

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31751 : Rack A

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
1	9	17	25	33	41	49	57	65	73	81	89
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
2	10	18	26	34	42	50	58	66	74	82	90
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
3	11	19	27	35	43	51	59	67	75	83	91
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
4	12	20	28	36	44	52	60	68	76	84	92
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
5	13	21	29	37	45	53	61	69	77	85	93
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
6	14	22	30	38	46	54	62	70	78	86	94
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
7	15	23	31	39	47	55	63	71	79	87	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
8	16	24	32	40	48	56	64	72	80	88	

- | | | | | | |
|----------------|--------------------|----------------|--------------------|----------------|-----------------------------|
| 1 : orflpp-1 | : MESLVPGFNEKTHVQ | 33 : orflpp-33 | : WNTKHSSGVTRELMR | 65 : orflpp-65 | : MKCDHCGETSWQTGD |
| 2 : orflpp-2 | : PGFNEKTHVQLSLPV | 34 : orflpp-34 | : SSGVTRELMRELNGG | 66 : orflpp-66 | : CGETSWQTGDFVKAT |
| 3 : orflpp-3 | : KTHVQLSLPVLQVRD | 35 : orflpp-35 | : RELMRELNGGAYTRY | 67 : orflpp-67 | : WQTGDFVKATCFEFCG |
| 4 : orflpp-4 | : LSLPVLQVRDVLVRG | 36 : orflpp-36 | : ELNGGAYTRYVDNMF | 68 : orflpp-68 | : FVKATCFEFCGTENLT |
| 5 : orflpp-5 | : LQVRDVLVRGFGDSV | 37 : orflpp-37 | : AYTRYVDNNFCGPDG | 69 : orflpp-69 | : CFCGTENLTKEGAT |
| 6 : orflpp-6 | : VLVRGFGDSVEEVLS | 38 : orflpp-38 | : VDNNFCGPDGYPLEC | 70 : orflpp-70 | : TENLTKEGATTCGYL |
| 7 : orflpp-7 | : FGDSEVEVLSEARQH | 39 : orflpp-39 | : CGPDGYPLECIKDLL | 71 : orflpp-71 | : KEGATTCGYLPQNAV |
| 8 : orflpp-8 | : EEVLSEARQHLKDG | 40 : orflpp-40 | : YPLECIKDLLARAGK | 72 : orflpp-72 | : TCGYLPQNAVVKIYC |
| 9 : orflpp-9 | : EARQHLLKDGTCGLVE | 41 : orflpp-41 | : IKDLLARAGKASCTL | 73 : orflpp-73 | : PQNAVVKIYCPACHN |
| 10 : orflpp-10 | : LKDGTCGLVEVEKGV | 42 : orflpp-42 | : ARAGKASCTLSEQLD | 74 : orflpp-74 | : VKIYCPACHNSEVGP |
| 11 : orflpp-11 | : CGLVEVEKGVLPQLE | 43 : orflpp-43 | : ASCTLSEQLDFIDTK | 75 : orflpp-75 | : PACHNSEVGPPEHSLA |
| 12 : orflpp-12 | : VEKGVLPQLEQPYVF | 44 : orflpp-44 | : SEQLDFIDTKRGVYC | 76 : orflpp-76 | : SEVGPPEHSLAEYHNE |
| 13 : orflpp-13 | : LPQLEQPYVFIKRSD | 45 : orflpp-45 | : FIDTKRGVYCCREHE | 77 : orflpp-77 | : EHS LAEYHNESGLKT |
| 14 : orflpp-14 | : QPYVFIKRSDARTAP | 46 : orflpp-46 | : RGVYCCREHEHEIAW | 78 : orflpp-78 | : EYHNESGLKTI LRKG |
| 15 : orflpp-15 | : IKRSDARTAPHGVM | 47 : orflpp-47 | : CREHEHEIAWYTERS | 79 : orflpp-79 | : SGLKTI LRKGGRTIA |
| 16 : orflpp-16 | : ARTAPHGVMVELVA | 48 : orflpp-48 | : HEIAWYTERSEKSYE | 80 : orflpp-80 | : I LRKGGRTIAFGCV |
| 17 : orflpp-17 | : HGHVMVELVAELEGI | 49 : orflpp-49 | : YTERSEKSYELQTPF | 81 : orflpp-81 | : GRTIAFGCVFSYVG |
| 18 : orflpp-18 | : VELVAELEGIQYGRS | 50 : orflpp-50 | : EKSYLELQTPFEIKLA | 82 : orflpp-82 | : FGGCVFSYVGCHNKC |
| 19 : orflpp-19 | : ELEGIQYGRSGETLG | 51 : orflpp-51 | : LQTPFEIKLAKKFD | 83 : orflpp-83 | : FSYVGCHNKCAYWVP |
| 20 : orflpp-20 | : QYGRSGETLGVLPV | 52 : orflpp-52 | : EIKLAKKFDTFNGEC | 84 : orflpp-84 | : CHNKCAYWVPRASAN |
| 21 : orflpp-21 | : GETLGVLPVHVEIIP | 53 : orflpp-53 | : KKFDTFNGECPNFVF | 85 : orflpp-85 | : AYWVPRASANIGCNH |
| 22 : orflpp-22 | : VLVPHVGEIPVAYRK | 54 : orflpp-54 | : FNGECPNFVPLNSI | 86 : orflpp-86 | : RASANIGCNHTGVV |
| 23 : orflpp-23 | : VGEIPVAYRKVLLRK | 55 : orflpp-55 | : PLNFVPLNSIIKTIQ | 87 : orflpp-87 | : IGCNHTGVVGESE |
| 24 : orflpp-24 | : VAYRKVLLRKNNGK | 56 : orflpp-56 | : PLSNIIKTIQPRVEK | 88 : orflpp-88 | : TGVVGESEGLNDNL |
| 25 : orflpp-25 | : VLLRKNNGKAGGHS | 57 : orflpp-57 | : IKTIQPRVEKKLGD | 89 : orflpp-89 | : EGSEGLNDNLLEILQ |
| 26 : orflpp-26 | : NGNKGAGGHSYGADL | 58 : orflpp-58 | : PRVEKKLGDGFMGRI | 90 : orflpp-90 | : LNDNLLEILQKEKVN |
| 27 : orflpp-27 | : AGGHSYGADLKSFDL | 59 : orflpp-59 | : KKLGDGFMGRIRSVYP | 91 : orflpp-91 | : LEILQKEKVNINIVG |
| 28 : orflpp-28 | : YGADLKSFDLGDELG | 60 : orflpp-60 | : FMGRIRSVYPVASEPN | 92 : orflpp-92 | : KEKVNINIVGDFKLN |
| 29 : orflpp-29 | : KSFDLGDELGTDPYE | 61 : orflpp-61 | : RSVYPVASEPNECNQ | 93 : orflpp-93 | : INIVGDFKLN E E I A I |
| 30 : orflpp-30 | : GDELGTDPYEDFQEN | 62 : orflpp-62 | : VASEPNECNQMCLSTL | 94 : orflpp-94 | : DFKLN E E I A I I L A S F |
| 31 : orflpp-31 | : TDPYEDFQENWNTKH | 63 : orflpp-63 | : ECNQMCLSTLMKCDH | | |
| 32 : orflpp-32 | : DFQENWNTKHSSGVT | 64 : orflpp-64 | : CLSTLMKCDHCGETS | | |

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31751 : Rack B

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
95	103	111	119	127	135	143	151	159	167	175	183
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
96	104	112	120	128	136	144	152	160	168	176	184
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
97	105	113	121	129	137	145	153	161	169	177	185
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
98	106	114	122	130	138	146	154	162	170	178	186
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
99	107	115	123	131	139	147	155	163	171	179	187
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
100	108	116	124	132	140	148	156	164	172	180	188
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
101	109	117	125	133	141	149	157	165	173	181	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
102	110	118	126	134	142	150	158	166	174	182	

95 : orflpp-95 : EEIAILASFSASTS 127 : orflpp-127 : LEEKFKEGVEFLRDG 159 : orflpp-159 : LEIKDTEKYCALAPN
 96 : orflpp-96 : ILASFSASTSAFVET 128 : orflpp-128 : KEGVEFLRDGWEIVK 160 : orflpp-160 : TEKYCALAPNMMVNTN
 97 : orflpp-97 : SASTSAFVETVKGLD 129 : orflpp-129 : FLRDGWEIVKFISTC 161 : orflpp-161 : ALAPNMMVNTNFTL
 98 : orflpp-98 : AFVETVKGLDYKAFK 130 : orflpp-130 : WEIVKFISTCACEIV 162 : orflpp-162 : MMVNTNFTLKGKAP
 99 : orflpp-99 : VKGLDYKAFKQIVES 131 : orflpp-131 : FISTCACEIVGGQIV 163 : orflpp-163 : NFTLKGKAPTKVTF
 100 : orflpp-100 : YKAFKQIVESCNGFK 132 : orflpp-132 : ACEIVGGQIVTCAKE 164 : orflpp-164 : KGGAPTQVTFGDDTV
 101 : orflpp-101 : QIVESCNGFKVTKGK 133 : orflpp-133 : GGQIVTCAKEIKESV 165 : orflpp-165 : TKVTFGDDTVIEVQG
 102 : orflpp-102 : CGNFKVTKGKAKKGA 134 : orflpp-134 : TCAKEIKESVQTFK 166 : orflpp-166 : GDDTVIEVQGYKSVN
 103 : orflpp-103 : VTGKAKKGAWNIGE 135 : orflpp-135 : IKESVQTFKLVNKF 167 : orflpp-167 : IEVQGYKSVNITFEL
 104 : orflpp-104 : AKKGAWNIGEQKSIL 136 : orflpp-136 : QTFKLVNKFALCA 168 : orflpp-168 : YKSVNITFELDERID
 105 : orflpp-105 : WNIGEQKSILSPLYA 137 : orflpp-137 : LVNKFALCADIIS 169 : orflpp-169 : ITFELDERIDKVLNE
 106 : orflpp-106 : QKSILSPLYAFASEA 138 : orflpp-138 : LALCADIISIGAKL 170 : orflpp-170 : DERIDKVLNEKCSAY
 107 : orflpp-107 : SPLYAFASEAARVVR 139 : orflpp-139 : DSIIIGAKLKALNL 171 : orflpp-171 : KVLNEKCSAYTVELG
 108 : orflpp-108 : FASEAARVRSIFSR 140 : orflpp-140 : GGAKLKALNLGETFV 172 : orflpp-172 : KCSAYTVELGTEVNE
 109 : orflpp-109 : ARVRSIFSRILETA 141 : orflpp-141 : KALNLGETFVTHSKG 173 : orflpp-173 : TVELGTEVNEFACVV
 110 : orflpp-110 : SIFSRILETAQNSVR 142 : orflpp-142 : GETFVTHSKGLYRKC 174 : orflpp-174 : TEVNEFACVVADAVI
 111 : orflpp-111 : TLETAQNSVRVLQKA 143 : orflpp-143 : THSKGLYRKCVSRE 175 : orflpp-175 : FACVVADAVIKTLQP
 112 : orflpp-112 : QNSVRVLQKAAITIL 144 : orflpp-144 : LYRKCVSREETGLL 176 : orflpp-176 : ADAVIKTLQPVSELL
 113 : orflpp-113 : VLQKAAITILDGISQ 145 : orflpp-145 : VKSREETGLLMLPKA 177 : orflpp-177 : KTLQPVSELLTPLGI
 114 : orflpp-114 : AITILDGISQYSLRL 146 : orflpp-146 : ETGLLMLPKAPKEII 178 : orflpp-178 : VSELLTPLGIDLDEW
 115 : orflpp-115 : DGISQYSLRLIDAMM 147 : orflpp-147 : MPLKAPKEIIFLEGE 179 : orflpp-179 : TPLGIDLDEWSMATY
 116 : orflpp-116 : YSLRLIDAMMFTSDL 148 : orflpp-148 : PKEIIFLEGETLPT 180 : orflpp-180 : DLDEWSMATYFLFDE
 117 : orflpp-117 : IDAMMFTSDLATNVL 149 : orflpp-149 : FLEGETLPTTEVLT 181 : orflpp-181 : SMATYFLFDESGEFK
 118 : orflpp-118 : FTSDLATNVLVMAY 150 : orflpp-150 : TLPTTEVLTTEVVLK 182 : orflpp-182 : YLFDESGEFKLASHM
 119 : orflpp-119 : ATNVLVMAYITGGV 151 : orflpp-151 : VLTEEVVLKTDGLQP 183 : orflpp-183 : SGFELASHMYCSFY
 120 : orflpp-120 : VVMAYITGGVVQLTS 152 : orflpp-152 : VVLKTDGLQPLEQPT 184 : orflpp-184 : LASHMYCSFYPPDED
 121 : orflpp-121 : ITGGVVQLTSQWLTN 153 : orflpp-153 : GDLQPLEQPTSEAVE 185 : orflpp-185 : YCSFYPPDEDEEEGD
 122 : orflpp-122 : VQLTSQWLTNIFGTV 154 : orflpp-154 : LEQPTSEAVEAPLVG 186 : orflpp-186 : PPDEDEEEGDCEEEE
 123 : orflpp-123 : QWLTNIFGTVYEKLL 155 : orflpp-155 : SEAVEAPLVGTPVCI 187 : orflpp-187 : EEEGDCEEEEFEPST
 124 : orflpp-124 : IFGTVYEKLLPVLWD 156 : orflpp-156 : APLVGT PVCINGLML 188 : orflpp-188 : CEEEFEPSTQYIEYG
 125 : orflpp-125 : YEKLLPVLWDLEEK 157 : orflpp-157 : TPVCINGLMLLEIKD
 126 : orflpp-126 : PVLWDLEEKFKEGVE 158 : orflpp-158 : NGLMLLEIKDTEKYC

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31751 : Rack C

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
189	197	205	213	221	229	237	245	253	261	269	277
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
190	198	206	214	222	230	238	246	254	262	270	278
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
191	199	207	215	223	231	239	247	255	263	271	279
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
192	200	208	216	224	232	240	248	256	264	272	280
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
193	201	209	217	225	233	241	249	257	265	273	281
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
194	202	210	218	226	234	242	250	258	266	274	282
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
195	203	211	219	227	235	243	251	259	267	275	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
196	204	212	220	228	236	244	252	260	268	276	

