

Table S3. Predicted *D. pigrum* transposases, integrases and group II intron.

GENOMES	TRANSPOSASES									INTEGRASES					INTRON	
	<u>GC_00000003</u>	<u>GC_00000040</u>	<u>GC_00000055</u>	<u>GC_00001693</u>	<u>GC_00002092</u>	<u>GC_00002210</u>	<u>GC_00002310</u>	<u>GC_00002501</u>	Total	<u>GC_00000028</u>	<u>GC_00000085</u>	<u>GC_00001701</u>	<u>GC_00001775</u>	<u>GC_00002348</u>	Total	<u>GC_00000001</u>
ATCC_51524	3	1	1	1					6		1				1	1
KPL1914											1		1		2	2
KPL1922_CDC39_95	1								1						1	1
KPL1930_CDC2949_98										1					1	2
KPL1931_CDC4294_98								1	1							2
KPL1932_CDC4420_98	2								2			1	1		2	3
KPL1933_CDC4545_98		1		1	1	1			4	2					2	1
KPL1934_CDC4709_98	6			1					7		1	1			2	11
KPL1937_CDC4199_99	2	1	1						4							2
KPL1938_CDC4791_99	1			1					2		1				1	1
KPL1939_CDC4792_99		1			1	1			3	1					1	2
KPL3033	1								1		1				1	5
KPL3043	1								1	1					1	9
KPL3050	4			1					5	2	1	3			6	10
KPL3052	1						1		2		1	1		1	3	4
KPL3065	1								1	1					1	7
KPL3069	1								1			1			2	2
KPL3070	5	1	1	1					8		1				1	5
KPL3077	11	1	1						13	1			1		2	2
KPL3084	7	2	2	1					12		1				1	6
KPL3086	1								1							6
KPL3090	6			1					7	1	1	1			3	14
KPL3246	3								3							8
KPL3250	2	1			1	1			5	1	1				2	9
KPL3256	1	1	1	1					4							3
KPL3264	6			1					7		1				1	5
KPL3274							1		1	5				1	6	1
KPL3911	8	2	2	1					13		1				1	8
Total	74	12	9	11	3	3	2	1	115	17	13	8	3	2	43	132
Mean	3.36	1.2	1.29	1	1	1	1	1	4.42	1.55	1	1.33	1	1	1.95	4.71
Median	2	1	1	1	1	1	1	1	3.5	1	1	1	1	1	1.5	3.5
Variance	8.24	0.18	0.24	0	0	0	0	0	14.25	1.47	0	0.67	0	0	2.14	12.9
SD	2.87	0.42	0.49	0	0	0	0	0	3.78	1.21	0	0.82	0	0	1.46	3.59
MAD	1.48	0	0	0	0	0	0	0	3.71	0	0	0	0	0	0.74	3.71
Min	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
Max	11	2	2	1	1	1	1	1	13	5	1	3	1	1	6	14