Supplementary Table 7
Detail of somatic SNV detected in each case by whole exome sequencing.

Patient	CHRO	POS	ID	REF	ALT	QUAL	FIL	GeneNam	Func	Ger	Gen	Ex	AAChar
ACa01	1	####	rs6264213	T	C	.	PA	LINC0100	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	1	####	rs8798212	A	G	.	PA	LINC0100	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	1	####	.	C	T	.	PA	HES4	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa01	1	####	rs2011489	C	T	.	PA	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	1	####	rs7706792	G	A	.	PA	PTCHD2	exonic	NM_	.	mis	PTCHD
ACa01	1	####	.	C	T	.	PA	MTHFR	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	rs7573447	A	G	.	PA	PRAMEF2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	.	G	T	.	PA	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	rs643011	C	G	.	PA	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	rs1891369	T	C	.	PA	.	upstrea	NR_	.	.	.
ACa01	1	####	rs7967920	G	A	.	PA	PAX7	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	.	A	C	.	PA	TAF12	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	rs3699237	G	A	.	PA	SF3A3	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	.	G	A	.	PA	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	1	####	.	A	C	.	PA	CYP2J2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	.	G	A	.	PA	CEPT1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	.	A	T	.	PA	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	1	####	rs1809861	G	A	.	PA	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa01	1	####	rs3742168	A	C	.	PA	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	1	####	rs1409433	T	C	.	PA	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	1	####	rs7967822	G	A	.	PA	.	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	1	####	rs7763460	C	G	.	PA	.	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	1	####	.	A	T	.	PA	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	1	####	rs1694653	C	G	.	PA	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	1	####	rs1129555	G	A	.	PA	NBPF8,NE	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	rs3732644	C	T	.	PA	NBPF8,NE	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	.	T	C	.	PA	PDE4DIP	exonic	NM_	.	mis	PDE4D
ACa01	1	####	rs2691756	T	C	.	PA	NBPF9,NE	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	.	A	G	.	PA	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	1	####	.	G	T	.	PA	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	1	####	.	G	A	.	PA	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	1	####	rs1932337	C	T	.	PA	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	1	####	.	C	G	.	PA	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	rs2837929	G	A	.	PA	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	rs2983273	A	C	.	PA	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	1	####	rs3740307	C	T	.	PA	PGLYRP3	exonic	NM_	.	syr	PGLYR
ACa01	1	####	rs1674785	C	T	.	PA	.	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa01	1	####	rs1485348	T	G	.	PA	FCGR2B	exonic	NM_	.	mis	FCGR2
ACa01	1	####	rs7598068	G	A	.	PA	POU2F1	exonic	NM_	.	mis	POU2F
ACa01	1	####	.	G	T	.	PA	DIEXF	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	.	A	C	.	PA	LBR	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	.	A	C	.	PA	LOC10013	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	1	####	rs2006447	A	G	.	PA	CEP170	exonic	NM_	.	syr	CEP17(
ACa01	1	####	rs3739868	A	G	.	PA	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa01	1	####	rs1782199	G	T	.	PA	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa01	2	####	rs3461159	C	A	.	PA	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	2	####	rs8689209	G	A	.	PA	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa01	2	####	.	C	T	.	PA	LOC6543	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	2	####	.	A	G	.	PA	IL1R1	exonic	NM_	.	mis	IL1R1:N
ACa01	2	####	rs3877497	T	G	.	PA	FAM138B	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	2	####	rs1037863	A	G	.	PA	CNTNAP5	intronic	NM_	.	.	.

ACa01	2	####	rs1839843	T	C	.	PA:	POTEF	exonic	NM_	.	syr	POTEF
ACa01	2	####	.	C	A	.	PA:	POTEF	exonic	NM_	.	mis	POTEF
ACa01	2	####	.	C	T	.	PA:	MGAT5	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	2	####	.	A	T	.	PA:	ZEB2	exonic	NM_	.	mis	ZEB2:N
ACa01	2	####	.	T	G	.	PA:	CDCA7	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	2	####	.	C	T	.	PA:	MARS2	exonic	NM_	.	mis	MARS2
ACa01	2	####	.	T	G	.	PA:	PLEKHM3	exonic	NM_	.	mis	PLEKH
ACa01	2	####	rs7812258	C	T	.	PA:	PTH2R	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	2	####	rs1010785	C	T	.	PA:	DNAJB2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	2	####	rs7526847	A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	3	####	.	T	G	.	PA:	NR2C2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	3	####	.	T	G	.	PA:	CAPN7	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	3	####	.	C	G	.	PA:	KAT2B	exonic	NM_	.	mis	KAT2B:
ACa01	3	####	.	G	A	.	PA:	PLCD1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	3	####	rs1450320	C	T	.	PA:	SCN10A	exonic	NM_	.	mis	SCN10
ACa01	3	####	rs1398610	C	T	.	PA:	SCN10A	exonic	NM_	.	mis	SCN10
ACa01	3	####	.	G	A	.	PA:	PDZRN3	exonic	NM_	.	syr	PDZRN
ACa01	3	####	rs1126455	G	T	.	PA:	OR5H14	exonic	NM_	.	syr	OR5H1
ACa01	3	####	.	C	G	.	PA:	NFKBIZ	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	3	####	rs7541975	C	T	.	PA:	NFKBIZ	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	3	####	rs3757741	G	A	.	PA:	IFT57	exonic	NM_	.	mis	IFT57:N
ACa01	3	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	3	####	rs6228513	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	3	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	4	####	rs4970287	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa01	4	####	.	T	G	.	PA:	FAM175A	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	4	####	rs3764069	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	4	####	rs7963572	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	4	####	rs9542709	C	T	.	PA:	FREM3	exonic	NM_	.	mis	FREM3
ACa01	4	####	rs3721454	C	T	.	PA:	FAM198B	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	4	####	.	C	T	.	PA:	TRIML1	exonic	NM_	.	syr	TRIML1
ACa01	5	####	rs649883	T	C	.	PA:	ZDHHC11	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	5	####	rs1467072	G	A	.	PA:	SDHAP3	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	5	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	5	####	rs1500138	A	G	.	PA:	GUSBP1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	5	####	.	T	G	.	PA:	NUP155	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	5	####	rs7962294	T	C	.	PA:	NLN	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	5	####	.	C	G	.	PA:	LOC4410	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	5	####	.	A	G	.	PA:	PPIP5K2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	5	####	rs7609290	C	T	.	PA:	CAMK4	exonic	NM_	.	syr	CAMK4
ACa01	5	####	.	C	T	.	PA:	PPP2CA	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	5	####	rs7647428	C	T	.	PA:	PCDHGC4	exonic	NM_	.	mis	PCDHG
ACa01	5	####	rs1407436	A	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	5	####	rs7380674	G	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	6	####	rs5568001	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	6	####	rs3977792	T	G	.	PA:	GSTA1	exonic	NM_	.	mis	GSTA1
ACa01	6	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	6	####	.	A	G	.	PA:	PHIP	exonic	NM_	.	mis	PHIP:N
ACa01	6	####	rs9844362	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	6	####	.	T	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	6	####	rs9992807	T	C	.	PA:	PDSS2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	6	####	.	C	T	.	PA:	ARMC2	exonic	NM_	.	mis	ARMC2
ACa01	6	####	rs7554849	G	A	.	PA:	SLC2A12	exonic	NM_	.	syr	SLC2A1
ACa01	6	####	.	G	A	.	PA:	UTRN	intronic	NM_	.	.	.

ACa01	6	####	rs7747387	C	T	.	PA:	ADGB	exonic	NM_	.	syr	ADGB:N
ACa01	6	####	rs1467177	C	T	.	PA:	RAET1L	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	7	####	.	G	T	.	PA:	EIF3B	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	7	####	rs7308136	G	C	.	PA:	SNX13	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	7	####	.	G	A	.	PA:	AEBP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	7	####	rs7911953	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	7	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	7	####	.	A	C	.	PA:	ZNF716	exonic	NM_	.	mis	ZNF716
ACa01	7	####	rs4311554	G	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa01	7	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	7	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	7	####	rs5467260	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	7	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	7	####	rs8688020	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	7	####	rs8799757	G	T	.	PA:	GTF2IRD2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	7	####	rs7686126	G	A	.	PA:	HEPACAM	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	7	####	rs3727203	G	C	.	PA:	POLR2J3	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	7	####	rs7809364	G	A	.	PA:	POT1	exonic	NM_	.	mis	POT1:N
ACa01	7	####	.	G	A	.	PA:	SSMEM1	exonic	NM_	.	syr	SSMEM
ACa01	7	####	rs7754267	A	G	.	PA:	KMT2C	exonic	NM_	.	syr	KMT2C
ACa01	7	####	rs1499922	C	T	.	PA:	KMT2C	exonic	NM_	.	mis	KMT2C
ACa01	7	####	.	C	T	.	PA:	KMT2C	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa01	7	####	rs1407758	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	7	####	rs1482637	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	8	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	8	####	.	A	G	.	PA:	MTUS1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	8	####	.	A	C	.	PA:	XPO7	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	8	####	.	T	G	.	PA:	KCTD9	exonic	NM_	.	mis	KCTD9
ACa01	8	####	rs1813428	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	8	####	rs2022368	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	8	####	.	T	C	.	PA:	LOC39223	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	8	####	rs1837720	A	T	.	PA:	IMPA1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	9	####	rs1329860	T	C	.	PA:	CNTNAP3	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	9	####	rs2954515	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	9	####	rs1968548	C	A	.	PA:	PTGER4P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	9	####	rs2019611	G	A	.	PA:	PTGER4P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	9	####	rs4928839	A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	9	####	.	G	A	.	PA:	WNK2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	9	####	rs2868900	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	9	####	.	C	T	.	PA:	ENG	exonic	NM_	.	syr	ENG:NM
ACa01	9	####	.	T	G	.	PA:	FNBP1	exonic	NM_	.	syr	FNBP1:
ACa01	9	####	.	A	G	.	PA:	ADAMTS1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	9	####	rs7694907	C	T	.	PA:	DBH	exonic	NM_	.	syr	DBH:NM
ACa01	10	####	.	G	A	.	PA:	HSPA14	exonic	NM_	.	mis	HSPA14
ACa01	10	####	rs1051909	T	G	.	PA:	NMT2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	10	####	.	C	T	.	PA:	MYO3A	exonic	NM_	.	mis	MYO3A
ACa01	10	####	.	G	A	.	PA:	MYO3A	exonic	NM_	.	mis	MYO3A
ACa01	10	####	rs7531795	G	A	.	PA:	ARMC4	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa01	10	####	rs5566342	C	T	.	PA:	SVIL	exonic	NM_	.	syr	SVIL:NM
ACa01	10	####	rs1759036	G	T	.	PA:	ANKRD30	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	10	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	10	####	rs1494650	A	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.

ACa01	10	####	rs5524339	C	T	.	PA:	ACTR3BP	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	10	####	rs7827248	T	A	.	PA:	AGAP9	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	10	####	rs7821206	C	T	.	PA:	RBP3	exonic	NM_	.	mis	RBP3:N
ACa01	10	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	10	####	.	C	T	.	PA:	ATOH7	exonic	NM_	.	syr	ATOH7
ACa01	10	####	rs1810812	C	T	.	PA:	TET1	exonic	NM_	.	syr	TET1:N
ACa01	10	####	rs1852770	G	A	.	PA:	STOX1	exonic	NM_	.	mis	STOX1
ACa01	10	####	.	G	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa01	10	####	.	A	C	.	PA:	LIPA	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	10	####	rs9002476	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	10	####	.	A	G	.	PA:	COL17A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	10	####	rs1028763	G	A	.	PA:	TRUB1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	11	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	11	####	rs7615769	A	T	.	PA:	METTL15	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	11	####	.	G	A	.	PA:	TRAF6	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	11	####	.	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	11	####	.	G	A	.	PA:	MS4A15	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	11	####	.	T	A	.	PA:	PRKRIR	exonic	NM_	.	mis	PRKRIF
ACa01	11	####	.	T	G	.	PA:	INTS4	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	11	####	.	T	G	.	PA:	INTS4	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	11	####	rs7614089	C	T	.	PA:	USP35	exonic	NM_	.	syr	USP35:
ACa01	11	####	rs1438612	C	T	.	PA:	HEPHL1	exonic	NM_	.	mis	HEPHL
ACa01	11	####	.	G	T	.	PA:	SIK2	exonic	NM_	.	syr	SIK2:NI
ACa01	11	####	rs7757345	C	T	.	PA:	OR10S1	exonic	NM_	.	mis	OR10S:
ACa01	11	####	rs2512286	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	12	####	rs5382343	T	C	.	PA:	.	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	12	####	rs8799828	C	G	.	PA:	LOC1002	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	12	####	.	A	C	.	PA:	SLC6A13	exonic	NM_	.	mis	SLC6A1
ACa01	12	####	rs8681434	T	C	.	PA:	ERC1	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa01	12	####	rs2575282	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	12	####	.	G	A	.	PA:	PDZRN4	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	12	####	.	G	C	.	PA:	SLC38A1	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa01	12	####	.	C	T	.	PA:	BIN2	exonic	NM_	.	syr	BIN2:NI
ACa01	12	####	.	A	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	12	####	.	G	A	.	PA:	CAPS2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	12	####	rs1043870	C	T	.	PA:	CHST11	exonic	NM_	.	syr	CHST1
ACa01	12	####	.	C	T	.	PA:	CCDC63	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	12	####	.	C	T	.	PA:	CIT	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	13	####	.	C	A	.	PA:	PCDH17	exonic	NM_	.	mis	PCDH1
ACa01	14	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	14	####	rs2014705	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	14	####	rs8794601	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	14	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	14	####	rs8674109	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	14	####	.	C	T	.	PA:	KLHL33	exonic	NM_	.	mis	KLHL33
ACa01	14	####	.	A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	14	####	.	A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	14	####	.	G	A	.	PA:	TRAPPC6	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	14	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa01	14	####	.	T	G	.	PA:	KIAA0586	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	14	####	rs7732738	G	A	.	PA:	SYNE2	exonic	NM_	.	mis	SYNE2:
ACa01	14	####	.	G	T	.	PA:	WDR25	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	14	####	rs2897118	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	14	####	rs3681255	T	A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.

ACa01	14	####	rs6199969	T	C	.	PA!	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa01	15	####	.	C	A	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	15	####	.	T	G	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	15	####	rs3749240	G	A	.	PA!	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa01	15	####	.	C	T	.	PA!	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa01	15	####	.	C	T	.	PA!	CXADRP2	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa01	15	####	.	C	T	.	PA!	GOLGA8I	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa01	15	####	rs7964394	T	C	.	PA!	HERC2P2	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa01	15	####	.	A	G	.	PA!	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa01	15	####	rs7126232	C	T	.	PA!	.	intronic	NM_	.	.	.	
ACa01	15	####	.	G	A	.	PA!	NPAP1	exonic	NM_	.	syr	NPAP1	
ACa01	15	####	.	G	A	.	PA!	ATP10A	exonic	NM_	.	syr	ATP10A	
ACa01	15	####	rs7695754	C	T	.	PA!	GOLGA8M	exonic	NM_	.	mis	GOLGA	
ACa01	15	####	.	G	A	.	PA!	APBA2	exonic	NM_	.	mis	APBA2:	
ACa01	15	####	.	T	C	.	PA!	ULK4P2,U	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa01	15	####	.	C	A	.	PA!	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa01	15	####	rs8658676	G	A	.	PA!	GOLGA8C	intronic	NM_	.	.	.	
ACa01	15	####	.	G	T	.	PA!	GOLGA8C	intronic	NM_	.	.	.	
ACa01	15	####	rs3683923	G	A	.	PA!	DISP2	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa01	15	####	rs3741666	G	A	.	PA!	VPS13C	intronic	NM_	.	.	.	
ACa01	15	####	.	C	T	.	PA!	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa01	15	####	rs5743805	G	A	.	PA!	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACa01	15	####	rs1998088	A	G	.	PA!	GOLGA6L	exonic	NM_	.	syr	GOLGA	
ACa01	15	####	rs3775649	A	G	.	PA!	GOLGA6L	exonic	NM_	.	mis	GOLGA	
ACa01	15	####	rs6202866	A	G	.	PA!	WASH3P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa01	16	####	rs7561426	G	A	.	PA!	RGS11	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa01	16	####	.	C	T	.	PA!	OTOA	intronic	NM_	.	.	.	
ACa01	16	####	rs7464587	C	T	.	PA!	CORO1A	exonic	NM_	.	syr	CORO1	
ACa01	16	####	.	G	A	.	PA!	ZNF646	exonic	NM_	.	syr	ZNF646	
ACa01	16	####	rs2018870	C	T	.	PA!	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs4643347	T	C	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs4535017	T	C	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs2128471	T	C	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs2888787	C	G	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs4355081	T	A	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs4249097	T	C	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs4232920	C	T	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs7970299	T	G	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs1483332	A	T	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs9972801	A	G	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs2878607	A	T	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs4249050	C	G	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs4250282	T	C	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs7198709	T	C	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs4445923	A	T	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs4450416	A	G	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	.	G	A	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs8056404	C	G	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs8056672	A	C	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs6152895	G	A	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	rs2884801	T	C	.	PA!	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa01	16	####	.	A	C	.	PA!	FTO	intronic	NM_	.	.	.	
ACa01	16	####	.	C	T	.	PA!	CBFB	exonic	NM_	.	sto	CBFB:N	
ACa01	16	####	.	C	G	.	PA!	.	intergen	NM_	dist=	.	.	

ACa01	16	####	.	C	T	.	PA:	ZNF469	exonic	NM_	.	mis	ZNF46
ACa01	17	####	rs7801100	G	A	.	PA:	PRPF8	exonic	NM_	.	syr	PRPF8:
ACa01	17	####	.	T	C	.	PA:	SPATA22	exonic	NM_	.	mis	SPATA:
ACa01	17	####	rs3687584	G	A	.	PA:	CHD3	exonic	NM_	.	mis	CHD3:N
ACa01	17	####	.	A	C	.	PA:	DNAH9	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	17	####	rs1845094	C	T	.	PA:	MEIS3P1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	17	####	.	G	A	.	PA:	MYO15A	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	17	####	.	G	T	.	PA:	FLJ36000	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	17	####	.	C	G	.	PA:	FLJ36000	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	17	####	rs4503851	G	T	.	PA:	FLJ36000	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	17	####	rs1462263	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	17	####	rs4362423	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	17	####	rs6565430	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	17	####	rs1434103	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	17	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	17	####	rs8916657	T	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	17	####	rs1167082	A	T	.	PA:	FBXL20	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	17	####	.	T	G	.	PA:	CNP	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	17	####	rs1459625	G	A	.	PA:	TUBG1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	17	####	rs1724395	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	17	####	.	G	A	.	PA:	TEX14	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	17	####	.	T	G	.	PA:	FAM20A,F	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	17	####	.	A	C	.	PA:	CD300LB	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	18	####	.	C	T	.	PA:	EPB41L3	exonic	NM_	.	syr	EPB41L
ACa01	18	####	rs5374020	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	18	####	rs2012257	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	19	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	19	####	rs7125437	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	19	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	19	####	.	A	G	.	PA:	CYP2F1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	19	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	19	####	.	G	A	.	PA:	POU2F2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	19	####	.	G	A	.	PA:	CD177	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	19	####	.	G	T	.	PA:	DHDH	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	19	####	.	G	A	.	PA:	NLRP5	exonic	NM_	.	mis	NLRP5:
ACa01	19	####	rs8677343	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	20	####	.	G	A	.	PA:	CNBD2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	20	####	.	C	T	.	PA:	TGM2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	21	####	rs8795581	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa01	21	####	rs8661396	G	A	.	PA:	TEKT4P2	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	21	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa01	21	####	rs7532385	G	A	.	PA:	BAGE2,BA	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	21	####	rs3737231	A	T	.	PA:	BAGE2,BA	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	21	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	22	####	rs2003402	C	A	.	PA:	POTEH	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	22	####	rs2818474	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	22	####	rs5464921	C	T	.	PA:	CECR2	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa01	22	####	rs9350299	A	G	.	PA:	GGT5	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	22	####	rs4050109	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	22	####	.	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	22	####	.	A	C	.	PA:	POM121L	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01	22	####	.	C	T	.	PA:	MYO18B	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	22	####	.	A	C	.	PA:	THOC5	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	22	####	.	G	A	.	PA:	RNF215	intronic	NM_	.	.	.

ACa01		22	####	rs1425675	C		T	.	PA:	CYP2D7	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa01		22	####	rs1054069	G		A	.	PA:	CELSR1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01		22	####	.	G		A	.	PA:	CELSR1	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	X		####	rs7661994	C		T	.	PA:	VCX	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa01	X		####	.	C		T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	X		####	.	T		C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	X		####	.	G		A	.	PA:	TFE3	exonic	NM_	.	mis	TFE3:N
ACa01	X		####	.	G		A	.	PA:	TFE3	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	X		####	.	C		T	.	PA:	CACNA1F	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	X		####	rs7822715	C		T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa01	X		####	rs7821690	C		T	.	PA:	TSPYL2	exonic	NM_	.	syr	TSPYL2
ACa01	X		####	.	A		T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa01	X		####	.	T		G	.	PA:	AR	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	X		####	.	C		T	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.
ACa01	X		####	.	C		T	.	PA:	BRWD3	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	X		####	.	C		T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa01	X		####	.	G		A	.	PA:	CSTF2	exonic	NM_	.	syr	CSTF2:
ACa01	X		####	rs7818697	G		A	.	PA:	ZCCHC18	exonic	NM_	.	mis	ZCCHC
ACa01	X		####	.	C		T	.	PA:	HS6ST2	exonic	NM_	.	mis	HS6ST2
ACa01	X		####	.	C		T	.	PA:	MCF2	exonic	NM_	.	mis	MCF2:N
ACa01	X		####	.	C		T	.	PA:	CD99L2	intronic	NM_	.	.	.
ACa01	MT		7830	rs8788971	G		A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa02		1	####	.	C		T	.	PA:	MTOR	exonic	NM_	.	mis	MTOR:I
ACa02		1	####	.	C		T	.	PA:	MTOR	exonic	NM_	.	mis	MTOR:I
ACa02		1	####	rs5506852	G		A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa02		1	####	rs2994093	G		A	.	PA:	PRAMEF2	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa02		1	####	.	C		T	.	PA:	.	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		1	####	rs1390932	C		T	.	PA:	ESPNP	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa02		1	####	.	A		C	.	PA:	KIF17	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		1	####	rs3686746	G		A	.	PA:	ORC1	exonic	NM_	.	syr	ORC1:N
ACa02		1	####	.	T		C	.	PA:	LRRC40	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		1	####	.	T		C	.	PA:	ZNF644	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		1	####	.	C		T	.	PA:	KCNA2	exonic	NM_	.	syr	KCNA2
ACa02		1	####	rs2010827	G		C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa02		1	####	.	C		A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa02		1	####	rs2018849	T		G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa02		1	####	rs3724010	A		T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa02		1	####	.	T		C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa02		1	####	rs3772379	G		C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa02		1	####	rs8799699	G		A	.	PA:	NBPF20	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		1	####	.	C		A	.	PA:	NBPF9,NE	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		1	####	.	A		C	.	PA:	NBPF8,NE	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		1	####	rs4649849	A		G	.	PA:	NBPF9,NE	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		1	####	rs8799650	A		C	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa02		1	####	rs7668601	C		G	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa02		1	####	rs7823737	C		T	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa02		1	####	.	C		T	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		1	####	rs2003436	G		A	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		1	####	rs6181174	G		A	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		1	####	rs6181174	G		A	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		1	####	.	A		C	.	PA:	LOC1005(	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa02		1	####	rs7494818	C		T	.	PA:	TNR	exonic	NM_	.	mis	TNR:NM
ACa02		1	####	.	C		T	.	PA:	SOAT1	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		1	####	rs8790889	C		A	.	PA:	AXDND1	intronic	NM_	.	.	.

ACa02	1	####	.	G	T	.	PA:	RNU5F-1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	1	####	.	G	A	.	PA:	ZNF678	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	1	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	1	####	.	C	A	.	PA:	RGS7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	2	####	.	A	G	.	PA:	NCOA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	2	####	rs1020943	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	2	####	.	C	T	.	PA:	LOC6543	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	2	####	rs2004118	A	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	2	####	rs2021466	A	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	2	####	rs3694799	T	C	.	PA:	ANKRD36	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	2	####	rs5416674	G	A	.	PA:	RGPD4	exonic	NM_	.	mis	RGPD4	
ACa02	2	####	rs1053772	A	C	.	PA:	LIMS1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	2	####	.	C	T	.	PA:	WASH2P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	2	####	rs5382277	C	T	.	PA:	RNU6-81F	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	2	####	.	G	C	.	PA:	7-Mar	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	2	####	rs1875087	G	A	.	PA:	BBS5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	2	####	.	G	T	.	PA:	TTN	exonic	NM_	.	mis	TTN:NM	
ACa02	2	####	.	A	G	.	PA:	CARF	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	2	####	.	T	C	.	PA:	ATIC	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa02	2	####	rs1509794	C	T	.	PA:	COL4A4	exonic	NM_	.	mis	COL4A4	
ACa02	2	####	.	C	T	.	PA:	NGEF	exonic	NM_	.	mis	NGEF:N	
ACa02	2	####	rs7970263	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	3	####	.	G	A	.	PA:	ITPR1	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa02	3	####	.	G	A	.	PA:	.	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa02	3	####	rs6777426	G	C	.	PA:	MST1	exonic	NM_	.	mis	MST1:N	
ACa02	3	####	rs6779963	G	A	.	PA:	MST1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	3	####	rs5472981	G	A	.	PA:	FRMD4B	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa02	3	####	.	C	T	.	PA:	MITF	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	3	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	3	####	rs1219132	G	A	.	PA:	PIK3CA	exonic	NM_	.	mis	PIK3CA	
ACa02	3	####	.	C	G	.	PA:	MFN1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	3	####	.	A	G	.	PA:	GMNC	exonic	NM_	.	syr	GMNC:	
ACa02	3	####	.	G	T	.	PA:	.	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	3	####	rs4857535	A	G	.	PA:	LOC2207	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	4	####	.	C	T	.	PA:	CTBP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	4	####	.	G	T	.	PA:	USP17L1(	exonic	NM_	.	mis	USP17I	
ACa02	4	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	4	####	rs7961122	C	G	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa02	4	####	.	C	T	.	PA:	MIR1273H	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	4	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	4	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	4	####	rs3705413	C	T	.	PA:	PRDM8	exonic	NM_	.	syr	PRDM8	
ACa02	4	####	.	C	T	.	PA:	ADH1C	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa02	4	####	.	T	C	.	PA:	SLC9B2	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa02	4	####	.	G	A	.	PA:	ANK2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	4	####	rs2016625	T	G	.	PA:	GYPB	exonic	NM_	.	mis	GYPB:N	
ACa02	4	####	.	G	A	.	PA:	WDR17	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	4	####	rs7619626	C	T	.	PA:	ZFP42	exonic	NM_	.	syr	ZFP42:I	
ACa02	5	####	rs8684061	C	G	.	PA:	LOC4421	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	5	####	.	C	T	.	PA:	OTULIN	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	5	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	5	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	5	####	rs8659304	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	5	####	rs1335780	A	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	

ACa02	5	####	rs1483787	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	5	####	.	C	A	.	PA:	RGS7BP	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa02	5	####	rs1416874	T	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	5	####	.	G	A	.	PA:	SH3TC2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	5	####	rs7284112	G	A	.	PA:	DOCK2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	5	####	rs1829546	C	A	.	PA:	MAML1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	6	####	rs7743469	A	G	.	PA:	STK19	exonic	NM_	.	syr	STK19:	
ACa02	6	####	rs1403232	T	C	.	PA:	CYP21A1I	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	6	####	rs7596914	C	T	.	PA:	KCNK17	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	6	####	rs4928651	T	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	6	####	.	G	T	.	PA:	DSE	exonic	NM_	.	sto	DSE:NM	
ACa02	7	####	.	A	C	.	PA:	INTS1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	7	####	rs7467237	A	G	.	PA:	NME8	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	7	####	rs7762925	C	T	.	PA:	NACAD	exonic	NM_	.	mis	NACAD	
ACa02	7	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	7	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	7	####	rs1422600	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	7	####	rs4460255	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	7	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	7	####	rs3740384	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	7	####	rs8672068	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	7	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	7	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	7	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	7	####	rs5541523	C	T	.	PA:	GTF2IP1,I	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	7	####	rs3757000	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	7	####	.	A	G	.	PA:	GPR85	exonic	NM_	.	syr	GPR85:	
ACa02	7	####	.	T	G	.	PA:	SLC4A2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	7	####	.	T	G	.	PA:	ABCF2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	7	####	.	T	G	.	PA:	ABCF2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	7	####	rs8681384	G	C	.	PA:	PTPRN2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	8	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	8	####	rs3989791	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	8	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	8	####	rs7469289	G	A	.	PA:	RP1L1	exonic	NM_	.	syr	RP1L1:	
ACa02	8	####	rs7595500	C	G	.	PA:	FAM90A2	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	8	####	.	G	A	.	PA:	MIR3926-2	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	8	####	.	G	T	.	PA:	VPS37A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	8	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	8	####	rs4440644	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	8	####	.	G	T	.	PA:	ZNF704	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	8	####	.	G	A	.	PA:	CSMD3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	8	####	.	C	T	.	PA:	LY6H	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	9	####	rs5356927	G	A	.	PA:	SLC24A2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	9	####	rs5620843	C	T	.	PA:	PAX5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	9	####	rs1412360	T	C	.	PA:	CNTNAP3	exonic	NM_	.	mis	CNTNA	
ACa02	9	####	rs3755065	C	A	.	PA:	GLIDR	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	9	####	rs5368523	T	A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACa02	9	####	rs7792676	G	T	.	PA:	PTGER4P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	9	####	rs1968548	C	A	.	PA:	PTGER4P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	9	####	rs6254382	A	G	.	PA:	LOC64223	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	9	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	9	####	rs5781745	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	9	####	.	G	A	.	PA:	RALGDS	intronic	NM_	.	.	.	

ACa02	9	####	.	G	A	.	PA:	CACNA1E	exonic	NM_	.	mis	CACNA	
ACa02	10	####	rs7660547	C	T	.	PA:	CUBN	exonic	NM_	.	syr	CUBN:N	
ACa02	10	####	rs1930137	C	T	.	PA:	MLLT10	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	10	####	.	T	G	.	PA:	BMS1	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa02	10	####	rs7819664	T	A	.	PA:	FAM35DP	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	10	####	rs6185008	G	C	.	PA:	TIMM23B,	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	10	####	.	T	A	.	PA:	AGAP5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	10	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	10	####	.	C	T	.	PA:	PKD2L1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	10	####	rs2928119	C	G	.	PA:	RAB11FIF	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	10	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	10	####	rs1021891	C	T	.	PA:	SCART1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	11	####	rs6263724	A	C	.	PA:	MUC2	exonic	NM_	.	syr	MUC2:N	
ACa02	11	####	rs1494932	T	C	.	PA:	MUC5B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	11	####	.	T	G	.	PA:	ST5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	11	####	.	G	A	.	PA:	IPO7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	11	####	.	G	A	.	PA:	EXT2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	11	####	.	G	A	.	PA:	SYT7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	11	####	rs9265024	G	C	.	PA:	VEGFB	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa02	11	####	.	T	C	.	PA:	SYVN1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	11	####	.	C	T	.	PA:	KLC2	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa02	11	####	.	G	A	.	PA:	LOC10013	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	11	####	rs3679844	G	A	.	PA:	ARAP1	exonic	NM_	.	syr	ARAP1:	
ACa02	11	####	.	G	A	.	PA:	ARAP1	exonic	NM_	.	syr	ARAP1:	
ACa02	11	####	.	C	A	.	PA:	GDPD5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	11	####	rs3831451	A	G	.	PA:	MYO7A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	11	####	.	A	T	.	PA:	INTS4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	11	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	11	####	rs1441056	C	T	.	PA:	BACE1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	11	####	rs5379167	G	T	.	PA:	OR8B8	exonic	NM_	.	mis	OR8B8:	
ACa02	11	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	12	####	rs1482401	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	12	####	.	T	A	.	PA:	TULP3	exonic	NM_	.	mis	TULP3:	
ACa02	12	####	rs2005141	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	12	####	.	G	A	.	PA:	ASUN	exonic	NM_	.	syr	ASUN:N	
ACa02	12	####	.	T	C	.	PA:	BAZ2A	exonic	NM_	.	syr	BAZ2A:	
ACa02	12	####	rs3737629	G	A	.	PA:	ZBTB39	exonic	NM_	.	mis	ZBTB39	
ACa02	12	####	.	C	T	.	PA:	OTOGL	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	12	####	.	G	A	.	PA:	PPFIA2	exonic	NM_	.	sto	PPFIA2	
ACa02	12	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	12	####	.	C	T	.	PA:	BTBD11	exonic	NM_	.	mis	BTBD11	
ACa02	12	####	.	G	A	.	PA:	PPTC7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	12	####	rs3495666	A	G	.	PA:	PPTC7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	12	####	.	G	C	.	PA:	NOS1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	12	####	.	C	G	.	PA:	NCOR2	exonic	NM_	.	mis	NCOR2	
ACa02	13	####	.	A	G	.	PA:	HMGB1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa02	13	####	.	A	C	.	PA:	VWA8	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	13	####	rs3772091	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	13	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	13	####	.	C	G	.	PA:	TPP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	14	####	rs2259899	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	14	####	rs7532438	G	A	.	PA:	OR4K15	exonic	NM_	.	mis	OR4K15	
ACa02	14	####	.	T	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	14	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	

ACa02	14	####	.	T	C	.	PA:	C14orf183	exonic	NM_	.	mis	C14orf1	
ACa02	14	####	.	G	C	.	PA:	RBM25	exonic	NM_	.	mis	RBM25	
ACa02	14	####	.	G	A	.	PA:	LTBP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	14	####	.	A	C	.	PA:	SLC25A47	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	14	####	rs9310230	C	T	.	PA:	MEG3	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	14	####	.	C	T	.	PA:	TRMT61A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	15	####	rs2259724	A	G	.	PA:	LINC0119	ncRNA_	NR_	NR_	.	.	
ACa02	15	####	rs2648130	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	15	####	rs2015085	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	15	####	rs2007357	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	15	####	.	C	A	.	PA:	RYR3	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa02	15	####	.	A	G	.	PA:	VPS18	exonic	NM_	.	syr	VPS18:	
ACa02	15	####	.	G	A	.	PA:	SLC12A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	15	####	.	C	T	.	PA:	RAB8B	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa02	15	####	.	C	T	.	PA:	PKM	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	15	####	.	C	A	.	PA:	NEO1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	15	####	.	C	T	.	PA:	GOLGA6C	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	15	####	rs1401448	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	15	####	rs8788873	C	A	.	PA:	SCAPER	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	15	####	rs2870850	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	15	####	.	C	T	.	PA:	SLCO3A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	15	####	rs7724699	C	T	.	PA:	ADAMTS1	exonic	NM_	.	syr	ADAMT	
ACa02	15	####	.	G	A	.	PA:	WASH3P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	16	####	rs7760391	C	T	.	PA:	NPIPA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	16	####	.	C	G	.	PA:	NDE1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	16	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	16	####	.	C	T	.	PA:	SRCAP	exonic	NM_	.	mis	SRCAP	
ACa02	16	####	rs2111615	A	G	.	PA:	TP53TG3I	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	16	####	rs1123661	T	C	.	PA:	TP53TG3I	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	16	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs5547762	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs3718897	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs4967312	G	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs4270195	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs4347658	A	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs4246399	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs5908263	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs4249045	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs7188365	G	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs4249050	C	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs4505355	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs1244825	T	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs1393031	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs5614462	A	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs4967197	T	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs4450416	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs8056404	C	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs4246356	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs8052624	G	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs4249654	A	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs2885782	G	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs6153388	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs2875315	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	

ACa02	16	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs1479181	C	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	rs8677676	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa02	16	####	.	C	G	.	PA:	HYDIN	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	16	####	rs1891151	G	C	.	PA:	HP	exonic	NM_	.	mis	HP:NM_	
ACa02	16	####	rs1291890	T	C	.	PA:	HPR	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	16	####	.	G	T	.	PA:	CNTNAP4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	16	####	.	C	A	.	PA:	ACSF3	exonic	NM_	.	mis	ACSF3:	
ACa02	16	####	rs7697160	C	T	.	PA:	ACSF3	exonic	NM_	.	mis	ACSF3:	
ACa02	16	####	rs7945920	C	A	.	PA:	.	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	16	####	rs3697515	C	A	.	PA:	.	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	16	####	rs5596034	A	G	.	PA:	.	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	17	####	.	G	A	.	PA:	XAF1	exonic	NM_	.	mis	XAF1:N	
ACa02	17	####	.	A	C	.	PA:	CLDN7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	17	####	.	C	T	.	PA:	LOC2840	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	17	####	.	G	A	.	PA:	MYH13	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	17	####	rs9806119	C	T	.	PA:	DNAH9	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	17	####	rs7571703	C	T	.	PA:	DNAH9	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	17	####	rs1460005	T	A	.	PA:	CCDC144	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	17	####	rs2168782	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	17	####	.	C	G	.	PA:	FLJ36000	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	17	####	rs4362423	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	17	####	rs4283255	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	17	####	rs1403689	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	17	####	rs1405621	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	17	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	17	####	rs7126069	C	T	.	PA:	TBC1D3F	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	17	####	rs573849	T	C	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa02	17	####	rs9693530	T	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	17	####	.	T	A	.	PA:	LOC4404	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	17	####	.	C	G	.	PA:	GPR179	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	17	####	.	G	A	.	PA:	CA10	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa02	17	####	rs7516213	G	T	.	PA:	TBC1D3P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	17	####	rs7607356	G	A	.	PA:	AXIN2	exonic	NM_	.	syr	AXIN2:I	
ACa02	17	####	.	C	T	.	PA:	SEC14L1	exonic	NM_	.	mis	SEC14I	
ACa02	17	####	.	G	A	.	PA:	RBFOX3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	17	####	rs1138327	C	T	.	PA:	BAIAP2-A	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa02	17	####	rs8791354	A	T	.	PA:	TBCD	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	18	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	18	####	rs8658406	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	18	####	rs8676712	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	19	####	.	C	A	.	PA:	GAMT	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	19	####	rs3756184	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa02	19	####	.	G	A	.	PA:	THOP1	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa02	19	####	.	G	T	.	PA:	THOP1	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa02	19	####	rs5460066	G	A	.	PA:	PNPLA6	exonic	NM_	.	mis	PNPLA(	
ACa02	19	####	.	T	C	.	PA:	SLC1A6	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	19	####	.	C	T	.	PA:	CEBPG	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa02	19	####	.	G	A	.	PA:	ARHGAP3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	19	####	rs2385185	G	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	19	####	rs7125437	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa02	19	####	.	G	C	.	PA:	RYR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa02	19	####	rs1390553	T	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa02	19	####	rs7714460	G	A	.	PA:	FPR1	exonic	NM_	.	mis	FPR1:N	

ACa02		19	####	rs1785512	T		C	.	PA:	TPM3P9	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa02		19	####	rs9207323	G		A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa02		20	####	.	T		G	.	PA:	RRBP1	exonic	NM_	.	mis	RRBP1
ACa02		20	####	.	G		A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa02		20	####	rs7787265	G		A	.	PA:	ACSS1	exonic	NM_	.	syr	ACSS1:
ACa02		20	####	rs3775467	G		A	.	PA:	ACSS1	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		20	####	.	C		T	.	PA:	FRG1B	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa02		20	####	.	C		A	.	PA:	L3MBTL1	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		20	####	.	G		A	.	PA:	ZSWIM1	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		20	####	.	G		A	.	PA:	BIRC7	exonic	NM_	.	mis	BIRC7:I
ACa02		21	####	rs3747993	C		G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa02		21	####	rs3730978	G		A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa02		21	####	rs2927801	G		A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa02		21	####	rs1996169	T		C	.	PA:	BAGE2,BA	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		21	####	rs8789866	G		T	.	PA:	BAGE4,BA	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		21	####	rs4358221	G		A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa02		21	####	.	T		A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa02		21	####	rs8664333	A		C	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa02		21	####	rs7967544	T		G	.	PA:	LOC10013	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa02		21	####	.	G		A	.	PA:	TRAPPC1	exonic	NM_	.	syr	TRAPP
ACa02		21	####	.	G		A	.	PA:	DIP2A	intronic	NM_	.	.	.
ACa02		21	####	.	C		T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa02		22	####	.	G		A	.	PA:	TBX1	exonic	NM_	.	mis	TBX1:N
ACa02		22	####	rs3702204	C		T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa02		22	####	rs1119554	G		T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa02		22	####	rs1880252	C		T	.	PA:	POM121L	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa02		22	####	.	G		A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa02	X		####	rs1637792	G		C	.	PA:	VCX	exonic	NM_	.	mis	VCX:NM
ACa02	X		####	.	G		A	.	PA:	MID1	intronic	NM_	.	.	.
ACa02	X		####	.	G		A	.	PA:	DCAF8L2	exonic	NM_	.	mis	DCAF8I
ACa02	X		####	.	C		A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa02	X		####	rs7740495	G		A	.	PA:	FAM47A	exonic	NM_	.	syr	FAM47/
ACa02	X		####	.	G		C	.	PA:	CDK16	intronic	NM_	.	.	.
ACa02	X		####	.	G		T	.	PA:	CDK16	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa02	X		####	.	G		T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa02	X		####	rs8686279	A		C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa02	X		####	.	C		T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa02	X		####	.	G		C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa02	X		####	.	C		T	.	PA:	MED12	exonic	NM_	.	sto	MED12
ACa02	X		####	.	T		A	.	PA:	GPRASP1	exonic	NM_	.	syr	GPRAS
ACa02	X		####	.	G		A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa02	X		####	.	A		G	.	PA:	DCX	intronic	NM_	.	.	.
ACa02	X		####	.	C		A	.	PA:	OCRL	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa02	X		####	.	C		T	.	PA:	IGSF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa02	X		####	rs9883463	T		G	.	PA:	MAP7D3	intronic	NM_	.	.	.
ACa02	X		####	.	G		C	.	PA:	FGF13	intronic	NM_	.	.	.
ACa02	X		####	rs7821231	G		A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.
ACa02	X		####	.	G		A	.	PA:	FLNA	intronic	NM_	.	.	.
ACa02	Y		####	rs3769023	C		A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa02	MT		759	.	C		T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa02	MT		####	rs1057516	C		T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa03		1	####	.	A		G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa03		1	####	.	G		A	.	PA:	CDK11A,C	intronic	NM_	.	.	.
ACa03		1	####	.	C		T	.	PA:	TP73	exonic	NM_	.	mis	TP73:N

ACa03	1	####	rs7579432	C	T	.	PA:	VPS13D	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs5565927	T	C	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs7619917	T	C	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs663828	T	C	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs646524	T	G	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs4596945	G	C	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs2296161	C	T	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs5616387	C	T	.	PA:	EMC1	exonic	NM_	.	mis	EMC1:N	
ACa03	1	####	.	G	A	.	PA:	ZC3H12A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs9490484	G	T	.	PA:	HECTD3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	.	T	G	.	PA:	ANGPTL3	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa03	1	####	.	G	T	.	PA:	ERICH3	exonic	NM_	.	mis	ERICH3	
ACa03	1	####	.	C	T	.	PA:	RABGGTE	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	.	G	A	.	PA:	NHLH2	exonic	NM_	.	mis	NHLH2	
ACa03	1	####	rs1409433	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	1	####	rs2022010	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	1	####	rs7763460	C	G	.	PA:	.	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs1457064	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	1	####	.	C	G	.	PA:	NBPF20	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs1148852	G	C	.	PA:	NBPF9,NE	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs3746294	A	G	.	PA:	NBPF20,F	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs3675661	C	G	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs7986155	T	A	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs7593611	G	A	.	PA:	MEX3A	exonic	NM_	.	syr	MEX3A	
ACa03	1	####	.	G	T	.	PA:	OR6P1	exonic	NM_	.	mis	OR6P1	
ACa03	1	####	.	G	C	.	PA:	LAD1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	1	####	rs7508890	G	A	.	PA:	PPFIA4	exonic	NM_	.	mis	PPFIA4	
ACa03	1	####	rs1454313	A	G	.	PA:	LEFTY1	exonic	NM_	.	mis	LEFTY1	
ACa03	1	####	rs3720052	C	T	.	PA:	OR6F1	exonic	NM_	.	mis	OR6F1	
ACa03	1	####	rs8789457	A	G	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa03	2	####	.	C	A	.	PA:	VSNL1	exonic	NM_	.	mis	VSNL1	
ACa03	2	####	.	T	A	.	PA:	LRRTM4	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa03	2	####	.	G	A	.	PA:	LRRTM1	exonic	NM_	.	syr	LRRTM	
ACa03	2	####	rs2013675	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	2	####	.	G	C	.	PA:	RGPD1,R	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	2	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	2	####	rs1473449	G	T	.	PA:	UBR3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	2	####	.	C	T	.	PA:	ITGA4	exonic	NM_	.	mis	ITGA4:I	
ACa03	2	####	.	C	T	.	PA:	ATIC	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa03	2	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	3	####	rs1050893	G	C	.	PA:	KIF9	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	3	####	.	C	T	.	PA:	KIF9	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	3	####	rs1178604	G	A	.	PA:	CACNA2D	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	3	####	rs3744125	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	3	####	rs1451899	C	T	.	PA:	ROBO2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	3	####	.	G	A	.	PA:	MGLL	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	3	####	.	A	C	.	PA:	NUDT16	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa03	3	####	.	A	C	.	PA:	IL20RB	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	3	####	.	T	G	.	PA:	ARMC8	exonic	NM_	.	syr	ARMC8	
ACa03	3	####	rs1057519	G	A	.	PA:	PIK3CA	exonic	NM_	.	mis	PIK3CA	
ACa03	3	####	rs1048860	G	A	.	PA:	PIK3CA	exonic	NM_	.	mis	PIK3CA	
ACa03	3	####	.	C	A	.	PA:	FYTTD1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	4	####	rs3725657	G	A	.	PA:	ZFYVE28	exonic	NM_	.	mis	ZFYVE2	
ACa03	4	####	.	A	G	.	PA:	JAKMIP1	splicing	NM_	NM_	.	.	

ACa03	4	####	rs8796734	A	G	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa03	4	####	rs5941177	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	4	####	.	C	T	.	PA:	NPFFR2	exonic	NM_	.	mis	NPFFR	
ACa03	4	####	.	A	C	.	PA:	SPOCK3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	5	####	rs4288119	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	5	####	rs8669155	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	5	####	rs7765625	G	A	.	PA:	JADE2	exonic	NM_	.	mis	JADE2:	
ACa03	5	####	rs5593800	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	5	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	6	####	.	A	C	.	PA:	BPHL	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	6	####	rs1513411	G	C	.	PA:	HLA-B	exonic	NM_	.	mis	HLA-B:I	
ACa03	6	####	.	C	A	.	PA:	EHMT2	exonic	NM_	.	mis	EHMT2	
ACa03	6	####	rs7668272	C	T	.	PA:	PPARD	exonic	NM_	.	mis	PPARD	
ACa03	6	####	.	G	A	.	PA:	TNFRSF2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	6	####	.	T	A	.	PA:	GSTA2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	6	####	.	T	G	.	PA:	COL12A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	7	####	.	C	T	.	PA:	THSD7A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	7	####	.	C	T	.	PA:	C7orf31	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	7	####	.	G	A	.	PA:	HECW1	exonic	NM_	.	mis	HECW1	
ACa03	7	####	.	T	G	.	PA:	GCK	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	7	####	rs1439657	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	7	####	rs8799634	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	7	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	7	####	rs2002309	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	7	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	7	####	rs2018986	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	7	####	.	C	T	.	PA:	SPDYE5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	7	####	.	C	T	.	PA:	SPDYE5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	7	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	7	####	.	G	A	.	PA:	GNAI1	exonic	NM_	.	mis	GNAI1:I	
ACa03	7	####	.	C	T	.	PA:	SAMD9	exonic	NM_	.	mis	SAMD9	
ACa03	7	####	rs2676016	C	T	.	PA:	PDK4	exonic	NM_	.	mis	PDK4:N	
ACa03	7	####	rs1826826	G	A	.	PA:	NYAP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	7	####	rs1409779	C	T	.	PA:	ST7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	7	####	.	A	C	.	PA:	NOBOX	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	7	####	.	G	C	.	PA:	KMT2C	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	7	####	rs7962502	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	8	####	.	G	C	.	PA:	ANGPT2	exonic	NM_	.	syr	ANGPT	
ACa03	8	####	rs3763515	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	8	####	rs5673338	T	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	8	####	.	C	G	.	PA:	LOC1019	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa03	8	####	.	C	T	.	PA:	SLC26A7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	8	####	.	G	A	.	PA:	VPS13B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	8	####	rs5609552	T	C	.	PA:	KCNQ3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	9	####	.	G	A	.	PA:	FOCAD	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	9	####	rs1463382	C	T	.	PA:	IL11RA	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	9	####	rs7495042	G	A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACa03	9	####	.	C	T	.	PA:	.	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa03	9	####	rs7714176	G	A	.	PA:	AQP7P1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa03	9	####	rs4452915	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	9	####	rs7492487	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	9	####	rs391727	G	C	.	PA:	PGM5	intronic	NM_	.	.	.	

ACa03	9	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa03	9	####	.	G	T	.	PA:	SLC28A3	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	9	####	rs2855049	T	C	.	PA:	CEL	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	9	####	rs7771119	G	A	.	PA:	NOTCH1	exonic	NM_	.	syr	NOTCH
ACa03	10	####	.	G	A	.	PA:	CAMK1D	exonic	NM_	.	mis	CAMK1
ACa03	10	####	.	G	A	.	PA:	CACNB2	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	10	####	rs7747854	G	A	.	PA:	CCNY	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa03	10	####	rs1759035	A	G	.	PA:	ANKRD30	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	10	####	rs3125109	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa03	10	####	.	G	A	.	PA:	TBATA	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	10	####	rs2018088	G	A	.	PA:	VCL	exonic	NM_	.	mis	VCL:NM
ACa03	10	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa03	10	####	rs3128226	C	G	.	PA:	NUTM2A	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	10	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa03	10	####	.	C	G	.	PA:	RAB11FIF	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa03	10	####	rs5495128	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa03	10	####	.	C	A	.	PA:	CPXM2	exonic	NM_	.	mis	CPXM2
ACa03	11	####	.	G	T	.	PA:	TSPAN18	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	11	####	.	C	T	.	PA:	C11orf80	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	11	####	.	A	T	.	PA:	MIR5692A	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa03	12	####	rs7827727	T	C	.	PA:	LOC10028	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa03	12	####	.	C	A	.	PA:	AKAP3	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa03	12	####	.	G	C	.	PA:	CHD4	exonic	NM_	.	mis	CHD4:N
ACa03	12	####	.	G	C	.	PA:	ZNF384	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	12	####	.	C	A	.	PA:	ZNF705A	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	12	####	rs1219135	C	T	.	PA:	KRAS	exonic	NM_	.	mis	KRAS:N
ACa03	12	####	rs3731379	C	T	.	PA:	ITPR2	exonic	NM_	.	mis	ITPR2:N
ACa03	12	####	rs4031316	T	C	.	PA:	DDX11	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	12	####	rs5661873	C	T	.	PA:	PUS7L	exonic	NM_	.	mis	PUS7L:
ACa03	12	####	rs9815586	G	A	.	PA:	FAM186A	exonic	NM_	.	sto	FAM18
ACa03	12	####	rs1409167	G	A	.	PA:	MMP19	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	12	####	.	C	A	.	PA:	HIP1R	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	12	####	.	G	A	.	PA:	DNAH10	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	12	####	rs1707911	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa03	12	####	rs7662808	G	A	.	PA:	DDX51	exonic	NM_	.	mis	DDX51:
ACa03	13	####	rs9079318	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa03	13	####	.	A	C	.	PA:	GSX1	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	13	####	rs7666774	G	A	.	PA:	FLT3	exonic	NM_	.	sto	FLT3:N
ACa03	13	####	.	C	T	.	PA:	DCLK1	exonic	NM_	.	mis	DCLK1:
ACa03	13	####	.	C	T	.	PA:	SPACA7	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	14	####	rs2018046	T	G	.	PA:	LOC10192	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa03	14	####	rs4982820	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa03	14	####	rs2005137	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa03	14	####	.	T	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa03	14	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa03	14	####	rs3763109	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa03	14	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa03	14	####	rs7592315	G	A	.	PA:	LRRC16B	intronic	NM_	.	.	.
ACa03	14	####	.	T	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa03	14	####	rs7473295	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa03	15	####	rs5686085	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa03	15	####	rs5761409	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa03	15	####	rs3684417	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa03	15	####	rs1130343	A	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.

ACa03	15	####	rs1995519	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	15	####	rs1836337	A	G	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACa03	15	####	rs3700524	G	A	.	PA:	.	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	15	####	rs3766397	G	A	.	PA:	GOLGA8S	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa03	15	####	.	G	A	.	PA:	CHRFAM7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	15	####	rs5573362	C	T	.	PA:	SPINT1	exonic	NM_	.	syr	SPINT1	
ACa03	15	####	.	C	T	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.	
ACa03	15	####	rs7443087	A	G	.	PA:	GOLGA6E	exonic	NM_	.	mis	GOLGA	
ACa03	15	####	.	G	A	.	PA:	GOLGA6L	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	16	####	.	T	C	.	PA:	IFT140	exonic	NM_	.	mis	IFT140:	
ACa03	16	####	.	A	T	.	PA:	IL32	exonic	NM_	.	syr	IL32:NM	
ACa03	16	####	.	C	T	.	PA:	SNX29	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	16	####	.	G	A	.	PA:	RRN3P2	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa03	16	####	rs2887413	C	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4966607	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4359628	T	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4249500	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4372866	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4396558	T	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4249160	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4967780	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs7203681	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs7826866	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4249045	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs7188365	G	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs9972801	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4249048	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs7823469	C	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs1393031	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4090116	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4090115	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4459567	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs6133865	A	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4341908	A	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs4451975	A	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	rs7187636	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	16	####	.	C	A	.	PA:	PDXDC2P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa03	16	####	rs2004697	A	G	.	PA:	PDPR	exonic	NM_	.	mis	PDPR:N	
ACa03	16	####	.	A	C	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa03	16	####	.	C	G	.	PA:	FANCA	exonic	NM_	.	mis	FANCA	
ACa03	16	####	.	C	A	.	PA:	SPIRE2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	17	####	.	T	G	.	PA:	SMYD4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	17	####	.	G	A	.	PA:	GAS7	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa03	17	####	.	G	T	.	PA:	ATPAF2	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa03	17	####	rs1440233	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	17	####	rs4362423	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	17	####	rs1409172	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	17	####	rs3737234	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa03	17	####	.	C	T	.	PA:	ARHGAP2	exonic	NM_	.	mis	ARHGA	
ACa03	17	####	.	A	G	.	PA:	ARHGAP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	17	####	rs8679073	A	T	.	PA:	GSDMA	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	17	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	17	####	.	G	A	.	PA:	KANSL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	17	####	rs7651139	C	T	.	PA:	CACNG5	exonic	NM_	.	mis	CACNG	

ACa03		17	####	rs7754213	G		A	.	PA:	MYO15B	ncRNA_	NR_	.	. .
ACa03		17	####	.	G		A	.	PA:	MGAT5B	intronic	NM_	.	. .
ACa03		17	####	rs5408783	C		T	.	PA:	9-Sep	intronic	NM_	.	. .
ACa03		17	####	.	G		A	.	PA:	CCDC137	exonic	NM_	.	syr CCDC1
ACa03		17	####	.	C		T	.	PA:	GCGR	intronic	NM_	.	. .
ACa03		17	####	rs3732207	C		T	.	PA:	FASN	intronic	NM_	.	. .
ACa03		18	####	.	C		T	.	PA:	CIDEA	exonic	NM_	.	syr CIDEA:
ACa03		19	####	rs7575217	C		T	.	PA:	SEMA6B	exonic	NM_	.	syr SEMA6
ACa03		19	####	.	G		A	.	PA:	KHSRP	intronic	NM_	.	. .
ACa03		19	####	.	G		T	.	PA:	XAB2	intronic	NM_	.	. .
ACa03		19	####	.	G		T	.	PA:	TIMM44	intronic	NM_	.	. .
ACa03		19	####	.	C		A	.	PA:	FBN3	intronic	NM_	.	. .
ACa03		19	####	rs1492924	G		A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	. .
ACa03		19	####	rs1999730	T		C	.	PA:	CEP89	intronic	NM_	.	. .
ACa03		19	####	rs3762437	G		T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	. .
ACa03		19	####	rs7125437	C		G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	. .
ACa03		19	####	.	C		T	.	PA:	SPTBN4	exonic	NM_	.	syr SPTBN
ACa03		19	####	.	A		C	.	PA:	EXOSC5	intronic	NM_	.	. .
ACa03		19	####	.	C		G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	. .
ACa03		19	####	.	C		A	.	PA:	PLA2G4C	exonic	NM_	.	mis PLA2G4
ACa03		19	####	rs6212787	C		A	.	PA:	CGB8	intronic	NM_	.	. .
ACa03		19	####	.	A		C	.	PA:	KLK15	intronic	NM_	.	. .
ACa03		19	####	rs5492748	T		C	.	PA:	TPM3P9	ncRNA_	NR_	.	. .
ACa03		19	####	.	T		C	.	PA:	.	downstr	NR_	.	. .
ACa03		19	####	rs7600928	G		A	.	PA:	PRKCG	exonic	NM_	.	syr PRKCG
ACa03		19	####	.	G		T	.	PA:	ZNF211	intronic	NM_	.	. .
ACa03		19	####	rs7704038	T		G	.	PA:	ZNF814	exonic	NM_	.	mis ZNF814
ACa03		19	####	.	C		T	.	PA:	MZF1-AS1	ncRNA_	NR_	.	. .
ACa03		20	####	.	C		T	.	PA:	TGM6	intronic	NM_	.	. .
ACa03		20	####	.	G		T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	. .
ACa03		20	####	.	C		A	.	PA:	MIR663AH	ncRNA_	NR_	.	. .
ACa03		20	####	rs9569348	A		G	.	PA:	FRG1B	ncRNA_	NR_	.	. .
ACa03		20	####	.	C		A	.	PA:	WFDC2	intronic	NM_	.	. .
ACa03		21	####	rs3772733	C		T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	. .
ACa03		21	####	rs9184726	C		T	.	PA:	BAGE,BA	intronic	NM_	.	. .
ACa03		21	####	rs9266067	A		G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	. .
ACa03		21	####	.	G		A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	. .
ACa03		21	####	.	C		T	.	PA:	DONSON	intronic	NM_	.	. .
ACa03		21	####	rs7967544	T		G	.	PA:	LOC10013	ncRNA_	NR_	.	. .
ACa03		22	####	rs2019683	C		T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	. .
ACa03		22	####	rs7543647	C		T	.	PA:	LZTR1	intronic	NM_	.	. .
ACa03		22	####	rs5711604	G		A	.	PA:	TTC28-AS	ncRNA_	NR_	.	. .
ACa03		22	####	rs1856371	C		T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	. .
ACa03		22	####	rs3713772	C		T	.	PA:	MCM5	exonic	NM_	.	syr MCM5:I
ACa03		22	####	.	G		A	.	PA:	TMEM184	intronic	NM_	.	. .
ACa03		22	####	.	G		A	.	PA:	NPTXR	UTR3	NM_	NM_	. .
ACa03		22	####	.	C		A	.	PA:	LINC0089	ncRNA_	NR_	.	. .
ACa03	X		####	rs6644312	G		T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	. .
ACa03	X		####	rs2010857	T		C	.	PA:	SHROOM	intronic	NM_	.	. .
ACa03	X		####	.	C		T	.	PA:	WWC3	exonic	NM_	.	mis WWC3
ACa03	X		####	rs7457127	C		T	.	PA:	SRPX	exonic	NM_	.	mis SRPX:N
ACa03	X		####	.	G		A	.	PA:	WAS	intronic	NM_	.	. .
ACa03	X		####	rs7825308	G		A	.	PA:	CACNA1F	exonic	NM_	.	mis CACNA
ACa03	X		####	.	G		C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	. .

ACa03	X	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	X	####	rs7756689	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	X	####	rs2486782	A	T	.	PA:	CHIC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	X	####	.	G	A	.	PA:	AMOT	exonic	NM_	.	mis	AMOT:I	
ACa03	X	####	.	T	C	.	PA:	C1GALT1	exonic	NM_	.	mis	C1GAL	
ACa03	X	####	.	C	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa03	X	####	rs1016097	C	A	.	PA:	MCF2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	X	####	.	G	A	.	PA:	NSDHL	intronic	NM_	.	.	.	
ACa03	X	####	rs7802961	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa03	MT	4451	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	MT	5777	rs3868289	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa03	MT	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa04	1	####	rs7466465	C	T	.	PA:	ATAD3C	exonic	NM_	.	syr	ATAD3	
ACa04	1	####	.	C	G	.	PA:	CDK11B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs1454709	C	T	.	PA:	FBXO2	exonic	NM_	.	mis	FBXO2	
ACa04	1	####	.	C	T	.	PA:	MAD2L2	exonic	NM_	.	mis	MAD2L	
ACa04	1	####	rs1440990	G	A	.	PA:	PRAMEF2	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa04	1	####	rs1157686	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	1	####	.	T	A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs7511577	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	1	####	.	G	C	.	PA:	SH2D5	exonic	NM_	.	mis	SH2D5	
ACa04	1	####	rs5551428	C	T	.	PA:	TCEA3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs1422489	G	A	.	PA:	GRHL3	exonic	NM_	.	mis	GRHL3	
ACa04	1	####	.	G	A	.	PA:	RHD	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	G	A	.	PA:	COL16A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs7753177	G	A	.	PA:	RNF19B	exonic	NM_	.	unk	UNKNC	
ACa04	1	####	.	C	T	.	PA:	SNIP1	exonic	NM_	.	mis	SNIP1:I	
ACa04	1	####	.	G	C	.	PA:	MACF1	exonic	NM_	.	mis	MACF1	
ACa04	1	####	.	G	T	.	PA:	MACF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	G	T	.	PA:	MACF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	G	C	.	PA:	MACF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	A	G	.	PA:	SCMH1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs7580073	C	T	.	PA:	KLF17	exonic	NM_	.	mis	KLF17:I	
ACa04	1	####	rs8662033	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	1	####	.	C	T	.	PA:	CYB5RL	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	C	G	.	PA:	INADL	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	1	####	.	G	A	.	PA:	FPGT-TNI	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	G	A	.	PA:	EVI5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	C	A	.	PA:	ABCA4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	G	A	.	PA:	SNX7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs7598590	G	A	.	PA:	CD53	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	G	A	.	PA:	LOC64335	exonic	NM_	.	syr	LOC643	
ACa04	1	####	rs2004173	G	A	.	PA:	FCGR1B	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa04	1	####	rs1043712	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa04	1	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	1	####	rs2002777	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	1	####	rs7506054	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	1	####	rs1694653	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	1	####	rs4125366	A	T	.	PA:	NBPF20,N	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	T	G	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	A	G	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs6181199	G	A	.	PA:	NBPF11,N	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs8799948	C	A	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.	

ACa04	1	####	rs482979	C	T	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs2021032	T	G	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs2009700	C	G	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs2003739	G	A	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs3705433	G	A	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs226753	G	C	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	G	A	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs2787777	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	1	####	rs3750007	T	A	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	1	####	.	C	G	.	PA:	INTS3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	C	A	.	PA:	SLC27A3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	A	T	.	PA:	SLC50A1	exonic	NM_	.	syr	SLC50A	
ACa04	1	####	.	G	T	.	PA:	ARHGEF2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	C	T	.	PA:	PEAR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	C	T	.	PA:	PEAR1	exonic	NM_	.	syr	PEAR1:	
ACa04	1	####	.	C	T	.	PA:	TNFSF4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	.	C	G	.	PA:	ASPM	exonic	NM_	.	mis	ASPM:N	
ACa04	1	####	rs1997462	G	A	.	PA:	KIF21B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	1	####	rs3692540	G	A	.	PA:	PLEKHA6	exonic	NM_	.	mis	PLEKHA	
ACa04	1	####	.	G	A	.	PA:	C1orf115	exonic	NM_	.	mis	C1orf11	
ACa04	1	####	.	C	T	.	PA:	CAPN2	exonic	NM_	.	mis	CAPN2	
ACa04	1	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	1	####	rs7793949	G	A	.	PA:	OBSCN	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	.	C	T	.	PA:	ASAP2	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa04	2	####	.	C	G	.	PA:	TAF1B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	.	G	C	.	PA:	SF3B6	exonic	NM_	.	syr	SF3B6:	
ACa04	2	####	.	G	C	.	PA:	CAD	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	2	####	.	C	T	.	PA:	SLC3A1	exonic	NM_	.	syr	SLC3A1	
ACa04	2	####	.	C	T	.	PA:	SLC3A1,P	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa04	2	####	.	A	G	.	PA:	RHOQ	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	2	####	.	C	G	.	PA:	ARHGAP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	.	C	T	.	PA:	DYSF	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	rs3764475	C	T	.	PA:	RETSAT	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	rs1425097	C	T	.	PA:	PTCD3	exonic	NM_	.	syr	PTCD3	
ACa04	2	####	.	C	T	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	.	G	A	.	PA:	RNF103-C	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	rs8671368	A	G	.	PA:	RGPD2,R	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	rs8674281	C	A	.	PA:	RGPD1,R	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	.	C	T	.	PA:	LOC28507	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	2	####	rs1210470	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	2	####	rs2015850	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	2	####	.	C	T	.	PA:	SLC9A2	exonic	NM_	.	syr	SLC9A2	
ACa04	2	####	.	G	A	.	PA:	ACOXL	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	.	G	C	.	PA:	POLR1B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	rs6216365	A	T	.	PA:	INSIG2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	.	C	T	.	PA:	IWS1	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa04	2	####	.	C	T	.	PA:	POTEF	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	rs1839843	T	C	.	PA:	POTEF	exonic	NM_	.	syr	POTEF	
ACa04	2	####	rs2001821	A	G	.	PA:	POTEE	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	2	####	.	C	T	.	PA:	LOC40101	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	2	####	.	G	T	.	PA:	RPRM	UTR3	NM_	NM_	.	.	

ACa04	2	####	.	G	C	.	PA:	WDSUB1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	2	####	.	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	2	####	.	C	T	.	PA:	CCDC141	exonic	NM_	.	mis	CCDC1
ACa04	2	####	.	T	G	.	PA:	GTF3C3	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	2	####	.	T	C	.	PA:	CPS1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	2	####	.	C	T	.	PA:	TMEM169	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	2	####	.	G	A	.	PA:	SP140	exonic	NM_	.	mis	SP140:I
ACa04	2	####	.	G	A	.	PA:	SP140	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	2	####	.	C	T	.	PA:	HDAC4	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	3	####	.	G	A	.	PA:	ZFYVE20	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	G	A	.	PA:	CAPN7	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	G	T	.	PA:	OSBPL10	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	C	G	.	PA:	DYNC1LI1	exonic	NM_	.	mis	DYNC1
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	NBEAL2	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	G	A	.	PA:	KIF9-AS1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	NDUFAF3	exonic	NM_	.	syr	NDUFA
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	NPRL2	exonic	NM_	.	mis	NPRL2:
ACa04	3	####	.	G	A	.	PA:	CACNA2D	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	rs7801345	C	T	.	PA:	STAB1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	rs3677973	G	A	.	PA:	ITIH3	exonic	NM_	.	mis	ITIH3:N
ACa04	3	####	rs7454520	G	A	.	PA:	WNT5A	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	A	T	.	PA:	EPHA6	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	rs1911937	G	A	.	PA:	MIR548G	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	ZNF80	exonic	NM_	.	mis	ZNF80:
ACa04	3	####	.	C	G	.	PA:	GPR156	exonic	NM_	.	mis	GPR15(
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	SEMA5B	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	H1FX	exonic	NM_	.	mis	H1FX:N
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	RPL32P3	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	MBD4	exonic	NM_	.	mis	MBD4:N
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	MBD4	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	G	A	.	PA:	COL6A5	exonic	NM_	.	syr	COL6A!
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	ATP2C1	exonic	NM_	.	syr	ATP2C:
ACa04	3	####	rs1469630	G	A	.	PA:	NME9	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	C	A	.	PA:	FOXL2	exonic	NM_	.	sto	FOXL2:
ACa04	3	####	.	G	A	.	PA:	GRK7	exonic	NM_	.	syr	GRK7:N
ACa04	3	####	.	T	G	.	PA:	ATR	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	rs7613736	G	C	.	PA:	P2RY12,N	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	MLF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	G	A	.	PA:	ZBBX	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	G	C	.	PA:	SLC2A2	exonic	NM_	.	syr	SLC2A2
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	FNDC3B	exonic	NM_	.	syr	FNDC3
ACa04	3	####	.	C	G	.	PA:	HTR3E	exonic	NM_	.	mis	HTR3E
ACa04	3	####	.	G	A	.	PA:	SENP2	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	G	A	.	PA:	RFC4	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	HRASLS	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	3	####	rs8795450	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	3	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	3	####	rs4927838	G	A	.	PA:	SDHAP1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	3	####	rs1739998	C	T	.	PA:	SDHAP1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	4	####	rs4022005	C	T	.	PA:	ZNF595,Z	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	4	####	rs7518089	C	T	.	PA:	SLC26A1	exonic	NM_	.	syr	SLC26A
ACa04	4	####	rs7529426	G	A	.	PA:	PPARGC1	exonic	NM_	.	mis	PPARG
ACa04	4	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.

ACa04	4	####	.	G	A	.	PA:	N4BP2	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa04	4	####	.	C	G	.	PA:	LIMCH1	exonic	NM_	.	mis	LIMCH1
ACa04	4	####	rs7541707	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	4	####	.	G	A	.	PA:	AASDH	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	4	####	rs5423520	C	T	.	PA:	MTHFD2L	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	4	####	.	G	C	.	PA:	ANXA3	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	4	####	rs8789415	C	A	.	PA:	CISD2	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa04	4	####	rs8900187	C	T	.	PA:	COL25A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	4	####	.	G	A	.	PA:	SNHG8	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	4	####	rs1378897	A	T	.	PA:	MFSD8	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	4	####	.	G	C	.	PA:	PCDH10	exonic	NM_	.	mis	PCDH1
ACa04	4	####	rs3676041	A	G	.	PA:	GYPB	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	4	####	.	T	G	.	PA:	GUCY1A3	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	4	####	.	T	C	.	PA:	NEK1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	4	####	.	G	C	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.
ACa04	5	####	.	G	A	.	PA:	PDCD6	exonic	NM_	.	mis	PDCD6
ACa04	5	####	.	C	T	.	PA:	LINC0119	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	5	####	.	G	A	.	PA:	GHR	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	5	####	.	A	C	.	PA:	ANKRD55	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	5	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	5	####	.	T	A	.	PA:	MAST4	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	5	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	5	####	.	G	C	.	PA:	GTF2H2B	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	5	####	rs2848141	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	5	####	.	C	T	.	PA:	HEXB	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa04	5	####	.	C	T	.	PA:	HEXB	exonic	NM_	.	sto	HEXB:N
ACa04	5	####	.	C	T	.	PA:	HSD17B4	exonic	NM_	.	mis	HSD17I
ACa04	5	####	.	C	A	.	PA:	HARS	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	5	####	.	C	A	.	PA:	HARS	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	5	####	rs1024566	A	C	.	PA:	G3BP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	5	####	.	C	T	.	PA:	GLRA1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	5	####	.	G	C	.	PA:	ADAM19	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	5	####	.	G	A	.	PA:	EBF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	5	####	rs5341551	G	A	.	PA:	TENM2	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	5	####	.	C	T	.	PA:	EIF4E1B	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	5	####	.	G	C	.	PA:	CBY3	exonic	NM_	.	syr	CBY3:N
ACa04	6	####	rs2013466	C	G	.	PA:	DUSP22	exonic	NM_	.	mis	DUSP2
ACa04	6	####	.	C	G	.	PA:	BPHL	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	6	####	.	C	G	.	PA:	CDYL	exonic	NM_	.	mis	CDYL:N
ACa04	6	####	rs7489137	G	A	.	PA:	HIST1H2E	exonic	NM_	.	syr	HIST1H
ACa04	6	####	.	C	T	.	PA:	POM121L	exonic	NM_	.	mis	POM12
ACa04	6	####	.	C	G	.	PA:	POM121L	exonic	NM_	.	mis	POM12
ACa04	6	####	rs9402071	C	T	.	PA:	PGBD1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	6	####	.	G	C	.	PA:	DHX16	exonic	NM_	.	syr	DHX16:
ACa04	6	####	.	G	C	.	PA:	DHX16	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	6	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa04	6	####	.	G	A	.	PA:	TNF	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	6	####	.	G	A	.	PA:	ZBTB12	exonic	NM_	.	syr	ZBTB12
ACa04	6	####	.	C	T	.	PA:	STK19	exonic	NM_	.	mis	STK19:
ACa04	6	####	rs5421901	C	T	.	PA:	CYP21A1I	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	6	####	.	C	T	.	PA:	CYP21A2	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa04	6	####	.	C	T	.	PA:	CYP21A1I	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	6	####	.	C	A	.	PA:	ETV7	exonic	NM_	.	syr	ETV7:N
ACa04	6	####	.	T	G	.	PA:	CMTR1	intronic	NM_	.	.	.

