
ROR2	2.23205	1.48E-46
TAGLN	2.23150	1.97E-87
OAS1	2.22783	1.60E-70

CFAP73	2.22774	3.54E-32
PDZK1IP1	2.22645	3.70E-32
GINS2	2.22409	7.59E-176
TCIM	2.22324	6.75E-66
HOXD3	2.22114	1.18E-24
HSPG2	2.21900	2.91E-81
CENPM	2.21849	9.14E-133
MCM2	2.21609	3.16E-190
SIGLEC7	2.21541	4.89E-70
POC1A	2.21510	1.31E-198
TRIP13	2.21478	8.57E-216
CRABP1	2.21465	3.81E-24
TNMD	2.21205	7.89E-39
KMO	2.20843	4.60E-73
HIST1H2BB	2.20794	1.48E-20
KIF14	2.20771	5.31E-101
GPR18	2.20526	1.03E-51
POTEJ	2.20077	9.24E-03
HAMP	2.20034	8.79E-45
NDUFA4L2	2.19946	1.42E-130
FKBP9	2.19771	2.04E-167
GZMK	2.19607	2.30E-30
TACC3	2.19555	1.91E-156
CD93	2.19543	5.03E-81
LAMC1	2.19399	8.94E-140
HMHB1	2.19238	1.03E-15
LDLRAD2	2.18978	8.51E-54
SCN4A	2.18694	2.09E-34
AC008764.4	2.18694	5.73E-42
C21orf62	2.18630	7.10E-58
HOPX	2.18627	7.16E-49
FST	2.18363	1.17E-52
GAGE12F	2.18358	6.99E-10
SPAG17	2.18268	7.27E-28
MTFR2	2.18228	6.48E-173
PSORS1C2	2.18112	8.28E-24
SFTA2	2.18076	4.10E-44
LXN	2.18026	2.28E-130
IL10	2.17942	2.30E-60
GPX7	2.17891	5.06E-206
CCER2	2.17883	4.63E-61
UPP1	2.17808	5.94E-118
ICAM3	2.17488	2.17E-129
CRIP1	2.17465	2.07E-103
TMSB10	2.17434	2.83E-151
GPR84	2.17198	4.75E-57

KLHL4	2.17186	3.70E-75
VIM	2.17144	1.17E-70
AC187653.1	2.17105	4.03E-10
LGALS7B	2.16853	1.92E-11
ADGRE1	2.16743	1.21E-36
MCTP2	2.16281	2.16E-40
FGFBP2	2.16271	1.09E-30
CFAP161	2.16175	8.62E-34
C1R	2.16145	1.11E-52
TMEM61	2.15740	2.42E-26
SPINK1	2.15561	5.91E-39
HS3ST3A1	2.15335	5.35E-29
PDGFD	2.15307	7.99E-39
STRA6	2.15205	1.43E-57
BEST4	2.15182	3.49E-65
IL22RA2	2.15061	4.90E-07
RAB38	2.15029	2.15E-73
TMSB15A	2.14970	3.23E-39
ADGRE5	2.14895	1.97E-120
FAM20C	2.14779	4.23E-110
AEBP1	2.14734	1.60E-42
PODNL1	2.14637	6.83E-52
KRT7	2.14630	4.55E-30
AC012254.2	2.14611	8.69E-31
LBP	2.14534	1.01E-18
C1RL	2.14316	2.68E-88
ULBP2	2.14279	1.19E-90
CENPF	2.14249	8.30E-72
FRRS1	2.13830	5.75E-95
MSN	2.13824	1.22E-115
PLSCR1	2.13774	9.41E-123
SLC11A1	2.13716	9.16E-66
PSRC1	2.13649	7.01E-128
WDR62	2.13560	5.32E-151
TGM5	2.13494	1.55E-38
S100A12	2.13362	3.53E-28
SLC2A2	2.13322	1.92E-20
CDCP1	2.13157	1.30E-73
CLLU1OS	2.13004	1.68E-20
VASN	2.12929	2.95E-41
Z82206.1	2.12874	2.70E-49
CLCNKB	2.12844	3.02E-54
TFF3	2.12830	2.63E-25
AC104389.5	2.12673	1.65E-14
CD101	2.12447	1.82E-127
HLA-DQA1	2.12239	1.10E-37

CRYBG1	2.12227	1.60E-70
CPVL	2.12051	6.42E-86
AC004233.2	2.12027	4.53E-22
SP6	2.11796	1.03E-77
F2RL2	2.11777	6.40E-30
OMP	2.11715	5.68E-42
EGFLAM	2.11644	2.22E-66
FAM129A	2.11635	3.98E-81
CFH	2.11515	1.92E-76
CIDEB	2.11351	1.01E-108
ETV7	2.11343	2.57E-104
NID2	2.11313	4.46E-79
RAD51AP1	2.11270	1.31E-142
FOXJ1	2.11191	7.51E-42
RFPL4AL1	2.11125	3.22E-06
ECSCR	2.11078	7.06E-102
GJD3	2.10668	1.36E-09
POLE2	2.10511	1.55E-171
KAAG1	2.10462	2.20E-21
OR2B6	2.10403	1.14E-38
SMC4	2.10378	6.16E-208
AC073612.1	2.10204	1.73E-07
ARL9	2.10035	4.05E-68
CAV1	2.10031	2.09E-54
HIST2H2AB	2.09991	3.03E-27
KISS1	2.09865	2.57E-22
TRIM29	2.09748	2.59E-34
CLEC1B	2.09687	3.28E-27
PLEKHS1	2.09630	2.60E-36
CENPW	2.09588	1.15E-135
PRC1	2.09523	3.75E-148
AC006978.2	2.09484	5.10E-57
EN2	2.09355	8.00E-47
RASSF10	2.09280	1.74E-26
AL109827.1	2.09268	2.94E-06
THBD	2.09220	2.27E-55
AC090227.1	2.09158	1.02E-04
MYL4	2.09057	6.91E-73
GATA6	2.08865	2.06E-24
ACTG2	2.08845	5.16E-36
CR1	2.08832	7.59E-44
EPO	2.08793	2.14E-50
FOLR1	2.08743	1.87E-53
PPIC	2.08673	7.07E-129
CELA1	2.08585	1.68E-33
FOXA1	2.08563	5.48E-13

AC010255.3	2.08216	1.93E-26
TMEM26	2.08069	6.24E-66
PTCRA	2.07582	5.83E-41
OLFML1	2.07517	4.33E-77
SLC47A2	2.07510	2.69E-33
TXLNB	2.07355	1.59E-45
TWIST2	2.07315	4.54E-37
BIRC3	2.07276	5.53E-70
APOBEC3F	2.07259	7.84E-122
ITPRIPL1	2.07244	2.60E-103
LRRC8E	2.07213	9.58E-70
NFKBIZ	2.07210	3.79E-91
THEGL	2.06926	9.18E-37
ZNF474	2.06917	1.75E-39
CCDC8	2.06883	4.41E-48
NPNT	2.06670	3.39E-36
POTEG	2.06534	4.17E-18
TUBB6	2.06524	3.79E-88
OBP2A	2.06498	8.17E-19
AL121722.1	2.06484	4.00E-14
CEACAM3	2.06482	2.16E-33
PLVAP	2.06481	1.28E-86
CDK2	2.06233	7.53E-199
PYGL	2.06220	1.54E-112
FAP	2.06187	1.79E-46
IFNB1	2.06179	6.06E-08
SIX3	2.05966	2.03E-28
APOBEC3G	2.05870	6.62E-121
MMP10	2.05831	5.27E-14
SOAT2	2.05827	1.31E-24
ADAMTS7	2.05814	4.58E-66
MMP2	2.05659	2.37E-96
IKBIP	2.05549	2.48E-236
ZP1	2.05396	9.36E-58
MEIKIN	2.05387	1.38E-37
IGFBP4	2.05150	1.51E-99
CARD17	2.04989	2.27E-12
IL7	2.04932	1.70E-82
GPNMB	2.04914	1.88E-36
GZMB	2.04744	1.00E-39
NIPSNAP2	2.04744	1.91E-80
ACOD1	2.04637	9.39E-09
MCM10	2.04563	1.12E-56
SNAI1	2.04428	2.25E-47
TNFSF11	2.04409	9.12E-33
TNFRSF4	2.04393	1.01E-87