189 : orflpp-189 : FEPSTQYEGTEDDY 221 : orflpp-221 : GSCVLSGHNLAHKHCL 253 : orflpp-253 : GNLHPDSATLVSDDID
 190 : orflpp-190 : QYEGTEDDYQGKPL 222 : orflpp-222 : SGHNLAHKHCLHVVG 254 : orflpp-254 : DSATLVSDDIDITFLK
 191 : orflpp-191 : TEDDYQGKPLEFGAT 223 : orflpp-223 : AKHCLHVVGPNVNGK 255 : orflpp-255 : VSDIDITFLKKDAPY
 192 : orflpp-192 : QGKPLEFGATSAAQ 224 : orflpp-224 : HVVGPNVNGGEDIQL 256 : orflpp-256 : ITFLKKDAPYIVGDV
 193 : orflpp-193 : EFGATSAAQPEEEQ 225 : orflpp-225 : NVNKGEDIQLKSAY 257 : orflpp-257 : KDAPYIVGDVVQEGV
 194 : orflpp-194 : SAALQPEEEQEEDWL 226 : orflpp-226 : EDIQLLKSAYENFNQ 258 : orflpp-258 : IVGDVVQEGVLTAVV
 195 : orflpp-195 : PEEQEEDWLDDDSQ 227 : orflpp-227 : LKSAYENFNQHEVLL 259 : orflpp-259 : VQEGVLTAVVIPTKK
 196 : orflpp-196 : EEDWLDDDSQTVGQ 228 : orflpp-228 : ENFNQHEVLLAPLLS 260 : orflpp-260 : LTAVVIPTKKAGGTT
 197 : orflpp-197 : DDDSQTVGQDQDSE 229 : orflpp-229 : HEVLLAPLLSAGIFG 261 : orflpp-261 : IPTKKAGGTTMLAK
 198 : orflpp-198 : QTVGQDQDSEDNQTT 230 : orflpp-230 : APLLSAGIFGADPIH 262 : orflpp-262 : AGGTTMLAKALRKY
 199 : orflpp-199 : QDGEDNQTTTIQTI 231 : orflpp-231 : AGIFGADPIHSLRVC 263 : orflpp-263 : EMLAKALRKYPTDNY
 200 : orflpp-200 : DNQTTTIQTIIVEVQP 232 : orflpp-232 : ADPIHSLRVCVDTVR 264 : orflpp-264 : ALRKYPTDNYITTY
 201 : orflpp-201 : TIQTIIVEVQPQLEME 233 : orflpp-233 : SLRVCVDTVRTNVYL 265 : orflpp-265 : PTDNYITTYPGQGLN
 202 : orflpp-202 : VEVQPQLEMEVTPV 234 : orflpp-234 : VDTVRTNVYLAVDFK 266 : orflpp-266 : ITTYPGQGLNGYTV
 203 : orflpp-203 : QLEMEVTPVQTIIEV 235 : orflpp-235 : TNVYLAVDFKNLYDK 267 : orflpp-267 : GQGLNGYTVVEAKTV
 204 : orflpp-204 : LTPVVQTIIEVNSFSG 236 : orflpp-236 : AVDFKNLYDKLVSSF 268 : orflpp-268 : GYTVVEAKTVLKKCK
 205 : orflpp-205 : QTIEVNSFSGYLKLT 237 : orflpp-237 : NLYDKLVSSFLEMKS 269 : orflpp-269 : EAKTVLKKCKSAFYI
 206 : orflpp-206 : NSFSGYLKLTNDVYI 238 : orflpp-238 : LVSSFLEMKSEKQVE 270 : orflpp-270 : LKKCKSAFYILPSII
 207 : orflpp-207 : YLKLTDNVYIKNADI 239 : orflpp-239 : LEMKSEKQVEQKIAE 271 : orflpp-271 : SAFYILPSIISNEKQ
 208 : orflpp-208 : DNVYIKNADIVEEAK 240 : orflpp-240 : EKQVEQKIAEIPKEE 272 : orflpp-272 : LPSIISNEKQEIILGT
 209 : orflpp-209 : KNADIVEEAKVKVPT 241 : orflpp-241 : QKIAEIPKEEVKPF 273 : orflpp-273 : SNEKQEIILGTVSWNL
 210 : orflpp-210 : VEEAKVKVPTVVVNA 242 : orflpp-242 : IPKEEVKPFITESKP 274 : orflpp-274 : EIILGTVSWNLREMLA
 211 : orflpp-211 : KVKPTVVVNAANVYL 243 : orflpp-243 : VKPFITESKPSVEQR 275 : orflpp-275 : VSWNLREMLAHAET
 212 : orflpp-212 : VVVNAANVYLKHGGG 244 : orflpp-244 : TESKPSVEQRKQDDK 276 : orflpp-276 : REMLAHAETRKLMP
 213 : orflpp-213 : ANVYLKHGGGVAGAL 245 : orflpp-245 : SVEQRKQDDKKIKAC 277 : orflpp-277 : HAETRKLMPVCVET
 214 : orflpp-214 : KHGGGVAGALNKATN 246 : orflpp-246 : KQDDKKIKACVEEVT 278 : orflpp-278 : RKLMPVCVETKAIVS
 215 : orflpp-215 : VAGALNKATNNAMQV 247 : orflpp-247 : KIKACVEEVTTTLEE 279 : orflpp-279 : VCVETKAIVSTIQRK
 216 : orflpp-216 : NKATNNAMQVESDDY 248 : orflpp-248 : VEEVTTTLEETKFLT 280 : orflpp-280 : KAIVSTIQRKYKGIK
 217 : orflpp-217 : NAMQVESDDYIATNG 249 : orflpp-249 : TTLEETKFLTENLLL 281 : orflpp-281 : TIQRKYKGIKIQEGV
 218 : orflpp-218 : ESDDYIATNGPLKVG 250 : orflpp-250 : TKFLTENLLLYIDIN 282 : orflpp-282 : YKGIKIQEGVVDYGA
 219 : orflpp-219 : IATNGPLKVGSGCVL 251 : orflpp-251 : ENLLYIDINGNLHP
 220 : orflpp-220 : PLKVGSGCVLSGHN 252 : orflpp-252 : YIDINGNLHPDSATL

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31751 : Rack D

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
283	291	299	307	315	323	331	339	347	355	363	371
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
284	292	300	308	316	324	332	340	348	356	364	372
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
285	293	301	309	317	325	333	341	349	357	365	373
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
286	294	302	310	318	326	334	342	350	358	366	374
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
287	295	303	311	319	327	335	343	351	359	367	375
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
288	296	304	312	320	328	336	344	352	360	368	376
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
289	297	305	313	321	329	337	345	353	361	369	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
290	298	306	314	322	330	338	346	354	362	370	

283 : orflpp-283 : IQEGVVDYGARFYFY 315 : orflpp-315 : FTTVDNINLHTQVVD 347 : orflpp-347 : TMSYLFQHANLDSCK
 284 : orflpp-284 : VDYGARFYFYTSKTT 316 : orflpp-316 : NINLHTQVVDMSMTY 348 : orflpp-348 : FQHANLDSCKRVLNV
 285 : orflpp-285 : RFYFYTSKTTVASLI 317 : orflpp-317 : TQVVDMSMTYQQQFG 349 : orflpp-349 : LDCKRVLNVVCKTC
 286 : orflpp-286 : TSKTTVASLINTLND 318 : orflpp-318 : MSMTYQQQFGPTYLD 350 : orflpp-350 : RVLNVVCKTCGQQQT
 287 : orflpp-287 : VASLINTLNDLNETL 319 : orflpp-319 : GQQFGPTYLDGADV 351 : orflpp-351 : VCKTCGQQQTTLKGV
 288 : orflpp-288 : NTLNDLNETLVTMPL 320 : orflpp-320 : PTYLDGADVTKIKPH 352 : orflpp-352 : GQQQTTLKGVEAVMY
 289 : orflpp-289 : LNETLVTMPLGYVTH 321 : orflpp-321 : GADVTKIKPHNSHEG 353 : orflpp-353 : TLKGVEAVMYMGTLS
 290 : orflpp-290 : VTMPGLYVTHGLNLE 322 : orflpp-322 : NIKPHNSHEGKTFYV 354 : orflpp-354 : EAVMYMGTLSYEQFK
 291 : orflpp-291 : GYVTHGLNLEEAARY 323 : orflpp-323 : NSHEGKTFYVLPND 355 : orflpp-355 : MGTLSYEQFKKGVQI
 292 : orflpp-292 : GLNLEEAARYMRSK 324 : orflpp-324 : KTFYVLPNDTLRVE 356 : orflpp-356 : YEQFKKGVQIPCTCG
 293 : orflpp-293 : EAARYMRSKVPATV 325 : orflpp-325 : LPNDTLRVEAFEY 357 : orflpp-357 : KGVQIPCTCGKQATK
 294 : orflpp-294 : MRSKVPATVSVSSP 326 : orflpp-326 : TLRVEAFEYHTTDP 358 : orflpp-358 : PCTCGKQATKYLVQQ
 295 : orflpp-295 : VPATVSVSPDAVTA 327 : orflpp-327 : AFEYHTTDPDFLGR 359 : orflpp-359 : KQATKYLVQQESPFV
 296 : orflpp-296 : SVSPDAVTAYNGYL 328 : orflpp-328 : HTTDPDFLGRYSAL 360 : orflpp-360 : YLVQQESPFVMMASAP
 297 : orflpp-297 : DAVTAYNGYLTSSSK 329 : orflpp-329 : SFLGRYSALNHTTK 361 : orflpp-361 : ESPFVMMASAPPAQE
 298 : orflpp-298 : YNGYLTSSSKTPEEH 330 : orflpp-330 : YMSALNHTTKWKYPQ 362 : orflpp-362 : MMSAPPAQELKHGT
 299 : orflpp-299 : TSSSKTPEEHFIETI 331 : orflpp-331 : NHTKKWKYPQVNGLT 363 : orflpp-363 : PAQYELKHGTFTCAS
 300 : orflpp-300 : TPEEHFIETISLAGS 332 : orflpp-332 : WKYPQVNGLTSIKWA 364 : orflpp-364 : LKHGTFTCASEYTG
 301 : orflpp-301 : FIETISLAGSYKDWS 333 : orflpp-333 : VNGLTSIKWADNNCY 365 : orflpp-365 : FTCASEYTGNYQCGH
 302 : orflpp-302 : SLAGSYKDWYSYGQS 334 : orflpp-334 : SIKWADNNCYLATAL 366 : orflpp-366 : EYTGNYQCGHYKHIT
 303 : orflpp-303 : YKDWYSYGQSTQLGI 335 : orflpp-335 : DNNCYLATALTLQ 367 : orflpp-367 : YQCGHYKHITSKETL
 304 : orflpp-304 : YSQGSTQLGIEFLKR 336 : orflpp-336 : LATALTLQQLIELKF 368 : orflpp-368 : YKHITSKETLYCIDG
 305 : orflpp-305 : TQLGIEFLKRGDKSV 337 : orflpp-337 : LTLQQLIELKFNPAL 369 : orflpp-369 : SKETLYCIDGALLTK
 306 : orflpp-306 : EFLKRGDKSVYYTSN 338 : orflpp-338 : IELKFNPALQDAY 370 : orflpp-370 : YCIDGALLTKSSEYK
 307 : orflpp-307 : GDKSVYYTSNPTTFH 339 : orflpp-339 : NPPALQDAYYRARAG 371 : orflpp-371 : ALLTKSSEYKGPITD
 308 : orflpp-308 : YYTSNPTTFHLDGEV 340 : orflpp-340 : QDAYYRARAGEAANF 372 : orflpp-372 : SSEYKGPITDVFYKE
 309 : orflpp-309 : PTFHLDGEVITFDN 341 : orflpp-341 : RARAGEAANFCALIL 373 : orflpp-373 : GPITDVFYKENSYTT
 310 : orflpp-310 : LDGEVITFDNLKTL 342 : orflpp-342 : EAANFCALILAYCNK 374 : orflpp-374 : VFYKENSYTTTIKPV
 311 : orflpp-311 : ITFDNLKTLTLLSREV 343 : orflpp-343 : CALILAYCNKTVGEL 375 : orflpp-375 : NSYTTTIKPVTYKLD
 312 : orflpp-312 : LKTLTLLSREVRTIKV 344 : orflpp-344 : AYCNCNKTGELGDV 376 : orflpp-376 : TIKPVTYKLDGCVCT
 313 : orflpp-313 : SLREVRTIKVFTTVD 345 : orflpp-345 : TVGELGDVRETMSYL
 314 : orflpp-314 : RTIKVFTTVDNINLH 346 : orflpp-346 : GDVRETMSYLFQHAN

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31751 : Rack E

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
377	385	393	401	409	417	425	433	441	449	457	465
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
378	386	394	402	410	418	426	434	442	450	458	466
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
379	387	395	403	411	419	427	435	443	451	459	467
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
380	388	396	404	412	420	428	436	444	452	460	468
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
381	389	397	405	413	421	429	437	445	453	461	469
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
382	390	398	406	414	422	430	438	446	454	462	470
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
383	391	399	407	415	423	431	439	447	455	463	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
384	392	400	408	416	424	432	440	448	456	464	

377 : orflpp-377 : TYKLDGVVCTEIDPK 409 : orflpp-409 : CEDLKPVSEEVVENP 441 : orflpp-441 : NTVKSVGKFCLEASF
 378 : orflpp-378 : GVVCTEIDPKLDNYY 410 : orflpp-410 : PVSEEVVENPTIQKD 442 : orflpp-442 : VGKFCLEASFNYLKS
 379 : orflpp-379 : EIDPKLDNYYKKDNS 411 : orflpp-411 : VVENPTIQKDVLECN 443 : orflpp-443 : LEASFNYLKS PNFSK
 380 : orflpp-380 : LDNYYKKDNSYFTEQ 412 : orflpp-412 : TIQKDVLECNVKTTE 444 : orflpp-444 : NYLKS PNFSKLINII
 381 : orflpp-381 : KKDNSYFTEQPIDLV 413 : orflpp-413 : VLECNVKTTEVVGDI 445 : orflpp-445 : PNFSKLINIIWFL
 382 : orflpp-382 : YFTEQPIDLVNPQPY 414 : orflpp-414 : VKTTEVVGDIILKPA 446 : orflpp-446 : LINIIWFLLLSVCL
 383 : orflpp-383 : PIDLVNPQYPNASF 415 : orflpp-415 : VVGDIILKPANNSLK 447 : orflpp-447 : IWFLLLSVCLGSLIY
 384 : orflpp-384 : PNQYPNASFDNFKF 416 : orflpp-416 : ILKPANNSLKITEEV 448 : orflpp-448 : LSVCLGSLIYSTAAL
 385 : orflpp-385 : PNASFDNFKFVCDNI 417 : orflpp-417 : NNSLKITEEVGHDTL 449 : orflpp-449 : GSLIYSTAALGVLMS
 386 : orflpp-386 : DNFKFVCDNIKFADD 418 : orflpp-418 : ITEEVGHTDLMAAYV 450 : orflpp-450 : STAALGVLMSNLGMP
 387 : orflpp-387 : VCDNIKFADDLNQLT 419 : orflpp-419 : GHTDLMAAYVDNSSL 451 : orflpp-451 : GVLMSNLGMP SYCTG
 388 : orflpp-388 : KFADDLNQLTGYYKK 420 : orflpp-420 : MAAYVDNSSLTIKKP 452 : orflpp-452 : NLGMP SYCTGYREGY
 389 : orflpp-389 : LNQLTGYYKPPASREL 421 : orflpp-421 : DNSSLTIKKPNELSR 453 : orflpp-453 : SYCTGYREGYLNSTN
 390 : orflpp-390 : GYKPPASRELKVTFF 422 : orflpp-422 : TIKKPNELSRVLGLK 454 : orflpp-454 : YREGYLNSTNVTIAT
 391 : orflpp-391 : ASRELKVTFFPDLNG 423 : orflpp-423 : NELSRVLGLKTLATH 455 : orflpp-455 : LNSTNVTIATYCTGS
 392 : orflpp-392 : KVTFFPDLNGDVVAI 424 : orflpp-424 : VLGLKTLATHGLAAV 456 : orflpp-456 : VTIATYCTGSIPCSV
 393 : orflpp-393 : PDLNGDVVAIDYKHY 425 : orflpp-425 : TLATHGLAAVNSVPW 457 : orflpp-457 : YCTGSIPCSVCLSGL
 394 : orflpp-394 : DVVAIDYKHYTPSFK 426 : orflpp-426 : GLAAVNSVPWDTIAN 458 : orflpp-458 : IPCSVCLSGLDSLDT
 395 : orflpp-395 : DYKHYTPSFKKGAKL 427 : orflpp-427 : NSVPWDTIANYAKPF 459 : orflpp-459 : CLSGLDSLDTYPSLE
 396 : orflpp-396 : TPSFKKGAKLLHKPI 428 : orflpp-428 : DTIANYAKPFLNKVV 460 : orflpp-460 : DSLDTYPSLETIQIT
 397 : orflpp-397 : KGAKLLHKPIVWHVN 429 : orflpp-429 : YAKPFLNKVVSTTTN 461 : orflpp-461 : YPSLETIQITISSFK
 398 : orflpp-398 : LHKPIVWHVNNATNK 430 : orflpp-430 : LNKVVSTTTNIVTRC 462 : orflpp-462 : TIQITISSFKWDLTA
 399 : orflpp-399 : VWHVNNATNKATYKP 431 : orflpp-431 : STTTNIVTRCLNRVC 463 : orflpp-463 : ISSFKWDLTAFGLVA
 400 : orflpp-400 : NATNKATYKNTWCI 432 : orflpp-432 : IVTRCLNRVCNLYMP 464 : orflpp-464 : WDLTAFGLVAEWFLE
 401 : orflpp-401 : ATYKNTWCI RCLWS 433 : orflpp-433 : LNRVCTNLYMPYFFTL 465 : orflpp-465 : FGLVAEWFLEYILFT
 402 : orflpp-402 : NTWCI RCLWSTKPVE 434 : orflpp-434 : TNYMPYFFTL LLLQLC 466 : orflpp-466 : EWFLEYILFTRFFYV
 403 : orflpp-403 : RCLWSTKPVETSNSF 435 : orflpp-435 : YFFTL LLLQLCTFTRS 467 : orflpp-467 : YILFTRFFYV LGLAA
 404 : orflpp-404 : TKPVETSNSFDVLKS 436 : orflpp-436 : LLQLCTFTRSTNSRI 468 : orflpp-468 : RFFYV LGLAAIMQLF
 405 : orflpp-405 : TSNSFDVLKSEDAQG 437 : orflpp-437 : FTTRSTNSRIKASMP 469 : orflpp-469 : LGLAAIMQLFFSYFA
 406 : orflpp-406 : DVLKSEDAQGMNDLA 438 : orflpp-438 : TNSRIKASMP TTIAK 470 : orflpp-470 : IMQLFFSYFAVHFIS
 407 : orflpp-407 : EDAQGMNDLACEDLK 439 : orflpp-439 : KASMP TTIAKNTVKS
 408 : orflpp-408 : MDNLACEDLKPVSEE 440 : orflpp-440 : TTIAKNTVKS VGKFC

