

Supplementary table 6 - Overlapping differentially expressed genes between the subchondral bone and the articular cartilage with similar direction of effect

Ensembl ID	Gene name	Subchondral bone		Articular Cartilage	
		Fold change	FDR	Fold change	FDR
ENSG0000002745	WNT16	4,35	6,88E-04	8,48	1,10E-13
ENSG0000005059	MCUB	1,20	3,77E-02	1,48	1,65E-04
ENSG0000006016	CRLF1	2,32	2,86E-02	3,04	2,96E-10
ENSG0000006327	TNFRSF12A	1,50	2,31E-02	2,68	1,14E-08
ENSG00000038427	VCAN	1,53	6,51E-03	2,06	5,57E-06
ENSG00000039560	RAI14	1,18	2,44E-02	1,73	5,56E-06
ENSG00000050165	DKK3	1,51	1,67E-02	1,60	4,51E-04
ENSG00000055163	CYFIP2	1,27	2,14E-02	2,05	9,36E-08
ENSG00000058262	SEC61A1	1,19	1,68E-02	1,13	1,92E-03
ENSG00000066697	MSANTD3	1,30	2,28E-02	1,38	2,03E-02
ENSG00000069849	ATP1B3	1,29	6,54E-03	1,28	9,39E-03
ENSG00000070669	ASNS	1,34	1,81E-03	1,31	1,29E-02
ENSG00000070882	OSBPL3	1,20	8,66E-03	1,63	7,32E-04
ENSG00000074695	LMAN1	1,20	3,86E-03	1,37	6,77E-03
ENSG00000075651	PLD1	1,15	1,72E-02	1,68	3,14E-05
ENSG00000077092	RARB	1,26	1,98E-02	1,69	1,13E-04
ENSG00000078098	FAP	2,05	1,14E-02	1,69	1,09E-03
ENSG00000082153	BZW1	1,18	3,07E-02	1,36	1,91E-02
ENSG00000086598	TMED2	1,18	1,66E-03	1,22	4,85E-02
ENSG00000089685	BIRC5	1,59	3,77E-02	2,30	2,12E-03
ENSG00000090520	DNAJB11	1,16	1,86E-02	1,39	3,14E-05
ENSG00000090530	P3H2	1,37	1,14E-02	3,23	4,71E-18
ENSG00000093167	LRRFIP2	1,24	3,81E-03	1,37	7,76E-06
ENSG00000095752	IL11	4,16	2,44E-03	22,80	1,53E-20
ENSG00000095777	MYO3A	2,44	1,27E-02	2,25	1,16E-04
ENSG00000099194	SCD	1,50	2,54E-02	1,27	2,70E-02
ENSG00000100473	COCH	1,46	4,21E-02	3,30	1,01E-08
ENSG00000103942	HOMER2	1,32	2,33E-02	1,93	2,20E-06
ENSG00000104415	CCN4	1,58	5,46E-03	1,92	4,06E-05
ENSG00000104635	SLC39A14	1,38	4,10E-02	1,65	4,42E-07
ENSG00000104723	TUSC3	1,25	2,99E-02	1,18	4,17E-02
ENSG00000106105	GARS	1,25	9,60E-03	1,30	1,54E-03
ENSG00000106809	OGN	3,43	4,62E-03	2,00	1,02E-03
ENSG00000106819	ASPN	3,17	3,56E-03	1,65	3,04E-02
ENSG00000107249	GLIS3	1,45	5,95E-03	1,88	1,02E-05
ENSG00000108039	XPNPEP1	1,13	2,30E-02	1,20	5,03E-03
ENSG00000111669	TPI1	1,20	2,01E-02	1,25	3,54E-03
ENSG00000112210	RAB23	1,25	9,60E-03	1,56	3,22E-04
ENSG00000112394	SLC16A10	1,74	3,55E-02	1,68	3,28E-05