TMEM189-UBE2V1	2.04295	1.77E-37
CCR8	2.04265	6.33E-15
APOC2	2.04216	6.70E-60
LRRC36	2.04198	4.81E-104
TOM1L1	2.04065	8.05E-46
ATP23	2.04048	5.17E-75
EOMES	2.03989	5.67E-36
MTRNR2L7	2.03873	1.16E-36
FOXL1	2.03836	1.97E-85
PRSS21	2.03822	1.08E-29
MEOX1	2.03783	1.96E-28
ANKRD53	2.03783	7.10E-117
S100A3	2.03685	2.60E-31
CST2	2.03673	1.25E-08
KCNN4	2.03638	2.75E-47
IGFBP5	2.03606	2.26E-68
KCNE1B	2.03535	9.34E-19
ANG	2.03519	3.32E-65
CLEC2B	2.03461	4.81E-72
DCAF8L2	2.03448	1.10E-21
CTSK	2.03368	1.31E-71
CRABP2	2.03298	1.68E-65
PSORS1C1	2.03238	7.95E-43
FCAMR	2.03224	2.29E-18
DCDC2C	2.02902	1.07E-21
AFAP1L1	2.02834	3.00E-118
ACE	2.02827	3.07E-92
C5AR1	2.02689	3.15E-63
ZBED6CL	2.02679	1.02E-50
SLC27A3	2.02582	5.89E-112
CAPG	2.02367	4.39E-79
HAL	2.02198	3.07E-43
TM4SF1	2.02146	3.59E-72
CPA6	2.02001	1.64E-32
RUNX1	2.01969	1.88E-74
EGFL6	2.01743	1.41E-29
C4orf51	2.01733	2.33E-11
CDC42BPG	2.01580	1.17E-61
HLA-DQB1	2.01575	5.04E-41
GPR171	2.01560	2.01E-38
CDC42EP5	2.01438	5.79E-55
ST14	2.01137	2.48E-52
TLR8	2.00995	1.40E-45
ADAMTSL4	2.00782	1.27E-106
CST7	2.00768	5.38E-56
UBE2S	2.00610	2.01E-166

CASP5	2.00563	1.83E-52
OBP2B	2.00439	3.03E-14
LOXL4	2.00244	7.84E-36
CCL2	2.00238	7.81E-28
WNT10A	2.00116	1.07E-40

---

FDR: False Discovery Rate.

**Table S6.** Genes associated with glioblastoma patients' overall survival in Reboot.

<b>gene.symbol</b>	<b>regression.coefficient</b>
PODNL1	0.0114270
IKBIP	0.0103428
OSMR	0.0089689
THBD	0.0073175
SPAG4	0.0072413
HOXD11	0.0071885
CLEC18B	0.0068656
KCNN4	0.0066474
HOXC13	0.0064113
TNFSF12-TNFSF13	0.0055134
HOXD10	0.0053362
PLAUR	0.0050376
SECTM1	0.0049661
RPL39L	0.0048566
ANG	0.0046677
EFEMP2	0.0046008
MMP19	0.0043592
DDIT4L	0.0042875
MPZL2	0.0040587
EN1	0.0040515
SLC16A3	0.0036613
CCDC8	0.0036318
ITGA5	0.0034568
IL6	0.0034342
LOXL1	0.0032843
UPP1	0.0031997
HOXB7	0.0031809
VASN	0.0031462
MMP11	0.0031151
PTX3	0.0031112
LSP1	0.0030449
SLC43A3	0.0028308
ISG20	0.0026915
HOXA2	0.0026319
SOCS3	0.0025745
PDLIM4	0.0025696
MND1	0.0024229
C1RL	0.0023726
STC1	0.0023486
DKK1	0.0023052
STRA6	0.0021638
CLEC2B	0.0021004

CAV1	0.0020853
GAS2L3	0.0020127
RRM2	0.0019973
LIF	0.0019962
MMP2	0.0019744
PLBD1	0.0019181
FOSL1	0.0018222
DIRAS3	0.0017363
PAX3	0.0016939
TWIST1	0.0016822
FEZF1	0.0016798
CLCF1	0.0016679
CD248	0.0016121
FKBP9	0.0015888
TUBA1C	0.0015583
HOXB13	0.0015575
MMP9	0.0015481
FAM20C	0.0015445
SDC1	0.0015131
CD70	0.0015031
CAVIN3	0.0014877
FAM20A	0.0014828
PBK	0.0014662
FCGR2B	0.0014616
PTTG1	0.0014509
TNFRSF12A	0.0014115
FGFBP2	0.0012573
SPON2	0.0012140
IL10	0.0012005
COL5A1	0.0011849
TUBB6	0.0011846
COL8A1	0.0011767
PLA2G5	0.0011626
FBLIM1	0.0011228
SRPX2	0.0010772
CTSK	0.0010118
ADM	0.0010081
CENPM	0.0009951
IGLL5	0.0009822
LOX	0.0009814
F2RL2	0.0009687
KRT7	0.0009598
AQP9	0.0009371
SERPINA1	0.0009191
MDK	0.0009182
ICAM3	0.0009146

HMOX1	0.0008212
CA9	0.0008038
CDKN3	0.0008021
LDHA	0.0007943
HK3	0.0007841
PLAT	0.0007611
HSPG2	0.0007561
GPRC5A	0.0007480
IGFBP5	0.0007333
RUNX1	0.0007332
CAPG	0.0007231
CKS2	0.0007134
C1R	0.0007110
FAP	0.0007039
CARD16	0.0006962
S100A11	0.0006937
CRIP1	0.0006834
SPOCD1	0.0006744
LYZ	0.0006659
BGN	0.0006529
LAMC1	0.0006522
ANXA2	0.0006499
CD52	0.0006293
MMP14	0.0006128
LY96	0.0006002
CLIC1	0.0005587
PHLDA2	0.0005308
ANPEP	0.0005164
MGP	0.0005120
COL6A2	0.0005010
METTL1	0.0005007
COL1A1	0.0004979
PDGFD	0.0004913
LGALS3	0.0004847
SERPING1	0.0004818
AC087632.1	0.0004649
IFI30	0.0004532
POSTN	0.0004495
FABP5	0.0004385
CNPY1	0.0004380
LUM	0.0004376
TYMP	0.0004365
S100A4	0.0004266
RARRES2	0.0004233
TCIM	0.0004224
CCNB1	0.0004157

AEBP1	0.0004046
SERPINH1	0.0004034
CA3	0.0003880
PLP2	0.0003802
SNAI2	0.0003708
PDLIM1	0.0003676
CCL20	0.0003609
NID2	0.0003539
SERPINE1	0.0003402
PRC1	0.0003356
CCL18	0.0003255
TFF3	0.0003252
EMP3	0.0003185
CFB	0.0003115
PCLAF	0.0003067
SLC11A1	0.0003035
IGFBP2	0.0003021
HILPDA	0.0002923
MSR1	0.0002845
TIMP1	0.0002829
FN1	0.0002794
C21orf62	0.0002657
DCN	0.0002642
MOXD1	0.0002545
PIMREG	0.0002385
MAP3K7CL	0.0002384
MARCH9	0.0002209
LGALS1	0.0002137
TOP2A	0.0002120
SLC27A3	0.0002115
TMSB15A	0.0002019
PLAU	0.0001932
PLVAP	0.0001886
ANXA1	0.0001718
TMSB10	0.0001592
CCL2	0.0001564
TYMS	0.0001558
RAB34	0.0001548
FMOD	0.0001462
TGFBI	0.0001454
APOL4	0.0001332
IGFBP3	0.0001331
COL1A2	0.0001237
TM4SF1	0.0001174
MS4A6A	0.0001156
ALOX5AP	0.0001148

HAMP	0.0001139
SPRY4	0.0001124
TSPAN31	0.0001118
HLA-DQB1	0.0001008
AC008764.4	0.0000952
IL1R2	0.0000926
F13A1	0.0000867
METTL7B	0.0000754
S100A9	0.0000738
CXCL8	0.0000730
HIST2H2AA3	0.0000683
C5AR1	0.0000617
CD163	0.0000598
APCDD1L	0.0000577
SPP1	0.0000535
TAGLN2	0.0000521
WISP1	0.0000510
PLIN2	0.0000508
G0S2	0.0000456
IL4I1	0.0000443
CHI3L1	0.0000438
ESM1	0.0000414
PI3	0.0000387
APOC2	0.0000374
CASP4	0.0000322
GPNMB	0.0000315
SERPINA3	0.0000215
VEGFA	0.0000204
CDK4	0.0000182
COL4A1	0.0000179
SLPI	0.0000150
HLA-DRA	0.0000084
PCOLCE	0.0000082
VIM	0.0000072
TAGLN	0.0000046
HOPX	-0.0000035
SOD2	-0.0000057
PDPN	-0.0000074
COL4A2	-0.0000105
LTF	-0.0000112
CPVL	-0.0000178
NNMT	-0.0000184
MEST	-0.0000232
EMILIN3	-0.0000265
CHI3L2	-0.0000280
FABP7	-0.0000353

FCGR3A	-0.0000357
TREM1	-0.0000608
ACE	-0.0000692
CDKN2C	-0.0000772
MEOX2	-0.0000993
SOCS2	-0.0001031
FCGBP	-0.0001367
FAM183A	-0.0001417
FSTL1	-0.0001434
MFAP2	-0.0001444
ADGRE5	-0.0001705
PLA2G2A	-0.0001756
GBP1	-0.0001756
EGFR	-0.0002695
CAMP	-0.0003299
PLSCR1	-0.0003793
GRB14	-0.0005072
HP	-0.0005364
DPP4	-0.0005646
NIPSNAP2	-0.0005833
SHOX2	-0.0005901
PKIB	-0.0007954
NCAPH	-0.0008746
NOS2	-0.0008881
BARX1	-0.0010333
KLHL4	-0.0016877
TEAD2	-0.0026009
RAD54L	-0.0039478
ZNF474	-0.0065595