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31751 : Rack F

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
471	479	487	495	503	511	519	527	535	543	551	559
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
472	480	488	496	504	512	520	528	536	544	552	560
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
473	481	489	497	505	513	521	529	537	545	553	561
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
474	482	490	498	506	514	522	530	538	546	554	562
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
475	483	491	499	507	515	523	531	539	547	555	563
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
476	484	492	500	508	516	524	532	540	548	556	564
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
477	485	493	501	509	517	525	533	541	549	557	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
478	486	494	502	510	518	526	534	542	550	558	

471 : orflpp-471 : FSYFAVHFISNSWLM 503 : orflpp-503 : KTYERHSLSHFVNLD 535 : orflpp-535 : NNYMLTYNKVENMTP
 472 : orflpp-472 : VHFISNSWLMWLIIN 504 : orflpp-504 : HSLSHFVNLDNLRAN 536 : orflpp-536 : TYNKVENMTPRDLGA
 473 : orflpp-473 : NSWLMWLIINLVQMA 505 : orflpp-505 : FVNLDNLRANNTKGS 537 : orflpp-537 : ENMTPRDLGACIDCS
 474 : orflpp-474 : WLIINLVQMAPISAM 506 : orflpp-506 : NLRANNTKGS LPI NV 538 : orflpp-538 : RDLGACIDCSARHIN
 475 : orflpp-475 : LVQMAPISAMVRMYI 507 : orflpp-507 : NTKGSLPINVIVFDG 539 : orflpp-539 : CIDCSARHINAQVAK
 476 : orflpp-476 : PISAMVRMYIFFASF 508 : orflpp-508 : LPINVIVFDGKSKCE 540 : orflpp-540 : ARHINAQVAKSHNIA
 477 : orflpp-477 : VRMYIFFASFYVVK 509 : orflpp-509 : IVFDGKSKCEESSAK 541 : orflpp-541 : AQVAKSHNIALIWNV
 478 : orflpp-478 : FFASFYVVKSYVHV 510 : orflpp-510 : KSKCEESSAKSASVY 542 : orflpp-542 : SHNIALIWNVKDFMS
 479 : orflpp-479 : YYVWKS YVHVVDGCN 511 : orflpp-511 : ESSAKSASVYYSQLM 543 : orflpp-543 : LIWNVKDFMSLSEQL
 480 : orflpp-480 : SYVHVVDGCNSSTCM 512 : orflpp-512 : SASVYYSQLMCQPIL 544 : orflpp-544 : KDFMSLSEQLRKQIR
 481 : orflpp-481 : VDGCSSTCMMCYKR 513 : orflpp-513 : YSQLMCQPILLDQA 545 : orflpp-545 : LSEQLRKQIRSAAKK
 482 : orflpp-482 : SSTCMMCYKRNRATR 514 : orflpp-514 : CQPILLDQALVSDV 546 : orflpp-546 : RKQIRSAAKKNNLFP
 483 : orflpp-483 : MCYKRNRATRVECTT 515 : orflpp-515 : LLDQALVSDVGDSDAE 547 : orflpp-547 : SAAKNNLFPKLTCA
 484 : orflpp-484 : NRATRVECTTIVNGV 516 : orflpp-516 : LVSDVGDSDAEVAVKM 548 : orflpp-548 : NNLFPKLTCAATTRQV
 485 : orflpp-485 : VECTTIVNGVRRSFY 517 : orflpp-517 : GDSAEVAVKMFDAYV 549 : orflpp-549 : KLTCATTRQVVNVVIT
 486 : orflpp-486 : IVNGVRRSFYVYANG 518 : orflpp-518 : VAVKMFDAYVNTFSS 550 : orflpp-550 : TTRQVVNVVTTKIAL
 487 : orflpp-487 : RRSFYVYANGGKGF 519 : orflpp-519 : FDAYVNTFSSTFNVP 551 : orflpp-551 : VNVVTTKIALKGGKI
 488 : orflpp-488 : VYANGGKGFCKLHNW 520 : orflpp-520 : NTFSSTFNVPMEK 552 : orflpp-552 : TKIALKGGKIVNNWL
 489 : orflpp-489 : GKGFKLHNWNCVNC 521 : orflpp-521 : TFNVPMEKLTLVAT 553 : orflpp-553 : KGGKIVNNWLKQLIK
 490 : orflpp-490 : KLHNWNCVNCDFCA 522 : orflpp-522 : MEKLTLVATAEAE 554 : orflpp-554 : VNNWLKQLIKVTLVF
 491 : orflpp-491 : NCVNCDFCAGSTFI 523 : orflpp-523 : TLVATAEAE LAKNV 555 : orflpp-555 : KQLIKVTLVFLVAA
 492 : orflpp-492 : DTFCAGSTFISDEVA 524 : orflpp-524 : AEAELAKNVSLDN 556 : orflpp-556 : VTLVFLVAAIFLYLI
 493 : orflpp-493 : GSTFISDEVALDLSL 525 : orflpp-525 : AKNVSLDNVSLTF 557 : orflpp-557 : LFVAAIFYLITPVHV
 494 : orflpp-494 : SDEVARDLSLQFKRP 526 : orflpp-526 : LDNVSLTFISARQ 558 : orflpp-558 : IFYLITPVHVMSKHT
 495 : orflpp-495 : RDLSLQFKRPINPTD 527 : orflpp-527 : STFISARQGFVDS 559 : orflpp-559 : TPVHVMSKHTDFSSE
 496 : orflpp-496 : QFKRPINPTDQSSYI 528 : orflpp-528 : AARQGFVDSVETKD 560 : orflpp-560 : MSKHTDFSSEIIGYK
 497 : orflpp-497 : INPTDQSSYIVDSVT 529 : orflpp-529 : FVDSVETKDVVECL 561 : orflpp-561 : DFSSEIIGYKAIDGG
 498 : orflpp-498 : QSSYIVDSVTVKNGS 530 : orflpp-530 : VETKDVVECLKLSHQ 562 : orflpp-562 : IIGYKAIDGGVTRDI
 499 : orflpp-499 : VDSVTVKNGSIHLYF 531 : orflpp-531 : VVECLKLSHQSDIEV 563 : orflpp-563 : AIDGGVTRDIASDT
 500 : orflpp-500 : VKNGSIHLYFDKAGQ 532 : orflpp-532 : KLSHQSDIEVTGDSC 564 : orflpp-564 : VTRDIASDTCTCFANK
 501 : orflpp-501 : IHLYFDKAGQKTYER 533 : orflpp-533 : SDIEVTGDSCNNYML
 502 : orflpp-502 : DKAGQKTYERHSLSH 534 : orflpp-534 : TGDSCNNYMLTYNKV

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31752 : Rack A

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
1	9	17	25	33	41	49	57	65	73	81	89
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
2	10	18	26	34	42	50	58	66	74	82	90
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
3	11	19	27	35	43	51	59	67	75	83	91
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
4	12	20	28	36	44	52	60	68	76	84	92
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
5	13	21	29	37	45	53	61	69	77	85	93
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
6	14	22	30	38	46	54	62	70	78	86	94
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
7	15	23	31	39	47	55	63	71	79	87	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
8	16	24	32	40	48	56	64	72	80	88	

- | | | | | | |
|-----------------|--------------------|-----------------|-------------------|-----------------|--------------------|
| 1 : orflpp-565 | : ASTDTCFANKHADFD | 33 : orflpp-597 | : SEYCRHGTCESEAG | 65 : orflpp-629 | : TIAYIICISTKHFYW |
| 2 : orflpp-566 | : CFANKHADFDTWFSQ | 34 : orflpp-598 | : HGTCERSEAGVCVST | 66 : orflpp-630 | : ICISTKHFYWFFSNY |
| 3 : orflpp-567 | : HADFDTWFSQRGGSY | 35 : orflpp-599 | : RSEAGVCVSTSGRWV | 67 : orflpp-631 | : KHFYWFFSNYLKRRV |
| 4 : orflpp-568 | : TWFSQRGGSYTNDKA | 36 : orflpp-600 | : VCVSTSGRWVLNNDY | 68 : orflpp-632 | : FFSNYLKRRVVFNGV |
| 5 : orflpp-569 | : RGGSYTNDKACPLIA | 37 : orflpp-601 | : SGRWVLNNDYRSLP | 69 : orflpp-633 | : LKRRVVFNGVSFSTF |
| 6 : orflpp-570 | : TNDKACPLIAAVITR | 38 : orflpp-602 | : LNNDYRSLPGVFCG | 70 : orflpp-634 | : VFNGVSFSTFEEAAL |
| 7 : orflpp-571 | : CPLIAAVITREVGTV | 39 : orflpp-603 | : YRSLPGVFCGVDAVN | 71 : orflpp-635 | : SFSTFEEAALCTFLL |
| 8 : orflpp-572 | : AVITREVGTVVPLGL | 40 : orflpp-604 | : GVFCGVDAVNLLTNM | 72 : orflpp-636 | : EEALCTFLLNKEMY |
| 9 : orflpp-573 | : EVGVVPLGLPGTILR | 41 : orflpp-605 | : VDAVNLLTNMFTPLI | 73 : orflpp-637 | : CTFLLNKEMYLKLRS |
| 10 : orflpp-574 | : VPLGLPGTILRTTNGD | 42 : orflpp-606 | : LLTNMFTPLIQPIGA | 74 : orflpp-638 | : NKEMYLKLRSVDVLLP |
| 11 : orflpp-575 | : GTILRTTNGDFLHFL | 43 : orflpp-607 | : FTPLIQPIGALDISA | 75 : orflpp-639 | : LKLRSVDVLLPLTQYN |
| 12 : orflpp-576 | : TTNGDFLHFLPRVFS | 44 : orflpp-608 | : QPIGALDISASIVAG | 76 : orflpp-640 | : DVLLPLTQYNRYLAL |
| 13 : orflpp-577 | : FLHFLPRVFSAVGNI | 45 : orflpp-609 | : LDISASIVAGGIVAI | 77 : orflpp-641 | : LTQYNRYLALYNKYK |
| 14 : orflpp-578 | : PRVFSAVGNICYTPS | 46 : orflpp-610 | : SIVAGGIVAVVTCL | 78 : orflpp-642 | : RYLALYNKYKYFSGA |
| 15 : orflpp-579 | : AVGNICYTPSKLIEY | 47 : orflpp-611 | : GIVAVVTCLAYYFM | 79 : orflpp-643 | : YNKYKYFSGAMDSTS |
| 16 : orflpp-580 | : CYTPSKLIEYDFAT | 48 : orflpp-612 | : VVTCLAYYFMRFRRA | 80 : orflpp-644 | : YFSGAMDSTSYREAA |
| 17 : orflpp-581 | : KLIEYDFATSACVL | 49 : orflpp-613 | : AYYFMRFRRAFGEYS | 81 : orflpp-645 | : MDTTSYREAACCHLA |
| 18 : orflpp-582 | : TDFATSACVLAAECT | 50 : orflpp-614 | : RFRRAFGEYSHVVA | 82 : orflpp-646 | : YREAACCHLAKALND |
| 19 : orflpp-583 | : SACVLAAECTIFKDA | 51 : orflpp-615 | : FGEYSHVVAFNTLLF | 83 : orflpp-647 | : CCHLAKALNDFSNSG |
| 20 : orflpp-584 | : AAECTIFKDASGKPV | 52 : orflpp-616 | : HVVAFNTLLFLMSFT | 84 : orflpp-648 | : KALNDFSNSGSDVLY |
| 21 : orflpp-585 | : IFKDASGKPVPCYD | 53 : orflpp-617 | : NTLLFLMSFTVLCLT | 85 : orflpp-649 | : FNSGSDVLYQPPQT |
| 22 : orflpp-586 | : SGKPVPCYDNTVLE | 54 : orflpp-618 | : LMSFTVLCLTPVYSF | 86 : orflpp-650 | : SDVLYQPPQTSITSA |
| 23 : orflpp-587 | : PCYDNTVLEGSVAY | 55 : orflpp-619 | : VLCLTPVYSFLPGVY | 87 : orflpp-651 | : QPPQTSITSAVLQSG |
| 24 : orflpp-588 | : TNVLEGSVAYESLRP | 56 : orflpp-620 | : PVYSFLPGVYSVIYL | 88 : orflpp-652 | : SITSAVLQSGFRKMA |
| 25 : orflpp-589 | : GSVAYESLRPDRYV | 57 : orflpp-621 | : LPGVYSVIYLYLTFY | 89 : orflpp-653 | : VLQSGFRKMAFPSPGK |
| 26 : orflpp-590 | : ESLRPDRYVLMVLDGS | 58 : orflpp-622 | : SVIYLYLTFYLTNDV | 90 : orflpp-654 | : FRKMAFPSPGKVEGCM |
| 27 : orflpp-591 | : DRYVLMVLDGSIQFP | 59 : orflpp-623 | : YLTFYLTNDVSFLAH | 91 : orflpp-655 | : FPSGKVEGCMVQVTC |
| 28 : orflpp-592 | : LMDGSIQFPNTYLE | 60 : orflpp-624 | : LTNDVSFLAHIQWVM | 92 : orflpp-656 | : VEGCMVQVTCGTTTL |
| 29 : orflpp-593 | : IIQFPNTYLEGSRV | 61 : orflpp-625 | : SFLAHIQWVMVFTPL | 93 : orflpp-657 | : VQVTCGTTTLNGLWL |
| 30 : orflpp-594 | : NTYLEGSRVVTTFD | 62 : orflpp-626 | : IQWVMVFTPLVPFWI | 94 : orflpp-658 | : GTTTLNGLWLDDVVY |
| 31 : orflpp-595 | : GSRVVTTFDSEYCR | 63 : orflpp-627 | : MFTPLVPFWITIAI | | |
| 32 : orflpp-596 | : VTFDSEYCRHGTC | 64 : orflpp-628 | : VPFWITIAIICIST | | |

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31752 : Rack B

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
95	103	111	119	127	135	143	151	159	167	175	183
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
96	104	112	120	128	136	144	152	160	168	176	184
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
97	105	113	121	129	137	145	153	161	169	177	185
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
98	106	114	122	130	138	146	154	162	170	178	186
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
99	107	115	123	131	139	147	155	163	171	179	187
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
100	108	116	124	132	140	148	156	164	172	180	188
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
101	109	117	125	133	141	149	157	165	173	181	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
102	110	118	126	134	142	150	158	166	174	182	