ENSG00000112984	KIF20A	1,97	2,22E-02	1,59	4,44E-02
ENSG00000113273	ARSB	1,31	2,88E-02	1,37	2,78E-04
ENSG00000113407	TARS	1,17	1,40E-02	1,24	3,56E-02

ENSG00000113448	PDE4D	1,19	3,26E-02	1,43	5,18E-03
ENSG00000113732	ATP6V0E1	1,25	2,44E-03	1,26	3,98E-02
ENSG00000114541	FRMD4B	1,14	1,26E-02	1,26	2,08E-02
ENSG00000114999	TTL	1,16	1,02E-02	1,27	7,70E-04
ENSG00000116793	PHTF1	1,17	4,68E-02	1,31	4,71E-05
ENSG00000117410	ATP6V0B	1,26	1,18E-02	1,38	4,03E-03
ENSG00000118515	SGK1	1,21	2,43E-02	2,10	7,52E-07
ENSG00000118785	SPP1	1,36	4,81E-02	3,14	8,98E-07
ENSG00000118849	RARRES1	1,77	2,50E-03	1,53	9,99E-03
ENSG00000120149	MSX2	1,64	3,13E-02	2,44	2,45E-05
ENSG00000120254	MTHFD1L	1,35	8,59E-03	1,73	3,77E-08
ENSG00000120659	TNFSF11	1,46	3,89E-02	2,40	2,83E-07
ENSG00000123610	TNFAIP6	1,93	1,03E-03	3,58	2,48E-08
ENSG00000124172	ATP5F1E	1,17	3,56E-03	1,37	4,54E-02
ENSG00000125144	MT1G	2,16	2,50E-02	1,97	1,72E-04
ENSG00000127080	IPPK	1,18	3,11E-02	1,42	3,51E-06
ENSG00000127083	OMD	1,57	2,72E-02	1,79	1,12E-02
ENSG00000128595	CALU	1,30	6,52E-03	1,41	2,07E-02
ENSG00000131480	AOC2	1,38	1,47E-02	2,23	3,57E-10
ENSG00000132646	PCNA	1,20	7,06E-03	1,23	4,59E-02
ENSG00000133110	POSTN	2,04	3,44E-02	2,06	3,20E-02
ENSG00000134121	CHL1	1,18	3,30E-02	2,30	4,74E-02
ENSG00000134198	TSPAN2	1,64	1,51E-02	2,42	1,51E-08
ENSG00000134259	NGF	1,36	3,26E-02	4,91	2,53E-14
ENSG00000134824	FADS2	1,30	4,72E-02	1,29	5,26E-03
ENSG00000134851	TMEM165	1,14	3,53E-02	1,20	3,14E-02
ENSG00000135148	TRAFD1	1,13	2,72E-02	1,20	7,07E-03
ENSG00000135404	CD63	1,18	3,08E-03	1,30	4,17E-02
ENSG00000136010	ALDH1L2	1,38	2,48E-02	1,28	4,44E-02
ENSG00000136052	SLC41A2	1,27	2,00E-02	1,37	2,09E-02
ENSG00000136261	BZW2	1,23	5,92E-03	1,25	3,18E-02
ENSG00000136628	EPRS	1,15	1,10E-02	1,26	4,42E-02
ENSG00000136731	UGGT1	1,11	3,49E-02	1,21	1,82E-03
ENSG00000137269	LRRC1	1,15	3,31E-02	1,63	7,10E-13
ENSG00000137563	GGH	1,25	4,68E-02	1,36	2,29E-02
ENSG00000138018	SELENOI	1,18	3,54E-02	1,44	9,95E-03
ENSG00000139173	TMEM117	1,31	8,59E-03	1,29	6,61E-03
ENSG00000139329	LUM	1,73	1,03E-02	1,57	1,32E-02
ENSG00000139998	RAB15	1,41	4,52E-02	1,28	2,65E-02
ENSG00000140367	UBE2Q2	1,17	3,04E-02	1,22	3,44E-02
ENSG00000140470	ADAMTS17	1,31	2,56E-02	1,34	1,61E-02
ENSG00000142149	HUNK	1,71	4,91E-02	1,94	1,04E-03
