

**Supplementary Table 3. Significant genes identified to be differentially expressed in podocytes exposed to plasma from SSNS and SRNS compared to that of healthy controls**

SI No.	Gene symbol	Entrez IDs	Log fold change in SSNS	Log fold change in SRNS
<b>Common genes</b>				
1	<i>EGR2</i>	1959	2.90	2.82
2	<i>FOSB</i>	2354	3.21	2.76
3	<i>EGR1</i>	1958	3.04	2.36
4	<i>NR4A3</i>	8013	2.39	2.23
5	<i>TMEM88</i>	92162	1.65	2.17
6	<i>BHLHE40</i>	8553	1.66	2.00
7	<i>IL11</i>	3589	1.33	1.92
8	<i>ID1</i>	3397	1.97	1.87
9	<i>DLX2</i>	1746	1.33	1.87
10	<i>SNAI1</i>	6615	1.59	1.86
11	<i>GADD45B</i>	4616	1.44	1.81
12	<i>RASD1</i>	51655	1.44	1.78
13	<i>DUSP1</i>	1843	1.69	1.65
14	<i>KLF10</i>	7071	1.39	1.62
15	<i>JUNB</i>	7326	1.23	1.59
16	<i>CSRNP1</i>	64651	1.76	1.55
17	<i>GPR183</i>	1880	1.40	1.48
18	<i>RPL29</i>	6159	1.32	1.48
19	<i>DUSP5</i>	1847	1.30	1.41
20	<i>SMAD7</i>	4092	1.21	1.36
21	<i>ZFP36</i>	7538	1.32	1.30
22	<i>ID3</i>	3399	1.99	1.26
23	<i>IFI6</i>	2537	1.24	1.25
24	<i>A_33_P3413997</i>	-	1.20	1.19
25	<i>IFI44L</i>	10964	1.12	1.18
26	<i>BCL3</i>	602	1.01	1.12
27	<i>LINC00473</i>	90632	1.33	1.10
28	<i>IFIT3</i>	3437	1.17	1.08
29	<i>OASL</i>	8638	1.04	1.07
30	<i>MX2</i>	4600	1.12	1.02
31	<i>XLOC_001300</i>	-	-1.03	-1.00
32	<i>LOC389791</i>	389791	-1.14	-1.00
33	<i>A_33_P3223860</i>	-	-1.30	-1.04
34	<i>FFAR3</i>	2865	-1.15	-1.05
35	<i>XLOC_010037</i>	-	-1.09	-1.09
36	<i>XLOC_005166</i>	-	-1.03	-1.10
37	<i>URM1</i>	81605	-1.05	-1.16
38	<i>XLOC_001286</i>	-	-1.11	-1.16
39	<i>LOC644656</i>	644656	-1.31	-1.26
40	<i>LOC100506458</i>	100506458	-1.39	-1.27
41	<i>CD6</i>	923	-1.32	-1.29
42	<i>SNTG2</i>	54221	-1.39	-1.30
43	<i>LAMC3</i>	10319	-1.19	-1.33
44	<i>LOC100505976</i>	100505976	-1.34	-1.36
45	<i>PYHIN1</i>	149628	-1.32	-1.37
46	<i>XLOC_004530</i>	-	-1.61	-1.50