---

**Table S7.** Functional annotation of genes associated with glioblastoma patients' overall survival based on MSigDB Hallmarks.

hallmark	genes.in.list	total.genes	FDR	genes
EPITHELIAL MESENCHYMAL TRANSITION	48	197	3.06E-49	COL5A1 COL1A1 FN1 SERPINE1 COL1A2 COL4A1 COL4A2 IGFBP3 TGFB1 LUM LAMC1 LOX TAGLN COL6A2 NNMT MMP2 FAP BGN SERPINH1 FSTL1 POSTN SPP1 NID2 VIM LOXL1 TIMP1 EMP3 ITGA5 MGP VEGFA SDC1 PCOLCE MEST EFEMP2 IGFBP2 ANPEP MMP14 TNFRSF12A FMOD PLAUR IL6 PTX3 DKK1 SNAI2 DCN LGA
COAGULATION	18	136	2.55E-13	MMP14 C1R SERPINE1 SERPING1 MMP2 MMP9 THBD MMP11 TIMP1 PLAU PLAT FN1 F2RL2 CTSK ANXA1 APOC2 DPP4 ANG
HYPOXIA	20	194	5.48E-13	ADM VEGFA LDHA SERPINE1 LOX IGFBP3 ISG20 STC1 PLIN2 HMOX1 CAV1 PLAUR S100A4 EGFR BGN ANXA2 TGFB1 DCN IL6 COL5A1
KRAS SIGNALING UP	20	194	5.48E-13	GOS2 SLP1 MMP11 MMP9 IGFBP3 SPP1 LY96 ACE PLAUR PLAT LIF CCL20 HOXD11 KCN4 SERPINA3 MP2L2 F13A1 PLVAP PLAU GPNMB
APOPTOSIS	16	159	2.20E-10	CASP4 TNFRSF12A TIMP1 LGALS3 LUM HMOX1 MMP2 PLAT DCN SOD2 BGN IL6 CAV1 ANXA1 TOP2A ISG20
COMPLEMENT	17	195	4.33E-10	C1R SERPINE1 MMP14 SERPING1 TIMP1 DPP4 PLAUR CASP4 FN1 S100A9 PLAT LTF PLSCR1 COL4A2 ANG IL6 LGALS3
INFLAMMATORY RESPONSE	17	197	4.36E-10	CCL2 CCL20 IL6 AQP9 LIF ADM PLAUR MMP14 TIMP1 OSMR IL10 SERPINE1 PDPN ITGA5 MSR1 C5AR1 EMP3
ANGIOGENESIS	9	36	7.40E-10	POSTN FSTL1 STC1 VEGFA THBD SPP1 S100A4 TIMP1 LUM
TNFA SIGNALING VIA NFKB	14	198	1.86E-07	CCL20 PLAUR SOD2 IL6 LIF PTX3 FOSL1 CCL2 SOCS3 SERPINE1 PLAU GOS2 VEGFA CLCF1
GLYCOLYSIS	14	198	1.86E-07	VEGFA LDHA SDC1 IGFBP3 EGFR SPAG4 SLC16A3 COL5A1 TFF3 STC1 ISG20 DCN ANG TGFB1
INTERFERON GAMMA RESPONSE	13	198	1.20E-06	PLSCR1 ISG20 SOCS3 SERPING1 SOD2 IFI30 CCL2 SECTM1 UPP1 IL6 CASP4 C1R METTL7B
IL2 STAT5 SIGNALING	11	195	3.77E-05	SOCS2 IL10 LIF CAPG SPP1 IL1R2 HOPX PLSCR1 PLIN2 F2RL2 SPRY4
ALLOGRAFT REJECTION	11	199	4.21E-05	IL10 HLA-DRA IL6 TIMP1 MMP9 EGFR FCGR2B CCL2 LIF CAPG NOS2
UV RESPONSE DN	9	141	7.62E-05	ANXA2 RUNX1 SERPINE1 COL1A2 CAV1 LAMC1 COL1A1 IGFBP5 SNAI2
IL6 JAK STAT3 SIGNALING	7	87	1.28E-04	SOCS3 OSMR IL6 IL1R2 TNFRSF12A HMOX1 PLA2G2A
ESTROGEN RESPONSE LATE	10	198	1.79E-04	TFF3 ISG20 SERPINA3 CAV1 S100A9 FABP5 MEST MDK TOP2A LTF
CHOLESTEROL HOMEOSTASIS	6	73	3.46E-04	LGALS3 PLSCR1 TNFRSF12A PLAUR FABP5 S100A11
G2M CHECKPOINT	9	195	7.03E-04	TOP2A PRC1 CKS2 PTTG1 CDKN3 CDKN2C RAD54L CDK4 PBK
E2F TARGETS	8	196	3.10E-03	CKS2 TOP2ARRM2 CDKN3 CENPM CDKN2C PTTG1 CDK4

FDR: False Discovery Rate.

Table S8. Functional annotation of genes associated with glioblastoma patients' overall survival based on Gene Ontology (GO) terms for biological processes.