ENSG00000143061	IGSF3	1,71	1,92E-02	1,53	2,50E-04
ENSG00000144867	SRPRB	1,36	1,89E-04	1,21	2,29E-02
ENSG00000145050	MANF	1,32	1,27E-02	1,40	6,12E-03
ENSG00000145685	LHFPL2	1,32	3,70E-03	1,29	2,92E-02
ENSG00000146386	ABRACL	1,39	9,31E-03	1,44	3,05E-02

ENSG00000147036	LANCL3	1,42	2,22E-02	1,84	3,79E-03
ENSG00000148248	SURF4	1,18	1,46E-02	1,19	4,58E-04
ENSG00000148344	PTGES	1,64	1,63E-02	3,06	3,61E-12
ENSG00000148672	GLUD1	1,10	1,98E-02	1,15	2,97E-02
ENSG00000148848	ADAM12	1,75	1,11E-03	1,98	1,85E-04
ENSG00000149090	PAMR1	1,36	4,72E-02	1,96	1,74E-06
ENSG00000149380	P4HA3	2,05	1,12E-03	1,84	1,49E-05
ENSG00000151025	GPR158	2,31	6,88E-04	2,73	3,63E-03
ENSG00000151150	ANK3	1,30	3,68E-02	2,62	6,02E-10
ENSG00000152661	GJA1	1,47	1,40E-02	1,43	3,53E-02
ENSG00000153707	PTPRD	1,47	1,54E-03	1,37	1,10E-02
ENSG00000153993	SEMA3D	1,70	1,92E-03	1,75	8,86E-05
ENSG00000154153	RETREG1	1,38	9,13E-03	1,52	3,08E-06
ENSG00000154473	BUB3	1,12	5,92E-03	1,19	4,52E-02
ENSG00000155189	AGPAT5	1,13	4,48E-02	1,29	4,84E-02
ENSG00000156466	GDF6	3,67	2,02E-02	1,58	3,19E-02
ENSG00000157680	DGKI	1,44	1,50E-02	2,07	5,49E-05
ENSG00000159200	RCAN1	1,35	4,94E-03	1,72	1,54E-04
ENSG00000160752	FDPS	1,12	3,82E-02	1,25	7,26E-03
ENSG00000162627	SNX7	1,23	4,21E-02	1,45	5,67E-03
ENSG00000163359	COL6A3	1,69	4,14E-02	1,75	2,28E-05
ENSG00000163430	FSTL1	1,30	1,52E-02	1,32	3,48E-03
ENSG00000163902	RPN1	1,15	1,12E-03	1,15	2,32E-02
ENSG00000164023	SGMS2	1,62	5,46E-03	1,48	2,13E-03
ENSG00000164294	GPX8	1,38	9,41E-03	1,30	1,65E-02
ENSG00000164405	UQCRCQ	1,21	4,67E-03	1,34	4,07E-02
ENSG00000166033	HTRA1	1,73	1,57E-02	2,39	1,65E-11
ENSG00000166562	SEC11C	1,20	4,81E-02	1,34	1,10E-02
ENSG00000166986	MARS	1,14	3,20E-02	1,29	2,18E-05
ENSG00000167306	MYO5B	1,56	3,07E-02	1,57	9,28E-04
ENSG00000169231	THBS3	1,39	3,44E-02	1,64	2,76E-06
ENSG00000169884	WNT10B	1,49	3,25E-02	3,47	1,52E-06
ENSG00000170801	HTRA3	1,65	1,03E-02	1,30	3,65E-02
ENSG00000171017	LRRRC8E	1,72	3,89E-02	1,99	1,11E-04
ENSG00000171241	SHCBP1	1,48	3,43E-02	1,73	2,94E-03
ENSG00000171314	PGAM1	1,26	4,20E-02	1,42	2,29E-03
ENSG00000171793	CTPS1	1,29	3,42E-02	1,32	5,97E-03
ENSG00000173692	PSMD1	1,11	2,83E-02	1,32	1,43E-02
ENSG00000173917	HOXB2	1,35	4,98E-02	2,16	3,99E-04