95 : orflpp-659 : NGLWLDDVVCPRHV127 : orflpp-691 : RQTAQAAGTDTTITV159 : orflpp-723 : FLFPFAMGIIAMSAFA
 96 : orflpp-660 : DDVVCPRHVICTSEI128 : orflpp-692 : AAGTDTTITVNVLAW160 : orflpp-724 : MGIAMSAFAMMFVK
 97 : orflpp-661 : CPRHVICTSEDMLNPI129 : orflpp-693 : TTITVNVLAWLYAAV161 : orflpp-725 : MSAFAMMFVKHKHAF
 98 : orflpp-662 : ICTSEDMLNPNYEDLI130 : orflpp-694 : NVLAWLYAAVINGDR162 : orflpp-726 : MMFVKHKHAFCLCLFL
 99 : orflpp-663 : DMLNPNYEDLLIRKSI131 : orflpp-695 : LYAAVINGDRWFLNR163 : orflpp-727 : HKHAFCLCLFLLPSLA
 100 : orflpp-664 : NYEDLLIRKSNHNFLI132 : orflpp-696 : INGDRWFLNRFTTTL164 : orflpp-728 : LCLFLLPSLATVAYF
 101 : orflpp-665 : LIRKSNHNFLVQAGM133 : orflpp-697 : WFLNRFTTTLNDFNL165 : orflpp-729 : LPSLATVAYFNMVYM
 102 : orflpp-666 : NHNFLVQAGNVQLRV134 : orflpp-698 : FTTTLNDFNLVAMKY166 : orflpp-730 : TVAYFNMVYMPASWV
 103 : orflpp-667 : VQAGNVQLRVIGHSM135 : orflpp-699 : NDFNLVAMKYNYEPI167 : orflpp-731 : NMVYMPASWVMRIMT
 104 : orflpp-668 : VQLRVIGHSMQNCVLI136 : orflpp-700 : VAMKYNYEPLTQDHV168 : orflpp-732 : PASWVMRIMTWLDMV
 105 : orflpp-669 : IGHSMQNCVCLKKVD137 : orflpp-701 : NYEPLTQDHDVILGP169 : orflpp-733 : MRIMTWLDMVDTLSL
 106 : orflpp-670 : QNCVCLKKVDTANPK138 : orflpp-702 : TQDHDVILGPLSAQT170 : orflpp-734 : WLDMVDTLSLGFKLK
 107 : orflpp-671 : KKKVDTANPKTPKYK139 : orflpp-703 : DILGPLSAQTGIAVI171 : orflpp-735 : DTLSGFKLKDCVMY
 108 : orflpp-672 : TANPKTPKYKFVRIQ140 : orflpp-704 : LSAQTGIAVLDMCAS172 : orflpp-736 : GFKLKDCVMYASAV
 109 : orflpp-673 : TPKYKFVRIQPGQTF141 : orflpp-705 : GIAVLDMCASLKELL173 : orflpp-737 : DCVMYASAVVLLIIM
 110 : orflpp-674 : FVRIQPGQTFSVLAC142 : orflpp-706 : DMCASLKELLQNGMN174 : orflpp-738 : ASAVVLLIIMTARTV
 111 : orflpp-675 : PGQTFSVLACYNGSP143 : orflpp-707 : LKELLQNGMNGRTII175 : orflpp-739 : LLILMTARTVYDDGA
 112 : orflpp-676 : SVLACYNGSPSGVYQ144 : orflpp-708 : QNGMNGRTILGSALI176 : orflpp-740 : TARTVYDDGARRVWT
 113 : orflpp-677 : YNGSPSGVYQCAMRP145 : orflpp-709 : GRTILGSALLEDEFT177 : orflpp-741 : YDDGARRVWTLMNVL
 114 : orflpp-678 : SGVYQCAMRPNFTIK146 : orflpp-710 : GSALLEDEFTPFDDV178 : orflpp-742 : RRVWTLMNVLTLVYK
 115 : orflpp-679 : CAMRPNFTIKGSFLM147 : orflpp-711 : EDEFTPFDDVVRQC179 : orflpp-743 : LMNVLTLVYKVYYGN
 116 : orflpp-680 : NFTIKGSFLNGSCGS148 : orflpp-712 : PFDVVRQC179 : orflpp-744 : TLVYKVYYGNALDQA
 117 : orflpp-681 : GSFNGSCGSVGFNI149 : orflpp-713 : RQC179 : orflpp-745 : VYGNALDQAISMWA
 118 : orflpp-682 : GSGSVGFNIDYDCV150 : orflpp-714 : VTFQSAVKRTIKGTH182 : orflpp-746 : VTFQSAVKRTIKGTH182 : orflpp-746 : LIISVTSNYSVTSNYS
 119 : orflpp-683 : VGFNIDYDCVSFCYM151 : orflpp-715 : AVKRTIKGTHHWLL183 : orflpp-747 : ISMWALIIISVTSNYS
 120 : orflpp-684 : DYDCVSFCYMHMEL152 : orflpp-716 : IKGTHHWLLLTILTS184 : orflpp-748 : LIISVTSNYSVTVTT
 121 : orflpp-685 : SFCYMHMELPTGVH153 : orflpp-717 : HWLLLTILTSLLVLM185 : orflpp-749 : TSNYSVTVTTVMFLA
 122 : orflpp-686 : HHMELPTGVHAGTDL154 : orflpp-718 : TILTSLVQSTQW186 : orflpp-750 : GVVTTVMFLARGIVE
 123 : orflpp-687 : PTGVHAGTDLEGNFY155 : orflpp-719 : LLVLVQSTQW187 : orflpp-751 : VMFLARGIVFMCVEY
 124 : orflpp-688 : AGTDLEGNFYGPFDV156 : orflpp-720 : QSTQW187 : orflpp-752 : RGIVFMCVEYCIPIFF
 125 : orflpp-689 : EGNFYGPFDVDRQTAQ157 : orflpp-721 : SLFFFLYENAFLPFA
 126 : orflpp-690 : GPFVDRQTAQAAGTD158 : orflpp-722 : LYENAFLPFAMGIIA

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31752 : Rack C

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
189	197	205	213	221	229	237	245	253	261	269	277
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
190	198	206	214	222	230	238	246	254	262	270	278
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
191	199	207	215	223	231	239	247	255	263	271	279
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
192	200	208	216	224	232	240	248	256	264	272	280
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
193	201	209	217	225	233	241	249	257	265	273	281
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
194	202	210	218	226	234	242	250	258	266	274	282
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
195	203	211	219	227	235	243	251	259	267	275	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
196	204	212	220	228	236	244	252	260	268	276	

- 189 : orflpp-753 : MCVEYCPITFFITGN
 190 : orflpp-754 : CPIFFITGNLQICIM
 191 : orflpp-755 : ITGNLQICIMLVYCF
 192 : orflpp-756 : LQCIMLVYCFGLGYFC
 193 : orflpp-757 : LVYCFGLYFCTCYFC
 194 : orflpp-758 : LGYFCTCYFGLFCL
 195 : orflpp-759 : TCYFGLFCLLNRYFF
 196 : orflpp-760 : LFCLLNRYFRLTLGV
 197 : orflpp-761 : NRYFRLTLGVYDYL
 198 : orflpp-762 : LTLGVYDYLVSTQ
 199 : orflpp-763 : YDYLVSTQEFRYMNS
 200 : orflpp-764 : STQEFRYMNSQGLL
 201 : orflpp-765 : RYMNSQGLLPPKNS
 202 : orflpp-766 : QGLLPPKNSIDAFKI
 203 : orflpp-767 : PKNSIDAFKLNLIKLI
 204 : orflpp-768 : DAFKLNLIKLLGVGGK
 205 : orflpp-769 : NIKLLGVGGKPCIKV
 206 : orflpp-770 : GVGKPCIKVATVQS
 207 : orflpp-771 : PCIKVATVQSKMSDV
 208 : orflpp-772 : ATVQSKMSDVKCTSV
 209 : orflpp-773 : KMSDVKCTSVVLLS
 210 : orflpp-774 : KCTSVVLLSVLQQL
 211 : orflpp-775 : VLLSVLQQLRVLESS
 212 : orflpp-776 : LQQLRVLESSKLWA
 213 : orflpp-777 : VESSKLWAQCVQLH
 214 : orflpp-778 : KLWAQCVQLHNDILI
 215 : orflpp-779 : CVQLHNDILLAKDTT
 216 : orflpp-780 : NDILLAKDTTEAFEF
 217 : orflpp-781 : AKDTTEAFEFKMSV
 218 : orflpp-782 : EAFEFKMSVLLSVLL
 219 : orflpp-783 : MVSLLSVLLSMQGA
 220 : orflpp-784 : SVLLSMQGAVDINKI
 221 : orflpp-785 : MQGAVDINKLCEEMI
 222 : orflpp-786 : DINKLCEEMLDNRAT
 223 : orflpp-787 : CEEMLDNRATLQAI
 224 : orflpp-788 : DNRATLQAIASEFSS
 225 : orflpp-789 : LQAIASEFSSLPSY
 226 : orflpp-790 : SEFSSLPSYAAFAT
 227 : orflpp-791 : LPSYAAFATAQEAYE
 228 : orflpp-792 : AFATAQEAYEQAVAN
 229 : orflpp-793 : QEAYEQAVANGDSEV
 230 : orflpp-794 : QAVANGDSEVVLLK
 231 : orflpp-795 : GDSEVVLLKLLKSL
 232 : orflpp-796 : VLLKLLKSLNVAKSE
 233 : orflpp-797 : KSLNVAKSEFDRDA
 234 : orflpp-798 : VAKSEFDRDAAMQR
 235 : orflpp-799 : FDRDAAMQRKLEKM
 236 : orflpp-800 : AMQRKLEKMADQAM
 237 : orflpp-801 : LEKMADQAMTQMYK
 238 : orflpp-802 : DQAMTQMYKQARSE
 239 : orflpp-803 : QMYKQARSEDKRAK
 240 : orflpp-804 : ARSEDKRAKVTSAM
 241 : orflpp-805 : KRAKVTSAMQTMLF
 242 : orflpp-806 : TSAMQTMLFTMLRK
 243 : orflpp-807 : TMLFTMLRKLDND
 244 : orflpp-808 : MLRKLDNDALNNI
 245 : orflpp-809 : DNDALNNIINNARD
 246 : orflpp-810 : NNIINNARDGCVPL
 247 : orflpp-811 : NARDGCVPLNIIP
 248 : orflpp-812 : CVPLNIIPLTTAAK
 249 : orflpp-813 : IIPLTTAAKLMVVI
 250 : orflpp-814 : TAAKLMVVIPIDYN
 251 : orflpp-815 : MVVIPIDYNTRYKNT
 252 : orflpp-816 : DYNTRYKNTCDGTFT
 253 : orflpp-817 : KNTCDGTFTTYASAL
 254 : orflpp-818 : GTFTTYASALWEIQ
 255 : orflpp-819 : YASALWEIQQVVDAD
 256 : orflpp-820 : WEIQQVVDADSKIV
 257 : orflpp-821 : VVDADSKIVQLSEIS
 258 : orflpp-822 : SKIVQLSEISMNSP
 259 : orflpp-823 : LSEISMNSPNLAWP
 260 : orflpp-824 : MDNSPNLAWPLIVTA
 261 : orflpp-825 : NLAWPLIVTALRANS
 262 : orflpp-826 : LIVTALRANSVAVKL
 263 : orflpp-827 : LRANSVAVKLQNNEL
 264 : orflpp-828 : AVKLQNNELSPVALR
 265 : orflpp-829 : NNELSPVALRQMSCA
 266 : orflpp-830 : PVALRQMSCAAGTTQ
 267 : orflpp-831 : QMSCAAGTTQTACTD
 268 : orflpp-832 : AGTTQTACTDDNALA
 269 : orflpp-833 : TACTDDNALAYNNTT
 270 : orflpp-834 : DNALAYNNTTKGGRF
 271 : orflpp-835 : YNNTTKGGRFVLLAL
 272 : orflpp-836 : KGGRFVLLALLSDLQD
 273 : orflpp-837 : VLLALLSDLQDLKWAR
 274 : orflpp-838 : SDLQDLKWARFPKSD
 275 : orflpp-839 : LKWARFPKSDGTGTI
 276 : orflpp-840 : FPKSDGTGTIYTELE
 277 : orflpp-841 : GTGTIYTELEPPCRF
 278 : orflpp-842 : YTELEPPCRFVTDTP
 279 : orflpp-843 : PPCRFTVTDTPKPKV
 280 : orflpp-844 : VTDTPKPKVKYLYF
 281 : orflpp-845 : KPKVKYLYFIKGLN
 282 : orflpp-846 : KYLYFIKGLNLLNRG

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31752 : Rack D

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
283	291	299	307	315	323	331	339	347	355	363	371
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
284	292	300	308	316	324	332	340	348	356	364	372
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
285	293	301	309	317	325	333	341	349	357	365	373
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
286	294	302	310	318	326	334	342	350	358	366	374
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
287	295	303	311	319	327	335	343	351	359	367	375
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
288	296	304	312	320	328	336	344	352	360	368	376
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
289	297	305	313	321	329	337	345	353	361	369	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
290	298	306	314	322	330	338	346	354	362	370	

283 : orflpp-847 : IKGLNNLNRGMVLG**S315** : orflpp-879 : LQSADAQSFLNRVCG**347** : orflpp-911 : KKDWDYDFVENPDILR
 284 : orflpp-848 : NLNRGMVLGSLAATV**316** : orflpp-880 : AQSFLNRVCGVSAAR**348** : orflpp-912 : DFVENPDILRVYANL
 285 : orflpp-849 : MVLGSLAATVRLQAG**317** : orflpp-881 : NRVCGVSAARLTPCG**349** : orflpp-913 : PDILRVYANLGERVR
 286 : orflpp-850 : LAATVRLQAGNATEV**318** : orflpp-882 : VSAARLTPCGTGTST**350** : orflpp-914 : VYANLGERVRQALLK
 287 : orflpp-851 : RLQAGNATEVPANST**319** : orflpp-883 : LTPCGTGTSTDVVYR**351** : orflpp-915 : GERVRQALLKTVQFC
 288 : orflpp-852 : NATEVPANSTVLSFC**320** : orflpp-884 : TGTSTDVVYRAFDI**352** : orflpp-916 : QALLKTVQFCDAMRN
 289 : orflpp-853 : PANSTVLSFCFAV**321** : orflpp-885 : DVVYRAFDIYNDKVA**353** : orflpp-917 : TVQFCDAMRNAGIVG
 290 : orflpp-854 : VLSFCFAVDAAKAY**322** : orflpp-886 : AFDIYNDKVAGFAKE**354** : orflpp-918 : DAMRNAGIVGLTLD
 291 : orflpp-855 : AFAVDAAKAYKDYLA**323** : orflpp-887 : NDKVAGFAKFLKTN**355** : orflpp-919 : AGIVGLTLDNQDLN
 292 : orflpp-856 : AAKAYKDYLASGGQ**324** : orflpp-888 : GFAKFLKTNCCRFQ**356** : orflpp-920 : VLTLDNQDLNGNWDY
 293 : orflpp-857 : KDYLASGGQIPITNC**325** : orflpp-889 : LKTNCCRFQEKDEDD**357** : orflpp-921 : NQDLNGNWDYDFGDFI
 294 : orflpp-858 : SGGQIPITNCVKMLC**326** : orflpp-890 : CRFQEKDEDDNLID**358** : orflpp-922 : GNWDYDFGDFIQTPG
 295 : orflpp-859 : ITNCVKMLCTHTGT**327** : orflpp-891 : KDEDNLDISYFVV**359** : orflpp-923 : FGDFIQTPPGSGVPV
 296 : orflpp-860 : KMLCTHTGTGQAITV**328** : orflpp-892 : NLIDSYFVVKRHTF**360** : orflpp-924 : QTTPGSGVPVVDSSY
 297 : orflpp-861 : HTGTGQAITVTPEAN**329** : orflpp-893 : YFVVKRHTFSNYQ**361** : orflpp-925 : SGVPVVDSSYSLMMP
 298 : orflpp-862 : QAITVTPEANMQES**330** : orflpp-894 : RHTFSNYQHEETIY**362** : orflpp-926 : VDSYSLMMPILTLT
 299 : orflpp-863 : TPEANMQESFGGAS**331** : orflpp-895 : NYQHEETIYNLLK**363** : orflpp-927 : SLLMPILTLTRALTA
 300 : orflpp-864 : MDQESFGGASCCLY**332** : orflpp-896 : ETIYNLLKDCPAVA**364** : orflpp-928 : ILTLTRALTAESHVD
 301 : orflpp-865 : FGGASCCLYCRCHID**333** : orflpp-897 : LLKDCPAVAKHDF**365** : orflpp-929 : RALTAESHVDTDLTK
 302 : orflpp-866 : CCLYCRCHIDHPNPK**334** : orflpp-898 : PAVAKHDFFKFRID**366** : orflpp-930 : ESHVDTDLTKPYIKW
 303 : orflpp-867 : RCHIDHPNPKGFCDI**335** : orflpp-899 : HDFFKFRIDGMVPH**367** : orflpp-931 : TDLTKPYIKWDLKLY
 304 : orflpp-868 : HPNPKGFCDLKGKY**336** : orflpp-900 : FRIDGMVPHISRQR**368** : orflpp-932 : PYIKWDLKLYDFTEE
 305 : orflpp-869 : GFCDLKGKYQIPTT**337** : orflpp-901 : DMVPHISRQRLTKY**369** : orflpp-933 : DLLKYDFTEERLKL
 306 : orflpp-870 : KGYVQIPTTCANDE**338** : orflpp-902 : ISRQRLTKYTMADL**370** : orflpp-934 : DFTEERLKLFDYFK
 307 : orflpp-871 : QIPTTCANDPVGF**339** : orflpp-903 : LTKYTMADLVYALR**371** : orflpp-935 : RLKLFDRYFKYWDQT
 308 : orflpp-872 : CANDPVGFTLKN**340** : orflpp-904 : MADLVYALRHFDE**372** : orflpp-936 : DRYFKYWDQTYHPNC
 309 : orflpp-873 : VGFTLKNVCTVCGM**341** : orflpp-905 : YALRHFDEGNCDTL**373** : orflpp-937 : YWDQTYHPNCVNCLD
 310 : orflpp-874 : KNTVCTVCGMWKG**342** : orflpp-906 : FDEGNCDTLKELLV**374** : orflpp-938 : YHPNCVNCLDDRCIL
 311 : orflpp-875 : TVCGMWKYGCS**343** : orflpp-907 : CDTLKEILVYTNCCI**375** : orflpp-939 : VNCLDDRCILHCANF
 312 : orflpp-876 : WKGYGCSCDQLREP**344** : orflpp-908 : EILVYTNCCDDDYF**376** : orflpp-940 : DRCILHCANFNVLFS
 313 : orflpp-877 : CSCDQLREPMLQSA**345** : orflpp-909 : YNCCDDDYFNKKDWY
 314 : orflpp-878 : LREPMLQSAQA**346** : orflpp-910 : DDYFNKKDWYDFVEN