GO group	GO term	genes.in.list	total.genes	FDR	genes
inflammatory response	Cellular response to acid chemical	12	218	6.59E-05	VEGFA TEAD2 MMP2 HAMP HOXA2 COL1A1 CNB1 CDK4 EGFR COL1A2 PDGFR COL4A1
inflammatory response	Inflammatory response	45	856	5.53E-16	CCL2 CCL20 PLA2G5 ANXA1 CXCL8 CSAR1 HP CCL18 OSMR NOS2 IL6 IL10 SERPING1 S100A9 SLC11A1 TMP1 HAMP RARRES2 FN1 IL1R2 SDC1 SPP1 TREM1 ALOX5AP CH3L1 EGFR LY96 PBK CD163 SOCS3 SERPINA3 CASP4 SERPINA1 SERPINE1 HMOX1 FCGR2B PLSCR1 LY2 MMP9 ADGRE5 HSPG2 ADM C1R PTK3 PLA2
inflammatory response	Negative regulation of catalytic activity	28	848	4.80E-06	GRPSC5 TMP1 CAV1 SERPINE1 ANXA1 PKIB SERPING1 SERPINH1 CDC68 SPRY4 SERPINA3 SERPINA1 LGLA3S LTF VEGFA SPOCD1 PTK3 CARD16 HP CDKN2C PI3 SLP1 PTTG1 ANXA2 SOCS3 APOC2 PLAUR MMP9
inflammatory response	Regulation of response to external stimulus	39	903	2.88E-11	RARRES2 VEGFA PLAUR PLA2G5 ANXA1 ANXA2 COL18 FAP SERPINE1 OSMR NOS2 LTF SNA2 CCL2 IL6 SERPING1 PDPN S100A9 CARD16 IL1R2 SPP1 ALOX5AP IL10 EGFR LY96 FABP7 PBK PDGFR THBD SOCS3 CSAR1 CXCL8 CAV1 FCGR2B PLAUR MMP9 PLAT C1R PLA2G2A
inflammatory response	Regulation of response to stimulus	105	4820	1.62E-11	LGLA1S HMOX1 SECTM1 GRPSC5 ANXA1 ANXA2 COL18 FAP SERPINE1 OSMR NOS2 LTF SNA2 CCL2 IL6 SERPING1 PDPN S100A9 CARD16 IL1R2 SPP1 ALOX5AP IL10 EGFR LY96 FABP7 PBK PDGFR THBD SOCS3 CSAR1 CXCL8 CAV1 FCGR2B PLAUR MMP9 PLAT C1R PLA2G2A
inflammatory response	Response to abiotic stimulus	40	1309	1.51E-07	VEGFA TEAD2 VEGFA ANXA1 EGFR RCLAF TCM1 DPP4 CARD16 CRIP1 ANG NOS2 DCN SNA2 RADS4L HMOX1 PLAT HAMP CAV1 CA9 PDLIM1 MDK1 IGFBP2 TWIST1 PLAUR POSTN CNB1 CDK4 ADM MMP14 STC1 PBK VASN FOSL1 THBD CH3L1 HILPDA STRA6 AQP9 IKBIP
inflammatory response	Response to acid chemical	15	360	1.31E-04	MMP2 TEAD2 MMP2 HAMP HOXA2 DKK1 COL1A1 IGFBP2 CNB1 CDK4 EGFR COL1A2 PDGFR TYMS COL4A1
inflammatory response	Response to biotic stimulus	38	1085	1.35E-08	NOS2 SLC11A1 LYZ HAMP CAMP CXCL8 IGLL5 LTF CAV1 CCL2 SLP1 IL6 IL10 LY96 S100A9 ISG20 CARD16 DCN FAM20A CCL2 GBP1 LOXL1 CDK4 ADM SPON2 PTK3 CA3 THBD PLSCR1 CSAR1 HP SERPINE1 VIM RARRES2 FCGR2B F3L1 FOSL1 PLA2G2A
inflammatory response	Response to cytokine	51	1372	1.87E-12	TIMP1 CCL2 CCL20 PLA2G5 ANXA1 CXCL8 CR18 PLVAP IL6 OSMR CASP4 NOS2 SLC11A1 VIM HAMP CAV1 POCLE2 COL1A1 LOX IL1R2 CH3L1 POSTN CDK4 FOSL1 TYMS SOCS3 SPRY4 SERPINE1 CARD16 PLP2 CLCF1 TNFRSF12A MMP2 HMOX1 MMP9 SOD2 VEGFA FN1 SDC1 SOCS2 TWIST1 F13A1 LIF IL10 RUNX1 IC
inflammatory response	Response to drug	30	1082	4.44E-05	ANXA1 STRA6 HMOX1 CAV1 IL6 HP NOS2 SLC11A1 RADS4L LGLA1S HAMP CA9 COL1A1 MDK LOX IGFBP2 SDC1 CNB1 CDK4 IL10 EGFR PLN2 PDPN CA3 NNMT PDGFR FOSL1 TYMS APOC2 VIM
inflammatory response	Response to endogenous stimulus	49	1704	2.18E-08	NOS2 TIMP1 SDC2 ANXA1 VASN SOCS3 SPRY4 ANXA1 RARRES2 IGFBP5 SPP1 IL6 IL10 EGFR COL1A1 AN2 AMP2 CA9 DKK1 COL1A1 MDK LOX IGFBP2 SDC1 CNB1 CDK4 ADM MMP14 STC1 HOXB13 PDGFR FOSL1 TYMS FAM20C ANXA2 COL4A1 AQP9 CCL2 CXCL8 VIM GRB14 CASP4 FCGR2B FMO2
inflammatory response	Response to external stimulus	81	2561	1.32E-16	NOS2 SLC11A1 LYZ HAMP RARRES2 CCL2 COL1A1 VEGFA CCL20 PLAUR PLA2G5 ANXA1 CAMP CXCL8 ANXA2 IGL5 CCL18 FAP SERPINE1 IL6 OSMR LTF SNA2 ANXA1 SPP1 SLP1 LGLA3S POSTN IL10 SERPING1 LY96 PDPN S100A9 ISG20 CARD16 DCN TYMP HMOX1 HOXA2 FAM20A MDK LOX IGFBP2 IL1R2 GBP1 FEZF1 LOXL
inflammatory response	Response to inorganic substance	20	586	9.90E-05	ANXA1 MMP9 AQP9 ALOX5AP IL6 CRIP1 HP HMOX1 CAV1 COL1A1 SDC2 IGFBP2 SDC1 CNB1 CDK4 ADM MMP14 STC1 HOXB13 PDGFR FOSL1
inflammatory response	Response to organophosphorus	10	137	3.64E-05	PLA2G5 IGFBP5 COL1A1 SDC1 MMP19 STC1 FOSL1 THBD AQP9 TYMS
inflammatory response	Response to oxygen levels	22	408	3.94E-08	MMP2 VEGFA DPP4 CARD16 ANG NOS2 HMOX1 PLAT CAV1 CA9 PDLIM1 COL1A1 TWIST1 PLAUR POSTN CNB1 CDK4 ADM MMP14 STC1 VASN HILPDA
inflammatory response	Response to reactive oxygen species	13	233	2.73E-05	ANXA1 MMP9 IL6 HP MMP2 HMOX1 COL1A1 SDC2 SDC1 IL10 PDGFR FOSL1 EGFR
inflammatory response	Response to stress	114	4507	1.98E-17	CLIC1 NOS2 MMP2 LY2 HMOX1 HAMP RARRES2 CCL2 VEGFA CCL20 PLAUR PLA2G5 ANXA1 PTK3 CAMP PCLAF CXCL8 ANXA2 CSAR1 IGLL5 HP CCL18 FAP CAV1 SERPINE1 OSMR TNFRSF12A LTF MMP9 DKK1 GBP1 SLP1 F13A1 TOP2A IL6 IL10 EGFR SERPING1 PDPN S100A9 TCM1 DPP4 CARD16 CRIP1 ANG DCN SLC11A1 VIF
inflammatory response	Response to wounding	38	716	1.51E-13	CLIC1 PLAUR ANXA1 ANXA2 FAP SERPINE1 TNFRSF12A F13A1 PDPN DCN SLC11A1 LGLA1S TIMP1 COL1A1 MDK LOX FN1 SDC1 SPP1 POSTN CNB1 IL10 EGFR ADM SERPING1 F2R2L THBD SERPINA1 ITGA5 HMOX1 CAV1 COL5A1 PLAUR PLSCR1 PLAT IL6 HOXB13 COL1A2
developmental process	Anatomical structure morphogenesis	81	2785	1.06E-11	CLIC1 PLAUR ANXA1 ANXA2 FAP SERPINE1 TNFRSF12A F13A1 PDPN DCN SLC11A1 TIMP1 COL1A1 MDK LOX FN1 SDC1 POSTN CNB1 EGFR SERPING1 F2R2L THBD SERPINA1 ITGA5 HMOX1 CAV1 COL5A1 PLAUR PLSCR1 PLAT IL6 HOXB13
developmental process	Animal organ regeneration	9	83	1.31E-14	HOXA2 FAM20A VEGFA ANXA1 COL5A2 ESM1 FAM20C ANXA2 IGL5 DCN LTF HMOX1 SERPINE1 DKK1 CCL2 FN1 LIF COL5A1 COL4A2 CAV1 MEK2 STC1 CXCL8 HOPX ANG TNFRSF12A SNA2 TYMP TEAD2 FAP MMP2 SPRX2 CAV1 MEK2 CA9 COL1A1 LOX IGFBP5 SDC1 SPP1 TWIST1 MMP19 HOXC13 FEZF1 HOXD10 CH3L1 P
developmental process	Blood vessel development	46	687	5.69E-06	HMOX1 HAMP CDK4 IL10 EGFR ADM NNMT TYMS CSAR1
developmental process	Blood vessel development	46	687	5.64E-20	COL1A1 VEGFA ANXA1 ESM1 ANXA2 IL6 DCN HMOX1 COL4A2 ADM CXCL8 ANG TNFRSF12A TYMP TEAD2 FAP MMP2 SPRX2 CAV1 MEK2 LOX FN1 MMP19 LOK1 COL5A1 CH3L1 IL10 HSPG2 COL8A1 MMP14 ITGA5 ANPEP PDGFR FOSL1 SOCS3 COL4A1 CSAR1 SERPINE1 TGFBI HOXB13 STRA6 COL1A2 RUNX1 TWIST1 GPI
developmental process	Circulatory system development	56	1077	7.15E-20	COL1A1 VEGFA ANXA1 ESM1 ANXA2 IL6 DCN HMOX1 DKK1 SDC2 COL4A2 ADM CXCL8 ANG TNFRSF12A SNA2 TYMP TEAD2 FAP MMP2 SPRX2 HAMP CAV1 MEK2 LOX FN1 TWIST1 MMP19 LIF LOXL1 COL5A1 CH3L1 CNB1 IL10 HSPG2 COL8A1 MMP14 ITGA5 ANPEP SHOX2 PDGFR FOSL1 SOCS3 COL4A1 CSAR1 SERPINE
developmental process	Connective tissue development	19	280	1.43E-08	COL8A2 ANXA2 STC1 SNA2 TIMP1 COL1A1 MGP LOX TGFBI COL5A1 CDK4 LUM CTSK SERPINH1 SHOX2 PDGFR FOSL1 CH3L1
developmental process	Embryo development	34	1054	5.56E-07	HOXA2 MEK2 DKK1 FN1 COL5A1 HOPX TEAD2 TWIST1 LIF HOXD10 TOP2A CNB1 IL10 EGFR ADM MMP14 EN1 SHOX2 TMS4F1 FOSL1 PHLD2A SOCS3 HOXB7 MMP2 MMP9 MFA2P COL4A2 COL8A1 CXCL8 RARRES2 COL1A1 STRA6 ITGA5 VEGFA
