

S2 Table. Oligonucleotides used for PCR and sequence analysis

Name	Sequence
ARO_Intg_F1	TATTATACCGTTGCCTTTCAAATGGCGGG
ARO_Intg_R1	CATACATCTCTACCGGCGCAACAG
GAP45_Intg_F1	aaacgtatggaagtgtaaaggg
GAP45_Intg_R1	CTCGTCTATGCCTTTCTCTTTGGC
ISP3_Intg_F1	GGAAAAAGTTTTATGTTTCAGTCTGAATATTACC
ISP3_Intg_R1	CTTTAATTGAGTTACCTGATTTGACTTGTTAATCC
S9C_Intg_F1	gaaatataaatacatgttaacacatagtataagataatacc
S9C_Intg_R1	TACTGTAACTTGAGGATGTGGCC
TRP_Intg_F1	GAAAATACATTTCTTCTTAATTCATATTG
TRP_Intg_R2	CCACTTCTAATAACTTCATACTTGCG
CDPK1_Intg_F1	cattttgatggcactgccttttgagg
CDPK1_Intg_R1	ACCGTAGTTGTACCGTTTGTGAACCTTGACC
CDPK1_WT_R1	CCATTGTAATTTACTTCTCCTCG
ARO_WT_R1	ATCTCTCCTGCACAGCAATTATTC
GAP45_WT_R1	TTCATCAATATCTTTACGTTTGGGTTCC
ISP3_WT_R1	CTGAAATATATCTATATTTGATTTACTG
S9C_WT_R1	CTTTGAATAGCTAGGTGGGTGCGGTCTG
TRP_WT_R1	TTTCATGCTAGCATAATTGTAATACTCC
ARO_MiSeq_F1	TCGTCGGCAGCGTCAGATGTGTATAAGAGACAGTATTATACCGTTGCCTTTCAAATGGC
ARO_MiSeq_R1	GTCTCGTGGGCTCGGAGATGTGTATAAGAGACAGCATACATCTCTACCGGCGCAACAG
GAP45_MiSeq_F1	TCGTCGGCAGCGTCAGATGTGTATAAGAGACAGtaaacgtatggaagtgtaaaggg
GAP45_MiSeq_R1.2	GTCTCGTGGGCTCGGAGATGTGTATAAGAGACAGCTCGTCTATGTCCTTTCTCTTTGGC
ISP3_MiSeq_F1	TCGTCGGCAGCGTCAGATGTGTATAAGAGACAGGGAAAAAGTTTTATGTTTCAGTCTGAATATTACC
ISP3_MiSeq_R1	GTCTCGTGGGCTCGGAGATGTGTATAAGAGACAGCTTTAATTGAGTTACCTGATTTGACTTGTTAATCC
S9C_MiSeq_F1	TCGTCGGCAGCGTCAGATGTGTATAAGAGACAGgaaatataaatacatgttaacacatagtataagataatacc
S9C_MiSeq_R1	GTCTCGTGGGCTCGGAGATGTGTATAAGAGACAGTTACTGTAACCTTGAGGATGTGGCC
TRP_MiSeq_F1	TCGTCGGCAGCGTCAGATGTGTATAAGAGACAGGAAAATACATTTCTTCTTAATTCATATTG
TRP_MiSeq_R2	GTCTCGTGGGCTCGGAGATGTGTATAAGAGACAGCCACTTCTAATAACTTCATACTTGCG
CDPK1_MiSeq_F1	TCGTCGGCAGCGTCAGATGTGTATAAGAGACAGgaaaaataaaatcgtagaaaatgtttccc
CDPK1_MiSeq_R1	GTCTCGTGGGCTCGGAGATGTGTATAAGAGACAGGTAGTTGTTACCGTTTGTGAACCTTGACC
GAP45_MiSeq_F1.2	TCGTCGGCAGCGTCAGATGTGTATAAGAGACAGtaaacgtatggaagtgtaaaggg
AJP_161	gtgtatattaccttacatttatctcc
AJP_162	tatgacttgctcactgctagtgtac
AJP_169	gccaactgtagttgggtcatc
AJP_164	cattcctaacacattatgtgtataaca
AS_GAP45C_Intg_WT3UTR	gtcaggggattaaaataaaaatc
AJP_163	ATTGAGCAGAGGATATGCGCATAATGGT
G45_WTC_pbDT3_R	GCACACAACATACACATTTTACAG
Integ_G45_3UTR_R	gatttcgatgaaatttaatttttttaatc
AJP_93	tgtttaatacactgtgtaacctt

Upper and lower case sequences are from exons and non-coding regions, respectively.