BMJ Publishing Group Limited (BMJ) disclaims all liability and responsibility arising from any reliance placed on this supplemental material which has been supplied by the author(s)

Patient Code			TH313			TH316			TH347			TH630			TH691			TH730			TH752			TH1000		
Gene	Protein Position	Amino Acid Change	Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN
ABL1	1050	V/M				0.137	0.295	0.255																		
ABL1	337	M/V				0.15	0.164	0.275																		
ABL1	989	K/X																			0.147	0.105	0.233			
ACVR2A	435	K/X				0.278	0.36	0.564																		
AKT3	238	S/L																		0.12						
APC	571	A/V																						0.392	0.375	0.418
AR	457-458	GG/-					0.254																			
ARID1A	454	Y/*															0.121									
ARID1B	1441	Q/E				0.115	0.138	0.177																		
ATM	1399	T/N																0.651	0.56	0.654						
ATM	1884	T/K				0.151	0.181	0.21																		
ATRX	979	E/*																0.173								
BCL6	425	L/I				0.214	0.233	0.261																		
BRCA2	3129	P/S				0.163	0.18	0.211																		
BRCA2	3278	P/S				0.111	0.135																			
BRCA2	583-584	-/X						0.188																		
BRD4	157-158	FL/L				0.122		0.118																		
CREBBP	1879	Q/*																0.41	0.181							
DPYD	748	G/C										0.243	0.122	0.192												
EGFR	975	P/S										0.223	0.157	0.222												
EPHA5	505	K/T							0.229	0.217	0.143															
EPHB6	1008	Q/L										0.638	0.64	0.551												
ERBB4	785	G/D					0.142	0.152																		
FGFR1	310	V/G				0.14	0.121	0.224																		
FGFR2	172	A/T				0.19	0.234	0.404																		
FGFR2	3	S/N				0.178	0.218	0.36																		
FGFR3	402	S/SX					0.119	0.124																		
FGFR3	779	T/TX				0.178	0.241	0.284																		
FLT4	446	T/M					0.122	0.289																		
GATA3	234	F/X				0.146	0.217																			
GNAS	453	P/S				0.269	0.229																			
JAK1	860-861	-/X				0.131	0.164	0.284																		
JAK3	474	C/G				0.215	0.359	0.529																		
KMT2C	1557	S/X					0.139	0.158																		
KMT2C	864	E/G											0.109													
KMT2D	2400	P/X				0.216	0.22	0.327																		
KMT2D	3117	E/D						0.133																		
KMT2D	3420-3421	II/I				0.142	0.239	0.224																		
MED12	433	Q/R	0.338	0.361	0.399																					
MLH3	328-329	IE/X						0.104																		
MRE11	511	N/X				0.376	0.46	0.523																		
MSH2	362	L/V						0.126																		
MSH2	824	Q/E												0.109												
MTOR	1118	I/N				0.245	0.303	0.376																		
MTOR	1756	E/D					0.137	0.151																		
NOTCH1	450	E/K					0.103																			
NOTCH4	16	L/LLL													0.239	0.237	0.248				0.262	0.257	0.262			
NTRK3	190	I/V						0.131																		
PALB2	1122	D/V	0.102																							
PBRM1	258	N/X				0.248	0.292	0.459																		
PBRM1	298	R/*				0.165	0.29	0.401																		
PDCD1LG2	185	P/X				0.148	0.142	0.316																		
PIK3CA	545	E/K										0.965	0.713	0.927												
PMS2	14	A/T						0.129																		
PMS2	451	R/G					0.106	0.127																		
PPP2R1A	221	R/W				0.266	0.287	0.46																		
PTEN	321	T/X				0.236	0.324	0.389																		
RAF1	452	H/Q				0.158	0.321	0.397																		
RNF43	132	R/*					0.116	0.173																		
RNF43	659	G/X				0.209	0.266	0.298																		
ROS1	750	A/X					0.139	0.134																		
SETD2	1955	E/Q							0.417	0.4	0.402															
SETD2	2285	Q/-													0.385	0.379	0.406									
SRSF2	95	P/T																				0.133				
TERT	112	P/X				0.249	0.218	0.183																		
TERT	537	R/C				0.175	0.219	0.144																		
TERT	614	P/S				0.176	0.202	0.155																		
TP53	175	R/H	0.279		0.14																					
TP53	195	I/T										0.51	0.362	0.342												
TP53	213	R/*																			0.174	0.108	0.282			
TP53	266	G/R																0.828	0.466	0.255						
TSC2	1424	D/Y				0.207	0.24	0.3																		
XPO1	1012-1014	KEH/X																0.207								
ZNRF3	188	A/V				0.228	0.322	0.436																		