developmental process	Endometrial cell differentiation	9	51	1.25E-07	DKK1 FN1 COL5A1 MMP2 MMP9 COL4A2 COL8A1 MMP14 ITGA5
developmental process	Muscle structure development	22	645	3.96E-05	DKK1 SDC2 IGFBP5 DCN LGLA1S HAMP CAV1 MEK2 LOX IGFBP5 SDC1 TWIST1 LIF HOXD10 CNB1 PAX3 ADM MMP14 SHOX2 STRA6 VEGFA TAGLN
developmental process	Negative regulation of developmental process	31	1017	5.95E-06	ANXA1 ANXA2 DCN DKK1 COL5A1 COL4A2 HOPX VIM MMP14 LGLA1S MMP9 CAV1 HOXA2 IGFBP5 SPP1 SDC2 TWIST1 POSTN CTSK SERPINE1 MEK2 SNA2 TIMP1 GBP1 EGFR VASN LTF RUNX1 IL6 FCGR2B HSPG2
developmental process	Ossification	22	396	2.40E-08	COL1A1 SPP1 LTF MMP2 MMP9 HOXA2 DKK1 MGP LOX IGFBP5 TWIST1 GPNMB CTSK IGFBP5 MMP14 STC1 COL1A2 SHOX2 FAM20C SNA2 EGFR IL6
developmental process	Osteoblast differentiation	13	218	1.45E-05	SPP1 LTF HOXA2 COL1A1 LOX IGFBP5 TWIST1 GPNMB IGFBP3 SHOX2 FAM20C SNA2 IL6
developmental process	Regeneration	13	204	7.68E-06	ANXA1 HMOX1 HAMP SPP1 POSTN CNB1 CDK4 IL10 EGFR ADM NNMT TYMS CSAR1
developmental process	Regulation of developmental process	74	2763	1.84E-11	VEGFA LIF ANXA1 ANXA2 IL6 ACE DCN LTF HMOX1 SPRX2 SERPINE1 DKK1 CCL2 COL1A1 MDK SDC2 COL5A1 COL4A2 IGFBP3 CXCL8 HOPX TNFRSF12A SNA2 VIM MSR1 TEAD2 MMP14 LGLA1S MMP9 HAMP CAV1 HOXA2 MGP LOX FN1 IGFBP5 SPP1 SDC2 TWIST1 FEZF1 CH3L1 POSTN CNB1 CDK4 IL10 CTSK ADM MMF
developmental process	Regulation of multicellular organismal process	83	3323	3.93E-11	VEGFA SPP1 PLAUR ANXA1 ANXA2 CARD16 APOC2 FAP CAV1 SERPINE1 IL6 ACE NOS2 DCN LTF HMOX1 SPRX2 DKK1 COL1A1 MDK SDC2 FN1 LIF COL5A1 COL4A2 HILPDA GPNMB IL10 ADM STC1 PDPN CXCL8 TNFRSF12A SLC11A1 SNA2 VIM LGLA1S MMP9 HAMP HOXA2 MGP LOX IGFBP5 IL1R2 SOCS2 TWIST1 GOS2 FEZF
developmental process	Reproductive structure development	20	445	2.61E-06	ANXA1 DCN SDC1 MMP19 LIF IL10 EGFR ADM MMP14 STC1 HOXB13 PTK3 FOSL1 PHLD2A SOCS3 CRIP1 STRA6 VEGFA ANG SPP1
developmental process	Reproductive system development	20	449	2.88E-06	ANXA1 DCN SDC1 MMP19 LIF IL10 EGFR ADM MMP14 STC1 HOXB13 PTK3 FOSL1 PHLD2A SOCS3 CRIP1 STRA6 VEGFA ANG SPP1
developmental process	Skeletal system development	26	541	1.54E-08	HOXA2 COL1A1 COL8A2 MMP14 ANXA2 IGL5 LTF STC1 SNA2 MMP2 MMP9 TIMP1 MGP LOX TGFBI TWIST1 HOXD10 LUM CTSK SERPINH1 SHOX2 TYMS FAM20C HOXB7 COL1A2 CH3L1 EN1
developmental process	Tissue development	77	2168	2.47E-18	MEK2 FAMD2A BARX1 ANXA1 COL8A2 FAM20C ANXA2 SERPINE1 DKK1 COL1A1 FN1 LIF COL5A1 IL6 TAGLN TAGLN2 STC1 DCN SNA2 VIM TEAD2 MMP2 HAMP CAV1 CA9 MGP LOX IGFBP5 SDC1 SPP1 TGFBI TWIST1 HOXC13 HOXD10 POSTN CNB1 CDK4 GPNMB IL10 LUM CTSK EGFR ADM SERPINH1 MMP14 HOXE
developmental process	Tissue remodeling	14	167	1.51E-07	MMP2 SPP1 ANXA1 ACE GPNMB TIMP1 CAV1 IGFBP5 LIF CTSK EGFR MMP14 BDN IL6
developmental process	Tube morphogenesis	51	1062	1.32E-16	VEGFA ANXA1 ESM1 ANXA2 IL6 DCN HMOX1 LIF COL4A2 ADM CXCL8 ANG TNFRSF12A TYMP TEAD2 FAP MMP2 SPRX2 CAV1 MEK2 LOX FN1 IGFBP5 SDC1 TWIST1 MMP19 HMOX1 CNB1 IL10 HSPG2 COL8A1 EGFR MMP14 ITGA5 EN1 ANPEP SHOX2 TYMS COL4A1 CSAR1 HOXB7 SERPINE1 TGFBI HOXB13 RARRES2 STRA
developmental process	Urogenital system development	14	346	1.59E-14	VEGFA ANXA1 ESM1 ANXA2 IL6 DCN HMOX1 COL4A2 ADM CXCL8 ANG TNFRSF12A TYMP TEAD2 FAP MMP2 SPRX2 CAV1 MEK2 LOX FN1 TWIST1 MMP19 CH3L1 IL10 HSPG2 COL8A1 EGFR MMP14 ITGA5 ANPEP SHOX2 COL4A1 CSAR1 HOXB7 SERPINE1 TGFBI HOXB13 STRA6 HOXD11 RUNX1 GPNMB CCL2
cell communication	Cell surface receptor signaling pathway	84	3287	3.38E-12	GRPSC5 PLAT DKK1 CCL2 COL1A1 VEGFA CCL20 IGFBP2 IGFBP5 SOCS2 GOS2 LIF COL4A2 ANXA1 TSPAN31 EGFR IGFBP3 ESM1 VASN CXCL8 PDGFR CLCF1 TCM1 SOCS3 SPRY4 CSAR1 IGLL5 CCL18 DCN LTF SNA2 FCGR2B KNKN4 CAV1 RARRES2 PLVAP LGLA3S IL6 COL1A2 CASP4 CARD16 TNFRSF12A PLAUR VIM LOX I
cell communication	Intracellular signal transduction	58	3113	3.69E-04	LGLA1S HMOX1 SECTM1 NOS2 TEAD2 CCL2 RAB3A CCL20 ADGRE5 PLA2G5 F2R2L PDGFR SPRY4 PLA2G2A CCL18 FOSL1 GPNMB IL6 DCN LTF VEGFA FN1 LIF IGFBP5 PLVAP SDC1 SPP1 SDC1 SNA2 VIM LGLA3S GPNMB IL10 ADM STC1 PDPN CXCL8 TNFRSF12A SLC11A1 SNA2 VIM LGLA1S MMP9 HAMP HOXA2 MGP LOX IGFBP5 IL1R2 SOCS2 TWIST1 GOS2 FEZF
cell communication	Regulation of cell communication	84	3903	1.37E-08	LGLA1S HMOX1 SECTM1 GRPSC5 DKK1 CCL2 CCL20 IGFBP2 IGFBP5 SOCS2 GOS2 PLA2G5 ANXA1 IGFBP3 F2R2L ESM1 VASN PDGFR TCM1 SOCS3 SPRY4 PLA2G2A CCL18 FOSL1 GPNMB IL6 DCN LTF SNA2 KNKN4 CAV1 SERPINE1 COL1A1 VEGFA FN1 SPP1 PLAT LIF LGLA3S IL10 EGFR ADM S100A9 CXCL8 CLCF1 S100A4 CASP
cell communication	Regulation of signaling	85	3952	1.10E-08	LGLA1S HMOX1 SECTM1 GRPSC5 DKK1 CCL2 CCL20 IGFBP2 IGFBP5 SOCS2 GOS2 PLA2G5 ANXA1 IGFBP3 F2R2L ESM1 VASN PDGFR TCM1 SOCS3 SPRY4 PLA2G2A CCL18 FOSL1 GPNMB IL6 DCN LTF SNA2 KNKN4 CAV1 SERPINE1 COL1A1 VEGFA FN1 SPP1 PLAT LIF LGLA3S IL10 EGFR ADM S100A9 CXCL8 CLCF1 S100A4
cell communication	Regulation of signaling receptor activity	26	676	8.78E-07	GRPSC5 SERPINE1 PLAUR TYMP TIMP1 HAMP DKK1 CCL2 MDK VEGFA CCL20 SPP1 LIF GPNMB IL6 IL10 SECTM1 ADM STC1 CXCL8 PDGFR CLCF1 PHLD2A TNFRSF12 TNFRF3 CCL18 FCGR2B
metabolic process	Collagen metabolic process	13	113	1.48E-08	MMP2 MMP11 MMP9 MMP19 MMP14 FAP IL6 CTSK SERPINH1 COL1A2 VIM COL1A1 COL5A1
metabolic process	Glycosaminoglycan catabolic process	6	61	4.87E-04	DCN SDC1 FMOD LUM HSPG2 BGN
metabolic process	Phosphorus metabolic process	96	3597	1.64E-04	NOS2 GRPSC5 CAV1 CCL2 VEGFA CCL20 SOCS2 PLA2G5 CNB1 CDK4 PKIB HK3 CDC68 PDGFR RRM2 FAM20C ANXA2 SOCS3 SPRY4 PLA2G2A APOC2 AC87632.1 CCL18 LGLA3S GPNMB LTF SPRX2 RARRES2 DKK1 FAM20A FN1 CDKN2C LIF PLVAP SPOCD1 IL6 EGFR IGFBP3 CLCF1 TYMS TCM1 CSAR1 ANG SLC11A1 PDLK
metabolic process	Positive regulation of cellular metabolic process	72	3482	1.25E-06	NOS2 TEAD2 HOXA2 MEK2 CCL2 VEGFA CCL20 PLA2G5 ANXA1 PDGFR ANXA2 PLA2G2A CASP4 APOC2 CCL18 CAV1 GPNMB DCN LTF RARRES2 DKK1 COL1A1 FAM20A SPP1 TWIST1 LIF CNB1 PAK3 IL6 IL10 EGFR RUNX1 S100A9 CLCF1 FOSL1 TIMP1 PLSCR1 CSAR1 ANG HOXB7 GRPSC5 SCL1A1 SNA2 HMOX1 CDCKE
metabolic process	Regulation of prokaryotic metabolic process	53	1872	8.01E-09	NOS2 GRPSC5 CAV1 CCL2 VEGFA CCL20 PLA2G5 CNB1 PKIB CDC68 PDGFR ANXA2 SERPINE1 RARRES2 APOC2 CCL18 LGLA3S GPNMB IL6 DCN LTF VEGFA FN1 LIF IGFBP5 RARRES2 DKK1 FAMD2A FN1 CDKN2C LIF SPOCD1 IL6 EGFR IGFBP3 CLCF1 TCM1 CSAR1 ANG SLC11A1 LOX SOCS2 KSK2 CH3L1 CDK4 ACE PBK CAVIN3 FAM20C SOCS3 PLAUR