ACa04	6	####	rs3746609	A	C	.	PA:	AARS2	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	6	####	rs5482384	C	T	.	PA:	GPR116	exonic	NM_	.	mis	GPR11
ACa04	6	####	rs1442276	G	A	.	PA:	DEFB112	exonic	NM_	.	mis	DEFB1
ACa04	6	####	rs9008212	C	G	.	PA:	TTK	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	6	####	.	C	T	.	PA:	CASP8AP	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	6	####	rs7466151	C	T	.	PA:	AK9	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	6	####	.	C	T	.	PA:	CEP85L	exonic	NM_	.	mis	CEP85
ACa04	6	####	rs5411063	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	6	####	.	G	C	.	PA:	LOC10012	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	7	####	rs3695415	G	A	.	PA:	INTS1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	7	####	rs9183664	C	T	.	PA:	AP5Z1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	7	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	7	####	rs1485954	C	T	.	PA:	MYO1G	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	7	####	rs3677059	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	7	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	7	####	.	A	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	7	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	7	####	rs2018986	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	7	####	rs1860492	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	7	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	7	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	7	####	rs2687038	T	C	.	PA:	TYW1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	7	####	.	A	C	.	PA:	WBSCR1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	7	####	.	G	T	.	PA:	HIP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	7	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	7	####	rs3730249	G	A	.	PA:	SRRT	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	7	####	rs3721622	G	A	.	PA:	RBM28	exonic	NM_	.	mis	RBM28
ACa04	7	####	.	G	C	.	PA:	RBM28	exonic	NM_	.	mis	RBM28
ACa04	7	####	rs1030263	C	T	.	PA:	KCP	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	7	####	.	G	C	.	PA:	EZH2	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	7	####	rs8678229	G	T	.	PA:	KMT2C	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	8	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	8	####	rs6264068	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	8	####	.	G	A	.	PA:	BLK	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	8	####	.	A	G	.	PA:	FAM86B1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	8	####	.	G	A	.	PA:	FAM86B2	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	8	####	rs7607907	C	T	.	PA:	CHMP7	exonic	NM_	.	mis	CHMP7
ACa04	8	####	.	G	A	.	PA:	NRG1	exonic	NM_	.	mis	NRG1:N
ACa04	8	####	rs3736343	G	A	.	PA:	RAB11FIP	exonic	NM_	.	mis	RAB11I
ACa04	8	####	.	C	T	.	PA:	ATP6V1H	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	8	####	.	G	A	.	PA:	TERF1	exonic	NM_	.	syr	TERF1:
ACa04	8	####	rs9872967	T	A	.	PA:	HEY1	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa04	8	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	8	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	8	####	.	T	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	8	####	.	G	C	.	PA:	RGS22	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	8	####	.	G	A	.	PA:	CSMD3	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	8	####	.	G	T	.	PA:	TAF2	exonic	NM_	.	mis	TAF2:N
ACa04	8	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	8	####	rs1436548	G	C	.	PA:	KIAA0196	exonic	NM_	.	mis	KIAA01
ACa04	8	####	.	G	C	.	PA:	KIAA0196	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	8	####	.	G	A	.	PA:	TRAPPC9	intronic	NM_	.	.	.

ACa04	9	####	.	C	T	.	PA:	LOC3897(	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	9	####	rs7682516	C	T	.	PA:	HAUS6	exonic	NM_	.	mis	HAUS6	
ACa04	9	####	.	C	T	.	PA:	IFNB1	exonic	NM_	.	mis	IFNB1:N	
ACa04	9	####	.	G	C	.	PA:	UBAP2	exonic	NM_	.	sto	UBAP2:	
ACa04	9	####	rs3764507	T	C	.	PA:	CNTNAP3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	9	####	.	C	G	.	PA:	LOC1027:	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	9	####	.	G	C	.	PA:	FAM27E3	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	9	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	9	####	.	C	G	.	PA:	SMC5-AS:	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	9	####	.	C	G	.	PA:	VPS13A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	9	####	.	T	G	.	PA:	TLE4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	9	####	.	G	C	.	PA:	ERCC6L2	exonic	NM_	.	mis	ERCC6	
ACa04	9	####	rs9619494	C	T	.	PA:	HSDL2	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa04	9	####	.	C	T	.	PA:	DAB2IP	exonic	NM_	.	syr	DAB2IP	
ACa04	9	####	.	G	A	.	PA:	LMX1B	exonic	NM_	.	syr	LMX1B:	
ACa04	9	####	.	G	A	.	PA:	CERCAM	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	9	####	rs7589091	C	T	.	PA:	IER5L	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa04	9	####	.	C	A	.	PA:	GPR107	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa04	9	####	.	G	T	.	PA:	RAPGEF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	9	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	9	####	.	C	T	.	PA:	PNPLA7	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa04	10	####	.	C	A	.	PA:	UPF2	exonic	NM_	.	sto	UPF2:N	
ACa04	10	####	rs2018361	T	C	.	PA:	SKIDA1	exonic	NM_	.	syr	SKIDA1	
ACa04	10	####	.	T	G	.	PA:	RASSF4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	10	####	.	T	G	.	PA:	RASSF4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	10	####	.	G	T	.	PA:	HKDC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	10	####	rs3760330	G	A	.	PA:	HKDC1	exonic	NM_	.	syr	HKDC1	
ACa04	10	####	.	G	A	.	PA:	HKDC1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa04	10	####	.	G	C	.	PA:	UNC5B	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa04	10	####	rs7593379	G	A	.	PA:	UNC5B	exonic	NM_	.	mis	UNC5B	
ACa04	10	####	rs7698966	G	A	.	PA:	CDH23	exonic	NM_	.	syr	CDH23:	
ACa04	10	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	10	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	10	####	.	C	G	.	PA:	KIF11	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	10	####	.	G	A	.	PA:	PDCD11	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	10	####	.	G	A	.	PA:	PLEKHA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	10	####	rs7966467	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	11	####	rs7657851	G	A	.	PA:	MUC6	exonic	NM_	.	syr	MUC6:N	
ACa04	11	####	rs8667539	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	11	####	.	G	A	.	PA:	SBF2	exonic	NM_	.	mis	SBF2:N	
ACa04	11	####	.	C	T	.	PA:	LUZP2	exonic	NM_	.	sto	LUZP2:	
ACa04	11	####	.	C	T	.	PA:	WT1	exonic	NM_	.	mis	WT1:NI	
ACa04	11	####	.	A	G	.	PA:	DGKZ	exonic	NM_	.	mis	DGKZ:N	
ACa04	11	####	.	G	T	.	PA:	ARFGAP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	11	####	.	C	A	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.	
ACa04	11	####	rs7463740	C	T	.	PA:	PPP1R32	exonic	NM_	.	mis	PPP1R3	
ACa04	11	####	.	T	G	.	PA:	RAB3IL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	11	####	.	C	T	.	PA:	MIR3680-2	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	11	####	rs3704854	C	T	.	PA:	RCOR2	exonic	NM_	.	mis	RCOR2	
ACa04	11	####	.	C	G	.	PA:	TRPT1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	11	####	.	C	G	.	PA:	NUDT22	exonic	NM_	.	mis	NUDT2	
ACa04	11	####	.	G	T	.	PA:	VEGFB	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	11	####	.	G	A	.	PA:	FKBP2	exonic	NM_	.	mis	FKBP2:	
ACa04	11	####	.	G	A	.	PA:	FKBP2	UTR3	NM_	NM_	.	.	

ACa04	11	####	.	C	T	.	PA:	CCDC88B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	11	####	rs7459229	C	T	.	PA:	LTBP3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	11	####	.	C	G	.	PA:	P4HA3	exonic	NM_	.	mis	P4HA3:	
ACa04	11	####	.	G	A	.	PA:	NCAM1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	11	####	rs3521580	T	C	.	PA:	PCSK7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	11	####	rs3580670	C	T	.	PA:	PCSK7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	11	####	rs9203240	C	T	.	PA:	HEPACAM	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa04	11	####	.	C	T	.	PA:	ZBTB44	exonic	NM_	.	mis	ZBTB4	
ACa04	12	####	.	C	G	.	PA:	ENO2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	12	####	.	C	T	.	PA:	ENO2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	12	####	.	C	T	.	PA:	NECAP1	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa04	12	####	rs7123030	G	A	.	PA:	DDX11	exonic	NM_	.	mis	DDX11:	
ACa04	12	####	.	G	A	.	PA:	KIAA1551	exonic	NM_	.	mis	KIAA15	
ACa04	12	####	.	G	C	.	PA:	PDZRN4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	12	####	.	C	G	.	PA:	SCAF11	exonic	NM_	.	mis	SCAF1:	
ACa04	12	####	.	C	T	.	PA:	CYP27B1	exonic	NM_	.	mis	CYP27E	
ACa04	12	####	.	C	G	.	PA:	CYP27B1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	12	####	rs8674713	G	A	.	PA:	PPM1H	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	12	####	rs9109827	C	T	.	PA:	MDM1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	12	####	rs9642294	C	T	.	PA:	PTPRQ	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	12	####	.	T	G	.	PA:	C12orf29	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	12	####	.	C	A	.	PA:	CRADD	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	12	####	.	G	C	.	PA:	MYBPC1	exonic	NM_	.	mis	MYBPC	
ACa04	12	####	.	C	T	.	PA:	RBM19	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	12	####	.	C	T	.	PA:	MED13L	exonic	NM_	.	syn	MED13	
ACa04	12	####	.	G	A	.	PA:	GCN1L1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	12	####	rs7540482	G	A	.	PA:	PLA2G1B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	12	####	.	G	A	.	PA:	SBNO1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	12	####	.	C	G	.	PA:	EP400	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	13	####	.	A	C	.	PA:	IFT88	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	13	####	.	G	C	.	PA:	NBEA	exonic	NM_	.	mis	NBEA:N	
ACa04	13	####	.	G	C	.	PA:	EPSTI1	exonic	NM_	.	sto	EPSTI1	
ACa04	13	####	.	C	A	.	PA:	DOCK9	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	13	####	rs7720033	G	T	.	PA:	FGF14	exonic	NM_	.	syn	FGF14:	
ACa04	14	####	rs1450473	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	14	####	.	A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	14	####	.	G	A	.	PA:	DHRS4-A:	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	14	####	.	G	A	.	PA:	DHRS4-A:	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	14	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	14	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	14	####	rs1501582	C	T	.	PA:	GCH1	exonic	NM_	.	syn	GCH1:N	
ACa04	14	####	.	C	A	.	PA:	LRRC9	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	14	####	.	C	A	.	PA:	MAX,CHU	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	14	####	.	C	A	.	PA:	MAX,CHU	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	14	####	rs7676169	G	A	.	PA:	SMOC1	exonic	NM_	.	mis	SMOC1	
ACa04	14	####	.	C	T	.	PA:	PAPLN	exonic	NM_	.	syn	PAPLN:	
ACa04	14	####	.	G	A	.	PA:	ANGEL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	14	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	14	####	.	G	A	.	PA:	LGMN	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	14	####	rs3756754	G	A	.	PA:	SERPINA:	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	14	####	.	T	G	.	PA:	MTA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	14	####	rs5537870	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	14	####	rs1289410	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	15	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	

ACa04	15	####	.	C	A	.	PA:	LOC2836	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	15	####	rs5409237	C	T	.	PA:	HERC2	exonic	NM_	.	syr	HERC2
ACa04	15	####	.	T	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	15	####	.	T	G	.	PA:	PDCD6IP	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	15	####	.	T	C	.	PA:	ULK4P1,U	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	15	####	rs2015085	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	15	####	rs7481072	C	T	.	PA:	RPAP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	15	####	.	C	T	.	PA:	RPAP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	15	####	.	C	G	.	PA:	RPAP1	exonic	NM_	.	mis	RPAP1:
ACa04	15	####	rs7754448	G	A	.	PA:	SPTBN5	exonic	NM_	.	syr	SPTBN
ACa04	15	####	.	G	T	.	PA:	CATSPER	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	15	####	rs1922871	C	T	.	PA:	MFAP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	15	####	.	C	T	.	PA:	EIF3J	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	15	####	rs6202600	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	15	####	.	G	A	.	PA:	SPATA5L:	exonic	NM_	.	syr	SPATA5
ACa04	15	####	.	G	A	.	PA:	RFX7	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	15	####	.	C	T	.	PA:	ANXA2	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	15	####	rs5478938	C	T	.	PA:	RBPMS2	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	15	####	.	C	A	.	PA:	MAP2K1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	15	####	.	G	C	.	PA:	MAP2K5	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	15	####	.	G	A	.	PA:	ISLR	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa04	15	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	15	####	.	C	T	.	PA:	CHRNB4	exonic	NM_	.	mis	CHRNB
ACa04	15	####	.	C	G	.	PA:	ANKRD34	exonic	NM_	.	mis	ANKRD
ACa04	15	####	rs2401418	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	15	####	.	C	T	.	PA:	FANCI	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa04	15	####	.	C	G	.	PA:	VPS33B	exonic	NM_	.	mis	VPS33B
ACa04	15	####	.	C	G	.	PA:	MCTP2	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	15	####	.	C	T	.	PA:	MEF2A	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	15	####	rs7510253	C	T	.	PA:	TARSL2	exonic	NM_	.	mis	TARSL2
ACa04	16	####	rs7504825	G	A	.	PA:	NPRL3	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa04	16	####	.	C	T	.	PA:	CLCN7	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	16	####	.	G	A	.	PA:	RBFOX1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	16	####	.	G	A	.	PA:	TEKT5	exonic	NM_	.	sto	TEKT5:
ACa04	16	####	.	C	T	.	PA:	TNFRSF1	exonic	NM_	.	mis	TNFRS
ACa04	16	####	.	G	A	.	PA:	NOMO1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	16	####	rs5522924	C	T	.	PA:	NPIPA5	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	16	####	rs6203288	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	16	####	rs7654396	C	T	.	PA:	SMG1	exonic	NM_	.	mis	SMG1:N
ACa04	16	####	.	G	A	.	PA:	EEF2K	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	16	####	.	C	T	.	PA:	POLR3E	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	16	####	.	A	G	.	PA:	SMG1P1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	16	####	.	C	G	.	PA:	XPO6	exonic	NM_	.	mis	XPO6:N
ACa04	16	####	.	G	A	.	PA:	XPO6	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	16	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	16	####	.	T	A	.	PA:	RNF40	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	16	####	.	C	T	.	PA:	ITGAM	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	16	####	rs7896651	A	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04	16	####	rs7515102	C	G	.	PA:	LONP2	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa04	16	####	.	C	T	.	PA:	CNOT1	exonic	NM_	.	mis	CNOT1
ACa04	16	####	.	C	G	.	PA:	CTCF	exonic	NM_	.	mis	CTCF:N
ACa04	16	####	.	T	A	.	PA:	ZNF821	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa04	16	####	rs2911030	A	G	.	PA:	LOC2839	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	16	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.

ACa04	16	####	.	C	T	.	PA:	.	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	17	####	rs7805194	C	T	.	PA:	P2RX1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	C	T	.	PA:	ALOX12-A	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	C	G	.	PA:	TNFSF12-	exonic	NM_	.	mis	TNFSF:	
ACa04	17	####	.	C	T	.	PA:	DNAH2	exonic	NM_	.	syr	DNAH2	
ACa04	17	####	.	A	G	.	PA:	MYH13	exonic	NM_	.	mis	MYH13	
ACa04	17	####	.	G	C	.	PA:	DNAH9	exonic	NM_	.	mis	DNAH9	
ACa04	17	####	rs5595610	G	A	.	PA:	TTC19	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	C	G	.	PA:	SREBF1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa04	17	####	.	G	C	.	PA:	ZNF286B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	C	T	.	PA:	CCDC144	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	G	A	.	PA:	LGALS9B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	rs7841783	G	A	.	PA:	FLJ36000	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	C	T	.	PA:	TLCD1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa04	17	####	.	G	C	.	PA:	ERAL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	C	G	.	PA:	SUZ12	exonic	NM_	.	mis	SUZ12:	
ACa04	17	####	.	C	A	.	PA:	SUZ12	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	G	C	.	PA:	RHOT1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	G	T	.	PA:	LOC1010	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	rs8795183	C	T	.	PA:	TBC1D3H	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	G	A	.	PA:	MRM1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	G	C	.	PA:	ACACA	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	G	A	.	PA:	SYNRG	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	C	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	G	C	.	PA:	MED1	exonic	NM_	.	mis	MED1:N	
ACa04	17	####	rs1035039	C	T	.	PA:	LOC1005(	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	G	A	.	PA:	ZNF385C	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	C	T	.	PA:	SLC4A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	C	T	.	PA:	EME1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	C	T	.	PA:	CACNA1G	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	C	G	.	PA:	BZRAP1	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa04	17	####	.	G	C	.	PA:	DDX42	exonic	NM_	.	mis	DDX42:	
ACa04	17	####	.	G	T	.	PA:	DDX42	exonic	NM_	.	mis	DDX42:	
ACa04	17	####	.	T	G	.	PA:	CEP112	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	.	G	C	.	PA:	UNC13D	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	17	####	rs1405528	C	T	.	PA:	SLC26A11	exonic	NM_	.	syr	SLC26A	
ACa04	17	####	.	C	T	.	PA:	BAIAP2	exonic	NM_	.	syr	BAIAP2	
ACa04	17	####	rs3677917	A	G	.	PA:	FLJ43681	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	18	####	.	G	C	.	PA:	L3MBTL4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	18	####	.	G	A	.	PA:	LRRC30	exonic	NM_	.	syr	LRRC3(	
ACa04	18	####	.	C	G	.	PA:	PPP4R1	exonic	NM_	.	mis	PPP4R:	
ACa04	18	####	.	G	C	.	PA:	TXNDC2	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa04	18	####	.	C	G	.	PA:	PIEZO2	exonic	NM_	.	mis	PIEZO2	
ACa04	18	####	.	G	A	.	PA:	RNMT	exonic	NM_	.	mis	RNMT:I	
ACa04	18	####	.	C	T	.	PA:	ANKRD20	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	18	####	.	G	T	.	PA:	KCTD1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	18	####	.	C	T	.	PA:	SKOR2	exonic	NM_	.	mis	SKOR2	
ACa04	18	####	.	G	A	.	PA:	TCF4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	18	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa04	18	####	rs7468202	C	T	.	PA:	TNFRSF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	18	####	.	G	A	.	PA:	CCDC102	exonic	NM_	.	syr	CCDC1	
ACa04	18	####	.	A	G	.	PA:	ATP9B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	rs9545783	C	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	

ACa04	19	####	.	G	A	.	PA:	HMHA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	C	.	PA:	HMHA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	T	.	PA:	TCF3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	rs3742787	G	A	.	PA:	TCF3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	rs1418930	A	T	.	PA:	SCAMP4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	T	.	PA:	THOP1	exonic	NM_	.	sto	THOP1	
ACa04	19	####	rs7627736	G	A	.	PA:	THOP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	C	T	.	PA:	NFIC	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa04	19	####	.	G	C	.	PA:	CHAF1A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	A	.	PA:	ACSBG2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	T	A	.	PA:	STXBP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	A	G	.	PA:	ANGPTL4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	C	.	PA:	RAB11B-A	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	C	G	.	PA:	MYO1F	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	T	.	PA:	MUC16	exonic	NM_	.	sto	MUC16	
ACa04	19	####	.	G	A	.	PA:	MUC16	exonic	NM_	.	mis	MUC16	
ACa04	19	####	.	G	A	.	PA:	MUC16	exonic	NM_	.	syr	MUC16	
ACa04	19	####	rs7741875	G	A	.	PA:	MUC16	exonic	NM_	.	mis	MUC16	
ACa04	19	####	.	C	T	.	PA:	QTRT1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	C	.	PA:	ZNF442	exonic	NM_	.	mis	ZNF442	
ACa04	19	####	.	G	A	.	PA:	HOOK2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	T	.	PA:	JUNB	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa04	19	####	.	C	G	.	PA:	NWD1	exonic	NM_	.	mis	NWD1:I	
ACa04	19	####	rs7797020	G	A	.	PA:	FAM129C	exonic	NM_	.	mis	FAM129	
ACa04	19	####	.	G	A	.	PA:	SLC5A5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	A	T	.	PA:	YJEFN3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	C	T	.	PA:	ZNF253	exonic	NM_	.	mis	ZNF253	
ACa04	19	####	.	G	A	.	PA:	ZNF676	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa04	19	####	.	C	G	.	PA:	PLEKHF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	19	####	.	G	C	.	PA:	HAUS5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	rs8683521	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	19	####	rs8793125	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa04	19	####	rs7653982	C	T	.	PA:	ZNF850	exonic	NM_	.	mis	ZNF850	
ACa04	19	####	rs9896621	C	T	.	PA:	SAMD4B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	A	.	PA:	FCGBP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	rs1408143	C	T	.	PA:	ARHGEF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	C	.	PA:	GRIK5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	rs1444115	C	T	.	PA:	GRIK5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	A	.	PA:	PSG10P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	C	.	PA:	PLAUR	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	rs4251912	G	A	.	PA:	PLAUR	exonic	NM_	.	syr	PLAUR	
ACa04	19	####	.	C	G	.	PA:	NANOS2	exonic	NM_	.	mis	NANOS	
ACa04	19	####	.	G	T	.	PA:	NPAS1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	C	A	.	PA:	SCAF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	A	.	PA:	ZNF615	exonic	NM_	.	syr	ZNF615	
ACa04	19	####	.	T	G	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa04	19	####	.	G	C	.	PA:	NCR1	exonic	NM_	.	mis	NCR1:N	
ACa04	19	####	.	G	C	.	PA:	USP29	exonic	NM_	.	mis	USP29:	
ACa04	19	####	.	G	C	.	PA:	USP29	exonic	NM_	.	mis	USP29:	
ACa04	20	####	.	C	T	.	PA:	SIRPB1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	20	####	.	T	G	.	PA:	TGM6	intronic	NM_	.	.	.	
ACa04	20	####	.	G	A	.	PA:	TMC2	intronic	NM_	.	.	.	

ACa04		20	####	.	G	A	.	PA:	SIGLEC1	exonic	NM_	.	mis	SIGLEC
ACa04		20	####	rs7610831	C	G	.	PA:	PLCB1	exonic	NM_	.	mis	PLCB1:
ACa04		20	####	.	C	G	.	PA:	BANF2	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		20	####	.	G	A	.	PA:	SNORD17	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04		20	####	rs8120738	C	G	.	PA:	FRG1B	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04		20	####	rs7791580	G	A	.	PA:	FRG1B	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04		20	####	.	C	T	.	PA:	HCK	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa04		20	####	.	C	G	.	PA:	NCOA6	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		20	####	rs1904867	C	T	.	PA:	NCOA6	exonic	NM_	.	mis	NCOA6
ACa04		20	####	.	C	T	.	PA:	RNF114	exonic	NM_	.	sto	RNF11
ACa04		20	####	.	C	T	.	PA:	DOK5	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa04		20	####	.	C	T	.	PA:	ZNF831	exonic	NM_	.	syr	ZNF831
ACa04		20	####	.	G	T	.	PA:	OSBPL2	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		20	####	.	G	A	.	PA:	COL20A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		20	####	rs1874434	G	A	.	PA:	MYT1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		21	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04		21	####	.	A	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04		21	####	.	T	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04		21	####	rs3707796	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04		21	####	rs7469658	C	T	.	PA:	BAGE2,BA	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		21	####	rs4638882	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04		21	####	.	T	C	.	PA:	CBR3-AS1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04		21	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04		21	####	.	G	A	.	PA:	UBASH3A	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		21	####	.	G	C	.	PA:	CBS	exonic	NM_	.	mis	CBS:NM
ACa04		21	####	rs7276130	G	A	.	PA:	FAM207A	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		21	####	.	C	G	.	PA:	COL18A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		22	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa04		22	####	.	T	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04		22	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04		22	####	rs3769174	G	T	.	PA:	GGT3P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04		22	####	rs2870983	C	T	.	PA:	PRODH	exonic	NM_	.	mis	PRODH
ACa04		22	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04		22	####	rs1389774	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04		22	####	rs3731564	G	C	.	PA:	POM121L	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04		22	####	rs1856371	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04		22	####	.	C	G	.	PA:	KIAA1656	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04		22	####	rs5669283	G	A	.	PA:	PES1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		22	####	.	G	T	.	PA:	TOM1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		22	####	rs7606577	G	A	.	PA:	MFNG	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		22	####	.	G	C	.	PA:	APOBEC3	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04		22	####	.	G	C	.	PA:	SYNGR1	exonic	NM_	.	mis	SYNGR
ACa04		22	####	rs1409901	C	T	.	PA:	XPNPEP3	exonic	NM_	.	mis	XPNPE
ACa04		22	####	.	G	C	.	PA:	EP300	exonic	NM_	.	mis	EP300:
ACa04		22	####	rs3731131	G	A	.	PA:	SREBF2	exonic	NM_	.	syr	SREBF
ACa04		22	####	.	C	G	.	PA:	SMC1B	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		22	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa04		22	####	.	G	A	.	PA:	MOV10L1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04		22	####	rs7711497	G	A	.	PA:	PLXNB2	exonic	NM_	.	syr	PLXNB
ACa04	X		####	.	C	T	.	PA:	P2RY8	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa04	X		####	rs8673094	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	X		####	rs7643909	T	C	.	PA:	VCX3B	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa04	X		####	rs6640384	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	X		####	.	C	G	.	PA:	TLR7	exonic	NM_	.	mis	TLR7:N

ACa04	X		####	.	C	A	.	PA:	TLR8	exonic	NM_	.	sto	TLR8:N
ACa04	X		####	.	G	T	.	PA:	DMD	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	X		####	.	G	A	.	PA:	MAOA	exonic	NM_	.	mis	MAOA:I
ACa04	X		####	.	G	A	.	PA:	SSX1	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	X		####	.	G	A	.	PA:	PCSK1N	exonic	NM_	.	syr	PCSK1I
ACa04	X		####	.	C	G	.	PA:	USP27X-A	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	X		####	.	G	A	.	PA:	FAM120C	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa04	X		####	.	A	G	.	PA:	FAM120C	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	X		####	.	G	A	.	PA:	GNL3L	exonic	NM_	.	syr	GNL3L:
ACa04	X		####	.	C	T	.	PA:	UQCRBP1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	X		####	.	T	C	.	PA:	TEX11	intronic	NM_	.	.	.
ACa04	X		####	.	C	G	.	PA:	MED12	exonic	NM_	.	sto	MED12
ACa04	X		####	.	G	A	.	PA:	NLGN3	exonic	NM_	.	sto	NLGN3
ACa04	X		####	.	C	G	.	PA:	BCYRN1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	X		####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa04	X		####	.	C	T	.	PA:	SASH3	exonic	NM_	.	sto	SASH3:
ACa04	X		####	.	G	C	.	PA:	UTP14A	exonic	NM_	.	mis	UTP14A
ACa04	X		####	.	G	A	.	PA:	BCORL1	exonic	NM_	.	mis	BCORL
ACa04	X		####	.	G	A	.	PA:	FIRRE	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa04	X		####	.	C	T	.	PA:	ARHGEF6	exonic	NM_	.	mis	ARHGE
ACa04	X		####	.	G	A	.	PA:	HMGB3	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa04	X		####	rs7824625	G	A	.	PA:	TREX2	exonic	NM_	.	mis	TREX2:
ACa04	X		####	.	A	C	.	PA:	BCAP31	intronic	NM_	.	.	.
ACa06		1	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa06		1	####	rs7810569	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa06		1	####	rs1149269	C	T	.	PA:	ATAD3A	intronic	NM_	.	.	.
ACa06		1	####	.	G	T	.	PA:	FAM213B	exonic	NM_	.	syr	FAM213
ACa06		1	####	.	G	A	.	PA:	MEGF6	intronic	NM_	.	.	.
ACa06		1	####	.	A	C	.	PA:	GPR157	intronic	NM_	.	.	.
ACa06		1	####	rs2008876	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa06		1	####	rs5565927	T	C	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa06		1	####	rs6177234	C	A	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa06		1	####	rs1008195	C	G	.	PA:	CROCCP2	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa06		1	####	rs5388409	G	A	.	PA:	ESPNP	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa06		1	####	rs6669627	G	C	.	PA:	CROCC	exonic	NM_	.	mis	CROCC
ACa06		1	####	.	A	C	.	PA:	PAX7	intronic	NM_	.	.	.
ACa06		1	####	rs7661411	C	T	.	PA:	IFI6	intronic	NM_	.	.	.
ACa06		1	####	rs7802118	C	T	.	PA:	HIVEP3	exonic	NM_	.	mis	HIVEP3
ACa06		1	####	rs8664767	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa06		1	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa06		1	####	rs7581372	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa06		1	####	rs7697846	A	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa06		1	####	rs2016919	T	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa06		1	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa06		1	####	rs3703375	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa06		1	####	rs1996515	T	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa06		1	####	.	A	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa06		1	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa06		1	####	.	G	A	.	PA:	LINC0113	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa06		1	####	.	T	A	.	PA:	NBPF9,NC	intronic	NM_	.	.	.
ACa06		1	####	.	G	T	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa06		1	####	rs8799960	G	C	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.
ACa06		1	####	rs2003739	G	A	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa06		1	####	rs3705433	G	A	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.

ACa06	1	####	.	T	G	.	PA:	FCRL4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	1	####	rs1839036	T	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	1	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	1	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	1	####	.	A	C	.	PA:	ENAH	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	1	####	rs1828179	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	2	####	rs4096246	A	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	2	####	.	G	C	.	PA:	RGPD1,R	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	2	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa06	2	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	2	####	rs2011280	G	A	.	PA:	ANAPC1	exonic	NM_	.	mis	ANAPC	
ACa06	2	####	rs8685337	G	A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACa06	2	####	rs2747968	A	G	.	PA:	WASH2P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa06	2	####	rs1029282	G	T	.	PA:	INSIG2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	2	####	rs2001821	A	G	.	PA:	POTEE	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	2	####	rs7800646	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	2	####	.	T	C	.	PA:	DHRS9	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	2	####	.	A	T	.	PA:	SLC25A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	2	####	rs1875561	C	T	.	PA:	UBE2E3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	2	####	rs8671576	C	G	.	PA:	IKZF2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	3	####	.	T	G	.	PA:	KLHL18	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	3	####	.	G	A	.	PA:	AGTR1	exonic	NM_	.	syr	AGTR1	
ACa06	3	####	.	T	G	.	PA:	CP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	3	####	.	T	G	.	PA:	CP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	3	####	rs3760511	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	3	####	rs8677455	A	G	.	PA:	LINC0088	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa06	3	####	rs1128840	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	4	####	.	C	T	.	PA:	ZNF595,Z	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	4	####	rs1443656	G	A	.	PA:	SLIT2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	5	####	.	G	A	.	PA:	FAM134B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	5	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	5	####	rs3759258	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	5	####	rs8790446	T	C	.	PA:	NBPF22P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa06	5	####	.	G	A	.	PA:	LOC1001	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa06	5	####	.	A	C	.	PA:	SLC36A2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	5	####	.	A	G	.	PA:	CCNG1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	5	####	.	C	A	.	PA:	COL23A1	exonic	NM_	.	mis	COL23A	
ACa06	5	####	.	C	A	.	PA:	ADAMTS2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	6	####	rs3719775	T	C	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa06	6	####	rs9202904	C	G	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa06	6	####	rs4292554	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	6	####	rs4437505	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	6	####	rs7508774	C	T	.	PA:	KIAA1244	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	6	####	.	A	C	.	PA:	SYNE1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	6	####	rs1436754	G	A	.	PA:	TCP10L2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	6	####	.	A	G	.	PA:	WDR27	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	7	####	.	A	C	.	PA:	SDK1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	7	####	rs2016650	T	A	.	PA:	RSPH10B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	7	####	.	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	7	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	7	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	7	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	7	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	7	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	

ACa06	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	7	####	.	A	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	7	####	rs4596537	C	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa06	7	####	rs2167825	A	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa06	7	####	rs586765	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	7	####	rs8688020	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	7	####	rs2462259	C	T	.	PA:	DTX2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	7	####	rs6248349	G	A	.	PA:	POLR2J2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	7	####	rs3741264	C	G	.	PA:	LINC0100	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa06	7	####	.	T	C	.	PA:	KMT2C	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	8	####	rs2077351	A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	8	####	.	T	G	.	PA:	PPAPDC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	8	####	rs7503847	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	8	####	rs7967153	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	8	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	8	####	rs4363208	C	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa06	8	####	rs3740584	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa06	8	####	.	C	T	.	PA:	.	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa06	8	####	.	G	A	.	PA:	ARC	exonic	NM_	.	mis	ARC:NM	
ACa06	8	####	rs7821104	T	G	.	PA:	OPLAH	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	9	####	rs7495042	G	A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACa06	9	####	rs4928839	A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	9	####	rs4568707	G	A	.	PA:	LOC64223	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa06	9	####	rs1435617	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	9	####	rs3773733	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	9	####	.	C	G	.	PA:	NXNL2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	9	####	.	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	9	####	.	C	T	.	PA:	MAPKAP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	10	####	rs1397322	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	10	####	.	G	T	.	PA:	MIR603	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa06	10	####	rs9631413	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	10	####	.	T	C	.	PA:	CREM	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	10	####	rs694157	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	10	####	rs5275172	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	10	####	rs1888127	G	A	.	PA:	DLG5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	10	####	rs2573327	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	10	####	rs3128226	C	G	.	PA:	NUTM2A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	11	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	11	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	11	####	rs9035709	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	11	####	rs1874489	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	11	####	rs9666739	G	T	.	PA:	PRKRIR	exonic	NM_	.	mis	PRKRIF	
ACa06	11	####	rs5688517	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	11	####	.	G	A	.	PA:	OR8G5	exonic	NM_	.	mis	OR8G5	
ACa06	11	####	.	T	G	.	PA:	NTM	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	12	####	rs7606061	T	C	.	PA:	KRT6A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa06	12	####	.	T	C	.	PA:	ERBB3	exonic	NM_	.	mis	ERBB3	
ACa06	12	####	rs7597010	C	T	.	PA:	TDG	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa06	13	####	rs2004528	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	13	####	rs1510074	G	A	.	PA:	MYO16	exonic	NM_	.	syr	MYO16	
ACa06	14	####	rs7446578	T	C	.	PA:	DUXAP10	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa06	14	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa06	14	####	rs2006543	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa06	14	####	rs2020426	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	

ACa06	14	####	rs7704695	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	14	####	.	G	A	.	PA:	PRKCH	exonic	NM_	.	unl	UNKNC		
ACa06	14	####	.	A	T	.	PA:	GSTZ1	intronic	NM_	.	.	.		
ACa06	14	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACa06	15	####	rs6200967	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	15	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACa06	15	####	.	A	C	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.		
ACa06	15	####	rs7751825	G	C	.	PA:	GOLGA8T	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACa06	15	####	rs2449652	T	C	.	PA:	LOC1002	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACa06	15	####	rs2449653	T	C	.	PA:	LOC1002	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACa06	15	####	.	G	A	.	PA:	GOLGA8K	intronic	NM_	.	.	.		
ACa06	15	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.		
ACa06	15	####	rs6202600	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	15	####	.	A	C	.	PA:	SLC27A2	intronic	NM_	.	.	.		
ACa06	15	####	.	T	A	.	PA:	SNX1	UTR5	NM_	NM_	.	.		
ACa06	15	####	.	C	T	.	PA:	GOLGA6L	exonic	NM_	.	mis	GOLGA		
ACa06	15	####	rs3743150	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	15	####	rs9700260	C	G	.	PA:	GOLGA6L	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACa06	15	####	rs364085	T	C	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.		
ACa06	16	####	rs2009400	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs2016432	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACa06	16	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs5667377	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs5618411	T	C	.	PA:	RRN3P2	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACa06	16	####	rs8792106	A	T	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.		
ACa06	16	####	rs4319791	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs4349321	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs4246344	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	.	A	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs8799648	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs9972801	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs4324300	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs9328621	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs4380209	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs4291933	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs4011858	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs7205231	T	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs4093117	C	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs4249029	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	16	####	rs6205366	G	A	.	PA:	.	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACa06	17	####	rs2543804	G	A	.	PA:	CCDC144	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACa06	17	####	rs7126379	T	C	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.		
ACa06	17	####	rs7126379	G	A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.		
ACa06	17	####	rs7841783	G	A	.	PA:	FLJ36000	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACa06	17	####	.	T	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	17	####	rs1437650	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	17	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	17	####	rs6207957	C	T	.	PA:	.	intronic	NM_	.	.	.		
ACa06	17	####	rs7482024	G	T	.	PA:	KRTAP9-7	exonic	NM_	.	syr	KRTAP		
ACa06	17	####	rs1459625	G	A	.	PA:	TUBG1	intronic	NM_	.	.	.		
ACa06	17	####	.	A	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACa06	18	####	rs2012257	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		

ACa06	18	####	rs3734996	A	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	18	####	rs7520640	G	A	.	PA:	SERPINB:	intronic	NM_	.	.	.		
ACa06	19	####	.	A	C	.	PA:	ARRDC5	intronic	NM_	.	.	.		
ACa06	19	####	.	T	A	.	PA:	CD22	intronic	NM_	.	.	.		
ACa06	19	####	rs7641371	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACa06	19	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACa06	19	####	.	C	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.		
ACa06	19	####	.	T	A	.	PA:	EML2	intronic	NM_	.	.	.		
ACa06	19	####	rs3499068	A	G	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.		
ACa06	19	####	rs5615613	C	T	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.		
ACa06	19	####	rs1334652	G	A	.	PA:	LILRA6,LI	intronic	NM_	.	.	.		
ACa06	19	####	rs3751555	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	20	####	.	C	T	.	PA:	NCOA6	exonic	NM_	.	syr	NCOA6		
ACa06	21	####	rs7984422	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	21	####	rs2017188	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	22	####	rs3753995	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	22	####	.	A	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	22	####	rs2021509	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	22	####	.	T	G	.	PA:	DGCR6L,T	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	22	####	rs6221896	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	22	####	rs2016329	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACa06	22	####	rs6223125	C	T	.	PA:	POM121L	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACa06	22	####	rs367416	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	22	####	rs3609392	C	T	.	PA:	CYP2D7	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACa06	22	####	.	C	A	.	PA:	RRP7A	intronic	NM_	.	.	.		
ACa06	22	####	.	G	A	.	PA:	PARVG	intronic	NM_	.	.	.		
ACa06	X	####	.	C	T	.	PA:	KDM5C	UTR5	NM_	NM_	.	.		
ACa06	X	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	X	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	X	####	rs7520049	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	X	####	rs7756689	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	X	####	.	A	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACa06	X	####	rs1048883	C	T	.	PA:	SNX12	exonic	NM_	.	mis	SNX12:		
ACa06	X	####	.	T	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	X	####	.	G	A	.	PA:	NHSL2	exonic	NM_	.	mis	NHSL2:		
ACa06	X	####	rs1423249	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa06	X	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACa07	1	####	rs3744991	C	T	.	PA:	LINC0100	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	NOC2L	intronic	NM_	.	.	.		
ACa07	1	####	rs1159856	C	T	.	PA:	KLHL17	exonic	NM_	.	syr	KLHL17		
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	PERM1	exonic	NM_	.	unl	UNKNC		
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	ISG15	exonic	NM_	.	mis	ISG15:N		
ACa07	1	####	rs5413521	C	T	.	PA:	FAM132A	UTR3	NM_	NM_	.	.		
ACa07	1	####	rs7680451	C	T	.	PA:	UBE2J2	intronic	NM_	.	.	.		
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	CPTP	intronic	NM_	.	.	.		
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	MXRA8	exonic	NM_	.	mis	MXRA8		
ACa07	1	####	rs7800811	C	T	.	PA:	CCNL2	intronic	NM_	.	.	.		
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	MIB2	intronic	NM_	.	.	.		
ACa07	1	####	rs2014492	C	T	.	PA:	CDK11B	intronic	NM_	.	.	.		
ACa07	1	####	rs7463384	G	A	.	PA:	CDK11B	exonic	NM_	.	unl	UNKNC		
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	CDK11B	intronic	NM_	.	.	.		
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	CDK11B	intronic	NM_	.	.	.		
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	GABRD	exonic	NM_	.	syr	GABRD		
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	PRKCZ	intronic	NM_	.	.	.		

ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	PEX10	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	A	G	.	PA:	MEGF6	exonic	NM_	.	syr	MEGF6
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	DFFB	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	T	.	PA:	NPHP4	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	NPHP4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs9430027	C	T	.	PA:	CHD5	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	CHD5	exonic	NM_	.	mis	CHD5:N
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	CHD5	exonic	NM_	.	mis	CHD5:N
ACa07	1	####	rs9864160	G	A	.	PA:	RNF207	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs7562596	C	T	.	PA:	ZBTB48	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs1431018	C	T	.	PA:	CAMTA1	exonic	NM_	.	syr	CAMTA
ACa07	1	####	.	T	A	.	PA:	CAMTA1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs7748471	C	T	.	PA:	CAMTA1	exonic	NM_	.	syr	CAMTA
ACa07	1	####	rs9446685	C	T	.	PA:	SLC2A7	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs1476580	G	A	.	PA:	GPR157	exonic	NM_	.	mis	GPR15
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	SLC25A3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	CLCN6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	1	####	rs7934532	C	T	.	PA:	PLOD1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	TNFRSF8	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	T	.	PA:	VPS13D	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	VPS13D	exonic	NM_	.	mis	VPS13I
ACa07	1	####	rs2021163	G	C	.	PA:	PRAMEF4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs5876978	C	T	.	PA:	PRAMEF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs4646008	G	A	.	PA:	CASP9	exonic	NM_	.	mis	CASP9
ACa07	1	####	rs3745685	C	T	.	PA:	EPHA2	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	ARHGEF1	exonic	NM_	.	mis	ARHGE
ACa07	1	####	rs3734377	G	A	.	PA:	NBPF1	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	1	####	rs6177234	C	A	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs4112521	T	C	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs1213433	A	T	.	PA:	NBPF1	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	1	####	rs3930814	G	A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.
ACa07	1	####	rs5780915	G	A	.	PA:	ATP13A2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs3774826	C	T	.	PA:	IGSF21	exonic	NM_	.	mis	IGSF21
ACa07	1	####	rs3766882	C	T	.	PA:	TAS1R2	exonic	NM_	.	mis	TAS1R2
ACa07	1	####	rs3471023	G	A	.	PA:	UBR4	exonic	NM_	.	syr	UBR4:N
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	UBR4	exonic	NM_	.	syr	UBR4:N
ACa07	1	####	.	A	G	.	PA:	MRTO4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs3712996	C	T	.	PA:	CAPZB	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	TMCO4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs1001195	G	A	.	PA:	RAP1GAF	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	HSPG2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	A	G	.	PA:	HSPG2	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	1	####	rs7584776	C	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	CELA3A	exonic	NM_	.	mis	CELA3A
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	.	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	T	.	PA:	GALE	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	1	####	rs1391690	C	T	.	PA:	HMGCL	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs7518873	G	A	.	PA:	RUNX3	exonic	NM_	.	syr	RUNX3
ACa07	1	####	.	G	T	.	PA:	RHCE	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	MAN1C1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	STMN1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	FAM110D	exonic	NM_	.	syr	FAM11(
ACa07	1	####	rs7737670	C	T	.	PA:	CNKSR1	exonic	NM_	.	mis	CNKSR

ACa07	1	####	rs7767332	C	T	.	PA:	UBXN11	exonic	NM_	.	mis	UBXN1	
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	RPS6KA1	exonic	NM_	.	mis	RPS6K/	
ACa07	1	####	rs8792552	C	T	.	PA:	ARID1A	exonic	NM_	.	sto	ARID1A	
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	ZDHHC18	exonic	NM_	.	mis	ZDHHC	
ACa07	1	####	rs1003250	G	A	.	PA:	SLC9A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	rs7625790	C	T	.	PA:	SLC9A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	rs9468364	G	A	.	PA:	WDTC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	LOC6449(	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	EYA3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	G	C	.	PA:	YTHDF2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	rs7596455	G	A	.	PA:	FABP3	exonic	NM_	.	syr	FABP3:	
ACa07	1	####	rs9232513	G	A	.	PA:	SPOCD1	exonic	NM_	.	mis	SPOCD	
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	TMEM39E	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	LCK	exonic	NM_	.	mis	LCK:NM	
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	S100PBP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	rs9651423	A	G	.	PA:	ZMYM4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	rs7723940	G	A	.	PA:	RSPO1	exonic	NM_	.	mis	RSPO1	
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	C1orf109	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	rs1814745	C	T	.	PA:	EPHA10	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	MACF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	MACF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	A	C	.	PA:	MACF1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	1	####	rs5523408	C	T	.	PA:	PPIEL	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	G	T	.	PA:	PABPC4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	PPT1	exonic	NM_	.	mis	PPT1:N	
ACa07	1	####	.	T	C	.	PA:	RLF	exonic	NM_	.	syr	RLF:NM	
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	RLF	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	1	####	rs9093579	G	T	.	PA:	KCNQ4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	T	A	.	PA:	KCNQ4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	rs1179985	C	T	.	PA:	FOXJ3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	rs7456140	G	A	.	PA:	YBX1	exonic	NM_	.	mis	YBX1:N	
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	MED8	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	KDM4A-A	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	PLK3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	CCDC17	exonic	NM_	.	mis	CCDC1	
ACa07	1	####	rs7290104	C	T	.	PA:	RAD54L	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	A	G	.	PA:	FAAH	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	rs5508458	C	T	.	PA:	MKNK1	exonic	NM_	.	syr	MKNK1	
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	CYP4Z2P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	G	T	.	PA:	AGBL4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	rs7570389	C	T	.	PA:	TTC39A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	rs9512571	C	T	.	PA:	LRP8	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	rs7759188	C	T	.	PA:	GLIS1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	CYB5RL	exonic	NM_	.	mis	CYB5R	
ACa07	1	####	rs3769455	G	A	.	PA:	PCSK9	exonic	NM_	.	mis	PCSK9:	
ACa07	1	####	rs7815069	C	T	.	PA:	PRKAA2	exonic	NM_	.	mis	PRKAA	
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	DAB1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	T	A	.	PA:	JAK1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	WDR78	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	FPGT,FP(	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	.	A	G	.	PA:	PIGK	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	1	####	rs1785229	G	A	.	PA:	ELTD1	exonic	NM_	.	syr	ELTD1:	
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	

ACa07	1	####	rs1394863	C	T	.	PA:	LPHN2	exonic	NM_	.	syr	LPHN2:
ACa07	1	####	rs7636045	C	T	.	PA:	LPAR3	exonic	NM_	.	mis	LPAR3:
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	ZNHIT6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	T	.	PA:	TGFBR3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	C	.	PA:	ABCA4	exonic	NM_	.	syr	ABCA4:
ACa07	1	####	rs6174943	G	A	.	PA:	ABCA4	exonic	NM_	.	syr	ABCA4:
ACa07	1	####	.	T	A	.	PA:	LRRC39	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	A	T	.	PA:	COL11A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	A	C	.	PA:	PRPF38B	exonic	NM_	.	mis	PRPF38
ACa07	1	####	rs9363214	C	T	.	PA:	CELSR2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs7774328	G	A	.	PA:	STRIP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	RBM15	exonic	NM_	.	mis	RBM15
ACa07	1	####	.	T	C	.	PA:	CHIA	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	C1orf162	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa07	1	####	.	T	C	.	PA:	FAM212B	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	1	####	rs7556469	C	T	.	PA:	MOV10	exonic	NM_	.	mis	MOV10
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	RHOC	exonic	NM_	.	syr	RHOC:I
ACa07	1	####	.	G	T	.	PA:	MAGI3	exonic	NM_	.	mis	MAGI3:
ACa07	1	####	.	T	G	.	PA:	AMPD1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs3724512	C	T	.	PA:	AMPD1	exonic	NM_	.	mis	AMPD1
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	TTF2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	T	.	PA:	SPAG17,V	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	NBPF7	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs1041798	C	T	.	PA:	NOTCH2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	A	G	.	PA:	NOTCH2	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07	1	####	.	T	G	.	PA:	ANKRD20	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	1	####	rs9441133	T	G	.	PA:	NBPF9,NE	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa07	1	####	rs4067693	G	C	.	PA:	NBPF20,N	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	A	G	.	PA:	NBPF9,NE	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa07	1	####	rs7819390	C	T	.	PA:	SEC22B	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa07	1	####	rs7515424	T	A	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	POLR3C	exonic	NM_	.	mis	POLR3(
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	LOC1010(	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	TARS2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	PI4KB	exonic	NM_	.	sto	PI4KB:N
ACa07	1	####	.	T	C	.	PA:	POGZ	exonic	NM_	.	mis	POGZ:N
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	FLG2	exonic	NM_	.	syr	FLG2:N
ACa07	1	####	rs9479104	C	T	.	PA:	PGLYRP3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	S100A16	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	A	G	.	PA:	INTS3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs7704251	G	A	.	PA:	DENND4E	exonic	NM_	.	mis	DENND
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	UBE2Q1	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	MTX1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	ASH1L	exonic	NM_	.	mis	ASH1L:
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	YY1AP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs9321901	C	T	.	PA:	PMF1	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	1	####	.	T	C	.	PA:	ARHGEF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs3718046	C	T	.	PA:	ETV3L	exonic	NM_	.	mis	ETV3L:
ACa07	1	####	rs2000983	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	1	####	rs7734794	G	A	.	PA:	CD1B	exonic	NM_	.	syr	CD1B:N
ACa07	1	####	rs7622475	C	T	.	PA:	CRP	intronic	NM_	.	.	.

ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	ADAMTS4	exonic	NM_	.	mis	ADAMT
ACa07	1	####	rs2010794	C	T	.	PA:	C1orf226	exonic	NM_	.	syr	C1orf22
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	RGS4	exonic	NM_	.	mis	RGS4:N
ACa07	1	####	.	A	G	.	PA:	PBX1	exonic	NM_	.	mis	PBX1:N
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	POU2F1	exonic	NM_	.	syr	POU2F
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	CCDC181	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	A	G	.	PA:	SELP	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	SCYL3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	RABGAP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	T	G	.	PA:	PAPPA2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs7763360	C	T	.	PA:	ASTN1	exonic	NM_	.	syr	ASTN1:
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	ABL2	exonic	NM_	.	sto	ABL2:N
ACa07	1	####	rs1014592	C	T	.	PA:	NPHS2	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	CEP350	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs7733795	C	A	.	PA:	CACNA1E	exonic	NM_	.	mis	CACNA
ACa07	1	####	rs7640679	G	A	.	PA:	ZNF648	exonic	NM_	.	mis	ZNF648
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	TEDDM1	exonic	NM_	.	mis	TEDDM
ACa07	1	####	rs7702036	C	T	.	PA:	NPL	exonic	NM_	.	mis	NPL:NM
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	TPR	exonic	NM_	.	mis	TPR:NM
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	CRB1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	A	G	.	PA:	CAMSAP2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs3712350	G	A	.	PA:	KIF21B	exonic	NM_	.	mis	KIF21B
ACa07	1	####	rs3723002	C	T	.	PA:	CACNA1S	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs3694010	G	A	.	PA:	NAV1	exonic	NM_	.	mis	NAV1:N
ACa07	1	####	.	G	T	.	PA:	TIMM17A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs1044866	C	T	.	PA:	ETNK2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	CNTN2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	T	G	.	PA:	C4BPA	exonic	NM_	.	syr	C4BPA:
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	CR1L	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	T	C	.	PA:	PLXNA2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	G	.	PA:	HSD11B1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	T	C	.	PA:	RCOR3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs9188348	C	T	.	PA:	TATDN3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	FLVCR1	exonic	NM_	.	mis	FLVCR:
ACa07	1	####	.	G	T	.	PA:	RPS6KC1	exonic	NM_	.	mis	RPS6K(
ACa07	1	####	.	A	G	.	PA:	PTPN14	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	PTPN14	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs9106912	T	C	.	PA:	USH2A	exonic	NM_	.	mis	USH2A
ACa07	1	####	.	G	T	.	PA:	USH2A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs7564262	C	T	.	PA:	USH2A	exonic	NM_	.	mis	USH2A
ACa07	1	####	rs1909372	C	T	.	PA:	ESRRG	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	SLC30A10	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	IARS2	exonic	NM_	.	syr	IARS2:N
ACa07	1	####	rs7799500	C	T	.	PA:	IARS2	exonic	NM_	.	mis	IARS2:N
ACa07	1	####	.	C	A	.	PA:	2-Mar	exonic	NM_	.	mis	MARC2
ACa07	1	####	.	T	G	.	PA:	DISP1	exonic	NM_	.	mis	DISP1:N
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	NVL	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	TMEM63A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	LEFTY2	exonic	NM_	.	mis	LEFTY2
ACa07	1	####	rs9303868	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	ADCK3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	A	T	.	PA:	OBSCN	exonic	NM_	.	mis	OBSCN
ACa07	1	####	.	G	A	.	PA:	TRIM67	exonic	NM_	.	mis	TRIM67
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	KIAA1804	intronic	NM_	.	.	.

ACa07	1	####	rs1006991	C	T	.	PA:	KCNK1	exonic	NM_	.	syr	KCNK1
ACa07	1	####	rs3676265	C	T	.	PA:	RYR2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	PLD5	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	.	C	T	.	PA:	AKT3	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07	1	####	rs1000082	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	1	####	rs1825931	C	T	.	PA:	ZNF496	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	1	####	rs7580154	C	T	.	PA:	ZNF692	exonic	NM_	.	mis	ZNF692
ACa07	2	####	rs3724090	G	A	.	PA:	TPO	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	rs7778730	G	A	.	PA:	TSSC1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	A	G	.	PA:	TRAPPC1	exonic	NM_	.	mis	TRAPP
ACa07	2	####	rs5690508	G	A	.	PA:	TRAPPC1	exonic	NM_	.	mis	TRAPP
ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	2	####	rs7490370	G	A	.	PA:	MBOAT2	exonic	NM_	.	mis	MBOAT
ACa07	2	####	rs3691590	C	T	.	PA:	ADAM17	exonic	NM_	.	mis	ADAM1
ACa07	2	####	rs9653906	G	A	.	PA:	PQLC3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	FAM49A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	rs3765736	C	T	.	PA:	FAM49A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	rs3680831	C	T	.	PA:	VSNL1	exonic	NM_	.	syr	VSNL1:
ACa07	2	####	rs7556987	C	T	.	PA:	KCNS3	exonic	NM_	.	mis	KCNS3
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	KLHL29	exonic	NM_	.	mis	KLHL29
ACa07	2	####	rs5650507	G	A	.	PA:	ITSN2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	rs7736455	G	A	.	PA:	NCOA1	exonic	NM_	.	syr	NCOA1
ACa07	2	####	rs1479767	G	A	.	PA:	EMILIN1	exonic	NM_	.	mis	EMILIN
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	CAD	exonic	NM_	.	mis	CAD:NM
ACa07	2	####	.	A	T	.	PA:	CAD	exonic	NM_	.	mis	CAD:NM
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	FNDC4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	ALK	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	rs7664313	G	A	.	PA:	BIRC6	exonic	NM_	.	mis	BIRC6:I
ACa07	2	####	rs1047800	G	A	.	PA:	TTC27	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	A	G	.	PA:	LINC0048	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	STRN	exonic	NM_	.	mis	STRN:N
ACa07	2	####	rs7725290	C	T	.	PA:	SLC8A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	T	G	.	PA:	LRPPRC	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	PPP1R21	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	2	####	.	C	A	.	PA:	STON1-G	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	SPTBN1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	C	A	.	PA:	SPTBN1	exonic	NM_	.	mis	SPTBN
ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	RTN4	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	2	####	rs7787019	T	C	.	PA:	EFEMP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	rs7608139	C	T	.	PA:	CCDC85A	exonic	NM_	.	syr	CCDC8
ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	BCL11A	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	WDPCP	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	A	T	.	PA:	UGP2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	A	C	.	PA:	PELI1	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	ARHGAP2	exonic	NM_	.	mis	ARHGA
ACa07	2	####	.	A	G	.	PA:	ANTXR1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	C	A	.	PA:	ADD2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	NAGK	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	C	A	.	PA:	DYSF	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	rs7670256	C	T	.	PA:	EVA1A	exonic	NM_	.	syr	EVA1A:
ACa07	2	####	.	A	G	.	PA:	DNAH6	exonic	NM_	.	mis	DNAH6
ACa07	2	####	rs1883943	G	A	.	PA:	KCMF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	RETSAT	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	G	T	.	PA:	GGCX	exonic	NM_	.	syr	GGCX:I

ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	VAMP5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	RGPD2,R	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	A	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	rs1915368	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	rs7778874	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	rs2923588	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	rs3763447	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	.	T	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	rs8689209	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	2	####	rs3759446	C	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	2	####	rs1210521	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	2	####	rs2931782	G	A	.	PA:	ANKRD20	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	A	G	.	PA:	TRIM43B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs7784367	C	T	.	PA:	ASTL	exonic	NM_	.	syr	ASTL:N	
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	SNRNP20	exonic	NM_	.	syr	SNRNP	
ACa07	2	####	rs5704884	G	A	.	PA:	FER1L5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	CNNM3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs5571075	G	A	.	PA:	ANKRD36	exonic	NM_	.	syr	ANKRD	
ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	ANKRD36	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	C	A	.	PA:	TMEM131	exonic	NM_	.	syr	TMEM1	
ACa07	2	####	rs7682782	C	T	.	PA:	AFF3	exonic	NM_	.	mis	AFF3:N	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	IL18R1	exonic	NM_	.	mis	IL18R1:	
ACa07	2	####	rs7516119	G	A	.	PA:	TGFBRAF	exonic	NM_	.	syr	TGFBR	
ACa07	2	####	rs2018112	C	T	.	PA:	RGPD3	exonic	NM_	.	mis	RGPD3	
ACa07	2	####	rs7589510	C	T	.	PA:	BUB1	exonic	NM_	.	mis	BUB1:N	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	.	A	G	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	A	G	.	PA:	IL36A	exonic	NM_	.	mis	IL36A:N	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	DPP10	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs7642264	C	T	.	PA:	RALB	exonic	NM_	.	syr	RALB:N	
ACa07	2	####	.	T	A	.	PA:	PROC	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	MYO7B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs7817298	C	T	.	PA:	SMPD4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs1340756	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	rs1820004	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	.	A	G	.	PA:	GPR39	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	MIR7853	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	C	A	.	PA:	LRP1B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	NEB	exonic	NM_	.	mis	NEB:NM	
ACa07	2	####	.	G	T	.	PA:	STAM2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	FMNL2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs1012824	C	T	.	PA:	PRPF40A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs9859742	A	C	.	PA:	ARL6IP6	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs2003571	C	T	.	PA:	TANC1	exonic	NM_	.	mis	TANC1:	
ACa07	2	####	rs3721419	G	A	.	PA:	SLC4A10	exonic	NM_	.	mis	SLC4A1	
ACa07	2	####	.	G	T	.	PA:	DPP4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs1029714	C	T	.	PA:	DPP4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	SCN3A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	T	G	.	PA:	ABCB11	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	T	.	PA:	BBS5	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	2	####	.	A	G	.	PA:	LOC10192	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs9215367	C	T	.	PA:	GORASP2	exonic	NM_	.	sto	GORAS	

ACa07	2	####	.	T	A	.	PA:	DYNC1I2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs9638533	G	A	.	PA:	RAPGEF4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	WIPF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	CHRNA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	.	A	T	.	PA:	AGPS	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	PDE11A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs9603080	T	A	.	PA:	TTN	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs3772721	C	T	.	PA:	DNAJC10	exonic	NM_	.	mis	DNAJC	
ACa07	2	####	rs3766275	T	C	.	PA:	FSIP2	exonic	NM_	.	mis	FSIP2:N	
ACa07	2	####	.	A	G	.	PA:	FSIP2	exonic	NM_	.	mis	FSIP2:N	
ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	ITGAV	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs3768239	G	A	.	PA:	COL5A2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs7715235	C	T	.	PA:	WDR75	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	STAT1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	SDPR	exonic	NM_	.	mis	SDPR:N	
ACa07	2	####	.	T	A	.	PA:	STK17B	exonic	NM_	.	mis	STK17E	
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	KCTD18	exonic	NM_	.	mis	KCTD1	
ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	CLK1	exonic	NM_	.	mis	CLK1:N	
ACa07	2	####	rs5481928	G	A	.	PA:	KIAA2012	exonic	NM_	.	syr	KIAA20	
ACa07	2	####	rs1901033	T	A	.	PA:	NBEAL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs7778048	A	G	.	PA:	RAPH1	exonic	NM_	.	syr	RAPH1	
ACa07	2	####	rs1477917	G	A	.	PA:	EEF1B2	exonic	NM_	.	syr	EEF1B2	
ACa07	2	####	rs5379398	G	A	.	PA:	ADAM23	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	C	.	PA:	CRYGD	exonic	NM_	.	mis	CRYGD	
ACa07	2	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	UNC80	exonic	NM_	.	mis	UNC80	
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	UNC80	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	A	G	.	PA:	UNC80	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	T	C	.	PA:	CPS1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	T	.	PA:	TNS1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	A	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	2	####	.	C	A	.	PA:	CATIP-AS	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	T	.	PA:	SLC11A1	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa07	2	####	rs5756405	G	A	.	PA:	VIL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	T	.	PA:	TTLL4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs3732211	G	A	.	PA:	CCDC108	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	DNAJB2	exonic	NM_	.	syr	DNAJB2	
ACa07	2	####	rs7469670	C	T	.	PA:	DES	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs5290584	C	T	.	PA:	SPEG	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa07	2	####	.	T	A	.	PA:	EPHA4	exonic	NM_	.	mis	EPHA4	
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	IRS1	exonic	NM_	.	syr	IRS1:NI	
ACa07	2	####	.	A	T	.	PA:	LOC65484	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs499449	C	T	.	PA:	FBXO36	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs7533248	G	A	.	PA:	NMUR1	exonic	NM_	.	mis	NMUR1	
ACa07	2	####	.	C	A	.	PA:	DIS3L2	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa07	2	####	.	G	T	.	PA:	DIS3L2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	ALPPL2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs2020267	G	A	.	PA:	INPP5D	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	2	####	rs1053770	C	T	.	PA:	MROH2A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	MROH2A	exonic	NM_	.	syr	MROH2	
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	IQCA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	2	####	rs7483373	C	T	.	PA:	PER2	exonic	NM_	.	mis	PER2:N	
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	LOC15093	ncRNA_	NR_	.	.	.	

ACa07	2	####	rs3776284	G	A	.	PA:	KIF1A	exonic	NM_	.	syr	KIF1A:N
ACa07	2	####	rs1500761	C	T	.	PA:	KIF1A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	G	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa07	2	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	2	####	.	G	A	.	PA:	SNED1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	rs3731564	C	T	.	PA:	CHL1	exonic	NM_	.	syr	CHL1:N
ACa07	3	####	rs5694312	C	T	.	PA:	CNTN6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	LMCD1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	LHFPL4	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	3	####	rs7502023	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	3	####	.	T	C	.	PA:	IL17RC	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	rs7567892	C	T	.	PA:	CRELD1	exonic	NM_	.	mis	CRELD
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	FANCD2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	SLC6A11	exonic	NM_	.	mis	SLC6A1
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	TAMM41	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	3	####	rs9925095	C	T	.	PA:	TSEN2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	G	T	.	PA:	RAF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	C	A	.	PA:	IQSEC1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	T	A	.	PA:	CAPN7	exonic	NM_	.	mis	CAPN7
ACa07	3	####	.	T	C	.	PA:	TBC1D5	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	G	T	.	PA:	KCNH8	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	NR1D2	exonic	NM_	.	syr	NR1D2:
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	TOP2B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	3	####	rs8972401	A	G	.	PA:	SLC4A7	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	rs1124655	G	A	.	PA:	TGFBR2	exonic	NM_	.	mis	TGFBR
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	3	####	rs7802104	C	T	.	PA:	STT3B	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	3	####	.	G	T	.	PA:	STAC	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	rs5407838	G	A	.	PA:	DCLK3	exonic	NM_	.	mis	DCLK3:
ACa07	3	####	rs5599017	G	A	.	PA:	MLH1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	T	C	.	PA:	GOLGA4	exonic	NM_	.	syr	GOLGA
ACa07	3	####	rs3732183	G	A	.	PA:	DLEC1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	EXOG	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	rs7485706	G	A	.	PA:	SCN10A	exonic	NM_	.	syr	SCN10A
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	ZKSCAN7	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	rs7745693	G	A	.	PA:	CCR9	exonic	NM_	.	mis	CCR9:N
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	SETD2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	rs7512571	C	T	.	PA:	CCDC51	exonic	NM_	.	mis	CCDC5
ACa07	3	####	rs5304720	G	A	.	PA:	COL7A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	rs3713830	C	T	.	PA:	NCKIPSD	exonic	NM_	.	mis	NCKIPS
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	WDR6	exonic	NM_	.	mis	WDR6:I
ACa07	3	####	rs2001906	C	T	.	PA:	QRICH1	exonic	NM_	.	syr	QRICH1
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	USP4	exonic	NM_	.	mis	USP4:N
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	BSN	exonic	NM_	.	sto	BSN:NM
ACa07	3	####	.	G	T	.	PA:	CAMKV	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	rs7596904	C	T	.	PA:	CACNA2D	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	3	####	rs1821535	G	A	.	PA:	IQCF5-AS	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	3	####	.	A	G	.	PA:	PCBP4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	rs7780907	G	A	.	PA:	PCBP4	exonic	NM_	.	mis	PCBP4:
ACa07	3	####	.	A	G	.	PA:	ALAS1	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	DNAH1	intronic	NM_	.	.	.

ACa07	3	####	.	A	G	.	PA:	DNAH1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	DNAH1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	rs9624625	C	T	.	PA:	SEMA3G	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	.	A	T	.	PA:	PBRM1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	.	T	G	.	PA:	PBRM1	exonic	NM_	.	mis	PBRM1	
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	CACNA1D	exonic	NM_	.	mis	CACNA	
ACa07	3	####	rs2000990	C	T	.	PA:	ACTR8	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	rs9858893	T	C	.	PA:	CACNA2D	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	rs1042360	T	C	.	PA:	CACNA2D	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	IL17RD	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	.	C	A	.	PA:	APPL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	.	G	T	.	PA:	DENND6A	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	3	####	.	G	T	.	PA:	PXK	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	rs7458693	C	T	.	PA:	ADAMTS9	exonic	NM_	.	syr	ADAMT	
ACa07	3	####	.	A	G	.	PA:	LMOD3	exonic	NM_	.	mis	LMOD3	
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	MITF	exonic	NM_	.	mis	MITF:N	
ACa07	3	####	rs7794528	C	T	.	PA:	FAM86DP	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	MINA	exonic	NM_	.	mis	MINA:N	
ACa07	3	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	3	####	.	G	T	.	PA:	KIAA1524	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	MORC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	.	G	T	.	PA:	CFAP44	exonic	NM_	.	syr	CFAP4	
ACa07	3	####	.	A	C	.	PA:	TMEM39A	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa07	3	####	.	C	A	.	PA:	TMEM39A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	rs3684939	G	A	.	PA:	STXBP5L	exonic	NM_	.	mis	STXBP	
ACa07	3	####	rs1001693	G	A	.	PA:	SEMA5B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	rs1465223	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	3	####	.	C	A	.	PA:	UROC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	rs5528272	G	A	.	PA:	PLXNA1	exonic	NM_	.	syr	PLXNA	
ACa07	3	####	rs7511092	G	A	.	PA:	TPRA1	exonic	NM_	.	syr	TPRA1	
ACa07	3	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	3	####	rs5631647	C	T	.	PA:	LOC65371	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	3	####	.	A	G	.	PA:	RPL32P3	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	NUDT16	exonic	NM_	.	mis	NUDT1	
ACa07	3	####	.	C	A	.	PA:	ACPP	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	PRR23A	exonic	NM_	.	mis	PRR23A	
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	PRR23C	exonic	NM_	.	syr	PRR23C	
ACa07	3	####	rs1408440	C	T	.	PA:	CLSTN2	exonic	NM_	.	syr	CLSTN2	
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	RASA2	exonic	NM_	.	syr	RASA2	
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	TFDP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	rs7685217	A	T	.	PA:	ATR	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	rs7705095	C	T	.	PA:	PCOLCE2	exonic	NM_	.	mis	PCOLC	
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	3	####	rs7605662	C	T	.	PA:	EIF2A	exonic	NM_	.	syr	EIF2A:N	
ACa07	3	####	.	C	A	.	PA:	GFM1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	MIR16-2	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	3	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	3	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	3	####	rs5388049	C	T	.	PA:	SKIL	exonic	NM_	.	mis	SKIL:NM	
ACa07	3	####	rs9368630	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	3	####	.	G	T	.	PA:	KCNMB3	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	3	####	rs7652687	C	T	.	PA:	USP13	exonic	NM_	.	syr	USP13:	
ACa07	3	####	rs5714458	C	T	.	PA:	LOC10192	ncRNA_	NR_	.	.	.	

ACa07	3	####	.	T	G	.	PA:	MCCC1	exonic	NM_	.	mis	MCCC1
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	KLHL6	exonic	NM_	.	mis	KLHL6:
ACa07	3	####	rs9015268	C	T	.	PA:	HTR3D	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	T	C	.	PA:	VWA5B2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	rs3748943	G	A	.	PA:	ECE2	exonic	NM_	.	mis	ECE2:N
ACa07	3	####	.	T	A	.	PA:	SST	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	rs7531929	C	T	.	PA:	LPP	exonic	NM_	.	syr	LPP:NM
ACa07	3	####	rs7777314	G	A	.	PA:	TMEM44	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	MUC4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	3	####	rs8866852	G	A	.	PA:	NRROS	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	3	####	rs7637750	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	4	####	.	G	T	.	PA:	ABCA11P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	4	####	rs7620115	G	A	.	PA:	TMEM175	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa07	4	####	.	C	A	.	PA:	CTBP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	rs9125004	C	T	.	PA:	FAM53A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	C	T	.	PA:	TACC3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	G	A	.	PA:	LETM1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	rs5508099	G	A	.	PA:	WHSC1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	T	C	.	PA:	MXD4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	G	A	.	PA:	DOK7	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	rs9333127	G	A	.	PA:	.	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	C	T	.	PA:	ADRA2C	exonic	NM_	.	sto	ADRA2
ACa07	4	####	rs5603533	C	T	.	PA:	WFS1	exonic	NM_	.	syr	WFS1:N
ACa07	4	####	.	G	A	.	PA:	PPP2R2C	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	G	A	.	PA:	SORCS2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	rs3763511	G	A	.	PA:	AFAP1	exonic	NM_	.	mis	AFAP1:
ACa07	4	####	rs2006520	C	T	.	PA:	ABLIM2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	rs7521101	C	T	.	PA:	SH3TC1	exonic	NM_	.	syr	SH3TC
ACa07	4	####	rs7804064	G	A	.	PA:	ZNF518B	exonic	NM_	.	mis	ZNF518
ACa07	4	####	.	C	A	.	PA:	BOD1L1	exonic	NM_	.	mis	BOD1L
ACa07	4	####	.	G	A	.	PA:	CC2D2A	exonic	NM_	.	mis	CC2D2
ACa07	4	####	.	A	T	.	PA:	PACRGL	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	T	C	.	PA:	CCDC149	exonic	NM_	.	mis	CCDC1
ACa07	4	####	rs1420745	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	4	####	rs5344165	C	T	.	PA:	UBE2K	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	C	T	.	PA:	UBE2K	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	4	####	rs7759148	G	A	.	PA:	RHOH	exonic	NM_	.	mis	RHOH:I
ACa07	4	####	.	A	T	.	PA:	NSUN7	exonic	NM_	.	mis	NSUN7
ACa07	4	####	rs2856467	C	T	.	PA:	GABRB1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	rs1451863	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	4	####	rs5941177	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	4	####	.	C	T	.	PA:	LRRC66	exonic	NM_	.	mis	LRRC6
ACa07	4	####	.	C	T	.	PA:	DANCR	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	4	####	.	G	C	.	PA:	EXOC1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	C	A	.	PA:	THEGL	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	G	A	.	PA:	TMPRSS1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	C	T	.	PA:	UGT2B4	exonic	NM_	.	sto	UGT2B
ACa07	4	####	.	A	T	.	PA:	CSN1S1	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07	4	####	rs7619680	C	T	.	PA:	SLC4A4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	C	T	.	PA:	ADAMTS3	splicing	NM_	NM_	.	.