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31752 : Rack E

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
377	385	393	401	409	417	425	433	441	449	457	465
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
378	386	394	402	410	418	426	434	442	450	458	466
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
379	387	395	403	411	419	427	435	443	451	459	467
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
380	388	396	404	412	420	428	436	444	452	460	468
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
381	389	397	405	413	421	429	437	445	453	461	469
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
382	390	398	406	414	422	430	438	446	454	462	470
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
383	391	399	407	415	423	431	439	447	455	463	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
384	392	400	408	416	424	432	440	448	456	464	

377 : orflpp-941 : HCANFNVLSTVFPP409 : orflpp-973 : LLFVVEVVDKYFDCY441 : orflpp-1005 : MLRIMASLVLARKHT
 378 : orflpp-942 : NVLFSTVFPPTSFGE410 : orflpp-974 : EVVDKYFDCYDGGC442 : orflpp-1006 : ASLVLARKHTTCCSL
 379 : orflpp-943 : TVFPPTSFGPLVRKI411 : orflpp-975 : YFDCYDGGCINANQV443 : orflpp-1007 : ARKHTTCCSLSHRFY
 380 : orflpp-944 : TSFGPLVRKIFVDGV412 : orflpp-976 : DGGCINANQVIVNNI444 : orflpp-1008 : TCCSLSHRFYRLANE
 381 : orflpp-945 : LVRKIFVDGVPFV413 : orflpp-977 : NANQVIVNNLDKSAG445 : orflpp-1009 : SHRFYRLANECAQVL
 382 : orflpp-946 : FVDGVPFVSTGYH414 : orflpp-978 : IVNNLDKSAGFPFNK446 : orflpp-1010 : RLANECAQVLSEVMVM
 383 : orflpp-947 : PFVSTGYHFRELGV415 : orflpp-979 : DKSAGFPFNKWGKAP447 : orflpp-1011 : CAQVLSEVMVMCGGSL
 384 : orflpp-948 : TGYHFRELGVVHNQD416 : orflpp-980 : FPFNKWKGARLYYDS448 : orflpp-1012 : SEMVMCGGSLYVKPG
 385 : orflpp-949 : RELGVVHNQDVNLH417 : orflpp-981 : WKGARLYYDSMSYED449 : orflpp-1013 : CGGSLYVKPGGTSSG
 386 : orflpp-950 : VHNQDVNLHSSRSL418 : orflpp-982 : LYYSMSYEDQDAL450 : orflpp-1014 : YVKPGGTSSGDATTA
 387 : orflpp-951 : VNLHSSRSLFKELLV419 : orflpp-983 : MSYEDQDALFAYTKR451 : orflpp-1015 : GTSSGDATTAYANSV
 388 : orflpp-952 : SLSFKELLVYAAD420 : orflpp-984 : QDALFAYTKRNVIP452 : orflpp-1016 : DATTAYANSVFNICQ
 389 : orflpp-953 : KELLVYAADPAMHA421 : orflpp-985 : AYTKRNVIPITIQMN453 : orflpp-1017 : YANSVFNICQAVTAN
 390 : orflpp-954 : YAADPAMHAASGNLI422 : orflpp-986 : NVIPTITQMNLYK454 : orflpp-1018 : FNICQAVTANVNALL
 391 : orflpp-955 : AMHAASGNLLLDKR423 : orflpp-987 : ITQMNLYKIASAKNR455 : orflpp-1019 : AVTANVNALLSTDGN
 392 : orflpp-956 : SGNLLDKRITCFVS424 : orflpp-988 : LKYIASAKNRARTVA456 : orflpp-1020 : VNALLSTDGNKIADK
 393 : orflpp-957 : LDKRITCFVSVAAL425 : orflpp-989 : SAKNRARTVAGVSI457 : orflpp-1021 : STDGNKIADKYVRNL
 394 : orflpp-958 : TCFVSVAALTNVAF426 : orflpp-990 : ARTVAGVSICTMTM458 : orflpp-1022 : KIADKYVRNLQHRLY
 395 : orflpp-959 : AALTNVAFQTVKPG427 : orflpp-991 : GVSICSTMTNRQFH459 : orflpp-1023 : YVRNLQHRLYECLYR
 396 : orflpp-960 : NVAFQTVKPGNFNK428 : orflpp-992 : STMTNRQFHQKLLK460 : orflpp-1024 : QHRLYECLYRNRDVD
 397 : orflpp-961 : TVKPGNFNKDFYDF429 : orflpp-993 : RQFHQKLLKSIAT461 : orflpp-1025 : ECLYRNRDVTDFVN
 398 : orflpp-962 : NFNKDFYDFAVSKGE430 : orflpp-994 : KLLKSIATRGATV462 : orflpp-1026 : NRDVTDFVNEFYAY
 399 : orflpp-963 : YDFYDFAVSKGFFKE431 : orflpp-995 : IATRGATVIGTSK463 : orflpp-1027 : TDFVNEFYAYLRKH
 400 : orflpp-964 : VSKGFFKEGSSVELK432 : orflpp-996 : GATVIGTSKFGGWL464 : orflpp-1028 : EFYAYLRKHFSMMIL
 401 : orflpp-965 : FKEGSSVELKHFFF433 : orflpp-997 : IGTSKFGGWHNMLK465 : orflpp-1029 : LRKHFSMMILSDDAV
 402 : orflpp-966 : SVELKHFFFAQDGN434 : orflpp-998 : FYGGWHNMLKTVYS466 : orflpp-1030 : SMMILSDDAVVCFNS
 403 : orflpp-967 : HFFFAQDGNAAISD435 : orflpp-999 : HNMLKTVYSDVENPH467 : orflpp-1031 : SDDAVVCFNSTYASQ
 404 : orflpp-968 : QDGNAAISDYDYR436 : orflpp-1000 : TVYSDVENPHLMGW468 : orflpp-1032 : VCFNSTYASQGLVAS
 405 : orflpp-969 : AISDYDYRYRNLPT437 : orflpp-1001 : VENPHLMGWYPKCD469 : orflpp-1033 : TYASQGLVASIKNFK
 406 : orflpp-970 : DYYRYRNLPTMCDIR438 : orflpp-1002 : LMGWDYPKCDRAMP470 : orflpp-1034 : GLVASIKNFKSVLYY
 407 : orflpp-971 : NLPTMCDIRQLLFV439 : orflpp-1003 : YPKCDRAMPNMLRIM
 408 : orflpp-972 : CDIRQLLFVVEVVD440 : orflpp-1004 : RAMPNMLRIMASLVL

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31752 : Rack F

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
471	479	487	495	503	511	519	527	535	543	551	559
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
472	480	488	496	504	512	520	528	536	544	552	560
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
473	481	489	497	505	513	521	529	537	545	553	561
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
474	482	490	498	506	514	522	530	538	546	554	562
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
475	483	491	499	507	515	523	531	539	547	555	563
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
476	484	492	500	508	516	524	532	540	548	556	564
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
477	485	493	501	509	517	525	533	541	549	557	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
478	486	494	502	510	518	526	534	542	550	558	

471 : orflpp-1035 : IKNFKSVLYYQNNV
 472 : orflpp-1036 : SVLYYQNNVMSEAK
 473 : orflpp-1037 : QNNVMSEAKCWTE
 474 : orflpp-1038 : MSEAKCWTEETDLTK
 475 : orflpp-1039 : CWTETDLTKGPHEFC
 476 : orflpp-1040 : DLTKGPHEFCSQHT
 477 : orflpp-1041 : PHEFCSQHTMLVKQ
 478 : orflpp-1042 : SQHTMLVKQGGDYV
 479 : orflpp-1043 : LVKQGGDYVYLPYP
 480 : orflpp-1044 : DDYVYLPYDPSRII
 481 : orflpp-1045 : LPYDPSRILGAGCE
 482 : orflpp-1046 : PSRILGAGCFVDDI
 483 : orflpp-1047 : GAGCFVDDIVKTDG
 484 : orflpp-1048 : VDDIVKTDGTLMI
 485 : orflpp-1049 : KTDGTLMIERFVSL
 486 : orflpp-1050 : LMIERFVSLAIDAY
 487 : orflpp-1051 : FVSLAIDAYPLTKH
 488 : orflpp-1052 : IDAYPLTKHPNQEY
 489 : orflpp-1053 : LTKHPNQEYADVFI
 490 : orflpp-1054 : NQEYADVFLYLQY
 491 : orflpp-1055 : DVFHLYLQYIRKHL
 492 : orflpp-1056 : YLQYIRKHLDELTH
 493 : orflpp-1057 : RKLHDELTHGMLDM
 494 : orflpp-1058 : EKLHMLDMYSVML
 495 : orflpp-1059 : MLDMYSVMLTNDNT
 496 : orflpp-1060 : SVMLTNDNTSRYWE
 497 : orflpp-1061 : NDNTSRYWEPEFYEA
 498 : orflpp-1062 : RYWEPEFYEAMYPH
 499 : orflpp-1063 : EFYEAMYPHTVQLQ
 500 : orflpp-1064 : MYTPHTVQLQAVGAC
 501 : orflpp-1065 : TVLQAVGACVLCNS
 502 : orflpp-1066 : VGACVLCNSQTSLR
 503 : orflpp-1067 : LCNSQTSLRGACIR
 504 : orflpp-1068 : TSLRCGACIRPFLC
 505 : orflpp-1069 : GACIRPFLCCKCCY
 506 : orflpp-1070 : RPFLCCKCCYDHVI
 507 : orflpp-1071 : CKCCYDHVISTSHKI
 508 : orflpp-1072 : DHVISTSHKLVLSV
 509 : orflpp-1073 : TSHKLVLSVNPYVCM
 510 : orflpp-1074 : VLSVNPYVCNAPGCI
 511 : orflpp-1075 : PYVCNAPGCDVTDV
 512 : orflpp-1076 : APGCDVTDVTQLYL
 513 : orflpp-1077 : VTDVTQLYLGGMSY
 514 : orflpp-1078 : QLYLGGMSYCKSHK
 515 : orflpp-1079 : GMSYCKSHKPPIS
 516 : orflpp-1080 : CKSHKPPISFPLCAN
 517 : orflpp-1081 : PPISFPLCANGQVFG
 518 : orflpp-1082 : PLCANGQVFLYKLN
 519 : orflpp-1083 : GQVFLYKNTCVGSI
 520 : orflpp-1084 : LYKNTCVGSDNVTDF
 521 : orflpp-1085 : CVGSDNVTDFNAIAT
 522 : orflpp-1086 : NVTDFNAIATCDWT
 523 : orflpp-1087 : NAIATCDWTNAGDY
 524 : orflpp-1088 : CDWTNAGDYILANT
 525 : orflpp-1089 : AGDYILANTCTERLK
 526 : orflpp-1090 : LANTCTERLKLFAAE
 527 : orflpp-1091 : TERLKLFAAETLKAT
 528 : orflpp-1092 : LFAAETLKATEETFK
 529 : orflpp-1093 : TLKATEETFKLSYGI
 530 : orflpp-1094 : EETFKLSYGIATVRE
 531 : orflpp-1095 : LSYGIATVREVLSDR
 532 : orflpp-1096 : ATVREVLSDRELHL
 533 : orflpp-1097 : VLSDRELHLSWEVKG
 534 : orflpp-1098 : ELHLSWEVKGPRPPL
 535 : orflpp-1099 : WEVKGPRPPLNRNY
 536 : orflpp-1100 : PRPPLNRNYVFTGY
 537 : orflpp-1101 : NRNYVFTGYRVTKNS
 538 : orflpp-1102 : FTGYRVTKNSKVQIG
 539 : orflpp-1103 : VTKNSKVQIGEYTFE
 540 : orflpp-1104 : KVQIGEYTFEKGDY
 541 : orflpp-1105 : EYTFEKGDYGDVAVV
 542 : orflpp-1106 : KGDYGDVAVVGRGTT
 543 : orflpp-1107 : DAVVYRGTTTTYKLN
 544 : orflpp-1108 : RGTTTYKLVNGDYFV
 545 : orflpp-1109 : YKLVNGDYFVLTSHT
 546 : orflpp-1110 : GDYFVLTSHTVMPLS
 547 : orflpp-1111 : LTSHTVMPLSAPTLV
 548 : orflpp-1112 : VMPLSAPTLVQEHY
 549 : orflpp-1113 : APTLVQEHYVRITG
 550 : orflpp-1114 : QEHYVRITGLYPTL
 551 : orflpp-1115 : VRITGLYPTLNISDE
 552 : orflpp-1116 : LYPTLNISDEFSSNV
 553 : orflpp-1117 : NISDEFSSNVANYQK
 554 : orflpp-1118 : FSSNVANYQKVGMMQ
 555 : orflpp-1119 : ANYQKVGMMQYSTLQ
 556 : orflpp-1120 : VGMQYSTLQGGPPGT
 557 : orflpp-1121 : YSTLQGGPPGTGKSH
 558 : orflpp-1122 : GPPGTGKSHFAIGLA
 559 : orflpp-1123 : GKSHFAIGLALYYPS
 560 : orflpp-1124 : AIGLALYYPSARIVY
 561 : orflpp-1125 : LYYPSARIVYTACSH
 562 : orflpp-1126 : ARIVYTACSHAAVDA
 563 : orflpp-1127 : TACSHAAVDALCEKA
 564 : orflpp-1128 : AAVDALCEKALKYLP

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31753 : Rack A

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
1	9	17	25	33	41	49	57	65	73	81	89
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
2	10	18	26	34	42	50	58	66	74	82	90
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
3	11	19	27	35	43	51	59	67	75	83	91
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
4	12	20	28	36	44	52	60	68	76	84	92
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
5	13	21	29	37	45	53	61	69	77	85	93
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
6	14	22	30	38	46	54	62	70	78	86	94
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
7	15	23	31	39	47	55	63	71	79	87	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
8	16	24	32	40	48	56	64	72	80	88	