immune system process	Leukocyte migration	28	491	1.06E-10	CCL2 VEGFA CCL20 ANXA1 CXCL8 CCL18 FOSL1 S100A9 MMP9 MMP14 PDGFR CSAR1 SERPINE1 RARRES2 PLVAP HMOX1 CAV1 COL1A1 GRP1 FN1 SDC1 TREM2 IL10 SLC16A3 ITGA5 COL1A2 THBD
immune system process	Immune system process	95	3539	1.81E-15	RARRES2 CCL2 VEGFA CCL20 PLA2G5 ANXA1 RUNX1 PTK3 CAMP CXCL8 CLCF1 TCM1 ANXA2 CSAR1 IGLL5 CCL18 DCN LTF FCGR2B KNKN4 CAV1 IGFBP2 GBP1 SLP1 LIF LGLA3S GPNMB IL10 SERPING1 S100A9 DPP4 HLA-DRA NOS2 SLC11A1 VIM LGLA1S HMOX1 MMP19 LOX BARX1 TOP2A C1RL SECTM1 LY96 MMP14 C
immune system process	Humoral immune response	21	312	2.59E-09	CAMP CXCL8 IGLL5 IL6 LTF SLP1 SERPING1 S100A9 C1R C1R2 SPON2 CFB RARRES2 FCGR2B SLC11A1 IL1R2 CCL2 PI3 TREM1 PLAUR CSX2 CSAR1
regulation of proteolysis	Peptide cross-linking	6	63	5.61E-04	FN1 PI3 F13A1 ANXA1 DCN BGN
regulation of proteolysis	Proteolysis	42	1988	3.41E-04	TIMP1 PLAT CPVL SERPINE1 AEBP1 PLAUR C1RL CTSK SERPING1 SERPINH1 MMP14 C1R ANPEP ANXA2 SERPINA3 CASP4 SERPINA1 CAV1 ACE LTF FAP MMP2 MMP9 VEGFA IL10 S100A9 DPP4 CARD16 PLAUR MMP11 POCLE2 FN1 IL1R2 MMP19 PI3 PLS1 PTTG1 PBK CFB HP CNB1 CSAR1
regulation of proteolysis	Regulation of peptidyl-tyrosine autophosphorylation	3	6	2.34E-04	VEGFA CAV1 ACE
regulation of proteolysis	Regulation of protein metabolic process	71	3006	1.10E-08	GRPSC5 TIMP1 CAV1 SERPINE1 CCL2 VEGFA CCL20 PLA2G5 CNB1 PKIB SERPING1 SERPINH1 PDGFR ANXA2 SPRY4 PLA2G2A SERPINA3 CASP4 SERPINA1 CCL18 LGLA3S GPNMB LTF PLAT RARRES2 DKK1 FAM20A FN1 IGFBP5 CDKN2C LIF IL6 IL10 EGFR IGFBP3 ACE S100A9 PTK3 CLCF1 TYMS TCM1 CSAR1 CARD16 NC
regulation of proteolysis	Regulation of proteolysis	27	863	1.49E-05	TIMP1 SERPINE1 SERPING1 SERPINH1 ANXA2 SERPINA3 CASP4 SERPINA1 CAV1 PLAT LTF VEGFA IL10 S100A9 CARD16 PLAUR POCLE2 FN1 IL1R2 PI3 SLP1 MMP14 PTTG1 PBK MMP9 C1R CSAR1
cell motility	Localization of cell	58	1670	4.51E-13	TMSB10 PLAT CCL2 VEGFA CCL20 SDC1 ANXA1 TMSB15A CXCL8 PDGFR CD248 CCL18 IL6 DCN FAP SPRX2 SERPINE1 COL1A1 FN1 IGFBP5 PLAV LGLA3S GPNMB IGFBP3 MMP14 STC1 S100A9 DPP4 TNFRSF12A SNA2 TYMP ANXA1 HOXA2 MDK LOX TWIST1 FEZF1 POSTN EGFR ITGA5 PHLD2A CSAR1 HMOX1 MEK2 TIMP
cell motility	Locomotion	64	1921	1.07E-13	TMSB10 PLAT RARRES2 CCL2 VEGFA CCL20 SDC1 ANXA1 TMSB15A CXCL8 PDGFR CD248 CCL18 IL6 DCN FAP SPRX2 SERPINE1 COL1A1 FN1 IGFBP5 PLAV LGLA3S GPNMB IGFBP3 MMP14 STC1 S100A9 DPP4 TNFRSF12A SNA2 TYMP ANXA1 HOXA2 MDK LOX TWIST1 FEZF1 POSTN EGFR ITGA5 PHLD2A CSAR1 HMOX1 MEK2 TIMP
cell motility	Movement of cell or subcellular component	61	2139	2.55E-10	TMSB10 PLAT CCL2 VEGFA CCL20 SDC1 ANXA1 TMSB15A CXCL8 PDGFR CD248 CCL18 IL6 DCN FAP SPRX2 SERPINE1 COL1A1 FN1 IGFBP5 PLAV LGLA3S GPNMB IGFBP3 MMP14 STC1 S100A9 DPP4 TNFRSF12A SNA2 TYMP ANXA1 HOXA2 MDK LOX TWIST1 FEZF1 POSTN EGFR ITGA5 PHLD2A CSAR1 HMOX1 MEK2 TIMP
cell motility	Regulation of localization	62	2905	3.89E-06	TMSB10 MSR1 HAMP MEST VEGFA ANXA1 TMSB15A PDGFR ANXA2 CARD16 CAV1 DCN MMP1 SERPINE1 DKK1 CCL2 COL1A1 CCL20 FN1 IGFBP5 SPP1 PLAUR LIF LGLA3S HILPDA GPNMB IL6 IL10 EGFR IGFBP3 MMP14 STC1 ANG APOC2 SCL11A1 HMOX1 SPRX2 KNKN4 IL1R2 TWIST1 POSTN ITGA5 PTK3 FAMD2A C25A
extracellular matrix organization	Cellular component disassembly	18	573	6.32E-04	NOS2 TOP2A FAP PDPN DPP4 SNA2 CAPG LAMC1 IL6 MMP2 MMP11 MMP5 TIMP1 CAV1 DKK1 MMP19 CNB1 MMP14
extracellular matrix organization	Extracellular matrix organization	40	392	1.02E-23	MMP2 MMP11 MMP9 COL1A1 TGFBI MMP19 COL5A1 POSTN COL4A2 COL8A1 SERPINH1 MMP14 COL1A2 ANXA2 COL4A1 FAP AEBP1 PDPN DPP4 LOX FMOD LUM PTK3 EFM2P2 SDC1 LAMC1 IL6 DCN ICAM3 NID2 TIMP1 SERPINE1 FN1 MFA2P SPP1 LOXL1 COL6A2 HSPG2 CTSK ITGA5 BGN
extracellular matrix organization	Extracellular structure organization	44	460	8.4E-25	MMP2 MMP11 MMP9 COL1A1 TGFBI MMP19 PLA2G5 COL5A1 POSTN COL4A2 COL8A1 SERPINH1 MMP14 COL1A2 ANXA2 COL4A1 APOC2 FAP AEBP1 PDPN DPP4 LOX FMOD LUM PTK3 EFM2P2 SDC1 LAMC1 IL6 DCN ICAM3 NID2 TIMP1 SERPINE1 FN1 MFA2P SPP1 LOXL1 COL6A2 HSPG2 CTSK ITGA5 BGN PLA2G2A
extracellular matrix organization	Negative regulation of cellular component organization	22	749	3.15E-04	TMSB10 TMSB15A PTTG1 FAP DKK1 LGLA3S DPP4 COL5A1 VIM CAPG LGLA1S SPP1 TWIST1 LIF MMP14 MMP14 ACE CAV1 GBP1 TOP2A CNB1 FCGR2B
extracellular matrix organization	Regulation of cellular component organization	55	2653	3.84E-05	TMSB10 CNB1 ANXA1 TMSB15A PTTG1 CDC68 ANXA2 APOC2 FAP SPRX2 CAV1 SERPINE1 AEBP1 DKK1 CCL2 VEGFA TWIST1 CDKN2C LIF LGLA3S EGFR MMP14 PDPN FOSL1 DPP4 TNFRSF12A SLC11A1 SNA2 VIM CAPG LGLA1S HAMP FN1 IGFBP5 SPP1 SOCS2 COL5A1 POSTN IL10 IGFBP3 ACE FBLIM1 PTK3 SHOX2 DCI
lipid transport	Import into cell	24	887	4.85E-04	RAB3A ANXA1 ANXA2 IGLL5 FOSL1 SERPINE1 DKK1 VEGFA LGLA3S EGFR ADM CXCL8 APOC2 SLC11A1 MSR1 ICAM3 POSTN PTK3 CD163 CCL2 HSPG2 FCGR2B
lipid transport	Lipid localization	19	409	3.08E-06	MSR1 MEST PLA2G5 ANXA1 STRA6 ANXA2 APOC2 NOS2 SPP1 HILPDA ACE APO4 AQP9 KNKN4 CAV1 SLC27A3 PLIN2 PLA2G2A IL6
lipid transport	Lipid transport	16	367	4.29E-05	PLA2G5 ANXA1 STRA6 ANXA2 APOC2 NOS2 SPP1 ACE MSR1 APO4 AQP9 KNKN4 SLC27A3 PLIN2 PLA2G2A CAV1
lipid transport	Monocarboxylic acid transport	10	171	2.06E-04	PLA2G5 ANXA1 STRA6 SLC16A3 NOS2 ACE AQP9 SLC27A3 PLIN2 PLA2G2A
lipid transport	Regulated exocytosis	32	901	1.85E-07	HMOX1 PLAUR LTF SLC11A1 FCGR2B LYZ MMP1 SERPINE1 RARRES2 VEGFA FN1 PLAUR ADGRE5 SLP1 F13A1 LGLA3S CH3L1 SERPING1 TAGLN HK3 S100A11 S100A9 PTK3 CAMP FABP5 ANPEP ANXA2 SERPINA3 SERPINA1 CSAR1 HP
lipid transport	Vesicle-mediated transport	49	2220	2.83E-05	RAB3A ANXA1 ANXA2 IGLL5 FOSL1 SERPINE1 DKK1 VEGFA LGLA3S EGFR ADM CXCL8 APOC2 SLC11A1 MSR1 ICAM3 HMOX1 SPON2 PTK3 CD163 SDC1 CCL2 HSPG2 PLAUR LTF LY2 MMP9 TIMP1 RARRES2 FN1 PLAUR ADGRE5 SLP1 F13A1 CH3L1 SERPING1 TAGLN HK3 S100A11 S100A9 CAMP FABP5 ANPEP SERP
cell proliferation	Cell population proliferation	63	2125	4.97E-11	CAV1 VEGFA LIF CNB1 ANXA1 OSMR EGFR PDGFR CLCF1 ANXA2 ACE LTF SNA2 HMOX1 TIMP1 SOD2 FN1 IGFBP2 IGFBP5 CDKN2C HILPDA GPNMB IL6 IL10 IGFBP3 STC1 ESM1 CSAR1 DPP4 ANG NOS2 SLC11A1 FAP MMP2 TGFBI TWIST1 PLAV CSX2 FEZF1 CDK4 COL8A1 ADM MMP14 S100A11 FABP7 SHOX2 CD248 FOSL
cell proliferation	Positive regulation of cell population proliferation	33	1022	8.42E-07	VEGFA LIF CNB1 ANXA1 OSMR EGFR PDGFR CLCF1 ANXA2 LTF HMOX1 TIMP1 FN1 IGFBP2 HILPDA IL6 ESM1 CSAR1 DPP4 ANG NOS2 TWIST1 CDK4 IL10 ADM SHOX2 CD248 IGFBP5 MMP9 CRIP1 TSPAN31 LAMC1 FOSL1
cell death	Cell death	54	2415	6.44E-06	G