ENSG00000174851	YIF1A	1,16	3,81E-02	1,25	6,08E-03
ENSG00000175324	LSM1	1,17	4,69E-02	1,23	2,25E-02
ENSG00000178752	ERFE	1,87	1,63E-02	3,44	8,82E-12
ENSG00000180447	GAS1	1,33	3,74E-02	1,38	3,13E-03
ENSG00000182220	ATP6AP2	1,16	1,11E-02	1,37	6,13E-03
ENSG00000183255	PTTG1IP	1,17	7,53E-03	1,15	4,54E-03
ENSG00000185483	ROR1	1,23	3,85E-02	1,77	3,21E-04
ENSG00000196154	S100A4	1,28	2,00E-02	1,83	2,79E-04

ENSG00000196305	IARS	1,21	4,28E-03	1,32	2,85E-03
ENSG00000196352	CD55	1,46	2,48E-02	2,96	1,05E-14
ENSG00000198018	ENTPD7	1,35	1,73E-02	1,52	3,21E-03
ENSG00000198729	PPP1R14C	2,19	1,14E-02	2,52	1,33E-11
ENSG00000198856	OSTC	1,46	1,44E-03	1,48	1,02E-02
ENSG00000213694	S1PR3	1,62	6,00E-03	1,48	9,26E-03
ENSG00000230148	HOXB-AS1	2,00	1,27E-02	1,64	4,86E-02
ENSG00000238741	SCARNA7	1,20	4,33E-02	2,37	1,10E-02
ENSG00000247134	AC090204.1	1,45	4,63E-02	2,13	3,54E-02
ENSG00000252010	SCARNA5	1,15	3,80E-02	2,25	4,08E-03
ENSG00000252835	SCARNA21	1,29	7,33E-04	1,59	1,64E-02
ENSG00000263934	SNORD3A	1,27	2,01E-02	1,43	1,03E-02
ENSG00000272398	CD24	1,42	1,87E-02	1,93	1,90E-03
ENSG00000004399	PLXND1	0,85	4,10E-02	0,74	3,48E-03
ENSG00000005379	TSPOAP1	0,80	4,08E-03	0,76	3,37E-02
ENSG00000005882	PDK2	0,82	1,31E-02	0,84	1,18E-02
ENSG00000007314	SCN4A	0,65	1,89E-04	0,38	4,36E-03
ENSG00000011523	CEP68	0,87	3,25E-02	0,86	1,86E-02
ENSG00000019485	PRDM11	0,83	3,96E-02	0,78	7,39E-03
ENSG00000028528	SNX1	0,86	3,30E-02	0,84	2,05E-04
ENSG00000048540	LMO3	0,58	3,82E-03	0,28	1,67E-05
ENSG00000054598	FOXC1	0,82	2,00E-02	0,78	6,22E-03
ENSG00000054938	CHRD12	0,14	1,20E-04	0,13	7,07E-09
ENSG00000059145	UNKL	0,86	3,55E-02	0,79	2,39E-02
ENSG00000063127	SLC6A16	0,73	2,41E-02	0,62	8,91E-03
ENSG00000066735	KIF26A	0,80	3,52E-02	0,59	4,14E-04
ENSG00000069535	MAOB	0,64	2,51E-02	0,71	7,75E-04
ENSG00000071242	RPS6KA2	0,88	4,42E-02	0,72	4,03E-03
ENSG00000079482	OPHN1	0,85	1,90E-02	0,66	2,01E-03
ENSG00000082458	DLG3	0,86	4,50E-02	0,88	2,75E-02
ENSG00000085741	WNT11	0,68	3,19E-02	0,56	2,92E-02
ENSG00000087274	ADD1	0,91	2,00E-02	0,88	1,43E-03
ENSG00000088367	EPB41L1	0,71	4,71E-03	0,71	5,17E-04
ENSG00000088808	PPP1R13B	0,85	2,14E-02	0,80	1,78E-02
ENSG00000090447	TFAP4	0,79	4,93E-03	0,78	2,96E-02
ENSG00000094963	FMO2	0,63	2,56E-02	0,38	2,20E-03