- 1 : orflpp-1129 : LCEKALKYLPIDKCS 33 : orflpp-1161 : KGVITHDVSSAINRP 65 : orflpp-1193 : EGLCVDIPGIPKDMT
 2 : orflpp-1130 : LKYLPIIDKCSRIIPA 34 : orflpp-1162 : HDVSSAINRPQIGVV 66 : orflpp-1194 : DIPGIPKDMTYRRLI
 3 : orflpp-1131 : IDKCSRIIPARARVE 35 : orflpp-1163 : AINRPQIGVVREFLT 67 : orflpp-1195 : PKDMTYRRLISMGGF
 4 : orflpp-1132 : RIIPARARVECFDKF 36 : orflpp-1164 : QIGVVREFLTRNPAW 68 : orflpp-1196 : YRRLISMGGFKMNYQ
 5 : orflpp-1133 : RARVECFDKFKVNST 37 : orflpp-1165 : REFLTRNPAWRKAVF 69 : orflpp-1197 : SMMGGFKMNYQVNGYP
 6 : orflpp-1134 : CFDKFKVNSTLEQYV 38 : orflpp-1166 : RNPWRKAVFISPYN 70 : orflpp-1198 : KMNYQVNGYPNMFIT
 7 : orflpp-1135 : KVNSTLEQYVFCTVN 39 : orflpp-1167 : RKAVFISPYNSQNAV 71 : orflpp-1199 : VNGYPNMFITREEAI
 8 : orflpp-1136 : LEQYVFCTVNALPET 40 : orflpp-1168 : ISPYNSQNAVASKIL 72 : orflpp-1200 : NMFITREEAIRHVRA
 9 : orflpp-1137 : FCTVNALPETTADIV 41 : orflpp-1169 : SQNAVASKILGLPTQ 73 : orflpp-1201 : REEAIHVRAWIGFD
 10 : orflpp-1138 : ALPETTADIVVFDEI 42 : orflpp-1170 : ASKILGLPTQTVDS 74 : orflpp-1202 : RHVRAWIGFDVEGCH
 11 : orflpp-1139 : TADIVVFDEISMATN 43 : orflpp-1171 : GLPTQTVDSQSEY 75 : orflpp-1203 : WIGFDVEGCHATREA
 12 : orflpp-1140 : VFDEISMATNYDLSV 44 : orflpp-1172 : TVDSQSEYDYVIF 76 : orflpp-1204 : VEGCHATREAVGTNL
 13 : orflpp-1141 : SMATNYDLSVVNARL 45 : orflpp-1173 : QGSEYDYVIFTQTTE 77 : orflpp-1205 : ATREAVGTNLPLQLG
 14 : orflpp-1142 : YDLSVVNARLRKHY 46 : orflpp-1174 : DYVIFTQTTEAHSC 78 : orflpp-1206 : VGTNLPLQLGFSTGV
 15 : orflpp-1143 : VNARLRKHYVYIGD 47 : orflpp-1175 : TQTTETAHSCNVNR 79 : orflpp-1207 : PLQLGFSTGVNLVAV
 16 : orflpp-1144 : RAKHYVYIGDPAQLP 48 : orflpp-1176 : TAHSCNVNRNVAIT 80 : orflpp-1208 : FSTGVNLVAVPTGYV
 17 : orflpp-1145 : VYIGDPAQLPAPRTL 49 : orflpp-1177 : NVNRFNVAITRAKVG 81 : orflpp-1209 : NLVAVPTGYVDTPNN
 18 : orflpp-1146 : PAQLPAPRTLTKGT 50 : orflpp-1178 : NVAITRAKVGILCIM 82 : orflpp-1210 : PTGYVDTPNNTDFSR
 19 : orflpp-1147 : APRTLTKGTLEPEY 51 : orflpp-1179 : RAKVGILCIMSDDL 83 : orflpp-1211 : DTPNNTDFSRVSAKP
 20 : orflpp-1148 : LTKGTLEPEYFNSVC 52 : orflpp-1180 : ILCIMSDDLKLDKQ 84 : orflpp-1212 : TDFSRVSAKPPPGDQ
 21 : orflpp-1149 : LEPEYFNSVCRLMKT 53 : orflpp-1181 : SDDLKLDKQFTSLE 85 : orflpp-1213 : VSAKPPPGDQFKHLI
 22 : orflpp-1150 : FNSVCRLMKTIGPDM 54 : orflpp-1182 : YDKLQFTSLEIPRN 86 : orflpp-1214 : PPGDQFKHLIPLMYK
 23 : orflpp-1151 : RLMKTIGPDMFLGTC 55 : orflpp-1183 : FTSLEIPRNVAITLQ 87 : orflpp-1215 : FKHLIPLMYKGLPWN
 24 : orflpp-1152 : IGPDMFLGTCRRCPA 56 : orflpp-1184 : IPRNVAITLQENVT 88 : orflpp-1216 : PLMYKGLPWNVVRK
 25 : orflpp-1153 : FLGTCRRCPAEIVDT 57 : orflpp-1185 : VATLQENVTGLFKD 89 : orflpp-1217 : GLPWNVVRKIVQML
 26 : orflpp-1154 : RRCPAEIVDTVSALV 58 : orflpp-1186 : AENVTGLFKDCSKVI 90 : orflpp-1218 : VVRKIVQMLSDTLK
 27 : orflpp-1155 : EIVDTVSALVYDNKL 59 : orflpp-1187 : GLFKDCSKVITGLHP 91 : orflpp-1219 : IVQMLSDTLKNLSDR
 28 : orflpp-1156 : VSALVYDNKLKAHKD 60 : orflpp-1188 : CSKVITGLHPTQAPT 92 : orflpp-1220 : SDTLKNLSDRVVFVL
 29 : orflpp-1157 : YDNKLKAHKDKSAQC 61 : orflpp-1189 : TGLHPTQAPTHLSVD 93 : orflpp-1221 : NLSDRVVFVLWAHGF
 30 : orflpp-1158 : KAHKDKSAQCFKMFY 62 : orflpp-1190 : TQAPTHLSVDTKFKT 94 : orflpp-1222 : VVFVLWAHGFELTSM
 31 : orflpp-1159 : KSAQCFKMFYKGVIT 63 : orflpp-1191 : HLSVDTKFKTEGLCV
 32 : orflpp-1160 : FKMFYKGVITHDVSS 64 : orflpp-1192 : TKFKTEGLCVDIPGI

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31753 : Rack B

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
95	103	111	119	127	135	143	151	159	167	175	183
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
96	104	112	120	128	136	144	152	160	168	176	184
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
97	105	113	121	129	137	145	153	161	169	177	185
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
98	106	114	122	130	138	146	154	162	170	178	186
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
99	107	115	123	131	139	147	155	163	171	179	187
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
100	108	116	124	132	140	148	156	164	172	180	188
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
101	109	117	125	133	141	149	157	165	173	181	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
102	110	118	126	134	142	150	158	166	174	182	

- 95 : orflpp-1223 : WAHGFELTSMKYFVK127 : orflpp-1255 : VEWKFYDAQPCSDKA159 : orflpp-1287 : FSLWVYKQFDTYNLW
- 96 : orflpp-1224 : ELTSMKYFVKIGPER128 : orflpp-1256 : YDAQPCSDKAYKIEE160 : orflpp-1288 : YKQFDTYNLWNTFTR
- 97 : orflpp-1225 : KYFVKIGPERTCCLC129 : orflpp-1257 : CSDKAYKIEELFYSY161 : orflpp-1289 : TYNLWNTFTRLQSL
- 98 : orflpp-1226 : IGPERTCCLDRRAT130 : orflpp-1258 : YKIEELFYSYATHSD162 : orflpp-1290 : NTFTRLQSLNVAFN
- 99 : orflpp-1227 : TCCLCDRRATCFSTAM131 : orflpp-1259 : LFYSYATHSDKFTDG163 : orflpp-1291 : LQSLNVAFNVVNKG
- 100 : orflpp-1228 : DRRATCFSTASDTYAM132 : orflpp-1260 : ATHSDKFTDGVCLFW164 : orflpp-1292 : NVAFNVVNKGHFDGQ
- 101 : orflpp-1229 : CFSTASDTYACWHHS133 : orflpp-1261 : KFTDGVCLFWNCNVD165 : orflpp-1293 : VVNKGHFDGQQGEVP
- 102 : orflpp-1230 : SDTYACWHHSIGFDY134 : orflpp-1262 : VCLFWNCNVDRYPAM166 : orflpp-1294 : HFDGQQGEVPSIIN
- 103 : orflpp-1231 : CWHHSIGFDYVYNPF135 : orflpp-1263 : NCNVDRYPANSIVCR167 : orflpp-1295 : QGEVPSIINNTVYT
- 104 : orflpp-1232 : IGFDYVYNPFMIDVQ136 : orflpp-1264 : RYPANSIVCRFDTRV168 : orflpp-1296 : VSIINNTVYTKVDGV
- 105 : orflpp-1233 : VYNPFMIDVQQWGFT137 : orflpp-1265 : SIVCRFDTRVLSNLM169 : orflpp-1297 : NTVYTKVDGVDVLEL
- 106 : orflpp-1234 : MIDVQQWGFTGNLQS138 : orflpp-1266 : FDTRVLSNLNLPGCD170 : orflpp-1298 : KVDGVDVLELFENKTT
- 107 : orflpp-1235 : QWGFTGNLQSNHDLY139 : orflpp-1267 : LSNLNLPGCDGGSLY171 : orflpp-1299 : DVLELFENKTTLPVNV
- 108 : orflpp-1236 : GNLQSNHDLYCQVHG140 : orflpp-1268 : LPGCDGGSLYVNKHA172 : orflpp-1300 : ENKTTLPVNVAFELW
- 109 : orflpp-1237 : NHDLYCQVHGNAHVA141 : orflpp-1269 : GGSLYVNKHAFHTPA173 : orflpp-1301 : LPVNVAFELWAKRNI
- 110 : orflpp-1238 : CQVHGNAHVASCDAI142 : orflpp-1270 : VNKHAFHTPAFDKSA174 : orflpp-1302 : AFELWAKRNIKPVE
- 111 : orflpp-1239 : NAHVASCDAIMTRCL143 : orflpp-1271 : FHTPAFDKSAFVNLK175 : orflpp-1303 : AKRNIKPVEVKILN
- 112 : orflpp-1240 : SCDAIMTRCLAVHEC144 : orflpp-1272 : FDKSAFVNLKQLPFF176 : orflpp-1304 : KPVPEVKILNNLGVD
- 113 : orflpp-1241 : MTRCLAVHECFVKRV145 : orflpp-1273 : FVNLKQLPFFYYSDS177 : orflpp-1305 : VKILNNLGVDIAANT
- 114 : orflpp-1242 : AVHECFVKRVDWTEIE146 : orflpp-1274 : QLPFFYYSDSPCESH178 : orflpp-1306 : NLGVDIAANTVIWDY
- 115 : orflpp-1243 : FVKRVDWTEIYPIIG147 : orflpp-1275 : YYSDSPCESHGKQVV179 : orflpp-1307 : IAANTVIWDYKRDA
- 116 : orflpp-1244 : DWTEIYPIIGDELKI148 : orflpp-1276 : PCESHGKQVVSIDIDY180 : orflpp-1308 : VIWDYKRDAPIHIST
- 117 : orflpp-1245 : YPIIGDELKINAACR149 : orflpp-1277 : GKQVVSIDIDYVPLKS181 : orflpp-1309 : KRDAPIHISTIGVCS
- 118 : orflpp-1246 : DELKINAACRKHVQHM150 : orflpp-1278 : SDIDYVPLKSATCIT182 : orflpp-1310 : AHISTIGVCSMTDIA
- 119 : orflpp-1247 : NAACRKHVQHMVVKAM151 : orflpp-1279 : VPLKSATCITRCNLG183 : orflpp-1311 : IGVCSMTDIAKKPTE
- 120 : orflpp-1248 : KVQHMVVKAAALLADK152 : orflpp-1280 : ATCITRCNLGGAVCR184 : orflpp-1312 : MTDIAKKPTETICAP
- 121 : orflpp-1249 : VVKAALLADKFPVLH153 : orflpp-1281 : RCNLGGAVCRHHANE185 : orflpp-1313 : KKPTETICAPLTVFF
- 122 : orflpp-1250 : LLADKFPVLHDIGNP154 : orflpp-1282 : GAVCRHHANEYRLYL186 : orflpp-1314 : TICAPLTVFFDGRVD
- 123 : orflpp-1251 : FPVLHDIGNPKAIKC155 : orflpp-1283 : HHANEYRLYLDAYNM187 : orflpp-1315 : LTVFFDGRVDGQVDL
- 124 : orflpp-1252 : DIGNPKAIKCVPAD156 : orflpp-1284 : YRLYLDAYNMMISAG188 : orflpp-1316 : DGRVDGQVDFLRNAR
- 125 : orflpp-1253 : KAIKCVPADVEWKF157 : orflpp-1285 : DAYNMMISAGFSLWV
- 126 : orflpp-1254 : VPQADVEWKFYDAQP158 : orflpp-1286 : MISAGFSLWVYKQFD

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31753 : Rack C

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
189	197	205	213	221	229	237	245	253	261	269	277
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
190	198	206	214	222	230	238	246	254	262	270	278
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
191	199	207	215	223	231	239	247	255	263	271	279
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
192	200	208	216	224	232	240	248	256	264	272	280
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
193	201	209	217	225	233	241	249	257	265	273	281
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
194	202	210	218	226	234	242	250	258	266	274	282
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
195	203	211	219	227	235	243	251	259	267	275	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
196	204	212	220	228	236	244	252	260	268	276	