ACa07	4	####	rs1194702	T	A	.	PA:	AFM	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	G	T	.	PA:	RASSF6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	rs3691209	C	T	.	PA:	PPEF2	exonic	NM_	.	mis	PPEF2:
ACa07	4	####	.	G	T	.	PA:	CCDC158	exonic	NM_	.	syr	CCDC1
ACa07	4	####	rs7609961	C	T	.	PA:	SHROOM	exonic	NM_	.	mis	SHROC
ACa07	4	####	.	G	T	.	PA:	FRAS1	exonic	NM_	.	sto	FRAS1:
ACa07	4	####	.	A	G	.	PA:	LIN54	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	4	####	rs8867538	T	C	.	PA:	WDFY3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	G	T	.	PA:	FAM13A	exonic	NM_	.	mis	FAM13A
ACa07	4	####	.	C	A	.	PA:	NFKB1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	G	A	.	PA:	TET2	exonic	NM_	.	mis	TET2:N
ACa07	4	####	rs3719859	C	T	.	PA:	TBCK	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa07	4	####	.	C	T	.	PA:	ENPEP	exonic	NM_	.	syr	ENPEP
ACa07	4	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	4	####	.	A	G	.	PA:	NDST3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	A	G	.	PA:	LOC72921	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	4	####	.	G	T	.	PA:	METTL14	exonic	NM_	.	sto	METTL
ACa07	4	####	.	C	A	.	PA:	NDNF	exonic	NM_	.	mis	NDNF:N
ACa07	4	####	rs7744530	T	C	.	PA:	ANKRD50	exonic	NM_	.	mis	ANKRD
ACa07	4	####	.	G	T	.	PA:	C4orf29	exonic	NM_	.	mis	C4orf29
ACa07	4	####	rs7741072	A	G	.	PA:	C4orf29	exonic	NM_	.	mis	C4orf29
ACa07	4	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	4	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	4	####	.	G	T	.	PA:	TBC1D9	exonic	NM_	.	syr	TBC1D9
ACa07	4	####	.	G	A	.	PA:	TBC1D9	exonic	NM_	.	syr	TBC1D9
ACa07	4	####	.	A	G	.	PA:	IL15	exonic	NM_	.	syr	IL15:NM
ACa07	4	####	.	C	A	.	PA:	GYPB	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	rs8661228	T	C	.	PA:	TRIM2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	rs4095550	G	A	.	PA:	KLHL2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	G	A	.	PA:	GALNTL6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	A	G	.	PA:	TENM3	exonic	NM_	.	mis	TENM3
ACa07	4	####	rs9420962	C	T	.	PA:	CCDC110	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	4	####	.	G	A	.	PA:	SORBS2	exonic	NM_	.	syr	SORBS
ACa07	4	####	rs7781796	G	A	.	PA:	F11-AS1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	5	####	.	A	G	.	PA:	SLC9A3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	5	####	.	G	A	.	PA:	CEP72	exonic	NM_	.	mis	CEP72:
ACa07	5	####	rs412221	G	C	.	PA:	ZDHHC11	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	5	####	rs1006578	C	T	.	PA:	SLC12A7	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	5	####	.	C	A	.	PA:	IRX4	exonic	NM_	.	mis	IRX4:NI
ACa07	5	####	rs9030458	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	5	####	rs7491497	G	A	.	PA:	ICE1	exonic	NM_	.	mis	ICE1:NI
ACa07	5	####	.	G	T	.	PA:	UBE2QL1	exonic	NM_	.	mis	UBE2Q
ACa07	5	####	.	A	G	.	PA:	PAPD7	exonic	NM_	.	mis	PAPD7
ACa07	5	####	rs1497666	G	A	.	PA:	CTNND2	exonic	NM_	.	syr	CTNND
ACa07	5	####	rs6554817	G	A	.	PA:	DNAH5	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	5	####	rs9140889	G	C	.	PA:	TRIO	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	5	####	rs7661668	G	A	.	PA:	TRIO	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	5	####	rs9251299	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	5	####	rs5697598	G	A	.	PA:	ADAMTS1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	5	####	rs8799835	G	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	5	####	rs9765292	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	5	####	rs9765293	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	5	####	.	C	A	.	PA:	MIR3650,I	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	5	####	.	T	A	.	PA:	PRKAA1	UTR3	NM_	NM_	.	.

ACa07	5	####	.	A	G	.	PA:	OXCT1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	G	T	.	PA:	HMGCS1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	5	####	rs4327635	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	5	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	5	####	rs2005764	C	T	.	PA:	ACTBL2	exonic	NM_	.	mis	ACTBL2	
ACa07	5	####	.	C	T	.	PA:	PDE4D	exonic	NM_	.	mis	PDE4D	
ACa07	5	####	rs5582099	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	5	####	.	C	A	.	PA:	CENPK	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa07	5	####	.	G	A	.	PA:	ERBB2IP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	rs5672287	G	A	.	PA:	MAST4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	A	G	.	PA:	MAST4	exonic	NM_	.	mis	MAST4	
ACa07	5	####	rs2016310	C	T	.	PA:	MAST4	exonic	NM_	.	mis	MAST4	
ACa07	5	####	.	C	T	.	PA:	PIK3R1	exonic	NM_	.	syr	PIK3R1	
ACa07	5	####	.	A	G	.	PA:	RAD17	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	C	G	.	PA:	GUSBP9,(	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	C	A	.	PA:	MAP1B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	A	G	.	PA:	ANKDD1E	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	C	T	.	PA:	HOMER1	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	5	####	.	G	A	.	PA:	ACOT12	exonic	NM_	.	syr	ACOT1	
ACa07	5	####	.	G	A	.	PA:	TMEM167	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	5	####	rs3717547	C	T	.	PA:	VCAN	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	rs7815826	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	5	####	.	G	T	.	PA:	GPR98	exonic	NM_	.	mis	GPR98	
ACa07	5	####	.	G	A	.	PA:	KIAA0825	exonic	NM_	.	mis	KIAA08	
ACa07	5	####	rs7633968	C	T	.	PA:	ARSK	exonic	NM_	.	mis	ARSK:N	
ACa07	5	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	5	####	.	A	C	.	PA:	PAM	exonic	NM_	.	mis	PAM:NI	
ACa07	5	####	rs1114874	C	T	.	PA:	PAM	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	G	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	A	G	.	PA:	EPB41L4A	exonic	NM_	.	syr	EPB41L	
ACa07	5	####	.	C	T	.	PA:	SEMA6A	exonic	NM_	.	syr	SEMA6	
ACa07	5	####	.	G	T	.	PA:	TNFAIP8	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	rs9346631	G	A	.	PA:	SOWAHA	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	5	####	.	A	T	.	PA:	AFF4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	rs7465490	C	T	.	PA:	FSTL4	exonic	NM_	.	syr	FSTL4:	
ACa07	5	####	.	C	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	rs7470418	T	C	.	PA:	DDX46	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	rs7665720	C	T	.	PA:	CDC25C	exonic	NM_	.	mis	CDC25	
ACa07	5	####	.	A	G	.	PA:	CDC25C	exonic	NM_	.	mis	CDC25	
ACa07	5	####	.	A	G	.	PA:	EGR1	exonic	NM_	.	mis	EGR1:N	
ACa07	5	####	rs7721589	G	A	.	PA:	EGR1	exonic	NM_	.	mis	EGR1:N	
ACa07	5	####	.	T	C	.	PA:	ANKHD1-I	exonic	NM_	.	mis	ANKHD	
ACa07	5	####	.	G	A	.	PA:	PCDHA4	exonic	NM_	.	syr	PCDHA	
ACa07	5	####	.	C	T	.	PA:	PCDHA13	exonic	NM_	.	syr	PCDHA	
ACa07	5	####	rs7823690	G	A	.	PA:	PCDHAC1	exonic	NM_	.	syr	PCDHA	
ACa07	5	####	.	G	A	.	PA:	PCDHB6	exonic	NM_	.	mis	PCDHB	
ACa07	5	####	.	C	T	.	PA:	PCDHB8	exonic	NM_	.	mis	PCDHB	
ACa07	5	####	.	C	T	.	PA:	PCDHGA2	exonic	NM_	.	syr	PCDHG	
ACa07	5	####	rs9814581	C	T	.	PA:	PCDHGA2	exonic	NM_	.	mis	PCDHG	
ACa07	5	####	rs5446331	C	T	.	PA:	PCDHGA3	exonic	NM_	.	syr	PCDHG	
ACa07	5	####	rs3769527	C	T	.	PA:	PCDHGB3	exonic	NM_	.	syr	PCDHG	
ACa07	5	####	rs7719463	G	A	.	PA:	PCDHGB6	exonic	NM_	.	mis	PCDHG	
ACa07	5	####	rs2018026	G	A	.	PA:	KIAA0141	exonic	NM_	.	mis	KIAA01	

ACa07	5	####	rs1000063	A	G	.	PA:	JAKMIP2	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	5	####	.	T	C	.	PA:	CSNK1A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	A	T	.	PA:	PDE6A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	G	A	.	PA:	SYNPO	exonic	NM_	.	mis	SYNPO	
ACa07	5	####	.	C	A	.	PA:	G3BP1	exonic	NM_	.	mis	G3BP1:	
ACa07	5	####	rs5492040	G	A	.	PA:	CYFIP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	rs5611223	C	T	.	PA:	RNF145	exonic	NM_	.	mis	RNF14	
ACa07	5	####	.	G	A	.	PA:	TENM2	exonic	NM_	.	mis	TENM2	
ACa07	5	####	.	C	A	.	PA:	TENM2	exonic	NM_	.	mis	TENM2	
ACa07	5	####	rs1491693	C	T	.	PA:	WWC1	exonic	NM_	.	mis	WWC1:	
ACa07	5	####	rs7577825	C	T	.	PA:	RARS	exonic	NM_	.	mis	RARS:N	
ACa07	5	####	.	G	T	.	PA:	SLIT3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	T	C	.	PA:	SH3PXD2	exonic	NM_	.	mis	SH3PX	
ACa07	5	####	rs1822272	C	T	.	PA:	NEURL1B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	C	A	.	PA:	CREBRF	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	T	C	.	PA:	FAF2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	G	A	.	PA:	FGFR4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	rs4551119	G	A	.	PA:	FGFR4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	rs5582208	C	T	.	PA:	FGFR4	exonic	NM_	.	mis	FGFR4	
ACa07	5	####	.	C	A	.	PA:	LOC2021	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	C	T	.	PA:	FAM153A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	5	####	.	G	A	.	PA:	GRM6	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	5	####	rs1025870	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	5	####	.	G	A	.	PA:	MGAT4B	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	5	####	.	G	T	.	PA:	GFPT2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	rs7651293	G	A	.	PA:	RPP40	exonic	NM_	.	mis	RPP40:	
ACa07	6	####	rs1023580	A	T	.	PA:	RPP40	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	rs1864505	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	6	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	6	####	rs2004302	C	T	.	PA:	BLOC1S5	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	T	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	6	####	rs3692600	G	A	.	PA:	GCNT2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	rs7468362	G	A	.	PA:	HIVEP1	exonic	NM_	.	mis	HIVEP1	
ACa07	6	####	rs7674897	C	T	.	PA:	DTNBP1	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa07	6	####	.	T	G	.	PA:	CASC15,(	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	6	####	.	G	A	.	PA:	FAM65B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	GUSBP2	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	ZSCAN12	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	G	A	.	PA:	ZKSCAN3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	6	####	rs7653588	G	A	.	PA:	ZFP57	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	A	G	.	PA:	HLA-H	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	6	####	rs7511377	C	T	.	PA:	PRR3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	G	T	.	PA:	MDC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	6	####	rs7792598	C	T	.	PA:	PRRC2A	exonic	NM_	.	syr	PRRC2	
ACa07	6	####	.	G	A	.	PA:	VARS	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	HLA-DRA	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	6	####	rs1119219	C	T	.	PA:	COL11A2	exonic	NM_	.	mis	COL11	
ACa07	6	####	rs7759216	C	T	.	PA:	COL11A2	exonic	NM_	.	syr	COL11	
ACa07	6	####	.	G	A	.	PA:	ITPR3	exonic	NM_	.	mis	ITPR3:N	

ACa07	6	####	.	G	T	.	PA:	PACSIN1	exonic	NM_	.	mis	PACSIN
ACa07	6	####	rs7740360	C	T	.	PA:	PPARD	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	PPARD	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	rs7715433	C	T	.	PA:	PPARD	exonic	NM_	.	syr	PPARD
ACa07	6	####	.	G	A	.	PA:	RPL10A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	.	G	C	.	PA:	SLC26A8	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	rs1007644	G	A	.	PA:	CPNE5	exonic	NM_	.	mis	CPNE5
ACa07	6	####	.	A	G	.	PA:	DAAM2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	rs3751257	C	T	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.
ACa07	6	####	rs7778285	G	A	.	PA:	MDFI	exonic	NM_	.	mis	MDFI:N
ACa07	6	####	.	C	A	.	PA:	FRS3	exonic	NM_	.	mis	FRS3:N
ACa07	6	####	rs8008274	C	A	.	PA:	GUCA1B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	rs7806884	C	T	.	PA:	TRERF1	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	6	####	.	G	T	.	PA:	PRPH2	exonic	NM_	.	syr	PRPH2
ACa07	6	####	rs1434417	C	T	.	PA:	PTK7	exonic	NM_	.	syr	PTK7:N
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	PTK7	exonic	NM_	.	mis	PTK7:N
ACa07	6	####	.	G	T	.	PA:	ZNF318	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	.	A	G	.	PA:	YIPF3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	rs1496900	G	A	.	PA:	XPO5	exonic	NM_	.	syr	XPO5:N
ACa07	6	####	rs1435325	G	A	.	PA:	TCTE1	exonic	NM_	.	mis	TCTE1:
ACa07	6	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	6	####	.	C	A	.	PA:	DST	exonic	NM_	.	mis	DST:NM
ACa07	6	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	6	####	.	A	G	.	PA:	COL19A1	exonic	NM_	.	syr	COL19A
ACa07	6	####	rs2021606	A	G	.	PA:	SMAP1	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	6	####	.	A	T	.	PA:	KHDC3L	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	.	C	A	.	PA:	CD109	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	rs7761622	C	T	.	PA:	PHIP	exonic	NM_	.	mis	PHIP:N
ACa07	6	####	rs1497660	C	T	.	PA:	BCKDHB	exonic	NM_	.	mis	BCKDH
ACa07	6	####	rs1002475	T	C	.	PA:	CYB5R4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	rs7619979	G	A	.	PA:	SLC35A1	exonic	NM_	.	syr	SLC35A
ACa07	6	####	rs1015787	G	A	.	PA:	MDN1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	POU3F2	exonic	NM_	.	mis	POU3F
ACa07	6	####	rs5581466	A	C	.	PA:	LOC10042	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	NR2E1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	SESN1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	PPIL6	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	6	####	.	G	T	.	PA:	MICAL1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	.	G	T	.	PA:	REV3L	exonic	NM_	.	mis	REV3L:
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	6	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	TRMT11	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	rs3754749	C	T	.	PA:	LAMA2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	.	A	C	.	PA:	LAMA2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	rs7606036	G	A	.	PA:	EYA4	exonic	NM_	.	mis	EYA4:N
ACa07	6	####	rs5279151	G	A	.	PA:	ALDH8A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	rs1006659	T	C	.	PA:	IL20RA	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	KIAA1244	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	KIAA1244	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	rs1910958	G	A	.	PA:	GPR126	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	6	####	rs1401901	G	A	.	PA:	STX11	exonic	NM_	.	mis	STX11:
ACa07	6	####	.	A	G	.	PA:	ADGB	exonic	NM_	.	mis	ADGB:N
ACa07	6	####	rs7737449	C	T	.	PA:	UST	exonic	NM_	.	mis	UST:NM

ACa07	6	####	rs7774557	A	G	.	PA:	GINM1	exonic	NM_	.	mis	GINM1:	
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	KATNA1	exonic	NM_	.	mis	KATNA	
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	RAET1E-/	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	AKAP12	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	SYNE1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	rs5290225	G	A	.	PA:	SYNE1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	SYNE1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	IPCEF1	exonic	NM_	.	mis	IPCEF1	
ACa07	6	####	.	G	A	.	PA:	SCAF8	exonic	NM_	.	mis	SCAF8:	
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	ARID1B	exonic	NM_	.	sto	ARID1E	
ACa07	6	####	rs1015839	G	A	.	PA:	TMEM181	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	SOD2	exonic	NM_	.	mis	SOD2:N	
ACa07	6	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	LOC72960	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	LPA	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	C	T	.	PA:	MAP3K4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	T	C	.	PA:	PARK2	exonic	NM_	.	mis	PARK2:	
ACa07	6	####	rs7739962	C	T	.	PA:	QKI	exonic	NM_	.	syr	QKI:NM	
ACa07	6	####	rs2008105	G	A	.	PA:	C6orf118	exonic	NM_	.	mis	C6orf11	
ACa07	6	####	rs7558449	C	T	.	PA:	TCP10	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	6	####	.	A	G	.	PA:	WDR27	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	7	####	.	T	A	.	PA:	FAM20C	exonic	NM_	.	mis	FAM20(	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	G	T	.	PA:	MICALL2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	INTS1	exonic	NM_	.	mis	INTS1:N	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	INTS1	exonic	NM_	.	mis	INTS1:N	
ACa07	7	####	rs7786995	G	A	.	PA:	INTS1	exonic	NM_	.	syr	INTS1:N	
ACa07	7	####	.	A	G	.	PA:	TMEM184	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	NUDT1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs5612232	G	A	.	PA:	CHST12	exonic	NM_	.	syr	CHST1:	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	CARD11	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs3699321	C	T	.	PA:	SDK1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	C	A	.	PA:	SDK1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs5413152	C	T	.	PA:	AP5Z1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	CCZ1	exonic	NM_	.	mis	CCZ1:N	
ACa07	7	####	.	C	A	.	PA:	CYTH3	exonic	NM_	.	mis	CYTH3:	
ACa07	7	####	rs7747652	C	A	.	PA:	DAGLB	exonic	NM_	.	mis	DAGLB	
ACa07	7	####	.	G	T	.	PA:	GRID2IP	exonic	NM_	.	syr	GRID2I	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	C7orf26	exonic	NM_	.	mis	C7orf26	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	ZNF316	exonic	NM_	.	syr	ZNF316	
ACa07	7	####	rs7800175	G	A	.	PA:	CCZ1B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs8790524	A	G	.	PA:	CCZ1B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs3726603	G	A	.	PA:	CCZ1B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	T	C	.	PA:	COL28A1	exonic	NM_	.	mis	COL28/	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	MIOS	exonic	NM_	.	mis	MIOS:N	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	C	A	.	PA:	THSD7A	exonic	NM_	.	mis	THSD7/	
ACa07	7	####	.	T	C	.	PA:	ABCB5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs3710375	C	T	.	PA:	DNAH11	exonic	NM_	.	syr	DNAH1	
ACa07	7	####	.	T	C	.	PA:	STEAP1B	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	7	####	.	A	T	.	PA:	CCDC126	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs1427054	C	T	.	PA:	HIBADH	exonic	NM_	.	mis	HIBADH	
ACa07	7	####	.	T	C	.	PA:	NOD1	exonic	NM_	.	mis	NOD1:N	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	

ACa07	7	####	.	G	T	.	PA:	DPY19L1F	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs7507081	C	T	.	PA:	FKBP9	exonic	NM_	.	syr	FKBP9:	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	BBS9	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	DPY19L1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs7696767	C	T	.	PA:	DPY19L2F	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	rs7755650	G	A	.	PA:	HECW1	exonic	NM_	.	syr	HECW1	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	HECW1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	URGCP	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	7	####	rs1113701	G	A	.	PA:	MYL7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	TMED4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	T	.	PA:	OGDH	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs7476235	C	T	.	PA:	ADCY1	exonic	NM_	.	syr	ADCY1	
ACa07	7	####	rs1024757	G	A	.	PA:	IGFBP3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	A	C	.	PA:	TNS3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	T	C	.	PA:	C7orf69	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	NUPR1L	exonic	NM_	.	mis	NUPR1	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	rs3749762	T	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	rs8799601	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	rs6156381	C	T	.	PA:	.	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	T	.	PA:	CCT6P1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	CCT6P1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs5480693	T	A	.	PA:	TYW1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs7706902	C	T	.	PA:	WBSCR17	exonic	NM_	.	mis	WBSCF	
ACa07	7	####	rs5574064	C	T	.	PA:	SPDYE7P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	T	C	.	PA:	NCF1B	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	FKBP6	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	FZD9	exonic	NM_	.	mis	FZD9:N	
ACa07	7	####	rs7822351	C	T	.	PA:	BAZ1B	exonic	NM_	.	mis	BAZ1B:	
ACa07	7	####	.	G	T	.	PA:	ABHD11	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	LAT2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs7822129	G	A	.	PA:	GTF2IRD1	exonic	NM_	.	mis	GTF2IR	
ACa07	7	####	rs3705131	T	C	.	PA:	NCF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs8799812	T	C	.	PA:	GTF2IP1,I	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs1493360	T	C	.	PA:	FDPSP2	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs1403890	T	A	.	PA:	DTX2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	CACNA2D	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	C	A	.	PA:	PCLO	exonic	NM_	.	mis	PCLO:N	
ACa07	7	####	rs1413343	G	A	.	PA:	CDK14	exonic	NM_	.	mis	CDK14:	
ACa07	7	####	rs9879024	G	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs7641741	G	A	.	PA:	COL1A2	exonic	NM_	.	mis	COL1A2	
ACa07	7	####	.	T	G	.	PA:	SGCE	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	ASB4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	T	.	PA:	LMTK2	splicing	NM_	NM_	.	.	

ACa07	7	####	rs7821462	C	T	.	PA:	TRRAP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs7752142	C	T	.	PA:	TRRAP	exonic	NM_	.	mis	TRRAP	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	MYH16	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs9034524	G	A	.	PA:	MYH16	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs5767320	G	A	.	PA:	PCOLCE	exonic	NM_	.	mis	PCOLC	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	ACTL6B	exonic	NM_	.	syr	ACTL6E	
ACa07	7	####	rs7641678	C	T	.	PA:	MUC12	exonic	NM_	.	sto	MUC12	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	MOGAT3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	CUX1	exonic	NM_	.	mis	CUX1:N	
ACa07	7	####	rs7590335	C	T	.	PA:	RASA4B	exonic	NM_	.	syr	RASA4I	
ACa07	7	####	rs4729845	T	C	.	PA:	SPDYE2B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	PSMC2	exonic	NM_	.	mis	PSMC2	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	ORC5	exonic	NM_	.	mis	ORC5:N	
ACa07	7	####	.	T	C	.	PA:	LRRN3	exonic	NM_	.	syr	LRRN3	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	IFRD1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	ASZ1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs1457073	C	T	.	PA:	AASS	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	rs3755434	C	T	.	PA:	GPR37	exonic	NM_	.	mis	GPR37	
ACa07	7	####	.	T	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	G	T	.	PA:	FLNC	exonic	NM_	.	mis	FLNC:N	
ACa07	7	####	rs2006779	C	T	.	PA:	SMO	exonic	NM_	.	syr	SMO:NI	
ACa07	7	####	.	G	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs3679590	G	A	.	PA:	PLXNA4	exonic	NM_	.	mis	PLXNA4	
ACa07	7	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	DGKI	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	A	G	.	PA:	DGKI	exonic	NM_	.	mis	DGKI:N	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	CREB3L2	exonic	NM_	.	mis	CREB3	
ACa07	7	####	rs1825415	G	A	.	PA:	ATP6V0A4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	T	C	.	PA:	SLC37A3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	AGK	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs7825497	C	T	.	PA:	MGAM	exonic	NM_	.	mis	MGAM:	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	.	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	7	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	rs7663697	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	7	####	.	G	A	.	PA:	GSTK1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs3733853	G	A	.	PA:	FAM131B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs7598872	C	T	.	PA:	CNTNAP2	exonic	NM_	.	syr	CNTNA	
ACa07	7	####	rs8019707	C	T	.	PA:	KRBA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs1447568	G	A	.	PA:	SSPO	exonic	NM_	.	mis	SSPO:N	
ACa07	7	####	.	T	G	.	PA:	ZNF775	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	7	####	.	A	G	.	PA:	NOS3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	ATG9B	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	CDK5	exonic	NM_	.	mis	CDK5:N	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	TMUB1	exonic	NM_	.	mis	TMUB1	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	PRKAG2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	PRKAG2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs3761181	C	T	.	PA:	KMT2C	exonic	NM_	.	mis	KMT2C	
ACa07	7	####	.	G	C	.	PA:	ACTR3B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs9367654	G	A	.	PA:	DPP6	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	G	T	.	PA:	UBE3C	intronic	NM_	.	.	.	

ACa07	7	####	rs1056749	G	A	.	PA:	PTPRN2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	rs3696336	T	A	.	PA:	PTPRN2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	FAM87A	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	8	####	.	T	A	.	PA:	CLN8	exonic	NM_	.	syr	CLN8:N	
ACa07	8	####	rs1995647	G	A	.	PA:	XKR5	exonic	NM_	.	mis	XKR5:N	
ACa07	8	####	.	C	A	.	PA:	DEFA4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	rs7692119	T	C	.	PA:	USP17L1	exonic	NM_	.	syr	USP17L	
ACa07	8	####	rs2946428	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	8	####	rs7810476	C	T	.	PA:	CLDN23	exonic	NM_	.	syr	CLDN2	
ACa07	8	####	rs7606573	G	A	.	PA:	RP1L1	exonic	NM_	.	mis	RP1L1:	
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	C8orf74	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa07	8	####	rs7511375	C	T	.	PA:	SOX7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	rs7626017	C	T	.	PA:	SLC35G5	exonic	NM_	.	syr	SLC35(	
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	TDH	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	FAM66A	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	8	####	rs3988723	A	G	.	PA:	FAM86B2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	rs3713666	A	T	.	PA:	LOC72973	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	8	####	rs1036449	G	A	.	PA:	DLC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	.	T	C	.	PA:	TUSC3	exonic	NM_	.	mis	TUSC3	
ACa07	8	####	rs1470216	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	8	####	rs1394112	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	HR	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	.	G	T	.	PA:	TNFRSF1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	8	####	.	C	A	.	PA:	R3HCC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	.	G	T	.	PA:	NKX2-6	exonic	NM_	.	syr	NKX2-6	
ACa07	8	####	rs7690910	C	T	.	PA:	DOCK5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	rs2013688	G	A	.	PA:	KCTD9	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	PNMA2	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	8	####	rs7247582	C	T	.	PA:	EPHX2	exonic	NM_	.	mis	EPHX2	
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	KIF13B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	rs1419780	G	A	.	PA:	TEX15	exonic	NM_	.	sto	TEX15:	
ACa07	8	####	rs1198970	G	A	.	PA:	DUSP26	exonic	NM_	.	syr	DUSP2	
ACa07	8	####	rs5320288	C	T	.	PA:	KCNU1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	ERLIN2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	rs7612284	G	A	.	PA:	FGFR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	FGFR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	rs7608102	G	A	.	PA:	TACC1	exonic	NM_	.	mis	TACC1	
ACa07	8	####	.	T	C	.	PA:	ADAM18	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	8	####	rs3705628	G	A	.	PA:	KAT6A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	rs7605197	G	A	.	PA:	POLB	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	8	####	rs3733322	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	8	####	rs2003364	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	8	####	.	A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	8	####	rs4498566	A	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	8	####	rs4401873	C	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	8	####	.	G	T	.	PA:	EFCAB1	exonic	NM_	.	mis	EFCAB	
ACa07	8	####	.	T	C	.	PA:	SNTG1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	.	A	G	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.	
ACa07	8	####	rs1871956	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	

ACa07	8	####	.	T	A	.	PA:	NSMAF	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	rs7793713	G	A	.	PA:	CA8	exonic	NM_	.	syr	CA8:NM
ACa07	8	####	rs1513224	C	T	.	PA:	CHD7	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	rs8897899	G	A	.	PA:	PDE7A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	.	A	G	.	PA:	CSPP1	exonic	NM_	.	syr	CSPP1:
ACa07	8	####	.	G	T	.	PA:	CSPP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	rs7454376	G	A	.	PA:	PREX2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	C8orf89	exonic	NM_	.	mis	C8orf89
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	8	####	.	T	C	.	PA:	FABP4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	.	T	C	.	PA:	CNGB3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	CNGB3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	rs1030919	C	T	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	rs7559645	G	A	.	PA:	DECR1	exonic	NM_	.	mis	DECR1
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	DECR1	exonic	NM_	.	mis	DECR1
ACa07	8	####	.	T	C	.	PA:	RUNX1T1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	8	####	rs1000299	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	8	####	.	T	A	.	PA:	MATN2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	OXR1	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	KCNV1	exonic	NM_	.	mis	KCNV1
ACa07	8	####	rs1493710	C	T	.	PA:	ATAD2	exonic	NM_	.	mis	ATAD2:
ACa07	8	####	.	A	G	.	PA:	FER1L6	exonic	NM_	.	syr	FER1L6
ACa07	8	####	rs7626895	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	PRNCR1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	8	####	rs3595615	G	A	.	PA:	LRRC6	exonic	NM_	.	syr	LRRC6:
ACa07	8	####	rs1689333	G	A	.	PA:	TG	exonic	NM_	.	mis	TG:NM_
ACa07	8	####	.	G	T	.	PA:	KCNK9	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	TRAPPC9	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	.	C	A	.	PA:	DENND3	exonic	NM_	.	syr	DENND
ACa07	8	####	.	C	A	.	PA:	MROH5	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	BAI1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	.	G	T	.	PA:	LY6H	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	rs7598006	C	T	.	PA:	ZFP41	exonic	NM_	.	mis	ZFP41:I
ACa07	8	####	rs5644139	G	A	.	PA:	FAM83H	exonic	NM_	.	syr	FAM83I
ACa07	8	####	.	G	T	.	PA:	FAM83H	exonic	NM_	.	mis	FAM83I
ACa07	8	####	rs7819090	C	T	.	PA:	SCRIB	exonic	NM_	.	mis	SCRIB:
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	NRBP2	exonic	NM_	.	mis	NRBP2
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	EPPK1	exonic	NM_	.	mis	EPPK1:
ACa07	8	####	rs2000607	G	A	.	PA:	PLEC	exonic	NM_	.	mis	PLEC:N
ACa07	8	####	rs5565117	C	T	.	PA:	HSF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	.	C	T	.	PA:	HSF1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	8	####	.	G	A	.	PA:	CYHR1	exonic	NM_	.	mis	CYHR1
ACa07	8	####	rs7468927	G	A	.	PA:	KIFC2	exonic	NM_	.	mis	KIFC2:N
ACa07	9	####	rs7123526	A	G	.	PA:	WASH1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	rs8987908	C	T	.	PA:	SLC1A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	.	C	A	.	PA:	MPDZ	exonic	NM_	.	mis	MPDZ:N
ACa07	9	####	rs7591887	G	A	.	PA:	NFIB	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	FREM1	exonic	NM_	.	mis	FREM1
ACa07	9	####	rs7554261	C	T	.	PA:	FREM1	exonic	NM_	.	mis	FREM1
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	TTC39B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	BNC2	exonic	NM_	.	mis	BNC2:N

ACa07	9	####	rs7717080	G	A	.	PA:	CNTLN	exonic	NM_	.	mis	CNTLN
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	SLC24A2	exonic	NM_	.	syr	SLC24A
ACa07	9	####	rs7552126	C	T	.	PA:	FOCAD	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	9	####	rs8986502	G	A	.	PA:	PTPLAD2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	rs7703822	C	T	.	PA:	NDUFB6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	FAM219A	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	TESK1	exonic	NM_	.	mis	TESK1:
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	FBXO10	exonic	NM_	.	mis	FBXO1(
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	FRMPD1	exonic	NM_	.	sto	FRMPD
ACa07	9	####	rs1616872	A	G	.	PA:	CNTNAP3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	rs7820531	G	C	.	PA:	CNTNAP3	exonic	NM_	.	mis	CNTNA
ACa07	9	####	rs6255281	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	9	####	rs2003121	C	T	.	PA:	.	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	9	####	rs2016275	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	9	####	rs2013763	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	9	####	rs3764322	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	9	####	.	A	C	.	PA:	LOC64223	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	FOXD4L5	exonic	NM_	.	mis	FOXD4
ACa07	9	####	rs7506128	G	A	.	PA:	FOXD4L5	exonic	NM_	.	mis	FOXD4
ACa07	9	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	9	####	.	G	T	.	PA:	TMEM2	exonic	NM_	.	syr	TMEM2
ACa07	9	####	.	C	A	.	PA:	NMRK1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	rs9660777	T	C	.	PA:	PRUNE2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	rs5294239	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	9	####	.	A	G	.	PA:	.	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	9	####	rs5696558	G	A	.	PA:	SPATA31I	exonic	NM_	.	mis	SPATA3
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	9	####	rs7749802	A	G	.	PA:	FRMD3	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	NTRK2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	ZCCHC6	exonic	NM_	.	mis	ZCCHC
ACa07	9	####	rs9367277	C	T	.	PA:	LOC39236	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	9	####	rs1447929	C	T	.	PA:	SHC3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	IARS	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	.	A	G	.	PA:	C9orf89	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	rs5352400	G	A	.	PA:	WNK2	exonic	NM_	.	mis	WNK2:I
ACa07	9	####	.	A	G	.	PA:	PHF2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	.	A	G	.	PA:	PHF2	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	ZNF367	exonic	NM_	.	mis	ZNF367
ACa07	9	####	rs5750212	C	T	.	PA:	CDC14B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	rs5664919	C	T	.	PA:	ZNF782	exonic	NM_	.	mis	ZNF782
ACa07	9	####	rs5346016	G	A	.	PA:	TBC1D2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	rs5275568	G	A	.	PA:	FSD1L	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	.	A	G	.	PA:	SVEP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	rs9418280	C	T	.	PA:	KIAA1958	exonic	NM_	.	mis	KIAA19
ACa07	9	####	rs7534529	C	T	.	PA:	KIAA1958	exonic	NM_	.	mis	KIAA19
ACa07	9	####	.	G	T	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	.	G	T	.	PA:	ALAD	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	rs1017044	C	T	.	PA:	COL27A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	COL27A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	rs5296296	C	T	.	PA:	COL27A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	.	C	A	.	PA:	AKNA	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	9	####	rs5393503	G	A	.	PA:	PAPPA	exonic	NM_	.	mis	PAPPA
ACa07	9	####	rs5770416	C	T	.	PA:	CDK5RAF	intronic	NM_	.	.	.

ACa07	9	####	rs7765588	C	T	.	PA:	PHF19	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	.	A	G	.	PA:	PHF19	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs7817163	C	T	.	PA:	DAB2IP	exonic	NM_	.	syr	DAB2IP	
ACa07	9	####	.	G	T	.	PA:	DAB2IP	exonic	NM_	.	mis	DAB2IP	
ACa07	9	####	.	C	A	.	PA:	STRBP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs7671231	C	T	.	PA:	NEK6	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	.	T	C	.	PA:	MAPKAP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	RALGPS1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs7704105	C	T	.	PA:	LRSAM1	exonic	NM_	.	syr	LRSAM	
ACa07	9	####	rs7514371	G	A	.	PA:	STXBP1	exonic	NM_	.	mis	STXBP	
ACa07	9	####	.	C	A	.	PA:	TTC16	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs7724303	C	T	.	PA:	FPGS	exonic	NM_	.	mis	FPGS:N	
ACa07	9	####	rs3755590	C	T	.	PA:	ENG	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs7704197	C	T	.	PA:	ODF2	exonic	NM_	.	syr	ODF2:N	
ACa07	9	####	rs3700623	G	A	.	PA:	SPTAN1	exonic	NM_	.	mis	SPTAN	
ACa07	9	####	rs1020109	C	T	.	PA:	SPTAN1	exonic	NM_	.	mis	SPTAN	
ACa07	9	####	.	T	C	.	PA:	SPTAN1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	SPTAN1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs1200306	C	T	.	PA:	ZER1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs4837317	T	C	.	PA:	CCBL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs4837318	C	T	.	PA:	CCBL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs7690702	G	A	.	PA:	DOLPP1	exonic	NM_	.	mis	DOLPP	
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	CRAT	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	CRAT	exonic	NM_	.	mis	CRAT:N	
ACa07	9	####	rs9375934	C	T	.	PA:	RAPGEF1	exonic	NM_	.	syr	RAPGE	
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	NTNG2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	SETX	exonic	NM_	.	mis	SETX:N	
ACa07	9	####	rs4498679	G	A	.	PA:	DDX31	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	GTF3C5	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	RALGDS	exonic	NM_	.	mis	RALGD	
ACa07	9	####	.	A	G	.	PA:	GBGT1	exonic	NM_	.	mis	GBGT1	
ACa07	9	####	.	G	T	.	PA:	SURF4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs7823594	G	A	.	PA:	STKLD1	exonic	NM_	.	mis	STKLD	
ACa07	9	####	rs7806069	C	T	.	PA:	TMEM8C	exonic	NM_	.	mis	TMEM8	
ACa07	9	####	.	G	T	.	PA:	DBH	exonic	NM_	.	mis	DBH:NM	
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	COL5A1	exonic	NM_	.	mis	COL5A	
ACa07	9	####	rs6173790	C	T	.	PA:	COL5A1	exonic	NM_	.	syr	COL5A	
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	COL5A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs7478355	C	T	.	PA:	CAMSAP1	exonic	NM_	.	mis	CAMSA	
ACa07	9	####	.	C	A	.	PA:	GPSM1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs9942197	C	T	.	PA:	NOTCH1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	.	C	A	.	PA:	NOTCH1	exonic	NM_	.	mis	NOTCH	
ACa07	9	####	.	C	T	.	PA:	NOTCH1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	FAM69B	exonic	NM_	.	mis	FAM69	
ACa07	9	####	.	T	C	.	PA:	CCDC183	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs1399152	C	T	.	PA:	TRAF2	exonic	NM_	.	syr	TRAF2:	
ACa07	9	####	rs5651517	C	T	.	PA:	MAN1B1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs7788028	G	A	.	PA:	SLC34A3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	.	C	A	.	PA:	FAM166A	exonic	NM_	.	mis	FAM16	
ACa07	9	####	rs7776402	G	A	.	PA:	TOR4A	exonic	NM_	.	syr	TOR4A	
ACa07	9	####	rs1126228	C	T	.	PA:	PNPLA7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	.	G	A	.	PA:	EHMT1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	9	####	rs3707879	C	T	.	PA:	TUBBP5	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs7547454	C	T	.	PA:	GTPBP4	intronic	NM_	.	.	.	

ACa07	10	####	.	C	A	.	PA:	ADARB2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs5680149	C	T	.	PA:	PITRM1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	A	T	.	PA:	ANKRD16	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs2019140	G	A	.	PA:	SFMBT2	exonic	NM_	.	mis	SFMBT	
ACa07	10	####	rs7961144	G	A	.	PA:	ITIH5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs3708927	C	T	.	PA:	ITIH5	exonic	NM_	.	mis	ITIH5:N	
ACa07	10	####	.	C	A	.	PA:	TAF3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	TAF3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	10	####	.	C	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs1919845	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	10	####	rs7658069	G	A	.	PA:	CUBN	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	G	T	.	PA:	CUBN	exonic	NM_	.	mis	CUBN:N	
ACa07	10	####	.	C	T	.	PA:	PLXDC2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs9652901	T	C	.	PA:	DNAJC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	A	T	.	PA:	KIAA1217	exonic	NM_	.	mis	KIAA12	
ACa07	10	####	rs7647799	T	C	.	PA:	ARHGAP2	exonic	NM_	.	mis	ARHGA	
ACa07	10	####	rs1999030	A	G	.	PA:	ARHGAP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	A	G	.	PA:	MYO3A	exonic	NM_	.	mis	MYO3A	
ACa07	10	####	.	A	G	.	PA:	APBB1IP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs3678495	G	A	.	PA:	ANKRD26	exonic	NM_	.	mis	ANKRD	
ACa07	10	####	.	G	T	.	PA:	ANKRD26	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	LRRC37A	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs7766630	G	A	.	PA:	SVIL	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs5733337	C	T	.	PA:	LYZL2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	CCNY	exonic	NM_	.	mis	CCNY:N	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	HNRNPA3	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	10	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	10	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	BMS1P5	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	WDFY4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs9040575	G	A	.	PA:	WDFY4	exonic	NM_	.	mis	WDFY4	
ACa07	10	####	rs3745238	G	A	.	PA:	CHAT	exonic	NM_	.	syr	CHAT:N	
ACa07	10	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	10	####	rs7512474	G	A	.	PA:	PCDH15	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	10	####	rs1389134	G	A	.	PA:	FAM13C	exonic	NM_	.	mis	FAM13(	
ACa07	10	####	rs5737945	A	G	.	PA:	CCDC6	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	PBLD	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	A	G	.	PA:	SUPV3L1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs7548920	C	T	.	PA:	COL13A1	exonic	NM_	.	syr	COL13A	
ACa07	10	####	.	C	T	.	PA:	AIFM2	exonic	NM_	.	mis	AIFM2:I	
ACa07	10	####	rs3744653	G	A	.	PA:	PRF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs2017279	C	T	.	PA:	CDH23	exonic	NM_	.	mis	CDH23	
ACa07	10	####	.	C	A	.	PA:	P4HA1	exonic	NM_	.	mis	P4HA1:	
ACa07	10	####	.	C	A	.	PA:	FAM149B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs7759506	A	G	.	PA:	PPP3CB	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs7802380	A	G	.	PA:	AGAP5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs8789174	A	G	.	PA:	BMS1P4	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	C	T	.	PA:	BMS1P4	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	A	G	.	PA:	KCNMA1-	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	A	G	.	PA:	SFTPD	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs5681324	C	T	.	PA:	SH2D4B	exonic	NM_	.	mis	SH2D4I	

ACa07	10	####	.	C	T	.	PA:	CDHR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	C	T	.	PA:	LRIT1	exonic	NM_	.	syr	LRIT1:N	
ACa07	10	####	.	C	T	.	PA:	GRID1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs5296587	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs3696055	G	A	.	PA:	MYOF	exonic	NM_	.	sto	MYOF:N	
ACa07	10	####	rs7535868	G	A	.	PA:	CEP55	exonic	NM_	.	mis	CEP55:	
ACa07	10	####	.	G	T	.	PA:	CYP2C8	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs9047130	T	G	.	PA:	ENTPD1-A	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs7826084	C	T	.	PA:	BLNK	exonic;s	NM_	NM_	mis	BLNK:N	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	10	####	rs3769880	G	A	.	PA:	ZFYVE27	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs9945308	C	T	.	PA:	CRTAC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs5392081	G	A	.	PA:	HPSE2	exonic	NM_	.	mis	HPSE2:	
ACa07	10	####	rs3692674	C	T	.	PA:	CUTC	exonic	NM_	.	mis	CUTC:N	
ACa07	10	####	rs9441434	C	T	.	PA:	SEC31B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	PPRC1	exonic	NM_	.	mis	PPRC1	
ACa07	10	####	.	A	G	.	PA:	PSD	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	C	T	.	PA:	TRIM8	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	C	A	.	PA:	COL17A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	CFAP58	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	T	G	.	PA:	SORCS3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	C	T	.	PA:	GFRA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	C	T	.	PA:	PDZD8	exonic	NM_	.	mis	PDZD8:	
ACa07	10	####	.	T	A	.	PA:	TIAL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	A	G	.	PA:	BTBD16	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs7503782	G	A	.	PA:	FAM175B	exonic	NM_	.	syr	FAM175	
ACa07	10	####	.	C	T	.	PA:	DOCK1	exonic	NM_	.	unk	UNKNC	
ACa07	10	####	rs3765225	C	T	.	PA:	DOCK1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	C	T	.	PA:	FOXI2	exonic	NM_	.	mis	FOXI2:N	
ACa07	10	####	rs5455183	G	A	.	PA:	PPP2R2D	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	G	T	.	PA:	NKX6-2	exonic	NM_	.	syr	NKX6-2	
ACa07	10	####	.	C	T	.	PA:	CFAP46	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	rs5396027	C	T	.	PA:	CFAP46	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	G	T	.	PA:	PRAP1	exonic	NM_	.	mis	PRAP1:	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	PAOX	exonic	NM_	.	syr	PAOX:N	
ACa07	10	####	rs7793478	G	A	.	PA:	PAOX	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	G	A	.	PA:	PAOX	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	10	####	.	T	C	.	PA:	MTG1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	T	.	PA:	LINC0100	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs2003509	C	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	T	.	PA:	PSMD13	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs1008718	G	A	.	PA:	RNH1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs7793525	C	T	.	PA:	LRRC56	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs3741463	G	A	.	PA:	LMNTD2	exonic	NM_	.	mis	LMNTD	
ACa07	11	####	.	A	G	.	PA:	PHRF1	exonic	NM_	.	mis	PHRF1:	
ACa07	11	####	.	G	T	.	PA:	SLC25A22	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs8960121	G	A	.	PA:	AP2A2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs7582346	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	11	####	rs7514641	G	A	.	PA:	MUC5B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	T	C	.	PA:	MUC5B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	MUC5B	exonic	NM_	.	syr	MUC5B	
ACa07	11	####	.	C	T	.	PA:	MUC5B	exonic	NM_	.	mis	MUC5B	
ACa07	11	####	rs3689865	C	T	.	PA:	MUC5B	exonic	NM_	.	syr	MUC5B	

ACa07	11	####	.	A	G	.	PA:	TH	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs1019902	C	T	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs7724812	G	A	.	PA:	CD81	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	T	.	PA:	TRPM5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	TRPM5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs5592355	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	11	####	.	T	C	.	PA:	OR52B4	exonic	NM_	.	mis	OR52B4	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	11	####	rs8669468	C	T	.	PA:	TRIM6-TR	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	PRKCDBF	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	11	####	rs7289628	C	T	.	PA:	APBB1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	DCHS1	exonic	NM_	.	sto	DCHS1	
ACa07	11	####	.	C	T	.	PA:	DCHS1	exonic	NM_	.	mis	DCHS1	
ACa07	11	####	rs7595225	C	T	.	PA:	MICALCL	exonic	NM_	.	mis	MICALC	
ACa07	11	####	rs7811107	C	T	.	PA:	ARNTL	exonic	NM_	.	unk	UNKNC	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	SPON1	exonic	NM_	.	unk	UNKNC	
ACa07	11	####	rs7824579	C	T	.	PA:	RRAS2	exonic	NM_	.	mis	RRAS2	
ACa07	11	####	.	C	A	.	PA:	PDE3B	exonic	NM_	.	mis	PDE3B:	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	CYP2R1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	PLEKHA7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs7785451	G	A	.	PA:	PLEKHA7	exonic	NM_	.	mis	PLEKHA	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	OTOG	exonic	NM_	.	mis	OTOG:I	
ACa07	11	####	.	G	T	.	PA:	TPH1	exonic	NM_	.	syn	TPH1:N	
ACa07	11	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	11	####	.	G	T	.	PA:	SAA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	C	A	.	PA:	LDHA	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	A	C	.	PA:	SLC6A5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs1146385	G	A	.	PA:	NELL1	exonic	NM_	.	mis	NELL1:	
ACa07	11	####	.	A	G	.	PA:	GAS2	exonic	NM_	.	mis	GAS2:N	
ACa07	11	####	.	A	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	11	####	.	C	A	.	PA:	CD59	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	C	T	.	PA:	ABTB2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	C	T	.	PA:	HSD17B1	exonic	NM_	.	mis	HSD17I	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	ZNF408	exonic	NM_	.	mis	ZNF408	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	CKAP5	exonic	NM_	.	sto	CKAP5:	
ACa07	11	####	rs7731977	C	T	.	PA:	ARFGAP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	T	C	.	PA:	OR4A15	exonic	NM_	.	mis	OR4A15	
ACa07	11	####	rs7783566	T	C	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	T	G	.	PA:	SMTNL1	exonic	NM_	.	mis	SMTNL	
ACa07	11	####	rs7556226	G	A	.	PA:	OR1S1	exonic	NM_	.	mis	OR1S1:	
ACa07	11	####	rs3705153	C	T	.	PA:	OR10Q1	exonic	NM_	.	mis	OR10Q	
ACa07	11	####	rs7461600	C	T	.	PA:	PATL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs7613895	G	A	.	PA:	PPP1R32	exonic	NM_	.	mis	PPP1R3	
ACa07	11	####	.	C	A	.	PA:	PPP1R32	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	T	.	PA:	FADS1	exonic	NM_	.	syn	FADS1:	
ACa07	11	####	rs7506613	G	A	.	PA:	AHNAK	exonic	NM_	.	syn	AHNAK	
ACa07	11	####	rs3688014	C	T	.	PA:	MTA2	exonic	NM_	.	mis	MTA2:N	
ACa07	11	####	rs3734262	C	T	.	PA:	INTS5	exonic	NM_	.	mis	INTS5:N	
ACa07	11	####	.	T	G	.	PA:	NXF1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	11	####	rs7551956	C	T	.	PA:	NAA40	exonic	NM_	.	mis	NAA40:	
ACa07	11	####	rs320149	G	A	.	PA:	OTUB1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	T	A	.	PA:	BAD	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs7694797	C	T	.	PA:	PYGM	exonic	NM_	.	mis	PYGM:I	
ACa07	11	####	rs7599871	G	A	.	PA:	SYVN1	exonic	NM_	.	syn	SYVN1:	

ACa07	11	####	rs2009796	C	T	.	PA:	SPDYC	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	POLA2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	KCNK7	exonic	NM_	.	mis	KCNK7	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	MAP3K11	exonic	NM_	.	syr	MAP3K	
ACa07	11	####	rs3731576	G	A	.	PA:	PCNXL3	exonic	NM_	.	mis	PCNXL	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	SIPA1	exonic	NM_	.	mis	SIPA1:N	
ACa07	11	####	.	T	G	.	PA:	SIPA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	RNASEH2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	C	T	.	PA:	GAL3ST3	exonic	NM_	.	syr	GAL3S	
ACa07	11	####	.	C	T	.	PA:	KLC2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	C	T	.	PA:	CD248	exonic	NM_	.	mis	CD248:	
ACa07	11	####	.	T	C	.	PA:	BRMS1	exonic	NM_	.	mis	BRMS1	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	PPP1CA	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs8917540	C	T	.	PA:	NDUFV1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs1432324	C	T	.	PA:	TCIRG1	exonic	NM_	.	syr	TCIRG1	
ACa07	11	####	rs7621382	C	T	.	PA:	TPCN2	exonic	NM_	.	mis	TPCN2	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	TPCN2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	A	G	.	PA:	PPFIA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs7726393	C	T	.	PA:	DHCR7	exonic	NM_	.	mis	DHCR7	
ACa07	11	####	rs1917587	G	A	.	PA:	LRTOMT	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	11	####	.	G	C	.	PA:	FOLR2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	C	A	.	PA:	CLPB	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	A	G	.	PA:	CLPB	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	C	A	.	PA:	ARAP1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	11	####	.	T	C	.	PA:	FCHSD2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	PPME1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	11	####	.	C	T	.	PA:	NEU3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs7806415	G	A	.	PA:	SLCO2B1	exonic	NM_	.	mis	SLCO2	
ACa07	11	####	rs7805688	G	A	.	PA:	MAP6	exonic	NM_	.	mis	MAP6:N	
ACa07	11	####	rs7453149	C	T	.	PA:	UVRAG	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	USP35	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs3722049	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	DLG2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	GRM5	exonic	NM_	.	mis	GRM5:I	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	FOLH1B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs7912478	G	A	.	PA:	CCDC67	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs1913813	G	A	.	PA:	DYNC2H1	exonic	NM_	.	mis	DYNC2	
ACa07	11	####	rs7548668	G	A	.	PA:	GUCY1A2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs7639430	C	T	.	PA:	ELMOD1	exonic	NM_	.	mis	ELMOD	
ACa07	11	####	.	A	G	.	PA:	CUL5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	T	C	.	PA:	ACAT1	exonic	NM_	.	syr	ACAT1:	
ACa07	11	####	.	A	G	.	PA:	ATM	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs5746434	C	T	.	PA:	C11orf53	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	11	####	rs1042921	G	A	.	PA:	COLCA1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs9738553	C	T	.	PA:	SIK2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	rs7711773	G	A	.	PA:	ZW10	exonic	NM_	.	syr	ZW10:N	
ACa07	11	####	rs7553780	T	G	.	PA:	CADM1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	C	T	.	PA:	SIK3	exonic	NM_	.	syr	SIK3:NI	
ACa07	11	####	rs3706451	C	A	.	PA:	TMPRSS1	exonic	NM_	.	syr	TMPRS	
ACa07	11	####	.	C	T	.	PA:	SCN2B	exonic	NM_	.	mis	SCN2B	
ACa07	11	####	.	G	T	.	PA:	MPZL3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	C	A	.	PA:	ARCN1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	DDX6	exonic	NM_	.	syr	DDX6:N	
ACa07	11	####	rs5761141	T	C	.	PA:	ARHGEF1	exonic	NM_	.	syr	ARHGE	

ACa07	11	####	.	C	A	.	PA:	ARHGEF1	exonic	NM_	.	mis	ARHGE
ACa07	11	####	rs1424863	C	T	.	PA:	TECTA	exonic	NM_	.	mis	TECTA
ACa07	11	####	rs1464053	C	T	.	PA:	OR10G7	exonic	NM_	.	mis	OR10G
ACa07	11	####	rs1866274	C	T	.	PA:	OR8G2	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	11	####	.	C	A	.	PA:	ROBO4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	11	####	.	C	T	.	PA:	PKNOX2	exonic	NM_	.	mis	PKNOX
ACa07	11	####	rs1036245	G	A	.	PA:	FOXRED1	exonic	NM_	.	mis	FOXRE
ACa07	11	####	rs1499597	C	T	.	PA:	TP53AIP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	11	####	rs1160026	G	T	.	PA:	PRDM10	exonic	NM_	.	syr	PRDM1
ACa07	11	####	rs7501981	G	A	.	PA:	ADAMTS1	exonic	NM_	.	mis	ADAMT
ACa07	11	####	.	G	T	.	PA:	OPCML	exonic	NM_	.	mis	OPCML
ACa07	11	####	rs9612999	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	11	####	.	G	A	.	PA:	GLB1L3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	rs1492134	C	T	.	PA:	CCDC77	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	rs7477402	G	A	.	PA:	B4GALNT	exonic	NM_	.	mis	B4GALI
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	WNK1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	CACNA1C	exonic	NM_	.	syr	CACNA
ACa07	12	####	rs2020589	C	T	.	PA:	CACNA1C	exonic	NM_	.	syr	CACNA
ACa07	12	####	rs1044570	G	A	.	PA:	CACNA1C	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	CRACR2A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	A	.	PA:	CCND2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	RAD51AP	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	12	####	.	A	G	.	PA:	KCNA6	exonic	NM_	.	mis	KCNA6
ACa07	12	####	.	G	A	.	PA:	TNFRSF1	exonic	NM_	.	mis	TNFRS
ACa07	12	####	rs7522876	C	T	.	PA:	ZNF384	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	CD4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	A	.	PA:	CLSTN3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	T	C	.	PA:	CD163	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07	12	####	.	T	A	.	PA:	CLEC6A	exonic	NM_	.	mis	CLEC6A
ACa07	12	####	.	G	A	.	PA:	MFAP5	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	12	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	12	####	rs7607645	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	12	####	.	C	A	.	PA:	CLEC12A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	G	A	.	PA:	PRH1-PRI	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	A	.	PA:	ETV6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	rs7520863	C	T	.	PA:	LOH12CR	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	12	####	.	T	C	.	PA:	LOH12CR	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	12	####	rs7558438	C	T	.	PA:	RPL13AP2	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	PIK3C2G	exonic	NM_	.	mis	PIK3C2
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	PIK3C2G	exonic	NM_	.	sto	PIK3C2
ACa07	12	####	rs9411424	A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	12	####	.	A	G	.	PA:	SLCO1B1	exonic	NM_	.	mis	SLCO1
ACa07	12	####	.	A	G	.	PA:	PPFIBP1	exonic	NM_	.	syr	PPFIBP
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	ERGIC2	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	12	####	rs3715564	C	T	.	PA:	TSPAN11	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	TSPAN11	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	12	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	MUC19	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	MUC19	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	A	T	.	PA:	PUS7L	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	A	C	.	PA:	C12orf54	exonic	NM_	.	mis	C12orf5
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	ADCY6	intronic	NM_	.	.	.

ACa07	12	####	.	T	C	.	PA:	TROAP	exonic	NM_	.	mis	TROAP
ACa07	12	####	rs5557374	G	A	.	PA:	PRPF40B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	rs7778437	G	A	.	PA:	PRPF40B	exonic	NM_	.	mis	PRPF4(
ACa07	12	####	.	A	G	.	PA:	NCKAP5L	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	rs7903986	G	A	.	PA:	ASIC1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	G	A	.	PA:	LARP4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	T	C	.	PA:	TFCP2	exonic	NM_	.	mis	TFCP2:
ACa07	12	####	.	A	G	.	PA:	C12orf80	exonic	NM_	.	mis	C12orf8
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	KRT71	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	12	####	rs3777629	C	T	.	PA:	KRT73	exonic	NM_	.	syr	KRT73:
ACa07	12	####	rs5301800	G	A	.	PA:	KRT2	exonic	NM_	.	mis	KRT2:N
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	KRT4	exonic	NM_	.	syr	KRT4:N
ACa07	12	####	.	G	A	.	PA:	SPRYD3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	ITGB7	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	rs9039120	G	A	.	PA:	MAP3K12	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	HOXC4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	rs3688610	C	T	.	PA:	ANKRD52	exonic	NM_	.	mis	ANKRD
ACa07	12	####	rs7688629	C	T	.	PA:	MYO1A	exonic	NM_	.	mis	MYO1A
ACa07	12	####	rs1929543	T	A	.	PA:	TMEM194	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	rs9453696	G	C	.	PA:	LRP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	G	A	.	PA:	LRP1	exonic	NM_	.	mis	LRP1:N
ACa07	12	####	rs3702872	G	A	.	PA:	LRP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	T	C	.	PA:	LRP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	rs5363943	G	A	.	PA:	SHMT2	exonic	NM_	.	mis	SHMT2
ACa07	12	####	.	T	G	.	PA:	DPY19L2	exonic	NM_	.	mis	DPY19L
ACa07	12	####	rs1809265	C	T	.	PA:	XPOT	exonic	NM_	.	syr	XPOT:N
ACa07	12	####	.	A	G	.	PA:	XPOT	exonic	NM_	.	mis	XPOT:N
ACa07	12	####	.	A	G	.	PA:	YEATS4	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa07	12	####	.	G	A	.	PA:	CCT2	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	12	####	rs5319845	C	T	.	PA:	BEST3	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	12	####	.	A	C	.	PA:	TMEM19	exonic	NM_	.	mis	TMEM1
ACa07	12	####	rs3675929	C	T	.	PA:	OSBPL8	exonic	NM_	.	mis	OSBPL
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	CSRP2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	A	.	PA:	NAV3	exonic	NM_	.	mis	NAV3:N
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	NAV3	exonic	NM_	.	mis	NAV3:N
ACa07	12	####	rs7672581	C	T	.	PA:	OTOGL	exonic	NM_	.	syr	OTOGL
ACa07	12	####	rs9382701	A	G	.	PA:	OTOGL	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	METTL25	exonic	NM_	.	mis	METTL
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	12	####	.	G	A	.	PA:	USP44	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	rs5750458	G	A	.	PA:	CDK17	exonic	NM_	.	mis	CDK17:
ACa07	12	####	rs1491955	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	12	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	12	####	rs7594794	C	T	.	PA:	NR1H4	exonic	NM_	.	mis	NR1H4:
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	ANO4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	A	G	.	PA:	ARL1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	MYBPC1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	STAB2	exonic	NM_	.	mis	STAB2:
ACa07	12	####	.	G	A	.	PA:	TDG	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	WSCD2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	SART3	exonic	NM_	.	mis	SART3:
ACa07	12	####	.	T	C	.	PA:	ALKBH2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	MYO1H	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.

ACa07	12	####	.	C	A	.	PA:	BRAP	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	12	####	rs3699442	G	A	.	PA:	HECTD4	exonic	NM_	.	syr	HECTD	
ACa07	12	####	rs7648934	C	T	.	PA:	MED13L	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	T	G	.	PA:	NOS1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	A	G	.	PA:	TAOK3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	TMEM233	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	12	####	rs9094398	C	T	.	PA:	MLEC	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	12	####	rs7629138	C	T	.	PA:	SPPL3	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	12	####	.	A	T	.	PA:	OASL	exonic	NM_	.	mis	OASL:N	
ACa07	12	####	rs1000013	G	A	.	PA:	P2RX4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	KDM2B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	CLIP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	G	A	.	PA:	KNTC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	rs5485859	G	A	.	PA:	HIP1R	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	C	A	.	PA:	SBNO1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	G	A	.	PA:	SBNO1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	T	C	.	PA:	SETD8	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	rs3682772	C	T	.	PA:	DNAH10	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	T	C	.	PA:	DNAH10	exonic	NM_	.	syr	DNAH1	
ACa07	12	####	rs1861196	G	A	.	PA:	DNAH10	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	T	G	.	PA:	TMEM132	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	12	####	rs7758291	C	T	.	PA:	TMEM132	exonic	NM_	.	syr	TMEM1	
ACa07	12	####	rs8685914	G	A	.	PA:	GLT1D1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	G	T	.	PA:	EP400	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	T	C	.	PA:	DDX51	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	GALNT9	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	12	####	.	C	T	.	PA:	CHFR	exonic	NM_	.	mis	CHFR:N	
ACa07	13	####	.	C	T	.	PA:	PSPC1	exonic	NM_	.	syr	PSPC1:	
ACa07	13	####	.	G	T	.	PA:	ZMYM2	exonic	NM_	.	mis	ZMYM2	
ACa07	13	####	rs7650516	G	A	.	PA:	ZDHHC20	exonic	NM_	.	mis	ZDHHC	
ACa07	13	####	.	G	A	.	PA:	SGCG	exonic	NM_	.	syr	SGCG:I	
ACa07	13	####	rs7609687	G	A	.	PA:	WASF3	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	13	####	.	T	C	.	PA:	POMP	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	13	####	.	G	T	.	PA:	FRY	exonic	NM_	.	mis	FRY:NM	
ACa07	13	####	.	T	G	.	PA:	RFC3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	13	####	.	C	T	.	PA:	MIR548F5	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	13	####	.	C	T	.	PA:	CCDC169	exonic	NM_	.	mis	CCDC1	
ACa07	13	####	.	T	C	.	PA:	SMAD9	exonic	NM_	.	mis	SMAD9	
ACa07	13	####	rs1133145	C	T	.	PA:	MTRF1	exonic	NM_	.	mis	MTRF1	
ACa07	13	####	rs9269682	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	13	####	.	G	A	.	PA:	ERICH6B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	13	####	rs5302300	C	T	.	PA:	ERICH6B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	13	####	rs7755432	C	T	.	PA:	ESD	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	13	####	rs5354767	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	13	####	.	A	C	.	PA:	DACH1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	13	####	.	G	A	.	PA:	TBC1D4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	13	####	rs5371791	C	T	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.	
ACa07	13	####	.	C	T	.	PA:	DZIP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	13	####	rs1492005	G	A	.	PA:	MBNL2	exonic	NM_	.	mis	MBNL2	
ACa07	13	####	rs3733851	G	A	.	PA:	TM9SF2	exonic	NM_	.	syr	TM9SF:	
ACa07	13	####	rs3731740	C	T	.	PA:	PCCA	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	13	####	.	T	C	.	PA:	ABHD13	exonic	NM_	.	mis	ABHD1	
ACa07	13	####	rs7567578	G	A	.	PA:	MYO16	exonic	NM_	.	mis	MYO16	

ACa07	13	####	rs1488011	G	A	.	PA:	COL4A1	exonic	NM_	.	mis	COL4A:
ACa07	13	####	rs7563035	G	A	.	PA:	CARS2	exonic	NM_	.	syr	CARS2
ACa07	13	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa07	13	####	rs1000744	C	T	.	PA:	ANKRD10	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	13	####	rs7522048	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	13	####	rs7502995	G	A	.	PA:	MCF2L	exonic	NM_	.	mis	MCF2L:
ACa07	13	####	rs7709821	C	T	.	PA:	GAS6	exonic	NM_	.	mis	GAS6:N
ACa07	14	####	rs8791117	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	14	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	14	####	rs7445485	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	14	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	14	####	rs1453568	C	A	.	PA:	TEP1	exonic	NM_	.	mis	TEP1:N
ACa07	14	####	rs5497679	C	T	.	PA:	KLHL33	exonic	NM_	.	mis	KLHL33
ACa07	14	####	.	C	T	.	PA:	SUPT16H	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	14	####	rs3745810	G	A	.	PA:	SLC7A7	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	rs7576169	G	A	.	PA:	HAUS4	exonic	NM_	.	syr	HAUS4
ACa07	14	####	.	A	G	.	PA:	LOC10272	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	14	####	rs7777607	G	A	.	PA:	LOC10192	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	14	####	rs9241538	C	T	.	PA:	LOC10192	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	14	####	.	T	A	.	PA:	RALGAPA	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	14	####	.	C	A	.	PA:	RALGAPA	exonic	NM_	.	mis	RALGA
ACa07	14	####	.	C	A	.	PA:	PTCSC3	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	14	####	rs5673369	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	14	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	14	####	rs8659367	G	A	.	PA:	LRFN5	exonic	NM_	.	mis	LRFN5:
ACa07	14	####	.	T	C	.	PA:	FANCM	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07	14	####	.	G	T	.	PA:	C14orf182	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	.	G	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	rs7462395	G	A	.	PA:	PTGER2	exonic	NM_	.	syr	PTGER
ACa07	14	####	.	A	T	.	PA:	ACTR10	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	.	T	C	.	PA:	DAAM1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	.	G	T	.	PA:	DAAM1	exonic	NM_	.	mis	DAAM1
ACa07	14	####	.	T	C	.	PA:	L3HYPDH	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	rs1401803	C	T	.	PA:	DHRS7	exonic	NM_	.	syr	DHRS7
ACa07	14	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	14	####	rs5401543	C	T	.	PA:	MTHFD1	exonic	NM_	.	mis	MTHFD
ACa07	14	####	rs1404421	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	14	####	.	A	G	.	PA:	GPHN	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	.	C	T	.	PA:	ACTN1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	.	C	T	.	PA:	ELMSAN1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	rs7545827	C	T	.	PA:	ZNF410	exonic	NM_	.	mis	ZNF41(
ACa07	14	####	rs3764591	C	T	.	PA:	ZNF410	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	.	A	G	.	PA:	LTBP2	exonic	NM_	.	mis	LTBP2:
ACa07	14	####	.	C	T	.	PA:	YLPM1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	.	G	T	.	PA:	PROX2	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	14	####	rs1413435	G	A	.	PA:	RPS6KL1	exonic	NM_	.	syr	RPS6K
ACa07	14	####	.	C	A	.	PA:	TDP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	.	G	T	.	PA:	NRDE2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	rs7511076	G	A	.	PA:	TTC7B	exonic	NM_	.	sto	TTC7B:
ACa07	14	####	rs7632995	G	A	.	PA:	GPR68	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	14	####	.	G	A	.	PA:	CCDC88C	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	14	####	.	G	A	.	PA:	LINC0052	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	14	####	.	C	T	.	PA:	IFI27	intronic	NM_	.	.	.

ACa07	14	####	.	G	A	.	PA:	DICER1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	14	####	.	A	G	.	PA:	BCL11B	exonic	NM_	.	mis	BCL11E	
ACa07	14	####	.	G	T	.	PA:	BCL11B	exonic	NM_	.	mis	BCL11E	
ACa07	14	####	.	C	T	.	PA:	DLK1	exonic	NM_	.	syr	DLK1:N	
ACa07	14	####	.	T	C	.	PA:	MIR411	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	14	####	.	G	A	.	PA:	MIR381H(	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	14	####	rs7571156	G	A	.	PA:	MOK	exonic	NM_	.	syr	MOK:NI	
ACa07	14	####	rs9721368	C	T	.	PA:	CDC42BP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	14	####	rs1043142	C	T	.	PA:	TRMT61A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	14	####	.	C	T	.	PA:	KIF26A	exonic	NM_	.	mis	KIF26A	
ACa07	14	####	.	G	T	.	PA:	TMEM179	exonic	NM_	.	mis	TMEM1	
ACa07	14	####	.	C	T	.	PA:	SIVA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	14	####	rs7564163	C	T	.	PA:	AKT1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	14	####	.	G	T	.	PA:	CEP170B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	14	####	rs7689001	G	A	.	PA:	JAG2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	14	####	.	C	A	.	PA:	BRF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	14	####	rs7822187	G	A	.	PA:	PACS2	exonic	NM_	.	mis	PACS2	
ACa07	14	####	rs7820214	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	14	####	.	G	A	.	PA:	ADAM6	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	14	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	15	####	rs2005484	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	15	####	.	C	T	.	PA:	POTEB,P(	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	15	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	15	####	.	A	G	.	PA:	LOC10192	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	15	####	.	C	T	.	PA:	CYFIP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	LOC28368	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	.	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	15	####	.	C	T	.	PA:	.	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	15	####	rs7605191	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	15	####	rs9195421	G	A	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.	
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.	
ACa07	15	####	rs7485099	T	C	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACa07	15	####	.	A	G	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.	
ACa07	15	####	rs9209119	G	A	.	PA:	ATP10A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	15	####	rs3718584	C	T	.	PA:	HERC2	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa07	15	####	.	A	G	.	PA:	HERC2	exonic	NM_	.	mis	HERC2	
ACa07	15	####	rs2021672	C	T	.	PA:	GOLGA8N	exonic	NM_	.	syr	GOLGA	
ACa07	15	####	.	G	T	.	PA:	FAM189A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	GOLGA8J	exonic	NM_	.	mis	GOLGA	
ACa07	15	####	.	C	T	.	PA:	CHRFAM7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	15	####	rs1995696	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	15	####	.	T	C	.	PA:	ULK4P1,U	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	15	####	.	C	T	.	PA:	OTUD7A	exonic	NM_	.	syr	OTUD7	
ACa07	15	####	rs1127716	A	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	15	####	.	C	T	.	PA:	RYR3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	PAK6	exonic	NM_	.	mis	PAK6:N	
ACa07	15	####	.	G	T	.	PA:	PLCB2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	15	####	rs3704110	C	T	.	PA:	SPTBN5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	SPTBN5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	15	####	rs5310947	G	A	.	PA:	TTBK2	exonic	NM_	.	syr	TTBK2:	
ACa07	15	####	rs7551745	C	T	.	PA:	TUBGCP4	exonic	NM_	.	sto	TUBGC	
ACa07	15	####	rs5360360	C	T	.	PA:	CKMT1B	exonic	NM_	.	sto	CKMT1	
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	STRC	intronic	NM_	.	.	.	

ACa07	15	####	rs5322560	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	SORD	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	G	T	.	PA:	DUOX1	exonic	NM_	.	mis	DUOX1
ACa07	15	####	.	A	G	.	PA:	SEMA6D	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	rs7737859	G	A	.	PA:	FBN1	exonic	NM_	.	mis	FBN1:N
ACa07	15	####	rs1409544	C	T	.	PA:	FBN1	exonic	NM_	.	mis	FBN1:N
ACa07	15	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	15	####	.	A	G	.	PA:	FAM227B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	G	T	.	PA:	ATP8B4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	A	G	.	PA:	USP50	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07	15	####	rs3686733	G	A	.	PA:	MYO5C	exonic	NM_	.	syr	MYO5C
ACa07	15	####	.	G	T	.	PA:	MYO5A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	T	C	.	PA:	AQP9	exonic	NM_	.	mis	AQP9:N
ACa07	15	####	rs7793599	G	A	.	PA:	TLN2	exonic	NM_	.	mis	TLN2:N
ACa07	15	####	rs7518805	C	T	.	PA:	MTFMT	exonic	NM_	.	mis	MTFMT
ACa07	15	####	.	C	G	.	PA:	IGDCC4	exonic	NM_	.	mis	IGDCC4
ACa07	15	####	rs5369412	C	T	.	PA:	IGDCC4	exonic	NM_	.	syr	IGDCC4
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	MEGF11	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	15	####	.	T	C	.	PA:	IQCH	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	rs7568129	C	T	.	PA:	CLN6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	C	T	.	PA:	ITGA11	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	rs5460720	C	T	.	PA:	THSD4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	C	A	.	PA:	THSD4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	CELF6	exonic	NM_	.	mis	CELF6:
ACa07	15	####	rs1043159	C	A	.	PA:	BBS4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	CYP11A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	C	T	.	PA:	GOLGA6C	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	C	T	.	PA:	GOLGA6C	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	rs9744245	G	A	.	PA:	SCAPER	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	rs1047518	C	T	.	PA:	SCAPER	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	rs8789048	A	G	.	PA:	LOC64575	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	15	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	15	####	.	C	T	.	PA:	ADAMTS7	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	rs1471333	C	T	.	PA:	KIAA1024	exonic	NM_	.	syr	KIAA10
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	FAH	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	rs5292517	G	A	.	PA:	CEMIP	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	T	C	.	PA:	C15orf26	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	rs9410184	C	T	.	PA:	ADAMTSL	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	rs7920451	A	G	.	PA:	GOLGA6L	exonic	NM_	.	mis	GOLGA
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	AKAP13	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	rs3718116	C	T	.	PA:	KLHL25	exonic	NM_	.	mis	KLHL25
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	POLG	exonic	NM_	.	mis	POLG:N
ACa07	15	####	.	A	T	.	PA:	RHCG	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	rs2012804	G	A	.	PA:	KIF7	exonic	NM_	.	syr	KIF7:NM
ACa07	15	####	.	C	T	.	PA:	KIF7	exonic	NM_	.	syr	KIF7:NM
ACa07	15	####	rs1475111	C	T	.	PA:	ZNF710	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa07	15	####	rs5584446	T	C	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	T	C	.	PA:	ADAMTS1	exonic	NM_	.	syr	ADAMT
ACa07	15	####	.	C	T	.	PA:	PRKXP1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	15	####	.	G	T	.	PA:	LRRK1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	rs7764234	G	A	.	PA:	PCSK6	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa07	15	####	.	C	A	.	PA:	TARSL2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	15	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.