**Supplementary Table 3. Continued**

SI No.	Gene symbol	Entrez IDs	Log fold change in SSNS	Log fold change in SRNS
47	<i>A_33_P3287388</i>	-	-1.64	-1.61
48	<i>SYPL2</i>	284612	-1.91	-1.65
49	<i>XLOC_005102</i>	-	-1.65	-1.78
50	<i>ENST00000359888</i>	-	-1.72	-1.81
51	<i>OR4D11</i>	219986	-2.22	-2.26
52	<i>RASL12</i>	51285	-2.43	-2.55
53	<i>XLOC_003475</i>	-	-3.94	-4.06
54	<i>ZIC1</i>	7545	-4.13	-4.10
55	<i>SNORD115-1</i>	338433	-4.97	-5.11
<b>Unique to SSNS</b>				
56	<i>EGR4</i>	1961	2.04	1.40
57	<i>FOS</i>	2353	1.99	1.12
58	<i>SOC53</i>	9021	1.94	1.35
59	<i>CACNA1D</i>	776	1.66	0.08
60	<i>PER1</i>	5187	1.51	1.46
61	<i>DDIT4</i>	54541	1.48	1.04
62	<i>DDIT3</i>	1649	1.43	0.84
63	<i>XLOC_000699</i>	-	1.41	0.29
64	<i>HES1</i>	3280	1.38	0.99
65	<i>TNF</i>	7124	1.34	0.47
66	<i>EGR3</i>	1960	1.33	0.91
67	<i>GABARAPL1</i>	23710	1.31	0.28
68	<i>CXCL2</i>	2920	1.19	0.15
69	<i>IER2</i>	9592	1.19	0.88
70	<i>CLCF1</i>	23539	1.15	0.91
71	<i>ID12-AS1</i>	55853	1.14	0.72
72	<i>NFKBID</i>	84807	1.10	0.37
73	<i>WNK2</i>	65268	1.07	0.05
74	<i>HBEGF</i>	1839	1.06	0.62
75	<i>OAS2</i>	4939	1.11	0.37
76	<i>ZBTB24</i>	9841	1.03	0.01
77	<i>XLOC_I2_000018</i>	-	1.03	0.06
78	<i>BST2</i>	684	1.40	0.82
79	<i>NUAK2</i>	81788	1.02	0.17
80	<i>CHAC1</i>	79094	1.22	-0.04
81	<i>IFI35</i>	3430	1.00	0.63
82	<i>EMR3</i>	-	1.00	0.22
83	<i>UGT2A3</i>	79799	-1.00	-0.87
84	<i>XLOC_005847</i>	-	-1.00	-0.87
85	<i>XLOC_006664</i>	-	-1.01	-1.15
86	<i>SNORD38B</i>	94163	-1.02	-0.74
87	<i>XLOC_I2_003856</i>	-	-1.04	-0.68
88	<i>DPRXP4</i>	503645	-1.04	-0.81
89	<i>AK091251</i>	-	-1.05	-0.83
90	<i>FKBP1A</i>	2280	-1.07	-0.12
91	<i>LOC100507404</i>	100507404	-1.07	-0.97
92	<i>KCNQ1</i>	3784	-1.08	-0.98
93	<i>XLOC_007433</i>	-	-1.08	-0.72

Supplementary Table 3. Continued

SI No.	Gene symbol	Entrez IDs	Log fold change in SSNS	Log fold change in SRNS
94	<i>ENST00000508993</i>	-	-1.08	-0.58
95	<i>PRINS</i>	100169750	-1.11	-0.98
96	<i>XLOC_I2_000636</i>	-	-1.11	-0.96
97	<i>XLOC_013498</i>	-	-1.11	-1.09
98	<i>LOC728606</i>	728606	-1.19	-1.17
99	<i>ENST00000330439</i>	-	-1.21	-0.50
100	<i>FLJ11710</i>	79904	-1.22	-0.94
101	<i>XLOC_007502</i>	-	-1.32	-1.46
102	<i>LOC285456</i>	285456	-1.33	-1.39
103	<i>BPNT1</i>	10380	-1.45	-1.37
104	<i>XLOC_000429</i>	-	-3.54	-2.56
<b>Unique to SRNS</b>				
105	<i>LOC100506924</i>		0.19	2.76
106	<i>LCE3C</i>	353144	0.00	2.44
107	<i>X56665</i>		0.32	2.28
108	<i>XLOC_010843</i>		-0.01	1.91
109	<i>PCDHGA9</i>	56107	-0.13	1.85
110	<i>XLOC_004959</i>		0.07	1.82
111	<i>ATP2A1</i>	487	0.35	1.80
112	<i>DKFZp451A211</i>		0.66	1.76
113	<i>SIK1</i>	150094	0.83	1.66
114	<i>SLC19A2</i>	10560	0.83	1.64
115	<i>TSC22D3</i>	1831	0.62	1.59
116	<i>DCUN1D2</i>	55208	0.08	1.59
117	<i>LINC00312</i>	29931	0.79	1.56
118	<i>XLOC_I2_006704</i>		0.67	1.53
119	<i>GPNMB</i>	10457	0.19	1.41
120	<i>KLF9</i>	687	0.96	1.36
121	<i>CAMKK1</i>	84254	0.66	1.34
122	<i>XLOC_001070</i>	-	-0.13	1.31
123	<i>XLOC_I2_007928</i>	-	0.74	1.30
124	<i>NPTX1</i>	4884	0.28	1.29
125	<i>GDF6</i>	392255	-0.01	1.29
126	<i>RGS2</i>	5997	0.35	1.28
127	<i>PHF8</i>	23582	0.88	1.27
128	<i>KLF4</i>	9314	0.80	1.22
129	<i>OTUD5</i>	55593	0.31	1.17
130	<i>BCOR</i>	54880	0.34	1.17
131	<i>AVPR1A</i>	552	0.28	1.16
132	<i>ING1</i>	3621	0.66	1.16
133	<i>RSAD2</i>	91543	0.98	1.14
134	<i>ANGPTL4</i>	51129	0.56	1.12
135	<i>XLOC_012017</i>		0.01	1.12
136	<i>IFITM1</i>	8519	0.96	1.14
137	<i>ENST00000526254</i>	646522	0.11	1.10
138	<i>CD518305</i>	-	-0.04	1.10
139	<i>CHRNA3</i>	1136	0.07	1.08
140	<i>RAB42</i>	115273	0.57	1.07
141	<i>PDGFB</i>	5155	0.78	1.06
142	<i>EYS</i>	346007	0.35	1.05
143	<i>FAM43A</i>	131583	0.58	1.04