189 : orflpp-1317 : GQVDLFRNARNGVLV221 : orflpp-1349 : KCVCSVIDLLDDFV253 : orflpp-1381 : FVSDADSTLIGDCAT
 190 : orflpp-1318 : FRNARNGVLITEGVS222 : orflpp-1350 : VIDLLDDDFVEIIKS254 : orflpp-1382 : DSTLIGDCATVHTAN
 191 : orflpp-1319 : NGVLITEGVSVKGLQF223 : orflpp-1351 : LDDFVEIIKSQDLSV255 : orflpp-1383 : GDCATVHTANKWDLI
 192 : orflpp-1320 : TEGSVKGLQPSVGVK224 : orflpp-1352 : EIIKSQDLSVSVSKV256 : orflpp-1384 : VHTANKWDLIISDMY
 193 : orflpp-1321 : KGLQPSVGPQASLN225 : orflpp-1353 : QDLSVSVKVVKVTI257 : orflpp-1385 : KWDLIISDMYDPKTK
 194 : orflpp-1322 : SVGPKQASLVGVTL226 : orflpp-1354 : VSKVVKVTIDYTEIS258 : orflpp-1386 : ISDMYDPKTKNVTKE
 195 : orflpp-1323 : QASLVGVTLIGEAVK227 : orflpp-1355 : KVTIDYTEISFMLWC259 : orflpp-1387 : DPKTKNVTKENDSKE
 196 : orflpp-1324 : GVTLIGEAVKTQFN228 : orflpp-1356 : YTEISFMLWCKDGHV260 : orflpp-1388 : NVTKENDSKEGFFI
 197 : orflpp-1325 : GEAVKTQFNYYKKV229 : orflpp-1357 : FMLWCKDGHVETFY261 : orflpp-1389 : NDSKEGFFTYICGFI
 198 : orflpp-1326 : TQFNYYKKVDGVVQ230 : orflpp-1358 : KDGHVETFYPKLQSS262 : orflpp-1390 : GFFTYICGFIQOKLA
 199 : orflpp-1327 : YKKVDGVVQQLPETV231 : orflpp-1359 : ETFYPKLQSSQAWQ263 : orflpp-1391 : ICGFIQOKLALGGSV
 200 : orflpp-1328 : GVVQQLPETYFTQSF232 : orflpp-1360 : KLQSSQAWQPGVAM264 : orflpp-1392 : QOKLALGGSVAIKIT
 201 : orflpp-1329 : LPETYFTQSRNLQEF233 : orflpp-1361 : QAWQPGVAMPNLYKM265 : orflpp-1393 : LGGSSVAIKITEHSWN
 202 : orflpp-1330 : FTQSRNLQEFKPRS234 : orflpp-1362 : GVAMPNLYKMQRMLI266 : orflpp-1394 : AIKITEHSWNADLYK
 203 : orflpp-1331 : NLQEFKPRSQMEIDE235 : orflpp-1363 : NLYKMQRMLLEKCDI267 : orflpp-1395 : EHSWNADLYKLMGFH
 204 : orflpp-1332 : KPRSQMEIDFLELAM236 : orflpp-1364 : QRMLLEKCDLQNYGI268 : orflpp-1396 : ADLYKLMGFHAWWTA
 205 : orflpp-1333 : MEIDFLELAMDEFIE237 : orflpp-1365 : EKCDLQNYGDSATLP269 : orflpp-1397 : LMGFHAWWTAFTNV
 206 : orflpp-1334 : LELAMDEFIERYKLE238 : orflpp-1366 : QNYGDSATLPKGIMM270 : orflpp-1398 : AWWTAFTNVNASSS
 207 : orflpp-1335 : DEFIERYKLEGYAFE239 : orflpp-1367 : SATLPKGIMMNVAKY271 : orflpp-1399 : FVTNVNASSSEAFLI
 208 : orflpp-1336 : RYKLEGYAFEHIVY240 : orflpp-1368 : KGIMMNVAKYQQLCQ272 : orflpp-1400 : NASSSEAFLIGCNYL
 209 : orflpp-1337 : GYAFEHIVYVGDVSH241 : orflpp-1369 : NVAKYQQLCQYLNTI273 : orflpp-1401 : EAFLIGCNYLKPRE
 210 : orflpp-1338 : HIVYVGDVSHSLGGI242 : orflpp-1370 : TQLCQYLNTLTLAV274 : orflpp-1402 : GCNLYKPREQIDGY
 211 : orflpp-1339 : DFSHSLGGIHLHLI243 : orflpp-1371 : YLNTLTLAVPYNMRV275 : orflpp-1403 : GKPREQIDGYVMHAN
 212 : orflpp-1340 : QLGGIHLHLIGLAKRF244 : orflpp-1372 : TLAVPYNMRVIFHFG276 : orflpp-1404 : QIDGYVMHANYIFWR
 213 : orflpp-1341 : HLLIHLIHLIHLIHLI245 : orflpp-1373 : YNMRVIFHFGAGSDK277 : orflpp-1405 : VMHANYIFWRNTNPI
 214 : orflpp-1342 : LAKRFKESPFLEDE246 : orflpp-1374 : IHFGAGSDKGVAPGT278 : orflpp-1406 : YIFWRNTNPIQLSSY
 215 : orflpp-1343 : KESPFLEDFIPMD247 : orflpp-1375 : GSDKGVAPGTAVLRQ279 : orflpp-1407 : NTNPIQLSSYSLFDM
 216 : orflpp-1344 : ELEDFIPMDSTVKN248 : orflpp-1376 : VAPGTAVLRQWLPT280 : orflpp-1408 : QLSSYSLFDMSKFPL
 217 : orflpp-1345 : IPMDSTVKNYFITD249 : orflpp-1377 : AVLRQWLPTGTLV281 : orflpp-1409 : SLFDMSKFPLKLRGT
 218 : orflpp-1346 : TVKNYFITDAQTGS250 : orflpp-1378 : WLPTGTLVSDSLN282 : orflpp-1410 : SKFPLKLRGTAVMSL
 219 : orflpp-1347 : FITDAQTGSCKVC251 : orflpp-1379 : TLLVSDSLNDFVSDA
 220 : orflpp-1348 : QTGSCKVCVIDLI252 : orflpp-1380 : SDLNDFVSDADSTLI

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31753 : Rack D

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
283	291	299	307	315	323	331	339	347	355	363	371
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
284	292	300	308	316	324	332	340	348	356	364	372
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
285	293	301	309	317	325	333	341	349	357	365	373
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
286	294	302	310	318	326	334	342	350	358	366	374
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
287	295	303	311	319	327	335	343	351	359	367	375
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
288	296	304	312	320	328	336	344	352	360	368	376
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
289	297	305	313	321	329	337	345	353	361	369	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
290	298	306	314	322	330	338	346	354	362	370	

- | | | | | | |
|-------------------|-------------------|--------------|-------------------|--------------|---------------------|
| 283 : orflpp-1411 | : KLRGTAVMSLKEGQI | 315 : SGP-25 | : NNATNVVIVKVFCE | 347 : SGP-57 | : ENGTITDAVDCALDP |
| 284 : orflpp-1412 | : AVMSLKEGQINDMII | 316 : SGP-26 | : VVIKVFCEQFCNDP | 348 : SGP-58 | : TDAVDCALDPLSETK |
| 285 : orflpp-1413 | : KEGQINDMILSLLSK | 317 : SGP-27 | : CEFQFCNDPFLGVY | 349 : SGP-59 | : CALDPLSETKCTLKS |
| 286 : orflpp-1414 | : NDMILSLLSKGRLI | 318 : SGP-28 | : CNDPFLGVYHKNK | 350 : SGP-60 | : LSETKCTLKSFTVEK |
| 287 : orflpp-1415 | : SLLSKGRLIIRENN | 319 : SGP-29 | : LGVYHKNKSWME | 351 : SGP-61 | : CTLKSFTVEKGIYQT |
| 288 : orflpp-1416 | : GRLIIRENNRVVIS | 320 : SGP-30 | : HKNNKSWMESEFRV | 352 : SGP-62 | : FTVEKGIYQTSNFRV |
| 289 : orflpp-1417 | : RENNRVVISSDVLV | 321 : SGP-31 | : SWMESEFRVYSSAN | 353 : SGP-63 | : GIYQTSNFRVQPTES |
| 290 : orflpp-1419 | : ENNRVVISSDVLV | 322 : SGP-32 | : EFRVYSSANNCTFE | 354 : SGP-64 | : SNFRVQPTESIVRFP |
| 291 : SGP-1 | : MFVFLVLLPLVSSQ | 323 : SGP-33 | : SSANNCTFEYVSQP | 355 : SGP-65 | : QPTESIVRFPNITNL |
| 292 : SGP-2 | : VLLPLVSSQCVNL | 324 : SGP-34 | : CTFEYVSQPFLMD | 356 : SGP-66 | : IVRFPNITNLCPFGE |
| 293 : SGP-3 | : VSSQCVNLTRTQL | 325 : SGP-35 | : VSQPFLMDLEKQGN | 357 : SGP-67 | : NITNLCPFGEVFNAT |
| 294 : SGP-4 | : VNLTRTQLPPAYTN | 326 : SGP-36 | : LMDLEKQGNFKNLR | 358 : SGP-68 | : CPFGEVFNATRFASV |
| 295 : SGP-5 | : RTQLPPAYTNSFTR | 327 : SGP-37 | : GKQGNFKNLRVFK | 359 : SGP-69 | : VFNATRFASVYAWNR |
| 296 : SGP-6 | : PAYTNSFTRGVYYP | 328 : SGP-38 | : FKNLREFVFNKIDG | 360 : SGP-70 | : RFASVYAWNRKRISN |
| 297 : SGP-7 | : SFTRGVYYPDKVFR | 329 : SGP-39 | : EFVFNKIDGYFKIY | 361 : SGP-71 | : YAWNRKRISNCVADY |
| 298 : SGP-8 | : VYYPDKVFRSSVLH | 330 : SGP-40 | : NIDGYFKIYSKHTP | 362 : SGP-72 | : KRISNCVADYSVLYN |
| 299 : SGP-9 | : KVFRSSVLHSTQDL | 331 : SGP-41 | : FKIYSKHTPINLVRI | 363 : SGP-73 | : CVADYSVLVNSASF |
| 300 : SGP-10 | : SVLHSTQDLFLPFF | 332 : SGP-42 | : KHTPINLVRLDLPQ | 364 : SGP-74 | : SVLVNSASFSTFKCY |
| 301 : SGP-11 | : TQDLFLPFFSNVTW | 333 : SGP-43 | : NLVRDLPQGFSALE | 365 : SGP-75 | : SASFSTFKCYGVSPT |
| 302 : SGP-12 | : LPFFSNVTWFHAIH | 334 : SGP-44 | : LPQGFSALEPLVDL | 366 : SGP-76 | : TFKCYGVSPTKLNLD |
| 303 : SGP-13 | : NVTWFHAIHVSGTN | 335 : SGP-45 | : SALEPLVDLPIGIN | 367 : SGP-77 | : GVSPTKLNLDLFCFTNV |
| 304 : SGP-14 | : HAIHVSGTNGTKRFD | 336 : SGP-46 | : LVDLPIGINITRFQT | 368 : SGP-78 | : KLNDLFCFTNVYADSF |
| 305 : SGP-15 | : SGTNGTKRFDNPVLE | 337 : SGP-47 | : IGINITRFQTLALH | 369 : SGP-79 | : CFTNVYADSFVIRGD |
| 306 : SGP-16 | : TKRFDNPVLPFNDG | 338 : SGP-48 | : TRFQTLALHRSYLT | 370 : SGP-80 | : YADSFVIRGQIAPGQT |
| 307 : SGP-17 | : NPVLPFNDGVYFAS | 339 : SGP-49 | : LLALHRSYLTPGDSS | 371 : SGP-81 | : VIRGDEVQIAPGQT |
| 308 : SGP-18 | : FNDGVYFASTEKSNI | 340 : SGP-50 | : RSYLTPGDSSSGWT | 372 : SGP-82 | : EVRQIAPGQTGKIAD |
| 309 : SGP-19 | : YFASTEKSNIIRGWI | 341 : SGP-51 | : PGDSSSGWTAGAAA | 373 : SGP-83 | : APGQTGKIADYNYKL |
| 310 : SGP-20 | : EKSNIIRGWIFGTTI | 342 : SGP-52 | : SGWTAGAAAYVGYI | 374 : SGP-84 | : GKIADYNYKLPPDDFT |
| 311 : SGP-21 | : IRGWIFGTTLDLSD | 343 : SGP-53 | : GAAAYVGYLQPRTE | 375 : SGP-85 | : YNYKLPPDDFTGCVIA |
| 312 : SGP-22 | : FGTTLDLSDQLLIV | 344 : SGP-54 | : YVGYLQPRTEFLLY | 376 : SGP-86 | : PDDFTGCVIAWNSNN |
| 313 : SGP-23 | : DSKTQLLIVNATN | 345 : SGP-55 | : QPRTFLLYNENGTI | | |
| 314 : SGP-24 | : SLLIVNATNVVIVK | 346 : SGP-56 | : LLKYNENGTITDAVD | | |

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31753 : Rack E

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
377	385	393	401	409	417	425	433	441	449	457	465
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
378	386	394	402	410	418	426	434	442	450	458	466
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
379	387	395	403	411	419	427	435	443	451	459	467
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
380	388	396	404	412	420	428	436	444	452	460	468
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
381	389	397	405	413	421	429	437	445	453	461	469
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
382	390	398	406	414	422	430	438	446	454	462	470
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
383	391	399	407	415	423	431	439	447	455	463	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
384	392	400	408	416	424	432	440	448	456	464	

377 : SGP-87	: GCVIAWNSNNLDSKV	409 : SGP-119	: SFGGVSVITPGTNTS	441 : SGP-151	: NLLLQYGSFCTQLNR
378 : SGP-88	: WNSNNLDSKVGNYN	410 : SGP-120	: SVITPGTNTSNQVAV	442 : SGP-152	: YGSFCTQLNRALTGI
379 : SGP-89	: LDSKVGNYLYRIRI	411 : SGP-121	: GTNTSNQVAVLYQDV	443 : SGP-153	: TQLNRALTGIAVEQD
380 : SGP-90	: GGNYNLYRFRKSN	412 : SGP-122	: NQVAVLYQDVNCTEV	444 : SGP-154	: ALTGIAVEQDKNTQE
381 : SGP-91	: YLYRFRKSNLKPFE	413 : SGP-123	: LYQDVNCTEVPVAIH	445 : SGP-155	: AVEQDKNTQEVFAQV
382 : SGP-92	: FRKSNLKPFERDIST	414 : SGP-124	: NCTEVPVAIHADQLT	446 : SGP-156	: KNTQEVFAQVKQIYK
383 : SGP-93	: LKPFERDISTEIYQA	415 : SGP-125	: PVAIHADQLTPTWRV	447 : SGP-157	: VFAQVKQIYKTPPIK
384 : SGP-94	: RDISTEIYQAGSTPC	416 : SGP-126	: ADQLTPTWRVYSTGS	448 : SGP-158	: KQIYKTPPIKDFGGF
385 : SGP-95	: EIYQAGSTPCNGVVE	417 : SGP-127	: PTWRVYSTGSNVFQT	449 : SGP-159	: TPPIKDFGGFNFSQI
386 : SGP-96	: GSTPCNGVEGFNCYE	418 : SGP-128	: YSTGSNVFQTRAGCL	450 : SGP-160	: DFGGFNFSQILPDPS
387 : SGP-97	: NGVEGFNCYFPLQSY	419 : SGP-129	: NVFQTRAGCLIGAEH	451 : SGP-161	: NFSQILPDPSKPSKR
388 : SGP-98	: FNCYFPLQSYGFQPT	420 : SGP-130	: RAGCLIGAEHVNNSY	452 : SGP-162	: LPDPSKPSKRSFIED
389 : SGP-99	: PLQSYGFQPTNGVGV	421 : SGP-131	: IGAEHVNNSYECDIH	453 : SGP-163	: KPSKRSFIEDLLFNK
390 : SGP-100	: GFQPTNGVGYQPYRV	422 : SGP-132	: VNNSYECDIPIGAGI	454 : SGP-164	: SFIEDLLFNKVTLAD
391 : SGP-101	: NGVGYQPYRVVVLSE	423 : SGP-133	: ECDIPIGAGICASYQ	455 : SGP-165	: LLFNKVTLADAGFIK
392 : SGP-102	: QPYRVVLSFELLHAP	424 : SGP-134	: IGAGICASYQTQTN	456 : SGP-166	: VTLADAGFIKQYDGC
393 : SGP-103	: VVLSFELLHAPATVC	425 : SGP-135	: CASYQTQTNPRRAR	457 : SGP-167	: AGFIKQYGDCLGDIA
394 : SGP-104	: ELLHAPATVCGPKKS	426 : SGP-136	: TQTNPRRARSVASQ	458 : SGP-168	: QYGDCLGDIAARDLI
395 : SGP-105	: PATVCGPKKSTNLV	427 : SGP-137	: PRRARSVASQSIIAY	459 : SGP-169	: LGDIAARDLICAQKF
396 : SGP-106	: GPKKSTNLVKNKCVN	428 : SGP-138	: SVASQSIIAYTMSLG	460 : SGP-170	: ARDLICAQKFNGLTV
397 : SGP-107	: TNLVKNKCVNFNFNC	429 : SGP-139	: SIIAYTMSLGAENSV	461 : SGP-171	: CAQKFNGLTVLPPLL
398 : SGP-108	: NKNVNFNFNGLTGTG	430 : SGP-140	: TMSLGAENSVAYSNN	462 : SGP-172	: NGLTVLPPLLTDEMI
399 : SGP-109	: FNFNGLTGTGVLTE	431 : SGP-141	: AENSVAYSNNSIAIP	463 : SGP-173	: LPPLLTDEMIAQYTS
400 : SGP-110	: LTGTGVLTESNKFFL	432 : SGP-142	: AYSNNSIAIPNFTL	464 : SGP-174	: TDEMIAQYTSALLAG
401 : SGP-111	: VLTESNKFFLFPQQF	433 : SGP-143	: SIAIPNFTISVTTTE	465 : SGP-175	: AQYTSALLAGTITSG
402 : SGP-112	: NKKFLFPQQFGRDIA	434 : SGP-144	: TNFTISVTTTEILPV	466 : SGP-176	: ALLAGTITSGWTFGA
403 : SGP-113	: PFQQFGRDIADTTDM	435 : SGP-145	: SVTTEILPVSMTKTS	467 : SGP-177	: TITSGWTFGAGAALQ
404 : SGP-114	: GRDIADTTDAVRDPC	436 : SGP-146	: ILPVSMTKTSVDCTM	468 : SGP-178	: WTFGAGAALQIPFAM
405 : SGP-115	: DTTDAVRDPTLEIIL	437 : SGP-147	: MTKTSVDCTMYICGD	469 : SGP-179	: GAALQIPFAMQMAYR
406 : SGP-116	: VRDPTLEILDITPC	438 : SGP-148	: VDCTMYICGDSTEC	470 : SGP-180	: IPFAMQMAYRFNGIG
407 : SGP-117	: TLEILDITPCSFGGV	439 : SGP-149	: YICGDSTECNLLLQ		
408 : SGP-118	: DITPCSFGGVSVITP	440 : SGP-150	: STECSNLLLQYGSFC		

