



Unclassified	6475	12660	8834	8215	12777	7703	9754	10027	14913	10378	9836	11013	10813	12535	12078	7225	14072	6412	6764	12234	16750	9426	11100
Lachnospiraceae_NK4A136_group	10558	2394	8393	10514	5959	1215	7987	4526	1694	3302	5348	6063	770	2591	2980	3892	1681	920	11023	425	3104	5417	4811
Helicobacter	6600	485	462	552	195	5065	2396	736	518	2626	1079	2338	852	228	590	6289	1061	2058	768	1373	512	2351	1251
Bacteroides	413	689	1090	337	670	1275	218	1556	1456	651	1014	2093	2804	1210	663	397	3621	3582	1074	1887	241	282	372
Alloprevotella	55	115	397	291	1337	1610	458	1253	2612	886	953	270	3216	466	2182	1052	1355	272	1083	2628	330	554	621
Prevotellaceae_UCG-001	295	2549	623	150	88	421	298	541	1125	384	216	94	3484	4	1490	157	3200	1283	1267	1742	129	216	225
Desulfobrio	1055	1160	520	386	388	24	998	1869	688	460	847	587	133	927	274	1903	307	989	1459	222	767	2418	902
Ruminococcaceae_UCG-014	191	645	597	196	1179	4967	417	432	326	660	1109	21	754	181	331	16	8	945	139	3021	302	405	1056
Lachnospiraceae_UCG-001	252	1455	1829	1015	57	81	385	1146	78	1589	12	1	634	5066	803	236	29	20	153	93	583	543	617
Lactobacillus	325	21	574	418	138	709	29	21	959	810	322	525	1815	550	2768	634	517	822	60	653	897	197	643
Parasutella	196	121	228	142	186	242	232	758	141	228	923	1379	452	165	130	826	700	408	128	1235	1037	483	422
Mucospirillum	182	130	88	146	18	5	159	244	127	349	161	368	11	74	37	3517	1092	199	732	45	38	1283	338
Alistipes	138	770	640	171	483	204	495	466	251	115	538	407	531	226	157	36	265	1219	213	1117	252	184	239
Intestinimonas	283	383	317	668	344	27	706	459	193	441	213	83	46	701	219	301	89	287	147	34	325	649	462
Lachnospirillum	125	668	176	516	537	60	257	599	401	378	146	110	57	660	302	164	65	161	1007	54	166	356	137
Rikenella	168	868	142	217	209	269	430	233	208	465	326	503	120	182	393	227	341	22	657	237	212	289	263
Allobaculum	159	46	27	488	94	1256	7	10	119	173	990	252	135	10	79	913	1	16	2	96	1210	84	82
utbesuu	52	100	191	82	45	33	528	171	51	905	293	64	86	538	940	277	42	162	242	30	224	326	501
Anaerotruncus	367	212	119	207	288	23	478	213	175	400	114	499	41	193	543	249	63	85	349	43	177	320	304
Odoribacter	137	384	55	137	338	8	654	93	244	193	364	511	44	11	62	312	216	27	958	66	214	63	93
Turicibacter	10	111	317	488	407	1031	1	0	0	11	432	33	69	312	362	28	3	153	0	62	393	27	40
Candidatus_Saccharimonas	92	501	215	167	367	1094	307	44	323	201	412	1	16	93	101	5	2	29	18	139	2	26	112
[Eubacterium]_xylinophilum_group	11	44	396	805	190	67	187	117	102	603	270	61	9	93	114	1	26	175	219	53	11	290	335
Ruminiclostridium	62	456	266	236	145	20	477	624	55	128	59	60	35	420	140	82	13	70	103	20	289	217	141
Oscillator	187	352	214	348	87	11	377	267	28	104	62	24	12	491	114	52	22	191	99	19	169	373	373
Ruminococcus_1	0	5	221	126	192	92	25	89	30	18	227	1	974	7	154	0	0	845	0	327	76	154	111
Ruminiclostridium_5	119	192	201	190	294	91	150	134	156	296	128	161	4	120	63	38	6	32	178	13	27	91	237
Quinella	177	223	230	200	382	28	9	561	369	250	276	196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Coproccocus_1	87	130	451	218	317	32	71	143	104	101	18	7	16	129	83	32	17	182	50	17	95	149	266
[Eubacterium]_rumicantium_group	0	0	51	0	0	0	0	197	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	1	977
[Eubacterium]_coprostanoligenes_group	0	0	53	24	0	136	0	305	98	52	189	0	219	35	7	1	0	892	0	388	14	28	200
Ruminiclostridium_6	0	74	770	249	532	3	44	493	21	46	26	35	16	17	134	0	1	0	1	1	24	33	42
Ruminiclostridium_9	46	137	83	167	278	89	96	84	187	202	100	106	26	83	56	38	31	70	50	30	86	105	125
Prevotellaceae_UCG-003	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	1907	0	0	0	0	242
Anaerostipes	0	0	0	0	0	0	5	392	0	249	355	0	0	0	0	0	1	1073	0	0	0	0	0
Tyzzerella_3	20	45	68	70	23	75	156	144	1	288	23	220	9	96	1	102	35	9	2	10	13	264	314
Rikenellaceae_RC9_gut_group	34	96	11	15	76	23	19	32	78	14	35	44	414	25	66	20	63	152	91	361	19	56	29
Ruminococcaceae_UCG-013	12	36	65	21	88	100	39	63	21	74	253	468	14	7	4	0	1	12	5	149	15	99	137
Clostridium_sensu_stricto_1	12	93	17	34	11	30	124	38	3	160	933	8	5	47	1	2	8	88	22	1	1	10	10