Supplementary Table 3. Continued

SI No.	Gene symbol	Entrez IDs	Log fold change in SSNS	Log fold change in SRNS
145	<i>C15orf39</i>	56905	0.77	1.02
146	<i>XAF1</i>	54739	0.83	1.02
147	<i>RASGEF1B</i>	153020	0.82	1.02
148	<i>XLOC_001784</i>	-	-0.01	1.01
149	<i>TRIB1</i>	10221	0.69	1.01
150	<i>TIPARP</i>	25976	0.97	1.00
151	<i>CXCR7</i>	57007	0.49	1.00
152	<i>MTRNR2L2</i>	100462981	0.15	-1.00
153	<i>EPM2AIP1</i>	9852	-0.56	-1.01
154	<i>LYPD6</i>	130574	-0.25	-1.02
155	<i>C7orf55</i>	154791	-0.33	-1.03
156	<i>FAM185A</i>	222234	-0.06	-1.03
157	<i>COASY</i>	80347	0.08	-1.03
158	<i>A_24_P349547</i>	-	0.03	-1.03
159	<i>A_24_P606663</i>	100129882	0.22	-1.05
160	<i>LRRD1</i>	401387	0.08	-1.05
161	<i>POLH</i>	5429	-0.03	-1.05
162	<i>CCNDBP1</i>	23582	-0.11	-1.05
163	<i>SET</i>	6418	0.40	-1.06
164	<i>ANKRD6</i>	22881	-0.09	-1.07
165	<i>LOC100507567</i>	-	-0.05	-1.08
166	<i>ENST00000459691</i>	-	-0.57	-1.08
167	<i>A_33_P3329991</i>	-	-0.30	-1.08
168	<i>CETN3</i>	1070	-0.16	-1.10
169	<i>LOC100507547</i>	100507547	-0.17	-1.11
170	<i>A_33_P3382887</i>	-	-0.61	-1.11
171	<i>GALT</i>	2592	0.11	-1.12
172	<i>AQP7P1</i>	375719	0.11	-1.16
173	<i>TRIM66</i>	9866	-0.26	-1.17
174	<i>ENST00000377803</i>	8364	-0.60	-1.17
175	<i>PPFIBP1</i>	8496	0.02	-1.17
176	<i>PAN3-AS1</i>	100288730	-0.59	-1.17
177	<i>UNK</i>	85451	0.03	-1.19
178	<i>A_33_P3316379</i>	-	0.02	-1.20
179	<i>LOC100652804</i>	-	-0.45	-1.20
180	<i>KCNJ2</i>	3759	-0.39	-1.21
181	<i>RPS12</i>	6206	-0.07	-1.21
182	<i>LOC100289230</i>	100289230	-0.64	-1.32
183	<i>UQCRBP1</i>	442454	0.06	-1.35
184	<i>KIAA0754</i>	643314	-0.54	-1.43
185	<i>THC2554858</i>	-	0.07	-1.49
186	<i>STK19</i>	8859	0.78	-1.59
187	<i>PGAM4</i>	441531	-0.38	-1.95

SI. No 1-55 comprises of significant DEGs common to both the diseased groups. SI. No 56- 104 are significant only in SSNS group while SI. No 105-187 are significant only in SRNS group.

SSNS, steroid-susceptible nephrotic syndrome; SRNS, steroid-resistant nephrotic syndrome.