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31753 : Rack F

DESCRIPTION : 564 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
471	479	487	495	503	511	519	527	535	543	551	559
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
472	480	488	496	504	512	520	528	536	544	552	560
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
473	481	489	497	505	513	521	529	537	545	553	561
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
474	482	490	498	506	514	522	530	538	546	554	562
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
475	483	491	499	507	515	523	531	539	547	555	563
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
476	484	492	500	508	516	524	532	540	548	556	564
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
477	485	493	501	509	517	525	533	541	549	557	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
478	486	494	502	510	518	526	534	542	550	558	

471 : SGP-181	: QMAYRFNGIGVTQNV	503 : SGP-213	: VFLHVTVYVPAQEKNE	535 : SGP-245	: IAGLIAIVMVTIMLCL
472 : SGP-182	: FNGIGVTQNVLYENQ	504 : SGP-214	: TYVPAQEKNFFTAPAE	536 : SGP-246	: AIVMVTIMLCCMTSC
473 : SGP-183	: VTQNVLYENQKLIAN	505 : SGP-215	: QEKNFTTAPAICHDCG	537 : SGP-247	: TIMLCCMTSCCSCCLK
474 : SGP-184	: LYENQKLIANQFNSA	506 : SGP-216	: TTAPAICHDKGAHFPE	538 : SGP-248	: CMTSCCSCCLKGCCSC
475 : SGP-185	: KLIANQFNNSAIGKIQ	507 : SGP-217	: ICHDGAHFPPREGVFE	539 : SGP-249	: CSCCLKGCCSCGSCCK
476 : SGP-186	: QFNNSAIGKIQDSLSS	508 : SGP-218	: KAHFPREGVVFVSNGT	540 : SGP-250	: GCCSCGSCCKFDEDD
477 : SGP-187	: IGKIQDSLSSSTASAI	509 : SGP-219	: REGVVFVSNNGTHWFV	541 : SGP-251	: GSCCKFDEDDSEPVL
478 : SGP-188	: DLSLSSSTASALGKQL	510 : SGP-220	: VSNNGTHWFVTQRNFY	542 : SGP-252	: FDEDDSEPVLKGVKVL
479 : SGP-189	: TASALGKQLQDVVNQN	511 : SGP-221	: HWFVTQRNFYEPQI	543 : SGP-253	: DDSEPVLKGVKLVHYT
480 : SGP-190	: GKLQDVVNQNAQALN	512 : SGP-222	: QRNFYEPQIITTDNT	544 : ep-1	: MYSFVSEETGTLIVN
481 : SGP-191	: VVNQNAQALNTLVKQ	513 : SGP-223	: EPQIITTDNTFVSGN	545 : ep-2	: SEETGTLIVNSVLLF
482 : SGP-192	: AQALNTLVKQLSSNF	514 : SGP-224	: TTDNTFVSGNCDVVI	546 : ep-3	: TLIVNSVLLFLAFV
483 : SGP-193	: TLVKQLSSNFGAIS	515 : SGP-225	: FVSGNCDVVIGIVNN	547 : ep-4	: SVLLFLAFVVFLLVT
484 : SGP-194	: LSSNFGAISSVLND	516 : SGP-226	: CDVVIIGIVNNTVYD	548 : ep-5	: LAFVVFLLVTLAILT
485 : SGP-195	: GAISSVLNDILSRL	517 : SGP-227	: GIVNNTVYDPLQPEI	549 : ep-6	: FLLVTLAILTALRLC
486 : SGP-196	: VLNDILSRLDKVEAE	518 : SGP-228	: TVYDPLQPELDSFKE	550 : ep-7	: LAILTALRLCAYCCN
487 : SGP-197	: LSRDKVEAEVQIDRL	519 : SGP-229	: LQPELDSFKEELDKY	551 : ep-8	: ALRLCAYCCNIVNV
488 : SGP-198	: KVEAEVQIDRLITGR	520 : SGP-230	: DSFKEELDKYFKNHT	552 : ep-9	: AYCCNIVNVSLVKPS
489 : SGP-199	: VQIDRLITGRQLQSL	521 : SGP-231	: ELDKYFKNHTSPDVI	553 : ep-10	: IVNVSLVKPSFYVYS
490 : SGP-200	: LITGRQLQSLQTYVT	522 : SGP-232	: FKNHTSPDVDLGD	554 : ep-11	: LVKPSFYVYSRVKNL
491 : SGP-201	: LQSLQTYVTQQLIR	523 : SGP-233	: SPDVDLGDISGINAS	555 : ep-12	: FYVYSRVKLNLSRV
492 : SGP-202	: TYVTQQLIRAAEIRA	524 : SGP-234	: LGDISGINASVVNI	556 : ep-13	: RVKLNLSRVPDLLV
493 : SGP-203	: QLIRAAEIRASANLA	525 : SGP-235	: GINASVVNIQKEIDR	557 : sp-1	: MADSNGTITVEELKK
494 : SGP-204	: AEIRASANLAATKM	526 : SGP-236	: VVNIQKEIDRLENEV	558 : sp-2	: GTITVEELKKLLEQW
495 : SGP-205	: SANLAATKMSECVL	527 : SGP-237	: KEIDRLNEVARNLNE	559 : sp-3	: EELKKLLEQWNLVIG
496 : SGP-206	: ATKMSECVLQSKRV	528 : SGP-238	: LNEVAKNLNESLID	560 : sp-4	: LLEQWNLVIGFLFLT
497 : SGP-207	: ECVLQSKRVDFCGK	529 : SGP-239	: KNLNESLIDLQELGK	561 : sp-5	: NLVIGFLFLTWICLL
498 : SGP-208	: QSKRVDFCGKGYHLM	530 : SGP-240	: SLIDLQELGKYEQY	562 : sp-6	: FLFLTWICLLQFAYA
499 : SGP-209	: DFCGKGYHLMSPFPQ	531 : SGP-241	: QELGKYEQYIKWPWY	563 : sp-7	: WICLLQFAYANRNF
500 : SGP-210	: GYHLMSPFQSPHGV	532 : SGP-242	: YEQYIKWPWYIWLGF	564 : sp-8	: QFAYANRNFYIYIK
501 : SGP-211	: SFPQSPHGVVFLHV	533 : SGP-243	: KWPWYIWLGFIAGLI		
502 : SGP-212	: APHGVVFLHVTVYVP	534 : SGP-244	: IWLGFIAGLIAIVMV		

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31754 : Rack A

DESCRIPTION : 117 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
1	9	17	25	33	41	49	57	65	73	81	89
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
2	10	18	26	34	42	50	58	66	74	82	90
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
3	11	19	27	35	43	51	59	67	75	83	91
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
4	12	20	28	36	44	52	60	68	76	84	92
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
5	13	21	29	37	45	53	61	69	77	85	93
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
6	14	22	30	38	46	54	62	70	78	86	94
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
7	15	23	31	39	47	55	63	71	79	87	
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
8	16	24	32	40	48	56	64	72	80	88	

- | | | |
|-------------------------------|--------------------------------|--|
| 1 : sp-9 : NNRNFLYIIKLI FLW | 33 : sp-41 : IGNYKLNTDHSSSSD | 65 : np-30 : IGTRNPANNAI VLQ |
| 2 : sp-10 : LYIIKLI FLWLLWPV | 34 : sp-42 : LNTDHSSSSDNIALL | 66 : np-31 : PANNAI VLQLPQGT |
| 3 : sp-11 : LIFLWLLWPVTLACF | 35 : sp-43 : TDHSSSSDNIALLVQ | 67 : np-32 : AIVLQLPQGTTL PKG |
| 4 : sp-12 : LLWPVTLACFVLA AV | 36 : np-1 : MSDNGPQNQRNAPRI | 68 : np-33 : LPQGTTL PKGFYAEG |
| 5 : sp-13 : TLACFVLA AVYRINW | 37 : np-2 : PQNQRNAPRITFGGP | 69 : np-34 : TLPKGFYAEGSRGGS |
| 6 : sp-14 : VLA AVYRINWITGGI | 38 : np-3 : NAPRITFGG PSDSTG | 70 : np-35 : FYAEGSRGGSQASSR |
| 7 : sp-15 : YRINWITGGIAIAMA | 39 : np-4 : TFGG PSDSTG SNQNG | 71 : np-36 : SRGGSQASSR SSSRS |
| 8 : sp-16 : ITGGIAIAMA CLVGL | 40 : np-5 : SDSTG SNQNGERSGA | 72 : np-37 : QASSR SSSRSRNSSR |
| 9 : sp-17 : AIAMACL VGLMWLSY | 41 : np-6 : SNQNGERSGARSQR | 73 : np-38 : SSSRSRNSRNSTPG |
| 10 : sp-18 : CLVGLMWLSYFIASF | 42 : np-7 : ERSGARSQR RPQGL | 74 : np-39 : RNSSRNSTPGSSRGT |
| 11 : sp-19 : MWLSYFIASFRLFAR | 43 : np-8 : RSKQR RPQGLPNNTA | 75 : np-40 : NSTPGSSRGTSPARM |
| 12 : sp-20 : FIASFRLFARTRSMW | 44 : np-9 : RPQGLPNNTASWFTA | 76 : np-41 : SSRGTSPARMAGNGG |
| 13 : sp-21 : RLFARTRSMWSFNPE | 45 : np-10 : PNTASWFTALTQHG | 77 : np-42 : SPARMAGNGGDAALA |
| 14 : sp-22 : TRSMWSFNPETNILL | 46 : np-11 : SWFTALTQHGKEDLK | 78 : np-43 : AGNGGDAALALLLLD |
| 15 : sp-23 : SFNPETNILLNVP LH | 47 : np-12 : LTQHGKEDLK FPRGQ | 79 : np-44 : DAALALLLLDRLNQL |
| 16 : sp-24 : TNILLNVP LHGTILT | 48 : np-13 : KEDLK FPRGQGV PIN | 80 : np-45 : LLLLDRLNQL ES KM S |
| 17 : sp-25 : NVPLHGTILTRP LLE | 49 : np-14 : FPRGQGV PINTNSSP | 81 : np-46 : RLNQL ES KM S G K G Q Q |
| 18 : sp-26 : GTILTRP LLESELVI | 50 : np-15 : GVPINTNSSPDDQIG | 82 : np-47 : ES KM S G K G Q Q Q Q Q T |
| 19 : sp-27 : RPLLESELVIGAVIL | 51 : np-16 : TNSSPDDQIGY YRRA | 83 : np-48 : GKGQQQQQGT VTKKS |
| 20 : sp-28 : SELVIGAVILRGHLR | 52 : np-17 : DDQIGY YRRATRRIR | 84 : np-49 : QQQQGT VTKKSAAEAS |
| 21 : sp-29 : GAVILRGHLRIAGHH | 53 : np-18 : YYRATRRIRGGDGK | 85 : np-50 : VTKKSAAEASKKPRQ |
| 22 : sp-30 : RGHLRIAGHHLRGCD | 54 : np-19 : TRRIRGGDGKMKDLS | 86 : np-51 : AA EASKKPRQKRTAT |
| 23 : sp-31 : IAGHHLRGCDIKDLP | 55 : np-20 : GGDGKMKDLSPRWYF | 87 : np-52 : KKRQKRTATKAYNV |
| 24 : sp-32 : LGRCDIKDLPKEITV | 56 : np-21 : MKDLSPRWYFY YLGT | 88 : np-53 : KRTATKAYNV TQAFG |
| 25 : sp-33 : IKDLPKEITVATSRT | 57 : np-22 : PRWYFY YLGTGPEAG | 89 : np-54 : KAYNV TQAFGRGPE |
| 26 : sp-34 : KEITVATSRTLSYYK | 58 : np-23 : YYLGTGPEAGLPYGA | 90 : np-55 : TQAFGRGPEQTQGN |
| 27 : sp-35 : ATSRTLSYYKLGASQ | 59 : np-24 : GPEAGLPY GANKDGI | 91 : np-56 : RRGPEQTQGNFGDQE |
| 28 : sp-36 : LSYYKLGASQRVAGD | 60 : np-25 : LPY GANKDGI IWVAT | 92 : np-57 : QTQGNFGDQELIRQG |
| 29 : sp-37 : LGASQRVAGDSGFAA | 61 : np-26 : NKDGI IWVATEGALN | 93 : np-58 : FGDQELIRQGT DYKH |
| 30 : sp-38 : RVAGDSGFAAYSRYR | 62 : np-27 : IWVATEGALNTPKDH | 94 : np-59 : LIRQGT DYKHW P Q I A |
| 31 : sp-39 : SGFAAYSRYRIGNYK | 63 : np-28 : EGALNTPKDH I GTRN | |
| 32 : sp-40 : YSRYRIGNYK LNTDH | 64 : np-29 : TPKDH I GTRNPANNA | |

RACK LAYOUT FOR SYNTHESIS :

31754 : Rack B

DESCRIPTION : 117 peptides based on sequences provided.

COMMENTS: Peptides despatched dried down.
All controls have been removed for QC testing.

A1	A2	A3	A4	A5	A6	A7	A8	A9	A10	A11	A12
95	103	111									
B1	B2	B3	B4	B5	B6	B7	B8	B9	B10	B11	B12
96	104	112									
C1	C2	C3	C4	C5	C6	C7	C8	C9	C10	C11	C12
97	105	113									
D1	D2	D3	D4	D5	D6	D7	D8	D9	D10	D11	D12
98	106	114									
E1	E2	E3	E4	E5	E6	E7	E8	E9	E10	E11	E12
99	107	115									
F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12
100	108	116									
G1	G2	G3	G4	G5	G6	G7	G8	G9	G10	G11	G12
101	109	117									
H1	H2	H3	H4	H5	H6	H7	H8	H9	H10	H11	H12
102	110										

- 95 : np-60 : TDYKHWPQIAQFAPS
- 96 : np-61 : WPQIAQFAPSASAFF
- 97 : np-62 : QFAPSASAFFGMSRI
- 98 : np-63 : ASAFFGMSRIGMEVT
- 99 : np-64 : GMSRIGMEVTPSGTW
- 100 : np-65 : GMEVTPSGTWLTYTG
- 101 : np-66 : PSGTWLTYTGAIKLD
- 102 : np-67 : LTYTGAIKLDDKDPN
- 103 : np-68 : AIKLDDKDPNFKDQV
- 104 : np-69 : DKDPNFKDQVILLNK
- 105 : np-70 : FKDQVILLNKHIDAY
- 106 : np-71 : ILLNKHIDAYKTFPP
- 107 : np-72 : HIDAYKTFPPTEPKK
- 108 : np-73 : KTFPPTEPKKDKKKK
- 109 : np-74 : TEPKKDKKKKADETQ
- 110 : np-75 : DKKKKADETQALPQR
- 111 : np-76 : ADETQALPQRQKKQQ
- 112 : np-77 : ALPQRQKKQQTVTLL
- 113 : np-78 : QKKQQTVTLLPAADL
- 114 : np-79 : TVTLLPAADLDDFSK
- 115 : np-80 : PAADLDDFSKQLQQS
- 116 : np-81 : DDFSKQLQQSMSSAD
- 117 : np-82 : KQLQQSMSSADSTQA