Butyrivibrio	195	74	20	145	0	5	123	47	7	59	52	59	16	101	43	65	19	7	47	6	116	191	184
Parabacteroides	29	28	37	35	8	12	17	34	32	4	127	35	232	22	23	42	210	122	150	232	56	66	23
Blautia	38	6	5	16	49	17	14	0	5	27	3	14	0	41	405	4	2	812	2	0	1	7	3
Streptococcus	14	47	91	131	28	493	21	11	152	185	72	84	22	7	3	4	0	10	2	15	2	2	6
Bifidobacterium	64	3	15	49	44	92	4	0	36	30	41	0	188	10	206	70	16	7	0	85	182	38	68
veinlieni	3	237	2	156	19	341	38	61	157	118	13	64	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Ruminococcaceae_UCG-005	2	6	17	5	2	28	7	5	15	17	10	11	0	0	1	1	0	956	0	5	1	18	17
[Eubacterium]_fissicatena_group	16	0	120	0	0	4	0	16	288	108	0	0	0	0	0	0	0	458	0	0	0	0	0
Akkermansia	2	3	34	14	197	75	5	4	4	11	0	0	62	1	0	62	0	25	0	170	34	183	107
Acetatifactor	4	164	21	112	13	0	15	14	2	10	7	1	0	295	45	0	0	0	1	6	17	35	176
Ruminococcaceae_UCG-004	38	15	35	72	94	16	32	36	30	132	32	98	1	29	27	5	7	26	37	8	12	33	76
Faecalibaculum	23	2	4	69	36	132	1	0	5	13	50	70	69	8	42	0	1	19	1	26	287	6	8
Lachnospiraceae_UCG-006	24	17	47	157	93	8	27	2	59	151	47	32	2	21	40	20	3	2	12	6	5	28	20
Ruminococcaceae_UCG-009	71	82	12	110	16	9	68	25	1	41	16	3	3	78	29	11	2	7	63	4	35	73	41
Anaeroplasma	34	409	0	0	0	4	4	0	52	0	1	157	0	1	0	0	8	0	0	0	0	0	26
Yersinia	58	93	3	143	43	3	43	37	64	43	3	9	0	41	29	47	9	4	6	3	7	22	48
Sutterella	0	2	8	3	2	39	0	33	624	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Coriobacteriaceae_UCG-007	25	3	21	21	95	2	7	2	2	10	18	155	0	303	0	0	0	0	0	0	0	0	0
[Eubacterium]_nodatum_group	11	4	13	6	40	74	2	15	22	32	38	33	31	1	28	12	36	138	9	71	9	9	13
Erysipelatoclostridium	4	1	2	1	2	24	1	2	66	47	13	9	12	26	14	172	66	51	9	17	1	10	22
Ruminococcaceae_NK4A224_group	3	2	3	0	10	0	7	1	3	6	3	2	0	19	3	1	3	481	0	2	2	1	3
Enterorhabdus	19	5	51	31	28	78	1	9	11	61	18	87	15	10	35	8	7	5	3	2	10	19	12
Peptococcus	19	33	7	32	12	1	28	13	4	95	14	1	2	46	11	7	2	14	40	1	15	52	49
Lachnospiraceae_UCG-010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	494	0	0	0	0	0

<i>Lachnospiraceae_FCS020_group</i>	6	11	49	43	33	8	21	20	7	18	13	0	7	16	15	4	2	21	50	2	19	40	83
<i>Mycoplasma</i>	0	0	0	4	0	0	0	0	5	1	0	0	287	0	134	0	0	2	0	0	0	0	0
<i>Moraxellaceae</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	38	0	0	0	18	264	9	7	13	0	8	22
<i>Family_XII_UCG-001</i>	17	1	19	39	13	2	13	6	10	22	14	11	0	23	34	5	1	3	45	1	14	10	10
<i>Butyrivibrionaceae</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	301	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
<i>mouse_group_meningitidis</i>	0	0	18	2	0	1	154	13	26	5	65	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>[Bacteroides]_pectinophilus_group</i>	0	0	0	0	0	0	0	205	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>[Eubacterium]_brachycorymbaculum_group</i>	19	2	15	14	11	5	0	1	16	22	25	44	1	6	10	2	1	10	1	3	0	4	3
<i>Candidatus_Arthronomitus</i>	0	0	0	0	0	0	0	10	5	105	4	0	22	0	0	6	0	5	1	42	1	1	7
<i>Oryzomyces</i>	1	5	2	12	0	1	6	11	0	7	2	8	0	1	0	0	0	3	80	0	0	8	2
<i>Christensenellaceae_R-7_group</i>	0	0	7	0	6	5	0	3	12	2	14	0	5	0	8	0	0	16	0	43	7	6	7
<i>Subdoligranulum</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	132	0	0	0	0	0
<i>Bifidobacterium</i>	1	14	2	2	1	0	1	2	0	6	2	1	0	21	10	16	3	6	4	0	7	14	7
<i>Candidatus_Stoqerichus</i>	0	0	0	1	0	0	0	0	47	1	0	0	7	0	17	7	3	17	0	0	0	0	1
<i>Ureaplasma</i>	0	0	5	0	1	1	0	2	6	0	0	0	0	15	2	21	1	0	2	20	0	1	3
<i>Family_XII_UCG-010</i>	0	9	6	2	10	16	0	10	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	2	6
<i>[Eubacterium]_ventriosum_group</i>	0	0	7	1	6	8	0	2	4	4	0	1	0	0	0	0	0	3	0	11	0	0	0
<i>Ruminococcaceae_UCG-010</i>	0	0	1	1	2	1	0	2	1	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	1	0
<i>Candidatus_Soleiferrea</i>	0	0	5	0	0	5	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0
<i>Pasteurella</i>	0	7	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>Hydrogenobacterium</i>	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>Hydrogenobacterium</i>	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0