ENSG00000099365	STX1B	0,56	1,54E-03	0,70	1,14E-02
ENSG00000099864	PALM	0,66	1,08E-02	0,54	2,20E-03
ENSG00000099995	SF3A1	0,88	2,01E-02	0,88	9,68E-03
ENSG00000100105	PATZ1	0,87	2,91E-02	0,77	9,26E-05
ENSG00000100307	CBX7	0,73	4,60E-03	0,76	2,13E-03
ENSG00000100399	CHADL	0,63	2,33E-02	0,63	1,29E-02
ENSG00000101493	ZNF516	0,83	2,05E-02	0,79	1,75E-02
ENSG00000102466	FGF14	0,41	1,89E-04	0,58	2,01E-04
ENSG00000105227	PRX	0,80	2,32E-02	0,50	8,87E-06
ENSG00000105357	MYH14	0,67	7,74E-03	0,58	3,01E-03
ENSG00000105997	HOXA3	0,75	4,72E-02	0,77	3,26E-02

ENSG00000106351	AGFG2	0,87	4,11E-02	0,81	4,64E-02
ENSG00000107719	PALD1	0,80	1,29E-02	0,75	1,05E-02
ENSG00000108828	VAT1	0,87	3,22E-02	0,84	2,43E-02
ENSG00000109118	PHF12	0,90	3,89E-02	0,85	3,93E-02
ENSG00000109794	FAM149A	0,70	4,87E-03	0,60	5,26E-05
ENSG00000110237	ARHGEF17	0,78	2,31E-03	0,76	3,72E-02
ENSG00000111077	TNS2	0,73	1,92E-03	0,67	7,33E-05
ENSG00000111319	SCNN1A	0,58	4,72E-02	0,76	2,22E-02
ENSG00000112294	ALDH5A1	0,83	1,99E-02	0,78	3,08E-02
ENSG00000112511	PHF1	0,82	2,44E-03	0,83	2,91E-02
ENSG00000112877	CEP72	0,79	4,34E-02	0,64	1,00E-02
ENSG00000113916	BCL6	0,81	8,59E-03	0,79	1,70E-02
ENSG00000115468	EFHD1	0,68	4,68E-03	0,76	2,54E-02
ENSG00000116016	EPAS1	0,76	5,46E-03	0,85	3,04E-02
ENSG00000116147	TNR	0,65	1,98E-02	0,44	1,08E-03
ENSG00000116584	ARHGEF2	0,86	6,33E-03	0,87	1,63E-02
ENSG00000117643	MAN1C1	0,82	3,23E-02	0,61	3,92E-04
ENSG00000121005	CRISPLD1	0,51	1,84E-02	0,36	9,29E-06
ENSG00000121057	AKAP1	0,78	2,92E-02	0,79	1,95E-03
ENSG00000123095	BHLHE41	0,77	4,45E-02	0,78	7,34E-04
ENSG00000124181	PLCG1	0,89	2,91E-02	0,79	2,34E-03
ENSG00000124440	HIF3A	0,49	2,07E-03	0,58	2,72E-02
ENSG00000126351	THRA	0,82	9,37E-03	0,86	3,14E-02
ENSG00000126368	NR1D1	0,64	1,03E-02	0,79	3,65E-02
ENSG00000126562	WNK4	0,59	7,75E-03	0,59	3,54E-03
ENSG00000128833	MYO5C	0,78	2,71E-02	0,72	1,57E-02
ENSG00000129244	ATP1B2	0,71	3,07E-02	0,51	4,47E-06
ENSG00000129353	SLC44A2	0,85	1,91E-02	0,80	2,85E-02
ENSG00000129474	AJUBA	0,85	4,92E-02	0,79	8,13E-03
ENSG00000129682	FGF13	0,72	4,46E-02	0,53	4,23E-05
ENSG00000130294	KIF1A	0,25	1,27E-02	0,37	8,64E-08
ENSG00000130787	HIP1R	0,79	3,56E-03	0,72	4,64E-03
ENSG00000132122	SPATA6	0,85	2,30E-02	0,77	2,14E-03
ENSG00000133401	PDZD2	0,77	4,60E-02	0,76	3,13E-02