ACa07	15	####	rs3682087	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	15	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	15	####	.	A	G	.	PA:	DDX11L9	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs7613665	G	A	.	PA:	NPRL3	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	16	####	.	G	T	.	PA:	ITFG3	exonic	NM_	.	mis	ITFG3:N	
ACa07	16	####	.	G	A	.	PA:	RGS11	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs8927038	G	C	.	PA:	RAB11FIF	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs1998911	C	T	.	PA:	WFIKKN1	exonic	NM_	.	mis	WFIKKI	
ACa07	16	####	rs2010028	C	T	.	PA:	RHOT2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs7767345	G	A	.	PA:	JMJD8	exonic	NM_	.	mis	JMJD8:	
ACa07	16	####	rs1466306	C	T	.	PA:	FBXL16	exonic	NM_	.	mis	FBXL16	
ACa07	16	####	rs3681933	C	T	.	PA:	NARFL	exonic	NM_	.	syr	NARFL:	
ACa07	16	####	.	G	T	.	PA:	CHTF18	exonic	NM_	.	syr	CHTF18	
ACa07	16	####	.	C	A	.	PA:	LMF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs1506415	C	T	.	PA:	SSTR5	exonic	NM_	.	syr	SSTR5:	
ACa07	16	####	rs9971019	G	A	.	PA:	UBE2I	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	A	T	.	PA:	BAIAP3	exonic	NM_	.	mis	BAIAP3	
ACa07	16	####	rs3710800	C	T	.	PA:	BAIAP3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	G	A	.	PA:	BAIAP3	exonic	NM_	.	mis	BAIAP3	
ACa07	16	####	rs7592188	C	T	.	PA:	BAIAP3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	G	A	.	PA:	BAIAP3	exonic	NM_	.	mis	BAIAP3	
ACa07	16	####	rs5365360	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	16	####	rs7601714	C	T	.	PA:	CLCN7	exonic	NM_	.	mis	CLCN7:	
ACa07	16	####	.	C	T	.	PA:	HN1L	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs1450874	C	T	.	PA:	HN1L	exonic	NM_	.	mis	HN1L:N	
ACa07	16	####	.	T	A	.	PA:	MAPK8IP3	exonic	NM_	.	syr	MAPK8	
ACa07	16	####	rs3749279	G	A	.	PA:	RPL3L	exonic	NM_	.	syr	RPL3L:	
ACa07	16	####	.	C	A	.	PA:	GFER	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs7634894	G	A	.	PA:	ZNF598	exonic	NM_	.	mis	ZNF598	
ACa07	16	####	.	G	A	.	PA:	TRAF7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	T	C	.	PA:	NTN3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	G	A	.	PA:	CCDC64B	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	16	####	rs1416929	C	T	.	PA:	ZSCAN32	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	A	G	.	PA:	ZNF597	exonic	NM_	.	syr	ZNF597	
ACa07	16	####	rs7525617	C	T	.	PA:	CLUAP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs5345285	G	A	.	PA:	SLX4	exonic	NM_	.	mis	SLX4:N	
ACa07	16	####	.	C	A	.	PA:	CREBBP	exonic	NM_	.	mis	CREBB	
ACa07	16	####	rs5502446	T	A	.	PA:	CREBBP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs1894802	G	A	.	PA:	CREBBP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs3711593	C	T	.	PA:	ADCY9	exonic	NM_	.	syr	ADCY9	
ACa07	16	####	rs2013575	C	T	.	PA:	VASN	exonic	NM_	.	mis	VASN:N	
ACa07	16	####	.	G	T	.	PA:	PPL	exonic	NM_	.	mis	PPL:NM	
ACa07	16	####	rs5632991	G	A	.	PA:	CIITA	exonic	NM_	.	mis	CIITA:N	
ACa07	16	####	rs7679436	T	C	.	PA:	CIITA	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs9184234	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	16	####	rs7800288	A	G	.	PA:	BFAR	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs5668064	G	A	.	PA:	PDXDC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs7507758	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	16	####	.	C	T	.	PA:	KIAA0430	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	16	####	.	C	T	.	PA:	NDE1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	G	A	.	PA:	ABCC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	16	####	rs1784261	A	T	.	PA:	SMG1	exonic	NM_	.	mis	SMG1:N	
ACa07	16	####	rs7575963	G	A	.	PA:	SYT17	exonic	NM_	.	mis	SYT17:	

ACa07	16	####	rs7647908	G	A	.	PA:	UMOD	exonic	NM_	.	syr	UMOD:
ACa07	16	####	.	C	A	.	PA:	ZP2	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	16	####	rs1829590	C	T	.	PA:	EEF2K	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	16	####	.	G	A	.	PA:	GGA2	exonic	NM_	.	mis	GGA2:N
ACa07	16	####	.	C	T	.	PA:	ERN2	exonic	NM_	.	mis	ERN2:N
ACa07	16	####	rs9722593	C	T	.	PA:	LCMT1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	16	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	16	####	.	G	A	.	PA:	GTF3C1	exonic	NM_	.	mis	GTF3C
ACa07	16	####	.	C	T	.	PA:	KIAA0556	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	16	####	rs1412530	G	A	.	PA:	KIAA0556	exonic	NM_	.	mis	KIAA05
ACa07	16	####	rs1909424	A	T	.	PA:	XPO6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	16	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs7491998	C	T	.	PA:	ATXN2L	exonic	NM_	.	mis	ATXN2I
ACa07	16	####	.	T	C	.	PA:	TUFM	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	16	####	rs1820846	G	A	.	PA:	ATP2A1	exonic	NM_	.	mis	ATP2A1
ACa07	16	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	16	####	.	G	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa07	16	####	rs7813295	C	T	.	PA:	KCTD13	exonic	NM_	.	mis	KCTD1
ACa07	16	####	rs9659529	G	A	.	PA:	BCKDK	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	16	####	.	T	C	.	PA:	PRSS36	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	16	####	.	G	T	.	PA:	ITGAX	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	16	####	.	C	A	.	PA:	ZNF267	exonic	NM_	.	syr	ZNF267
ACa07	16	####	rs7477221	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs460256	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	16	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	16	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs3744640	G	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	16	####	.	C	A	.	PA:	RNU6-76F	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	16	####	.	A	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	16	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs1333894	A	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs2885478	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs4249087	T	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs5591122	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs4246405	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs4292070	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs8799648	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs8799977	A	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs4291933	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs4375682	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs7200104	T	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs7188643	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs9328642	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs7205231	T	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs4445923	A	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs2887500	T	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs2888543	G	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs7664258	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs4249076	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACa07	16	####	rs3683497	G	A	.	PA:	MYLK3	exonic	NM_	.	syr	MYLK3
ACa07	16	####	.	C	A	.	PA:	PHKB	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	16	####	.	C	A	.	PA:	MT1E	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	16	####	.	G	T	.	PA:	NUP93	exonic	NM_	.	mis	NUP93

ACa07	16	####	.	A	C	.	PA:	NUP93	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	G	A	.	PA:	CETP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs1471990	C	T	.	PA:	CPNE2	exonic	NM_	.	syr	CPNE2	
ACa07	16	####	.	T	C	.	PA:	DRC7	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	G	T	.	PA:	TEPP	exonic	NM_	.	mis	TEPP:N	
ACa07	16	####	.	A	G	.	PA:	CCDC113	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs1499903	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	16	####	.	C	T	.	PA:	EXOC3L1	exonic	NM_	.	mis	EXOC3	
ACa07	16	####	rs1054074	A	G	.	PA:	EXOC3L1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs7715372	C	T	.	PA:	ELMO3	exonic	NM_	.	syr	ELMO3	
ACa07	16	####	rs5618721	G	A	.	PA:	SLC9A5	exonic	NM_	.	mis	SLC9A5	
ACa07	16	####	.	G	T	.	PA:	KCTD19	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs7545456	C	T	.	PA:	LRRC36	exonic	NM_	.	mis	LRRC3(	
ACa07	16	####	rs3696380	G	A	.	PA:	ZDHHC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	C	A	.	PA:	CTCF	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs7584347	C	T	.	PA:	CTRL	exonic	NM_	.	mis	CTRL:N	
ACa07	16	####	.	C	A	.	PA:	SLC12A4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	G	A	.	PA:	DDX28	exonic	NM_	.	syr	DDX28:	
ACa07	16	####	.	C	T	.	PA:	TERF2	exonic	NM_	.	mis	TERF2:	
ACa07	16	####	rs8670174	A	G	.	PA:	LOC1005(	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs9278778	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	16	####	rs1485518	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	16	####	rs3776990	G	A	.	PA:	PKD1L3	exonic	NM_	.	unk	UNKNC	
ACa07	16	####	rs7502787	G	T	.	PA:	CLEC18B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	C	T	.	PA:	MLKL	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	C	T	.	PA:	BCAR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs1469198	A	G	.	PA:	LOC1024(	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs7733922	G	A	.	PA:	PKD1L2	exonic	NM_	.	unk	UNKNC	
ACa07	16	####	.	T	C	.	PA:	PLCG2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs7483034	C	T	.	PA:	MLYCD	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	16	####	rs1407517	G	A	.	PA:	DNAAF1	exonic	NM_	.	mis	DNAAF	
ACa07	16	####	rs7647118	G	A	.	PA:	TAF1C	exonic	NM_	.	mis	TAF1C:	
ACa07	16	####	rs9336865	C	T	.	PA:	GSE1	exonic	NM_	.	mis	GSE1:N	
ACa07	16	####	.	T	A	.	PA:	FOXC2	exonic	NM_	.	mis	FOXC2	
ACa07	16	####	rs3681305	C	T	.	PA:	FBXO31	exonic	NM_	.	syr	FBXO3	
ACa07	16	####	rs9665470	T	C	.	PA:	JPH3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs5606502	G	A	.	PA:	ZNF469	exonic	NM_	.	mis	ZNF469	
ACa07	16	####	rs9646181	C	T	.	PA:	MVD	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	.	C	T	.	PA:	CBFA2T3	exonic	NM_	.	mis	CBFA2T	
ACa07	16	####	.	C	A	.	PA:	CDK10	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	16	####	rs2017315	G	A	.	PA:	ZNF276	exonic	NM_	.	syr	ZNF276	
ACa07	16	####	rs7530482	G	A	.	PA:	ZNF276	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	17	####	rs7627705	T	C	.	PA:	MYO1C	exonic	NM_	.	mis	MYO1C	
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	PRPF8	exonic	NM_	.	mis	PRPF8:	
ACa07	17	####	.	A	G	.	PA:	TLCD2	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	17	####	.	T	C	.	PA:	HIC1	exonic	NM_	.	syr	HIC1:NI	
ACa07	17	####	.	C	A	.	PA:	SMG6	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	SMG6	exonic	NM_	.	mis	SMG6:N	
ACa07	17	####	rs7803486	C	T	.	PA:	MNT	exonic	NM_	.	mis	MNT:NI	
ACa07	17	####	.	A	G	.	PA:	METTL16	exonic	NM_	.	syr	METTL	
ACa07	17	####	.	T	C	.	PA:	CAMKK1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	17	####	.	A	C	.	PA:	ANKFY1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	17	####	rs5506079	C	T	.	PA:	UBE2G1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	17	####	rs3764321	C	T	.	PA:	PELP1	exonic	NM_	.	syr	PELP1:	

ACa07	17	####	rs2008227	G	A	.	PA:	KIF1C	exonic	NM_	.	syr	KIF1C:N
ACa07	17	####	rs2013516	C	T	.	PA:	ZNF594	exonic	NM_	.	mis	ZNF594
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	DHX33	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	T	C	.	PA:	KIAA0753	exonic	NM_	.	mis	KIAA07
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	SLC13A5	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	A	G	.	PA:	CLEC10A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs2000463	G	A	.	PA:	NEURL4	exonic	NM_	.	mis	NEURL
ACa07	17	####	rs7455911	G	A	.	PA:	POLR2A	exonic	NM_	.	mis	POLR2A
ACa07	17	####	rs1473707	G	A	.	PA:	CCDC42	exonic	NM_	.	syr	CCDC4
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	PIK3R6	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	GAS7	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07	17	####	rs7534759	A	G	.	PA:	DNAH9	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	DNAH9	exonic	NM_	.	sto	DNAH9
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	HS3ST3B	exonic	NM_	.	syr	HS3ST3
ACa07	17	####	rs7633797	C	T	.	PA:	TEKT3	exonic	NM_	.	syr	TEKT3:
ACa07	17	####	rs6207237	G	A	.	PA:	TBC1D26	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	NCOR1	exonic	NM_	.	syr	NCOR1
ACa07	17	####	.	T	C	.	PA:	NCOR1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	MPRIP	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	MPRIP	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs1157965	G	A	.	PA:	MYO15A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	A	G	.	PA:	MYO15A	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	EVPLL	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	A	.	PA:	LGALS9B	exonic	NM_	.	syr	LGALS9
ACa07	17	####	rs2869918	T	C	.	PA:	LGALS9B	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	17	####	rs7529523	G	A	.	PA:	USP22	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	MAP2K3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	NOS2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	A	T	.	PA:	SLC13A2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	SLC13A2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	SPAG5-A	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	17	####	rs1051245	C	T	.	PA:	SPAG5-A	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	17	####	.	A	G	.	PA:	KIAA0100	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	SEZ6	exonic	NM_	.	mis	SEZ6:N
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	MYO18A	exonic	NM_	.	mis	MYO18
ACa07	17	####	rs7968757	A	G	.	PA:	SLC6A4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs5324904	C	T	.	PA:	EVI2A	exonic	NM_	.	mis	EVI2A:N
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	RAB11FIF	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	A	G	.	PA:	UTP6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	UTP6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	C17orf102	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	NLE1	exonic	NM_	.	mis	NLE1:N
ACa07	17	####	rs7610872	C	T	.	PA:	SLFN11	exonic	NM_	.	mis	SLFN11
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	17	####	.	C	A	.	PA:	AP2B1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs3702689	T	G	.	PA:	TBC1D3B	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	17	####	rs3720623	T	C	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	A	G	.	PA:	ARHGAP2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs7545869	C	T	.	PA:	PCGF2	exonic	NM_	.	mis	PCGF2
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	PLXDC1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs7807350	G	A	.	PA:	CACNB1	exonic	NM_	.	mis	CACNB
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	RPL19	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	STAC2	intronic	NM_	.	.	.

ACa07	17	####	rs1057519	G	A	.	PA:	ERBB2	exonic	NM_	.	mis	ERBB2:
ACa07	17	####	rs1996216	C	T	.	PA:	CCR7	exonic	NM_	.	syr	CCR7:N
ACa07	17	####	rs1488746	C	T	.	PA:	KRT34	exonic	NM_	.	syr	KRT34:
ACa07	17	####	rs7824576	C	T	.	PA:	LEPREL4	exonic	NM_	.	syr	LEPREI
ACa07	17	####	rs7827568	G	A	.	PA:	TTC25	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	A	G	.	PA:	TTC25	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	STAT3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs9065729	G	A	.	PA:	STAT3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs5769204	G	A	.	PA:	STAT3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	COASY	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs1042659	C	T	.	PA:	WNK4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs9984123	C	T	.	PA:	NBR2	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	17	####	.	A	G	.	PA:	NBR1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	LINC0091	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	MPP3	exonic	NM_	.	syr	MPP3:N
ACa07	17	####	.	C	A	.	PA:	MPP3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs7617924	G	A	.	PA:	MPP3	exonic	NM_	.	syr	MPP3:N
ACa07	17	####	.	T	G	.	PA:	C17orf104	exonic	NM_	.	syr	C17orf1
ACa07	17	####	rs9135110	C	T	.	PA:	KIF18B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	ACBD4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs7805429	C	T	.	PA:	FMNL1	exonic	NM_	.	mis	FMNL1:
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	PLEKHM1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	LRRC37A	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	17	####	rs1002396	G	A	.	PA:	NSF	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs1056060	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	17	####	rs2644320	C	T	.	PA:	NPEPPS	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07	17	####	.	A	G	.	PA:	OSBPL7	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs3749157	G	A	.	PA:	ABI3	exonic	NM_	.	mis	ABI3:NI
ACa07	17	####	rs9379553	G	A	.	PA:	ZNF652	exonic	NM_	.	syr	ZNF652
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	DLX4	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	17	####	rs7784106	C	T	.	PA:	SAMD14	exonic	NM_	.	mis	SAMD1
ACa07	17	####	.	C	A	.	PA:	PPP1R9B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	PPP1R9B	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACa07	17	####	rs1029268	C	T	.	PA:	COL1A1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	XYLT2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs3894278	A	T	.	PA:	MYCBPAP	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	HLF	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	RAD51C	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs3677870	A	G	.	PA:	PPM1D	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	GH1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs7637250	C	T	.	PA:	SCN4A	exonic	NM_	.	syr	SCN4A
ACa07	17	####	.	C	A	.	PA:	PLEKHM1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	HELZ	exonic	NM_	.	syr	HELZ:N
ACa07	17	####	.	T	C	.	PA:	ABCA6	exonic	NM_	.	mis	ABCA6:
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	MGC1627	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs5610655	C	T	.	PA:	FDXR	exonic	NM_	.	mis	FDXR:N
ACa07	17	####	rs1018051	G	C	.	PA:	KIAA0195	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs3777274	G	A	.	PA:	CASKIN2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	CASKIN2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	MYO15B	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	T	.	PA:	RECQL5	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	C	.	PA:	RECQL5	intronic	NM_	.	.	.

ACa07	17	####	rs3697050	C	T	.	PA:	CYGB	exonic	NM_	.	mis	CYGB:N
ACa07	17	####	.	A	G	.	PA:	SNHG16	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	A	.	PA:	MGAT5B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs7670774	G	A	.	PA:	SEC14L1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	A	.	PA:	DNAH17	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs7521502	C	T	.	PA:	DNAH17	exonic	NM_	.	mis	DNAH1
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	RBFOX3	exonic	NM_	.	mis	RBFOX
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	CBX4	exonic	NM_	.	mis	CBX4:N
ACa07	17	####	rs5354610	G	A	.	PA:	CCDC40	exonic	NM_	.	mis	CCDC4
ACa07	17	####	rs7737952	G	A	.	PA:	CARD14	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs3676544	C	T	.	PA:	CARD14	exonic	NM_	.	syn	CARD1
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	RNF213	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	RPTOR	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	BAIAP2	exonic	NM_	.	mis	BAIAP2
ACa07	17	####	.	C	A	.	PA:	CEP131	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs3678800	C	T	.	PA:	LINC0048	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	BAHCC1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	OXLD1	exonic	NM_	.	syn	OXLD1
ACa07	17	####	.	C	A	.	PA:	NOTUM	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	.	T	C	.	PA:	ASPSCR1	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	FASN	exonic	NM_	.	mis	FASN:N
ACa07	17	####	rs7594547	G	A	.	PA:	FASN	exonic	NM_	.	mis	FASN:N
ACa07	17	####	.	C	T	.	PA:	CCDC57	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	17	####	rs1452537	G	A	.	PA:	WDR45B	exonic	NM_	.	syn	WDR45
ACa07	17	####	.	G	A	.	PA:	ZNF750	exonic	NM_	.	syn	ZNF750
ACa07	18	####	.	G	A	.	PA:	ADCYAP1	exonic	NM_	.	mis	ADCYA
ACa07	18	####	.	A	G	.	PA:	NDC80	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	18	####	.	A	G	.	PA:	AFG3L2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	18	####	.	G	A	.	PA:	CEP192	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	18	####	.	A	T	.	PA:	MC2R	exonic	NM_	.	mis	MC2R:N
ACa07	18	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	18	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	18	####	.	G	T	.	PA:	GREB1L	exonic	NM_	.	mis	GREB1
ACa07	18	####	rs1390032	C	T	.	PA:	ESCO1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	18	####	.	G	T	.	PA:	TMEM241	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	18	####	rs5453420	C	T	.	PA:	LAMA3	exonic	NM_	.	mis	LAMA3
ACa07	18	####	rs7793765	C	T	.	PA:	GAREM	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	18	####	.	A	G	.	PA:	ELP2	exonic	NM_	.	syn	ELP2:N
ACa07	18	####	.	A	G	.	PA:	EPG5	exonic	NM_	.	mis	EPG5:N
ACa07	18	####	rs7789211	G	A	.	PA:	HDHD2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	18	####	.	A	G	.	PA:	HDHD2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	18	####	rs7710491	G	A	.	PA:	MYO5B	exonic	NM_	.	mis	MYO5B
ACa07	18	####	.	C	T	.	PA:	CFAP53	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	18	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	18	####	.	G	T	.	PA:	ZCCHC2	exonic	NM_	.	mis	ZCCHC
ACa07	18	####	rs1417032	C	T	.	PA:	SERPINB3	exonic	NM_	.	sto	SERPIN
ACa07	18	####	.	T	C	.	PA:	SERPINB4	exonic	NM_	.	mis	SERPIN
ACa07	18	####	.	A	G	.	PA:	RTTN	exonic	NM_	.	syn	RTTN:N
ACa07	18	####	.	C	A	.	PA:	ZNF407	exonic	NM_	.	mis	ZNF407
ACa07	18	####	.	G	T	.	PA:	ATP9B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs1020066	C	T	.	PA:	MIER2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	BSG	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	19	####	rs3749392	C	T	.	PA:	POLRMT	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs7789396	G	A	.	PA:	POLRMT	exonic	NM_	.	mis	POLRM

ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	PALM	exonic	NM_	.	mis	PALM:N
ACa07	19	####	rs3777310	C	T	.	PA:	PTBP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	.	G	T	.	PA:	TMEM259	exonic	NM_	.	mis	TMEM2
ACa07	19	####	rs9456811	C	T	.	PA:	HMHA1	exonic	NM_	.	syr	HMHA1
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	POLR2E	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs7620114	G	A	.	PA:	GPX4	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa07	19	####	rs2022226	C	T	.	PA:	SBNO2	exonic	NM_	.	syr	SBNO2
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	SBNO2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs7799382	G	A	.	PA:	SBNO2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	SBNO2	exonic	NM_	.	mis	SBNO2
ACa07	19	####	.	C	A	.	PA:	MIDN	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs3753640	C	T	.	PA:	CIRBP	exonic	NM_	.	mis	CIRBP:
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	DAZAP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	DAZAP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs1007918	C	T	.	PA:	PLK5	exonic	NM_	.	syr	PLK5:N
ACa07	19	####	rs3694032	G	A	.	PA:	DOT1L	exonic	NM_	.	syr	DOT1L:
ACa07	19	####	rs7522031	G	A	.	PA:	SPPL2B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	.	G	T	.	PA:	SGTA	exonic	NM_	.	mis	SGTA:N
ACa07	19	####	.	C	A	.	PA:	SGTA	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs3763485	C	T	.	PA:	S1PR4	exonic	NM_	.	syr	S1PR4:
ACa07	19	####	rs7773785	C	T	.	PA:	NFIC	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	ZFR2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	ANKRD24	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs7591374	G	A	.	PA:	ANKRD24	exonic	NM_	.	mis	ANKRD
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	SH3GL1	exonic	NM_	.	sto	SH3GL:
ACa07	19	####	rs1503658	G	A	.	PA:	LRG1	exonic	NM_	.	mis	LRG1:N
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	SEMA6B	exonic	NM_	.	syr	SEMA6
ACa07	19	####	.	T	C	.	PA:	KDM4B	exonic	NM_	.	mis	KDM4B
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	SAFB	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs1018214	G	A	.	PA:	DUS3L	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs7632840	G	A	.	PA:	DENND1C	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACa07	19	####	.	T	C	.	PA:	VAV1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs1390681	C	T	.	PA:	ARHGEF1	exonic	NM_	.	mis	ARHGE
ACa07	19	####	rs3770694	C	T	.	PA:	PNPLA6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs3745730	G	A	.	PA:	XAB2	exonic	NM_	.	mis	XAB2:N
ACa07	19	####	rs7516930	C	T	.	PA:	XAB2	exonic	NM_	.	syr	XAB2:N
ACa07	19	####	rs1417170	G	A	.	PA:	STXBP2	exonic	NM_	.	mis	STXBP
ACa07	19	####	.	G	T	.	PA:	CD209	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	19	####	.	C	A	.	PA:	CD209	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs7595385	C	T	.	PA:	EVI5L	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs3527749	C	T	.	PA:	FBN3	exonic	NM_	.	mis	FBN3:N
ACa07	19	####	rs7615602	C	T	.	PA:	CD320	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	19	####	rs5308100	T	G	.	PA:	2-Mar	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	ACTL9	exonic	NM_	.	mis	ACTL9:
ACa07	19	####	rs3694972	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	19	####	rs3751712	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	19	####	rs5686926	G	A	.	PA:	MUC16	exonic	NM_	.	syr	MUC16
ACa07	19	####	rs7801357	C	T	.	PA:	MUC16	exonic	NM_	.	mis	MUC16
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	MUC16	exonic	NM_	.	syr	MUC16
ACa07	19	####	.	A	G	.	PA:	FBXL12	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs7564749	G	A	.	PA:	PIN1	exonic	NM_	.	mis	PIN1:NI
ACa07	19	####	rs7814402	G	A	.	PA:	OLFM2	exonic	NM_	.	mis	OLFM2
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	C19orf66	exonic	NM_	.	mis	C19orf6
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	PPAN-P2R	exonic	NM_	.	mis	PPAN-R

ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	P2RY11,P	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	19	####	.	G	T	.	PA:	ICAM1	exonic	NM_	.	mis	ICAM1:	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	ICAM5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs1383503	G	A	.	PA:	TYK2	exonic	NM_	.	syr	TYK2:N	
ACa07	19	####	rs2009930	G	A	.	PA:	PDE4A	exonic	NM_	.	syr	PDE4A:	
ACa07	19	####	.	A	G	.	PA:	ATG4D	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	KRI1	exonic	NM_	.	mis	KRI1:NI	
ACa07	19	####	rs7634492	C	T	.	PA:	LDLR	exonic	NM_	.	syr	LDLR:N	
ACa07	19	####	rs3737274	G	A	.	PA:	LDLR	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs3721772	C	T	.	PA:	DOCK6	exonic	NM_	.	mis	DOCK6	
ACa07	19	####	.	A	G	.	PA:	CCDC151	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs5385135	A	T	.	PA:	CNN1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	G	T	.	PA:	MAN2B1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs3710318	G	A	.	PA:	DAND5	exonic	NM_	.	mis	DAND5	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	RFX1	exonic	NM_	.	mis	RFX1:N	
ACa07	19	####	.	A	C	.	PA:	PRKACA	exonic	NM_	.	mis	PRKAC	
ACa07	19	####	.	C	G	.	PA:	WIZ	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	OR10H2	exonic	NM_	.	syr	OR10H	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	KLF2	exonic	NM_	.	mis	KLF2:N	
ACa07	19	####	rs1015670	G	A	.	PA:	EPS15L1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	CPAMD8	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs1138422	G	A	.	PA:	MYO9B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	T	C	.	PA:	OCEL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs9290443	G	A	.	PA:	USHBP1	exonic	NM_	.	mis	USHBP	
ACa07	19	####	rs7698270	G	A	.	PA:	GTPBP3	exonic	NM_	.	syr	GTPBP	
ACa07	19	####	rs1043222	C	T	.	PA:	UNC13A	exonic	NM_	.	mis	UNC13/	
ACa07	19	####	.	T	C	.	PA:	UNC13A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	G	T	.	PA:	MAST3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	PDE4C	exonic	NM_	.	mis	PDE4C	
ACa07	19	####	rs3719294	C	T	.	PA:	UPF1	exonic	NM_	.	syr	UPF1:N	
ACa07	19	####	rs2012753	C	T	.	PA:	MAU2	exonic	NM_	.	syr	MAU2:N	
ACa07	19	####	.	C	A	.	PA:	ZNF90	exonic	NM_	.	syr	ZNF90:	
ACa07	19	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	19	####	.	T	C	.	PA:	ZNF492	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	PLEKHF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs7540203	C	T	.	PA:	TSHZ3	exonic	NM_	.	mis	TSHZ3:	
ACa07	19	####	rs3754283	C	T	.	PA:	KIAA0355	exonic	NM_	.	mis	KIAA03	
ACa07	19	####	.	C	G	.	PA:	GPI	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	A	C	.	PA:	CD22	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs7656023	G	A	.	PA:	RBM42	exonic	NM_	.	mis	RBM42	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	WDR62	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	T	C	.	PA:	ZNF146	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	19	####	rs5581240	C	T	.	PA:	ZNF529	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	19	####	rs4806419	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	19	####	rs7125437	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	19	####	rs7728313	G	A	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	G	T	.	PA:	SIPA1L3	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	19	####	rs1476199	C	T	.	PA:	CATSPER	exonic	NM_	.	mis	CATSP	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	RASGRP4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs3756003	G	A	.	PA:	RYR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs5371432	A	G	.	PA:	RYR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	MAP4K1	intronic	NM_	.	.	.	

ACa07	19	####	.	C	A	.	PA:	HNRNPL	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs5721273	A	G	.	PA:	SIRT2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs8917290	G	A	.	PA:	IFNL4	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	19	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	19	####	rs7564368	G	A	.	PA:	CLC	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	19	####	rs7738579	G	A	.	PA:	DYRK1B	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	FCGBP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs7469641	G	A	.	PA:	SHKBP1	exonic	NM_	.	mis	SHKBP	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	SHKBP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	LTBP4	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	LTBP4	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	19	####	.	C	A	.	PA:	NUMBL	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs1045293	G	C	.	PA:	C19orf54	exonic	NM_	.	mis	C19orf5	
ACa07	19	####	.	G	T	.	PA:	HNRNPUI	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	19	####	.	G	T	.	PA:	TGFB1	exonic	NM_	.	mis	TGFB1:	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	ARHGEF1	exonic	NM_	.	mis	ARHGE	
ACa07	19	####	.	C	A	.	PA:	MEGF8	exonic	NM_	.	mis	MEGF8	
ACa07	19	####	.	C	A	.	PA:	CEACAM8	exonic	NM_	.	sto	CEACA	
ACa07	19	####	.	T	C	.	PA:	PSG3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	IRGQ	exonic	NM_	.	syr	IRGQ:N	
ACa07	19	####	.	T	G	.	PA:	ZNF155	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	G	T	.	PA:	ZNF285	exonic	NM_	.	mis	ZNF285	
ACa07	19	####	rs7737032	C	T	.	PA:	ZNF229	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACa07	19	####	rs9075637	C	T	.	PA:	IGSF23	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	CEACAM1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs5632226	C	T	.	PA:	CEACAM1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	BCL3	exonic	NM_	.	syr	BCL3:N	
ACa07	19	####	.	C	A	.	PA:	BCAM	exonic	NM_	.	mis	BCAM:I	
ACa07	19	####	.	T	C	.	PA:	TOMM40	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	G	T	.	PA:	GPR4	exonic	NM_	.	mis	GPR4:N	
ACa07	19	####	rs1026645	C	T	.	PA:	PRKD2	exonic	NM_	.	mis	PRKD2	
ACa07	19	####	rs3697415	C	T	.	PA:	STRN4	exonic	NM_	.	mis	STRN4:	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	SLC8A2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	CRX	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	19	####	rs6213000	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	SPHK2	exonic	NM_	.	mis	SPHK2:	
ACa07	19	####	rs1012379	G	A	.	PA:	PLEKHA4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	SNRNP70	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	A	G	.	PA:	SNRNP70	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs5626072	C	T	.	PA:	DKKL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	CCDC155	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	G	T	.	PA:	RCN3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs7508901	C	T	.	PA:	CPT1C	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs3749564	G	A	.	PA:	MYH14	exonic	NM_	.	mis	MYH14	
ACa07	19	####	rs2001122	G	A	.	PA:	NR1H2	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	POLD1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs5643823	T	G	.	PA:	POLD1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs3695357	C	T	.	PA:	POLD1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACa07	19	####	rs7738602	G	A	.	PA:	MYBPC2	exonic	NM_	.	mis	MYBPC	
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	MYBPC2	splicing	NM_	NM_	.	.	

ACa07	19	####	.	A	G	.	PA:	GPR32	exonic	NM_	.	syr	GPR32:
ACa07	19	####	.	T	C	.	PA:	ZNF816	exonic	NM_	.	mis	ZNF816
ACa07	19	####	.	A	G	.	PA:	ERVV-2	exonic	NM_	.	syr	ERVV-2
ACa07	19	####	rs1420234	T	G	.	PA:	VN1R4	exonic	NM_	.	syr	VN1R4:
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	MIR527	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	19	####	.	T	G	.	PA:	CACNG8	exonic	NM_	.	mis	CACNG
ACa07	19	####	.	T	C	.	PA:	PRPF31	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	LENG1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs3704562	G	A	.	PA:	LILRA6,LI	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	.	C	A	.	PA:	TTYH1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs7529171	G	A	.	PA:	KIR3DX1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	19	####	.	G	T	.	PA:	SYT5	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs3707427	C	T	.	PA:	TMEM190	exonic	NM_	.	mis	TMEM1
ACa07	19	####	rs2000514	G	A	.	PA:	NLRP13	exonic	NM_	.	mis	NLRP13
ACa07	19	####	rs7704358	C	T	.	PA:	PEG3	exonic	NM_	.	syr	PEG3:N
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	ZNF773	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	.	G	A	.	PA:	ZIK1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	19	####	rs1474253	C	T	.	PA:	ZNF606	exonic	NM_	.	syr	ZNF606
ACa07	19	####	.	C	T	.	PA:	ZNF135	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	19	####	rs3733248	C	T	.	PA:	A1BG	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	rs1021538	C	T	.	PA:	SIRPA	exonic	NM_	.	mis	SIRPA:I
ACa07	20	####	rs7627114	T	C	.	PA:	TGM6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	.	G	A	.	PA:	NOP56	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	rs8672082	C	T	.	PA:	C20orf194	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	.	C	T	.	PA:	GFRA4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	rs7638624	G	A	.	PA:	ADAM33	exonic	NM_	.	sto	ADAM3
ACa07	20	####	.	C	T	.	PA:	PRND	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	20	####	rs1032256	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	20	####	.	T	C	.	PA:	KIF16B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	.	A	G	.	PA:	CSRP2BP	exonic	NM_	.	mis	CSRP2
ACa07	20	####	.	T	C	.	PA:	LINC0085	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	20	####	rs1509219	G	A	.	PA:	CST4	exonic	NM_	.	mis	CST4:N
ACa07	20	####	.	T	C	.	PA:	ABHD12	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	.	C	T	.	PA:	FAM182B	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	20	####	.	C	T	.	PA:	FRG1B	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	20	####	.	G	A	.	PA:	FRG1B	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACa07	20	####	rs1845841	C	T	.	PA:	NOL4L	exonic	NM_	.	mis	NOL4L:
ACa07	20	####	.	C	A	.	PA:	BPIFB3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	.	G	T	.	PA:	ZNF341	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	.	G	A	.	PA:	PIGU	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	rs7460506	A	T	.	PA:	TRPC4AP	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	.	A	C	.	PA:	CEP250	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	20	####	rs1480471	C	T	.	PA:	NFS1	exonic	NM_	.	mis	NFS1:N
ACa07	20	####	rs5431099	T	C	.	PA:	RBM39	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	20	####	.	G	A	.	PA:	EPB41L1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	.	G	A	.	PA:	DLGAP4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	rs8798536	G	A	.	PA:	NDRG3	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	20	####	.	G	T	.	PA:	MROH8	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	rs9848856	C	T	.	PA:	RPRD1B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	20	####	rs9460302	G	A	.	PA:	DHX35	exonic	NM_	.	mis	DHX35:
ACa07	20	####	rs3711048	G	A	.	PA:	DHX35	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	20	####	.	G	A	.	PA:	TOP1	exonic	NM_	.	mis	TOP1:N
ACa07	20	####	.	C	T	.	PA:	PLCG1	exonic	NM_	.	mis	PLCG1:
ACa07	20	####	.	G	A	.	PA:	PTPRT	exonic	NM_	.	sto	PTPRT

ACa07	20	####	rs3761522	G	A	.	PA:	PTPRT	exonic	NM_	.	syr	PTPRT	
ACa07	20	####	.	T	C	.	PA:	WISP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	20	####	.	G	T	.	PA:	WFDC12	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	20	####	.	C	A	.	PA:	SLC12A5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	20	####	.	G	T	.	PA:	ELMO2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	20	####	.	G	T	.	PA:	SLC13A3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	20	####	.	C	T	.	PA:	ZMYND8	exonic	NM_	.	mis	ZMYND	
ACa07	20	####	.	G	A	.	PA:	KCNG1	exonic	NM_	.	mis	KCNG1	
ACa07	20	####	.	C	T	.	PA:	ATP9A	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	20	####	.	G	A	.	PA:	ZFP64	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	20	####	rs8891302	C	T	.	PA:	ZNF217	exonic	NM_	.	syr	ZNF217	
ACa07	20	####	rs8669651	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	20	####	.	G	A	.	PA:	GNAS	exonic	NM_	.	mis	GNAS:N	
ACa07	20	####	.	C	T	.	PA:	GNAS	exonic	NM_	.	mis	GNAS:N	
ACa07	20	####	.	G	A	.	PA:	SYCP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	20	####	rs7702464	C	T	.	PA:	LSM14B	exonic	NM_	.	mis	LSM14E	
ACa07	20	####	rs7787907	C	T	.	PA:	COL9A3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	20	####	rs1813756	G	A	.	PA:	COL9A3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	20	####	rs1435421	G	A	.	PA:	ARFGAP1	exonic	NM_	.	syr	ARFGA	
ACa07	20	####	.	C	T	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.	
ACa07	20	####	.	A	G	.	PA:	SRMS	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	20	####	rs5462318	G	A	.	PA:	ABHD16B	exonic	NM_	.	mis	ABHD1	
ACa07	21	####	rs7962225	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	21	####	.	C	T	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	21	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	21	####	rs8680295	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	21	####	rs3711086	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	21	####	rs3775054	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	21	####	.	G	A	.	PA:	TPTE	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	C	A	.	PA:	TPTE	exonic	NM_	.	unk	UNKNC	
ACa07	21	####	rs5282430	G	C	.	PA:	BAGE5,BA	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	21	####	rs665796	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	21	####	rs6582845	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	21	####	rs915519	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	21	####	.	C	T	.	PA:	ANKRD30	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	21	####	.	A	G	.	PA:	NCAM2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	C	G	.	PA:	JAM2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	A	G	.	PA:	APP	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	rs9172671	C	T	.	PA:	MIR5009	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	C	T	.	PA:	KRTAP23	exonic	NM_	.	mis	KRTAP	
ACa07	21	####	.	A	G	.	PA:	HUNK	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	G	T	.	PA:	HUNK	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	rs1034062	C	T	.	PA:	SYNJ1	exonic	NM_	.	syr	SYNJ1:	
ACa07	21	####	.	C	T	.	PA:	OLIG1	exonic	NM_	.	syr	OLIG1:I	
ACa07	21	####	rs7587939	A	G	.	PA:	IFNAR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	C	T	.	PA:	ITSN1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	T	G	.	PA:	LOC10013	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	21	####	rs5585229	C	T	.	PA:	TTC3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	rs7591033	G	A	.	PA:	PSMG1	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	21	####	rs7585989	C	T	.	PA:	BRWD1	exonic	NM_	.	mis	BRWD1	

ACa07	21	####	.	C	A	.	PA:	IGSF5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	C	A	.	PA:	DSCAM	exonic	NM_	.	syr	DSCAM	
ACa07	21	####	.	T	C	.	PA:	DSCAM	exonic	NM_	.	syr	DSCAM	
ACa07	21	####	.	G	A	.	PA:	DSCAM	exonic	NM_	.	mis	DSCAM	
ACa07	21	####	.	T	C	.	PA:	DSCAM	exonic	NM_	.	mis	DSCAM	
ACa07	21	####	.	C	T	.	PA:	FAM3B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	T	C	.	PA:	PRDM15	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	rs9464977	G	A	.	PA:	C2CD2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	G	A	.	PA:	ZBTB21	exonic	NM_	.	mis	ZBTB21	
ACa07	21	####	.	T	C	.	PA:	SLC37A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	rs1014361	C	A	.	PA:	U2AF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	rs7806447	G	A	.	PA:	RRP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	rs5662670	C	T	.	PA:	PWP2	exonic	NM_	.	mis	PWP2:N	
ACa07	21	####	rs9852755	C	T	.	PA:	TRPM2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	rs7565454	G	A	.	PA:	ITGB2	exonic	NM_	.	mis	ITGB2:N	
ACa07	21	####	rs7582548	C	T	.	PA:	SLC19A1	exonic	NM_	.	syr	SLC19A	
ACa07	21	####	rs3771590	C	T	.	PA:	COL6A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	G	A	.	PA:	FTCD	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	.	G	A	.	PA:	C21orf58	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	21	####	rs7517144	G	A	.	PA:	PCNT	exonic	NM_	.	mis	PCNT:N	
ACa07	21	####	.	G	A	.	PA:	DIP2A	exonic	NM_	.	mis	DIP2A:N	
ACa07	22	####	rs2845112	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	22	####	rs8790424	C	G	.	PA:	POTEH	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	22	####	.	A	G	.	PA:	POTEH	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	22	####	rs1248470	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	22	####	.	G	A	.	PA:	GAB4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	22	####	rs5555078	G	A	.	PA:	DGCR2	exonic	NM_	.	syr	DGCR2	
ACa07	22	####	.	T	A	.	PA:	DGCR2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	22	####	rs1899538	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	22	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	22	####	.	G	A	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.	
ACa07	22	####	rs3714923	G	A	.	PA:	PI4KA	exonic	NM_	.	syr	PI4KA:N	
ACa07	22	####	rs7724279	G	A	.	PA:	HIC2	exonic	NM_	.	syr	HIC2:NI	
ACa07	22	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	22	####	rs3777336	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	22	####	rs3681295	C	T	.	PA:	SMARCB1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	22	####	.	G	T	.	PA:	SUSD2	exonic	NM_	.	mis	SUSD2	
ACa07	22	####	.	C	T	.	PA:	ADORA2A	exonic	NM_	.	mis	ADORA	
ACa07	22	####	.	G	T	.	PA:	UPB1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	22	####	rs7723316	G	A	.	PA:	GGT1	exonic	NM_	.	mis	GGT1:N	
ACa07	22	####	.	C	T	.	PA:	POM121L	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	22	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	22	####	rs1925641	C	T	.	PA:	EMID1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	22	####	.	T	C	.	PA:	SEC14L4	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	22	####	.	G	A	.	PA:	OSBP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	22	####	rs5710568	G	A	.	PA:	SMTN	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	22	####	rs1015431	C	T	.	PA:	PIK3IP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	22	####	.	G	A	.	PA:	SFI1	exonic	NM_	.	syr	SFI1:NM	
ACa07	22	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	22	####	.	T	C	.	PA:	RTCB	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	22	####	.	G	A	.	PA:	LARGE	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	22	####	rs1379196	C	T	.	PA:	MCM5	exonic	NM_	.	syr	MCM5:N	
ACa07	22	####	.	C	T	.	PA:	MYH9	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	22	####	rs3682304	G	A	.	PA:	CSF2RB	exonic	NM_	.	mis	CSF2RI	

ACa07		22	####	rs5367410	C		T	.	PA:	TEX33	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	.		G	A	.	PA:	PLA2G6	exonic	NM_	.	sto	PLA2G(
ACa07		22	####	.		C	A	.	PA:	MAFF	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	rs7523833	A		G	.	PA:	TMEM184	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	.		G	A	.	PA:	KCNJ4	exonic	NM_	.	mis	KCNJ4:
ACa07		22	####	.		G	A	.	PA:	KCNJ4	exonic	NM_	.	mis	KCNJ4:
ACa07		22	####	rs5714435	C		T	.	PA:	GTPBP1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	.		C	T	.	PA:	APOBEC3	exonic	NM_	.	syr	APOBE
ACa07		22	####	rs3719126	C		T	.	PA:	CACNA1I	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	.		C	T	.	PA:	TNRC6B	exonic	NM_	.	mis	TNRC6
ACa07		22	####	rs2016059	G		A	.	PA:	MCHR1	exonic	NM_	.	mis	MCHR1
ACa07		22	####	.		C	T	.	PA:	POLR3H	exonic	NM_	.	mis	POLR3I
ACa07		22	####	rs1838128	C		T	.	PA:	POLR3H	exonic	NM_	.	mis	POLR3I
ACa07		22	####	.		C	A	.	PA:	CENPM	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	.		G	A	.	PA:	RRP7A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	rs1916812	C		T	.	PA:	EFCAB6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	.		G	A	.	PA:	PNPLA3	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	rs5584935	C		T	.	PA:	KIAA0930	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	rs1305515	C		T	.	PA:	FAM118A	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	.		C	T	.	PA:	SMC1B	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	.		A	G	.	PA:	FBLN1	splicing	NM_	NM_	.	.
ACa07		22	####	.		T	C	.	PA:	ATXN10	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	.		G	A	.	PA:	PKDREJ	exonic	NM_	.	syr	PKDRE
ACa07		22	####	.		G	A	.	PA:	CELSR1	exonic	NM_	.	mis	CELSR
ACa07		22	####	.		C	A	.	PA:	IL17REL	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	.		C	A	.	PA:	MOV10L1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	rs5595729	G		A	.	PA:	MOV10L1	exonic	NM_	.	syr	MOV10
ACa07		22	####	.		G	A	.	PA:	PANX2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	.		G	A	.	PA:	PANX2	exonic	NM_	.	syr	PANX2
ACa07		22	####	rs3705843	C		T	.	PA:	PLXNB2	exonic	NM_	.	syr	PLXNB2
ACa07		22	####	.		G	A	.	PA:	PPP6R2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07		22	####	.		C	T	.	PA:	NCAPH2	exonic	NM_	.	mis	NCAPH
ACa07		22	####	rs9805300	C		T	.	PA:	MAPK8IP2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	X		####	.		A	G	.	PA:	ASMT	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	X		####	.		T	G	.	PA:	CD99	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	X		####	.		A	C	.	PA:	ARSE	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	X		####	.		T	C	.	PA:	NLGN4X	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACa07	X		####	.		T	C	.	PA:	LOC10028	exonic	NM_	.	syr	LOC10(
ACa07	X		####	.		G	T	.	PA:	FRMPD4	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	X		####	.		C	T	.	PA:	EGFL6	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	X		####	.		C	T	.	PA:	NHS	exonic	NM_	.	mis	NHS:NM
ACa07	X		####	.		G	A	.	PA:	CNKSR2	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	X		####	rs3730298	C		T	.	PA:	APOO	exonic	NM_	.	mis	APOO:I
ACa07	X		####	.		C	T	.	PA:	ARX	exonic	NM_	.	syr	ARX:NM
ACa07	X		####	.		T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACa07	X		####	.		C	T	.	PA:	MAGEB10	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	X		####	.		T	A	.	PA:	IL1RAPL1	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	X		####	.		C	A	.	PA:	MAGEB1	exonic	NM_	.	syr	MAGEE
ACa07	X		####	.		G	A	.	PA:	GK	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACa07	X		####	.		T	C	.	PA:	GK	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	X		####	.		A	C	.	PA:	DMD	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	X		####	.		A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACa07	X		####	.		A	C	.	PA:	SRPX	intronic	NM_	.	.	.
ACa07	X		####	.		G	A	.	PA:	CXorf38	exonic	NM_	.	syr	CXorf38

ACa07	X	####	.	G	A	.	PA:	EFHC2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	G	T	.	PA:	SSX5	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X	####	rs7825839	C	T	.	PA:	PQBP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X	####	rs3679315	G	A	.	PA:	OTUD5	exonic	NM_	.	mis	OTUD5	
ACa07	X	####	rs1871040	C	T	.	PA:	WDR45	exonic	NM_	.	mis	WDR45	
ACa07	X	####	.	G	T	.	PA:	MAGIX	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X	####	.	G	A	.	PA:	PRICKLE3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X	####	rs7822715	C	T	.	PA:	CACNA1F	exonic	NM_	.	syr	CACNA	
ACa07	X	####	.	C	T	.	PA:	AKAP4	exonic	NM_	.	syr	AKAP4:	
ACa07	X	####	.	G	A	.	PA:	MAGED1	exonic	NM_	.	mis	MAGED	
ACa07	X	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	X	####	rs7825371	C	T	.	PA:	KDM5C	exonic	NM_	.	mis	KDM5C	
ACa07	X	####	.	G	T	.	PA:	IQSEC2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X	####	.	A	C	.	PA:	SMC1A	exonic	NM_	.	mis	SMC1A	
ACa07	X	####	.	G	T	.	PA:	HUWE1	exonic	NM_	.	mis	HUWE1	
ACa07	X	####	.	T	C	.	PA:	FAM120C	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X	####	.	C	T	.	PA:	FGD1	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa07	X	####	.	G	A	.	PA:	GNL3L	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X	####	rs9617788	A	G	.	PA:	ITIH6	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X	####	.	T	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	X	####	rs7124105	C	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	X	####	rs3765099	T	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	T	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	A	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	C	A	.	PA:	STARD8	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X	####	rs7687527	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	G	C	.	PA:	ARR3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X	####	rs7507300	C	T	.	PA:	MED12	exonic	NM_	.	mis	MED12	
ACa07	X	####	rs8632249	C	T	.	PA:	GJB1	exonic	NM_	.	mis	GJB1:N	
ACa07	X	####	rs7685308	G	A	.	PA:	BCYRN1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	X	####	.	C	A	.	PA:	BCYRN1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	X	####	.	G	A	.	PA:	HDAC8	exonic	NM_	.	mis	HDAC8	
ACa07	X	####	.	C	T	.	PA:	PHKA1	exonic	NM_	.	mis	PHKA1:	
ACa07	X	####	.	A	G	.	PA:	CDX4	exonic	NM_	.	syr	CDX4:N	
ACa07	X	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	C	A	.	PA:	KIAA2022	exonic	NM_	.	sto	KIAA20	
ACa07	X	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	C	T	.	PA:	BRWD3	exonic	NM_	.	mis	BRWD3	
ACa07	X	####	.	G	A	.	PA:	PCDH11X	exonic	NM_	.	mis	PCDH1	
ACa07	X	####	.	C	A	.	PA:	PCDH11X	exonic	NM_	.	mis	PCDH1	
ACa07	X	####	.	C	T	.	PA:	PCDH11X	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X	####	.	T	C	.	PA:	PCDH11X	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X	####	rs9672698	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	X	####	.	G	A	.	PA:	NOX1	exonic	NM_	.	mis	NOX1:N	
ACa07	X	####	.	C	A	.	PA:	NXF5	exonic	NM_	.	mis	NXF5:N	
ACa07	X	####	.	C	T	.	PA:	TCEAL2	intronic	NM_	.	.	.	

ACa07	X		####	rs1507941	C	T	.	PA:	IL1RAPL2	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X		####	.	G	A	.	PA:	ACSL4	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	X		####	.	C	A	.	PA:	LINC0128	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	X		####	rs8664003	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACa07	X		####	.	C	T	.	PA:	SLC25A5-	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACa07	X		####	.	C	T	.	PA:	CUL4B	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X		####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	X		####	rs1387255	C	T	.	PA:	ACTRT1	exonic	NM_	.	mis	ACTRT	
ACa07	X		####	.	A	G	.	PA:	ZNF280C	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X		####	.	C	A	.	PA:	GPC3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X		####	.	C	T	.	PA:	SLC9A6	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X		####	.	G	T	.	PA:	GPR112	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X		####	.	A	G	.	PA:	ATP11C	exonic	NM_	.	syr	ATP11(	
ACa07	X		####	.	G	A	.	PA:	LDOC1,SI	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	X		####	.	C	T	.	PA:	MAGEA11	exonic	NM_	.	syr	MAGEA	
ACa07	X		####	rs7823749	C	T	.	PA:	CXorf40B	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACa07	X		####	.	G	A	.	PA:	CNGA2	exonic	NM_	.	mis	CNGA2	
ACa07	X		####	rs3712627	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACa07	X		####	.	G	T	.	PA:	BGN	exonic	NM_	.	mis	BGN:NI	
ACa07	X		####	.	G	A	.	PA:	ATP2B3	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X		####	rs7825278	G	A	.	PA:	SSR4	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X		####	.	G	A	.	PA:	L1CAM	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X		####	.	G	A	.	PA:	L1CAM	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X		####	.	G	A	.	PA:	RENBP	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACa07	X		####	.	C	T	.	PA:	HCFC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X		####	.	G	A	.	PA:	SLC10A3	exonic	NM_	.	syr	SLC10A	
ACa07	X		####	rs7819487	C	T	.	PA:	G6PD	exonic	NM_	.	mis	G6PD:N	
ACa07	X		####	.	C	T	.	PA:	DKC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACa07	X		####	.	G	A	.	PA:	MPP1	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	X		####	.	G	A	.	PA:	SMIM9	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACa07	X		####	.	A	G	.	PA:	TMLHE	exonic	NM_	.	mis	TMLHE	
ACa07	Y		####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	MT		9459	rs8791767	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	MT		####	.	A	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACa07	MT		####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP01		1	####	rs5750552	C	T	.	PA:	NECAP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP01		1	####	rs4101081	C	T	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP01		1	####	rs7629862	A	C	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP01		1	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP01		1	####	.	C	A	.	PA:	EIF4G3	exonic	NM_	.	mis	EIF4G3	
ACaP01		1	####	rs3772379	G	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP01		1	####	rs3720400	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP01		1	####	rs6181337	T	C	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP01		1	####	.	G	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACaP01		2	####	.	G	T	.	PA:	ELMOD3	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP01		2	####	rs1649505	G	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP01		3	####	rs7933313	G	A	.	PA:	EPHA6	exonic	NM_	.	syr	EPHA6	
ACaP01		3	####	rs7480655	C	T	.	PA:	COL6A6	exonic	NM_	.	syr	COL6A(	
ACaP01		3	####	.	C	A	.	PA:	TOPBP1	exonic	NM_	.	mis	TOPBP	
ACaP01		4	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP01		5	####	rs671688	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP01		5	####	rs8681576	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP01		5	####	.	T	C	.	PA:	CLK4	exonic	NM_	.	syr	CLK4:N	
ACaP01		6	####	.	A	G	.	PA:	SASH1	intronic	NM_	.	.	.	

ACaP01	7	####	.	T	C	.	PA:	AMPH	intronic	NM_	.	.	.
ACaP01	7	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP01	7	####	.	C	T	.	PA:	TFEC	splicing	NM_	NM_	.	.
ACaP01	7	####	rs1471823	G	A	.	PA:	GIMAP5,G	exonic	NM_	.	mis	GIMAP5
ACaP01	8	####	rs7496607	G	A	.	PA:	XPO7	intronic	NM_	.	.	.
ACaP01	8	####	.	C	T	.	PA:	PIWIL2	exonic	NM_	.	syr	PIWIL2
ACaP01	9	####	rs1482733	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP01	9	####	.	G	T	.	PA:	WDR34	intronic	NM_	.	.	.
ACaP01	10	####	rs2020143	T	C	.	PA:	AGAP9	exonic	NM_	.	mis	AGAP9
ACaP01	10	####	.	A	C	.	PA:	HPSE2	exonic	NM_	.	mis	HPSE2
ACaP01	11	####	rs7731324	G	A	.	PA:	CKAP5	exonic	NM_	.	mis	CKAP5
ACaP01	11	####	.	A	T	.	PA:	PRG2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP01	12	####	rs7734351	G	A	.	PA:	KMT2D	exonic	NM_	.	syr	KMT2D
ACaP01	12	####	rs7769669	C	T	.	PA:	KRT7	exonic	NM_	.	mis	KRT7:N
ACaP01	14	####	.	G	A	.	PA:	JAG2	exonic	NM_	.	syr	JAG2:N
ACaP01	14	####	rs7157981	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP01	15	####	rs2019940	T	G	.	PA:	GOLGA6L	exonic	NM_	.	mis	GOLGA
ACaP01	15	####	rs3731461	A	G	.	PA:	GOLGA6L	exonic	NM_	.	syr	GOLGA
ACaP01	15	####	.	C	A	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.
ACaP01	15	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP01	15	####	.	C	A	.	PA:	KIF23	intronic	NM_	.	.	.
ACaP01	16	####	.	C	T	.	PA:	IL21R	intronic	NM_	.	.	.
ACaP01	17	####	rs7781206	T	C	.	PA:	RPAIN	intronic	NM_	.	.	.
ACaP01	17	####	rs3725436	A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP01	19	####	rs7861545	G	A	.	PA:	RHPN2	exonic	NM_	.	sto	RHPN2
ACaP01	19	####	.	C	T	.	PA:	FCGBP	exonic	NM_	.	mis	FCGBP
ACaP01	19	####	.	C	G	.	PA:	AXL	intronic	NM_	.	.	.
ACaP01	20	####	.	A	T	.	PA:	RP5-977B	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP01	21	####	rs9266067	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP01	X	####	rs7663121	G	A	.	PA:	DMD	exonic	NM_	.	syr	DMD:NI
ACaP01	X	####	rs3397828	A	G	.	PA:	BCYRN1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP02	1	####	.	G	A	.	PA:	SPEN	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	1	####	rs436293	C	T	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	1	####	.	G	T	.	PA:	COL16A1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	1	####	.	G	C	.	PA:	CCDC28B	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACaP02	1	####	rs3721234	C	T	.	PA:	SASS6	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	1	####	.	G	A	.	PA:	FNDC7	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	1	####	rs2007574	G	C	.	PA:	NBPF20,N	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	1	####	rs9424724	G	C	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP02	1	####	.	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP02	1	####	.	G	A	.	PA:	TMEM79	exonic	NM_	.	syr	TMEM7
ACaP02	1	####	.	G	C	.	PA:	C1orf85	exonic	NM_	.	mis	C1orf85
ACaP02	1	####	.	C	G	.	PA:	SPTA1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	1	####	.	G	C	.	PA:	DARC	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACaP02	1	####	.	C	T	.	PA:	DCAF8	exonic	NM_	.	mis	DCAF8
ACaP02	1	####	.	G	C	.	PA:	FCRLB	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	1	####	.	C	T	.	PA:	SHCBP1L	exonic	NM_	.	mis	SHCBP
ACaP02	1	####	rs9662955	G	A	.	PA:	CFHR5	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	1	####	rs7570105	G	A	.	PA:	WNT3A	exonic	NM_	.	mis	WNT3A
ACaP02	1	####	.	C	G	.	PA:	KIAA1804	exonic	NM_	.	syr	KIAA18
ACaP02	1	####	.	G	A	.	PA:	MTR	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	1	####	.	C	T	.	PA:	FMN2	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACaP02	2	####	.	C	T	.	PA:	GALM	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	2	####	rs1420196	G	A	.	PA:	ABCG5	exonic	NM_	.	mis	ABCG5

ACaP02	2	####	.	T	C	.	PA:	LYPD6B	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	2	####	.	C	T	.	PA:	TANC1	exonic	NM_	.	mis	TANC1
ACaP02	2	####	.	C	G	.	PA:	SLC39A1(	exonic	NM_	.	mis	SLC39A
ACaP02	2	####	rs1857895	C	T	.	PA:	HSPD1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	2	####	.	G	C	.	PA:	KLF7	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	2	####	.	G	T	.	PA:	WDFY1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	2	####	.	G	C	.	PA:	MROH2A	exonic	NM_	.	mis	MROH2
ACaP02	2	####	rs7784676	G	A	.	PA:	STK25	exonic	NM_	.	mis	STK25:
ACaP02	3	####	.	G	C	.	PA:	UBP1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	3	####	.	A	G	.	PA:	CRYBG3	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	3	####	.	G	T	.	PA:	CEP63	exonic	NM_	.	mis	CEP63:
ACaP02	3	####	.	G	A	.	PA:	CEP63	exonic	NM_	.	mis	CEP63:
ACaP02	3	####	.	G	C	.	PA:	ARMC8,N	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	3	####	rs7462149	G	A	.	PA:	GOLIM4	exonic	NM_	.	sto	GOLIM4
ACaP02	3	####	.	G	C	.	PA:	TNFSF10	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACaP02	3	####	rs1048860	G	A	.	PA:	PIK3CA	exonic	NM_	.	mis	PIK3CA
ACaP02	3	####	.	A	C	.	PA:	YEATS2	exonic	NM_	.	mis	YEATS2
ACaP02	4	####	.	C	T	.	PA:	TMEM175	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	4	####	.	G	A	.	PA:	SMARCAI	exonic	NM_	.	mis	SMARC
ACaP02	4	####	.	C	T	.	PA:	CYP2U1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	4	####	.	C	T	.	PA:	NAA15	exonic	NM_	.	mis	NAA15:
ACaP02	4	####	.	C	G	.	PA:	INPP4B	exonic	NM_	.	mis	INPP4B
ACaP02	4	####	.	C	T	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.
ACaP02	5	####	rs1876921	G	C	.	PA:	SLC45A2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	5	####	.	G	C	.	PA:	RNF180	exonic	NM_	.	mis	RNF18(
ACaP02	5	####	.	C	T	.	PA:	F2R	exonic	NM_	.	mis	F2R:NM
ACaP02	5	####	rs7956159	C	T	.	PA:	SEC24A	exonic	NM_	.	mis	SEC24A
ACaP02	5	####	.	C	G	.	PA:	FAM71B	exonic	NM_	.	mis	FAM71I
ACaP02	5	####	.	G	A	.	PA:	HMMR	exonic	NM_	.	syn	HMMR:
ACaP02	5	####	.	G	A	.	PA:	KCNIP1	exonic	NM_	.	mis	KCNIP1
ACaP02	6	####	.	C	A	.	PA:	MYLK4	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	6	####	.	A	G	.	PA:	SYCP2L	exonic	NM_	.	mis	SYCP2I
ACaP02	6	####	.	G	A	.	PA:	BTN1A1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	6	####	rs1787910	C	T	.	PA:	HLA-A	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	6	####	rs5364899	A	G	.	PA:	HLA-L	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP02	6	####	.	C	G	.	PA:	EYS	exonic	NM_	.	mis	EYS:NM
ACaP02	6	####	.	C	T	.	PA:	EYS	exonic	NM_	.	mis	EYS:NM
ACaP02	6	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP02	6	####	.	C	G	.	PA:	KIF25	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	7	####	.	G	C	.	PA:	TNRC18	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACaP02	7	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP02	7	####	.	C	A	.	PA:	ZNF804B	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	7	####	.	C	T	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.
ACaP02	7	####	rs3685111	G	C	.	PA:	CREB3L2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	8	####	.	G	A	.	PA:	KIF13B	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	8	####	.	A	T	.	PA:	PREX2	exonic	NM_	.	mis	PREX2
ACaP02	8	####	.	G	A	.	PA:	SNTB1	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACaP02	8	####	.	C	T	.	PA:	NAPRT1	exonic	NM_	.	mis	NAPRT
ACaP02	8	####	rs3743103	C	T	.	PA:	PLEC	exonic	NM_	.	mis	PLEC:N
ACaP02	9	####	rs4928838	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP02	9	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP02	9	####	.	G	A	.	PA:	PHF2	exonic	NM_	.	syn	PHF2:N
ACaP02	9	####	.	C	T	.	PA:	AKNA	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	9	####	.	T	A	.	PA:	DDX31	intronic	NM_	.	.	.

ACaP02	10	####	.	C	T	.	PA:	DIP2C	exonic	NM_	.	mis	DIP2C:I
ACaP02	10	####	.	G	A	.	PA:	PFKP	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	10	####	rs3128226	C	G	.	PA:	NUTM2A	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	10	####	.	G	C	.	PA:	KNDC1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	11	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP02	11	####	.	C	G	.	PA:	NAV2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	11	####	.	C	T	.	PA:	GYLTL1B	exonic	NM_	.	syr	GYLTL1
ACaP02	11	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACaP02	11	####	.	G	A	.	PA:	TENM4	exonic	NM_	.	syr	TENM4
ACaP02	11	####	.	G	A	.	PA:	SIK3	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	11	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACaP02	12	####	rs5382343	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACaP02	12	####	.	A	G	.	PA:	ATF7IP	exonic	NM_	.	mis	ATF7IP
ACaP02	12	####	.	C	G	.	PA:	SMCO2	exonic	NM_	.	mis	SMCO2
ACaP02	12	####	rs8658204	T	A	.	PA:	XPOT	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	12	####	.	C	T	.	PA:	PTPRQ	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	12	####	.	G	A	.	PA:	NAA25	exonic	NM_	.	syr	NAA25:
ACaP02	12	####	rs7707492	G	A	.	PA:	NOS1	exonic	NM_	.	mis	NOS1:N
ACaP02	13	####	.	T	A	.	PA:	UBL3	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	13	####	rs3702294	G	A	.	PA:	FRY	exonic	NM_	.	mis	FRY:NM
ACaP02	13	####	rs4129275	C	T	.	PA:	FREM2	exonic	NM_	.	mis	FREM2
ACaP02	13	####	.	C	G	.	PA:	FREM2	exonic	NM_	.	mis	FREM2
ACaP02	13	####	.	C	T	.	PA:	PCDH20	exonic	NM_	.	mis	PCDH2
ACaP02	13	####	.	C	G	.	PA:	SLAIN1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	13	####	.	C	G	.	PA:	SLAIN1	exonic	NM_	.	mis	SLAIN1
ACaP02	13	####	.	G	A	.	PA:	CCDC168	exonic	NM_	.	mis	CCDC1
ACaP02	14	####	rs3699116	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP02	14	####	rs7660001	C	T	.	PA:	RALGAPA	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP02	14	####	.	C	T	.	PA:	BTBD7	exonic	NM_	.	syr	BTBD7:
ACaP02	14	####	.	G	A	.	PA:	CLMN	splicing	NM_	NM_	.	.
ACaP02	14	####	rs1214345	C	T	.	PA:	AKT1	exonic	NM_	.	mis	AKT1:N
ACaP02	14	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP02	15	####	rs4932010	G	A	.	PA:	HERC2P3	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP02	15	####	rs7494426	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP02	15	####	rs1079463	T	C	.	PA:	CXADRP2	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP02	15	####	rs1823548	G	C	.	PA:	LOC33901	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	15	####	.	G	A	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.
ACaP02	15	####	rs1861770	C	T	.	PA:	KNSTRN	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	15	####	rs9953164	G	A	.	PA:	PATL2	exonic	NM_	.	mis	PATL2:
ACaP02	15	####	.	G	C	.	PA:	HMGN2P4	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP02	15	####	.	G	A	.	PA:	GRAMD2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	15	####	.	G	A	.	PA:	ACSBG1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	15	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP02	16	####	.	C	T	.	PA:	CCDC64B	exonic	NM_	.	mis	CCDC6
ACaP02	16	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP02	16	####	rs7759203	C	T	.	PA:	OGFOD1	exonic	NM_	.	mis	OGFOD
ACaP02	16	####	.	C	T	.	PA:	VAC14-AS	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP02	17	####	.	G	C	.	PA:	C17orf107	exonic	NM_	.	mis	C17orf1
ACaP02	17	####	rs7810711	C	T	.	PA:	GPR179	exonic	NM_	.	mis	GPR17
ACaP02	17	####	rs1509595	G	A	.	PA:	DBF4B	exonic	NM_	.	syr	DBF4B:
ACaP02	17	####	.	G	A	.	PA:	HOXB8	exonic	NM_	.	syr	HOXB8
ACaP02	17	####	rs3742496	C	T	.	PA:	SYNGR2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP02	17	####	rs5611679	C	T	.	PA:	LOC1002	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP02	17	####	rs5502840	G	A	.	PA:	NOTUM	exonic	NM_	.	syr	NOTUM

ACaP02	18	####	rs1996954	C	T	.	PA:	ANKRD20	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP02	18	####	.	G	C	.	PA:	ALPK2	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP02	19	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP02	19	####	.	G	A	.	PA:	LSM4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP02	19	####	.	G	T	.	PA:	SUGP1	exonic	NM_	.	mis	SUGP1	
ACaP02	19	####	.	C	T	.	PA:	ZNF506	exonic	NM_	.	mis	ZNF506	
ACaP02	19	####	.	C	T	.	PA:	ETV2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP02	19	####	.	C	G	.	PA:	ZNF568	exonic	NM_	.	sto	ZNF568	
ACaP02	19	####	.	G	A	.	PA:	TTC9B	exonic	NM_	.	syr	TTC9B:	
ACaP02	19	####	.	G	C	.	PA:	PSG2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP02	19	####	.	C	G	.	PA:	RDH13	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP02	20	####	.	G	C	.	PA:	TMEM74E	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP02	20	####	.	G	A	.	PA:	TGM6	exonic	NM_	.	syr	TGM6:N	
ACaP02	20	####	rs1438597	G	A	.	PA:	CDS2	exonic	NM_	.	mis	CDS2:N	
ACaP02	20	####	.	G	C	.	PA:	PDRG1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP02	20	####	.	T	C	.	PA:	TGM2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP02	21	####	rs1170118	T	C	.	PA:	BAGE4,BA	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP02	21	####	.	C	G	.	PA:	USP25	exonic	NM_	.	sto	USP25:	
ACaP02	22	####	.	G	C	.	PA:	ARVCF	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP02	22	####	.	C	T	.	PA:	OSBP2	exonic	NM_	.	mis	OSBP2	
ACaP02	22	####	.	C	A	.	PA:	EIF3L	exonic	NM_	.	syr	EIF3L:N	
ACaP02	X	####	rs7509188	G	A	.	PA:	ARSF	exonic	NM_	.	mis	ARSF:N	
ACaP02	X	####	.	G	A	.	PA:	ARX	exonic	NM_	.	mis	ARX:NM	
ACaP02	X	####	.	T	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP02	X	####	.	G	A	.	PA:	KIF4A	exonic	NM_	.	mis	KIF4A:N	
ACaP02	X	####	.	G	C	.	PA:	NKAP	exonic	NM_	.	mis	NKAP:N	
ACaP02	X	####	.	T	A	.	PA:	SRD5A1P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP02	X	####	.	T	A	.	PA:	SRD5A1P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP02	X	####	.	G	C	.	PA:	GABRA3	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP02	X	####	.	C	T	.	PA:	IRAK1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP02	MT	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP03	1	####	rs1149286	T	C	.	PA:	SLC35E2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP03	1	####	.	C	A	.	PA:	TMEM57	exonic	NM_	.	mis	TMEM5	
ACaP03	1	####	.	C	T	.	PA:	FPGT-TNI	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP03	1	####	.	G	A	.	PA:	COL24A1	exonic	NM_	.	mis	COL24A	
ACaP03	1	####	rs1998147	T	C	.	PA:	FCGR1B	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP03	1	####	rs8662584	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP03	2	####	.	T	A	.	PA:	SPTBN1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP03	2	####	.	G	A	.	PA:	ETAA1	exonic	NM_	.	mis	ETAA1:	
ACaP03	2	####	.	C	G	.	PA:	TMSB10	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP03	2	####	rs3708851	C	T	.	PA:	GLI2	exonic	NM_	.	syr	GLI2:NI	
ACaP03	2	####	rs2008806	T	A	.	PA:	R3HDM1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP03	2	####	rs9042902	C	T	.	PA:	STK39	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP03	2	####	rs3702772	C	T	.	PA:	IGFBP5	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP03	2	####	rs5574456	G	A	.	PA:	TRPM8	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP03	3	####	rs1446637	C	T	.	PA:	MIR548AC	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP03	3	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP03	3	####	.	C	T	.	PA:	GRAMD1C	exonic	NM_	.	syr	GRAMD	
ACaP03	3	####	rs2015548	C	T	.	PA:	DRD3	exonic	NM_	.	mis	DRD3:N	
ACaP03	4	####	rs1163261	C	T	.	PA:	RAB28	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP03	4	####	rs4695484	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP03	4	####	rs4695485	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP03	4	####	rs7496227	C	T	.	PA:	SMR3B	exonic	NM_	.	syr	SMR3B	
ACaP03	4	####	rs7758415	G	A	.	PA:	PDLIM3	exonic	NM_	.	mis	PDLIM3	

ACaP03	5	####	.	C	T	.	PA:	PCDHA6	exonic	NM_	.	syr	PCDHA
ACaP03	6	####	rs1161907	C	T	.	PA:	EHMT2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	6	####	.	G	T	.	PA:	SENP6	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	6	####	.	T	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP03	6	####	rs7577542	C	T	.	PA:	CDK19	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACaP03	7	####	.	G	A	.	PA:	RBAKDN	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP03	7	####	.	C	A	.	PA:	ABCB1	exonic	NM_	.	mis	ABCB1:
ACaP03	7	####	.	T	C	.	PA:	FAM185A	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	8	####	rs7722351	C	T	.	PA:	PCM1	exonic	NM_	.	syr	PCM1:N
ACaP03	8	####	.	G	T	.	PA:	PTK2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	9	####	rs7507213	G	A	.	PA:	TRAF2	exonic	NM_	.	mis	TRAF2:
ACaP03	10	####	.	T	A	.	PA:	LINC0071	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP03	10	####	rs7571508	G	A	.	PA:	ITGA8	exonic	NM_	.	syr	ITGA8:I
ACaP03	10	####	rs5655237	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP03	10	####	rs7905448	T	A	.	PA:	MCU	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	10	####	.	G	A	.	PA:	LINC0086	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP03	10	####	rs9706750	C	T	.	PA:	LOC1005(	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP03	10	####	rs7723659	A	G	.	PA:	SFXN2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	10	####	.	G	A	.	PA:	INA	exonic	NM_	.	syr	INA:NM
ACaP03	10	####	rs1219134	A	G	.	PA:	FGFR2	exonic	NM_	.	mis	FGFR2:
ACaP03	11	####	.	G	A	.	PA:	DEAF1	exonic	NM_	.	mis	DEAF1:
ACaP03	11	####	rs5453728	G	A	.	PA:	USH1C	exonic	NM_	.	syr	USH1C
ACaP03	11	####	.	A	G	.	PA:	USH1C	exonic	NM_	.	syr	USH1C
ACaP03	11	####	.	T	C	.	PA:	ARHGEF1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	12	####	rs1030864	T	C	.	PA:	OAS1	exonic	NM_	.	mis	OAS1:N
ACaP03	13	####	.	G	A	.	PA:	RB1	exonic	NM_	.	syr	RB1:NM
ACaP03	13	####	rs9145408	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP03	13	####	rs9816818	A	G	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACaP03	14	####	.	G	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.
ACaP03	14	####	.	C	A	.	PA:	NPAS3	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	14	####	rs5634662	G	A	.	PA:	PRPF39	exonic	NM_	.	syr	PRPF39
ACaP03	14	####	.	G	A	.	PA:	ERO1L	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	14	####	.	G	A	.	PA:	EML5	exonic	NM_	.	mis	EML5:N
ACaP03	14	####	.	C	A	.	PA:	HHIPL1	exonic	NM_	.	mis	HHIPL1
ACaP03	15	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACaP03	15	####	rs7780894	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP03	15	####	.	T	C	.	PA:	MGA	exonic	NM_	.	mis	MGA:NI
ACaP03	15	####	.	C	A	.	PA:	TTBK2	exonic	NM_	.	mis	TTBK2:
ACaP03	16	####	.	C	T	.	PA:	SLC9A5	exonic	NM_	.	syr	SLC9A5
ACaP03	17	####	.	A	T	.	PA:	CCDC42	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	17	####	rs5864828	G	C	.	PA:	FLJ36000	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP03	17	####	rs7798230	G	A	.	PA:	TTLL6	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	18	####	.	C	A	.	PA:	EPB41L3	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	19	####	rs7477304	G	A	.	PA:	CACNA1A	exonic	NM_	.	syr	CACNA
ACaP03	19	####	.	C	A	.	PA:	OR7A10	exonic	NM_	.	syr	OR7A1(
ACaP03	19	####	rs9472013	T	C	.	PA:	ZNF181	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	19	####	.	C	T	.	PA:	APLP1	exonic	NM_	.	mis	APLP1:
ACaP03	19	####	.	C	A	.	PA:	KCNN4	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	19	####	rs3718581	C	T	.	PA:	KLK11	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	19	####	rs1056285	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP03	20	####	rs5584781	T	A	.	PA:	TMC2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	20	####	rs6037279	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP03	20	####	.	G	C	.	PA:	CEP250	intronic	NM_	.	.	.
ACaP03	20	####	.	G	A	.	PA:	SLC12A5	UTR5	NM_	NM_	.	.