coagulation	Coagulation	18	364	2.68E-06	CLIC1 PLAU ANXA2 FAP SERPINE1 F13A1 PDPN SERPING1 F2RL2 THBD SERPINA1 CAV1 PLAUR PLSCR1 PLAT COL1A1 IL6 COL1A2
growth	Growth	31	1028	7.29E-06	ANXA1 COL6A2 ANXA2 CDKN2C EGFR MMP14 STC1 CAMP TNFRSF12A HAMP FN1 IGFBP2 IGFBP5 SPP1 SOCS2 POSTN CCNB1 CDK4 IL10 EMP3 IGFBP3 ADM HOXB13 EN1 PTX3 TYMS PHLDA2 SOCS3 STRA6 VEGFA S100A9
multi-multicellular organism process	Multi-multicellular organism process	12	239	1.53E-04	MMP2 MMP9 IGFBP2 IGFBP5 LIF ADM STC1 ITGA5 FOSL1 THBD TIMP1 SPP1
multi-organism process	Multi-organism process	68	2827	1.35E-08	NOS2 SLC11A1 LY2 HAMP CAMP CXCL8 ANXA2 IGLL5 LTF LGALS1 CAV1 CCL2 FN1 SLP1 IL6 IL10 LY96 S100A9 PTX3 ISG20 CARD16 DCN VIM SPAG4 FCGR2B MMP2 MMP9 FAM20A MDK CCL20 IGFBP2 IGFBP5 GBP1 NCAPH MMP19 PI3 LIF HOXD10 LOXL1 TOP2A CCNB1 CDK4 KRT7 EGFR ADM STC1 ACE SPON2 ITGA5 EN1 C
regulation of biological quality	Regulation of biological quality	76	4319	1.36E-04	LTF LY2 CLIC1 NOS2 SLC11A1 TMSB10 MSR1 SPAG4 MOXD1 HMOX1 HAMP CAV1 MEST SPP1 PLAU ANXA1 TMSB15A ACE TFF3 HK3 F2RL2 CD52 ANXA2 PLSCR1 CSAR1 FAP SERPINE1 APOC2 SRPX2 KCNN4 CCL2 VEGFA F13A1 LIF HILPDA IL6 ADM STC1 PDPN TNFRSF12A CAPG LGALS1 DKK1 LOX FN1 IGFBP5 SOCS2 G0S
regulation of body fluid levels	Regulation of body fluid levels	76	4319	1.36E-04	LTF LY2 CLIC1 NOS2 SLC11A1 TMSB10 MSR1 SPAG4 MOXD1 HMOX1 HAMP CAV1 MEST SPP1 PLAU ANXA1 TMSB15A ACE TFF3 HK3 F2RL2 CD52 ANXA2 PLSCR1 CSAR1 FAP SERPINE1 APOC2 SRPX2 KCNN4 CCL2 VEGFA F13A1 LIF HILPDA IL6 ADM STC1 PDPN TNFRSF12A CAPG LGALS1 DKK1 LOX FN1 IGFBP5 SOCS2 G0S
regulation of molecular function	Regulation of molecular function	22	504	2.68E-06	CLIC1 PLAU ANXA2 FAP SERPINE1 F13A1 ADM PDPN KCNN4 CAV1 SOCS2 SERPING1 F2RL2 THBD SERPINA1 VEGFA PLAUR PLSCR1 PLAT COL1A1 IL6 COL1A2
regulation of receptor binding	Regulation of receptor binding	79	3529	1.00E-08	NOS2 GPRC5A TIMP1 CAV1 SERPINE1 CCL2 CCL20 PLAZG5 CCNB1 ANXA1 PKIB SERPING1 SERPINH1 CCDC8 PDGFR ANXA2 SPRY4 SERPINA3 CASP4 SERPINA1 APOC2 CCL18 LGALS3 PLAUR LTF MMP9 DKK1 VEGFA PLAU CDKN2C SLP1 SPOCD1 IL6 IL10 EGFR S100A9 PTX3 TCIM PLSCR1 CARD16 HP SLC11A1 TYMP HMM
reproduction	Reproduction	5	24	6.11E-05	ANXA2 MMP9 LOX PHLDA2 IL10
		40	1513	4.65E-06	MND1 TOP2A ANXA1 PTTG1 DCN SPAG4 MMP2 MMP9 MDK IGFBP2 IGFBP5 SDC1 NCAPH MMP19 KKS2 PI3 LIF HOXD10 CCNB1 IL10 EGFR ADM MMP14 STC1 HOXB13 ACE ITGA5 PTX3 FOSL1 THBD PHLDA2 SOCS3 RPL39L CRIP1 TIMP1 STRA6 VEGFA ANG RAD54L SPP1

