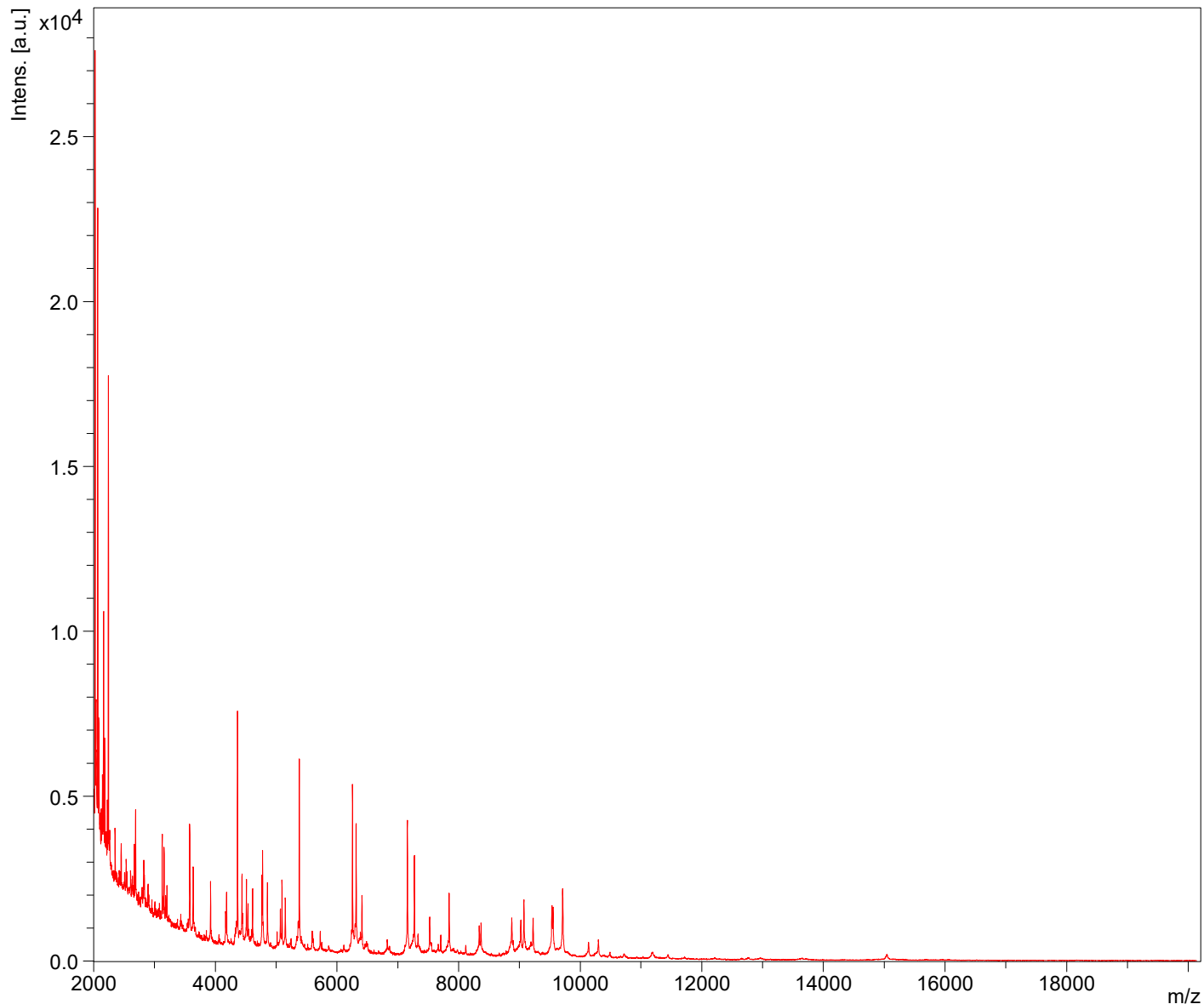


Figure S1. Transmission electron micrograph of *E. ruysiae* str. OPT1704T at a magnification of 18,500 \times

Comment 1

Comment 2



Acquisition Parameter

Date of acquisition 2019-03-06T12:06:57.024+01:00
Acquisition method name D:\Methods\flexControlMethods\MBT_FC.par
Aquisition operation mode Linear
Voltage polarity POS
Number of shots 200
Name of spectrum used for calibration
Calibration reference list used MBT_Standard

Instrument Info

User BDAL@DE
Instrument 10-020-8837
Instrument type microflex

Full length 16S rRNA gene alignment used for figure 1 and table 2.