ACaP03	21	####	rs2013315	C	T	.	PA:	TPTE	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP03	21	####	rs2001788	G	A	.	PA:	TPTE	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP03	22	####	.	G	A	.	PA:	PKDREJ	exonic	NM_	.	mis	PKDRE	
ACaP03	X	####	.	G	T	.	PA:	IRAK1	exonic	NM_	.	sto	IRAK1:I	
ACaP03	MT	8177	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP03	MT	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP04	1	####	rs6263527	T	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP04	1	####	.	C	A	.	PA:	PODN	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP04	1	####	rs7457471	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP04	1	####	.	T	C	.	PA:	POU2F1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP04	1	####	.	C	A	.	PA:	NID1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP04	2	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP04	2	####	rs3711404	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP04	2	####	.	A	T	.	PA:	ITGA4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP04	3	####	rs7758373	T	C	.	PA:	SDHAP1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP04	4	####	.	T	A	.	PA:	MXD4	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP04	4	####	rs4694947	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP04	9	####	.	T	C	.	PA:	TRPM3	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP04	10	####	rs4070334	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP04	12	####	rs9213947	C	A	.	PA:	OSBPL8	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP04	14	####	rs1125033	G	A	.	PA:	SOS2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP04	14	####	.	A	C	.	PA:	EIF2B2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP04	15	####	rs2859043	G	A	.	PA:	GOLGA6L	exonic	NM_	.	mis	GOLGA	
ACaP04	15	####	.	G	T	.	PA:	LOC28368	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP04	18	####	.	G	A	.	PA:	NOL4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP05	1	####	.	A	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP05	1	####	rs2787778	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP05	1	####	rs2787777	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP05	2	####	rs3711404	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP05	5	####	rs1997973	G	T	.	PA:	CDH12	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP05	7	####	rs2018986	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP05	7	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP05	7	####	rs1390499	G	C	.	PA:	POLR2J3	exonic	NM_	.	mis	POLR2	
ACaP05	8	####	rs2077351	A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP05	9	####	rs1136487	C	A	.	PA:	PTGER4P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP05	9	####	rs7648362	A	G	.	PA:	PGM5P2	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP05	9	####	.	G	C	.	PA:	ZFAND5	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP05	10	####	rs1995206	C	T	.	PA:	FAM21A,F	exonic	NM_	.	mis	FAM21I	
ACaP05	11	####	rs3713518	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP05	11	####	rs8790394	A	T	.	PA:	MAPK8IP1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP05	17	####	rs1155611	C	A	.	PA:	FLJ36000	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP05	18	####	rs2018600	G	A	.	PA:	SLC35G4	exonic	NM_	.	mis	SLC35(	
ACaP05	21	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP05	21	####	rs8792017	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP05	21	####	rs1043983	A	T	.	PA:	BAGE2,BA	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP05	X	####	rs1444677	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP06	1	####	.	G	A	.	PA:	FAM41C	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP06	1	####	.	A	G	.	PA:	NPHP4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	1	####	.	C	A	.	PA:	NPHP4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	1	####	.	C	T	.	PA:	TMEM201	exonic	NM_	.	mis	TMEM2	
ACaP06	1	####	.	C	T	.	PA:	PRAMEF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	1	####	.	G	T	.	PA:	PRAMEF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	1	####	.	T	G	.	PA:	PALMD	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACaP06	1	####	rs3894786	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	

ACaP06	1	####	rs1112760	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP06	1	####	rs2017985	G	A	.	PA:	NBPF20	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	1	####	rs3713084	T	C	.	PA:	NBPF20,N	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	1	####	rs8799710	G	C	.	PA:	NBPF8,NE	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	1	####	rs6699421	A	G	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP06	1	####	rs8799669	C	A	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP06	1	####	.	C	G	.	PA:	OTUD7B	exonic	NM_	.	mis	OTUD7	
ACaP06	1	####	.	C	G	.	PA:	C1orf189	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	1	####	rs4833528	C	T	.	PA:	RIT1	exonic	NM_	.	mis	RIT1:NI	
ACaP06	1	####	rs8940723	G	A	.	PA:	RABGAP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	1	####	rs7731705	C	T	.	PA:	CACNA1E	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	2	####	.	G	C	.	PA:	RGPD1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	2	####	rs7781962	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP06	2	####	rs2018517	G	A	.	PA:	LYG2	exonic	NM_	.	syr	LYG2:N	
ACaP06	2	####	.	A	C	.	PA:	SLC9A2	exonic	NM_	.	mis	SLC9A2	
ACaP06	2	####	rs7685255	G	A	.	PA:	EVX2	exonic	NM_	.	mis	EVX2:N	
ACaP06	2	####	rs7551300	C	T	.	PA:	CWC22	exonic	NM_	.	mis	CWC22	
ACaP06	3	####	rs6224264	A	G	.	PA:	RPSA	exonic	NM_	.	syr	RPSA:N	
ACaP06	3	####	.	C	G	.	PA:	ATP11B	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	3	####	.	G	A	.	PA:	ABCC5	exonic	NM_	.	syr	ABCC5	
ACaP06	3	####	.	G	A	.	PA:	HTR3C	exonic	NM_	.	mis	HTR3C	
ACaP06	3	####	.	T	G	.	PA:	VPS8	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	4	####	.	C	G	.	PA:	LEF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	4	####	rs5742217	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP06	4	####	rs5549088	G	A	.	PA:	VEGFC	exonic	NM_	.	mis	VEGFC	
ACaP06	5	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP06	5	####	rs3759258	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP06	5	####	.	C	T	.	PA:	PTCD2	exonic	NM_	.	mis	PTCD2	
ACaP06	5	####	.	G	C	.	PA:	ACSL6	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	5	####	.	G	A	.	PA:	LEAP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	5	####	.	C	T	.	PA:	EIF4E1B	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	5	####	.	T	G	.	PA:	UNC5A	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	6	####	rs7580301	C	T	.	PA:	MCUR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	6	####	rs7598672	G	A	.	PA:	JARID2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	6	####	.	G	A	.	PA:	ACOT13	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACaP06	6	####	.	C	A	.	PA:	HLA-G	exonic	NM_	.	mis	HLA-G:	
ACaP06	6	####	.	G	C	.	PA:	MSH5-SA	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP06	6	####	.	C	T	.	PA:	COL11A2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	6	####	.	C	T	.	PA:	DNPH1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	6	####	.	A	G	.	PA:	KHDRBS2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	6	####	.	A	T	.	PA:	LOC44115	exonic	NM_	.	mis	LOC441	
ACaP06	6	####	.	G	T	.	PA:	SYNJ2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	7	####	.	G	A	.	PA:	TMEM184	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	7	####	rs2018986	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP06	7	####	rs9803140	C	G	.	PA:	ADAM22	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	7	####	rs1208357	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP06	7	####	rs6248378	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP06	7	####	.	G	A	.	PA:	GIMAP1	exonic	NM_	.	mis	GIMAP1	
ACaP06	7	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP06	8	####	.	G	A	.	PA:	INTS9	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	8	####	rs2022368	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP06	8	####	.	T	G	.	PA:	SCRIB	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	9	####	.	G	C	.	PA:	FRMD3	exonic	NM_	.	syr	FRMD3	
ACaP06	9	####	.	C	G	.	PA:	ROR2	intronic	NM_	.	.	.	

ACaP06	9	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP06	9	####	rs7729568	G	A	.	PA:	MAN1B1	exonic	NM_	.	syr	MAN1B	
ACaP06	10	####	rs5354201	C	T	.	PA:	CXCL12	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	10	####	.	A	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACaP06	10	####	.	G	T	.	PA:	CCDC147	exonic	NM_	.	sto	CCDC1	
ACaP06	10	####	.	C	T	.	PA:	KCNK18	exonic	NM_	.	mis	KCNK1	
ACaP06	11	####	rs1474222	G	A	.	PA:	PIDD	exonic	NM_	.	syr	PIDD:N	
ACaP06	11	####	.	G	C	.	PA:	ZNF195	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACaP06	11	####	.	G	A	.	PA:	HPX	exonic	NM_	.	mis	HPX:NM	
ACaP06	11	####	.	G	A	.	PA:	CAND1.11	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP06	11	####	rs7776543	C	T	.	PA:	KCNJ11	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACaP06	11	####	rs7802181	G	A	.	PA:	TP53I11	exonic	NM_	.	syr	TP53I1	
ACaP06	11	####	.	C	G	.	PA:	DTX4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	11	####	.	C	T	.	PA:	SLC25A45	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP06	11	####	rs1009016	G	A	.	PA:	TRIM29	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	11	####	.	G	A	.	PA:	DDX25	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	12	####	.	G	C	.	PA:	NACA	exonic	NM_	.	mis	NACA:N	
ACaP06	12	####	rs8683709	T	C	.	PA:	HECTD4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	12	####	.	G	T	.	PA:	KDM2B	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	12	####	.	G	T	.	PA:	HPD	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	13	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP06	13	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP06	13	####	rs7603455	G	A	.	PA:	RNF17	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	13	####	.	G	A	.	PA:	MTMR6	exonic	NM_	.	mis	MTMR6	
ACaP06	13	####	.	A	T	.	PA:	MIR548F5	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP06	13	####	.	A	T	.	PA:	FREM2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	13	####	rs1847802	G	A	.	PA:	TBC1D4	exonic	NM_	.	sto	TBC1D4	
ACaP06	14	####	rs8674109	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP06	14	####	.	C	T	.	PA:	PRKD1	exonic	NM_	.	mis	PRKD1	
ACaP06	14	####	.	C	T	.	PA:	CFL2	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACaP06	14	####	.	C	G	.	PA:	PRPF39	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	14	####	rs7590859	C	T	.	PA:	C14orf105	exonic	NM_	.	mis	C14orf1	
ACaP06	14	####	.	G	A	.	PA:	PPP2R5E	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	14	####	rs1126070	A	G	.	PA:	ADAM21P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP06	14	####	.	C	G	.	PA:	TDRD9	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	14	####	.	C	T	.	PA:	TDRD9	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	14	####	.	C	T	.	PA:	TDRD9	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACaP06	15	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP06	15	####	.	C	A	.	PA:	THSD4	exonic	NM_	.	mis	THSD4	
ACaP06	16	####	.	G	A	.	PA:	BAIAP3	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACaP06	16	####	.	G	A	.	PA:	UNKL	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	16	####	rs7488576	G	A	.	PA:	C16orf71	exonic	NM_	.	mis	C16orf7	
ACaP06	16	####	.	G	C	.	PA:	NAGPA	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	16	####	.	G	A	.	PA:	ACSM5	exonic	NM_	.	mis	ACSM5	
ACaP06	16	####	.	G	A	.	PA:	XPO6	exonic	NM_	.	mis	XPO6:N	
ACaP06	16	####	.	C	A	.	PA:	ALDOA	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACaP06	16	####	rs7501178	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP06	16	####	rs2128450	T	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP06	16	####	rs4436803	T	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP06	16	####	rs2887500	T	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP06	16	####	.	C	A	.	PA:	HYDIN	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	16	####	.	T	C	.	PA:	ZNF276	exonic	NM_	.	mis	ZNF276	
ACaP06	17	####	.	G	C	.	PA:	KSR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP06	17	####	.	C	G	.	PA:	EFCAB5	exonic	NM_	.	mis	EFCAB	

ACaP06	17	####	.	G	A	.	PA:	GSDMB	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP06	17	####	rs1996882	G	T	.	PA:	CNP	exonic	NM_	.	mis	CNP:NM		
ACaP06	17	####	.	C	G	.	PA:	EZH1	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP06	17	####	rs1022498	A	T	.	PA:	EFTUD2	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP06	17	####	.	C	T	.	PA:	ERN1	exonic	NM_	.	mis	ERN1:N		
ACaP06	17	####	rs3720728	C	T	.	PA:	CACNG4	exonic	NM_	.	syn	CACNG		
ACaP06	17	####	.	G	A	.	PA:	FOXK2	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP06	18	####	.	G	A	.	PA:	NAPG	exonic	NM_	.	mis	NAPG:N		
ACaP06	18	####	.	C	T	.	PA:	CIDEA	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP06	18	####	.	G	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACaP06	18	####	rs7558958	C	T	.	PA:	C18orf54	exonic	NM_	.	mis	C18orf5		
ACaP06	19	####	rs9952243	G	A	.	PA:	SIPA1L3	exonic	NM_	.	mis	SIPA1L		
ACaP06	19	####	.	C	T	.	PA:	SULT2B1	exonic	NM_	.	mis	SULT2E		
ACaP06	20	####	.	G	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.		
ACaP06	20	####	.	T	G	.	PA:	BPI	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP06	21	####	rs3697472	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACaP06	21	####	rs7969899	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACaP06	21	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACaP06	21	####	.	C	G	.	PA:	TRAPPC1	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP06	22	####	rs2212142	T	G	.	PA:	POTEH	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP06	22	####	.	G	T	.	PA:	LINC0089	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACaP06	22	####	rs2015076	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACaP06	22	####	rs7611606	G	A	.	PA:	ELFN2	exonic	NM_	.	mis	ELFN2:		
ACaP06	22	####	.	T	A	.	PA:	PICK1	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP06	X	####	rs3397828	A	G	.	PA:	BCYRN1	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACaP06	X	####	.	C	T	.	PA:	CPXCR1	exonic	NM_	.	syn	CPXCR		
ACaP06	MT	215	rs8792192	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		
ACaP07	1	####	.	G	A	.	PA:	NECAP2	exonic	NM_	.	mis	NECAP		
ACaP07	1	####	rs1996890	T	C	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP07	1	####	.	C	A	.	PA:	DLGAP3	exonic	NM_	.	mis	DLGAP		
ACaP07	1	####	.	A	G	.	PA:	GNAI3	exonic	NM_	.	mis	GNAI3:		
ACaP07	1	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACaP07	1	####	rs1694653	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACaP07	1	####	rs9441133	T	G	.	PA:	NBPF9,NE	exonic	NM_	.	unk	UNKNC		
ACaP07	1	####	rs7819708	C	G	.	PA:	NBPF9,NE	exonic	NM_	.	unk	UNKNC		
ACaP07	1	####	rs2022445	T	A	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP07	1	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACaP07	1	####	.	C	T	.	PA:	ANXA9	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP07	1	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACaP07	1	####	rs1494980	T	C	.	PA:	RNASEL	exonic	NM_	.	mis	RNASE		
ACaP07	1	####	.	C	A	.	PA:	HMCN1	exonic	NM_	.	mis	HMCN1		
ACaP07	1	####	rs7630457	C	T	.	PA:	CENPF	exonic	NM_	.	mis	CENPF		
ACaP07	1	####	rs3725088	G	T	.	PA:	KIAA1804	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP07	2	####	.	T	C	.	PA:	COX7A2L	exonic	NM_	.	mis	COX7A		
ACaP07	2	####	rs6214568	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACaP07	2	####	.	C	G	.	PA:	ACOXL	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP07	2	####	rs1476846	C	T	.	PA:	ANAPC1	exonic	NM_	.	mis	ANAPC		
ACaP07	2	####	.	C	G	.	PA:	SP140L	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP07	3	####	.	G	A	.	PA:	ACKR2	UTR3	NM_	NM_	.	.		
ACaP07	3	####	.	C	A	.	PA:	CELSR3	exonic	NM_	.	mis	CELSR		
ACaP07	3	####	.	G	T	.	PA:	DPPA2	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP07	3	####	rs1428044	G	A	.	PA:	SPICE1	exonic	NM_	.	syn	SPICE1		
ACaP07	3	####	.	T	C	.	PA:	MME	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP07	4	####	rs4970287	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.		

ACaP07	4	####	.	T	C	.	PA:	PPP3CA	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACaP07	4	####	.	G	A	.	PA:	TET2	exonic	NM_	.	mis	TET2:N	
ACaP07	5	####	.	C	T	.	PA:	NIPBL	exonic	NM_	.	sto	NIPBL:I	
ACaP07	5	####	.	C	A	.	PA:	SLC4A9	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	7	####	rs9642790	C	T	.	PA:	EPDR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	7	####	rs6246184	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP07	7	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP07	7	####	.	C	T	.	PA:	LRCH4,ZA	exonic	NM_	.	mis	LRCH4:	
ACaP07	7	####	.	C	A	.	PA:	PTPRZ1	exonic	NM_	.	mis	PTPRZ	
ACaP07	7	####	rs8915428	C	T	.	PA:	SSPO	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	7	####	.	A	T	.	PA:	PAXIP1-A	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP07	8	####	.	G	A	.	PA:	INTS9	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	8	####	.	C	G	.	PA:	ZNF703	exonic	NM_	.	mis	ZNF703	
ACaP07	8	####	.	G	A	.	PA:	C8orf44-S	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	9	####	.	G	A	.	PA:	JAK2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	9	####	.	G	A	.	PA:	NDOR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	10	####	.	C	G	.	PA:	NDST2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	10	####	.	G	C	.	PA:	GRID1	exonic	NM_	.	mis	GRID1:	
ACaP07	10	####	.	G	T	.	PA:	NOLC1	exonic	NM_	.	syn	NOLC1	
ACaP07	10	####	.	G	C	.	PA:	PDCD11	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	10	####	.	G	A	.	PA:	KNDC1	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACaP07	11	####	.	C	A	.	PA:	TRIM5	exonic	NM_	.	mis	TRIM5:	
ACaP07	11	####	.	T	C	.	PA:	NLRP10	exonic	NM_	.	syn	NLRP1(	
ACaP07	11	####	.	C	T	.	PA:	DCDC5	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACaP07	11	####	.	C	T	.	PA:	TRAF6	exonic	NM_	.	mis	TRAF6:	
ACaP07	11	####	.	T	C	.	PA:	CWC15	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	11	####	rs7580622	C	T	.	PA:	DSCAML1	exonic	NM_	.	syn	DSCAM	
ACaP07	12	####	.	A	G	.	PA:	CD163	exonic	NM_	.	mis	CD163:	
ACaP07	12	####	.	G	A	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.	
ACaP07	12	####	.	C	G	.	PA:	GPD1	exonic	NM_	.	mis	GPD1:N	
ACaP07	12	####	.	C	T	.	PA:	GPR84	exonic	NM_	.	syn	GPR84:	
ACaP07	12	####	.	G	C	.	PA:	SLC26A1(	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	12	####	.	C	A	.	PA:	HCAR3	exonic	NM_	.	mis	HCAR3	
ACaP07	13	####	.	C	A	.	PA:	GPC5	exonic	NM_	.	mis	GPC5:N	
ACaP07	14	####	rs7149806	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP07	14	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP07	15	####	.	T	G	.	PA:	NDN	exonic	NM_	.	mis	NDN:NI	
ACaP07	15	####	rs1995696	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP07	15	####	.	G	T	.	PA:	FMN1	exonic	NM_	.	mis	FMN1:N	
ACaP07	15	####	.	C	G	.	PA:	GCOM1,M	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	15	####	.	C	A	.	PA:	PARP6	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	15	####	.	G	C	.	PA:	ANPEP	exonic	NM_	.	mis	ANPEP	
ACaP07	16	####	.	G	A	.	PA:	RBFOX1	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACaP07	16	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP07	17	####	.	G	C	.	PA:	MYH13	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	17	####	.	T	C	.	PA:	TBC1D3P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP07	18	####	rs8790150	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP07	19	####	rs8673654	T	C	.	PA:	ZFR2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	19	####	rs7668108	G	A	.	PA:	MAN2B1	exonic	NM_	.	syn	MAN2B	
ACaP07	19	####	rs7683037	G	A	.	PA:	CRLF1	exonic	NM_	.	mis	CRLF1:	
ACaP07	19	####	.	T	A	.	PA:	ZNF676	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP07	19	####	.	T	G	.	PA:	ZNF829	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	19	####	.	C	T	.	PA:	MAP4K1	exonic	NM_	.	syn	MAP4K	
ACaP07	19	####	.	T	G	.	PA:	SYMPK	intronic	NM_	.	.	.	

ACaP07	19	####	.	G	C	.	PA:	NAPA-AS:	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP07	19	####	.	C	G	.	PA:	TULP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	19	####	.	G	A	.	PA:	TULP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	19	####	.	A	G	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACaP07	19	####	.	G	A	.	PA:	NLRP9	exonic	NM_	.	syr	NLRP9:	
ACaP07	20	####	.	G	C	.	PA:	IFT52	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	20	####	.	A	G	.	PA:	SALL4	exonic	NM_	.	mis	SALL4:	
ACaP07	21	####	rs1118412	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP07	21	####	.	C	A	.	PA:	ADAMTS5	exonic	NM_	.	mis	ADAMT	
ACaP07	21	####	.	C	T	.	PA:	URB1	exonic	NM_	.	mis	URB1:N	
ACaP07	22	####	rs2006656	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP07	22	####	rs9392199	G	A	.	PA:	PARVB	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	X	####	rs734038	T	G	.	PA:	KRBOX4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP07	X	####	rs1826904	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP07	X	####	.	T	A	.	PA:	OCRL	exonic	NM_	.	mis	OCRL:N	
ACaP07	X	####	.	C	T	.	PA:	GPR112	exonic	NM_	.	mis	GPR11	
ACaP07	X	####	.	C	A	.	PA:	SLITRK2	exonic	NM_	.	mis	SLITRK	
ACaP07	X	####	.	G	A	.	PA:	F8	exonic	NM_	.	mis	F8:NM_	
ACaP07	MT	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP07	MT	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP08	1	####	rs1810443	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP08	1	####	rs3698413	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP08	1	####	rs3774960	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP08	1	####	rs2596327	T	A	.	PA:	NBPF9,SE	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	1	####	rs2020368	T	A	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	1	####	.	C	A	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP08	2	####	.	G	C	.	PA:	DNAH6	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	2	####	rs2647769	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP08	2	####	.	C	T	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.	
ACaP08	2	####	.	C	A	.	PA:	FBLN7	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	2	####	.	C	G	.	PA:	FBLN7	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	2	####	rs6216494	T	A	.	PA:	POTEJ	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	3	####	.	G	T	.	PA:	TFDP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	4	####	.	C	A	.	PA:	CYTL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	4	####	rs1429725	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP08	5	####	rs2871612	T	C	.	PA:	GUSBP1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP08	7	####	rs6246206	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP08	7	####	rs3680944	T	C	.	PA:	CCT6P1,L	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP08	8	####	rs1499905	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP08	10	####	.	T	A	.	PA:	CDH23	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	10	####	rs7710236	G	A	.	PA:	C10orf11	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	10	####	rs1788433	A	G	.	PA:	SFTPA2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	10	####	.	T	G	.	PA:	DMBT1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	11	####	.	T	A	.	PA:	PKNOX2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	12	####	rs1063873	T	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP08	14	####	rs4247513	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP08	14	####	rs7445485	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP08	14	####	rs8678279	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP08	14	####	.	A	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP08	17	####	rs3930170	G	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACaP08	17	####	rs3894278	A	T	.	PA:	MYCBPAF	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP08	21	####	rs1963041	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP08	22	####	rs3716554	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP08	22	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	

ACaP08	X	####	rs7819787	C	A	.	PA:	CT45A1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP09	1	####	.	T	G	.	PA:	ATAD3A	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	1	####	rs453347	G	C	.	PA:	NBPF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	1	####	.	G	T	.	PA:	BTBD19	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	1	####	rs1812127	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP09	1	####	.	C	G	.	PA:	NOTCH2N	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	1	####	rs8799607	G	T	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP09	1	####	rs1451754	C	A	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	1	####	rs2003945	G	T	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	1	####	rs7970322	T	G	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	1	####	.	G	T	.	PA:	NUCKS1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	2	####	rs1996199	C	T	.	PA:	NEU4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	3	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP09	3	####	rs1873413	C	T	.	PA:	PRKCI	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	3	####	rs3723871	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP09	3	####	.	T	C	.	PA:	MUC20	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	3	####	rs2006820	G	A	.	PA:	SDHAP1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP09	4	####	.	T	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACaP09	5	####	.	C	A	.	PA:	CAMLG	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP09	6	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP09	6	####	rs7746421	C	G	.	PA:	LPA	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	6	####	rs3759780	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP09	7	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP09	7	####	.	T	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP09	7	####	.	T	G	.	PA:	AUTS2	exonic	NM_	.	mis	AUTS2:	
ACaP09	9	####	rs2803685	G	T	.	PA:	FAM27C	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP09	10	####	rs1996770	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP09	10	####	rs1456597	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP09	11	####	.	A	C	.	PA:	HPX	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	11	####	.	T	C	.	PA:	SLC43A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	12	####	rs3718339	T	G	.	PA:	LOC1002	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP09	12	####	rs3767721	C	T	.	PA:	LOC1002	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP09	12	####	rs5604999	A	T	.	PA:	XPOT	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	14	####	rs7755744	G	A	.	PA:	POTEG	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	14	####	rs1018908	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP09	15	####	.	G	A	.	PA:	GOLGA8E	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP09	15	####	rs7568595	T	C	.	PA:	AQR	exonic	NM_	.	syr	AQR:NI	
ACaP09	16	####	rs3739171	C	T	.	PA:	SMG1P1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP09	16	####	rs7137409	G	A	.	PA:	CES1P1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP09	17	####	rs7124761	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP09	17	####	rs6149181	G	T	.	PA:	FLJ36000	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP09	17	####	rs2870408	T	C	.	PA:	USP32	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	17	####	rs2848380	C	T	.	PA:	USP32	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	17	####	.	G	C	.	PA:	STRA13	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	18	####	.	C	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACaP09	19	####	.	A	G	.	PA:	MUC16	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP09	21	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP09	22	####	.	A	T	.	PA:	FAM230B	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP09	22	####	rs3609392	C	T	.	PA:	CYP2D7P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP09	X	####	.	C	A	.	PA:	FAAH2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP10	1	####	rs7558529	C	T	.	PA:	MXRA8	exonic	NM_	.	mis	MXRA8	
ACaP10	1	####	.	C	T	.	PA:	ATAD3B	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP10	1	####	.	G	C	.	PA:	CLSPN	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP10	1	####	.	G	C	.	PA:	AGO4	intronic	NM_	.	.	.	

ACaP1C	1	####	.	C	T	.	PA:	EPHA10	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	1	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP1C	1	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP1C	1	####	.	C	T	.	PA:	15-Sep	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACaP1C	1	####	.	C	T	.	PA:	LRRC8B	exonic	NM_	.	sto	LRRC8	
ACaP1C	1	####	rs1430207	T	C	.	PA:	SYCP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	1	####	.	G	A	.	PA:	NOTCH2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	1	####	rs1996428	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP1C	1	####	.	G	C	.	PA:	NBPF9,NC	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	1	####	rs3755029	A	T	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP1C	1	####	rs2849511	G	A	.	PA:	LINC0113	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP1C	1	####	rs7824596	A	C	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	1	####	rs3765099	T	G	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	1	####	rs9099303	C	T	.	PA:	TCHH	exonic	NM_	.	mis	TCHH:N	
ACaP1C	1	####	.	G	C	.	PA:	ATP8B2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	1	####	.	G	A	.	PA:	RASAL2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	1	####	.	A	G	.	PA:	PLEKHA6	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	1	####	.	C	T	.	PA:	C4BPB	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	2	####	.	G	T	.	PA:	TTN	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACaP1C	2	####	.	G	C	.	PA:	TNS1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	3	####	rs7793139	G	A	.	PA:	ITPR1	exonic	NM_	.	mis	ITPR1:N	
ACaP1C	3	####	.	C	T	.	PA:	RAD18	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	3	####	.	G	C	.	PA:	FBLN2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	3	####	.	C	T	.	PA:	STAB1	exonic	NM_	.	mis	STAB1:	
ACaP1C	4	####	rs7785731	C	T	.	PA:	NELFA	exonic	NM_	.	syr	NELFA:	
ACaP1C	4	####	rs7749410	G	A	.	PA:	SPP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	5	####	rs2382048	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP1C	5	####	rs7817278	C	G	.	PA:	DHFR	exonic	NM_	.	mis	DHFR:N	
ACaP1C	5	####	.	A	G	.	PA:	COMMD1(	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACaP1C	5	####	rs1140023	G	A	.	PA:	ZNF474	exonic	NM_	.	mis	ZNF474	
ACaP1C	5	####	.	C	T	.	PA:	SLC36A3	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	5	####	.	G	A	.	PA:	GABRB2	exonic	NM_	.	sto	GABRB	
ACaP1C	6	####	.	G	C	.	PA:	WRNIP1	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACaP1C	6	####	.	C	T	.	PA:	SLC44A4	exonic	NM_	.	mis	SLC44A	
ACaP1C	6	####	.	T	C	.	PA:	TNFRSF2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	6	####	rs9907394	C	T	.	PA:	LAMA2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	6	####	.	G	A	.	PA:	ARID1B	exonic	NM_	.	mis	ARID1E	
ACaP1C	6	####	.	G	A	.	PA:	MLLT4	exonic	NM_	.	mis	MLLT4:	
ACaP1C	6	####	.	G	A	.	PA:	TBP	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	7	####	.	C	G	.	PA:	TTYH3	exonic	NM_	.	mis	TTYH3:	
ACaP1C	7	####	.	C	G	.	PA:	PMS2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	7	####	rs7468373	T	C	.	PA:	ISPD	exonic	NM_	.	syr	ISPD:N	
ACaP1C	7	####	.	A	T	.	PA:	HECW1	exonic	NM_	.	mis	HECW1	
ACaP1C	7	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACaP1C	7	####	rs5705914	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP1C	7	####	rs1481871	C	T	.	PA:	GIMAP6	exonic	NM_	.	mis	GIMAP(	
ACaP1C	8	####	rs7588073	G	A	.	PA:	DLGAP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	8	####	rs7479925	G	A	.	PA:	BLK	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	8	####	.	T	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP1C	8	####	rs5327262	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP1C	8	####	rs5696070	G	A	.	PA:	CYC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP1C	9	####	rs3682437	G	A	.	PA:	GNA14	exonic	NM_	.	mis	GNA14:	
ACaP1C	9	####	rs3746457	G	A	.	PA:	OR13C3	exonic	NM_	.	syr	OR13C	
ACaP1C	9	####	rs7528554	G	A	.	PA:	ZER1	intronic	NM_	.	.	.	

ACaP10	9	####	rs5640471	G	A	.	PA:	PHPT1	exonic	NM_	.	mis	PHPT1:		
ACaP10	9	####	rs5505690	C	T	.	PA:	CACNA1E	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	10	####	.	G	A	.	PA:	RBM20	exonic	NM_	.	mis	RBM20		
ACaP10	11	####	rs7615769	A	T	.	PA:	METTL15	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	11	####	.	C	T	.	PA:	DCDC5	exonic	NM_	.	syr	DCDC5		
ACaP10	11	####	rs7817387	C	G	.	PA:	DGKZ	exonic	NM_	.	syr	DGKZ:N		
ACaP10	11	####	.	T	C	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.		
ACaP10	11	####	rs7525419	G	A	.	PA:	C11orf84	exonic	NM_	.	mis	C11orf8		
ACaP10	11	####	.	G	C	.	PA:	CAPN1	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	11	####	.	G	A	.	PA:	GLB1L2	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	12	####	.	C	G	.	PA:	RASAL1	exonic	NM_	.	mis	RASAL		
ACaP10	12	####	rs1409770	G	A	.	PA:	WDR66	exonic	NM_	.	mis	WDR66		
ACaP10	13	####	.	T	C	.	PA:	ALG5	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	13	####	.	G	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.		
ACaP10	14	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACaP10	14	####	.	C	A	.	PA:	NID2	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	14	####	.	A	C	.	PA:	ZFYVE26	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	14	####	.	C	T	.	PA:	ZNF410	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	14	####	.	C	T	.	PA:	ZNF410	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	16	####	rs7663922	C	T	.	PA:	ITFG3	exonic	NM_	.	mis	ITFG3:N		
ACaP10	16	####	rs5750779	C	T	.	PA:	CHTF18	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	16	####	.	C	T	.	PA:	SEC14L5	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	16	####	.	T	C	.	PA:	COG7	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	16	####	rs7569695	A	G	.	PA:	RNU6-76P	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACaP10	16	####	rs7520038	G	A	.	PA:	RNU6-76P	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACaP10	17	####	.	T	C	.	PA:	ATAD5	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	17	####	rs3713755	C	T	.	PA:	CCL4	exonic	NM_	.	syr	CCL4:N		
ACaP10	17	####	rs7744485	C	T	.	PA:	KRT24	exonic	NM_	.	syr	KRT24:		
ACaP10	17	####	rs7460185	G	A	.	PA:	ACSF2	exonic	NM_	.	syr	ACSF2:		
ACaP10	17	####	rs8668152	T	G	.	PA:	CLTC	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	17	####	rs8665784	T	G	.	PA:	TBC1D3P	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACaP10	17	####	.	G	C	.	PA:	9-Sep	exonic	NM_	.	mis	SEPT9:		
ACaP10	17	####	rs1995663	G	A	.	PA:	CBX2	exonic	NM_	.	syr	CBX2:N		
ACaP10	17	####	.	G	T	.	PA:	TBCD	UTR5	NM_	NM_	.	.		
ACaP10	19	####	rs3865492	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACaP10	19	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACaP10	19	####	rs7571526	G	A	.	PA:	GRIK5	exonic	NM_	.	syr	GRIK5:I		
ACaP10	19	####	rs7565559	G	A	.	PA:	APOC4	exonic	NM_	.	syr	APOC4		
ACaP10	20	####	.	G	A	.	PA:	SIRPB1	exonic	NM_	.	syr	SIRPB1		
ACaP10	20	####	.	C	T	.	PA:	COX4I2	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	20	####	rs3774092	G	A	.	PA:	MROH8	exonic	NM_	.	unl	UNKNC		
ACaP10	21	####	.	C	A	.	PA:	COL18A1-	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACaP10	22	####	rs6197100	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACaP10	22	####	.	A	G	.	PA:	FAM230B	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACaP10	22	####	rs5662423	G	C	.	PA:	POM121L	ncRNA_	NR_	.	.	.		
ACaP10	22	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.		
ACaP10	22	####	rs1007675	G	A	.	PA:	KIAA0930	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	X	####	.	G	C	.	PA:	HDAC6	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	X	####	.	G	A	.	PA:	GPKOW	intronic	NM_	.	.	.		
ACaP10	X	####	rs7970448	C	T	.	PA:	CLCN5	exonic	NM_	.	sto	CLCN5:		
ACaP10	X	####	.	A	G	.	PA:	ITIH6	exonic	NM_	.	mis	ITIH6:N		
ACaP10	X	####	.	C	T	.	PA:	CSAG1	UTR5	NM_	NM_	.	.		
ACaP11	1	####	rs4634900	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.		
ACaP11	1	####	.	G	A	.	PA:	CSMD2	intronic	NM_	.	.	.		

ACaP11	1	####	rs7450506	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP11	1	####	rs2016919	T	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP11	1	####	.	A	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP11	1	####	rs8662584	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP11	1	####	rs4143495	G	A	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP11	1	####	rs6181077	C	T	.	PA:	NBPF8	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	1	####	.	G	T	.	PA:	CD1D	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACaP11	1	####	rs2003501	G	A	.	PA:	SLC26A9	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	2	####	.	G	A	.	PA:	USP34	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	2	####	rs1834895	C	T	.	PA:	DYSF	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	2	####	rs2009908	C	T	.	PA:	DYSF	exonic	NM_	.	mis	DYSF:N	
ACaP11	2	####	.	G	C	.	PA:	WBP1	exonic	NM_	.	mis	WBP1:I	
ACaP11	2	####	rs9528	T	C	.	PA:	TMEM131	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	2	####	.	A	G	.	PA:	EPC2	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP11	2	####	rs3739748	G	A	.	PA:	GPC1	exonic	NM_	.	mis	GPC1:N	
ACaP11	3	####	rs5683253	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP11	3	####	rs1474450	C	T	.	PA:	SEMA3F	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	3	####	rs2004359	G	A	.	PA:	ABHD14A	exonic	NM_	.	mis	ABHD1	
ACaP11	3	####	.	C	T	.	PA:	ARHGAP3	exonic	NM_	.	sto	ARHGA	
ACaP11	4	####	.	T	G	.	PA:	LRPAP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	4	####	.	T	C	.	PA:	JAKMIP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	4	####	.	G	A	.	PA:	SH3TC1	exonic	NM_	.	syr	SH3TC	
ACaP11	4	####	.	G	A	.	PA:	LIMCH1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	4	####	rs2932367	A	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP11	4	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP11	4	####	.	G	A	.	PA:	USP46	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	4	####	rs7669673	C	T	.	PA:	GK2	exonic	NM_	.	syr	GK2:NM	
ACaP11	5	####	.	C	T	.	PA:	ERCC8	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	5	####	.	C	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACaP11	5	####	.	G	A	.	PA:	SLCO4C1	exonic	NM_	.	mis	SLCO4	
ACaP11	5	####	.	G	A	.	PA:	YIPF5	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP11	5	####	rs5319092	G	A	.	PA:	ABLIM3	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP11	6	####	rs5661365	A	T	.	PA:	SYCP2L	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	6	####	.	C	T	.	PA:	HLA-G	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	6	####	.	C	A	.	PA:	TNXB	exonic	NM_	.	syr	TNXB:N	
ACaP11	7	####	rs1814105	G	A	.	PA:	INTS1	exonic	NM_	.	syr	INTS1:N	
ACaP11	7	####	rs7827655	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP11	7	####	rs1484992	G	A	.	PA:	RUNDC3E	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	7	####	rs5523938	A	T	.	PA:	EPHB4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	7	####	.	G	T	.	PA:	DGKI	exonic	NM_	.	syr	DGKI:N	
ACaP11	7	####	rs3737114	G	A	.	PA:	DGKI	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	7	####	.	C	T	.	PA:	OR2A25	exonic	NM_	.	syr	OR2A2	
ACaP11	8	####	rs9982298	G	A	.	PA:	SNTG1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	8	####	.	C	T	.	PA:	OTUD6B	exonic	NM_	.	mis	OTUD6	
ACaP11	9	####	.	G	A	.	PA:	GLIS3	exonic	NM_	.	mis	GLIS3:N	
ACaP11	9	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP11	9	####	rs9330412	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP11	9	####	.	G	A	.	PA:	C9orf89	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	9	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP11	9	####	rs9459874	G	A	.	PA:	GPSM1	exonic	NM_	.	mis	GPSM1	
ACaP11	9	####	rs9494422	C	T	.	PA:	CACNA1E	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	10	####	.	C	G	.	PA:	GPR158	exonic	NM_	.	mis	GPR15	
ACaP11	10	####	.	T	A	.	PA:	ZNF33A	exonic	NM_	.	mis	ZNF33A	
ACaP11	10	####	rs2996811	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	

ACaP11	10	####	.	G	C	.	PA:	AGAP6	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	10	####	.	G	C	.	PA:	ENTPD1-A	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP11	10	####	rs7792060	G	A	.	PA:	PI4K2A	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	11	####	.	T	A	.	PA:	PARVA	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	11	####	.	C	A	.	PA:	ATM	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	11	####	.	T	G	.	PA:	HYOU1	exonic	NM_	.	mis	HYOU1	
ACaP11	11	####	.	T	C	.	PA:	GLB1L2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	12	####	.	T	C	.	PA:	CLEC4C	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	12	####	.	G	A	.	PA:	ETV6	exonic	NM_	.	mis	ETV6:N	
ACaP11	12	####	rs1219135	C	T	.	PA:	KRAS	exonic	NM_	.	mis	KRAS:N	
ACaP11	12	####	rs3522560	G	A	.	PA:	KIF5A	exonic	NM_	.	syr	KIF5A:N	
ACaP11	12	####	.	T	A	.	PA:	KCNC2	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP11	12	####	rs5396169	G	A	.	PA:	GNN	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP11	13	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP11	14	####	.	C	T	.	PA:	CNIH1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	14	####	rs8791962	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP11	15	####	.	G	A	.	PA:	LOC72792	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP11	15	####	.	A	G	.	PA:	NDN	exonic	NM_	.	mis	NDN:NI	
ACaP11	15	####	.	C	T	.	PA:	GABRA5	exonic	NM_	.	mis	GABRA	
ACaP11	15	####	rs7831577	A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP11	15	####	rs2010114	T	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP11	16	####	.	G	A	.	PA:	ZKSCAN2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	16	####	.	T	C	.	PA:	RNU6-76P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP11	16	####	.	C	A	.	PA:	CBLN1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	16	####	rs2001829	A	C	.	PA:	PDXDC2P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP11	16	####	.	C	A	.	PA:	PLCG2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	17	####	.	C	T	.	PA:	RFFL	exonic	NM_	.	syr	RFFL:N	
ACaP11	17	####	.	C	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACaP11	17	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP11	17	####	.	C	G	.	PA:	BAHCC1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	18	####	.	T	A	.	PA:	SERPINB3	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	19	####	rs8673654	T	C	.	PA:	ZFR2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	19	####	.	A	T	.	PA:	FLJ22184	exonic	NM_	.	unl	UNKNC	
ACaP11	19	####	rs7680686	C	T	.	PA:	DOCK6	exonic	NM_	.	mis	DOCK6	
ACaP11	19	####	.	A	T	.	PA:	LRFN3	exonic	NM_	.	mis	LRFN3:	
ACaP11	19	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP11	19	####	.	C	T	.	PA:	ZNF225	exonic	NM_	.	syr	ZNF22	
ACaP11	19	####	.	G	A	.	PA:	LILRA5	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	19	####	.	G	A	.	PA:	NLRP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	19	####	rs7705940	G	A	.	PA:	ZNF814	exonic	NM_	.	syr	ZNF81	
ACaP11	20	####	.	G	A	.	PA:	STK35	exonic	NM_	.	mis	STK35:	
ACaP11	20	####	rs2002254	G	A	.	PA:	CST11	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	20	####	.	G	T	.	PA:	FAM83D	exonic	NM_	.	mis	FAM83I	
ACaP11	20	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP11	21	####	.	T	G	.	PA:	NCAM2	exonic	NM_	.	mis	NCAM2	
ACaP11	22	####	.	G	A	.	PA:	SYN3	exonic	NM_	.	syr	SYN3:N	
ACaP11	X	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP11	X	####	.	G	A	.	PA:	ARMCX2	exonic	NM_	.	syr	ARMCX	
ACaP11	X	####	.	C	T	.	PA:	TEX13A	exonic	NM_	.	mis	TEX13A	
ACaP11	X	####	rs7533837	C	T	.	PA:	NRK	exonic	NM_	.	syr	NRK:NI	
ACaP11	X	####	.	C	T	.	PA:	SH2D1A	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	X	####	rs7767123	C	T	.	PA:	MAP7D3	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP11	X	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP11	X	####	rs3981235	G	A	.	PA:	G6PD	exonic	NM_	.	mis	G6PD:N	

ACaP11	MT	####	.	A	G	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP12	1	####	.	C	T	.	PA:	PGD	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	1	####	rs1015792	T	C	.	PA:	CROCCP2	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP12	1	####	.	C	T	.	PA:	TAS1R2	exonic	NM_	.	syr	TAS1R2	
ACaP12	1	####	rs1453424	G	A	.	PA:	RAP1GAF	exonic	NM_	.	mis	RAP1G	
ACaP12	1	####	.	G	T	.	PA:	BTBD8	exonic	NM_	.	sto	BTBD8:	
ACaP12	1	####	rs7704066	T	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP12	1	####	rs1415172	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP12	1	####	rs1256214	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP12	1	####	rs3721624	C	T	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP12	1	####	rs5876752	C	T	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP12	1	####	.	A	G	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP12	1	####	rs3730063	C	T	.	PA:	CA14	exonic	NM_	.	syr	CA14:N	
ACaP12	1	####	.	G	C	.	PA:	NCF2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	1	####	.	C	G	.	PA:	KCNH1	exonic	NM_	.	mis	KCNH1	
ACaP12	2	####	.	G	A	.	PA:	KCNK12	exonic	NM_	.	mis	KCNK1	
ACaP12	2	####	rs7540104	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP12	2	####	.	G	A	.	PA:	GALNT13	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	2	####	.	C	A	.	PA:	MIR548N	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP12	2	####	.	G	T	.	PA:	HSPD1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	2	####	rs9825331	G	A	.	PA:	SH3BP4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	3	####	.	A	G	.	PA:	SUMF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	3	####	rs1309395	A	G	.	PA:	BHLHE40	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP12	3	####	.	A	C	.	PA:	CMTM7	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	3	####	rs3710999	G	A	.	PA:	GORASP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	3	####	.	G	T	.	PA:	EIF1B-AS	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP12	3	####	.	G	A	.	PA:	QRICH1	exonic	NM_	.	mis	QRICH:	
ACaP12	3	####	.	G	A	.	PA:	BSN	exonic	NM_	.	syr	BSN:NM	
ACaP12	3	####	.	G	T	.	PA:	BSN	exonic	NM_	.	mis	BSN:NM	
ACaP12	3	####	.	C	T	.	PA:	CACNA2D	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	3	####	.	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP12	3	####	rs5729372	T	C	.	PA:	ALDH1L1-	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP12	4	####	rs4970287	C	T	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.	
ACaP12	4	####	rs1456513	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP12	4	####	.	G	A	.	PA:	AFF1	exonic	NM_	.	mis	AFF1:N	
ACaP12	4	####	.	A	G	.	PA:	SNHG8	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP12	4	####	rs3727861	C	T	.	PA:	FAT4	exonic	NM_	.	mis	FAT4:N	
ACaP12	4	####	.	C	T	.	PA:	GALNT7	exonic	NM_	.	mis	GALNT	
ACaP12	4	####	.	A	G	.	PA:	TRIML2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	5	####	.	G	C	.	PA:	ABLIM3	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP12	5	####	.	C	A	.	PA:	HAVCR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	6	####	.	C	G	.	PA:	MOG	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP12	6	####	.	C	G	.	PA:	DNAH8	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	6	####	rs9010911	C	T	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACaP12	6	####	.	A	T	.	PA:	CEP85L	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	7	####	rs1544467	G	C	.	PA:	ZNF890P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP12	7	####	.	G	C	.	PA:	USP42	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	7	####	.	C	G	.	PA:	STK31	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	7	####	.	C	A	.	PA:	HOXA10-I	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP12	7	####	.	T	C	.	PA:	TBRG4	exonic	NM_	.	mis	TBRG4	
ACaP12	7	####	rs1929995	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP12	7	####	.	T	G	.	PA:	TYW1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	7	####	.	G	A	.	PA:	HIP1	exonic	NM_	.	syr	HIP1:NI	
ACaP12	7	####	.	T	A	.	PA:	PON2	splicing	NM_	NM_	.	.	

ACaP12	7	####	.	G	C	.	PA:	TRRAP	exonic	NM_	.	mis	TRRAP
ACaP12	7	####	rs5753233	C	T	.	PA:	CHCHD3	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	7	####	.	G	A	.	PA:	NUP205	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	8	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.
ACaP12	8	####	.	G	C	.	PA:	LACTB2	exonic	NM_	.	mis	LACTB2
ACaP12	8	####	rs5472481	T	C	.	PA:	LOC39223	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP12	8	####	.	G	C	.	PA:	ATP6V0D2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	9	####	rs3746546	C	T	.	PA:	LINGO2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	9	####	.	C	T	.	PA:	KIAA1161	exonic	NM_	.	unk	UNKNC
ACaP12	9	####	.	C	T	.	PA:	APBA1	exonic	NM_	.	mis	APBA1:
ACaP12	9	####	.	C	T	.	PA:	PCSK5	exonic	NM_	.	mis	PCSK5:
ACaP12	9	####	rs2868900	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP12	9	####	rs3719801	C	T	.	PA:	MIR455	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP12	9	####	rs9976753	G	A	.	PA:	CARD9	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	9	####	rs3763504	C	T	.	PA:	SEC16A	exonic	NM_	.	mis	SEC16A
ACaP12	10	####	rs9266937	C	T	.	PA:	PITRM1-A	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP12	10	####	.	A	T	.	PA:	PARD3	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	10	####	.	A	G	.	PA:	SYT15	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	10	####	.	T	A	.	PA:	USP54	exonic	NM_	.	sto	USP54:
ACaP12	10	####	.	T	G	.	PA:	IDE	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	10	####	.	A	C	.	PA:	DOCK1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	11	####	.	A	C	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.
ACaP12	11	####	.	C	T	.	PA:	TPH1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	11	####	.	T	A	.	PA:	HPS5	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	11	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP12	11	####	rs3696017	C	T	.	PA:	SLC43A3	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	11	####	.	C	T	.	PA:	C11orf86	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	11	####	.	G	A	.	PA:	CWF19L2	exonic	NM_	.	sto	CWF19
ACaP12	11	####	.	G	A	.	PA:	USP2-AS1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP12	12	####	.	A	C	.	PA:	COL2A1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	12	####	.	G	C	.	PA:	DEPDC4	exonic	NM_	.	mis	DEPDC
ACaP12	12	####	rs8683709	T	C	.	PA:	HECTD4	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	12	####	.	G	A	.	PA:	MED13L	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	12	####	rs5681239	C	T	.	PA:	HNF1A	exonic	NM_	.	mis	HNF1A:
ACaP12	13	####	rs7528858	C	T	.	PA:	DOCK9	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	14	####	.	T	C	.	PA:	PRMT5	exonic	NM_	.	mis	PRMT5
ACaP12	14	####	rs1288039	A	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP12	14	####	rs5316143	G	A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.
ACaP12	15	####	.	C	G	.	PA:	NDN	exonic	NM_	.	mis	NDN:NM
ACaP12	15	####	rs7540721	C	T	.	PA:	TJP1	exonic	NM_	.	mis	TJP1:N
ACaP12	15	####	rs2015691	A	C	.	PA:	CHRFAM7	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACaP12	15	####	rs7122570	C	G	.	PA:	ULK4P1,U	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP12	15	####	.	G	A	.	PA:	NUTM1	exonic	NM_	.	syn	NUTM1
ACaP12	15	####	.	C	T	.	PA:	EIF3J-AS1	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP12	15	####	rs1869226	T	A	.	PA:	LOC64575	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP12	15	####	rs8789048	A	G	.	PA:	LOC64575	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP12	15	####	.	C	T	.	PA:	TBC1D2B	exonic	NM_	.	mis	TBC1D2
ACaP12	15	####	.	A	T	.	PA:	CPEB1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	16	####	rs7655357	C	T	.	PA:	TBL3	exonic	NM_	.	syn	TBL3:N
ACaP12	16	####	rs2015706	G	A	.	PA:	NLRC3	exonic	NM_	.	syn	NLRC3:
ACaP12	16	####	.	T	C	.	PA:	C16orf89	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	16	####	.	C	T	.	PA:	CHST4	exonic	NM_	.	syn	CHST4:
ACaP12	17	####	.	C	G	.	PA:	SMYD4	intronic	NM_	.	.	.
ACaP12	17	####	.	G	A	.	PA:	ITGAE	intronic	NM_	.	.	.

ACaP12	17	####	rs7781206	T	C	.	PA:	RPAIN	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	17	####	.	C	T	.	PA:	ANKFN1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	17	####	rs1134430	C	T	.	PA:	FDXR	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	17	####	.	G	A	.	PA:	ITGB4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	17	####	rs7648089	G	A	.	PA:	RPTOR	exonic	NM_	.	syr	RPTOR	
ACaP12	17	####	.	C	T	.	PA:	P4HB	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	17	####	rs3729739	C	T	.	PA:	CD7	exonic	NM_	.	mis	CD7:NM	
ACaP12	17	####	.	C	G	.	PA:	B3GNTL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	17	####	.	C	G	.	PA:	B3GNTL1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	18	####	.	C	T	.	PA:	ENOSF1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP12	18	####	.	C	T	.	PA:	ENOSF1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP12	18	####	.	A	C	.	PA:	ZNF24	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	19	####	rs5282381	C	T	.	PA:	NFIC	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	19	####	.	G	A	.	PA:	NFIC	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	19	####	rs9075262	G	A	.	PA:	NFIC	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	19	####	.	G	T	.	PA:	NFIC	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	19	####	.	C	A	.	PA:	ZNF561	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	19	####	.	C	T	.	PA:	ZSWIM4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	19	####	.	A	C	.	PA:	ZNF573	exonic	NM_	.	mis	ZNF573	
ACaP12	19	####	.	C	A	.	PA:	ZNF233	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	19	####	.	G	C	.	PA:	IZUMO1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	19	####	.	G	A	.	PA:	FUT1	exonic	NM_	.	sto	FUT1:N	
ACaP12	19	####	.	G	A	.	PA:	FUT1	exonic	NM_	.	mis	FUT1:N	
ACaP12	19	####	.	C	T	.	PA:	CLEC11A	exonic	NM_	.	syr	CLEC1	
ACaP12	19	####	.	C	A	.	PA:	ZNF28	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	19	####	.	C	A	.	PA:	CACNG7	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	20	####	rs7457076	C	T	.	PA:	LPIN3	exonic	NM_	.	mis	LPIN3:N	
ACaP12	21	####	.	G	A	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.	
ACaP12	21	####	rs8792017	A	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP12	21	####	.	A	C	.	PA:	TPTE	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	22	####	rs1167407	C	T	.	PA:	BCL2L13	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	22	####	rs3760330	A	G	.	PA:	DGCR6	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP12	22	####	.	C	T	.	PA:	SMTN	exonic	NM_	.	sto	SMTN:N	
ACaP12	X	####	.	C	T	.	PA:	RLIM	exonic	NM_	.	mis	RLIM:N	
ACaP12	X	####	.	G	T	.	PA:	MCF2	exonic	NM_	.	mis	MCF2:N	
ACaP12	X	####	.	T	A	.	PA:	MAGEC1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP13	1	####	rs1153096	T	C	.	PA:	ATAD3B	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	1	####	.	T	G	.	PA:	GABRD	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	1	####	.	G	A	.	PA:	RSPO1	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACaP13	1	####	rs5317072	C	T	.	PA:	CCDC17	exonic	NM_	.	syr	CCDC1	
ACaP13	1	####	.	T	A	.	PA:	ZFYVE9	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	1	####	rs7787296	C	T	.	PA:	DAB1	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACaP13	1	####	.	C	T	.	PA:	AGL	exonic	NM_	.	syr	AGL:NM	
ACaP13	1	####	rs7736232	A	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP13	1	####	rs1712174	A	C	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP13	1	####	.	C	A	.	PA:	LCE2D	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP13	1	####	.	C	T	.	PA:	UBAP2L	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	1	####	.	C	T	.	PA:	NIT1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	1	####	.	T	G	.	PA:	LAMC2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	1	####	.	G	T	.	PA:	KCNT2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	1	####	.	A	T	.	PA:	C1orf53	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACaP13	1	####	.	G	A	.	PA:	KDM5B	exonic	NM_	.	mis	KDM5B	
ACaP13	1	####	.	G	A	.	PA:	SDCCAG8	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	2	####	.	C	T	.	PA:	TRAPPC1	exonic	NM_	.	mis	TRAPP	

ACaP13	2	####	.	C	T	.	PA:	TRAPPC1	exonic	NM_	.	syr	TRAPP	
ACaP13	2	####	.	C	A	.	PA:	NBAS	exonic	NM_	.	mis	NBAS:N	
ACaP13	2	####	.	G	T	.	PA:	NLRC4	exonic	NM_	.	mis	NLRC4:	
ACaP13	2	####	.	G	A	.	PA:	ANTXR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	2	####	rs2015850	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP13	2	####	.	A	T	.	PA:	ZAP70	exonic	NM_	.	mis	ZAP70:	
ACaP13	2	####	rs2008974	G	T	.	PA:	RGPD3	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	2	####	rs7249504	G	T	.	PA:	INSIG2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	2	####	.	A	T	.	PA:	INSIG2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	2	####	.	G	A	.	PA:	TTN	exonic	NM_	.	syr	TTN:NM	
ACaP13	2	####	.	C	A	.	PA:	ICA1L	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP13	2	####	rs5520376	C	T	.	PA:	ABI2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	2	####	.	C	G	.	PA:	ABI2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	2	####	rs1816528	G	A	.	PA:	LINC0060	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP13	2	####	.	G	A	.	PA:	PRSS56	exonic	NM_	.	mis	PRSS5(	
ACaP13	3	####	.	C	G	.	PA:	KIF15	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	3	####	rs9185110	C	G	.	PA:	PTH1R	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	3	####	rs3735896	C	T	.	PA:	STAB1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	3	####	.	T	C	.	PA:	DCBLD2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	3	####	.	A	G	.	PA:	DCBLD2	exonic	NM_	.	mis	DCBLD	
ACaP13	3	####	.	T	G	.	PA:	RPL24	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	3	####	.	G	A	.	PA:	ILDR1	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP13	3	####	rs1456223	C	T	.	PA:	COL6A6	exonic	NM_	.	syr	COL6A(	
ACaP13	3	####	rs1048860	G	A	.	PA:	PIK3CA	exonic	NM_	.	mis	PIK3CA	
ACaP13	4	####	.	T	G	.	PA:	LRPAP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	4	####	rs4018318	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP13	4	####	.	C	T	.	PA:	ATP8A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	4	####	.	G	A	.	PA:	ATP8A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	4	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP13	4	####	.	G	C	.	PA:	SCOC	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	4	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP13	5	####	.	C	T	.	PA:	GUSBP1	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP13	5	####	.	G	A	.	PA:	SKIV2L2	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACaP13	5	####	.	G	A	.	PA:	PRR16	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACaP13	5	####	.	A	T	.	PA:	RAPGEF6	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	5	####	rs7735798	C	T	.	PA:	PCDHGB4	exonic	NM_	.	mis	PCDHG	
ACaP13	5	####	.	C	T	.	PA:	FGF18	exonic	NM_	.	syr	FGF18:	
ACaP13	5	####	.	G	A	.	PA:	TBC1D9B	exonic	NM_	.	sto	TBC1D	
ACaP13	5	####	rs3761176	C	T	.	PA:	BTNL9	exonic	NM_	.	mis	BTNL9:	
ACaP13	6	####	.	C	T	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACaP13	6	####	rs1419237	T	G	.	PA:	DHX16	exonic	NM_	.	mis	DHX16:	
ACaP13	6	####	rs3687466	C	T	.	PA:	LAMA4	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACaP13	6	####	.	G	A	.	PA:	RAET1G	exonic	NM_	.	syr	RAET1(	
ACaP13	6	####	.	G	A	.	PA:	OPRM1	exonic	NM_	.	syr	OPRM1	
ACaP13	6	####	rs2014763	G	A	.	PA:	TIAM2	exonic	NM_	.	mis	TIAM2:I	
ACaP13	6	####	rs3759780	G	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP13	7	####	rs7676901	A	G	.	PA:	NUDCD3	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	7	####	.	T	C	.	PA:	DDX56	exonic	NM_	.	mis	DDX56:	
ACaP13	7	####	rs6246184	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP13	7	####	rs2013722	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP13	7	####	.	C	G	.	PA:	SBDS	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	7	####	.	C	T	.	PA:	LOC54147	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP13	7	####	rs7611895	G	A	.	PA:	MUC12	exonic	NM_	.	mis	MUC12	
ACaP13	7	####	.	A	C	.	PA:	KIAA1147	intronic	NM_	.	.	.	

ACaP13	7	####	rs1419939	A	T	.	PA:	KMT2C	exonic	NM_	.	syr	KMT2C
ACaP13	7	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP13	8	####	.	G	A	.	PA:	TNKS	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	8	####	rs7484521	C	A	.	PA:	LOC72973	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP13	8	####	.	A	C	.	PA:	XPO7	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	8	####	.	T	C	.	PA:	SORBS3	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	8	####	.	G	A	.	PA:	MMP16	exonic	NM_	.	mis	MMP16
ACaP13	8	####	rs5352633	G	A	.	PA:	RIMS2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	8	####	rs5594625	A	T	.	PA:	CSMD3	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	8	####	rs3766154	C	T	.	PA:	ANXA13	exonic	NM_	.	mis	ANXA1
ACaP13	8	####	.	G	A	.	PA:	CCDC166	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	8	####	.	G	A	.	PA:	OPLAH	exonic	NM_	.	mis	OPLAH
ACaP13	9	####	.	G	T	.	PA:	PSIP1	exonic	NM_	.	syr	PSIP1:N
ACaP13	9	####	.	T	C	.	PA:	CNTLN	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	9	####	rs2803685	G	T	.	PA:	FAM27C	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP13	9	####	rs7553291	G	A	.	PA:	SPATA31(	exonic	NM_	.	syr	SPATA
ACaP13	9	####	.	A	G	.	PA:	GAPVD1	exonic	NM_	.	mis	GAPVD
ACaP13	10	####	rs1901417	G	A	.	PA:	PITRM1-A	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP13	10	####	.	G	T	.	PA:	ITGB1	exonic	NM_	.	mis	ITGB1:I
ACaP13	10	####	rs4070334	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP13	10	####	.	C	T	.	PA:	SFTPA2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	10	####	.	G	C	.	PA:	KLLN	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACaP13	10	####	.	G	A	.	PA:	ENTPD1-A	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP13	11	####	rs7488284	G	A	.	PA:	MUC6	exonic	NM_	.	syr	MUC6:N
ACaP13	11	####	.	C	T	.	PA:	USP47	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	11	####	.	G	A	.	PA:	ABCC8	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	11	####	.	T	A	.	PA:	LDHA	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	11	####	.	C	T	.	PA:	ANO3	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	11	####	rs1470918	G	T	.	PA:	METTL15	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	11	####	.	A	T	.	PA:	TMEM179	UTR3	NM_	NM_	.	.
ACaP13	11	####	.	G	A	.	PA:	C11orf95	exonic	NM_	.	mis	C11orf9
ACaP13	11	####	rs2010003	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP13	11	####	.	A	T	.	PA:	DYNC2H1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	12	####	.	G	C	.	PA:	NELL2	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACaP13	12	####	rs7761498	A	G	.	PA:	SLC4A8	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	12	####	.	G	A	.	PA:	PAN2	exonic	NM_	.	mis	PAN2:N
ACaP13	12	####	.	C	G	.	PA:	ANKS1B	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	12	####	.	G	A	.	PA:	MMAB	splicing	NM_	NM_	.	.
ACaP13	13	####	.	C	G	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.
ACaP13	13	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP13	13	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP13	14	####	rs2259899	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP13	14	####	rs7966403	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP13	14	####	rs7511166	C	T	.	PA:	MMP14	exonic	NM_	.	mis	MMP14
ACaP13	14	####	rs1127835	C	T	.	PA:	MYH6	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	14	####	.	C	A	.	PA:	RALGAPA	splicing	NM_	NM_	.	.
ACaP13	14	####	.	T	G	.	PA:	CDC42BP	exonic	NM_	.	mis	CDC42
ACaP13	15	####	rs7146667	T	C	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.
ACaP13	15	####	.	T	C	.	PA:	UBE3A	exonic	NM_	.	mis	UBE3A
ACaP13	15	####	.	G	A	.	PA:	APBA2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	15	####	.	G	A	.	PA:	BUB1B	exonic	NM_	.	mis	BUB1B
ACaP13	15	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP13	16	####	.	T	C	.	PA:	CLEC16A	intronic	NM_	.	.	.
ACaP13	16	####	.	A	T	.	PA:	XYLT1	intronic	NM_	.	.	.

ACaP13	16	####	.	C	T	.	PA:	SPN	exonic	NM_	.	mis	SPN:NM	
ACaP13	16	####	rs1450253	C	T	.	PA:	ITGAX	exonic	NM_	.	syr	ITGAX:	
ACaP13	16	####	.	C	G	.	PA:	SLC12A4	exonic	NM_	.	mis	SLC12A	
ACaP13	16	####	rs1135006	G	A	.	PA:	WWP2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	17	####	rs7673846	G	A	.	PA:	SGSM2	exonic	NM_	.	mis	SGSM2	
ACaP13	17	####	rs7606360	C	T	.	PA:	GLP2R	exonic	NM_	.	sto	GLP2R:	
ACaP13	17	####	.	G	A	.	PA:	MYH13	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	17	####	rs5549220	G	A	.	PA:	PROCA1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	17	####	.	A	G	.	PA:	GFAP	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	17	####	.	G	T	.	PA:	ABCA6	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	17	####	rs7400170	C	T	.	PA:	TBCD	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACaP13	18	####	rs7837587	T	A	.	PA:	ANKRD20	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP13	18	####	.	C	G	.	PA:	SLC14A1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	18	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACaP13	18	####	rs1466769	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP13	18	####	rs5634889	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP13	19	####	.	C	T	.	PA:	ABCA7	exonic	NM_	.	syr	ABCA7:	
ACaP13	19	####	.	G	A	.	PA:	ACTL9	exonic	NM_	.	syr	ACTL9:	
ACaP13	19	####	.	A	G	.	PA:	ZNF700	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	19	####	.	G	A	.	PA:	EMR3	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	19	####	.	C	G	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP13	19	####	.	G	A	.	PA:	.	upstrea	NR_	.	.	.	
ACaP13	19	####	.	A	C	.	PA:	ZNF492	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	19	####	.	C	T	.	PA:	NFKBID	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	19	####	rs7125437	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP13	19	####	rs1820521	G	A	.	PA:	SIGLEC7	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	20	####	.	C	T	.	PA:	OXT	exonic	NM_	.	syr	OXT:NM	
ACaP13	20	####	.	G	A	.	PA:	GFRA4	exonic	NM_	.	sto	GFRA4	
ACaP13	20	####	.	T	A	.	PA:	PLCB1	splicing	NM_	NM_	.	.	
ACaP13	20	####	.	G	A	.	PA:	GATA5	exonic	NM_	.	syr	GATA5:	
ACaP13	21	####	rs7964453	C	G	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP13	21	####	rs3735529	C	A	.	PA:	.	downstr	NM_	.	.	.	
ACaP13	21	####	rs7280383	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP13	21	####	.	G	T	.	PA:	NCAM2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	21	####	rs7738143	C	T	.	PA:	CLIC6	exonic	NM_	.	syr	CLIC6:N	
ACaP13	21	####	rs5510648	C	T	.	PA:	TRAPPC1	exonic	NM_	.	syr	TRAPP	
ACaP13	21	####	.	G	A	.	PA:	PCBP3	exonic	NM_	.	mis	PCBP3:	
ACaP13	21	####	.	G	A	.	PA:	COL6A1	exonic	NM_	.	mis	COL6A:	
ACaP13	22	####	rs1262847	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP13	22	####	rs86008	A	G	.	PA:	.	downstr	NR_	.	.	.	
ACaP13	22	####	.	C	A	.	PA:	RNF215	exonic	NM_	.	syr	RNF215	
ACaP13	X	####	.	T	C	.	PA:	CLCN4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	X	####	rs7787173	C	T	.	PA:	BEND2	exonic	NM_	.	mis	BEND2	
ACaP13	X	####	.	C	T	.	PA:	AKAP4	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	X	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP13	X	####	.	T	C	.	PA:	TEX11	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	X	####	.	C	T	.	PA:	OGT	exonic	NM_	.	mis	OGT:NI	
ACaP13	X	####	.	G	A	.	PA:	TCEAL6	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP13	X	####	.	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP13	X	####	rs9176062	C	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP13	X	####	rs9279180	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP13	X	####	.	C	T	.	PA:	IRAK1	exonic	NM_	.	mis	IRAK1:N	
ACaP14	1	####	rs3718451	G	A	.	PA:	ACTL8	exonic	NM_	.	syr	ACTL8:	
ACaP14	1	####	.	T	A	.	PA:	WDTC1	exonic	NM_	.	sto	WDTC1	

ACaP14	1	####	rs7678484	C	T	.	PA:	C1orf94	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	1	####	rs7603609	G	A	.	PA:	GJA4	exonic	NM_	.	syr	GJA4:N	
ACaP14	1	####	.	G	A	.	PA:	ST3GAL3	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	1	####	.	G	T	.	PA:	TESK2	exonic	NM_	.	mis	TESK2:	
ACaP14	1	####	.	G	C	.	PA:	ROR1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	1	####	.	G	T	.	PA:	JAK1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	1	####	.	G	A	.	PA:	AMPD2	exonic	NM_	.	mis	AMPD2	
ACaP14	1	####	rs7547967	T	G	.	PA:	PIFO	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	1	####	rs7528408	C	T	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP14	1	####	rs2009307	C	T	.	PA:	NBPF20,N	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	1	####	rs3726923	A	G	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP14	1	####	rs8799825	G	T	.	PA:	NBPF25P	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP14	1	####	.	T	G	.	PA:	PTPN7	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	1	####	rs7756172	C	T	.	PA:	OBSCN	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	2	####	rs7587514	C	T	.	PA:	TPO	exonic	NM_	.	mis	TPO:NM	
ACaP14	2	####	.	G	A	.	PA:	LRP2	UTR5	NM_	NM_	.	.	
ACaP14	2	####	.	A	C	.	PA:	MIR548N	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP14	2	####	rs1411611	C	T	.	PA:	STK17B	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	3	####	rs1156481	C	T	.	PA:	CELSR3	exonic	NM_	.	mis	CELSR	
ACaP14	3	####	.	A	G	.	PA:	SLC9C1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	3	####	.	C	A	.	PA:	PCOLCE2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	3	####	.	C	T	.	PA:	ABCC5	exonic	NM_	.	mis	ABCC5	
ACaP14	4	####	.	T	A	.	PA:	PDE6B	exonic	NM_	.	mis	PDE6B	
ACaP14	4	####	.	C	T	.	PA:	GAK	exonic	NM_	.	mis	GAK:NM	
ACaP14	4	####	rs7307061	T	C	.	PA:	ZFYVE28	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	4	####	rs8796734	A	G	.	PA:	.	upstrea	NM_	.	.	.	
ACaP14	4	####	rs7690288	C	G	.	PA:	GRID2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	4	####	.	T	G	.	PA:	RXFP1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	4	####	rs1003755	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP14	5	####	.	G	C	.	PA:	SEMA5A	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	5	####	.	G	A	.	PA:	RASGRF2	exonic	NM_	.	syr	RASGR	
ACaP14	5	####	.	G	A	.	PA:	APC	exonic	NM_	.	mis	APC:NM	
ACaP14	5	####	.	G	C	.	PA:	PCDHGB8	ncRNA_	NR_	.	.	.	
ACaP14	5	####	.	C	A	.	PA:	EBF1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	5	####	.	T	A	.	PA:	WWC1	exonic	NM_	.	syr	WWC1	
ACaP14	6	####	.	G	T	.	PA:	ZSCAN31	exonic	NM_	.	mis	ZSCAN	
ACaP14	6	####	rs7589117	C	T	.	PA:	POU5F1	exonic	NM_	.	mis	POU5F	
ACaP14	6	####	.	T	A	.	PA:	PRIM2	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	6	####	.	G	A	.	PA:	TBX18	exonic	NM_	.	mis	TBX18:	
ACaP14	6	####	rs441907	T	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.	
ACaP14	7	####	.	C	G	.	PA:	SEMA3A	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	7	####	.	G	C	.	PA:	CALCR	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	7	####	.	C	T	.	PA:	C7orf60	exonic	NM_	.	syr	C7orf60	
ACaP14	8	####	.	A	T	.	PA:	ZNF705G	exonic	NM_	.	mis	ZNF705	
ACaP14	8	####	.	T	C	.	PA:	CSMD3	exonic	NM_	.	mis	CSMD3	
ACaP14	8	####	.	T	C	.	PA:	NDRG1	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	9	####	.	G	A	.	PA:	NFIB	exonic	NM_	.	sto	NFIB:NI	
ACaP14	9	####	.	C	T	.	PA:	FKTN	exonic	NM_	.	sto	FKTN:N	
ACaP14	9	####	.	C	T	.	PA:	OR1L6	exonic	NM_	.	syr	OR1L6:	
ACaP14	10	####	.	A	C	.	PA:	SVIL	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	10	####	rs3125109	G	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.	
ACaP14	10	####	.	G	A	.	PA:	TBATA	UTR3	NM_	NM_	.	.	
ACaP14	10	####	rs7905448	T	A	.	PA:	MCU	intronic	NM_	.	.	.	
ACaP14	10	####	.	C	A	.	PA:	ANKRD1	intronic	NM_	.	.	.	