FDR: False Discovery Rate.

**Table S9.** Functional annotation of genes associated with glioblastoma patients' overall survival based on KEGG pathways.

KEGG.pathway	genes.in.list	total.genes	FDR	genes
Proteoglycans in cancer	15	198	2.22E-07	DCN EGFR FN1 HOXD10 HSPG2 ITGA5 LUM MMP2 MMP9 PLAU PLAU SDC1 TWIST1 VEGFA CAV1
PI3K-Akt signaling pathway	15	353	1.10E-04	CDK4 COL1A1 COL1A2 COL4A1 COL4A2 COL6A2 EGFR FN1 IL6 ITGA5 LAMC1 SPP1 VEGFA PDGFD OSMR
Pathways in cancer	15	528	4.42E-03	CDK4 KKS2 COL4A1 COL4A2 EGFR FN1 HMOX1 IL6 CXCL8 LAMC1 MMP2 MMP9 NOS2 VEGFA RUNX1
Focal adhesion	13	199	8.58E-06	COL1A1 COL1A2 COL4A1 COL4A2 COL6A2 EGFR FN1 ITGA5 LAMC1 SPP1 VEGFA PDGFD CAV1
Complement and coagulation cascades	11	78	6.94E-08	F2RL2 F13A1 SERPINE1 PLAT PLAU PLAU CFB THBD SERPING1 C1R C5AR1
ECM-receptor interaction	11	82	8.01E-08	COL1A1 COL1A2 COL4A1 COL4A2 COL6A2 FN1 HSPG2 ITGA5 LAMC1 SDC1 SPP1
Transcriptional misregulation in cancer	10	186	4.14E-04	CDKN2C IGFBP3 IL6 CXCL8 MMP9 PAX3 PLAT PLAU IL1R2 RUNX1
Cytokine-cytokine receptor interaction	10	293	7.86E-03	CLCF1 IL6 CXCL8 IL10 LIF TNFRSF12A CCL2 CCL20 IL1R2 OSMR
HIF-1 signaling pathway	9	100	3.37E-05	EGFR HK3 HMOX1 IL6 LDHA NOS2 SERPINE1 TIMP1 VEGFA
Relaxin signaling pathway	9	129	1.37E-04	COL1A1 COL1A2 COL4A1 COL4A2 EGFR MMP2 MMP9 NOS2 VEGFA
Phagosome	8	150	1.63E-03	FCGR2B FCGR3A HLA-DRA ITGA5 MSR1 C1R TUBB6 TUBA1C
MicroRNAs in cancer	8	150	1.63E-03	EGFR HMOX1 HOXD10 ITGA5 MMP9 PLAU VEGFA VIM
IL-17 signaling pathway	7	92	5.59E-04	IL6 CXCL8 MMP9 S100A9 CCL2 CCL20 FOSL1
TNF signaling pathway	7	110	1.47E-03	IL6 LIF MMP9 MMP14 CCL2 CCL20 SOCS3
P53 signaling pathway	5	72	5.90E-03	CDK4 IGFBP3 SERPINE1 RRM2 CCNB1
AGE-RAGE signaling pathway in diabetic complications	13	100	1.17E-08	CDK4 COL1A1 COL1A2 COL4A1 COL4A2 FN1 IL6 CXCL8 MMP2 SERPINE1 CCL2 THBD VEGFA
Human papillomavirus infection	12	330	1.93E-03	CDK4 COL1A1 COL1A2 COL4A1 COL4A2 COL6A2 EGFR FN1 ITGA5 LAMC1 SPP1 VEGFA
Amoebiasis	11	96	2.64E-07	COL1A1 COL1A2 COL4A1 COL4A2 FN1 IL6 CXCL8 IL10 LAMC1 NOS2 IL1R2
Fluid shear stress and atherosclerosis	10	138	5.08E-05	HMOX1 MMP2 MMP9 PLAT CCL2 SDC1 THBD VEGFA IL1R2 CAV1
Pertussis	8	76	3.41E-05	LY96 IL6 CXCL8 IL10 ITGA5 NOS2 SERPING1 C1R
Protein digestion and absorption	8	90	8.18E-05	COL1A1 COL1A2 COL4A1 COL4A2 COL5A1 COL6A2 DPP4 KCNN4
Tuberculosis	8	177	4.33E-03	FCGR2B FCGR3A HLA-DRA IL6 IL10 LSP1 NOS2 CAMP
Staphylococcus aureus infection	7	64	8.18E-05	FCGR2B FCGR3A HLA-DRA IL10 CFB C1R C5AR1
Rheumatoid arthritis	7	89	5.09E-04	CTSK HLA-DRA IL6 CXCL8 CCL2 CCL20 VEGFA
Small cell lung cancer	7	92	5.59E-04	CDK4 KKS2 COL4A1 COL4A2 FN1 LAMC1 NOS2
Chagas disease (American trypanosomiasis)	7	102	1.02E-03	ACE IL6 CXCL8 IL10 NOS2 SERPINE1 CCL2
Bladder cancer	6	41	7.67E-05	TYMP EGFR CXCL8 MMP2 MMP9 VEGFA
Prostate cancer	6	97	4.01E-03	EGFR MMP9 PLAT PLAU IL1R2 PDGFD
Malaria	5	48	1.25E-03	IL6 CXCL8 IL10 CCL2 SDC1

FDR: False Discovery Rate.

**Table S10.** List of cancer genes associated with glioblastoma patients' overall survival according to COSMIC database.

<b>gene.symbol</b>	<b>somatic.tumour.types</b>	<b>germline.tumour.types</b>	<b>role.in.cancer</b>
CDK4	----	melanoma	oncogene
CDKN2C	glioma, MM	----	TSG
COL1A1	DFSP, aneurysmal bone cyst	----	fusion
EGFR	glioma, NSCLC	NSCLC	oncogene
FCGR2B	ALL	----	oncogene, fusion
FKBP9	glioma	----	potential role
HOXC13	AML	----	oncogene, fusion
HOXD11	AML	----	oncogene, fusion
PAX3	alveolar rhabdomyosarcoma	----	oncogene, fusion
RUNX1	AML, pre B-ALL, T-ALL	----	oncogene, TSG, fusion

TSG: Tumor Suppressor Gene.





<i>SPP1</i>				X				
<i>SPTBN1</i>								X
<i>ST14</i>	X							
<i>STC1</i>					X			
<i>TACR1</i>		X						
<i>TAGLN</i>					X			
<i>TAGLN2</i>					X			
<i>TFF3</i>				X				
<i>TFPI</i>		X						
<i>TIMP1</i>			X					
<i>TNFRSF12A</i>					X			
<i>TNIK</i>		X						
<i>TOP2A</i>			X		X		X	X
<i>TREM1</i>					X			
<i>TWIST1</i>					X			
<i>TYMP</i>					X			
<i>TYMS</i>			X		X			
<i>VEGFA</i>			X		X			
<i>WISP1</i>					X			
<i>YAP1</i>			X					

\*X\* means the Reboot official gene symbol is present in the corresponding analysis. For transcripts, Ensembl transcripts IDs were converted to equivalent Ensembl genes IDs. For the TTD database analysis, all 4 categories in the website were considered: (i) success; (ii) patent; (iii) clinical trials; and (iv) research.

**Table S12.** Transcripts associated with pancreas adenocarcinoma patients' overall survival in Reboot.

<b>transcript.symbol</b>	<b>regression.coefficient</b>
ADAP1-209	0.0243389
ADAP1-211	0.0089557
ADAP1-218	0.0085884
ALMS1-202	-0.0300002
BAIAP2L2-203	0.0140901
BBS1-206	-0.0359856
BCLAF1-204	0.0087351
BCLAF1-205	0.0184988
BID-209	0.0099699
BTN3A3-201	0.0125401
CARD6-201	0.0092825
CENPF-201	0.0819655
CENPF-206	0.0248675
CNOT1-204	-0.0044733
CTTN-210	-0.0000180
CXCL12-201	0.0004189
DNAJA4-203	0.0238143
ERAP2-202	0.0273279
EXOC7-201	-0.0129483
FAM111B-201	0.0329235
FCGR2A-201	0.0042429
FES-201	-0.0069084
FOPNL-201	0.0123006
GBGT1-203	-0.0008816
GNAI2-201	0.0004880
GNAI2-202	-0.0013797
GTF3C2-201	0.0156593
HTT-202	-0.0395587
IFI44-201	0.0060896
IFI44-203	0.0015845
LGALS8-203	0.0057068
LUC7L2-201	0.0077005
LUC7L2-202	-0.0014209
LUC7L2-203	-0.0212371
MALAT1-215	0.0000048
MAMDC4-204	-0.0135653
MCF2L-201	-0.1363477
MLKL-202	0.0371815
NAPRT-201	-0.0015641
NAPRT-203	-0.0019722
NOP53-201	-0.0027888
NRDC-201	0.0188089

NTM-202	-0.0001470
NTM-206	0.0058694
NUP54-201	0.0383425
PDE4DIP-214	0.0201281
PLAGL1-204	-0.0132881
PRSS3-202	0.0060979
RAB3GAP1-203	0.0141703
RB1-201	0.0078102
RBM23-204	-0.0001823
RBP5-201	-0.0221852
SLFN13-205	0.0235015
SNU13-202	0.0015843
SPTBN1-202	0.0052771
SPTBN1-204	-0.0015206
SRRM2-217	-0.0048007
TFDP1-207	-0.0379698
TPRA1-202	-0.0000431
TSC22D1-201	0.0012577
VCL-201	0.0138090
WRB-202	0.0095050

---

Highlighted are isoforms present in final PAAD 7-tr