E. albertii 1 TTGAAGAGTTTGGATCATGGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCCCTAACACATGCAAGTCGAACGGTAACAGGAAACAGC
 E. coli 1 TTGAAGAGTTTGGATCATGGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCCCTAACACATGCAAGTCGAACGGTAACAGGAAAGCAGC
 E. fergusonii 1 TTGAAGAGTTTGGATCATGGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCCCTAACACATGCAAGTCGAACGGTAACAGGAAATCAGC
 E. hermannii 1 TTGAAGAGTTTGGATCATGGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCCCTAACACATGCAAGTCGAACGGTAACAGGAAAGCAGC
 E. marmotae 1 TTGAAGAGTTTGGATCATGGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCCCTAACACATGCAAGTCGAACGGTAACAGGAAACAGC
 E. ruysiae 1 TTGAAGAGTTTGGATCATGGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCCCTAACACATGCAAGTCGAACGGTAACAGGAAACAGC
 Cryptic clade I 1 TTGAAGAGTTTGGATCATGGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCCCTAACACATGCAAGTCGAACGGTAACAGGAAATCAGC
 Cryptic clade II 1 TTGAAGAGTTTGGATCATGGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCCCTAACACATGCAAGTCGAACGGTAACAGGAAAGCAGC
 Cryptic clade III 1 TTGAAGAGTTTGGATCATGGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCCCTAACACATGCAAGTCGAACGGTAACAGGAAATCAGC
 Cryptic clade VI 1 TTGAAGAGTTTGGATCATGGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCCCTAACACATGCAAGTCGAACGGTAACAGGAAAGCAGC
 S. enterica 1 TTGAAGAGTTTGGATCATGGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCCCTAACACATGCAAGTCGAACGGTAACAGGAAAGCAGC

E. albertii 81 TTGCTGTTTCGCTGACGAGTGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAAACTGCCCGATGGAGGGGGATAAATACTGGA AAC
 E. coli 81 TTGCTGCTTTCGCTGACGAGTGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAAACTGCCCGATGGAGGGGGATAAATACTGGA AAC
 E. fergusonii 81 TTGCTGATTTCGCTGACGAGTGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAAACTGCCCGATGGAGGGGGATAAATACTGGA AAC
 E. hermannii 81 TTGCTGCTTCGCTGACGAGTGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAAACTGCCCGATGGAGGGGGATAAATACTGGA AAC
 E. marmotae 81 TTGCTTCTTTCGCTGACGAGTGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAAACTGCCCGATGGAGGGGGATAAATACTGGA AAC
 E. ruysiae 81 TTGCTGTTTCGCTGACGAGTGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAAACTGCCCGATGGAGGGGGATAAATACTGGA AAC
 Cryptic clade I 81 TTGCTGATTTCGCTGACGAGTGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAAACTGCCCGATGGAGGGGGATAAATACTGGA AAC
 Cryptic clade II 81 TTGCTTCTTTCGCTGACGAGTGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAAACTGCCCGATGGAGGGGGATAAATACTGGA AAC
 Cryptic clade III 81 TTGCTGATTTCGCTGACGAGTGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAAACTGCCCGATGGAGGGGGATAAATACTGGA AAC
 Cryptic clade VI 81 TTGCTGCTTTCGCTGACGAGTGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAAACTGCCCGATGGAGGGGGATAAATACTGGA AAC
 S. enterica 81 TTGCTGCTTTCGCTGACGAGTGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAAACTGCCCGATGGAGGGGGATAAATACTGGA AAC

E. albertii 161 GGTAGCTAATACCGCATAACGTCGCAAGACCAAAGAGGGGGACCTTAGGGCCCTCTTGCCATCGGATGTGCCAGATGGGA
 E. coli 161 GGTAGCTAATACCGCATAACGTCGCAAGACCAAAGAGGGGGACCTTAGGGCCCTCTTGCCATCGGATGTGCCAGATGGGA
 E. fergusonii 161 GGTAGCTAATACCGCATAACGTCGCAAGACCAAAGAGGGGGACCTTAGGGCCCTCTTGCCATCGGATGTGCCAGATGGGA
 E. hermannii 161 GGTAGCTAATACCGCATAACGTCGCAAGACCAAAGAGGGGGACCTTAGGGCCCTCTTGCCATCGGATGTGCCAGATGGGA
 E. marmotae 161 GGTAGCTAATACCGCATAACGTCGCAAGACCAAAGAGGGGGACCTTAGGGCCCTCTTGCCATCGGATGTGCCAGATGGGA
 E. ruysiae 161 GGTAGCTAATACCGCATAACGTCGCAAGACCAAAGAGGGGGACCTTAGGGCCCTCTTGCCATCGGATGTGCCAGATGGGA
 Cryptic clade I 161 GGTAGCTAATACCGCATAACGTCGCAAGACCAAAGAGGGGGACCTTAGGGCCCTCTTGCCATCGGATGTGCCAGATGGGA
 Cryptic clade II 161 GGTAGCTAATACCGCATAACGTCGCAAGACCAAAGAGGGGGACCTTAGGGCCCTCTTGCCATCGGATGTGCCAGATGGGA
 Cryptic clade III 161 GGTAGCTAATACCGCATAACGTCGCAAGACCAAAGAGGGGGACCTTAGGGCCCTCTTGCCATCGGATGTGCCAGATGGGA
 Cryptic clade VI 161 GGTAGCTAATACCGCATAACGTCGCAAGACCAAAGAGGGGGACCTTAGGGCCCTCTTGCCATCGGATGTGCCAGATGGGA
 S. enterica 161 GGTAGCTAATACCGCATAACGTCGCAAGACCAAAGAGGGGGACCTTAGGGCCCTCTTGCCATCGGATGTGCCAGATGGGA