ENSG00000133619	KRBA1	0,83	1,16E-02	0,68	3,43E-03
ENSG00000134363	FST	0,75	2,30E-02	0,37	1,66E-06
ENSG00000136205	TNS3	0,84	1,02E-02	0,77	1,27E-02
ENSG00000137103	TMEM8B	0,76	1,82E-02	0,67	1,82E-03
ENSG00000137285	TUBB2B	0,68	1,46E-02	0,65	2,55E-04
ENSG00000137941	TTLL7	0,69	1,75E-02	0,68	8,43E-04
ENSG00000137962	ARHGAP29	0,79	3,21E-02	0,66	6,16E-03
ENSG00000139651	ZNF740	0,90	1,93E-02	0,84	6,41E-03
ENSG00000140538	NTRK3	0,70	3,56E-03	0,31	2,64E-05
ENSG00000140577	CRTC3	0,86	2,14E-02	0,87	3,26E-02
ENSG00000141469	SLC14A1	0,53	1,71E-02	0,51	7,05E-06
ENSG00000142611	PRDM16	0,74	2,72E-02	0,42	1,93E-05
ENSG00000143409	MINDY1	0,88	9,05E-03	0,72	1,18E-02

ENSG00000143842	SOX13	0,75	2,06E-03	0,64	6,94E-03
ENSG00000144749	LRIG1	0,75	2,22E-02	0,60	4,71E-07
ENSG00000144791	LIMD1	0,93	3,88E-02	0,82	3,14E-02
ENSG00000144891	AGTR1	0,72	3,83E-02	0,54	1,04E-03
ENSG00000144908	ALDH1L1	0,69	4,81E-02	0,49	7,24E-07
ENSG00000145687	SSBP2	0,86	2,63E-02	0,81	1,46E-02
ENSG00000146122	DAAM2	0,83	3,16E-02	0,71	4,48E-03
ENSG00000146278	PNRC1	0,87	2,69E-02	0,83	2,95E-03
ENSG00000148337	CIZ1	0,85	2,22E-02	0,87	2,91E-02
ENSG00000149499	EML3	0,89	4,24E-02	0,78	1,65E-02
ENSG00000149577	SIDT2	0,85	1,74E-02	0,82	3,34E-02
ENSG00000150938	CRIM1	0,72	1,54E-03	0,56	1,91E-07
ENSG00000152284	TCF7L1	0,70	4,16E-03	0,57	7,65E-06
ENSG00000152465	NMT2	0,83	2,73E-02	0,78	5,75E-04
ENSG00000153902	LGI4	0,76	2,40E-02	0,42	1,07E-06
ENSG00000154358	OBSCN	0,81	2,65E-02	0,60	7,75E-04
ENSG00000156463	SH3RF2	0,66	2,30E-02	0,59	1,74E-03
ENSG00000157216	SSBP3	0,85	2,65E-02	0,80	1,82E-03
ENSG00000159307	SCUBE1	0,56	1,27E-04	0,42	2,15E-06
ENSG00000162654	GBP4	0,80	4,83E-03	0,51	3,22E-05
ENSG00000162998	FRZB	0,53	3,99E-07	0,27	1,87E-09
ENSG00000163050	COQ8A	0,87	1,49E-02	0,81	2,69E-02
ENSG00000163697	APBB2	0,83	4,16E-02	0,79	2,43E-02
ENSG00000163864	NMNAT3	0,73	2,13E-02	0,74	1,86E-02
ENSG00000163884	KLF15	0,63	6,46E-04	0,65	4,76E-04
ENSG00000164442	CITED2	0,78	3,25E-02	0,79	6,00E-05
ENSG00000165626	BEND7	0,79	3,85E-02	0,76	4,06E-02
ENSG00000165757	JCAD	0,73	3,52E-03	0,67	6,77E-05
ENSG00000165795	NDRG2	0,70	6,55E-03	0,62	1,83E-06
ENSG00000166816	LDHD	0,80	3,07E-02	0,63	2,53E-03
ENSG00000166888	STAT6	0,88	5,92E-03	0,85	1,14E-02