ACaP14	10	####	rs7646688	A	G	.	PA:	MXI1	exonic	NM_	.	mis	MXI1:N
ACaP14	10	####	.	G	A	.	PA:	ATRNL1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP14	11	####	.	C	T	.	PA:	DNHD1	exonic	NM_	.	mis	DNHD1
ACaP14	11	####	.	C	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP14	11	####	rs3775202	C	T	.	PA:	B3GNT6	exonic	NM_	.	unl	UNKNC
ACaP14	11	####	.	C	T	.	PA:	TRIM64	exonic	NM_	.	syr	TRIM64
ACaP14	11	####	rs7690752	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP14	11	####	rs7585846	G	A	.	PA:	SIDT2	exonic	NM_	.	mis	SIDT2:N
ACaP14	12	####	.	C	T	.	PA:	ITPR2	exonic	NM_	.	syr	ITPR2:N
ACaP14	12	####	.	T	G	.	PA:	DDN	exonic	NM_	.	mis	DDN:NM
ACaP14	12	####	.	A	G	.	PA:	PPP1R1A	intronic	NM_	.	.	.
ACaP14	13	####	.	C	T	.	PA:	CDX2	exonic	NM_	.	mis	CDX2:N
ACaP14	14	####	rs2259899	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP14	14	####	rs2014187	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP14	14	####	.	G	A	.	PA:	ZFP36L1	exonic	NM_	.	mis	ZFP36L
ACaP14	15	####	.	C	G	.	PA:	UNC13C	exonic	NM_	.	mis	UNC13
ACaP14	16	####	rs7764738	C	T	.	PA:	CACNA1H	exonic	NM_	.	mis	CACNA
ACaP14	16	####	.	G	C	.	PA:	ERN2	intronic	NM_	.	.	.
ACaP14	16	####	rs2013540	C	A	.	PA:	.	intergen	NR_	dist=	.	.
ACaP14	18	####	rs7502623	A	C	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP14	19	####	rs7589667	C	T	.	PA:	EMR4P	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP14	19	####	.	C	A	.	PA:	COL5A3	exonic	NM_	.	mis	COL5A3
ACaP14	19	####	.	A	T	.	PA:	MIA-RAB4	ncRNA_	NR_	.	.	.
ACaP14	19	####	.	G	T	.	PA:	CCDC61	intronic	NM_	.	.	.
ACaP14	19	####	.	G	A	.	PA:	HIF3A	intronic	NM_	.	.	.
ACaP14	19	####	rs9019919	G	A	.	PA:	SBK3	exonic	NM_	.	mis	SBK3:N
ACaP14	20	####	.	C	G	.	PA:	ANKEF1	exonic	NM_	.	mis	ANKEF
ACaP14	20	####	rs7770803	G	C	.	PA:	ANKEF1	exonic	NM_	.	mis	ANKEF
ACaP14	20	####	rs7792821	C	T	.	PA:	AAR2	exonic	NM_	.	mis	AAR2:N
ACaP14	21	####	.	G	A	.	PA:	DONSON	exonic	NM_	.	mis	DONSC
ACaP14	22	####	.	C	T	.	PA:	TBC1D10A	exonic	NM_	.	mis	TBC1D
ACaP14	X	####	.	G	A	.	PA:	EIF1AX	intronic	NM_	.	.	.
ACaP14	X	####	.	G	T	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP14	X	####	.	C	T	.	PA:	ARAF	exonic	NM_	.	syr	ARAF:N
ACaP14	X	####	.	C	A	.	PA:	PHF8	intronic	NM_	.	.	.
ACaP14	X	####	.	C	G	.	PA:	BEX1	intronic	NM_	.	.	.
ACaP14	X	####	.	C	T	.	PA:	TSC22D3	UTR5	NM_	NM_	.	.
ACaP14	X	####	.	G	C	.	PA:	DDX26B	intronic	NM_	.	.	.
ACaP14	X	####	.	C	T	.	PA:	ZIC3	exonic	NM_	.	syr	ZIC3:NM
ACaP14	X	####	.	A	G	.	PA:	F8	intronic	NM_	.	.	.
ACaP14	X	####	rs4013617	G	A	.	PA:	.	intergen	NM_	dist=	.	.
ACaP14	MT	####	.	G	A	.	PA:	.	intergen	NOI	dist=	.	.

Genecc	wgRna	cytoBand	targ	tfbs	gen	Repeat	avsnp	cosmic82	clin	gwasC	1000g2(	1000g2(	1000g2(
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	.	rs626	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	.	rs879	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.23	.	.	.	Score=273	rs201	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.22	.	Scc	.	.	rs770	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.21	.	.	Scc	.	rs757	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs643	.	.	.	.	.	.
.	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs189	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	Score=981	rs796	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p35.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	rs369	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p32.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	1p11.2	.	.	.	Score=140	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs180	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs374	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=190	rs140	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs796	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs776	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs169	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs112	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=664	rs373	.	.	.	.	0.023	0.005
ENST0	.	1q21.1	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=636	rs269	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	.	.	rs193	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs283	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs298	ID=COSN2	.	.	.	0.002	0.014
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	rs374	ID=COSM2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.3	.	.	Scc	Score=180	rs167	ID=COSN1	.	.	.	0.672	0.759
ENST0	.	1q23.3	.	.	Scc	.	rs148	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q24.2	.	Scc	.	.	rs759	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.12	.	.	.	Score=160	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q43	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q43	.	Scc	Scc	.	rs200	ID=COSM4	.	.	.	.	.
.	.	1q44	.	.	Scc	.	rs373	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	1q44	.	.	Scc	.	rs178	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	2p11.2	.	.	.	Score=240	rs346	ID=COSN1	.	.	.	0.005	0.066
.	.	2p11.1	.	.	Scc	Score=231	rs868	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.1	.	.	Scc	Score=157	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q13	.	.	Scc	Score=335	rs387	ID=COSN8	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q14.3	.	.	.	Score=130	rs103	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	2q21.1	.	.	Scc	.	rs183	ID=COSM	.	.	.	0.688	0.739
ENST0	.	2q21.1	.	.	Scc	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q22.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q33.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q33.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q34	.	.	.	.	rs781	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	rs101	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.1	.	.	.	.	rs752	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p22.2	.	.	.	.	rs145	.	Ur	.	.	.	.
ENST0	.	3p22.2	.	.	.	.	rs139	.	Ur	.	.	.	2E-04
ENST0	.	3p13	.	Scc	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q11.2	.	Scc	Scc	.	rs112	ID=COSM	.	.	.	0.001	4E-04
ENST0	.	3q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q12.3	.	.	.	.	rs754	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q13.12	.	.	.	.	rs375	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q28	.	.	.	.	.	ID=COSN6	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q29	.	.	Scc	.	rs622	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	3q29	.	.	Scc	Score=735	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	rs497	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q21.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	4q26	.	.	.	Score=124	rs376	.	.	.	.	.	.
.	.	4q28.3	.	.	Scc	Score=105	rs796	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q31.21	.	.	.	.	rs954	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q32.1	.	.	.	.	rs372	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q35.2	.	.	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.33	.	.	Scc	Score=337	rs649	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.33	.	.	Scc	Score=148	rs146	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p14.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p14.3	.	.	Scc	Score=217	rs150	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q12.3	.	.	Scc	.	rs796	ID=COSN8	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q22.1	.	.	.	.	rs760	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	.	.	.	rs764	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.2	.	.	Scc	Score=232	rs140	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.3	.	.	Scc	.	rs738	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p24.3	.	.	.	.	rs556	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	6p12.2	.	.	Scc	.	rs397	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q14.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q14.1	.	.	Scc	.	rs984	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q16.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q21	.	.	.	Score=105	rs999	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q23.2	.	.	.	.	rs755	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	6q24.3	.	.	.	.	rs774	.	.	.	.	.	.	0.038
ENST0	.	6q25.1	.	.	Scc	Score=169	rs146	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p21.1	.	.	.	Score=685	rs730	ID=COSN1	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	rs791	.	.	.	.	0.091	0.125	
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	0.045	0.016	
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	7q11.21	.	.	.	Score=133	rs431	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	rs546	.	.	.	.	0.022	0.098	
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	rs868	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.23	.	.	Scc	Score=204	rs879	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q21.3	.	.	.	.	rs768	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q22.1	.	.	Scc	.	rs372	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q31.33	.	Scc	.	.	rs780	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q32.2	.	.	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q36.1	.	.	Scc	.	rs775	ID=COSM3	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q36.1	.	Scc	Scc	.	rs149	ID=COSM1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q36.1	.	.	Scc	Score=231	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	7q36.3	.	.	.	Score=955	rs140	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
.	.	7q36.3	.	.	.	Score=955	rs148	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8p23.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8p22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8p21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8p21.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	8p11.21	.	.	.	Score=488	rs181	.	.	.	.	.	4E-04	
.	.	8p11.1	.	.	.	Score=126	rs202	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q21.13	.	.	.	.	rs183	ID=COSM6	.	.	.	.	0.001	
ENST0	.	9p13.1	.	.	Scc	.	rs132	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q12	.	.	Scc	.	rs295	.	.	.	.	.	.	
.	.	9q13	.	.	Scc	.	rs196	.	.	.	.	.	.	
.	.	9q13	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
.	.	9q13	.	.	Scc	Score=540	rs492	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q22.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	9q32	.	.	Scc	.	rs286	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q34.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q34.2	.	.	.	.	rs769	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p13	.	.	.	Score=288	rs105	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p12.1	.	.	.	.	.	ID=COSM2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p12.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p12.1	.	.	Scc	.	rs753	ID=COSM3	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p11.23	.	.	.	.	rs556	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p11.21	.	.	Scc	.	rs175	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
.	.	10p11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p11.1	.	.	Scc	.	rs149	ID=COSN2	.	.	.	.	.	

ENST0	.	10p11.1	.	.	Scc	.	rs552	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	10q11.22	.	.	Scc	.	rs782	ID=COSN2	.	.	.	.	
ENST0	.	10q11.22	.	.	.	.	rs782	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q21.3	.	.	.	.	rs181	ID=COSM4	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	10q22.1	.	.	.	.	rs185	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	10q22.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q23.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q24.1	.	.	.	.	rs900	ID=COSN2	.	.	.	.	
ENST0	.	10q25.1	.	.	.	Score=963	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q25.3	.	.	.	.	rs102	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p14.1	.	.	.	Score=228	rs761	ID=COSN2	.	.	.	.	
ENST0	.	11p12	.	.	.	Score=299	.	.	.	.	.	.	
.	.	11p11.12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q13.5	.	.	Scc	.	.	ID=COSM2	.	.	.	.	
ENST0	.	11q14.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q14.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q14.1	.	.	.	.	rs761	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q21	.	Scc	.	.	rs143	ID=COSM5	.	.	.	.	0.001
ENST0	.	11q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q24.1	.	.	.	.	rs775	ID=COSM4	.	.	.	.	
ENST0	.	11q24.2	.	.	.	.	rs251	.	.	.	.	0.164	0.155
ENST0	.	12p13.33	.	.	Scc	.	rs538	ID=COSN1	.	.	.	0.375	0.205
ENST0	.	12p13.33	.	.	Scc	.	rs879	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12p13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12p13.33	.	.	.	Score=286	rs868	ID=COSN1	.	.	.	.	
ENST0	.	12p11.21	.	.	Scc	.	rs257	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12q13.11	.	.	.	Score=333	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12q13.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12q15	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12q21.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12q23.3	.	Scc	.	.	rs104	ID=COSM5	.	.	.	.	
ENST0	.	12q24.11	.	.	.	Score=256	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12q24.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	13q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN1	.	.	.	.	
.	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs879	ID=COSN1	.	.	.	.	
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs867	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q11.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	14q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	14q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	14q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q23.2	.	.	.	.	rs773	ID=COSM4	.	.	.	.	
ENST0	.	14q32.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	14q32.33	.	.	Scc	Score=142	rs289	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q32.33	.	.	Scc	.	rs368	ID=COSN1	.	.	.	.	

.	.	14q32.33	.	.	Scc	.	rs619	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.1	.	.	Scc	Score=182	.	.	.	.	.	.	.
.	.	15q11.2	.	.	Scc	.	rs374	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	15q11.2	.	.	Scc	.	rs796	.	.	.	.	.	.
.	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	15q11.2	.	.	Scc	.	rs712	.	.	.	.	0.384	0.379
ENST0	.	15q11.2	.	.	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q12	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.1	.	.	Scc	.	rs769	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.3	.	.	Scc	.	rs865	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.1	.	.	.	Score=372	rs368	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q22.2	.	.	.	.	rs374	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.2	.	.	Scc	.	rs574	.	.	.	.	0.002	4E-04
ENST0	.	15q25.2	.	.	Scc	.	rs199	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.2	.	.	Scc	.	rs377	ID=COSM9	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.3	.	.	Scc	.	rs620	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs756	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.2	.	.	.	Score=426	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	Scc	.	.	rs746	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN2	.	.	.	.	8E-04
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=108	rs464	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=117	rs453	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=956	rs212	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs288	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs435	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs424	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=989	rs423	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs797	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs148	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs997	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs287	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs424	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs425	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=989	rs719	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs444	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs445	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=979	.	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=979	rs805	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs805	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs615	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs288	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q22.1	.	Scc	.	.	.	ID=COSM5	.	.	.	.	.
.	.	16q22.1	.	.	.	Score=136	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.

ENST0	.	16q24.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.3	.	.	.	.	rs780	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.1	.	Scc	.	.	rs368	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	17p12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p12	.	.	Scc	.	rs184	.	.	.	.	.	0.006
ENST0	.	17p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	17p11.2	.	.	Scc	Score=297	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	rs450	.	.	.	.	.	.
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	rs146	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	rs436	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	rs656	.	.	.	.	.	.
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	rs143	.	.	.	.	.	.
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q11.2	.	.	.	Score=227	rs891	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	.	Score=224	rs116	.	.	.	.	0.001	0.021
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	rs145	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	Scc	.	rs172	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q24.2	.	.	.	Score=131	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.21	.	.	Scc	.	rs537	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.21	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=106	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=123	rs712	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=123	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	Scc	Score=204	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.43	.	.	.	Score=109	rs867	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=165	rs879	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.2	.	.	Scc	.	rs866	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	21p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	Score=191	rs753	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	Score=914	rs373	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	rs200	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	rs281	ID=COSN5	.	.	.	0.103	0.24
ENST0	.	22q11.21	.	.	.	.	rs546	ID=COSM4	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	22q11.23	.	.	.	.	rs935	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.23	.	.	Scc	.	rs405	.	.	.	.	.	0.065
ENST0	.	22q11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	22q13.2	.	.	Scc	.	rs142	.	.	.	.	0.006	0.031
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	rs105	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.31	.	.	Scc	.	rs766	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xp21.3	.	.	.	Score=114	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xp11.22	.	Scc	.	.	rs782	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	rs782	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq21.32	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq22.2	.	.	.	.	rs781	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.2	.	Scc	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq27.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	.	.	.	.	.	rs878	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.22	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.21	.	.	Scc	.	rs550	ID=COSN1	.	.	.	0.003	0.002
ENST0	.	1p36.21	.	.	Scc	.	rs299	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.21	.	.	Scc	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs139	ID=COSN1	.	.	.	0.158	0.034
ENST0	.	1p36.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p32.3	.	.	.	.	rs368	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	1p31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	1q12	.	.	.	Score=545	rs201	ID=COSN1	.	.	.	0.217	0.248
.	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=308	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs201	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs372	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs377	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs879	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=277	rs464	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs879	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs766	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs782	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs200	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs618	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	1q21.2	.	.	Scc	Score=222	rs618	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.1	.	.	.	.	rs749	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.2	.	.	.	.	rs879	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	1q41	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.13	.	.	Scc	Score=498	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	1q42.13	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q43	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	2p11.2	.	.	Scc	Score=409	rs102	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.1	.	.	Scc	Score=219	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.1	.	.	Scc	Score=223	rs200	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q11.1	.	.	Scc	.	rs202	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q11.2	.	.	Scc	.	rs369	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q12.3	.	.	Scc	.	rs541	ID=COSM1	.	.	.	.	.	.	.	0.002	4E-04		
ENST0	.	2q12.3	.	.	Scc	.	rs105	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	2q13	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	2q21.1	.	.	Scc	.	rs538	.	.	.	.	.	.	.	.	0.001	2E-04		
ENST0	.	2q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	2q31.1	.	.	.	.	rs187	.	.	.	.	.	.	.	.	0.003	6E-04		
ENST0	.	2q31.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	2q33.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	2q36.3	.	.	.	.	rs150	.	Be	.	.	.	.	.	.	0.026	0.005		
ENST0	.	2q37.1	.	.	.	.	.	ID=COSM6	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	2q37.3	.	.	Scc	.	rs797	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3p26.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3p23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3p21.31	.	.	Scc	.	rs677	ID=COSM2	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3p21.31	.	.	Scc	.	rs677	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3p14.1	.	.	.	.	rs547	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q21.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q26.32	.	.	Scc	.	rs121	ID=COSM1	Pa	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q26.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q29	.	.	.	Score=234	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q29	.	.	Scc	.	rs485	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4p16.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4p16.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	4p16.1	.	.	Scc	.	rs796	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4p14	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	4p11	.	.	Scc	Score=214	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4q21.21	.	.	.	Score=219	rs370	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4q24	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4q26	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4q31.21	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSM1	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4q34.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4q35.2	.	.	.	.	rs761	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	5p15.31	.	.	Scc	.	rs868	ID=COSN8	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	5p15.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	5p15.1	.	.	Scc	Score=175	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	5p13.2	.	.	Scc	Score=142	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	5q11.1	.	.	.	Score=122	rs865	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	5q11.1	.	.	.	Score=121	rs133	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.		

.	.	5q11.1	.	.	.	Score=119	rs148	ID=COSN2	.	.	.		0.018	0.038
ENST0	.	5q12.3	.	Scc	.	Score=23;I	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	5q14.1	.	.	.	Score=789	rs141	.	.	.	.		0.425	0.237
ENST0	.	5q32	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	5q35.1	.	.	.	Score=255	rs728	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	5q35.3	.	.	.	.	rs182	.	.	.	.		.	4E-04
ENST0	.	6p21.33	.	Scc	Scc	.	rs774	ID=COSM3	.	.	.		0.027	0.026
ENST0	.	6p21.33	.	.	Scc	.	rs140	.	.	.	.		0.149	0.047
ENST0	.	6p21.2	.	.	.	Score=474	rs759	.	.	.	.		.	.
.	.	6p11.1	.	.	.	Score=118	rs492	ID=COSN1	.	.	.		.	.
ENST0	.	6q22.1	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	7p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	7p14.1	.	.	.	.	rs746	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	rs776	ID=COSM5	.	.	.		.	.
.	.	7p11.2	.	.	Scc	Score=188	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	rs142	.	.	.	.		.	.
.	.	7q11.21	.	.	.	Score=133	rs446	.	.	.	.		.	.
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.		.	.
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	rs374	.	.	.	.		.	.
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	rs867	.	.	.	.		.	.
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.		.	.
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.		.	.
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	7q11.23	.	.	Scc	Score=254	rs554	.	.	.	.		0.011	0.002
ENST0	.	7q22.1	.	.	Scc	Score=215	rs375	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	7q31.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	Score=216	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	7q36.3	.	.	.	.	rs868	ID=COSN1	.	.	.		.	.
ENST0	.	8p23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	.
.	.	8p23.1	.	.	Scc	Score=942	rs398	ID=COSN2	.	.	.		.	.
.	.	8p23.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	.	.	rs746	ID=COSM6	.	.	.		.	.
.	.	8p23.1	.	.	Scc	.	rs759	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	8p22	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	.
.	.	8q11.1	.	.	.	Score=124	.	.	.	.	.		.	.
.	.	8q11.1	.	.	.	Score=124	rs444	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	8q21.13	.	.	.	Score=261	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	8q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	9p22.1	.	.	.	.	rs535	.	.	.	.		.	6E-04
ENST0	.	9p13.2	.	.	.	.	rs562	.	.	.	.		.	2E-04
ENST0	.	9p13.1	.	Scc	Scc	.	rs141	ID=COSM5	.	.	.		.	.
ENST0	.	9p12	.	.	Scc	.	rs375	ID=COSN1	.	.	.		.	.
.	.	9p12	.	.	Scc	Score=288	rs536	.	.	.	.		0.002	4E-04
ENST0	.	9q13	.	.	Scc	.	rs779	.	.	.	.		.	.
.	.	9q13	.	.	Scc	.	rs196	.	.	.	.		.	.
ENST0	.	9q13	.	Scc	Scc	.	rs625	ID=COSN6	.	.	.		0.37	0.321
ENST0	.	9q22.2	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.		.	.
.	.	9q33.2	.	.	.	.	rs578	.	.	.	.		.	6E-04
ENST0	.	9q34.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	.

ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p13	.	.	Scc	.	rs766	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p12.31	.	.	.	Score=124	rs193	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.22	.	.	Scc	.	rs781	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.23	.	.	Scc	.	rs618	ID=COSN1	.	.	.	0.453	0.41
ENST0	.	10q22.2	.	.	Scc	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.11	.	.	.	Score=835	rs292	ID=COSN1	.	.	.	0.416	0.156
.	.	10q26.2	.	.	.	Score=422	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.3	.	.	.	.	rs102	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	rs626	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	rs149	.	.	.	.	0.004	0.021
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	Score=282	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p11.2	.	.	.	Score=153	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q12.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	rs926	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	Score=252	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.2	.	.	.	Score=23;I	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.4	.	.	.	.	rs367	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.5	.	.	.	.	rs383	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q14.1	.	.	.	Score=383	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q22.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	.	Score=223	rs144	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q24.2	.	.	.	.	rs537	.	.	.	.	.	2E-04
.	.	11q25	.	.	.	Score=240	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.33	.	.	Scc	.	rs148	ID=COSN7	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	Scc	.	rs200	ID=COSN5	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p11.23	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.3	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q21.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q23.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.11	.	.	.	Score=893	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.11	.	.	.	Score=459	rs349	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.22	.	.	.	Score=316	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q12.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q14.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	13q14.11	.	.	.	Score=105	rs377	.	.	.	.	.	.
.	.	13q22.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q33.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs225	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs753	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	14q21.3											
ENST0	14q24.2											
ENST0	14q24.3											
ENST0	14q32.2			Score=190								
ENST0	14q32.2				rs931							
ENST0	14q32.32											
ENST0	15q11.2		Scc		rs225							
ENST0	15q13.2		Scc		rs264							
ENST0	15q13.2		Scc		rs201							
ENST0	15q13.3		Scc		rs200	ID=COSN2						
ENST0	15q14	Scc										
ENST0	15q15.1	Scc										
ENST0	15q21.1			Score=444								
ENST0	15q22.2											
ENST0	15q23											
ENST0	15q24.1			Score=820								
ENST0	15q24.2		Scc			ID=COSN2						
ENST0	15q24.2		Scc		rs140	ID=COSN1						
ENST0	15q24.3			Score=216	rs878							
ENST0	15q25.2		Scc		rs287	ID=COSN1						
ENST0	15q26.1											
ENST0	15q26.3				rs772							
ENST0	15q26.3		Scc			ID=COSM4						
ENST0	16p13.11		Scc		rs776	ID=COSN2						
ENST0	16p13.11	Scc										
ENST0	16p11.2	Scc										
ENST0	16p11.2	Scc										
ENST0	16p11.2		Scc		rs211							
ENST0	16p11.2		Scc		rs112							
ENST0	16p11.2											
ENST0	16p11.1				rs554							2E-04
	16p11.1			Score=354	rs371							
	16q11.2			Score=108	rs496	ID=COSN1						
	16q11.2			Score=117	rs427	ID=COSN1						
	16q11.2			Score=117	rs434							
	16q11.2			Score=113	rs424							
	16q11.2			Score=110	rs590							
	16q11.2			Score=111	rs424							
	16q11.2			Score=111	rs718	ID=COSN2						
	16q11.2			Score=111	rs424							
	16q11.2			Score=112	rs450							
	16q11.2			Score=112	rs124							
	16q11.2				rs139	ID=COSN1						
	16q11.2				rs561							
	16q11.2			Score=114	rs496							
	16q11.2			Score=114	rs445	ID=COSN1						
	16q11.2			Score=979	rs805							
	16q11.2			Score=979	rs424							
	16q11.2			Score=979	rs805							
	16q11.2			Score=979	rs424							
	16q11.2			Score=102	rs288							
	16q11.2			Score=102	rs615							
	16q11.2			Score=102								
	16q11.2			Score=112	rs287							

.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=110	rs147	.	.	.	.	.	.	
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=110	rs867	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	16q22.2	.	.	Scc	Score=193	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	16q22.2	.	.	Scc	.	rs189	.	.	.	.	0.003	1E-03	
ENST0	.	16q22.2	.	.	Scc	.	rs129	ID=COSN2	.	.	.	0.259	0.317	
ENST0	.	16q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	16q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	16q24.3	.	.	.	.	rs769	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	16q24.3	.	.	Scc	.	rs794	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	16q24.3	.	.	Scc	.	rs369	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	16q24.3	.	.	Scc	.	rs559	ID=COSN2	.	.	.	0.752	0.533	
ENST0	.	17p13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17p13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17p13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17p13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17p12	.	.	.	.	rs980	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17p12	.	.	.	.	rs757	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	rs146	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	rs216	ID=COSN1	.	.	.	0.171	0.134	
.	.	17p11.2	.	.	Scc	Score=297	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	rs436	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	rs428	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	rs140	.	.	.	.	.	.	
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	rs140	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17q12	.	.	Scc	.	rs712	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17q12	.	.	Scc	.	rs573	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17q12	.	.	Scc	.	rs969	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17q12	.	.	Scc	Score=213	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17q22	.	.	.	Score=225	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17q23.2	.	.	Scc	.	rs751	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17q24.1	.	Scc	.	.	rs760	.	Lik	.	.	.	.	
ENST0	.	17q25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	Score=821	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	rs113	.	.	.	.	.	0.053	
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	Score=821	rs879	.	.	.	.	.	.	
.	.	18p11.32	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	18p11.21	.	.	Scc	.	rs865	ID=COSN8	.	.	.	.	.	
ENST0	.	18p11.21	.	.	Scc	.	rs867	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	19p13.3	.	.	.	.	rs375	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs546	.	.	.	.	.	2E-04	
ENST0	.	19p13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	19q13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=349	rs238	.	.	.	.	.	.	
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=123	rs712	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	19q13.2	.	.	Scc	.	rs139	.	.	.	.	0.204	0.13	
ENST0	.	19q13.41	.	.	.	.	rs771	.	.	.	.	.	.	

ENST0	.	19q13.42	.	.	Scc	.	rs178	ID=COSM5	.	.	.	0.601	0.722
.	.	19q13.42	.	.	.	.	rs920	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p12.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p11.21	.	.	.	Score=353	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p11.21	.	Scc	.	.	rs778	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p11.21	.	.	.	.	rs377	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.21	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.12	.	.	.	Score=333	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=192	rs374	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=208	rs373	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=218	rs292	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	.	rs199	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	Score=914	rs878	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	21p11.1	.	.	Scc	.	rs435	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	21q22.11	.	.	.	Score=120	rs866	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.12	.	.	.	Score=454	rs796	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	21q22.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	Scc	.	Score=208	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	rs370	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	rs111	.	.	.	.	0.134	0.078
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	rs188	.	.	.	.	0.018	0.029
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	.	ID=COSN8	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.31	.	.	Scc	.	rs163	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xp21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.1	.	.	.	.	rs774	ID=COSM2	.	.	.	.	5E-04
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	rs868	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq22.2	.	.	.	Score=193	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.3	.	.	.	.	rs988	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq27.1	.	.	.	Score=119	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq27.3	.	.	.	.	rs782	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Yq12	.	.	Scc	.	rs376	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	.	.	.	.	.	rs105	.	Ur	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	Score=162	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.32	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	1p36.22	.	.	.	.	rs757	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs556	.	.	.	.	0.002	0.001
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs761	ID=COSN1	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs663	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs646	ID=COSN1	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs459	.	.	.	.	0.247	0.192
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs229	ID=COSN2	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	rs561	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p34.1	.	.	.	Score=366	rs949	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=190	rs140	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=190	rs202	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs776	ID=COSN1	.	.	.	.	
.	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs145	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs114	ID=COSN2	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	.	.	rs374	.	.	.	.	0.051	0.114
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs367	ID=COSN1	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs798	ID=COSN2	.	.	.	.	
ENST0	.	1q22	.	.	.	.	rs759	ID=COSM4	.	.	.	.	
ENST0	.	1q23.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	rs750	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q42.12	.	.	Scc	.	rs145	ID=COSM4	.	.	.	0.216	0.128
ENST0	.	1q44	.	.	.	.	rs372	ID=COSM6	.	.	.	.	
.	.	1q44	.	.	Scc	.	rs878	ID=COSN1	.	.	.	.	
ENST0	.	2p24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2p12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2p12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2p11.2	.	Scc	Scc	.	rs201	ID=COSN1	.	.	.	.	
ENST0	.	2p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q22.1	.	.	.	Score=134	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q31.1	.	.	.	Score=407	rs147	ID=COSN2	.	.	.	.	
ENST0	.	2q31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	2q37.3	.	.	Scc	Score=225	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	Score=112	rs105	ID=COSN2	.	.	.	.	
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	Score=112	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p14.3	.	.	.	.	rs117	.	.	.	.	0.006	0.002
.	.	3p12.3	.	.	.	Score=384	rs374	ID=COSN7	.	.	.	.	
ENST0	.	3p12.3	.	.	.	Score=123	rs145	.	.	.	.	0.081	0.105
ENST0	.	3q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q22.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q26.32	.	.	.	.	rs105	ID=COSM4	Lik	.	.	.	
ENST0	.	3q26.32	.	.	Scc	.	rs104	ID=COSM7	Pa	.	.	.	
ENST0	.	3q29	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	rs372	ID=COSM5	.	.	.	.	
ENST0	.	4p16.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	

.	.	4p16.1	.	.	Scc	.	rs879	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	4p11	.	.	Scc	Score=160	rs594	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	4q32.3	.	.	.	Score=408	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	5p13.2	.	.	Scc	Score=132	rs428	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	5p13.2	.	.	Scc	Score=234	rs866	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	5q31.1	.	.	.	.	rs776	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	5q35.1	.	.	.	Score=774	rs559	ID=COSN2	.	.	.	.	.	0.391	0.381			
ENST0	.	5q35.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	6p25.2	.	.	.	Score=199	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	6p21.33	.	.	Scc	.	rs151	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	6p21.33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	6p21.31	.	.	.	.	rs766	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	6p12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	6p12.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	6q14.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7p21.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7p15.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	7p11.2	.	.	Scc	.	rs143	.	.	.	.	.	.	0.189	0.069			
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	rs879	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	rs200	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7q11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7q11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7q11.23	.	.	Scc	Score=228	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7q21.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7q21.3	.	.	.	.	rs267	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7q22.1	.	.	.	.	rs182	.	.	.	.	.	.	.	0.008			
ENST0	.	7q31.2	.	.	.	Score=221	rs140	.	.	.	.	.	.	.	0.005			
ENST0	.	7q35	.	Scc	.	Score=195	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	7q36.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	7q36.3	.	.	.	Score=119	rs796	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	8p23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	8p23.1	.	.	Scc	.	rs376	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	8p23.1	.	.	Scc	.	rs567	.	.	.	.	.	.	0.203	0.148			
ENST0	.	8p22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	8q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	8q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	8q24.22	.	.	.	Score=241	rs560	ID=COSN1	.	.	.	.	.	0.027	0.039			
ENST0	.	9p21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	9p13.3	.	.	.	Score=201	rs146	ID=COSN2	.	.	.	.	.	0.003	6E-04			
.	.	9p11.2	.	.	Scc	Score=748	rs749	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	9q13	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	9q13	.	.	Scc	.	rs771	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	9q13	.	.	Scc	Score=540	rs445	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	9q13	.	.	Scc	Score=540	rs749	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	9q21.11	.	.	Scc	.	rs391	.	.	.	.	.	.	0.32	0.371			

.	.	9q21.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q34.2	.	.	Scc	Score=290	rs285	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs777	.	Lik	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p12.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p11.21	.	.	.	.	rs774	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p11.21	.	.	Scc	.	rs175	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	10q11.22	.	.	Scc	.	rs312	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q22.1	.	.	.	Score=350	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q22.2	.	Scc	.	.	rs201	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q23.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q23.2	.	.	Scc	.	rs312	.	.	.	.	.	.	.	.	0.524	0.433		
ENST0	.	10q24.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q26.11	.	.	.	Score=209	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q26.13	.	Scc	.	.	rs549	.	.	.	.	.	.	.	.	0.001	4E-04		
ENST0	.	10q26.13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q13.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q14.3	.	.	Scc	Score=351	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12p13.33	.	.	Scc	.	rs782	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12p13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12p13.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12p13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12p13.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12p12.1	.	Scc	.	.	rs121	ID=COSM5	Pa	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12p11.23	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12p11.21	.	.	Scc	.	rs403	ID=COSM5	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12q12	.	.	.	.	rs566	ID=COSM6	.	.	.	.	.	.	.	.	0.001		
ENST0	.	12q13.12	.	.	.	.	rs981	ID=COSM1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12q13.2	.	.	.	.	rs140	.	.	.	.	.	.	.	.	0.006	0.001		
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	12q24.33	.	.	.	Score=112	rs170	.	.	.	.	.	.	.	.	0.268	0.22		
ENST0	.	12q24.33	.	.	.	.	rs766	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	13q12.11	.	.	Scc	.	rs907	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	13q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	13q12.2	.	Scc	.	.	rs766	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	13q13.3	.	.	.	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	13q34	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs498	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	14q11.2	.	.	Scc	Score=180	rs200	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	Score=384	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs376	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	rs759	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	14q32.33	.	.	Scc	Score=132	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q32.33	.	.	Scc	.	rs747	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	15q11.1	.	.	Scc	.	rs568	.	.	.	.	.	.	.	.	0.001	2E-04		
ENST0	.	15q11.1	.	.	Scc	Score=203	rs576	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	15q11.2	.	.	Scc	Score=749	rs368	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	Score=278	rs113	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	

ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	rs199	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	rs183	.	.	.	.	.	.
.	.	15q11.2	.	.	Scc	Score=275	rs370	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	rs376	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.1	.	Scc	.	Score=21;I	rs557	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	15q15.1	.	.	.	Score=789	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q24.1	.	.	Scc	.	rs744	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs288	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=108	rs496	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=108	rs435	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=117	rs424	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=117	rs437	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=117	rs439	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=117	rs424	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs496	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs720	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs782	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs424	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs718	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs997	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs424	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs782	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	.	rs139	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs409	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs409	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs445	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs613	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=979	rs434	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=979	rs445	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs718	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q22.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q22.1	.	.	Scc	.	rs200	ID=COSM2	no	.	.	.	.
ENST0	.	16q22.1	.	Scc	.	Score=217	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q24.3	.	.	.	Score=277	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.3	.	.	.	Score=214	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	rs144	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	rs436	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	17q12	.	.	Scc	.	rs140	ID=COSN1	.	.	.	0.223	0.344
.	.	17q12	.	.	Scc	.	rs373	.	.	.	.	0.212	0.177
ENST0	.	17q12	.	.	Scc	.	.	ID=COSM9	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	Scc	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.1	.	.	.	Score=324	rs867	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	17q21.31	.	.	.	Score=876	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	.	Score=200	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q24.2	.	.	.	.	rs765	ID=COSM2	.	.	.	.	.

ENST0	.	17q25.1	.	.	.	.	rs775	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	rs540	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs757	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19p13.2	.	.	Scc	Score=182	rs149	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.11	.	.	.	Score=624	rs199	ID=COSN6	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=123	rs376	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=123	rs712	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	Score=21;I	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	Score=160	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	Scc	.	rs621	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	Score=219	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	Scc	.	rs549	.	.	.	.	.	2E-04
.	.	19q13.42	.	.	.	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	rs760	ID=COSM2	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	Scc	.	rs770	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.21	.	.	Scc	.	rs956	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=333	rs377	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	.	rs918	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	21p11.1	.	.	Scc	.	rs926	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.1	.	.	Scc	Score=195	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.12	.	.	.	Score=454	rs796	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	rs201	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	.	.	rs754	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.1	.	.	.	.	rs571	.	.	.	0.005	1E-03	
ENST0	.	22q12.2	.	.	Scc	.	rs185	ID=COSN1	.	.	0.016	0.03	
ENST0	.	22q12.3	.	Scc	.	.	rs371	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xp22.33	.	.	Scc	Score=187	rs664	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.2	.	.	.	Score=456	rs201	.	.	.	0.028	0.034	
ENST0	.	Xp22.2	.	.	.	.	.	ID=COSM2	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.4	.	.	.	.	rs745	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	rs782	ID=COSM3	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.	.

.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	rs775	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.2	.	.	.	.	rs248	ID=COSN1	.	.	.	0.005	0.048
ENST0	.	Xq23	.	.	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq24	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq25	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq27.1	.	.	.	.	rs101	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	Scc	.	rs780	ID=COSM5	.	.	.	.	.
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	.	.	.	.	.	rs386	.	.	.	.	.	.
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	Scc	.	.	rs746	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	Score=161	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.22	.	Scc	.	.	rs145	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	1p36.22	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.21	.	.	Scc	.	rs144	.	.	.	.	.	.
.	.	1p36.21	.	.	Scc	Score=207	rs115	ID=COSN6	.	.	.	0.096	0.081
.	.	1p36.13	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs751	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.12	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.12	.	.	.	Score=636	rs555	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	1p36.11	.	.	.	.	rs142	ID=COSM1	.	.	.	0.001	0.001
ENST0	.	1p36.11	.	.	Scc	Score=278	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p35.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p35.1	.	.	.	.	rs775	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.2	.	.	.	Score=809	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.1	.	Scc	Scc	.	rs758	.	.	.	.	.	.
.	.	1p34.1	.	.	Scc	Score=104	rs866	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p32.3	.	.	.	Score=410	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p31.1	.	.	.	Score=288	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.3	.	.	.	.	rs759	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p11.2	.	.	Scc	.	rs200	ID=COSN6	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs104	.	.	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=169	rs200	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs750	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs169	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs412	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs618	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs879	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs482	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs202	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs200	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	Score=173	rs200	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	Score=173	rs370	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs226	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs278	ID=COSN1	.	.	.	0.325	0.398
.	.	1q21.3	.	.	Scc	.	rs375	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	Score=252	rs199	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	rs369	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.11	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.13	.	.	.	.	rs779	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p25.1	.	.	.	Score=30;I	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p23.3	.	.	.	Score=144	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p14	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p13.2	.	.	.	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.2	.	.	Scc	.	rs376	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.2	.	.	.	.	rs142	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.2	.	Scc	Scc	.	rs867	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.2	.	.	Scc	.	rs867	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	2p11.2	.	.	Scc	Score=184	rs121	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	2q11.1	.	.	.	Score=788	rs201	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q12.1	.	.	.	.	.	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q14.2	.	.	.	.	rs621	.	.	.	.	0.378	0.408
ENST0	.	2q14.3	.	Scc	.	Score=21;I	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q21.1	.	.	Scc	.	rs183	ID=COSM3	.	.	.	0.688	0.739
ENST0	.	2q21.1	.	.	Scc	Score=488	rs200	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	2q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.2	.	.	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q33.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q34	.	.	.	Score=992	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.2	.	.	Scc	Score=105	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p22.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.1	.	.	.	.	rs780	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.1	.	.	.	.	rs367	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p14.3	.	.	.	.	rs745	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q12.1	.	.	.	.	rs191	.	.	.	.	.	6E-04
ENST0	.	3q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q22.3	.	.	.	.	rs146	.	.	.	.	.	0.002
ENST0	.	3q22.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q23	.	.	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q25.1	.	.	.	.	rs761	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q25.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q26.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q26.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q26.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q27.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q27.2	.	.	.	Score=303	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q27.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q29	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	3q29	.	.	Scc	Score=127	rs879	.	.	.	.	.	.
.	.	3q29	.	.	Scc	Score=735	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q29	.	.	Scc	.	rs492	ID=COSN	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q29	.	Scc	Scc	.	rs173	ID=COSN	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	Score=207	rs402	ID=COSN	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	rs751	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p15.2	.	.	.	.	rs752	.	.	.	.	.	.
.	.	4p15.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	4p14	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	4p11	.	.	Scc	.	rs754	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q13.3	.	.	.	.	rs542	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	4q21.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q24	.	.	Scc	.	rs878	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q25	.	.	.	.	rs890	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q26	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q28.2	.	.	.	Score=234	rs137	.	.	.	.	0.245	0.108
ENST0	.	4q28.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q31.21	.	.	Scc	.	rs367	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	4q35.2	.	.	.	Score=950	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p13.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q12.3	.	.	.	Score=155	.	.	.	.	.	.	.
.	.	5q13.1	.	.	.	Score=221	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q13.2	.	.	Scc	Score=360	rs284	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q13.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q23.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q33.1	.	.	.	Score=249	rs102	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q33.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q33.3	.	.	.	Score=708	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q33.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q34	.	.	.	.	rs534	.	.	.	.	.	1E-03
ENST0	.	5q35.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p25.3	.	.	.	.	rs201	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p25.2	.	.	.	Score=199	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.2	.	.	.	.	rs748	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.1	.	.	.	.	rs940	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	.	Scc	.	rs542	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	6p21.33	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	6p21.1	.	.	.	.	rs374	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	6p12.3	.	.	Scc	.	rs548	.	.	.	.	.		2E-04
ENST0	.	6p12.3	.	.	.	.	rs144	.	.	.	.	.		0.003
ENST0	.	6q14.1	.	.	.	.	rs900	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	6q15	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	6q21	.	.	.	.	rs746	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	6q22.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	6q25.2	.	.	.	Score=143	rs541	.	.	.	.		0.001	8E-04
ENST0	.	6q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p22.3	.	.	.	.	rs369	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p22.1	.	.	.	.	rs918	.	.	.	.	.	.	
.	.	7p22.1	.	.	.	Score=175	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p14.3	.	.	Scc	Score=234	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	rs148	.	.	.	.	.		0.008
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	rs367	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	Score=593	rs186	ID=COSN2	.	.	.		0.355	0.359
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	rs268	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.23	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	7q21.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q22.1	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q32.1	.	.	.	.	rs372	.	.	.	.	.		2E-04
ENST0	.	7q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q32.1	.	.	.	.	rs103	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q34	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q36.1	.	.	Scc	.	rs867	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8p23.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	8p23.1	.	.	Scc	.	rs626	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8p23.1	.	.	.	Score=360	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8p23.1	.	.	Scc	Score=345	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8p23.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8p21.3	.	.	.	.	rs760	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8p12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8p11.23	.	.	.	.	rs373	ID=COSM1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q21.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q21.13	.	.	.	.	rs987	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q21.3	.	.	.	Score=288	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q23.3	.	.	.	.	.	ID=COSN5	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q24.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q24.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q24.13	.	.	.	.	rs143	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q24.13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	

ENST0	.	9p22.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p22.1	.	.	.	.	rs768	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p13.1	.	.	Scc	.	rs376	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	9p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q13	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q21.11	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q21.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q22.32	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q32	.	.	.	.	rs961	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q33.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q33.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	rs758	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p14	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p12.31	.	.	.	Score=390	rs201	ID=COSM4	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.1	.	.	.	.	rs376	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.1	.	Scc	.	.	rs759	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.1	.	.	.	.	rs769	ID=COSM9	.	.	.	.
.	.	10q22.3	.	.	Scc	Score=226	.	ID=COSN2	.	.	.	.
.	.	10q22.3	.	.	Scc	Score=226	.	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	10q23.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.3	.	.	Scc	.	rs796	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	rs765	ID=COSM3	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.4	.	.	Scc	.	rs866	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p14.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p11.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q12.2	.	.	.	.	rs746	ID=COSM2	.	.	.	.
ENST0	.	11q12.2	.	Scc	.	Score=343	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q12.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	Scc	.	.	rs370	ID=COSM6	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	Score=255	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	rs745	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	Scc	.	rs352	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	Scc	.	rs358	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q24.2	.	.	.	.	rs920	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q24.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p11.21	.	Scc	Scc	.	rs712	ID=COSM6	.	.	.	0.131	0.104
ENST0	.	12p11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q14.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q14.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q14.2	.	.	.	Score=399	rs867	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q15	.	.	.	.	rs910	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q21.31	.	.	.	Score=383	rs964	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q21.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q23.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.21	.	.	.	Score=672	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	rs754	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q12.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q14.11	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q32.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q33.1	.	.	.	.	rs772	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs145	.	.	.	.	.	.
.	.	14q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	14q21.3	.	.	.	Score=224	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q22.2	.	.	.	.	rs150	.	Lik	.	.	.	2E-04
ENST0	.	14q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q23.3	.	.	.	Score=220	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.2	.	.	.	.	rs767	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.13	.	.	.	.	rs375	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	rs553	.	.	.	.	.	2E-04
.	.	14q32.33	.	.	Scc	.	rs128	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	Score=796	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.1	.	Scc	.	.	rs540	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	15q13.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	.	rs201	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.1	.	.	.	.	rs748	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.1	.	.	.	.	rs775	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.3	.	.	.	.	rs192	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	15q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.1	.	.	Scc	.	rs620	.	.	.	.	0.422	0.324
ENST0	.	15q21.1	.	Scc	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q22.31	.	.	.	.	rs547	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	15q22.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q24.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	15q24.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.2	.	.	Scc	.	rs240	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.3	.	.	.	.	rs751	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	Scc	.	.	rs750	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.11	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.11	.	.	Scc	.	rs552	.	.	.	.	0.034	0.021
ENST0	.	16p13.11	.	.	Scc	.	rs620	ID=COSN1	.	.	.	0.04	0.04
ENST0	.	16p12.3	.	.	.	.	rs765	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.2	.	.	.	Score=201	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.2	.	.	.	Score=428	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.2	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	Score=184	rs789	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q12.1	.	.	.	.	rs751	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q23.1	.	.	Scc	.	rs291	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q24.3	.	.	.	Score=262	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	16q24.3	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.2	.	.	.	.	rs780	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p12	.	Scc	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p12	.	.	.	.	rs559	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	17p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	rs784	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	Scc	.	rs879	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	rs103	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q24.1	.	.	.	Score=256	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	rs140	.	.	.	.	.	1E-03
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	Scc	.	rs367	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.23	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.22	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.21	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.21	.	.	Scc	Score=468	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q11.2	.	.	.	Score=917	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q21.1	.	.	.	Score=278	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q21.2	.	.	.	Score=355	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q21.33	.	.	.	.	rs746	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19p13.3	.	.	.	.	rs954	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs374	.	.	.	.	.	6E-04
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	Score=242	rs141	.	.	.	.	0.106	0.023
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs762	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	Score=227	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	Score=101	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	Score=394	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs774	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	Score=216	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	rs779	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	Score=216	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p12	.	.	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=106	rs868	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=106	rs879	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	.	rs765	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	Score=206	rs989	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	rs140	.	.	.	.	0.001	4E-04
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	Score=341	rs144	.	.	.	.	.	1E-03
ENST0	.	19q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	.	Score=910	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	.	.	rs425	.	.	.	.	.	0.002
ENST0	.	19q13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.41	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.41	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.42	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	20p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	20p12.3	.	.	.	.	rs761	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	20p12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	HBI-43	20p11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	20q11.21	.	.	Scc	.	rs812	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	20q11.21	.	.	Scc	.	rs779	ID=COSM4	.	.	.	0.001	6E-04	
ENST0	.	20q11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	20q11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	20q11.22	.	Scc	.	.	rs190	.	.	.	.	0.001	2E-04	
ENST0	.	20q13.13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	20q13.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	20q13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	20q13.33	.	.	.	Score=201	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	20q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	20q13.33	.	.	.	Score=279	rs187	.	.	.	.	.	.	
.	.	21p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	21p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=348	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	21p11.2	.	.	Scc	.	rs370	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	.	rs746	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
.	.	21p11.1	.	.	Scc	Score=190	rs463	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	21q22.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	21q22.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	21q22.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	rs727	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	Score=466	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	rs376	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	rs287	ID=COSM5	.	.	.	0.032	0.04	
ENST0	.	22q11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	22q11.21	.	.	Scc	Score=493	rs138	.	.	.	.	0.067	0.148	
ENST0	.	22q11.23	.	.	Scc	.	rs373	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q12.2	.	.	Scc	.	rs185	ID=COSN1	.	.	.	0.016	0.03	
ENST0	.	22q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q12.2	.	.	.	.	rs566	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q13.1	.	.	.	.	rs760	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q13.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q13.2	.	.	.	.	rs140	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q13.2	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	Score=157	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q13.33	.	.	.	Score=699	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q13.33	.	.	.	Score=241	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q13.33	.	.	.	.	rs771	ID=COSM5	.	.	.	.	.	
ENST0	.	Xp22.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	Xp22.33	.	.	Scc	Score=103	rs867	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	Xp22.31	.	.	Scc	.	rs764	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	Xp22.31	.	.	Scc	.	rs664	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	Xp22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	

ENST0	.	Xp22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	Score=228	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	Score=939	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq24	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.1	.	.	.	Score=227	.	ID=COSM6	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	Scc	Score=357	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	Scc	.	.	rs782	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	Score=238	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	Score=411	rs781	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	.	rs114	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs200	ID=COSN6	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs556	.	.	.	0.002	0.001
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs617	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs100	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs538	ID=COSN2	.	.	0.025	0.005
ENST0	.	1p36.13	.	Scc	Scc	.	rs666	ID=COSM3	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	.	.	.	rs766	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.2	.	.	.	.	rs780	ID=COSM3	.	.	.	.
.	.	1p34.1	.	.	Scc	Score=724	rs866	ID=COSN2	.	.	.	.
.	.	1p32.3	.	.	.	Score=615	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs758	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs769	.	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs201	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs370	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs199	ID=COSN2	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=250	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs879	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	Score=173	rs200	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	Score=173	rs370	.	.	.	.	.

ENST0	.	1q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	.	Scc	.	rs183	.	.	.	.	0.404	0.351
ENST0	.	1q42.11	.	.	Scc	Score=411	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.11	.	.	Scc	Score=411	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	1q42.13	.	.	Scc	.	rs182	.	.	.	.	.	.
.	.	2p11.2	.	.	Scc	.	rs409	ID=COSN1	.	.	.	0.026	0.052
ENST0	.	2p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	2p11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q13	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSM2	.	.	.	.	.
.	.	2q13	.	.	Scc	.	rs868	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q13	.	.	Scc	.	rs274	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q14.2	.	.	.	Score=216	rs102	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q21.1	.	.	Scc	Score=488	rs200	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q21.2	.	.	Scc	.	rs780	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.3	.	.	.	.	rs187	ID=COSN5	.	.	.	0.006	0.002
ENST0	.	2q34	.	.	.	Score=381	rs867	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q24	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	3q29	.	.	Scc	Score=127	rs376	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q29	.	.	.	.	rs867	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q29	.	.	Scc	.	rs112	ID=COSN6	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p15.31	.	.	.	.	rs144	ID=COSN6	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	5p15.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p13.2	.	.	Scc	Score=212	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q13.2	.	.	Scc	Score=154	rs375	.	.	.	.	0.772	0.477
ENST0	.	5q14.3	.	.	Scc	Score=215	rs879	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q21.1	.	.	Scc	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q33.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	6p22.2	.	.	.	.	rs371	.	.	.	.	.	.
.	.	6p22.2	.	.	.	.	rs920	.	.	.	.	.	.
.	.	6p11.1	.	.	.	Score=118	rs429	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	6p11.1	.	.	.	Score=118	rs443	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q23.3	.	.	.	.	rs750	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q27	.	.	Scc	.	rs143	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q27	.	.	.	Score=300	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.1	.	.	Scc	Score=29;I	rs201	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p14.2	.	.	.	Score=166	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	Score=498	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	7q11.21	.	.	.	Score=133	rs459	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	7q11.21	.	.	.	Score=133	rs216	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	rs586	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	rs868	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q11.23	.	.	Scc	.	rs246	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	.	Scc	.	rs624	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q32.1	.	.	Scc	.	rs374	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	8p23.1	.	.	Scc	.	rs207	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	8p11.1	.	.	.	Score=126	rs750	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	8p11.1	.	.	.	Score=126	rs796	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	8p11.1	.	.	.	Score=126	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	8q11.1	.	.	.	Score=124	rs436	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	8q11.1	.	.	.	Score=124	rs374	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q23.3	.	.	.	Score=598	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	Score=270	rs782	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	9p11.2	.	.	Scc	Score=748	rs749	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	9q13	.	.	Scc	Score=540	rs492	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q13	.	Scc	Scc	.	rs456	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q21.11	.	.	Scc	.	rs143	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q21.11	.	.	Scc	.	rs377	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q22.1	.	.	.	Score=22;I	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q33.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q33.3	.	.	.	Score=983	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	10p12.2	.	.	.	Score=139	rs139	ID=COSN6	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	hsa-mir-60	10p12.2	.	.	.	Score=475	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p11.22	.	.	.	Score=101	rs963	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.22	.	.	Scc	Score=922	rs694	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.3	.	.	Scc	.	rs527	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	1E-03	
ENST0	.	10q22.3	.	.	.	.	rs188	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	6E-04	
.	.	10q22.3	.	.	Scc	.	rs257	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q23.2	.	.	Scc	.	rs312	.	.	.	.	.	.	.	.	0.524	0.433		
ENST0	.	11p11.12	.	.	Scc	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p11.12	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	11q13.2	.	.	.	Score=113	rs903	ID=COSN7	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	11q13.4	.	.	Scc	.	rs187	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.5	.	.	Scc	.	rs966	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.5	.	.	.	Score=113	rs568	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	4E-04	
ENST0	.	11q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q25	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.13	.	.	Scc	.	rs760	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.2	.	.	.	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q23.3	.	.	.	.	rs759	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q21.31	.	.	Scc	.	rs200	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q33.3	.	Scc	.	.	rs151	ID=COSM2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	4E-04	
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs744	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs200	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs202	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs770	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	15q11.1	.	.	Scc	Score=217	rs620	ID=COSN2	.	.	.	0.345	0.258
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	.	rs775	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	Score=271	rs244	ID=COSN6	.	.	.	0.026	0.192
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	Score=271	rs244	ID=COSN1	.	.	.	0.167	0.485
ENST0	.	15q13.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.1	.	.	Scc	.	rs620	.	.	.	.	0.422	0.324
ENST0	.	15q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q22.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	15q25.2	.	.	Scc	.	rs374	.	.	.	.	0.446	0.327
ENST0	.	15q25.2	.	.	Scc	.	rs970	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.2	.	.	Scc	.	rs364	.	.	.	.	.	8E-04
ENST0	.	16p13.11	.	.	Scc	.	rs200	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.11	.	.	Scc	.	rs201	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.3	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	16p12.2	.	.	Scc	.	rs566	.	.	.	.	0.001	4E-04
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	rs561	ID=COSM4	.	.	.	.	.
.	.	16p11.2	.	.	Scc	Score=179	rs879	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=117	rs431	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs434	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs424	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=989	rs879	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs997	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=122	rs432	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs932	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs438	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs429	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	.	rs401	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	.	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs720	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=979	rs409	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=979	rs424	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=979	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q24.3	.	.	Scc	.	rs620	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	rs254	ID=COSN4	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	rs712	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	rs712	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	rs784	.	.	.	.	.	.
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	.	.	.	.	.	.	.
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	rs143	.	.	.	.	.	.
.	.	17p11.1	.	.	.	Score=113	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	Scc	.	rs620	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.2	.	.	Scc	.	rs748	ID=COSM2	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	rs145	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.21	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN2	.	.	.	.	.

ENST0	.	18p11.21	.	.	Scc	.	rs373	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q21.33	.	.	.	.	rs752	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=123	rs764	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=259	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	rs349	ID=COSM6	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	rs561	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	Scc	.	rs133	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	.	.	rs375	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.22	.	.	.	Score=507	.	ID=COSM2	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.2	.	.	Scc	.	rs798	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	21p11.1	.	.	Scc	Score=970	rs201	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	rs375	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	rs202	ID=COSN6	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	rs622	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN3	.	.	.	0.114	0.24
ENST0	.	22q11.23	.	.	Scc	.	rs622	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.2	.	.	Scc	.	rs367	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.2	.	.	Scc	.	rs360	.	.	.	.	0.302	0.458
ENST0	.	22q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	rs752	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	rs775	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	Scc	.	.	rs104	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq27.1	.	.	Scc	.	rs142	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	.	rs374	ID=COSN2	.	.	.	0.092	0.039
ENST0	.	1p36.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	Scc	.	.	rs115	.	.	.	.	.	0.007
ENST0	.	1p36.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	.	.	rs541	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	1p36.33	.	.	.	.	rs768	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	.	.	rs780	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	.	rs201	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	1p36.33	.	Scc	Scc	.	rs746	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	Score=229	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	Score=161	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	1p36.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.32	.	.	.	Score=203	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.31	.	.	.	.	rs943	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.31	.	Scc	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.31	.	.	.	.	rs986	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.31	.	.	.	.	rs756	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.23	.	.	.	.	rs143	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	1p36.23	.	.	.	Score=296	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.23	.	.	.	.	rs774	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.23	.	.	.	.	rs944	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.23	.	Scc	.	.	rs147	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.22	.	.	.	Score=202	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.22	.	.	.	.	rs793	.	Ur	.	.	.	0.007
ENST0	.	1p36.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.22	.	.	.	Score=317	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.21	.	.	Scc	.	rs202	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.21	.	.	Scc	.	rs587	ID=COSN8	.	.	.	0.307	0.259
ENST0	.	1p36.21	.	.	.	.	rs464	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	rs374	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs373	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs617	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs411	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs121	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs393	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	rs578	.	.	.	.	0.019	0.005
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	rs377	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	rs376	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	Scc	.	.	rs347	.	.	.	.	.	0.005
ENST0	.	1p36.13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	rs371	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	Score=203	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.12	.	.	.	.	rs100	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	1p36.12	.	.	Scc	.	rs758	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	.	.	.	rs139	.	.	.	.	.	0.002
ENST0	.	1p36.11	.	.	.	.	rs751	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	.	.	.	rs773	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	1p36.11	.	Scc	.	.	rs776	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	.	.	.	rs879	ID=COSM5	Pa	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	.	.	.	rs100	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	Scc	.	.	rs762	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	.	.	.	rs946	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p35.3	.	.	.	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p35.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p35.2	.	.	.	.	rs759	ID=COSM9	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p35.2	.	.	.	.	rs923	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p35.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p35.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	1p35.1	.	.	.	Score=625	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p35.1	.	.	.	Score=189	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	rs965	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	rs772	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	Score=196	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	rs181	.	.	.	.	0.009	0.002
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	Score=216	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	Scc	.	rs552	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.2	.	.	.	.	rs909	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.2	.	.	.	.	rs117	.	.	.	.	.	0.01
ENST0	.	1p34.2	.	.	.	.	rs745	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.1	.	.	.	Score=976	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.1	.	.	.	.	rs729	.	.	.	.	0.009	0.013
ENST0	.	1p33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p33	.	Scc	.	.	rs550	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	1p33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p32.3	.	.	.	Score=180	rs757	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p32.3	.	.	.	.	rs951	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p32.3	.	.	.	Score=240	rs775	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p32.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p32.3	.	.	.	.	rs376	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p32.2	.	.	.	.	rs781	ID=COSM6	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p32.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p31.1	.	.	.	.	rs178	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p31.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	1p31.1	.	.	.	.	rs139	ID=COSM	.	.	.	.
ENST0	.	1p22.3	.	Scc	.	.	rs763	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p22.1	.	.	.	.	rs617	ID=COSM	no	.	.	.
ENST0	.	1p21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.3	.	.	.	.	rs936	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.3	.	.	.	Score=513	rs777	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.2	.	.	.	Score=852	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.2	.	.	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.2	.	.	.	Score=472	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.2	.	Scc	.	.	rs755	ID=COSM	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.2	.	.	.	.	rs372	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.1	.	.	.	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	1p12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p12	.	.	.	.	rs104	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs944	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs406	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	Scc	.	.	rs781	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs751	.	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	rs947	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	rs770	ID=COSM	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q22	.	.	.	.	rs932	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.1	.	.	.	.	rs371	.	.	.	.	.
.	.	1q23.1	.	.	.	Score=362	rs200	ID=COSN	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.1	.	.	.	.	rs773	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.2	.	.	.	.	rs762	.	.	.	.	.

ENST0	.	1q23.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.3	.	.	.	.	rs201	.	.	.	.	.	8E-04
ENST0	.	1q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q24.2	.	Scc	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.2	.	Scc	.	.	rs776	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.2	.	.	.	.	rs101	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.2	.	.	.	Score=216	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.3	.	Scc	.	.	rs773	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.3	.	.	.	.	rs764	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.3	.	.	.	.	rs770	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.1	.	Scc	.	.	rs371	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	rs372	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	rs369	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	rs104	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.3	.	.	.	.	rs918	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	.	.	.	rs910	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	.	.	.	rs756	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	.	.	Score=413	rs190	.	.	.	.	0.002	8E-04
ENST0	.	1q41	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	.	.	.	rs779	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.11	.	.	.	Score=217	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.12	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	1q42.12	.	.	.	Score=837	rs930	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	1q42.2	.	Scc	.	.	rs100	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q43	.	.	.	.	rs367	ID=COSN1	.	.	.	.	0.001
ENST0	.	1q43	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q44	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	1q44	.	.	.	Score=144	rs100	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q44	.	.	.	.	rs182	.	.	.	.	.	0.001
ENST0	.	1q44	.	.	.	.	rs758	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p25.3	.	.	.	.	rs372	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p25.3	.	.	.	.	rs777	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p25.3	.	.	.	.	rs569	.	.	.	.	0.001	2E-04
.	.	2p25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p25.1	.	.	.	.	rs749	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p25.1	.	.	.	.	rs369	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p25.1	.	.	.	Score=247	rs965	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p24.2	.	Scc	.	Score=644	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p24.2	.	.	.	.	rs376	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	2p24.2	.	Scc	.	.	rs368	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p24.2	.	.	.	.	rs755	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p24.1	.	Scc	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p23.3	.	.	.	.	rs565	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	2p23.3	.	Scc	.	.	rs773	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p23.3	.	.	.	.	rs147	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	2p23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p22.3	.	.	.	.	rs766	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p22.3	.	.	.	Score=365	rs104	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p22.3	.	.	.	Score=646	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p22.1	.	.	.	Score=270	rs772	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p16.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p16.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p16.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p16.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p16.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p16.1	.	.	.	Score=324	rs778	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p16.1	.	.	.	.	rs760	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p16.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p15	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p14	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p14	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p13.3	.	.	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p12	.	.	.	.	rs767	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.2	.	.	.	.	rs188	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	2p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	2p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2p11.2	.	.	Scc	.	rs191	ID=COSN2	.	.	.	.		0.004
.	.	2p11.2	.	.	Scc	.	rs777	.	.	.	.	.	.	
.	.	2p11.2	.	.	Scc	Score=221	rs292	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2p11.2	.	.	Scc	.	rs376	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	2p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	2p11.1	.	.	Scc	Score=231	rs868	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
.	.	2p11.1	.	.	Scc	.	rs375	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2p11.1	.	.	Scc	.	rs121	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q11.1	.	.	Scc	.	rs293	.	.	.	.	.		2E-04
ENST0	.	2q11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q11.1	.	Scc	.	.	rs778	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q11.2	.	.	.	Score=255	rs570	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q11.2	.	.	Scc	.	rs557	.	.	.	.		0.001	2E-04
ENST0	.	2q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q11.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q11.2	.	.	.	.	rs768	ID=COSM7	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q12.1	.	.	.	.	rs751	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q12.2	.	.	Scc	.	rs201	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q13	.	.	.	.	rs758	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	2q13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q14.1	.	.	Scc	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q14.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q14.2	.	.	.	.	rs764	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q14.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q14.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q21.1	.	.	Scc	.	rs781	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q21.1	.	.	Scc	.	rs134	ID=COSN9	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q21.2	.	.	Scc	.	rs182	.	.	.	.	.		8E-04
ENST0	.	2q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q21.2	.	.	.	Score=379	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q23.3	.	.	.	.	rs101	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q23.3	.	.	.	Score=216	rs985	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q24.2	.	.	.	.	rs200	ID=COSM6	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q24.2	.	Scc	.	.	rs372	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q24.2	.	.	.	.	rs102	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q31.1	.	.	.	Score=586	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q31.1	.	.	.	.	rs921	.	.	.	.	.	.	

ENST0	.	2q31.1	.	.	.	Score=395	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.1	.	.	.	.	rs963	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.1	.	.	.	Score=588	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.2	.	.	.	Score=132	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.2	.	.	.	.	rs960	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q32.1	.	.	.	.	rs377	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q32.1	.	.	.	.	rs376	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q32.2	.	.	.	.	rs376	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q32.2	.	.	.	.	rs771	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q32.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q32.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q32.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q33.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q33.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q33.1	.	.	.	.	rs548	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q33.2	.	.	.	.	rs190	.	.	.	.	0.009	0.007
ENST0	.	2q33.2	.	.	.	Score=209	rs777	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q33.3	.	.	.	.	rs147	ID=COSM1	.	.	.	.	0.002
ENST0	.	2q33.3	.	Scc	.	.	rs537	.	.	.	.	0.001	0.002
ENST0	.	2q33.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	rs575	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	rs746	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	Scc	.	.	rs529	.	.	.	.	.	0.003
ENST0	.	2q36.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q36.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q36.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q36.3	.	.	.	.	rs499	.	.	.	.	0.426	0.284
ENST0	.	2q37.1	.	.	.	.	rs753	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.1	.	Scc	.	.	rs202	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.1	.	.	.	.	rs105	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.3	.	.	.	.	rs748	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	2q37.3	.	.	.	.	rs377	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.3	.	.	.	.	rs150	.	.	.	.	0.001	0.007
ENST0	.	2q37.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p26.3	.	.	.	.	rs373	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p26.3	.	.	.	Score=662	rs569	.	.	.	.	.	0.002
ENST0	.	3p26.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.3	.	.	.	Score=237	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.3	.	.	.	Score=215	rs750	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.3	.	Scc	.	.	rs756	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	3p25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.2	.	.	.	Score=802	rs992	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	3p24.1	.	.	.	Score=995	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p24.1	.	.	.	Score=232	rs897	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p24.1	.	.	.	.	rs112	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	hsa-mir-46	3p23	.	.	.	Score=244	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p23	.	.	.	.	rs780	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p22.2	.	.	.	.	rs540	.	.	.	.	0.001	4E-04
ENST0	.	3p22.2	.	.	.	.	rs559	.	.	.	.	.	8E-04
ENST0	.	3p22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p22.2	.	Scc	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p22.2	.	.	.	Score=273	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p22.2	.	.	.	.	rs748	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	rs774	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	Score=209	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	rs751	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	rs530	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	rs371	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	rs200	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	Scc	.	.	rs759	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.2	.	.	.	.	rs182	.	.	.	.	.	6E-04
ENST0	.	3p21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.2	.	.	.	.	rs778	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	3p21.1	.	.	.	Score=160	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p21.1	.	.	.	.	rs962	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p21.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p21.1	.	.	.	.	rs200	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p14.3	.	.	.	Score=294	rs985	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p14.3	.	.	.	Score=294	rs104	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p14.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p14.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p14.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p14.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p14.1	.	.	.	.	rs745	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p14.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p12.3	.	.	Scc	.	rs779	ID=COSM4	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	3q13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q13.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q13.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q13.33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q13.33	.	.	.	.	rs368	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q21.1	.	.	.	.	rs100	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q21.2	.	.	Scc	.	rs146	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q21.3	.	.	.	.	rs552	.	.	.	.	0.001	4E-04		
ENST0	.	3q21.3	.	Scc	.	.	rs751	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q21.3	.	.	Scc	.	rs563	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q21.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q23	.	Scc	.	.	rs140	ID=COSM3	.	.	.	.	8E-04		
ENST0	.	3q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q23	.	.	.	.	rs768	ID=COSN1	Lik	.	.	0.002	0.048		
ENST0	.	3q23	.	.	.	.	rs770	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q24	.	.	.	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q25.1	.	.	.	.	rs760	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q25.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	hsa-mir-16	3q25.33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q26.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	3q26.2	.	.	.	Score=109	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q26.2	.	Scc	.	.	rs538	.	.	.	.	.	2E-04		
.	.	3q26.32	.	.	.	Score=115	rs936	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q26.32	.	.	Scc	.	.	ID=COSN8	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q26.33	.	Scc	.	.	rs765	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	3q26.33	.	.	.	.	rs571	ID=COSN2	.	.	.	0.001	2E-04		

ENST0	.	3q27.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q27.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q27.1	.	.	.	.	rs901	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q27.1	.	.	.	Score=265	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q27.1	.	.	.	.	rs374	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q27.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q28	.	Scc	.	.	rs753	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q29	.	.	.	.	rs777	.	.	.	.	.	.
.	.	3q29	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	3q29	.	.	Scc	Score=735	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q29	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q29	.	.	.	Score=921	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q29	.	.	.	Score=231	rs886	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q29	.	.	Scc	.	rs763	ID=COSN	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	Score=653	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	Scc	.	.	rs762	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	rs912	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	Score=276	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	rs550	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	Score=255	.	.	.	.	.	.	.
.	.	4p16.3	.	.	.	.	rs933	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	Score=186	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.1	.	.	.	.	rs560	.	oth	.	.	0.001	4E-04
ENST0	.	4p16.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.1	.	.	.	.	.	ID=COSN	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.1	.	.	.	.	rs376	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.1	.	.	.	.	rs200	.	.	.	.	0.008	0.002
ENST0	.	4p16.1	.	.	.	.	rs752	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.1	.	.	.	.	rs780	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p15.33	.	.	.	Score=200	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p15.32	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p15.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p15.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	4p15.1	.	.	.	Score=233	rs142	.	.	.	.	0.01	0.003
ENST0	.	4p14	.	.	.	.	rs534	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	4p14	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p14	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p14	.	.	.	.	rs775	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p14	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p12	.	.	.	Score=201	rs285	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p11	.	.	Scc	.	rs145	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	4p11	.	.	Scc	Score=160	rs594	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q12	.	.	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q12	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q13.2	.	.	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q13.3	.	.	.	.	rs761	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q13.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	4q13.3	.	.	.	Score=24;I	rs119	ID=COSN1	.	.	.	0.126	0.126
ENST0	.	4q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q21.1	.	.	.	.	rs369	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q21.1	.	.	.	.	rs760	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q21.21	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q21.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q21.23	.	.	.	.	rs886	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q22.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q24	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q24	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q24	.	Scc	.	.	rs371	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q25	.	.	Scc	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q25	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q26	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q26	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q26	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q27	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q28.1	.	.	.	.	rs774	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q28.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q28.2	.	.	.	.	rs774	.	.	.	.	.	.
.	.	4q28.3	.	.	Scc	Score=105	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q28.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q31.21	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q31.21	.	.	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q31.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q31.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q31.3	.	.	.	Score=116	rs866	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q32.3	.	.	Scc	Score=159	rs409	ID=COSN9	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q34.1	.	.	.	Score=403	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q35.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q35.1	.	.	.	.	rs942	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q35.1	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q35.2	.	.	.	.	rs778	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.33	.	.	Scc	.	rs412	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.33	.	.	.	.	rs100	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.33	.	.	.	Score=198	.	.	.	.	.	.	.
.	.	5p15.33	.	.	.	Score=590	rs903	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.32	.	.	.	.	rs749	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.31	.	.	.	.	.	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.2	.	Scc	.	.	rs149	ID=COSM2	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	5p15.2	.	.	.	Score=245	rs655	.	Be	.	.	0.548	0.261
ENST0	.	5p15.2	.	.	.	.	rs914	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.2	.	.	.	.	rs766	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p13.3	.	.	Scc	.	rs925	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p13.3	.	.	.	.	rs569	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	5p13.2	.	.	Scc	Score=142	rs879	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p13.2	.	.	Scc	Score=142	rs976	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p13.2	.	.	Scc	Score=215	rs976	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p13.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	5p13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	5q11.1	.	.	.	Score=122	.	.	.	.	.	.	.
.	.	5q11.1	.	.	.	Score=122	rs432	.	.	.	.	.	.
.	.	5q11.1	.	.	.	Score=122	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q11.2	.	.	.	.	rs200	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q12.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	5q12.1	.	.	Scc	.	rs558	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	5q12.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q12.3	.	.	.	.	rs567	.	.	.	.	.	6E-04
ENST0	.	5q12.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q12.3	.	Scc	.	.	rs201	.	.	.	.	.	0.001
ENST0	.	5q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q13.2	.	.	.	Score=175	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q13.3	.	.	.	Score=101	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q14.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q14.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q14.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q14.3	.	.	.	.	rs371	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	5q14.3	.	.	.	Score=432	rs781	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q14.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q15	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q15	.	.	.	.	rs763	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q21.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q21.1	.	.	.	.	rs111	.	.	.	.	.	8E-04
ENST0	.	5q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.1	.	Scc	.	.	rs934	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.1	.	Scc	.	.	rs746	.	.	.	.	.	.
.	.	5q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.1	.	.	.	.	rs747	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.2	.	.	.	.	rs766	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.2	.	.	.	Score=384	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.2	.	.	.	Score=384	rs772	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	.	.	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	Scc	.	.	rs782	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	.	Scc	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	.	.	.	rs981	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	Scc	.	.	rs544	ID=COSM4	.	.	.	.	0.002
ENST0	.	5q31.3	.	.	.	.	rs376	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	Scc	.	.	rs771	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	Scc	.	.	rs201	ID=COSM7	.	.	.	0.004	8E-04

ENST0	.	5q32	.	.	.	Score=216	rs100	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q33.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q33.1	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q33.3	.	.	.	.	rs549	.	.	.	.	0.002	4E-04
ENST0	.	5q33.3	.	.	.	.	rs561	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	5q34	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q34	.	.	.	.	rs149	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q34	.	.	.	.	rs757	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.1	.	.	.	.	rs182	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	5q35.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.2	.	.	.	.	rs455	.	.	.	.	.	0.003
ENST0	.	5q35.2	.	Scc	.	.	rs558	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	5q35.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.3	.	.	Scc	.	rs102	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.3	.	Scc	.	Score=22;I	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.3	.	.	.	Score=248	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p25.1	.	.	.	.	rs765	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p25.1	.	.	.	Score=256	rs102	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p24.3	.	.	.	.	rs186	.	.	.	.	.	0.002
ENST0	.	6p24.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p24.3	.	.	.	.	rs200	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p24.3	.	.	.	.	rs369	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p24.1	.	.	.	.	rs746	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.3	.	.	.	.	rs767	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	6p22.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	6p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.1	.	.	.	Score=205	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.1	.	.	.	Score=207	rs765	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	.	.	.	rs751	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	6p21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	.	.	.	rs779	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.32	.	.	.	.	rs111	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.32	.	Scc	.	.	rs775	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	6p21.31											
ENST0	6p21.31		Scc			rs774						
ENST0	6p21.31				Score=360							
ENST0	6p21.31					rs771						
ENST0	6p21.31											
ENST0	6p21.31											
ENST0	6p21.2					rs100						
ENST0	6p21.2											
ENST0	6p21.1		Scc	Scc		rs375						
ENST0	6p21.1					rs777	ID=COSM6					
ENST0	6p21.1		Scc				ID=COSM6					
ENST0	6p21.1					rs800					0.023	0.005
ENST0	6p21.1		Scc			rs780	ID=COSM4					
ENST0	6p21.1											
ENST0	6p21.1					rs143	ID=COSM3					2E-04
ENST0	6p21.1		Scc									
ENST0	6p21.1											
ENST0	6p21.1											
ENST0	6p21.1					rs149						4E-04
ENST0	6p21.1					rs143						
ENST0	6p12.2											
ENST0	6p12.1											
ENST0	6q12			Scc								
ENST0	6q13											
ENST0	6q13					rs202	ID=COSN1				0.004	0.001
ENST0	6q13											
ENST0	6q13		Scc									
ENST0	6q14.1					rs776						
ENST0	6q14.1		Scc			rs149		Lik				2E-04
ENST0	6q14.2					rs100						
ENST0	6q15					rs761						
ENST0	6q15					rs101						
ENST0	6q15				Score=285							
ENST0	6q16.1											
ENST0	6q21					rs558	ID=COSN2					2E-04
ENST0	6q21											
ENST0	6q21											
ENST0	6q21		Scc									
ENST0	6q21											
ENST0	6q21		Scc									
	6q22.31						ID=COSN6					
ENST0	6q22.31											
ENST0	6q22.32											
ENST0	6q22.33					rs375						2E-04
ENST0	6q22.33											
ENST0	6q23.2					rs760						
ENST0	6q23.3				Score=372	rs527						
ENST0	6q23.3				Score=189	rs100						
ENST0	6q23.3											
ENST0	6q23.3											
ENST0	6q24.1					rs191					0.005	1E-03
ENST0	6q24.2		Scc			rs140						
ENST0	6q24.3											
ENST0	6q25.1		Scc			rs773	ID=COSM3					

ENST0	.	6q25.1	.	Scc	.	.	rs777	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.2	.	.	.	.	rs529	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.2	.	.	.	.	.	ID=COSN7	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.3	.	.	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.3	.	.	.	.	rs101	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.3	.	.	.	Score=137	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q26	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q26	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q26	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q26	.	Scc	.	.	rs773	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q27	.	.	.	.	rs200	ID=COSM3	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	6q27	.	.	Scc	.	rs755	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q27	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	7p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.3	.	Scc	.	.	rs778	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.3	.	.	.	Score=481	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.3	.	.	.	.	rs561	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	7p22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.2	.	.	.	.	rs369	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.1	.	.	.	.	rs541	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.1	.	.	.	.	rs774	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.1	.	.	Scc	.	rs780	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.1	.	.	Scc	.	rs879	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.1	.	.	Scc	.	rs372	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p21.3	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p21.3	.	.	.	Score=193	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p15.3	.	.	.	.	rs371	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p15.3	.	.	.	Score=840	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p15.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p15.2	.	.	.	.	rs142	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p14.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	7p14.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	7p14.3	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p14.3	.	.	Scc	.	rs750	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p14.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p14.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p14.2	.	.	Scc	.	rs769	ID=COSN5	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p14.1	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	rs775	ID=COSM4	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p13	.	.	.	Score=218	rs111	.	.	.	.	.	2E-04	
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p12.3	.	.	.	.	rs747	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p12.3	.	.	.	.	rs102	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	rs374	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	rs879	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	Score=173	rs615	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	rs548	ID=COSN1	.	.	.	0.015	0.019	
ENST0	.	7q11.22	.	Scc	.	.	rs770	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.23	.	.	Scc	Score=232	rs557	.	.	.	.	.	0.004	
ENST0	.	7q11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.23	.	.	.	.	rs782	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.23	.	.	.	.	rs782	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.23	.	.	Scc	.	rs370	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.23	.	.	Scc	.	rs879	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.23	.	.	Scc	.	rs149	.	.	.	.	0.569	0.598	
ENST0	.	7q11.23	.	.	Scc	.	rs140	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q21.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q21.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q21.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q21.13	.	.	.	.	rs141	.	.	.	.	.	6E-04	
ENST0	.	7q21.3	.	.	.	.	rs987	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q21.3	.	Scc	.	.	rs764	ID=COSM5	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q21.3	.	.	.	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.	