E. albertii 241 TTAGCTAGTGGTGGGTAACGGCTCACCTAGGCGACGATCCCTAGCTGGTCTGAGAGGATGACCAGCCACACTGGA ACT
 E. coli 241 TTAGCTAGTGGTGGGTAACGGCTCACCTAGGCGACGATCCCTAGCTGGTCTGAGAGGATGACCAGCCACACTGGA ACT
 E. fergusonii 241 TTAGCTAGTGGTGGGTAACGGCTCACCTAGGCGACGATCCCTAGCTGGTCTGAGAGGATGACCAGCCACACTGGA ACT
 E. hermannii 241 TTAGCTAGTGGTGGGTAACGGCTCACCTAGGCGACGATCCCTAGCTGGTCTGAGAGGATGACCAGCCACACTGGA ACT
 E. marmotae 241 TTAGCTAGTGGTGGGTAACGGCTCACCTAGGCGACGATCCCTAGCTGGTCTGAGAGGATGACCAGCCACACTGGA ACT
 E. ruysiae 241 TTAGCTAGTGGTGGGTAACGGCTCACCTAGGCGACGATCCCTAGCTGGTCTGAGAGGATGACCAGCCACACTGGA ACT
 Cryptic clade I 241 TTAGCTAGTGGTGGGTAACGGCTCACCTAGGCGACGATCCCTAGCTGGTCTGAGAGGATGACCAGCCACACTGGA ACT
 Cryptic clade II 241 TTAGCTAGTGGTGGGTAACGGCTCACCTAGGCGACGATCCCTAGCTGGTCTGAGAGGATGACCAGCCACACTGGA ACT
 Cryptic clade III 241 TTAGCTAGTGGTGGGTAACGGCTCACCTAGGCGACGATCCCTAGCTGGTCTGAGAGGATGACCAGCCACACTGGA ACT
 Cryptic clade VI 241 TTAGCTAGTGGTGGGTAACGGCTCACCTAGGCGACGATCCCTAGCTGGTCTGAGAGGATGACCAGCCACACTGGA ACT
 S. enterica 241 TTAGCTAGTGGTGGGTAACGGCTCACCTAGGCGACGATCCCTAGCTGGTCTGAGAGGATGACCAGCCACACTGGA ACT

E. albertii 321 GAGACACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGCAAGCCTGATGCAGCCATGCCGC
 E. coli 321 GAGACACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGCAAGCCTGATGCAGCCATGCCGC
 E. fergusonii 321 GAGACACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGCAAGCCTGATGCAGCCATGCCGC
 E. hermannii 321 GAGACACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGCAAGCCTGATGCAGCCATGCCGC
 E. marmotae 321 GAGACACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGCAAGCCTGATGCAGCCATGCCGC
 E. ruysiae 321 GAGACACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGCAAGCCTGATGCAGCCATGCCGC
 Cryptic clade I 321 GAGACACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGCAAGCCTGATGCAGCCATGCCGC
 Cryptic clade II 321 GAGACACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGCAAGCCTGATGCAGCCATGCCGC
 Cryptic clade III 321 GAGACACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGCAAGCCTGATGCAGCCATGCCGC
 Cryptic clade VI 321 GAGACACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGCAAGCCTGATGCAGCCATGCCGC
 S. enterica 321 GAGACACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGCACAATGGGCGCAAGCCTGATGCAGCCATGCCGC