ENSG00000167037	SGSM1	0,63	2,89E-03	0,47	1,30E-06
ENSG00000167191	GPRC5B	0,79	6,52E-03	0,49	3,32E-07
ENSG00000169302	STK32A	0,76	1,66E-02	0,56	2,18E-05
ENSG00000170088	TMEM192	0,90	3,19E-02	0,81	1,42E-02
ENSG00000170271	FAXDC2	0,78	4,88E-03	0,74	9,20E-04
ENSG00000171798	KNDC1	0,63	1,63E-02	0,70	3,23E-02
ENSG00000172840	PDP2	0,86	3,43E-02	0,76	2,72E-02
ENSG00000173267	SNCG	0,62	1,87E-02	0,61	5,06E-04
ENSG00000176438	SYNE3	0,85	2,88E-02	0,71	5,33E-03
ENSG00000179399	GPC5	0,43	1,27E-04	0,36	1,47E-08
ENSG00000179542	SLITRK4	0,70	2,06E-03	0,53	1,95E-03
ENSG00000179981	TSHZ1	0,85	2,14E-02	0,68	4,72E-06
ENSG00000181513	ACBD4	0,81	7,44E-03	0,74	6,83E-03
ENSG00000182473	EXOC7	0,94	4,95E-02	0,91	1,76E-02
ENSG00000183111	ARHGEF37	0,77	1,92E-02	0,68	1,45E-03
ENSG00000183779	ZNF703	0,73	2,30E-02	0,62	1,86E-03

ENSG00000185561	TLCD2	0,75	1,82E-02	0,71	3,16E-02
ENSG00000185950	IRS2	0,66	1,57E-02	0,75	2,43E-02
ENSG00000186350	RXRA	0,83	1,08E-02	0,75	5,88E-03
ENSG00000186377	CYP4X1	0,66	1,54E-02	0,50	1,92E-03
ENSG00000187244	BCAM	0,72	2,50E-03	0,64	4,42E-02
ENSG00000187595	ZNF385C	0,51	3,82E-03	0,43	2,30E-06
ENSG00000188763	FZD9	0,56	2,30E-02	0,64	6,02E-03
ENSG00000189056	RELN	0,53	2,56E-02	0,22	7,37E-12
ENSG00000189129	PLAC9	0,80	3,74E-02	0,66	6,92E-03
ENSG00000196104	SPOCK3	0,24	3,41E-04	0,22	1,56E-09
ENSG00000197442	MAP3K5	0,84	1,84E-03	0,74	6,92E-03
ENSG00000198369	SPRED2	0,78	7,26E-03	0,78	5,00E-03
ENSG00000205726	ITSN1	0,84	3,76E-02	0,65	9,33E-05
ENSG00000211445	GPX3	0,67	2,87E-02	0,64	1,91E-05
ENSG00000223561	AC005165.1	0,43	1,20E-04	0,45	5,31E-04
ENSG00000225032	AL162586.1	0,73	3,19E-02	0,75	2,31E-02
ENSG00000233622	CYP2T1P	0,66	2,59E-02	0,72	1,23E-02
ENSG00000242732	RTL5	0,78	1,24E-02	0,72	4,11E-03
ENSG00000256995	AC084816.1	0,38	2,20E-02	0,45	2,20E-05
ENSG00000257337	AC068888.1	0,76	1,23E-02	0,69	7,24E-06
ENSG00000259916	AL845331.2	0,46	3,16E-02	0,34	3,50E-02
ENSG00000260139	CSPG4P13	0,67	3,75E-03	0,59	1,86E-02
ENSG00000263155	MYZAP	0,60	1,55E-02	0,47	3,56E-04
ENSG00000265972	TXNIP	0,78	2,83E-02	0,77	6,64E-03
ENSG00000275023	MLLT6	0,85	3,75E-03	0,81	1,91E-02
ENSG00000275395	FCGBP	0,71	2,37E-02	0,55	1,82E-03
ENSG00000277449	CEBPB-AS1	0,74	2,00E-02	0,69	7,14E-03
ENSG00000280339	AP001528.3	0,66	2,65E-02	0,38	1,28E-06