E. albertii 401 GTGTATGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAGTACTTTTCAGCGGGGAGGAAGGGAGTAAAGTTAATACCTTTGCTCATTGAC
 E. coli 401 GTGTATGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAGTACTTTTCAGCGGGGAGGAAGGGAGTAAAGTTAATACCTTTGCTCATTGAC
 E. fergusonii 401 GTGTATGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAGTACTTTTCAGCGGGGAGGAAGGGAGTAAAGTTAATACCTTTGCTCATTGAC
 E. hermannii 401 GTGTATGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAGTACTTTTCAGCGGGGAGGAAGGGAGTAAAGTTAATACCTTTGCTCATTGAC
 E. marmotae 401 GTGTATGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAGTACTTTTCAGCGGGGAGGAAGGGAGTAAAGTTAATACCTTTGCTCATTGAC
 E. ruysiae 401 GTGTATGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAGTACTTTTCAGCGGGGAGGAAGGGAGTAAAGTTAATACCTTTGCTCATTGAC
 Cryptic clade I 401 GTGTATGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAGTACTTTTCAGCGGGGAGGAAGGGAGTAAAGTTAATACCTTTGCTCATTGAC
 Cryptic clade II 401 GTGTATGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAGTACTTTTCAGCGGGGAGGAAGGGAGTAAAGTTAATACCTTTGCTCATTGAC
 Cryptic clade III 401 GTGTATGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAGTACTTTTCAGCGGGGAGGAAGGGAGTAAAGTTAATACCTTTGCTCATTGAC
 Cryptic clade VI 401 GTGTATGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAGTACTTTTCAGCGGGGAGGAAGGGAGTAAAGTTAATACCTTTGCTCATTGAC
 S. enterica 401 GTGTATGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAGTACTTTTCAGCGGGGAGGAAGGGAGTAAAGTTAATACCTTTGCTCATTGAC

<i>E. albertii</i>	1441	TTAACCTTCGGGAGGGCGCTTACCACCTTTGTGATTCATGACTGGGGTGAAGTCGTAACAAGGTAACCGTAGGGGAACCTG
<i>E. coli</i>	1441	TTAACCTTCGGGAGGGCGCTTACCACCTTTGTGATTCATGACTGGGGTGAAGTCGTAACAAGGTAACCGTAGGGGAACCTG
<i>E. fergusonii</i>	1441	TTAACCTTCGGGAGGGCGCTTACCACCTTTGTGATTCATGACTGGGGTGAAGTCGTAACAAGGTAACCGTAGGGGAACCTG
<i>E. hermannii</i>	1441	TTAACCTTCGGGAGGGCGCTTACCACCTTTGTGATTCATGACTGGGGTGAAGTCGTAACAAGGTAACCGTAGGGGAACCTG
<i>E. marmotae</i>	1441	TTAACCTTCGGGAGGGCGCTTACCACCTTTGTGATTCATGACTGGGGTGAAGTCGTAACAAGGTAACCGTAGGGGAACCTG
<i>E. ruysiae</i>	1441	TTAACCTTCGGGAGGGCGCTTACCACCTTTGTGATTCATGACTGGGGTGAAGTCGTAACAAGGTAACCGTAGGGGAACCTG
Cryptic clade I	1441	TTAACCTTCGGGAGGGCGCTTACCACCTTTGTGATTCATGACTGGGGTGAAGTCGTAACAAGGTAACCGTAGGGGAACCTG
Cryptic clade II	1441	TTAACCTTCGGGAGGGCGCTTACCACCTTTGTGATTCATGACTGGGGTGAAGTCGTAACAAGGTAACCGTAGGGGAACCTG
Cryptic clade III	1441	TTAACCTTCGGGAGGGCGCTTACCACCTTTGTGATTCATGACTGGGGTGAAGTCGTAACAAGGTAACCGTAGGGGAACCTG
Cryptic clade VI	1441	TTAACCTTCGGGAGGGCGCTTACCACCTTTGTGATTCATGACTGGGGTGAAGTCGTAACAAGGTAACCGTAGGGGAACCTG
<i>S. enterica</i>	1441	TTAACCTTCGGGAGGGCGCTTACCACCTTTGTGATTCATGACTGGGGTGAAGTCGTAACAAGGTAACCGTAGGGGAACCTG

<i>E. albertii</i>	1521	CGGTTGGATCACCTCCTT
<i>E. coli</i>	1521	CGGTTGGATCACCTCCTT
<i>E. fergusonii</i>	1521	CGGTTGGATCACCTCCTT
<i>E. hermannii</i>	1521	CGGTTGGATCACCTCCTT
<i>E. marmotae</i>	1521	CGGTTGGATCACCTCCTT
<i>E. ruysiae</i>	1521	CGGTTGGATCACCTCCTT
Cryptic clade I	1521	CGGTTGGATCACCTCCTT
Cryptic clade II	1521	CGGTTGGATCACCTCCTT
Cryptic clade III	1521	CGGTTGGATCACCTCCTT
Cryptic clade VI	1521	CGGTTGGATCACCTCCTT
<i>S. enterica</i>	1521	CGGTTGGATCACCTCCTT