ENST0	.	7q22.1	.	.	.	.	rs782	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	Scc	.	.	rs775	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	.	.	.	rs903	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	Scc	.	.	rs576	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	.	Scc	.	rs764	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	.	Scc	.	rs759	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	.	Scc	.	rs472	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q31.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q31.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q31.32	.	.	.	.	rs145	.	.	.	.	.	0.001
ENST0	.	7q31.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q31.33	.	.	.	.	rs375	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q32.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q32.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q32.1	.	.	.	.	rs200	.	.	.	.	.	2E-04
.	.	7q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q32.3	.	.	.	.	rs367	.	.	.	.	.	.
.	.	7q33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q34	.	.	.	.	rs182	.	.	.	.	0.007	0.002
ENST0	.	7q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	7q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q34	.	.	.	.	rs782	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q34	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	7q34	.	.	.	.	rs766	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q34	.	.	.	.	rs373	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q35	.	.	.	.	rs759	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	.	rs801	.	.	.	.	0.013	0.003
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	.	rs144	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	.	rs376	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.2	.	.	Scc	.	rs936	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	7q36.3	.	.	.	Score=183	rs105	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.3	.	.	.	.	rs369	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	.	.	rs199	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	Scc	.	rs769	.	.	.	.	.	.
.	.	8p23.1	.	.	Scc	Score=212	rs294	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	.	.	rs781	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	.	.	rs760	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	.	Score=221	rs751	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	Scc	.	rs762	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	Scc	.	rs398	.	.	.	.	0.425	0.244
ENST0	.	8p23.1	.	.	Scc	Score=305	rs371	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p22	.	.	.	.	rs103	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p22	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	8p21.3	.	.	.	Score=909	rs147	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	8p21.3	.	.	.	Score=909	rs139	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p21.2	.	.	.	.	rs769	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p21.2	.	.	.	.	rs201	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	8p21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p21.2	.	.	.	.	rs724	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p12	.	.	.	.	rs141	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p12	.	.	.	.	rs119	.	.	.	.	.	0.031
ENST0	.	8p11.23	.	.	.	.	rs532	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p11.23	.	.	.	Score=324	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p11.23	.	.	.	Score=217	rs761	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p11.22	.	.	.	.	rs760	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p11.21	.	.	.	.	rs370	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p11.21	.	.	.	.	rs760	.	.	.	.	.	.
.	.	8p11.1	.	.	.	Score=126	.	.	.	.	.	.	.
.	.	8p11.1	.	.	.	Score=126	rs373	.	.	.	.	.	.
.	.	8p11.1	.	.	.	Score=126	rs200	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	8p11.1	.	.	.	Score=126	.	.	.	.	.	.	.
.	.	8q11.1	.	.	.	Score=124	rs449	.	.	.	.	.	.
.	.	8q11.1	.	.	.	Score=124	.	.	.	.	.	.	.
.	.	8q11.1	.	.	.	Score=124	rs440	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q12.1	.	Scc	.	.	rs187	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q12.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	8q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q12.1	.	.	.	.	rs779	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q12.2	.	.	.	.	rs151	.	Lik	.	.	4E-04
ENST0	.	8q13.1	.	.	.	Score=318	rs889	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q13.2	.	.	.	Score=204	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q13.2	.	.	.	Score=186	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q13.2	.	.	.	.	rs745	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q21.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	8q21.11	.	.	.	Score=972	.	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	8q21.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q21.3	.	.	.	.	rs103	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q21.3	.	Scc	.	.	rs755	ID=COSM4	.	.	.	.
ENST0	.	8q21.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q21.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q22.1	.	.	.	.	rs100	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q23.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.13	.	Scc	.	.	rs149	.	.	.	.	6E-04
ENST0	.	8q24.13	.	.	.	.	.	ID=COSM5	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.13	.	.	.	Score=520	rs762	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.22	.	.	.	.	rs359	.	Be	.	.	0.017
ENST0	.	8q24.22	.	Scc	.	.	rs168	.	.	.	.	0.011
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	Score=440	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	rs759	ID=COSM1	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	rs564	ID=COSM3	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	rs781	ID=COSM3	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	.	ID=COSM2	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	rs200	.	Lik	.	.	1E-03
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	rs556	.	.	.	.	0.002
ENST0	.	8q24.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	rs746	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p24.3	.	.	Scc	.	rs712	ID=COSN2	.	.	0.208	0.278
ENST0	.	9p24.2	.	.	.	.	rs898	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p23	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p23	.	.	.	.	rs759	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p22.3	.	.	.	.	rs755	ID=COSM4	.	.	.	.
ENST0	.	9p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p22.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	9p22.2	.	Scc	.	.	rs771	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9p21.3	.	Scc	.	.	rs755	ID=COSM	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9p21.3	.	.	.	Score=301	rs898	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9p21.1	.	.	.	.	rs770	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9p13.3	.	.	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9p13.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9p13.2	.	.	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9p13.1	.	.	Scc	.	rs161	ID=COSN	1	.	.	.	.	
ENST0	.	9p11.2	.	.	Scc	Score=23;I	rs782	ID=COSM	4	.	.	.	.	
.	.	9p11.2	.	.	Scc	Score=266	rs625	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q13	.	.	Scc	.	rs200	ID=COSN	2	.	.	.	.	
.	.	9q13	.	.	Scc	Score=865	rs201	.	.	.	.	.	.	
.	.	9q13	.	.	Scc	.	rs201	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q13	.	.	Scc	.	rs376	ID=COSN	1	.	.	.	.	
ENST0	.	9q13	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.11	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.11	.	.	Scc	.	rs750	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.12	.	.	.	Score=743	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.2	.	.	.	.	rs966	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.31	.	.	.	.	rs529	.	.	.	.	.	.	
.	.	9q21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.32	.	.	Scc	.	rs569	ID=COSM	1	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	9q21.32	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.32	.	.	.	.	rs774	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q22.1	.	.	Scc	.	rs936	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q22.1	.	.	.	.	rs144	.	.	.	.	.	.	8E-04
ENST0	.	9q22.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q22.31	.	.	.	Score=195	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q22.31	.	.	.	.	rs535	.	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	9q22.31	.	.	.	.	.	ID=COSN	2	.	.	.	.	
ENST0	.	9q22.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q22.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q22.33	.	.	.	.	rs575	.	.	.	.	.	.	6E-04
ENST0	.	9q22.33	.	.	.	.	rs566	ID=COSM	1	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	9q22.33	.	.	.	.	rs534	.	.	.	.	0.001		6E-04
ENST0	.	9q31.2	.	.	.	Score=139	rs527	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q32	.	Scc	.	.	rs941	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q32	.	Scc	.	.	rs753	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q32	.	.	.	Score=939	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q32	.	.	.	.	rs101	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q32	.	.	.	.	rs529	.	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	9q32	.	.	.	Score=226	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q33.1	.	Scc	.	.	rs539	ID=COSM	1	.	.	.	.	
ENST0	.	9q33.2	.	.	.	.	rs577	.	.	.	.	.	.	1E-03

ENST0	.	9q33.2	.	.	.	.	rs776	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q33.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q33.2	.	Scc	.	.	rs781	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q33.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q33.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q33.3	.	.	.	Score=253	rs767	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q33.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q33.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q33.3	.	.	.	.	rs770	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	rs751	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	rs772	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	rs375	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	Scc	.	.	rs770	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	rs370	.	Lik	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	Scc	.	.	rs102	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	rs120	.	.	.	.	.	0.005
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	Score=311	rs483	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	Score=311	rs483	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	rs769	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	Scc	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.13	.	.	.	.	rs937	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.13	.	.	.	.	rs449	.	.	.	.	0.038	0.087
ENST0	.	9q34.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.2	.	.	.	Score=387	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.2	.	.	.	.	rs782	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.2	.	.	.	.	rs780	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs617	.	Be	.	.	.	2E-04
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs747	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs994	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	Score=445	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs139	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs565	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs778	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs777	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs112	.	.	.	.	0.001	8E-04
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	Scc	.	rs370	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p15.3	.	.	.	.	rs754	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	10p15.3	.	.	.	Score=602	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p15.2	.	.	.	.	rs568	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	10p15.1	.	.	.	Score=234	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p14	.	.	.	.	rs201	ID=COSM:	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	10p14	.	.	.	Score=128	rs796	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p14	.	.	.	.	rs370	ID=COSM:	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p14	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p14	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	10p14	.	.	.	Score=746	.	.	.	.	.	.	.
.	.	10p14	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p13	.	.	Scc	Score=181	rs191	.	.	.	.	.	6E-04
ENST0	.	10p13	.	.	.	.	rs765	ID=COSN6	.	.	.	0.03	0.007
ENST0	.	10p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p12.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p12.31	.	.	.	.	rs965	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p12.1	.	Scc	Scc	.	rs764	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p12.1	.	.	.	.	rs199	.	.	.	.	.	0.003
ENST0	.	10p12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p12.1	.	.	.	.	.	ID=COSN5	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p12.1	.	.	.	.	rs367	ID=COSM2	Ur	.	.	.	.
ENST0	.	10p12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p12.1	.	.	Scc	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p11.23	.	.	Scc	.	rs776	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p11.23	.	.	Scc	.	rs573	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	10p11.21	.	Scc	.	.	.	ID=COSM:	.	.	.	.	.
.	.	10q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.22	.	.	Scc	.	.	ID=COSN6	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.22	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.22	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.22	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.23	.	.	.	.	rs904	ID=COSM:	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.23	.	.	.	.	rs374	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q21.1	.	.	.	.	rs751	.	.	.	.	.	.
.	.	10q21.1	.	.	.	Score=474	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q21.1	.	.	.	.	rs138	ID=COSM4	.	.	.	.	6E-04
ENST0	.	10q21.2	.	.	.	.	rs573	.	.	.	.	.	8E-04
ENST0	.	10q21.3	.	.	.	Score=101	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.1	.	.	.	.	rs754	ID=COSM9	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.1	.	.	.	.	rs374	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.1	.	Scc	.	.	rs201	ID=COSM:	Lik	.	.	.	2E-04
ENST0	.	10q22.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.2	.	.	.	.	rs775	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.2	.	.	Scc	.	rs780	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.2	.	.	Scc	Score=233	rs878	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q23.1	.	Scc	.	.	rs568	.	.	.	.	0.001	2E-04

ENST0	.	10q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	10q23.32	.	.	.	Score=895	rs529	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q23.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q23.33	.	.	.	.	rs369	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q23.33	.	.	.	.	rs753	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q23.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.1	.	.	.	Score=890	rs904	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.1	.	.	.	.	rs782	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.2	.	.	.	Score=204	rs376	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.2	.	.	.	.	rs994	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.2	.	.	.	.	rs539	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.2	.	Scc	.	.	rs369	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.31	.	.	.	.	rs944	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q25.3	.	.	.	Score=297	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.11	.	.	.	Score=240	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.13	.	.	.	.	rs750	ID=COSM2	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.2	.	.	.	.	rs376	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.2	.	.	.	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.3	.	.	.	.	rs545	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	10q26.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.3	.	.	.	.	rs539	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	10q26.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.3	.	.	.	.	rs779	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	rs200	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	rs100	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	rs779	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	Scc	.	.	rs374	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	rs896	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	rs758	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	rs751	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	Scc	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	rs368	ID=COSM1	Ur	.	.	.	.

ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	11p15.5	.	.	.	.	rs101	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	Score=138	rs772	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	11p15.4	.	.	Scc	.	rs559	ID=COSN2	.	.	.	0.115	0.18	
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	Score=351	rs866	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	rs728	.	.	.	.	0.001	0.01	
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.3	.	.	.	.	rs759	.	.	.	.	.	0.003	
ENST0	.	11p15.2	.	Scc	.	.	rs781	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.2	.	.	.	.	.	ID=COSM6	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.2	.	.	.	.	rs782	ID=COSM3	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.1	.	.	.	Score=671	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.1	.	.	.	.	rs778	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.1	.	Scc	.	.	rs114	.	.	.	.	.	0.005	
ENST0	.	11p14.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p14.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p11.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p11.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p11.2	.	.	.	Score=457	rs773	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q11	.	Scc	Scc	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q11	.	.	.	.	rs778	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q12.1	.	.	Scc	.	rs755	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q12.1	.	.	.	.	rs370	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q12.1	.	.	.	.	rs746	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q12.2	.	.	.	.	rs761	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q12.3	.	.	.	.	rs750	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q12.3	.	.	.	.	rs368	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q12.3	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	rs755	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	rs320	ID=COSN2	.	.	.	.	0.023	
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q13.1	.	Scc	.	.	rs769	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11q13.1	.	Scc	.	.	rs759	.	.	.	.	.	.	

ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	rs200	ID=COSM	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	Score=224	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.2	.	.	.	.	rs891	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.2	.	.	.	.	rs143	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.3	.	.	.	.	rs762	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.4	.	Scc	.	.	rs772	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.4	.	.	.	Score=485	rs191	.	Ur	.	.	.	0.002
ENST0	.	11q13.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.4	.	.	.	Score=350	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.4	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.4	.	.	.	.	rs780	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.5	.	Scc	.	.	rs780	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.5	.	.	.	.	rs745	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q14.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q14.1	.	.	.	Score=320	rs372	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q14.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q14.3	.	Scc	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q14.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q21	.	.	.	.	rs791	.	.	.	.	.	0.007
ENST0	.	11q22.3	.	.	.	.	rs191	.	Ur	.	.	.	0.001
ENST0	.	11q22.3	.	.	.	.	rs754	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q22.3	.	Scc	.	.	rs763	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.1	.	.	.	.	rs574	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	11q23.1	.	Scc	.	.	rs104	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.1	.	.	.	.	rs973	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.2	.	.	.	.	rs771	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	.	Score=203	rs755	ID=COSN	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	.	.	rs370	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	.	.	rs576	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	11q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	.	.	rs142	ID=COSM4	oth	.	.	0.001	0.002
ENST0	.	11q24.2	.	Scc	.	.	rs146	.	.	.	.	.	0.003
ENST0	.	11q24.2	.	.	.	.	rs186	ID=COSN2	.	.	.	0.008	0.002
ENST0	.	11q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q24.2	.	.	.	.	rs103	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q24.3	.	.	.	Score=784	rs149	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	11q24.3	.	.	.	.	rs116	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q24.3	.	Scc	.	.	rs750	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q25	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	11q25	.	.	.	Score=920	rs961	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q25	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.33	.	.	.	.	rs149	.	.	.	.	.	.
.	.	12p13.33	.	.	.	Score=47;I	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.33	.	.	.	.	rs747	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.33	.	Scc	.	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.33	.	.	.	.	rs202	.	Lik	.	.	0.001	4E-04
ENST0	.	12p13.33	.	.	.	.	rs104	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	.	Score=22;I	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	.	.	rs752	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	Scc	.	rs760	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.2	.	Scc	.	.	rs752	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.2	.	.	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.	.
.	.	12p13.1	.	.	.	.	rs755	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	12p12.3	.	.	.	.	rs941	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p11.21	.	.	.	.	rs371	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	12q13.12											
ENST0	12q13.12				rs555						0.001	2E-04
ENST0	12q13.12				rs777	ID=COSM						
ENST0	12q13.12											
ENST0	12q13.12				rs790							0.035
ENST0	12q13.12											
ENST0	12q13.13											
ENST0	12q13.13											
ENST0	12q13.13											
ENST0	12q13.13				rs377							
ENST0	12q13.13			Score=291	rs530	ID=COSM						2E-04
ENST0	12q13.13		Scc									
ENST0	12q13.13											
ENST0	12q13.13			Score=210								
ENST0	12q13.13				rs903							
ENST0	12q13.13		Scc									
ENST0	12q13.3				rs368							
ENST0	12q13.3		Scc		rs768							
ENST0	12q13.3				rs192	ID=COSN1						0.021
ENST0	12q13.3				rs945							
ENST0	12q13.3											
ENST0	12q13.3				rs370							
ENST0	12q13.3											
ENST0	12q13.3		Scc		rs536	ID=COSM						2E-04
ENST0	12q14.2		Scc									
ENST0	12q14.2				rs180							2E-04
ENST0	12q14.2											
ENST0	12q15											
ENST0	12q15		Scc									
ENST0	12q15			Score=692	rs531							
ENST0	12q21.1											
ENST0	12q21.2				rs367							
ENST0	12q21.2											
ENST0	12q21.2											
ENST0	12q21.2		Scc									
ENST0	12q21.31		Scc		rs767							
ENST0	12q21.31				rs938							
ENST0	12q21.31		Scc									
ENST0	12q22		Scc									
ENST0	12q22											
ENST0	12q23.1				rs575							2E-04
ENST0	12q23.1				rs149	ID=COSM						2E-04
ENST0	12q23.1											
ENST0	12q23.1				rs759							
ENST0	12q23.1											
ENST0	12q23.2											
ENST0	12q23.2											
ENST0	12q23.3											
ENST0	12q23.3											
ENST0	12q23.3											
ENST0	12q23.3		Scc									
ENST0	12q24.11											
ENST0	12q24.11											
ENST0	12q24.12											

ENST0	.	12q24.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.13	.	Scc	.	.	rs369	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.21	.	.	.	.	rs764	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	Scc	.	.	rs909	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	rs762	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	Score=346	rs100	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	Score=184	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	rs548	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	Score=175	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	rs368	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	rs186	.	.	.	0.005	0.001
ENST0	.	12q24.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	12q24.32	.	.	.	Score=161	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.32	.	.	.	.	rs775	ID=COSM2	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.33	.	.	.	.	rs868	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q12.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q12.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q12.11	.	.	.	.	rs765	ID=COSM6	.	.	.	.
ENST0	.	13q12.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q12.13	.	.	.	.	rs760	.	.	.	.	.
.	.	13q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q13.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q13.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q14.11	.	.	.	.	rs113	.	.	.	.	.
.	.	13q14.11	.	.	.	Score=843	rs926	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q14.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q14.13	.	.	.	.	rs530	.	.	.	0.003	6E-04
ENST0	.	13q14.2	.	.	.	.	rs775	.	.	.	.	.
.	.	13q21.33	.	.	.	Score=564	rs535	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	13q21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q31.3	.	.	.	.	rs537	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	13q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q32.1	.	Scc	.	.	rs149	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q32.3	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q32.3	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q33.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q33.3	.	Scc	.	.	rs756	.	.	.	.	.

ENST0	.	13q34	.	.	.	.	rs148	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q34	.	.	.	.	rs756	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q34	.	.	.	.	rs100	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q34	.	.	.	.	rs752	ID=COSN	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q34	.	.	.	.	rs750	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q34	.	.	.	.	rs770	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs879	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs744	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	rs145	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	rs549	.	.	.	.	.	8E-04
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	14q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	rs374	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	rs757	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q13.2	.	.	.	.	rs777	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q13.2	.	.	.	Score=205	rs924	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q13.3	.	.	Scc	.	rs567	.	.	.	.	.	0.006
ENST0	.	14q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q21.1	.	.	.	.	rs865	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	14q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q22.1	.	Scc	.	.	rs746	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q23.1	.	.	.	.	rs140	.	.	.	.	.	.
.	.	14q23.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q23.3	.	.	.	.	rs540	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	14q23.3	.	.	.	Score=461	rs140	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	14q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.3	.	Scc	.	.	rs754	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.3	.	.	.	.	rs376	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.3	.	.	.	Score=234	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.3	.	.	.	.	rs141	.	.	.	.	.	6E-04
ENST0	.	14q32.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.11	.	.	.	.	rs751	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.11	.	.	.	.	rs763	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.12	.	.	.	Score=187	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	14q32.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	hsa-mir-41	14q32.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.31	.	Scc	.	.	rs757	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.32	.	.	.	.	rs972	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.32	.	.	.	.	rs104	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	rs756	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	rs768	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	rs782	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	rs782	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
.	.	14q32.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
.	.	15q11.1	.	.	Scc	Score=319	rs200	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
.	.	15q11.2	.	.	Scc	Score=233	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	Score=237	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	Score=486	rs760	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	.	.	rs919	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	.	.	rs748	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q12	.	.	.	.	rs920	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.1	.	.	.	.	rs371	ID=COSM6	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.1	.	.	Scc	.	rs202	ID=COSM6	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	Score=221	rs199	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	15q13.3	.	.	Scc	.	rs112	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q14	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q14	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.1	.	.	.	.	rs370	.	.	.	.	0.001
ENST0	.	15q15.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.2	.	Scc	.	.	rs531	ID=COSM9	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.3	.	.	.	.	rs755	ID=COSM6	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.3	.	.	Scc	.	rs536	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	15q15.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	15q15.3	.	.	Scc	.	rs532	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	15q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.1	.	.	.	.	rs773	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.1	.	Scc	.	.	rs140	ID=COSM	Ur	.	.	0.001	4E-04
ENST0	.	15q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.2	.	Scc	.	.	rs368	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q22.2	.	.	.	.	rs779	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q22.31	.	.	.	.	rs751	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q22.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q22.31	.	Scc	.	.	rs536	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	15q22.31	.	.	.	Score=842	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q22.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q23	.	.	.	.	rs756	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q23	.	.	.	Score=233	rs546	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	15q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q24.1	.	.	.	.	rs104	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q24.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q24.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q24.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q24.3	.	.	.	.	rs974	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q24.3	.	.	.	.	rs104	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q24.3	.	.	Scc	.	rs878	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q24.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.1	.	.	.	.	rs147	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.1	.	.	.	Score=462	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.1	.	.	.	.	rs529	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	15q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.2	.	.	.	.	rs941	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.2	.	.	Scc	.	rs792	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.3	.	.	.	.	rs371	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.1	.	.	.	Score=444	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.1	.	Scc	.	.	rs201	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.1	.	.	.	.	.	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.1	.	.	.	.	rs147	.	.	.	.	.	.
.	.	15q26.3	.	.	.	Score=26;I	rs558	.	.	.	.	0.001	1E-03
ENST0	.	15q26.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.3	.	.	.	Score=298	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.3	.	Scc	.	.	rs776	ID=COSM	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	15q26.3	.	.	Scc	.	rs368	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs761	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	Score=420	rs892	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs199	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	Score=201	rs201	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	Score=202	rs776	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs146	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs368	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs150	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs997	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs371	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs759	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	16p13.3	.	.	.	.	rs536	.	.	.	.	0.002	4E-04
ENST0	.	16p13.3	.	Scc	.	.	rs760	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs145	ID=COSM6	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs374	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs763	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	Score=756	rs141	.	.	.	.	0.015	0.003
ENST0	.	16p13.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs752	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs534	.	Lik	.	.	0.008	0.002
ENST0	.	16p13.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	Score=232	rs550	.	.	.	.	0.001	4E-04
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs189	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs371	ID=COSM2	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs201	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.13	.	.	.	.	rs563	ID=COSM1	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	16p13.13	.	.	.	.	rs767	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.13	.	.	.	.	rs918	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.12	.	.	.	.	rs780	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.11	.	.	Scc	Score=225	rs566	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	16p13.11	.	.	Scc	.	rs750	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.11	.	.	.	Score=128	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.11	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.3	.	.	Scc	.	rs178	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.3	.	.	.	.	rs757	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	16p12.3	.	.	.	.	rs764	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.2	.	.	.	.	rs182	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.1	.	.	.	Score=454	rs972	.	.	.	.	.	.
.	.	16p12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.1	.	.	.	.	rs141	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	16p11.2	.	.	.	.	rs190	.	.	.	.	0.02	0.006
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	Scc	.	.	rs749	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	.	.	rs182	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	Scc	.	.	rs781	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	.	Score=100	rs965	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	rs747	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	rs460	ID=COSN1	.	.	.	0.19	0.215
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	Score=184	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	Score=753	rs374	ID=COSN1	.	.	.	0.1	0.02
.	.	16p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	.	Score=476	.	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs133	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs288	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs424	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs559	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs424	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs429	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=989	rs879	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=111	rs879	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs429	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=104	rs437	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs720	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs718	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs932	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs720	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs444	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs288	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs288	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs766	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=112	rs424	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q11.2	.	.	.	.	rs368	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	16q13				Score=675								
ENST0	16q13												
ENST0	16q13					rs147							4E-04
ENST0	16q21				Score=575								
ENST0	16q21												
ENST0	16q21												
ENST0	16q21				Score=507	rs149							
ENST0	16q22.1												
ENST0	16q22.1				Score=223	rs105							
ENST0	16q22.1					rs771							
ENST0	16q22.1					rs561							2E-04
ENST0	16q22.1												
ENST0	16q22.1		Scc			rs754	ID=COSM4						
ENST0	16q22.1					rs369							
ENST0	16q22.1												
ENST0	16q22.1		Scc			rs758							
ENST0	16q22.1												
ENST0	16q22.1												
ENST0	16q22.1												
ENST0	16q22.1				Score=235	rs867							
ENST0	16q22.2					rs927							
ENST0	16q22.2					rs148							1E-03
ENST0	16q22.2					rs377							
ENST0	16q23.1			Scc		rs750							
ENST0	16q23.1												
ENST0	16q23.1												
ENST0	16q23.2				Score=870	rs146						0.029	0.01
ENST0	16q23.2		Scc			rs773	ID=COSN8						
ENST0	16q23.3				Score=228								
ENST0	16q23.3		Scc			rs748		Lik				0.104	0.063
ENST0	16q23.3					rs140							6E-04
ENST0	16q24.1					rs764	ID=COSM1						
ENST0	16q24.1				Score=316	rs933	ID=COSM5						
ENST0	16q24.1												
ENST0	16q24.2					rs368						0.001	2E-04
ENST0	16q24.2					rs966							
ENST0	16q24.2					rs560							2E-04
ENST0	16q24.3					rs964							
ENST0	16q24.3		Scc										
ENST0	16q24.3												
ENST0	16q24.3					rs201						0.001	2E-04
ENST0	16q24.3					rs753							
ENST0	17p13.3					rs762							
ENST0	17p13.3		Scc										
ENST0	17p13.3												
ENST0	17p13.3		Scc										
ENST0	17p13.3												
ENST0	17p13.3												
ENST0	17p13.3					rs780							
ENST0	17p13.3												
ENST0	17p13.2												
ENST0	17p13.2												
ENST0	17p13.2					rs550						0.001	4E-04
ENST0	17p13.2		Scc			rs376							

ENST0	17p13.2		Scc	Scc		rs200	ID=COSM3						2E-04
ENST0	17p13.2			Scc		rs201	ID=COSM2						
ENST0	17p13.2				Score=186								
ENST0	17p13.2												
ENST0	17p13.1												
ENST0	17p13.1				Score=573								
ENST0	17p13.1		Scc			rs200							1E-03
ENST0	17p13.1					rs745							
ENST0	17p13.1		Scc			rs147							
ENST0	17p13.1												
ENST0	17p13.1												
ENST0	17p12					rs753							
ENST0	17p12												
ENST0	17p12												
ENST0	17p12					rs763							
ENST0	17p12			Scc		rs620							
ENST0	17p12		Scc										
ENST0	17p12												
ENST0	17p11.2												
ENST0	17p11.2												
ENST0	17p11.2					rs115							0.002
ENST0	17p11.2												
ENST0	17p11.2			Scc									
ENST0	17p11.2		Scc	Scc									
ENST0	17p11.2			Scc		rs286	ID=COSN8				0.654	0.875	
ENST0	17p11.2					rs752							
ENST0	17p11.2												
ENST0	17q11.2			Scc									
ENST0	17q11.2												
ENST0	17q11.2												
ENST0	17q11.2												
ENST0	17q11.2				Score=857								
ENST0	17q11.2					rs105							
ENST0	17q11.2												
ENST0	17q11.2												
ENST0	17q11.2		Scc										
ENST0	17q11.2				Score=959	rs796	ID=COSN1						
ENST0	17q11.2		Scc			rs532							2E-04
ENST0	17q11.2												
ENST0	17q11.2												
ENST0	17q11.2												
ENST0	17q12												
ENST0	17q12		Scc										
ENST0	17q12			Scc		rs761	ID=COSM3						
ENST0	17q12			Scc									
ENST0	17q12												
ENST0	17q12			Scc		rs370							
ENST0	17q12			Scc	Score=173	rs372							
ENST0	17q12			Scc			ID=COSN1						
ENST0	17q12					rs754							
ENST0	17q12				Score=308								
ENST0	17q12					rs780							
ENST0	17q12												
ENST0	17q12												

ENST0	.	17q12	.	.	.	.	rs105	ID=COSM:	Lik	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	rs199	.	.	.	.	.	8E-04
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	rs148	ID=COSM(	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	17q21.2	.	Scc	.	.	rs782	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	rs782	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	rs906	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	Score=184	rs576	.	.	.	.	0.003	6E-04
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	.	.	rs104	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	Scc	.	rs998	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	Scc	.	.	rs761	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	.	.	rs913	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	Scc	.	.	rs780	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	.	.	rs100	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.32	.	.	Scc	.	rs105	.	.	.	.	0.304	0.402
ENST0	.	17q21.32	.	.	Scc	.	rs264	ID=COSM:	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.32	.	.	.	.	rs374	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.32	.	.	.	.	rs937	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.33	.	Scc	.	.	rs778	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.33	.	.	.	Score=155	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.33	.	.	.	.	rs102	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.33	.	.	.	Score=198	rs389	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q23.2	.	.	.	Score=243	rs367	.	.	.	.	.	1E-03
ENST0	.	17q23.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q23.3	.	Scc	.	.	rs763	ID=COSM:	Lik	.	.	.	.
ENST0	.	17q24.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.1	.	.	.	Score=163	.	.	.	.	.	.	.
.	.	17q25.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.1	.	Scc	.	.	rs561	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	17q25.1	.	.	.	.	rs101	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.1	.	.	.	Score=620	rs377	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	17q25.1		Scc			rs369						
ENST0	17q25.1											
ENST0	17q25.2											
ENST0	17q25.2					rs767						
ENST0	17q25.3											
ENST0	17q25.3		Scc			rs752						
ENST0	17q25.3											
ENST0	17q25.3		Scc									
ENST0	17q25.3					rs535	ID=COSM9					2E-04
ENST0	17q25.3					rs773						
ENST0	17q25.3					rs367						
ENST0	17q25.3											
ENST0	17q25.3											
ENST0	17q25.3											
ENST0	17q25.3											
ENST0	17q25.3					rs367						
ENST0	17q25.3											
ENST0	17q25.3						ID=COSM2					
ENST0	17q25.3											
ENST0	17q25.3											
ENST0	17q25.3											
ENST0	17q25.3					rs759	ID=COSM5					
ENST0	17q25.3											
ENST0	17q25.3		Scc			rs145	ID=COSM7					
ENST0	17q25.3											
ENST0	18p11.32											
ENST0	18p11.32											
ENST0	18p11.21											
ENST0	18p11.21				Score=238		ID=COSN1					
ENST0	18p11.21											
ENST0	18p11.21			Scc								
ENST0	18p11.21			Scc			ID=COSN1					
ENST0	18q11.2											
ENST0	18q11.2					rs139						2E-04
ENST0	18q11.2				Score=173							
ENST0	18q11.2					rs545					0.001	2E-04
ENST0	18q12.1					rs779						
ENST0	18q12.2											
ENST0	18q12.3											
ENST0	18q21.1					rs778						
ENST0	18q21.1											
ENST0	18q21.1					rs771						
ENST0	18q21.1											
ENST0	18q21.32			Scc								
ENST0	18q21.33											
ENST0	18q21.33					rs141						4E-04
ENST0	18q21.33			Scc								
ENST0	18q22.2						ID=COSM4					
ENST0	18q22.3											
ENST0	18q23											
ENST0	19p13.3					rs102						
ENST0	19p13.3						ID=COSN2					
ENST0	19p13.3					rs374						
ENST0	19p13.3					rs778						

ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs377	.	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	19p13.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs945	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs762	ID=COSM4	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	19p13.3	.	Scc	.	.	rs202	.	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	Score=196	rs779	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs375	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	Score=32;I	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs100	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	Scc	.	.	rs369	.	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs752	ID=COSN9	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	ID=COSM6	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	Scc	.	.	rs376	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs777	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	Score=289	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	Score=557	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs759	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	ID=COSM7	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs150	.	.	.	.	.	.	6E-04
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	Score=216	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs101	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs763	ID=COSM1	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	Score=378	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs139	.	.	.	.	.	.	6E-04
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs377	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs374	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs751	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs141	ID=COSM4	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	19p13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs759	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs352	ID=COSM3	.	.	.	.	0.005	0.015
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs761	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs530	.	.	.	.	.	0.007	0.002
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.	.
.	.	19p13.2	.	.	Scc	Score=149	rs369	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19p13.2	.	.	Scc	Score=198	rs375	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	Scc	.	rs568	.	.	.	.	.	0.001	6E-04
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs780	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	Scc	.	.	rs756	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	Scc	.	.	rs781	ID=COSM5	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	Scc	.	.	rs138	ID=COSM9	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs200	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	Score=216	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	Scc	.	.	rs763	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs373	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs372	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	Score=224	rs538	ID=COSN1	.	.	.	.	8E-04
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	Score=232	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	Scc	.	.	rs371	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.12	.	Scc	.	.	.	ID=COSM9	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.12	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.12	.	Scc	.	Score=22;I	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.12	.	.	Scc	.	.	ID=COSM2	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	rs101	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	Score=305	rs113	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	Score=230	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	rs929	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	rs769	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	rs104	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	Score=231	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	rs371	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	rs201	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	19p12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q12	.	.	.	Score=319	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q12	.	Scc	.	.	rs754	ID=COSM2	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.11	.	Scc	.	.	rs375	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	Score=243	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	Scc	.	.	rs765	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	Score=227	rs558	.	.	.	.	.	2E-04
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=123	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	.	rs480	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=123	rs712	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=123	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.13	.	.	.	Score=130	rs772	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	rs147	ID=COSM6	.	.	.	.	6E-04
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	Score=644	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	rs375	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	Score=141	rs537	.	.	.	.	0.003	0.004
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	Score=242	rs572	.	.	.	.	0.008	0.009
ENST0	.	19q13.2	.	.	Scc	.	rs891	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	rs756	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	Scc	.	.	rs773	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	Scc	.	.	rs746	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	Score=948	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	rs104	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	.	.	rs773	ID=COSM6	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	.	.	rs907	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.32	.	.	.	Score=268	rs563	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	19q13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.32	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.32	.	.	.	.	rs102	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.32	.	Scc	.	.	rs369	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.32	.	.	.	Score=103	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.33	.	.	Scc	Score=300	rs621	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	rs101	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	rs562	.	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	rs750	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	rs374	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	rs200	.	.	.	.	0.001	6E-04
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	rs564	.	.	.	.	.	0.015
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	rs369	.	Lik	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	rs773	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	19q13.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.41	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.41	.	.	.	Score=113	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	rs142	ID=COSM4	.	.	.	.	.	.
ENST0	hsa-mir-52	19q13.42	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	Scc	.	rs370	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	rs752	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	rs370	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	.	.	rs200	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	.	.	rs770	ID=COSM4	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	.	.	rs147	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	.	Scc	.	rs102	ID=COSM6	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	.	.	.	rs762	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	.	.	Score=236	rs867	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	.	.	.	rs763	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p12.2	.	.	.	Score=230	rs103	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p11.23	.	.	.	Score=268	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p11.21	.	.	Scc	.	rs150	ID=COSM1	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	20p11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p11.1	.	.	Scc	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.21	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.21	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.21	.	.	.	.	rs184	ID=COSM5	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	20q11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.22	.	.	.	Score=686	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.22	.	.	.	.	rs746	ID=COSN2	.	.	.	.	0.001	0.022
ENST0	.	20q11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.22	.	Scc	.	.	rs148	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.22	.	.	.	Score=291	rs543	ID=COSN1	.	.	.	.	.	0.001
ENST0	.	20q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.23	.	Scc	.	Score=396	rs879	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.23	.	.	.	.	rs984	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.23	.	Scc	.	.	rs946	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q12	.	.	.	.	rs371	.	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	20q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q12	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	20q12	.	.	.	.	rs376	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.12	.	.	.	Score=167	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.12	.	Scc	.	.	.	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.13	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.2	.	.	.	.	rs889	.	.	.	.	.	.
.	.	20q13.2	.	.	.	Score=865	rs866	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.33	.	.	.	.	rs770	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.33	.	.	.	.	rs778	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.33	.	.	.	.	rs181	.	.	.	.	0.002	4E-04
ENST0	.	20q13.33	.	Scc	.	.	rs143	.	.	.	.	.	0.002
ENST0	.	20q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.33	.	.	.	.	rs546	ID=COSM5	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	21p11.2	.	.	Scc	.	rs796	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=298	.	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=348	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=333	rs868	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=333	rs371	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.2	.	.	Scc	.	rs377	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	Score=756	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	.	rs528	.	.	.	.	.	2E-04
.	.	21p11.1	.	.	Scc	Score=144	.	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.1	.	.	Scc	Score=263	rs665	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.1	.	.	Scc	Score=263	rs658	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	.	rs915	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q11.2	.	.	Scc	Score=247	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q11.2	.	.	Scc	.	.	ID=COSM6	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q21.1	.	.	.	Score=297	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q21.3	.	.	.	.	rs917	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.11	.	.	.	Score=160	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.11	.	.	.	.	rs103	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.11	.	Scc	.	Score=261	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.11	.	.	.	.	rs758	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.12	.	.	.	Score=454	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.13	.	Scc	.	Score=453	rs558	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.2	.	.	.	.	rs759	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.2	.	.	.	.	rs758	ID=COSM1	.	.	.	.	.

ENST0	.	21q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.2	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	Score=230	rs946	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	rs101	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	rs780	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	Scc	.	.	rs566	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	rs985	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	Scc	.	.	rs756	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	rs758	ID=COSM5	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	rs377	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	rs751	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	Score=231	rs284	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	rs879	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	rs124	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	.	.	rs555	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	22q11.21	.	.	.	Score=21;I	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	rs189	.	.	.	.	0.002
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	Scc	Scc	.	rs371	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	.	.	rs772	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.22	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.22	.	.	.	.	rs377	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.23	.	.	.	.	rs368	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	22q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.23	.	.	Scc	.	rs772	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.2	.	.	.	.	rs192	.	.	.	.	4E-04
ENST0	.	22q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.2	.	.	.	.	rs571	.	.	.	.	1E-03
ENST0	.	22q12.2	.	.	.	.	rs101	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	22q12.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.3	.	.	.	.	rs137	ID=COSM1	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.3	.	.	.	.	rs368	.	.	.	0.001	2E-04

ENST0	.	22q12.3	.	.	.	.	rs536	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	22q13.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.1	.	.	.	.	rs752	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.1	.	Scc	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.1	.	Scc	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.1	.	.	.	.	rs571	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	22q13.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.1	.	.	.	Score=701	rs371	.	.	.	.	0.005	1E-03
ENST0	.	22q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.2	.	.	.	.	rs201	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.2	.	.	.	.	rs183	.	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	22q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.2	.	.	.	.	rs191	ID=COSN9	.	.	.	.	2E-04
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.31	.	Scc	.	.	rs558	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	rs130	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.33	.	Scc	.	.	rs559	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.33	.	.	.	.	rs370	.	.	.	.	0.001	2E-04
ENST0	.	22q13.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.33	.	Scc	.	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.33	.	.	.	.	rs980	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.32	.	.	.	Score=240	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.12	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.11	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.3	.	.	.	Score=121	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.4	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	Xp11.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	rs782	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	rs367	ID=COSM4	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	Scc	.	.	rs187	ID=COSM5	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	rs782	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xp11.22	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	rs782	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	Score=202	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.21	.	.	Scc	.	rs961	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	rs712	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	rs376	ID=COSN1	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	ID=COSN1	.	.	.	.
.	.	Xq11.1	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	.	rs768	.	.	.	0.001	3E-04
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	Scc	.	.	rs750	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	.	rs863	.	Pa	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	Score=390	rs768	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq21.1	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.
ENST0	.	Xq21.31	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq21.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq21.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq21.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq21.33	.	.	.	Score=506	rs967	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq22.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq22.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	Xq22.3	.	.	.	.	rs150	.	.	.	.	.	0.013
ENST0	.	Xq23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq24	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq24	.	.	.	Score=114	rs866	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq24	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq24	.	.	.	Score=249	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq25	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq25	.	.	.	.	rs138	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq27.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq27.2	.	.	Scc	Score=278	.	ID=COSN8	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	Scc	.	rs782	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	rs371	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	rs782	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	rs781	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Yq11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	.	.	.	.	.	rs879	.	.	.	.	.	.
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	rs575	.	.	.	0	.	2E-04
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs410	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs762	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	Score=214	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.12	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs377	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=858	rs372	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=423	rs618	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q44	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	2p11.1	.	.	Scc	Score=100	rs164	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q11.2	.	.	.	.	rs793	.	.	0.002	0.001	4E-04	
ENST0	.	3q22.1	.	.	.	.	rs748	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.33	.	.	Scc	.	rs671	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p13.2	.	.	Scc	Score=212	rs868	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	7p14.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	7p13	.	.	Scc	Score=822	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q31.2	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	.	rs147	.	.	.	0	.	4E-04
ENST0	.	8p21.3	.	.	.	.	rs749	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p21.3	.	.	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.	.
.	.	9q21.11	.	.	Scc	.	rs148	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.22	.	.	Scc	.	rs202	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p11.2	.	Scc	.	.	rs773	ID=COSM9	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.12	.	Scc	.	.	rs773	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.13	.	.	.	.	rs776	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	14q32.33	.	.	Scc	Score=126	rs715	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSM6	.	.	0.206	0.211	0.075
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	rs373	ID=COSM6	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.2	.	.	.	Score=231	rs778	ID=COSM4	.	.	.	.	.
.	.	17q12	.	.	Scc	.	rs372	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.11	.	.	Scc	.	rs786	ID=COSM1	.	.	.	.	.
.	.	19q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.1	.	.	Scc	.	rs926	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.1	.	.	.	.	rs766	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	Scc	.	rs339	ID=COSN9	.	.	0.374	0.348	0.144
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs436	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p35.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p35.1	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p21.2	.	.	.	.	rs372	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=270	rs200	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs942	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	1q21.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q22	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.3	.	.	.	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q31.3	.	.	.	.	rs966	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.13	.	.	.	.	rs757	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q43	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q43	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p22.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p21	.	.	.	.	rs142	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	2q23.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q32.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q33.1	.	.	Scc	Score=206	rs185	.	.	.	.	0	0.003	6E-04
ENST0	.	2q33.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q36.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.3	.	.	.	.	rs778	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q22.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q26.2	.	.	.	.	rs746	ID=COSM6	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q26.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q26.32	.	.	Scc	.	rs104	ID=COSM1	Pa	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q27.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q25	.	.	.	Score=187	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q31.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q31.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	4q34.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p13.2	.	.	.	Score=288	rs187	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q12.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.1	.	.	.	.	rs795	ID=COSM1	.	.	.	0.033	0.031	0.007
ENST0	.	5q33.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.1	.	.	.	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.1	.	.	Scc	.	rs178	.	.	.	.	0.309	0.277	0.213
ENST0	.	6p22.1	.	.	.	.	rs536	.	.	.	.	0.003	0.003	6E-04
ENST0	.	6q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q12	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q27	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q21.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q32.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q33	.	.	.	.	rs368	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.12	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	Scc	.	.	rs374	ID=COSM4	.	.	.	.	.	.
.	.	9q13	.	.	Scc	Score=540	rs492	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.
.	.	9q21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q22.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	10p15.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p15.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q23.2	.	.	Scc	.	rs312	.	.	.	0.527	0.524	0.433
ENST0	.	10q26.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.4	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q14.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q24.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.33	.	.	Scc	.	rs538	ID=COSN1	.	.	0.402	0.375	0.205
ENST0	.	12p13.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q14.2	.	.	.	.	rs865	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q21.31	.	.	.	Score=660	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.22	.	.	.	.	rs770	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q13.1	.	.	.	.	rs370	.	.	.	0	.	4E-04
ENST0	.	13q13.3	.	.	.	.	rs412	ID=COSM5	Ur	.	0	.	4E-04
ENST0	.	13q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q21.2	.	.	.	.	.	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q33.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	rs369	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q13.2	.	.	.	Score=222	rs766	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.12	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	rs121	ID=COSM3	Pa	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.1	.	.	Scc	.	rs493	ID=COSM3	.	.	.	.	.
.	.	15q11.2	.	.	Scc	Score=254	rs749	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	rs107	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	Score=559	rs182	.	.	.	0.086	0.088	0.073
ENST0	.	15q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.1	.	.	.	Score=227	rs186	.	.	.	0.003	0.002	4E-04
ENST0	.	15q21.1	.	.	.	.	rs995	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.1	.	.	.	Score=512	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.1	.	.	Scc	Score=444	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.
.	.	16p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q12.2	.	.	.	.	rs775	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q22.2	.	.	.	Score=212	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	.	.	rs781	ID=COSM2	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	.	.	rs150	.	.	.	0	.	0.001
ENST0	.	17q21.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	rs374	.	.	.	0.002	0.002	4E-04
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	rs561	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	Scc	.	.	rs550	.	.	.	0	.	2E-04

ENST0	.	18p11.21	.	.	Scc	Score=468	rs199	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p12.3	.	Scc	.	.	rs143	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.23	.	.	.	Score=579	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	.	rs117	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.33	.	.	.	.	rs750	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp21.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq24	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq27.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq27.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	.	rs114	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p22.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p11.2	.	.	Scc	.	rs199	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs866	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p16.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p14	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q14.2	.	.	.	.	rs370	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q21.3	.	.	.	Score=22;I	rs200	ID=COSN1	.	.	0	.	0.007
ENST0	.	2q24.3	.	.	.	.	rs904	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	rs370	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.1	.	.	.	.	rs557	.	.	.	0	.	.
ENST0	.	3p24.3	.	.	.	Score=601	rs144	.	.	.	0.078	0.081	0.102
ENST0	.	3p22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q13.31	.	.	.	.	rs201	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p15.33	.	.	.	.	rs116	.	.	.	0	.	0.014
.	.	4p11	.	.	Scc	.	rs469	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	4p11	.	.	Scc	Score=430	rs469	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q13.3	.	.	.	.	rs749	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q35.1	.	.	.	.	rs775	ID=COSM6	.	.	.	.	.

ENST0		5q31.3			Scc			ID=COSM					
ENST0		6p21.33					rs116						
ENST0		6q14.1											
ENST0		6q14.1			Scc								
ENST0		6q21					rs757						
ENST0		7p22.1											
ENST0		7q21.12											
ENST0		7q22.1			Scc								
ENST0		8p22		Scc			rs772						
ENST0		8q24.3											
ENST0		9q34.3					rs750	ID=COSM					
ENST0		10p14		Scc									
ENST0		10p13					rs757	ID=COSM					
ENST0		10p11.1			Scc		rs565				0	0.001	0.002
ENST0		10q22.1				Score=246	rs790	ID=COSN			0.347	0.355	0.327
ENST0		10q23.31											
ENST0		10q24.32					rs970						
ENST0		10q24.32					rs772						
ENST0		10q24.33						ID=COSM					
ENST0		10q26.13					rs121	ID=COSM	Lik				
ENST0		11p15.5											
ENST0		11p15.1					rs545				0		2E-04
ENST0		11p15.1		Scc									
ENST0		11q23.3											
ENST0		12q24.13					rs103						
ENST0		13q14.2											
		13q22.3			Scc		rs914						
		13q31.1				Score=303	rs981						
ENST0		14q11.2											
ENST0		14q13.1		Scc									
ENST0		14q21.2		Scc			rs563	ID=COSM			0		2E-04
ENST0		14q22.1											
ENST0		14q31.3											
ENST0		14q32.2											
ENST0		15q11.1			Scc								
ENST0		15q11.2			Scc		rs778						
ENST0		15q15.1											
ENST0		15q15.2				Score=171							
ENST0		16q22.1											
ENST0		17p13.1											
		17p11.2			Scc		rs586						
ENST0		17q21.32					rs779						
ENST0		18p11.31											
ENST0		19p13.2		Scc			rs747	ID=COSM					
ENST0		19p13.12											
ENST0		19q13.11			Scc	Score=758	rs947						
ENST0		19q13.12											
ENST0		19q13.31											
ENST0		19q13.41					rs371						
ENST0		19q13.42					rs105						
ENST0		20p13					rs558	ID=COSN			0		0.002
ENST0		20p11.1			Scc		rs603	ID=COSN					
ENST0		20q11.22											
ENST0		20q13.12		Scc									

ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	Score=183	rs200	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.	.	
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	Score=237	rs626	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p32.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs745	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q24.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q42.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	2p11.2	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
.	.	2p11.2	.	.	Scc	.	rs371	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q31.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q29	.	.	Scc	.	rs775	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	4p11	.	.	Scc	Score=866	rs469	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.12	.	.	.	Score=239	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p11.1	.	.	Scc	.	rs407	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	12q21.2	.	.	.	Score=223	rs921	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q21.3	.	.	.	.	rs112	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	14q24.3	.	.	.	Score=286	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	Score=496	rs285	ID=COSM3	Be	.	.	.	.	
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	18q12.1	.	.	.	Score=813	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs278	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs278	ID=COSN1	.	.	0.319	0.325	0.398	
.	.	2p11.2	.	.	Scc	.	rs371	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	5p14.3	.	.	.	Score=354	rs199	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q22.1	.	.	Scc	.	rs139	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
.	.	8p23.1	.	.	Scc	.	rs207	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q13	.	.	Scc	.	rs113	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.11	.	.	Scc	.	rs764	ID=COSN8	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q21.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q11.23	.	Scc	Scc	.	rs199	ID=COSM1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p15.5	.	.	Scc	Score=247	rs371	ID=COSN2	.	.	.	.	.	
ENST0	.	11p11.2	.	.	.	.	rs879	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	rs115	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	18p11.21	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSM1	.	.	.	.	.	
.	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=348	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
.	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=218	rs879	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	21p11.1	.	.	.	Score=215	rs104	ID=COSN1	.	.	.	.	.	
ENST0	.	Xq27.1	.	.	Scc	.	rs144	.	.	.	0.107	0.101	0.042	
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.22	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p21.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs389	ID=COSN1	.	.	.	.	.	

ENST0	1q21.1			Scc		rs111	ID=COSN1					
ENST0	1q21.1			Scc		rs201	ID=COSN1					
ENST0	1q21.1			Scc		rs371	ID=COSN2					
ENST0	1q21.1			Scc		rs879						
ENST0	1q21.1			Scc		rs669	ID=COSN1					
ENST0	1q21.2			Scc		rs879						
ENST0	1q21.2											
ENST0	1q21.3											
ENST0	1q22		Scc			rs483	ID=COSM3	no				
ENST0	1q25.1					rs894						
ENST0	1q25.3					rs773						
ENST0	2p11.2			Scc								
ENST0	2p11.2					rs778						
ENST0	2q11.2		Scc			rs201	ID=COSM1			0	0.001	4E-04
ENST0	2q12.1		Scc									
ENST0	2q31.1					rs768						
ENST0	2q31.3		Scc			rs755						
ENST0	3p22.1					rs622	ID=COSM4					
ENST0	3q26.33											
ENST0	3q27.1		Scc									
ENST0	3q27.1											
ENST0	3q27.2											
ENST0	4q25											
ENST0	4q26					rs574				0		2E-04
ENST0	4q34.3					rs554	ID=COSM3			0		4E-04
ENST0	5p13.2			Scc	Score=189							
ENST0	5q13.2			Scc	Score=154	rs375				0.777	0.772	0.477
ENST0	5q13.2											
ENST0	5q31.1											
ENST0	5q31.1		Scc									
ENST0	5q35.2											
ENST0	5q35.2				Score=316							
ENST0	6p23				Score=479	rs758						
ENST0	6p22.3					rs759						
ENST0	6p22.3											
ENST0	6p22.1			Scc								
ENST0	6p21.33											
ENST0	6p21.32											
ENST0	6p21.1											
ENST0	6q11.1											
ENST0	6q12			Scc								
ENST0	6q25.3				Score=239							
ENST0	7p22.3											
ENST0	7q11.21			Scc		rs201	ID=COSN2					
ENST0	7q21.12					rs980						
ENST0	7q35			Scc	Score=245	rs120	ID=COSN2					
ENST0	7q35			Scc	Score=245	rs624	ID=COSN2					
ENST0	7q36.1											
ENST0	7q36.1			Scc								
ENST0	8p21.1											
	8p11.1				Score=126	rs202	ID=COSN2					
ENST0	8q24.3											
ENST0	9q21.32		Scc									
ENST0	9q22.31											

ENST0	.	9q22.32	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs772	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.21	.	.	.	.	rs535	.	.	.	0	.	2E-04
ENST0	.	10q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q25.1	.	Scc	.	.	.	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	.	.	.	rs147	.	.	.	0	0.001	8E-04
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.4	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	Score=136	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.1	.	.	.	.	rs777	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p11.2	.	.	.	.	rs780	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	.	.	rs100	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.13	.	.	.	Score=441	rs868	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q12.11	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q12.11	.	.	Scc	.	.	ID=COSN5	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q12.12	.	.	.	.	rs760	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q12.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q13.3	.	.	.	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q22.2	.	.	.	.	rs184	.	.	.	0	.	2E-04
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs867	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q12	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q22.3	.	.	.	.	rs759	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q23.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.2	.	.	Scc	.	rs112	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	Score=210	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs748	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	Score=346	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=108	rs750	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=113	rs212	.	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs443	ID=COSN2	.	.	.	.	.
.	.	16q11.2	.	.	.	Score=114	rs288	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q22.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q11.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	17q12	.	.	.	Score=684	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	rs199	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	.	.	rs102	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q24.2	.	.	.	.	rs372	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	18p11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q21.2	.	.	.	.	rs755	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.13	.	.	.	.	rs995	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	20p12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.23	.	.	.	Score=520	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.2	.	.	Scc	.	rs369	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.2	.	.	Scc	.	rs796	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	rs221	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	rs201	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.1	.	.	.	.	rs761	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	Scc	.	rs339	ID=COSN9	.	.	0.374	0.348	0.144
ENST0	.	Xq21.31	.	.	.	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.
.	.	.	.	.	.	.	rs879	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs199	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs169	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs944	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs781	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs202	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	1q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.3	.	.	.	.	rs149	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q41	.	.	.	.	rs763	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q42.2	.	.	.	.	rs372	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.1	.	.	Scc	.	rs621	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q13	.	.	Scc	.	rs147	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q13.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q13.2	.	.	.	.	rs142	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	rs497	ID=COSN1	.	.	.	.	.

ENST0	.	4q24	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q24	.	.	.	.	.	ID=COSM5	.	.	.	.
ENST0	.	5p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	.	.	Score=317	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p14.1	.	.	.	.	rs964	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	rs624	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q31.32	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.1	.	.	.	.	rs891	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p24.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	.	ID=COSM5	.	.	.	.
ENST0	.	11p14.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p12	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	.	.	rs758	ID=COSM6	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	12q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs714	ID=COSN1	.	.	.	.
.	.	14q32.32	.	.	.	Score=111	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	Score=221	rs199	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q26.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q23.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.21	.	.	Scc	.	rs879	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	Score=235	rs867	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs766	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.11	.	Scc	.	.	rs768	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	19q13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.1	.	.	Scc	Score=460	rs111	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.11	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	22q11.22	.	.	Scc	.	rs200	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	rs939	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.3	.	.	.	Score=788	rs734	.	.	0.207	0.192	0.243
ENST0	.	Xq21.31	.	.	Scc	.	rs182	.	.	0	.	5E-04
ENST0	.	Xq25	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.3	.	.	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.
ENST0	.	Xq27.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	Score=221	rs181	ID=COSN1	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=285	rs369	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs377	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	.	.	rs259	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs202	.	.	.	.	.
.	.	1q21.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.2	.	.	.	Score=181	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p11.1	.	.	Scc	.	rs264	ID=COSN5	.	.	.	.
ENST0	.	2q12.1	.	.	.	Score=591	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q13	.	.	.	Score=217	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q13	.	.	.	Score=217	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q21.1	.	.	Scc	Score=339	rs621	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q23	.	.	.	Score=120	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	4q13.2	.	.	.	Score=997	rs142	.	.	0.684	0.681	0.468
ENST0	.	5p14.3	.	.	Scc	.	rs287	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	rs624	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	rs368	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	8q12.1	.	.	Scc	Score=220	rs149	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.3	.	.	.	Score=474	rs771	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.3	.	.	.	.	rs178	ID=COSN8	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q24.2	.	.	.	Score=203	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	Scc	.	rs106	.	.	0.269	0.267	0.134
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	Score=238	rs424	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs744	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs867	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	Scc	.	rs393	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.33	.	.	.	Score=198	rs389	ID=COSN2	.	.	.	.
.	.	21p11.2	.	.	Scc	.	rs196	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	rs371	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	Xq26.3	.	.	Scc	.	rs781	.	.	.	0.254	0.249	0.268
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs453	ID=COSN1	.	.	0.45	0.437	0.444
ENST0	.	1p34.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs181	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=208	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs879	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs145	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs200	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs797	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.3	.	.	.	.	rs199	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	Score=841	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q26.2	.	.	.	.	rs187	.	.	.	0.063	0.055	0.011
.	.	3q29	.	.	Scc	Score=578	rs372	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q29	.	.	.	Score=235	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q29	.	.	Scc	.	rs200	.	.	.	.	.	.
.	.	4p16.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	6q25.3	.	.	.	Score=865	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q26	.	.	Scc	.	rs774	ID=COSN1	.	.	0.359	0.355	0.336
.	.	6q27	.	.	Scc	.	rs375	.	.	.	.	.	.
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q11.22	.	Scc	.	Score=211	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p11.2	.	.	Scc	Score=121	rs280	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	10q11.22	.	.	Scc	.	rs199	.	.	.	.	.	.
.	.	10q11.22	.	.	Scc	Score=348	rs145	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	Score=364	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q12.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.33	.	.	Scc	.	rs371	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.33	.	.	Scc	.	rs376	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q14.2	.	.	.	.	rs560	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	Score=143	rs775	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs101	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q14	.	.	.	.	rs756	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.2	.	.	Scc	Score=247	rs373	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q12.2	.	.	Scc	.	rs713	.	.	.	0.251	0.262	0.49
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	rs712	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p11.2	.	.	Scc	.	rs614	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q23.1	.	.	Scc	.	rs287	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q23.1	.	.	Scc	.	rs284	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	Score=871	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.2	.	.	Scc	.	rs360	.	.	.	0.266	0.302	0.458
ENST0	.	Xp11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	.	.	rs755	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p22.2	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p13.2	.	Scc	.	.	rs143	.	.	.	0.002	0.001	0.015	
ENST0	.	1p12	.	.	Scc	Score=239	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs199	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=269	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs375	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs284	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs782	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs376	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	rs909	ID=COSM6	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p26.1	.	.	.	.	rs779	ID=COSM3	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	rs778	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q22.1	.	.	.	.	rs774	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p15.2	.	.	Scc	.	rs238	ID=COSM6	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q14.1	.	.	.	.	rs781	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q23.2	.	.	.	.	rs114	ID=COSM1	.	.	0	.	0.001	
ENST0	.	5q33.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q34	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q22.33	.	.	Scc	.	rs990	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.3	.	.	.	.	.	ID=COSM5	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q27	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q27	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p21.2	.	.	.	.	rs746	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	7p12.3	.	.	.	Score=193	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q35	.	.	.	.	rs570	.	.	.	0	.	2E-04	
ENST0	.	7q36.1	.	Scc	.	.	rs148	ID=COSM9	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.3	.	.	.	.	rs758	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	.	.	rs747	.	.	.	.	.	.	.
.	.	8p11.1	.	.	.	Score=126	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q23.3	.	.	.	Score=113	rs532	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	rs569	.	.	.	0	.	2E-04	
ENST0	.	9q21.2	.	.	.	.	rs368	.	.	.	0	.	2E-04	
ENST0	.	9q31.1	.	.	.	.	rs374	.	.	.	0.003	0.003	6E-04	
ENST0	.	9q34.11	.	.	.	.	rs752	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs564	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs550	.	.	.	0	.	2E-04
ENST0	.	10q25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p14.1	.	.	.	Score=228	rs761	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p14.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p11.2	.	Scc	.	.	rs781	ID=COSM3	.	.	.	.	.
.	.	11q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	rs752	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q25	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	.	.	.	rs140	ID=COSM4	.	.	0	.	0.001
ENST0	.	13q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	13q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	Score=520	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs766	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs575	.	.	.	0	.	2E-04
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	rs756	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	rs752	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q11.2	.	.	.	Score=216	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	Scc	Scc	.	rs371	.	.	.	0	.	2E-04
ENST0	.	17q21.2	.	.	.	.	rs774	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q21.33	.	.	.	.	rs746	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q23.1	.	.	.	Score=216	rs866	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q23.2	.	.	Scc	.	rs866	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	rs199	.	.	.	0	.	1E-03
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	.	rs386	ID=COSN1	.	.	0.174	0.216	0.348
.	.	19q13.12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	Scc	.	.	rs757	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.32	.	.	.	.	rs756	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q11.23	.	.	.	.	rs377	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	22q11.1	.	.	Scc	.	rs619	.	.	.	0.168	0.168	0.086
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.23	.	.	Scc	.	rs566	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q13.31	.	.	.	.	rs100	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	Score=234	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	rs797	.	Pa	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	Score=195	rs463	ID=COSN9	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p35.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

.	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=224	rs745	ID=COSN1	.	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs201	.	.	.	.	.	.
.	.	1q21.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs866	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs414	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	rs618	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	rs200	.	.	.	0	0.001	2E-04
ENST0	.	2p15	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p13.2	.	Scc	.	.	rs183	.	Ur	.	0	.	2E-04
ENST0	.	2p13.2	.	.	.	.	rs200	ID=COSM3	Ur	.	.	.	.
ENST0	.	2p13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q11.2	.	.	Scc	.	rs952	ID=COSN6	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q23.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q37.3	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p24.1	.	.	.	.	rs568	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	rs147	.	.	.	0	.	2E-04
ENST0	.	3p21.2	.	Scc	.	.	rs200	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	4p11	.	.	Scc	.	rs293	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p11	.	.	Scc	.	.	ID=COSN5	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q21.21	.	.	.	.	rs766	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	5q12.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q21.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	Scc	.	.	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q32	.	.	.	.	rs531	.	.	.	0	.	2E-04
ENST0	.	6p24.2	.	.	.	Score=21;I	rs566	.	.	.	0	.	2E-04
ENST0	.	6p22.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p22.3	.	.	.	.	rs181	.	.	.	0	.	4E-04
.	.	7p11.2	.	.	Scc	.	rs782	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q21.12	.	.	.	.	rs148	.	.	.	0.003	0.002	4E-04
ENST0	.	7q22.1	.	.	.	.	rs552	.	.	.	0.005	0.004	0.003
ENST0	.	7q33	.	Scc	.	.	.	ID=COSM6	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q33	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q35	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q11.21	.	.	Scc	.	rs998	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q13	.	.	Scc	.	rs933	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q22.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	9q32	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	Scc	.	.	rs945	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs949	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p12.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	10q11.22	.	.	Scc	.	rs299	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	10q11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.2	.	.	.	.	rs779	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q25	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p13.2	.	.	.	.	.	ID=COSM6	.	.	.	.	.
ENST0	.	12p12.1	.	Scc	.	.	rs121	ID=COSM5	Pa	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.3	.	.	.	.	rs352	.	Be	.	0	.	8E-04
ENST0	.	12q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q23.3	.	.	.	.	rs539	.	.	.	0	.	2E-04
.	.	13q31.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q22.2	.	.	.	Score=27;I	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.2	.	.	.	.	rs879	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	Scc	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q12	.	.	.	.	.	ID=COSM2	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.3	.	.	Scc	.	rs783	.	.	.	0.095	0.082	0.146
.	.	15q25.2	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q22.1	.	.	Scc	.	rs200	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q21.33	.	.	Scc	Score=214	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	Score=235	rs867	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	Scc	.	.	rs768	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	Score=213	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.43	.	.	Scc	.	rs770	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p11.21	.	.	.	.	rs200	.	.	.	0	.	2E-04
ENST0	.	20q11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	20q13.2	.	.	.	Score=126	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q21.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq22.3	.	.	.	.	.	ID=COSM5	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq22.3	.	.	.	.	rs753	.	.	.	0.002	0.001	3E-04
ENST0	.	Xq25	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq26.3	.	.	.	.	rs776	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq27.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	rs398	.	Pa	.	0.002	0.001	5E-04

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.13	.	.	Scc	.	rs101	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p36.12	.	.	.	.	rs145	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p22.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs770	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs141	ID=COSN7	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs125	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs372	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs587	ID=COSM3	.	.	0.269	0.314	0.245		
ENST0	.	1q21.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.2	.	Scc	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q32.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2p21	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	2p11.2	.	.	Scc	.	rs754	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q24.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q31.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q33.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q37.2	.	Scc	.	.	rs982	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p26.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p26.1	.	.	.	Score=318	rs130	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p22.2	.	.	.	.	rs371	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p22.1	.	.	.	Score=323	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p21.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p21.31	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q21.3	.	.	.	.	rs572	.	.	.	0	.	2E-04		
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	rs497	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	
.	.	4q13.3	.	.	.	Score=274	rs145	.	.	.	0.002	0.001	2E-04		
ENST0	.	4q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	4q26	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	4q28.1	.	.	.	.	rs372	ID=COSM1	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	4q34.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	4q35.2	.	.	.	Score=232	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	5q32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	5q33.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	6p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	6p21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	6q16.1	.	.	.	.	rs901	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	6q22.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p22.1	.	.	Scc	.	rs154	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p15.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p15.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	7p12.3	.	.	Scc	.	rs192	.	.	.	0.002	0.001	2E-04		
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q11.23	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	

ENST0	.	7q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q33	.	.	.	.	rs575	.	.	.	0	.
ENST0	.	7q33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q11.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q13.3	.	.	.	.	rs547	.	.	.	0	.
ENST0	.	8q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p21.1	.	.	Scc	.	rs374	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	9p13.3	.	Scc	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.
ENST0	.	9q21.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q21.13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	9q32	.	.	Scc	.	rs286	.	.	.	.	.
ENST0	hsa-mir-45	9q32	.	.	.	.	rs371	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs997	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q34.3	.	.	.	.	rs376	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p15.2	.	.	.	.	rs926	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p11.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q11.22	.	.	.	Score=492	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q23.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q26.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.1	.	.	.	Score=254	.	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	11q11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q12.1	.	.	.	.	rs369	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.2	.	.	.	Score=242	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q23.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.13	.	.	.	Score=441	rs868	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.21	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.31	.	Scc	.	.	rs568	.	.	.	0.002	0.001
ENST0	.	13q32.3	.	.	.	.	rs752	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	Score=303	rs128	ID=COSN2	.	.	.	.
.	.	14q32.31	.	.	.	.	rs531	.	.	.	0	.
ENST0	.	15q11.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.1	.	.	.	.	rs754	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	.	rs201	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.2	.	.	Scc	.	rs712	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q14	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q21.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q24.3	.	.	Scc	.	rs186	ID=COSN2	.	.	0.043	0.047
ENST0	.	15q24.3	.	.	Scc	.	rs878	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs765	ID=COSM1	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.3	.	Scc	.	.	rs201	.	.	.	0.003	0.002
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q22.2	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	17p13.2	.	.	.	Score=231	rs778	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.1	.	.	.	.	rs113	.	.	.	0	.	4E-04
ENST0	.	17q25.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	rs764	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	Scc	.	.	rs372	.	.	.	0	.	2E-04
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18p11.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	rs528	.	.	.	0	.	2E-04
ENST0	.	19p13.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	Score=337	rs907	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	Score=337	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	Score=175	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.41	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.42	.	.	.	Score=367	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q12	.	.	.	.	rs745	ID=COSM4	.	.	.	.	.
.	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=28;I	.	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.2	.	.	Scc	Score=218	rs879	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.21	.	.	.	.	rs116	.	.	.	0	.	0.004
ENST0	.	22q11.21	.	.	Scc	.	rs376	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq27.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq27.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.33	.	.	Scc	.	rs115	ID=COSN1	.	.	0.596	0.581	0.437
ENST0	.	1p36.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p34.1	.	.	.	.	rs531	ID=COSM5	.	.	0	.	0.004
ENST0	.	1p32.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p32.2	.	Scc	.	.	rs778	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs773	.	.	.	0.571	0.554	0.317
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs171	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q23.3	.	.	.	.	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	1q31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1q43	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	2p25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	2q11.1	.	.	.	Score=788	rs201	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q11.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q12.2	.	.	Scc	.	rs200	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q14.2	.	.	.	.	rs724	ID=COSN2	.	.	0.042	0.042	0.057
ENST0	.	2q14.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q31.2	.	.	.	.	.	ID=COSM3	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q33.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q33.2	.	.	.	.	rs552	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q33.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	2q35	.	.	.	Score=215	rs181	.	.	.	0.002	0.001	2E-04
ENST0	.	2q37.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	Score=255	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	rs918	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3p21.1	.	.	.	.	rs373	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q12.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	3q22.1	.	.	.	.	rs145	ID=COSM1	.	.	0	.	0.004
ENST0	.	3q26.32	.	.	Scc	.	rs104	ID=COSM7	Pa	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p16.3	.	.	Scc	.	rs401	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	4q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	4q35.2	.	.	Scc	Score=782	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5p14.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q31.3	.	.	.	.	rs773	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.1	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	5q35.3	.	.	.	.	rs376	ID=COSM4	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p22.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6p21.33	.	Scc	.	.	rs141	ID=COSM1	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q21	.	.	.	.	rs368	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	6q25.3	.	.	.	.	rs201	.	.	.	.	.	.
.	.	6q27	.	.	Scc	.	rs375	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	rs767	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	rs624	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	7p11.2	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q11.21	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	7q11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q22.1	.	.	Scc	.	rs761	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q34	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	7q36.1	.	.	Scc	.	rs141	ID=COSM:	.	.	.	.	.
ENST0	.	7q36.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	.	Score=242	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p23.1	.	.	Scc	.	rs748	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8p21.3	.	.	.	Score=237	.	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q21.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q22.3	.	.	.	.	rs535	.	.	.	0	0.001	2E-04
ENST0	.	8q23.3	.	.	.	Score=26;I	rs559	ID=COSN2	.	.	0	0.001	0.002
ENST0	.	8q24.13	.	.	.	.	rs376	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	8q24.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p22.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9p11.2	.	.	Scc	Score=121	rs280	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q22.1	.	.	Scc	.	rs755	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	9q33.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p15.2	.	.	.	.	rs190	.	.	.	0	.	2E-04
ENST0	.	10p11.22	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10p11.1	.	.	Scc	.	rs407	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q22.3	.	.	.	Score=266	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q23.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	10q24.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.5	.	Scc	.	.	rs748	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p15.1	.	.	.	Score=212	.	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p14.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11p14.1	.	.	.	Score=459	rs147	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q12.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q13.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q14.3	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN2	.	.	.	.	.
ENST0	.	11q22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.13	.	.	.	.	rs776	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q23.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	12q24.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q14.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	13q21.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	13q31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs225	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs796	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	Scc	.	.	rs751	ID=COSM:	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q11.2	.	.	.	.	rs112	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	14q32.32	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	15q11.1	.	.	Scc	.	rs714	ID=COSN1	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q11.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q13.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q15.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	15q24.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p13.13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	16p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16p11.2	.	.	Scc	.	rs145	ID=COSM:	.	.	.	.
ENST0	.	16q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	16q22.1	.	.	.	.	rs113	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.3	.	Scc	.	.	rs767	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.1	.	Scc	.	.	rs760	.	.	.	.	.
ENST0	.	17p13.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q11.2	.	.	.	.	rs554	.	.	.	0	.
ENST0	.	17q21.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q24.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	17q25.3	.	.	.	.	rs740	.	.	.	0	.
ENST0	.	18p11.21	.	.	Scc	.	rs783	ID=COSN2	.	.	.	.
ENST0	.	18q12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q21.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	18q21.32	.	.	Scc	.	rs146	.	.	.	0.013	0.011
ENST0	.	18q22.1	.	.	.	.	rs563	.	.	.	0	.
ENST0	.	19p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	Score=980	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	19p13.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19p12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.12	.	.	.	Score=321	.	.	.	.	.	.
.	.	19q13.12	.	.	Scc	Score=123	rs712	.	.	.	.	.
ENST0	.	19q13.41	.	.	.	.	rs182	.	.	.	0	.
ENST0	.	20p13	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p13	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20p12.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	20q13.33	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	21p11.2	.	.	Scc	.	rs796	.	.	.	.	.
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	.	rs373	ID=COSN1	.	.	0.061	0.062
ENST0	.	21p11.1	.	.	Scc	Score=471	rs728	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	21q21.1	.	.	.	Score=149	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.12	.	.	.	.	rs773	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	Scc	.	.	rs551	.	.	.	0	.
ENST0	.	21q22.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	21q22.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.1	.	.	Scc	.	rs126	.	.	.	.	.
ENST0	.	22q11.22	.	.	Scc	.	rs860	ID=COSN1	.	.	.	.
ENST0	.	22q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp22.13	.	.	.	.	rs778	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
.	.	Xq12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	.	.	Score=939	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq13.1	.	Scc	.	.	.	ID=COSM:	.	.	.	.
ENST0	.	Xq22.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq22.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq25	.	.	.	.	rs917	.	.	.	.	.
.	.	Xq28	.	.	.	Score=415	rs927	.	.	.	.	.
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.13	.	.	.	.	rs371	ID=COSM:	.	.	.	.
ENST0	.	1p36.11	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.

ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	rs767	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p34.3	.	.	.	.	rs760	ID=COSM6	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p34.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p34.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p13.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1p13.2	.	.	.	Score=180	rs754	ID=COSN8	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=239	rs752	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=208	rs200	ID=COSN6	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	.	rs372	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q21.1	.	.	Scc	Score=423	rs879	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	1q42.13	.	.	.	.	rs775	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2p25.3	.	.	.	.	rs758	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q31.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q31.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	2q32.3	.	.	.	.	rs141	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3p21.31	.	.	.	.	rs115	ID=COSM1	.	.	0	.	0.01		
ENST0	.	3q13.2	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	3q27.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	4p16.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	4p16.3	.	.	.	.	rs730	.	.	.	0	.	0.016		
.	.	4p16.1	.	.	Scc	.	rs879	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	4q22.2	.	.	.	Score=194	rs769	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	4q32.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	4q32.3	.	.	.	Score=543	rs100	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	5p15.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	5q14.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	5q22.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	5q31.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	5q33.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	5q34	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	6p22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	6p21.33	.	.	.	.	rs758	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	6p11.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	6q14.3	.	Scc	.	.	.	ID=COSM8	.	.	.	.	.	.	
.	.	6q27	.	.	.	.	rs441	ID=COSN2	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q21.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	7q31.1	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8p23.1	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q23.3	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	8q24.22	.	.	.	Score=347	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9p23	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q31.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	9q33.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10p11.23	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
.	.	10q11.22	.	.	Scc	.	rs312	ID=COSN1	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
ENST0	.	10q22.1	.	.	.	Score=246	rs790	ID=COSN1	.	.	0.347	0.355	0.327		
ENST0	.	10q23.31	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	

ENST0	.	10q25.2	.	.	.	.	rs764	ID=COSM4	.	.	.	.	.		
ENST0	.	10q25.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	11p15.4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	11p11.12	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	11q13.5	.	.	.	.	rs377	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	11q14.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	11q22.3	.	.	.	Score=234	rs769	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	11q23.3	.	Scc	.	.	rs758	ID=COSM3	.	.	.	.	.		
ENST0	.	12p11.23	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	12q13.12	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	12q13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	13q12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
.	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs225	ID=COSN1	.	.	.	.	.		
.	.	14q11.2	.	.	Scc	.	rs201	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	14q24.1	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	15q21.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	16p13.3	.	.	.	.	rs776	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	16p12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	16q23.1	.	.	Scc	.	rs201	ID=COSN1	.	.	0.324	0.285	0.318		
.	.	18p11.21	.	.	Scc	.	rs750	ID=COSN6	.	.	0.623	0.62	0.291		
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	rs758	ID=COSM3	.	.	.	.	.		
ENST0	.	19p13.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	19q13.2	.	.	.	Score=433	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	19q13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	19q13.32	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	19q13.42	.	Scc	.	.	rs901	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	20p12.2	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	20p12.2	.	.	.	.	rs777	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	20q11.23	.	.	.	.	rs779	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	21q22.11	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	22q12.2	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	Xp22.12	.	.	.	Score=234	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	Xp21.3	.	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	Xp11.23	.	Scc	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	Xp11.22	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	Xq22.1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	Xq22.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	Xq26.3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	Xq26.3	.	.	.	.	.	ID=COSM4	.	.	.	.	.		
ENST0	.	Xq28	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		
ENST0	.	Xq28	.	.	Scc	.	rs401	.	.	.	.	.	.		
.	.	.	.	.	.	.	.	ID=COSM1	.	.	.	.	.		

esp650(	Ex/	Ex/	SIF	Pol	Polyp	Muta	gerp	CAD	Nov	Nov	INF(	FOR	ACa	ACa	Ori_REF	Ori_ALT	shared_ho
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:7	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:50	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	C	T	0
.	##	0	0.9	0.0(	0.001	1.000	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:71	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:30	0/1:6	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	A	C	0
2E-04	##	0	.	.	.	.	3.3	4.54	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:23	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:18	0/1:2	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:17	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.3	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:5	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:30	0/1:4	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4.8	4.02	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.5	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:6	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.4	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:40	0/1:8	A	C	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.7	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	C	T	0
0.004	0	0	0.2	0.0(	0.001	1,N	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	T	G	0
.	##	.	0.1	0.0(	0.003	1,D	3.5	3.54	0	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.82	0	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:3	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:6	A	C	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:54	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.1	DB;S	GT:/	0:64	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	DB;S	GT:/	0:28	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:24	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:6	C	T	0
.	.	.	0.1	0.1	0.087	1,D	3.4	2.35	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SOM	GT:/	0:66	0/1:9	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	A	G	0

.		1	1	.	.	.	.	.	.		0	0	SOM	GT:/	0:25	0/1:1	T	C	0
.		.	.	0.0	0.9	0.998	1,N	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:19	0/1:3	C	T	0
.		.	.	0.0	0.2	0.347	1.000	5.5	2.28	.	.		SOM	GT:/	0:57	0/1:1	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:20	0/1:3	T	G	0
.		.	.	0.0	0.0	0.006	0.812	4.4	2.83	.	.		SOM	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0
.		.	.	0.8	0.0	0.0,B	0.986	2.4	.	.	.		SOM	GT:/	0:38	0/1:5	T	G	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:54	0/1:5	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:44	0/1:7	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:32	0/1:6	A	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:5	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	3.4	.	.	.		SOM	GT:/	0:22	0/1:3	T	G	0
.		.	.	0.3	0.1	0.167	1.000	5.7	2.23	.	.		SOM	GT:/	0:22	0/1:3	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:10	0/1:2	G	A	0
	8E-04	0	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	4.9	5.22	.	.		SOM	GT:/	0:57	0/1:1	C	T	0
	5E-04	0	0	0.0	0.3	0.932	1,N	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:11	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	1.45	.	.		SOM	GT:/	0:44	0/1:6	G	A	0
.		0	.	.	.	.	.	.	.		0	0	DB;S	GT:/	0:62	0/1:1	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	G	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:39	0/1:5	C	T	0
.		.	.	1.0	0.1	0.478	1.000	5.9	.	.	.		SOM	GT:/	0:27	0/1:4	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:15	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.		0	0.2	SOM	GT:/	0:16	0/1:1	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.		0	0	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.		0.2	0.2	DB;S	GT:/	0:24	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.		0	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:2	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.		0	0	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.		0	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.		.	.	0.1	.	.	0.941	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:36	0/1:6	C	T	0
	2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.		0	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:44	0/1:5	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.		0	0	DB;S	GT:/	0:51	0/1:1	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:40	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:21	0/1:5	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.		0	0	SOM	GT:/	0:36	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.36	.	.		SOM	GT:/	0:11	0/1:3	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.		0.1	0.2	SOM	GT:/	0:16	0/1:3	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:67	0/1:8	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:26	0/1:5	A	G	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:48	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	1.72	.	.		SOM	GT:/	0:43	0/1:5	C	T	0
.		##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.7	3.22	.	.		SOM	GT:/	0:71	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	1.61	0.1	0		SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	A	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0		DB;S	GT:/	0:22	0/1:3	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:37	0/1:4	G	A	0
.		.	.	0.4	0.0	0.0,B	0.999	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:51	0/1:4	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:15	0/1:1	T	C	0
.		.	.	0.0	0.9	0.998	1,D	5.2	4.56	.	.		SOM	GT:/	0:30	0/1:6	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:87	0/1:1	T	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.		0	0	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	T	C	0
.		.	.	0.1	0.0	0.063	1,N	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:22	0/1:3	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:81	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:65	0/1:7	G	A	0

0.033	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:43	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:23	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:19	0/1:4	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:5	C	T	0
.	.	.	0.0:	0.3(	0.883	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:22	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:52	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:90	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:4	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:7	G	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:7	G	A	0
0.007	0	0	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SOM	GT:/	0:39	0/1:9	G	C	0
.	##	0	0.0(	0.9!	1.0,D	1,D	4.6	3.91	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.4	.	.	.	SOM	GT:/	0:69	0/1:7	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:88	0/1:1	A	G	0
.	0	0	0.0(	1.0,	1.0,D	1.000	4.9	4.26	0	0	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.11	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.4	SOM	GT:/	0:11	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.4	SOM	GT:/	0:12	0/1:7	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:64	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	A	C	0
.	.	.	0.0:	0.8:	0.699	1,D	5.6	4.01	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:6	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:1	T	C	0
2E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:35	0/1:5	A	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:38	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:55	0/1:8	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:50	0/1:1	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.7	.	.	.	SOM	GT:/	0:85	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	5.6	2.81	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:6	T	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:85	0/1:1	A	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.7	5.41	.	.	SOM	GT:/	0:55	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:37	0/1:7	T	G	0
.	.	.	0.1(	0.0:	0.02,I	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:2	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9!	1.0,D	1,D	5.3	4.51	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:2	G	A	0
.	##	0	0.1:	0.0(	0.002	1,N	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:67	0/1:8	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:45	0/1:7	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.4	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:3	A	C	0

.											0	.	SOM	GT:/	0:54	0/1:8	C	T	0
.		0	0	.							0	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:5	T	A	0
.		##	0	.					5.4	2.57	.	.	SOM	GT:/	0:94	0/1:1	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:9,(	0/1:3	C	A	0
.									2.7				SOM	GT:/	0:90	0/1:1	C	T	0
	2E-04	##	0	.									SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
	#####	##	0	0.1(	0.0!	0.685	1,N		4.4				SOM	GT:/	0:44	0/1:5	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:17	0/1:2	G	T	0
.									2.1				SOM	GT:/	0:51	0/1:5	A	C	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:38	0/1:7	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:20	0/1:9	A	G	0
.													SOM	GT:/	0:22	0/1:3	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	T	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	A	T	0
.													SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	T	G	0
.													SOM	GT:/	0:84	0/1:1	G	A	0
.			.	0.0:	0.2!	0.594	0.996	.		2.32	0	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:7	T	A	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:3	T	G	0
.									2.4		0	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:3	T	G	0
.		##	0	.						2.22	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
	0.002	0	0	0.0(	0.0!	0.595	0.989		5.2	2.47	0	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:8	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:13	0/1:2	G	T	0
.		##	.	0.1(	0.0(	0.002	1,N		.	.	0	.	SOM	GT:/	0:89	0/1:1	C	T	0
.											0.1	0.1	DB;S	GT:/	0:47	0/1:9	T	C	0
.											0.1	0	SOM	GT:/	0:19	0/1:5	T	C	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:66	0/1:7	C	G	0
.			.	0.0,	0.9(	0.994	1,D		5.2	4.41	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:3	A	C	0
.											0	0.1	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:5	T	C	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	A	G	0
.													SOM	GT:/	0:25	0/1:2	G	A	0
.										1.67	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:4	G	C	0
.									3.6		.	.	SOM	GT:/	0:47	0/1:7	C	T	0
.										1.42	0	.	SOM	GT:/	0:55	0/1:1	A	C	0
.													SOM	GT:/	0:21	0/1:3	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:15	0/1:3	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:15	0/1:5	C	T	0
.									3.2	1.26	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:6	C	T	0
.			.	0.0,	0.9(	0.993	0.990		3.4	1.91	.	.	SOM	GT:/	0:91	0/1:1	C	A	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	G	A	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:5	G	A	0
.												0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:7	C	T	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	T	0
.			.	0.0(	0.1:	0.164	0.825		3.6	2.01	.	.	SOM	GT:/	0:88	0/1:1	C	T	0
.									3.6		0	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	A	C	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	A	C	0
.													SOM	GT:/	0:33	0/1:4	G	A	0
.									2.8	1.36	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:3	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:13	0/1:1	T	G	0
.		##	0	0.0(	0.3!	0.934	1,D		4.3	1.26	.	.	SOM	GT:/	0:89	0/1:1	G	A	0
.										1.47	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:4	G	T	0
.											0.1	0.3	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:2	C	T	0
.											0.1	0	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	T	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.4	DB;S	GT:/	0:22	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.48	.	.	SOM	GT:/	0:47	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:42	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:40	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:70	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:5	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.74	.	.	SOM	GT:/	0:99	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:6	G	A	0
.	##	0	0.0'	.	.	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:3	C	T	0
.	.	.	0.0(	0.9!	1.0,D	1.000	5.1	4.80	.	.	SOM	GT:/	0:71	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:51	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:5	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:93	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	0	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	A	G	0
.	0	0	0.3'	.	.	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:4	A	G	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:6	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:7	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	1.60	.	0	SOM	GT:/	0:89	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.8	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:26	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:24	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:34	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:23	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:56	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:84	0/1:1	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:31	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:5	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:8	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:66	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:49	0/1:9	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:36	0/1:5	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:47	0/1:7	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:36	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:44	0/1:1	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:20	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:36	0/1:6	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:33	0/1:6	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	A	C	0
.	.	.	.	.	.	1,A	5	5.87	.	.	SOM	GT:/	0:76	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:5	C	G	0

.	.	.	0.0(	0.5!	0.998	1,N	2.8	.	.	.	SON	GT:/	0:49	0/1:4	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	1.43	.	0	SON	GT:/	0:74	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.2(	0.0!	0.082	1,D	3.4	3.15	.	.	SON	GT:/	0:25	0/1:4	T	C	0
2E-04	##	0	0.5	0.0(	0.093	0.995	.	.	.	.	SON	GT:/	0:93	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:3	A	C	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:89	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:63	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:28	0/1:5	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:26	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:33	0/1:5	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:34	0/1:5	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:34	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:5	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:3	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:37	0/1:5	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	.	0	.	SON	GT:/	0:44	0/1:8	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SON	GT:/	0:34	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:77	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	2.6	.	.	.	SON	GT:/	0:54	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:37	0/1:3	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:43	0/1:9	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	5.5	2.32	.	.	SON	GT:/	0:45	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:20	0/1:5	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:34	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:19	0/1:5	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.2	.	.	.	SON	GT:/	0:43	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:48	0/1:8	G	T	0
.	.	.	0.8	0.0	0.0,B	1,N	.	.	0	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:20	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SON	GT:/	0:28	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:14	0/1:3	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:28	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:11	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:53	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:36	0/1:8	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:36	0/1:8	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SON	GT:/	0:56	0/1:7	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	3	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.3	3.32	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:4	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:7	G	A	0

.											0	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:45	0/1:6	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:37	0/1:4	G	A	0
.		##	0	.									SOM	GT:/	0:17	0/1:3	C	T	0
.												0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:5	C	T	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	T	C	0
.				0.0(	0.5(	0.857	0.996	4.6	4.05	.			SOM	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.									1.53	.			DB;S	GT:/	0:20	0/1:4	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:26	0/1:2	C	T	0
.		0	0	.									SOM	GT:/	0:45	0/1:9	C	T	0
.		##	0	.									SOM	GT:/	0:92	0/1:1	C	T	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:2	A	T	0
.													SOM	GT:/	0:12	0/1:9	T	G	0
.								4.4	.				SOM	GT:/	0:26	0/1:4	C	T	0
.								3.1	1.56	.			SOM	GT:/	0:22	0/1:4	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:37	0/1:4	C	T	0
.								3.6	1.91	.			SOM	GT:/	0:15	0/1:2	G	A	0
.		##	0	.	0.9(	1.0,D	1,N	.					SOM	GT:/	0:79	0/1:1	G	A	0
.				0.0(	0.0(	0.48,I	0.992	.		1.45	.		SOM	GT:/	0:14	0/1:2	C	T	0
.				0.6(	0.0(	0.005	0.990	.					SOM	GT:/	0:40	0/1:8	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:32	0/1:3	G	A	0
.				0.0(	0.4(	0.884	1,D	5.2	3.32	.			SOM	GT:/	0:90	0/1:1	C	T	0
.				0.1(	0.0(	0.107	1.000	5.3	4.84	.			SOM	GT:/	0:64	0/1:1	C	T	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:21	0/1:9	G	A	0
.			0	0	.						0	0.2	DB;S	GT:/	0:21	0/1:3	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:22	0/1:2	C	T	0
.									1.65	0.1	0.2		SOM	GT:/	0:9,(	0/1:2	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:10	0/1:2	A	C	0
#####		##	0	.				2.3	.				SOM	GT:/	0:36	0/1:4	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:30	0/1:4	T	C	0
.													SOM	GT:/	0:17	0/1:2	T	C	0
.								2.9	.				SOM	GT:/	0:55	0/1:8	C	T	0
.											0	0.2	SOM	GT:/	0:12	0/1:5	G	C	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:15	0/1:3	C	A	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	T	G	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:6	A	T	0
.													SOM	GT:/	0:22	0/1:6	T	C	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:29	0/1:7	G	C	0
.													SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:35	0/1:1	C	A	0
.													SOM	GT:/	0:35	0/1:1	A	C	0
.											0	0.3	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:5	A	G	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:5	A	C	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:23	0/1:3	C	G	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:23	0/1:3	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.											0.1	0.2	SOM	GT:/	0:24	0/1:5	G	A	0
.											0	0.5	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:6	G	A	0
.											0	0.5	SOM	GT:/	0:10	0/1:7	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:17	0/1:3	A	C	0
.		##	0	0.0	0.9(	1.0,D	1,D	5.7	5.14		0	.	SOM	GT:/	0:65	0/1:1	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:23	0/1:3	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:19	0/1:3	C	A	0

.													SON	GT:/	0:28	0/1:4	G	T	0
.													SON	GT:/	0:19	0/1:4	G	A	0
.													SON	GT:/	0:24	0/1:4	A	G	0
.									3.7	2.73	.	.	SON	GT:/	0:58	0/1:7	C	A	0
.													SON	GT:/	0:39	0/1:6	A	G	0
.													SON	GT:/	0:11	0/1:3	C	A	0
.												0	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.											0	0.2	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	A	T	0
.										0.1	0		SON	GT:/	0:13	0/1:4	A	T	0
.										0.1	0		SON	GT:/	0:36	0/1:1	T	C	0
.		##	0	0.2	0.0	0.008	1,00	2.3	.	0	.		SON	GT:/	0:97	0/1:1	G	A	0
.										0	.		DB;S	GT:/	0:62	0/1:1	A	C	0
.										0	.		SON	GT:/	0:23	0/1:3	C	T	0
.										0	0		SON	GT:/	0:8,(	0/1:6	C	T	0
.								3	1.31	.	.		SON	GT:/	0:14	0/1:2	G	C	0
.											0		SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.			0.0	0.0	0.102	1,N	3.6	.	.	.			SON	GT:/	0:52	0/1:6	G	T	0
.													SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	A	G	0
.													SON	GT:/	0:45	0/1:1	T	C	0
0.003		0	0	0.4	0.0	0.007	1,N	.	.		0	0	SON	GT:/	0:79	0/1:6	C	T	0
.			0.0	0.9	0.999	1,D	5.1	5.69	.	.			SON	GT:/	0:42	0/1:8	C	T	0
.										0	0.1		SON	GT:/	0:8,(	0/1:(	T	C	0
.							1,D	5.2	4.50	.	.		SON	GT:/	0:13	0/1:3	G	A	0
.								5.2	1.86	.	.		SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.		0	0	0.2	0.0	0.001	1,D	4.8	4.41	0	0		DB;S	GT:/	0:77	0/1:1	G	C	0
.										0.2	0.3		DB;S	GT:/	0:27	0/1:7	G	A	0
.		##	0	.	.	.				0	.		SON	GT:/	0:34	0/1:3	G	A	0
.								4.1	.	.	.		SON	GT:/	0:54	0/1:8	C	T	0
.													SON	GT:/	0:28	0/1:2	C	G	0
.			0.0	0.9	0.995	1,D	5.8	5.36	.	.			DB;S	GT:/	0:19	0/1:6	G	A	0
.													SON	GT:/	0:29	0/1:8	C	G	0
.													SON	GT:/	0:55	0/1:3	A	G	0
.													SON	GT:/	0:8,(	0/1:9	G	T	0
.										0	0.3		DB;S	GT:/	0:31	0/1:2	A	G	0
.													SON	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.			0.0	.	.	0.738	.	2.06	.	.			SON	GT:/	0:60	0/1:7	G	T	0
.													SON	GT:/	0:30	0/1:4	G	T	0
.										0	.		SON	GT:/	0:57	0/1:9	C	G	0
.													SON	GT:/	0:18	0/1:1	C	T	0
.										0	.		SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	A	G	0
.													SON	GT:/	0:15	0/1:2	G	A	0
.		##	.	.	.	.		2.4	.	0	.		SON	GT:/	0:11	0/1:3	C	T	0
.			.	.	0.9	0.999	.	4	5.22	.	.		SON	GT:/	0:22	0/1:5	C	T	0
.													SON	GT:/	0:12	0/1:2	T	C	0
.									2.00	.	.		SON	GT:/	0:9,(	0/1:3	G	A	0
.		0	0	0.4	0.0	0.004	1,N	.	.	0	0		SON	GT:/	0:60	0/1:1	T	G	0
.													SON	GT:/	0:16	0/1:1	G	A	0
.		##	0	.	.	.							SON	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.										0	.		SON	GT:/	0:11	0/1:2	C	G	0
.									1.84	.	.		DB;S	GT:/	0:33	0/1:5	C	T	0
.													SON	GT:/	0:16	0/1:2	G	A	0
.										0	0		SON	GT:/	0:20	0/1:4	G	A	0
.										0	.		SON	GT:/	0:13	0/1:1	A	G	0
.										0	.		SON	GT:/	0:12	0/1:1	A	C	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:12	0/1:3	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	3.5	2.17	.	.	SON	GT:/	0:39	0/1:5	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.4	SON	GT:/	0:8,(	0/1:7	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:2	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:44	0/1:9	G	A	0
8E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:5	C	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:90	0/1:2	A	G	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SON	GT:/	0:69	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:33	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:62	0/1:2	T	A	0
.	.	.	.	.	.	1,D	6	5.89	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:3	A	C	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:5	A	G	0
.	0	0	0.0	0.0	0.0,B	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:55	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:76	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:38	0/1:9	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:20	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:74	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:75	0/1:7	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:10	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:8,(	0/1:6	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	4.9	.	.	.	SON	GT:/	0:57	0/1:9	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:15	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:14	0/1:3	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:8,(	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:10	0/1:2	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:12	0/1:2	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:18	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SON	GT:/	0:8,(	0/1:2	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:5	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:43	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:7	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:80	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.2	.	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:19	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:37	0/1:7	C	T	0
0.123	0	0	1.0	0.0	0.004	1.000	.	.	0	0.3	DB;S	GT:/	0:20	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:12	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:13	0/1:2	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:34	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SON	GT:/	0:8,(	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	DB;S	GT:/	0:29	0/1:6	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:22	0/1:5	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.31	.	.	SON	GT:/	0:82	0/1:1	G	A	0

.	.	.	0.0	1.0	1.0	D	1	D	4.9	4.64	.	.	SOM	GT:	0:99	0/1:	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:50	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:	0:15	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:47	0/1:	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3	SOM	GT:	0:8,(	0/1:	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:8,(	0/1:	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:43	0/1:	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:30	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:52	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	2.7	.	0.4	0.5	DB;S	GT:	0:31	0/1:	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:16	0/1:	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:18	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0	SOM	GT:	0:9,(	0/1:	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:	0:39	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:11	0/1:	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	3.5	.	.	.	SOM	GT:	0:38	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.64	.	.	SOM	GT:	0:52	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.75	.	.	SOM	GT:	0:22	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.	SOM	GT:	0:27	0/1:	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:12	0/1:	T	C	0
.	.	.	0.0	0.1	0.912		1	N	2.8	.	.	.	SOM	GT:	0:90	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:11	0/1:	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:53	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:79	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:21	0/1:	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	DB;S	GT:	0:35	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:13	0/1:	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:52	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:8,(	0/1:	C	T	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0	D	0.969		2.9	3.63	.	.	SOM	GT:	0:33	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:	0:13	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3	SOM	GT:	0:61	0/1:	C	G	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0	D	1.000		5.2	3.95	.	.	SOM	GT:	0:60	0/1:	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	3.7	2.31	0	.	SOM	GT:	0:11	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.	SOM	GT:	0:64	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	5.7	1.53	.	.	SOM	GT:	0:53	0/1:	T	C	0
#####	##	0	0.2	0.0	0.009		0.689		4.3	2.22	.	.	SOM	GT:	0:63	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	4.3	1.40	.	.	SOM	GT:	0:19	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1	A	.	.	5.99	.	.	SOM	GT:	0:59	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:23	0/1:	C	G	0
.	.	.	0.0	0.9	0.997		1.000		4.1	4.28	.	.	SOM	GT:	0:51	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:	0:15	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:	0:17	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:37	0/1:	G	C	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0	D	1.000		3.9	3.50	.	.	SOM	GT:	0:40	0/1:	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	6	1.44	.	.	SOM	GT:	0:37	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.48	.	.	SOM	GT:	0:24	0/1:	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:	0:8,(	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:91	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0:16	0/1:	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SOM	GT:	0:13	0/1:	C	A	0
.	##	0	0.0	0.4	0.949		0.981		3.8	4.06	.	.	SOM	GT:	0:10	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	4.4	1.49	.	.	SOM	GT:	0:37	0/1:	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	4.6	1.64	.	.	SOM	GT:	0:84	0/1:	G	T	0

.	.	.	.	0.9	0.998	1,N	2.2	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:2	T	C	0
.	.	.	0.2	0.0	0.396	0.996	5.8	3.14	0	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:3	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:52	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:55	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:66	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:70	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.30	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:8	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.7	.	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:10	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:47	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:1	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	5.4	2.61	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:7	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.2	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	3.9	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0	0.0	0.001	0.997	2.8	.	.	.	SOM	GT:/	0:67	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:32	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:51	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:38	0/1:1	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:37	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:36	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:62	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:78	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:49	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:46	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:35	0/1:8	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:50	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:52	0/1:1	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:36	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:7	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:55	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:80	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:70	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:66	0/1:1	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:19	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:4	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:44	0/1:1	T	C	0

.													SOM	GT:/	0:11	0/1:4	G	A	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:4	C	G	0
.													SOM	GT:/	0:14	0/1:3	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:28	0/1:3	C	G	0
.		0	0	0.0	0.0	0.044	1,D	5.2	.		0	0	SOM	GT:/	0:12	0/1:3	G	C	0
.											0	0.1	DB;S	GT:/	0:39	0/1:8	T	C	0
.													SOM	GT:/	0:15	0/1:1	G	T	0
.				0.0	0.9	0.988	1,D	5.3	3.11	.			SOM	GT:/	0:15	0/1:8	C	A	0
.		##	.	0.0	0.8	0.933	1,D	5.3	3.92	.			SOM	GT:/	0:15	0/1:5	C	T	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:18	0/1:5	C	A	0
.											0	0.1	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:2	C	A	0
.											0	0.2	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:2	A	G	0
.				0.7	0.0	0.042	1,N	.	.	.			SOM	GT:/	0:35	0/1:5	G	A	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:17	0/1:1	A	C	0
.													SOM	GT:/	0:94	0/1:1	C	T	0
.										2.31	0	0	SOM	GT:/	0:36	0/1:5	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0
.											0.1	0.1	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	T	A	0
.											0.2	0.2	SOM	GT:/	0:10	0/1:3	A	G	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:51	0/1:1	C	G	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:37	0/1:4	T	G	0
.											0	.	DB;S	GT:/	0:37	0/1:5	A	G	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:4	T	G	0
.													SOM	GT:/	0:9,(	0/1:4	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:45	0/1:6	G	C	0
.													SOM	GT:/	0:45	0/1:8	C	T	0
.											0.1	0	DB;S	GT:/	0:38	0/1:1	T	C	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	T	A	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	T	A	0
.										2.77	.		SOM	GT:/	0:59	0/1:7	C	G	0
.									2.7	2.69	.		SOM	GT:/	0:28	0/1:6	G	A	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:96	0/1:1	G	T	0
.		##	0	.							0	.	SOM	GT:/	0:96	0/1:1	G	A	0
.				0.6	0.0	0.066	1,D	5.1	2.42	.			SOM	GT:/	0:53	0/1:8	C	T	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:8	G	A	0
.													DB;S	GT:/	0:26	0/1:5	C	T	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:15	0/1:3	A	T	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:6	G	C	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	G	A	0
.											0	0	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:42	0/1:8	C	A	0
#####		##	0	.									SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:54	0/1:6	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:56	0/1:6	G	T	0
.				0.1	0.8	0.985	0.645	5.1	2.59	.			SOM	GT:/	0:15	0/1:2	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:56	0/1:9	T	C	0
.									4.1	1.24	.		SOM	GT:/	0:56	0/1:7	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:51	0/1:7	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	C	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:3	C	G	0
.													SOM	GT:/	0:90	0/1:1	G	C	0
.											0.2	0.2	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	T	A	0
.		##	0	0.0	0.7	0.928	1,N	.	2.55	.			SOM	GT:/	0:85	0/1:1	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.5	DB;S	GT:/	0:48	0/1::	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1::	G	A	0
.	.	.	0.0	0.7	0.976	1.000	5.8	4.40	.	.	SOM	GT:/	0:61	0/1:7	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:6	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:8	G	A	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.1	1.79	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:32	0/1:4	G	A	0
.	.	.	0.2	0.9	0.998	0.995	3.9	1.92	.	.	SOM	GT:/	0:55	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SOM	GT:/	0:8,(	0/1::	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0	SOM	GT:/	0:48	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:21	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:27	0/1:7	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:32	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1::	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:4	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1::	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	4.5	.	.	.	SOM	GT:/	0:70	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.9	2.16	.	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:6	C	T	0
.	.	.	0.0	0.0	0.313	0.997	2	2.54	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:10	0/1::	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:5	G	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:55	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:2	G	A	0
0.085	0	0	0.5	0.0	0.002	1,D	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:34	0/1:4	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	0.9	0.986	0.999	3.6	2.28	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1::	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:5	C	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1::	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:5	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:4	G	C	0
.	.	.	.	.	.	1,A	4.3	12.6	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.66	.	.	SOM	GT:/	0:47	0/1::	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1::	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:52	0/1::	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.46	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:6	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:8	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:13	0/1:9	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1::	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1::	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:33	0/1:6	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.6	5.20	.	.	SOM	GT:/	0:90	0/1::	C	T	0

.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:9	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:62	0/1:1	T	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SOM	GT:/	0:47	0/1:1	T	C	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:43	0/1:1	T	C	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	DB;S	GT:/	0:19	0/1:3	T	G	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	DB;S	GT:/	0:19	0/1:3	G	C	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.3	DB;S	GT:/	0:63	0/1:1	C	T	0	
.	##	0	0.2	0.3	0.966	1.000	5.8	3.60	0	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:9	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.42	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:9	G	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	2.7	.	0	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:1	T	G	0	
.	.	.	0.0	0.8	0.992	1,N	4.5	1.58	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:6	G	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:66	0/1:1	C	T	0		
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	.	2.95	.	.	SOM	GT:/	0:66	0/1:1	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:1	T	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:9	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.3	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	C	G	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:70	0/1:1	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:4	C	G	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0	DB;S	GT:/	0:20	0/1:1	G	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	A	G	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:4	C	G	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:34	0/1:6	T	A	0		
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:9	G	A	0		
.	.	.	0.0	0.9	0.998	0.921	2.1	2.54	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:9	G	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:4	G	C	0		
.	##	0	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5	5.82	.	.	SOM	GT:/	0:81	0/1:1	G	A	0		
0.002	0	0	1.0	0.0	0.0,B	1.000	3.3	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:24	0/1:3	A	G	0		
#####	##	0	0.0	0.0	0.047	1,N	.	1.51	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:7	C	T	0		
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:40	0/1:9	A	G	0		
.	.	.	1.0	0.0	0.0,B	1,D	5.4	.	.	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:6	C	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	1.35	.	.	SOM	GT:/	0:54	0/1:9	T	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	3.2	1.43	0	0	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:51	0/1:3	G	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:1	T	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	G	T	0		
.	.	.	0.0	0.7	0.763	1.000	4.2	2.72	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	3.3	.	.	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:8	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:5	C	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:7	G	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:7	C	T	0		
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:55	0/1:9	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	1.95	0	0	SOM	GT:/	0:16	0/1:1	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:96	0/1:1	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	1.31	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:4	A	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:2	A	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:7	T	G	0		
.	.	.	0.1	0.6	0.936	1,D	5.6	5.16	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:6	G	A	0		
.	##	0	0.0	0.9	0.991	1,D	5.8	5.70	.	.	DB;S	GT:/	0:26	0/1:3	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	1.41	.	.	SOM	GT:/	0:52	0/1:7	C	A	0		
.	0	0	0.1	0.5	0.981	0.999	4.2	3.28	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:3	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	A	G	0		

.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:51	0/1:8	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:4	C	T	0
.	.	.	0.2	0.0	0.002	1,N	2.2	1.28	.	.	SOM	GT:/	0:69	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:4	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SOM	GT:/	0:13	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:42	0/1:5	C	T	0
.	##	0	0.2	0.0	0.804	1,D	2.4	1.31	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	DB;S	GT:/	0:19	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	A	C	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.917	3.2	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:8	G	C	0
.	.	.	0.0	0.9	0.99,I	0.866	3.5	3.17	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:1	C	A	0
.	##	0	0.0	0.4	0.99,I	0.995	3.7	2.54	.	.	SOM	GT:/	0:77	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:53	0/1:8	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:8	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:6	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.6	5.94	.	.	SOM	GT:/	0:79	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:9	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:73	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.2	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:52	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:4	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:8	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:23	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:70	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:85	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0	0.0	0.006	1,D	6.1	4.63	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:6	G	A	0
.	.	.	0.0	0.6	0.989	0.994	3.7	.	.	.	SOM	GT:/	0:52	0/1:8	C	T	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.3	5.07	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:32	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.34	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:5	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:53	0/1:6	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:90	0/1:9	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	3.2	2.52	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:94	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:1	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0.1	0	DB;S	GT:/	0:47	0/1:7	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:47	0/1:7	T	C	0
0.367	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:23	0/1:2	G	C	0

.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:69	0/1:9	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:33	0/1:5	T	C	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:2	G	A	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.7	4.61	.	.		SON	GT:/	0:78	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:1	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:62	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:22	0/1:3	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.2		SON	GT:/	0:10	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.		SON	GT:/	0:27	0/1:3	G	A	0
2E-04		##	0	0.0	0.9	0.999	1,D	5.8	5.60	.	.		SON	GT:/	0:58	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:3	A	G	0
.		1	1	.	.	.	.	.	.	0.1	0.5		SON	GT:/	0:48	0/1:9	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:19	0/1:3	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:3	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:2	C	T	0
.		.	.	0.3	0.0	0.049	1,D	5.2	2.12	.	.		SON	GT:/	0:10	0/1:1	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	1.70	.	.		SON	GT:/	0:39	0/1:8	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:7	A	T	0
.		0	0	.	.	.	.	2.1	.	.	.		SON	GT:/	0:12	0/1:1	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:93	0/1:1	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.		SON	GT:/	0:31	0/1:3	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	.		SON	GT:/	0:16	0/1:4	C	A	0
.		##	0	0.0	0.3	0.517	1,D	5.7	4.40	0	.		DB;S	GT:/	0:17	0/1:4	C	T	0
#####		##	0	0.4	0.0	0.375	0.519	4	2.41	.	.		SON	GT:/	0:49	0/1:7	C	T	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:11	0/1:2	T	C	0
.		0	0	0.1	0.0	0.075	1.000	.	1.87	.	.		SON	GT:/	0:45	0/1:5	C	T	0
.		.	.	.	.	.	1,A	.	3.73	.	.		SON	GT:/	0:51	0/1:7	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0		SON	GT:/	0:37	0/1:6	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.6	.	.	.		SON	GT:/	0:15	0/1:3	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:52	0/1:8	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3		SON	GT:/	0:8,(	0/1:6	T	C	0
.		##	0	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5	4.51	.	.		SON	GT:/	0:84	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:7	A	C	0
.		##	0	.	.	.	1,A	4.9	5.89	.	.		SON	GT:/	0:17	0/1:4	G	A	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	6.2	4.86	.	.		SON	GT:/	0:31	0/1:7	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:83	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:33	0/1:4	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:9	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:8,(	0/1:4	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	3.49	.	.		SON	GT:/	0:43	0/1:6	G	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:23	0/1:3	T	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.3	DB;S	GT:/	0:44	0/1:6	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.2		DB;S	GT:/	0:22	0/1:5	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:5	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:10	0/1:7	A	C	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:9,0	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SOM	GT:/	0:8,0	0/1:1	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:74	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.8	2.38	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:2	C	T	0
.	0	0	1.0	0.0	0.0,B	1.000	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:42	0/1:7	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,0	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.5	0.0	0.0,B	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:99	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:3	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:23	0/1:7	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:25	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:42	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:59	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:65	0/1:2	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:36	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:35	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:43	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:8,0	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:22	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:34	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:38	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:39	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:8,0	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:7	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:43	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:43	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:30	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:3	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:35	0/1:1	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:27	0/1:1	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:21	0/1:8	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:6	C	A	0
.	0	0	0.6	0.0	0.0,B	1,N	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:79	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	A	C	0
.	.	.	0.1	0.0	0.0,B	1,N	.	1.72	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:6	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:8	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:2	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	3.2	.	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:79	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:16	0/1:3	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SOM	GT:/	0:11	0/1:9	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	0.1	0.458	1.000	4.9	3.16	0	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:5	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:29	0/1:3	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:0	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:4	G	A	0
.	##	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	3.4	4.41	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0

.		0	0	.	.	.	.	2.5	.	.	.	SOM	GT:/	0:88	0/1:1	G		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:93	0/1:1	G		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:2	C		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	4	.	.	.	SOM	GT:/	0:55	0/1:1	G		A	0
.	.	.	.	.	.	.	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C		T	0
#####	##		0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:87	0/1:1	C		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.42	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	C		T	0
.		0	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:1	C		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:32	0/1:3	G		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:65	0/1:1	G		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	G		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.4	1.26	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:6	T		C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:26	0/1:3	G		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:6	C		G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.1	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:4	C		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:5	A		C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:2	C		G	0
.	.	.	0.0(	0.8(	0.975	0.81(	.	3.51	.	.	DB;S	GT:/	0:37	0/1:5	C		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:34	0/1:7	C		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	A		C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:11	0/1:3	T		C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:85	0/1:1	T		C	0
.	##		0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:1	G		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:7	G		T	0
.	##		0	0.0(	0.9(	0.998	0.766	2.6	3.22	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	T		G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:7	C		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:4	C		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	G		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:87	0/1:1	C		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:23	0/1:2	A		G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:7	C		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:41	0/1:4	C		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:54	0/1:1	A		G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:6	C		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:9	T		G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:1	C		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:5	C		T	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:18	0/1:3	G		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:22	0/1:4	C		T	0
#####	##		0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:1	C		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.5	.	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:8	G		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	2.38	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:3	G		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:6	C		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:31	0/1:1	G		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	T		C	0
.	.	.	0.0(	0.7!	0.898	0.976		5	3.18	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	C		T	0
.	##		0	0.0-	0.8(	0.998	1,D	5.1	3.90	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:9	C		T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.6	.	.	.	SOM	GT:/	0:93	0/1:1	G		A	0
.		0	0	0.0,	0.9!	1.0,D	1,D	4.9	3.75	.	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:8	G		A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:1	G		C	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:4	A	G	0
0.003	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:60	0/1:1	A	T	0
.	.	.	0.0	0.4	0.974	0.935	4.8	.	.	.	SOM	GT:/	0:71	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.4	0.0	0.0,B	1.000	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:89	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:65	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:3	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	3.39	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:9	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:6	C	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:95	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:8	C	G	0
3E-04	0	0	0.8	0.0	0.877	0.994	4.2	2.67	.	.	SOM	GT:/	0:92	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.3	0.273	1,D	5.4	4.81	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.4	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:3	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:3	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.0	0.103	1,N	3	2.65	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:5	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	C	T	0
9E-04	0	0	0.2	0.0	0.055	1,D	5	3.03	0	0	SOM	GT:/	0:46	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	1.84	.	.	SOM	GT:/	0:86	0/1:1	G	A	0
.	##	0	0.0	0.0	0.002	1,D	3.2	2.14	.	.	SOM	GT:/	0:93	0/1:9	G	A	0
.	.	.	0.0	0.1	0.236	1.000	6.2	2.89	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:6	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.9	5.31	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:5	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	2.51	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:7	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:3	A	G	0
.	##	0	0.0	0.0	0.029	1,N	.	1.80	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:6	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.2	1.31	.	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:3	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:6	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.48	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0.3	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:41	0/1:8	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:20	0/1:3	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:52	0/1:6	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:6	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:3	C	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:27	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.97	0	0	SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SON	GT:/	0:24	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:14	0/1:1	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.76	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:62	0/1:9	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:69	0/1:1	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:19	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.3	1.34	.	.	SON	GT:/	0:51	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.8	1.23	.	.	SON	GT:/	0:85	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2	.	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:5	C	T	0
.	.	.	0.3	0.0	0.11,I	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:58	0/1:7	C	G	0
5E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:2	G	A	0
#####	0	0	0.0	0.3	0.988	1.000	5.6	3.54	.	.	SON	GT:/	0:52	0/1:8	G	A	0
.	.	.	0.1	0.5	0.994	0.999	2.6	3.80	.	.	SON	GT:/	0:25	0/1:6	G	A	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.7	5.03	0	.	SON	GT:/	0:75	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:1	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.87	.	.	SON	GT:/	0:28	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:2	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	3.4	.	.	.	DB;S	GT:/	0:40	0/1:7	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:4	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:5	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	4.1	.	.	.	SON	GT:/	0:69	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.9	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:5	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.61	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:27	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.6	.	.	0	SON	GT:/	0:31	0/1:5	C	T	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:59	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:77	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.57	.	.	SON	GT:/	0:39	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:18	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.90	.	.	SON	GT:/	0:27	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.5	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	3.8	1.39	.	.	SON	GT:/	0:90	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:29	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.92	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:3	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:28	0/1:6	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	5.4	3.63	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0
.	1	1	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:17	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	G	T	0

.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:4	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	T	G	0
.		.	.	0.1	0.1(	0.291	0.943	2.4	2.90	.	.	.	SON	GT:/	0:37	0/1:(	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:1	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:33	0/1:4	C	T	0
.		.	.	0.3	0.0	0.118	1,N	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:4	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:3	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:25	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:67	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:45	0/1:8	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	T	0
.		.	.	0.0	0.1(	0.146	1,D	5.5	4.87	.	.	.	SON	GT:/	0:37	0/1:4	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:55	0/1:9	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	4.6	2.01	.	.	.	SON	GT:/	0:98	0/1:1	C	T	0
.		.	.	0.1	0.3	0.722	1,D	5.4	4.72	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	G	A	0
.		##	.	.	.	.	.	.	1.27	0	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	C	T	0
#####		.	.	0.1	0.6	0.939	1.000	5.4	4.66	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:52	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:33	0/1:5	A	T	0
0.001		0	0	.	.	.	.	3.1	.	.	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	G	A	0
.		.	.	0.1	0.0	0.011	1,N	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:79	0/1:2	C	T	0
.		.	.	0.1	0.2	0.437	1,N	3.6	3.56	.	.	.	SON	GT:/	0:68	0/1:2	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:43	0/1:1	C	T	0
.		.	.	0.0	0.9	0.999	1.000	3.5	3.61	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:(	C	T	0
.		.	.	0.1	0.5	0.873	1,N	4.2	1.92	.	.	.	SON	GT:/	0:68	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.	.	SON	GT:/	0:71	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:1	C	T	0
0.004		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:(	G	A	0
.		.	.	.	.	.	1,D	3.4	8.37	.	.	.	SON	GT:/	0:59	0/1:1	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:3	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:4	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	2.8	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:2	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.10	.	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:4	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:25	0/1:7	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:40	0/1:1	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	5.6	.	.	.	.	SON	GT:/	0:70	0/1:2	C	T	0
.		.	.	0.4	1.0	1.0,D	1,N	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:93	0/1:1	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:(	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:24	0/1:4	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:5	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	.	SON	GT:/	0:11	0/1:3	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	.	SON	GT:/	0:14	0/1:4	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.4	0.4	DB;S	GT:/	0:41	0/1:7	C	T	0
.		0	0	.	.	.	.	2.1	.	.	.	.	SON	GT:/	0:84	0/1:1	C	T	0
.		##	0	0.0	0.0	0.0,B	1.000	3	2.06	0	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:7	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	4	1.61	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	G	A	0
.	.	.	0.0(	0.9'	0.99,I	1,D	5.6	4.79	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:20	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.30	0	0	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	A	T	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	4.7	4.00	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	3.1	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:3	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	C	0
.	.	.	0.5(	0.0(	0.001	1,D	5.8	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:4	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:22	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,A	.	7.72	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:5	C	T	0
.	.	.	0.0:	0.9!	1.0,D	1,D	5.8	5.12	.	.	SOM	GT:/	0:69	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	1.99	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.08	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:7	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.83	.	0	SOM	GT:/	0:12	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.63	.	.	SOM	GT:/	0:83	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.2	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:2	G	C	0
.	##	.	0.4:	0.4'	0.986	1.000	5.9	2.50	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:6	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:3	C	G	0
.	.	.	0.0	0.0	0.088	0.994	5.6	2.43	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:1	C	G	0
.	##	0	.	.	.	.	5.2	1.69	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:4	G	A	0
.	.	.	0.2'	0.0(	0.017	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:76	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0(	0.1(	0.358	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:92	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4	.	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:9	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:3	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	G	A	0
.	.	.	0.0(	0.7!	0.988	1.000	3.8	3.27	.	.	SOM	GT:/	0:97	0/1:1	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.4	1.28	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:5	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:3	T	G	0

#####	.	.	.	.	.	.	.	4.09	0	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:2	A	C	0
.	##	0	0.0	0.8	0.997	1.000	5.4	3.50	0	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	C	T	0
0.002	0	0	0.0	0.0	0.0,B	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	1.60	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	6.2	5.48	.	.	SOM	GT:/	0:70	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:98	0/1:1	G	C	0
2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	C	T	0
3E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:50	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:69	0/1:4	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:4	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.4	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:3	G	C	0
.	##	0	.	.	.	.	2.1	.	0	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:3	A	C	0
.	.	.	0.1	.	.	0.519	2.6	.	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:13	0/1:3	A	G	0
#####	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	G	A	0
.	##	0	0.0	0.7	0.974	0.777	4.5	4.43	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.4	0.0	0.014	1,D	5.9	2.69	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	3.9	.	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:64	0/1:9	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:4	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:2	G	A	0
.	0	0	0.0	0.7	0.982	1,D	5.8	3.58	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:5	C	T	0
.	.	.	0.3	0.4	0.961	1,N	4.9	3.65	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
2E-04	##	0	0.1	0.0	0.178	0.993	3.2	.	.	.	SOM	GT:/	0:51	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.8	.	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:5	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:38	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:5	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:85	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.1	0.7	0.972	1.000	2.2	3.43	.	.	SOM	GT:/	0:32	0/1:5	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:2	G	A	0
.	.	.	0.1	0.9	0.991	1,D	4.8	2.47	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:5	G	A	0

.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:3	C	T	0
.		##	0	0.1	0.0	0.008	0.999	.	2.58	.	.		SON	GT:/	0:17	0/1:3	C	T	0
.		.	.	0.8	0.0	0.025	1,N	.	.	.	.		SON	GT:/	0:46	0/1:9	C	T	0
.		.	.	.	.	.	1,A	5.9	8.08	.	.		SON	GT:/	0:46	0/1:6	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1		SON	GT:/	0:10	0/1:1	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:40	0/1:7	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:26	0/1:3	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.4	.	.	.		SON	GT:/	0:11	0/1:2	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:16	0/1:2	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:54	0/1:9	T	G	0
.		.	.	0.0	0.3	0.673	0.578	6	2.71	.	.		SON	GT:/	0:22	0/1:4	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	3	1.95	.	.		SON	GT:/	0:20	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	5.1	1.57	.	.		SON	GT:/	0:65	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	3	1.29	.	.		SON	GT:/	0:98	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:17	0/1:2	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	2.08	.	.		SON	GT:/	0:30	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:24	0/1:6	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:20	0/1:3	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:24	0/1:4	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:78	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	1,A	5.2	10.2	.	.		SON	GT:/	0:32	0/1:5	C	A	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	0	0		DB;S	GT:/	0:45	0/1:8	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:16	0/1:1	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:15	0/1:1	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	2	.	.	.		SON	GT:/	0:29	0/1:2	G	T	0
#####		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:72	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.53	.	.		SON	GT:/	0:14	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:48	0/1:7	G	C	0
.		##	0	0.0	0.5	0.996	1.000	4.8	4.62	.	.		SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	4.3	2.58	.	.		SON	GT:/	0:68	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	.		SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	.		SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:12	0/1:2	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	1.39	.	.		SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:24	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1		SON	GT:/	0:21	0/1:3	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:93	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:26	0/1:4	C	G	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5	4.63	.	.		SON	GT:/	0:28	0/1:5	G	A	0
.		.	.	.	.	.	1,A	4.6	3.58	.	.		SON	GT:/	0:71	0/1:1	C	T	0
.		.	.	0.0	0.1	0.463	.	2.3	4.08	.	.		SON	GT:/	0:22	0/1:4	C	T	0
.		.	.	0.0	0.6	0.933	1,D	4.2	3.80	.	.		SON	GT:/	0:77	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	2.2	.	.	.		SON	GT:/	0:65	0/1:9	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:11	0/1:2	C	A	0
.		##	0	0.6	0.9	1.0,D	0.836	4	3.94	.	.		SON	GT:/	0:77	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.32	.	.		SON	GT:/	0:43	0/1:9	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:29	0/1:3	C	T	0
2E-04		##	0	0.9	0.0	0.016	0.983	3.8	.	.	.		SON	GT:/	0:53	0/1:8	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	1.36	.	.		SON	GT:/	0:22	0/1:2	C	G	0
.		.	.	0.0	0.9	0.999	1,D	3.1	2.73	.	.		SON	GT:/	0:14	0/1:2	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	3	1.80	.	.		SON	GT:/	0:94	0/1:1	G	T	0
.		.	.	0.0	0.4	0.697	1,D	4	4.83	.	.		SON	GT:/	0:33	0/1:4	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	.		SON	GT:/	0:24	0/1:4	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:51	0/1:8	C	T	0
.	.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:93	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	0.6	0.0	0.017	0.921	5.6	1.76	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:5	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.4	3.20	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:82	0/1:1	T	C	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:89	0/1:1	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:15	0/1:3	C	T	0	
.	.	.	.	0.3	0.9	1.0,D	1,D	6.2	5.79	.	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	2.83	.	.	.	SOM	GT:/	0:79	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:47	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.7	1.91	.	.	.	SOM	GT:/	0:65	0/1:8	C	T	0
.	.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4	3.20	0	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	0.0	0.1	0.347	1,N	.	2.37	.	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	0.0	0.5	0.96,I	1,N	3.9	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:9	C	G	0
.	.	.	.	0.3	0.0	0.002	1,N	4.3	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.2	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:4	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	2.04	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:4	T	G	0
.	.	.	.	0.0	.	.	1,N	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:8	C	A	0
.	.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	6	4.89	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:9	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:1	G	A	0
.	.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:47	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:5	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.7	2.30	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:1	A	C	0
.	.	.	.	0.0	0.9	0.998	1.000	5.2	4.92	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:3	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	1.000	3.6	1.82	.	.	.	SOM	GT:/	0:65	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:32	0/1:3	C	A	0
.	.	0	0	.	.	.	.	5.1	1.83	.	.	.	SOM	GT:/	0:99	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.3	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:7	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:1	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.2	.	.	.	SOM	GT:/	0:53	0/1:8	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	C	0
8E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:4	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:4	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:7	C	A	0
.	.	.	.	0.0	0.5	0.994	0.662	4.2	3.13	.	.	.	SOM	GT:/	0:53	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:5	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:67	0/1:9	G	A	0	
#####	.	.	.	.	.	.	.	.	1.75	.	.	.	SOM	GT:/	0:53	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:14	0/1:3	T	G	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:6	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	DB;S	GT:/	0:31	0/1:6	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:3	C	T	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:3	C	A	0
.	##	0	.	.	.	.	4.2	1.36	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.97	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:4	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:8	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:60	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.94	.	.	SOM	GT:/	0:87	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.36	.	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:9	C	T	0
.	.	.	0.0:	0.9	1.0,D	1,D	5.8	4.85	.	.	SOM	GT:/	0:76	0/1:1	C	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:77	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3	1.84	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:52	0/1:8	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	C	T	0
.	.	.	0.0(	0.9	0.999	1,D	4	4.10	.	.	SOM	GT:/	0:97	0/1:2	C	T	0
.	.	.	0.0:	0.0:	0.214	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:98	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:22	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:8	C	T	0
.	.	.	0.2	0.1	0.587	1,D	5.5	2.88	.	.	SOM	GT:/	0:55	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:3	C	T	0
.	##	0	0.8	0.0(	0.102	1,N	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:6	C	T	0
.	##	0	.	0.9	0.999	1,D	5.7	3.83	.	.	SOM	GT:/	0:89	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,A	5.1	5.03	.	.	SOM	GT:/	0:67	0/1:8	G	A	0
.	.	.	0.0	0.2	0.759	0.676	4.4	4.04	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:10	0/1:6	T	C	0
.	##	0	0.1(	0.9	0.997	1.000	5.9	4.60	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:62	0/1:1	A	G	0
.	.	.	0.1(	0.9	0.999	1,D	5.8	5.29	.	.	SOM	GT:/	0:72	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:65	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:89	0/1:1	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:32	0/1:6	A	C	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	C	G	0
.	.	.	0.0	0.9	0.993	1,D	5.9	5.60	.	.	SOM	GT:/	0:67	0/1:9	C	T	0
.	.	.	0.0(	0.9	0.999	1,D	5	4.69	.	.	SOM	GT:/	0:88	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2.8	2.61	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:4	G	A	0

.													SOM	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	C	T	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:9	C	T	0
.				0.0	0.0	0.332	0.914	.	2.91	.	.		SOM	GT:/	0:42	0/1:5	C	G	0
.				.	.	.	.	4.3	.	.	.		SOM	GT:/	0:30	0/1:5	C	T	0
.				0.0	0.9	0.996	1.000	3.9	4.25	.	.		SOM	GT:/	0:52	0/1:8	A	G	0
.				0.7	0.1	0.652	1,N	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:23	0/1:4	G	C	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:23	0/1:4	G	A	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:53	0/1:6	C	G	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:70	0/1:1	G	C	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:34	0/1:6	C	T	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:13	0/1:2	G	A	0
.				.	.	.	.	.	.	0	.		SOM	GT:/	0:35	0/1:5	G	A	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:26	0/1:3	C	T	0
.				.	.	.	.	.	2.06	.	.		SOM	GT:/	0:70	0/1:1	G	C	0
.				.	.	.	.	4.3	2.33	.	.		SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.				0.0	0.6	0.991	1,D	4.8	2.26	.	.		SOM	GT:/	0:24	0/1:3	C	G	0
.				.	.	.	.	4.7	.	.	.		SOM	GT:/	0:17	0/1:2	C	A	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:13	0/1:3	G	C	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:16	0/1:2	G	T	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:49	0/1:5	C	T	0
.				.	.	.	.	.	1.26	.	.		SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.				.	.	.	.	4.3	3.84	.	.		SOM	GT:/	0:27	0/1:4	G	C	0
.				.	.	.	.	3.4	2.30	.	.		SOM	GT:/	0:50	0/1:7	G	A	0
.				.	.	.	.	.	.	0	.		SOM	GT:/	0:15	0/1:3	C	A	0
.				0.0	0.2	0.412	1,D	5.4	2.54	.	.		SOM	GT:/	0:73	0/1:1	G	C	0
.				.	.	.	.	2	.	.	.		SOM	GT:/	0:33	0/1:7	C	T	0
.				.	.	.	.	2.3	.	.	.		SOM	GT:/	0:24	0/1:3	G	A	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:36	0/1:5	C	T	0
.				.	.	.	.	.	1.24	.	.		SOM	GT:/	0:45	0/1:8	C	T	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:33	0/1:4	C	T	0
.				.	.	.	.	4.4	1.99	.	.		SOM	GT:/	0:17	0/1:3	C	G	0
.				0.0	0.0	0.012	0.992	6	2.11	.	.		SOM	GT:/	0:24	0/1:3	G	C	0
.				0.0	0.0	0.029	0.985	3.9	1.98	.	.		SOM	GT:/	0:24	0/1:3	G	T	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:36	0/1:3	T	G	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	C	0
	6E-04	0	0	.	.	.	.	2.4	.	.	.		SOM	GT:/	0:49	0/1:9	C	T	0
.				.	.	.	.	5.3	1.40	.	.		SOM	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.				.	.	.	.	.	.	0.1	0		SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	A	G	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:19	0/1:3	G	C	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:11	0/1:2	G	A	0
.				0.0	0.0	0.053	0.868	3.3	2.65	.	.		SOM	GT:/	0:42	0/1:7	C	G	0
.				.	.	.	.	2.3	.	.	.		SOM	GT:/	0:14	0/1:3	G	C	0
.				0.0	.	.	1,D	5.1	4.06	.	.		SOM	GT:/	0:30	0/1:6	C	G	0
.				1.0	0.0	0.001	1,D	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:37	0/1:6	G	A	0
.				.	.	.	.	.	.	0	0		SOM	GT:/	0:20	0/1:3	C	T	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	T	0
.				0.0	.	.	1,D	3.8	3.39	.	.		SOM	GT:/	0:85	0/1:1	C	T	0
.				.	.	.	.	2.3	.	.	.		SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:13	0/1:3	C	T	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:34	0/1:5	C	T	0
.				.	.	.	.	3.6	.	.	.		SOM	GT:/	0:38	0/1:6	G	A	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:29	0/1:4	A	G	0
.				.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:18	0/1:2	C	T	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:59	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:7	G	T	0
9E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:50	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	1,A	.	5.18	.	.		SON	GT:/	0:58	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.54	.	.		SON	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:69	0/1:1	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:5	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:39	0/1:6	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	1,A	2.1	49.9	.	.		SON	GT:/	0:95	0/1:1	G	T	0
.	.	.	0.0(	0.2(	0.376	1,N	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:89	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:62	0/1:8	G	A	0
.	##	0	0.0	0.6(	0.7,P	1,N	.	1.70	.	.			SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:57	0/1:8	C	T	0
.	.	.	0.0(	0.9	1.0,D	0.828	.	2.14	.	.			SON	GT:/	0:89	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.25	.	.			SON	GT:/	0:90	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.68	.	.			SON	GT:/	0:71	0/1:8	G	T	0
.	.	.	0.1(	0.6(	0.958	1,N	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:31	0/1:7	C	G	0
.	0	0	0.1	0.0(	0.013	1,N	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:44	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:97	0/1:1	A	T	0
.	.	.	.	0.0(	0.015	1,N	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:18	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:39	0/1:5	C	G	0
.	.	.	0.0	0.9	0.998	0.999	6	4.03	.	.			SON	GT:/	0:70	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.43	.	.			SON	GT:/	0:41	0/1:7	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:2	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:2	T	C	0
.	##	0	.	0.7(	0.999	1,D	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:12	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.20	.	.			SON	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0		SON	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	5.4	1.35	.	.		SON	GT:/	0:50	0/1:8	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:68	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.		SON	GT:/	0:33	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	G	C	0
0.003	0	0	.	.	.	.	.	.	.		0		DB;S	GT:/	0:52	0/1:7	G	A	0
.	.	.	0.5(	0.0	0.089	1,N	2.3	.	.	.			SON	GT:/	0:11	0/1:2	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:79	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.		SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:34	0/1:2	G	A	0
.	.	.	0.4	0.3	0.824	1,N	3.2	.	.	.			SON	GT:/	0:55	0/1:9	G	C	0
.	.	.	0.0(	0.9	1.0,D	0.999	.	1.34	.	.			SON	GT:/	0:49	0/1:8	G	C	0
.	.	.	0.0(	0.0(	0.026	1.000	.	.	.	.			SON	GT:/	0:44	0/1:7	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:2	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	G	A	0

.	.	.	0.0(	0.8(	0.994	1,N	.	1.83	.	.	SON	GT:/	0:80	0/1::	G	A	0
.	##	0	0.0'	0.8!	0.99,I	0.998	.	3.67	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:5	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2	.	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:8	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	5.2	3.13	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SON	GT:/	0:21	0/1:5	C	G	0
.	0	0	0.0:	0.5	0.526	0.995	.	2.37	0.1	0.3	DB;S	GT:/	0:22	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.29	.	.	SON	GT:/	0:91	0/1:1	C	G	0
#####	##	0	0.0(	0.0.	0.0,B	0.998	2.7	1.92	.	.	SON	GT:/	0:63	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,A	4	4.42	.	.	SON	GT:/	0:64	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,A	5.5	8.81	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4.1	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:22	0/1:2	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:23	0/1:5	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SON	GT:/	0:15	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.41	.	.	DB;S	GT:/	0:54	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:75	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0(	1.0.	1.0,D	1.000	3.7	3.81	.	.	DB;S	GT:/	0:87	0/1:6	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.4	DB;S	GT:/	0:32	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:4	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:70	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:11	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	G	T	0
0.05	0	0	0.5:	0.0:	0.026	0.999	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:60	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SON	GT:/	0:8,(	0/1:7	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.4	SON	GT:/	0:14	0/1:3	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:11	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.3	.	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:3	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.37	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	G	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	2.00	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:1	G	C	0
.	.	.	0.0:	0.0	0.026	1,N	.	1.58	.	.	SON	GT:/	0:70	0/1:1	G	C	0
#####	##	0	0.0:	0.9:	1.0,D	1.000	4.7	3.81	.	.	SON	GT:/	0:46	0/1:7	C	T	0
.	.	.	0.0(	0.0(	0.016	0.826	4.5	1.39	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	C	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:88	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:3	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:3	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:19	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0!	0.0(	0.005	1,N	3.9	.	.	.	SON	GT:/	0:47	0/1:8	C	G	0

.	.	.	.	.	.	1,D	5.6	5.60	.	.	SON	GT:/	0:67	0/1:	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:27	0/1:	G	T	0
.	.	.	0.0	0.1	0.645	1,D	5.9	4.00	.	.	SON	GT:/	0:60	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:53	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.04	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	5.1	1.74	.	.	SON	GT:/	0:64	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.6	2.43	.	.	SON	GT:/	0:34	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:53	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:14	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	1,A	4.7	9.66	.	.	SON	GT:/	0:62	0/1:	C	G	0
.	.	.	.	.	.	1,A	4.4	6.48	.	.	SON	GT:/	0:48	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:48	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,A	5.2	5.59	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.0	0.7	0.93	1,N	.	1.24	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:	G	C	0
.	.	.	0.0	0.5	0.87	1.000	4.9	3.19	.	.	SON	GT:/	0:74	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:24	0/1:	G	A	0
.	.	.	0.4	0.0	0.001	1.000	4.3	1.36	.	.	SON	GT:/	0:78	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.2	0.0	0.008	0.797	4.1	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:	G	A	0
.	0	0	0.6	0.8	0.998	0.834	4.1	.	.	.	SON	GT:/	0:63	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:15	0/1:	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:	0:11	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:	0:13	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:	0:17	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:	0:19	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:	0:24	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:	0:20	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.4	DB;	GT:/	0/1:	0:31	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:	0:40	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0/1:	0:15	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.4	DB;	GT:/	0/1:	0:20	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:	0:10	G	A	0
.	0	0	0.0	1.0	1.0,D	1.000	4.5	3.37	.	.	DB;	GT:/	0/1:	0:46	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:	0:45	A	C	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:	0:93	C	T	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	4.8	3.42	.	.	SON	GT:/	0/1:	0:70	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:	0:8,	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:	0:45	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.5	DB;	GT:/	0/1:	0:19	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.4	SON	GT:/	0/1:	0:17	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0/1:	0:8,	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:	0:26	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:	0:9,	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:	0:53	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:	0:28	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:	0:45	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:	0:10	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:	0:8,	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:	0:43	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:	0:8,	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:	0:11	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:	0:12	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:43	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SOM	GT:/	0/1:1	0:12	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:2	0:10	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:2	0:10	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:23	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0/1:2	0:15	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.5	SOM	GT:/	0/1:1	0:9,(	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:52	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:8,(	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:69	G	T	0
.	0	0	0.0	0.1	0.431	1,N	4.8	2.17	0.1	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:9,(	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:33	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:7	0:37	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:52	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:14	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:70	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:25	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:4	0:8,(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.9	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:12	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.88	0	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:20	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:25	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:24	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:23	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SOM	GT:/	0/1:1	0:14	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0/1:3	0:10	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:34	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:57	C	T	0
4E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:27	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:32	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:4	0:23	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.4	SOM	GT:/	0/1:1	0:9,(	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:20	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:59	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:18	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:15	A	G	0
.	.	.	0.1	0.1	0.05,I	0.695	.	1.65	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:74	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:45	C	A	0
#####	##	0	.	.	.	.	2.1	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:75	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:35	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:1	0:59	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0/1:1	0:43	G	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:77	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:24	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:9,(	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:8,(	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:20	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:9	0:12	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:8,(	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:46	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:27	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:18	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:10	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:20	G	T	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:23	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:23	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0/1:6	0:39	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0/1:3	0:22	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.4	SOM	GT:/	0/1:6	0:8,(	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:9,(	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:4	0:23	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:9,(	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0/1:2	0:14	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	4.2	3.16	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:87	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.3	SOM	GT:/	0/1:2	0:24	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:25	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:34	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:18	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:20	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:50	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:37	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:9,(	C	T	0
.	.	.	0.0(	0.9(	0.999	1.000	4.8	4.21	.	.	DB;S	GT:/	0/1:2	0:88	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:14	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:18	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:8	0:48	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	DB;S	GT:/	0/1:7	0:38	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0/1:1	0:8,(	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:9	0:57	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.65	0	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:26	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:37	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:9	0:8,(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SOM	GT:/	0/1:6	0:8,(	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:16	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:13	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:50	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0/1:1	0:12	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:11	G	A	0
8E-04	0	0	.	.	.	.	.	2.28	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:38	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0/1:2	0:12	T	C	0
.	1	1	.	.	.	.	.	.	0.1	0.5	SOM	GT:/	0/1:7	0:41	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:23	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:24	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:8,(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:3	0:20	T	C	0
.	.	.	0.0	0.0	0.053	1,D	5.1	3.04	.	.	DB;S	GT:/	0/1:6	0:39	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:6	0:10	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	4.2	2.69	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:67	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:36	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:12	T	C	0
.	.	.	0.0(	0.2(	0.612	1,D	4.6	3.17	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:70	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	3.9	1.70	0	0	SOM	GT:/	0/1:5	0:40	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:30	C	T	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:17	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:7	0:49	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:8,(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:2	0:10	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:2	0:10	T	C	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:19	G	T	0
.	.	.	0.5	0.5	0.99,l	1,D	3.9	2.76	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:92	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:20	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:29	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0/1:6	0:9,(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:22	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:27	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:75	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:7	0:38	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	DB;S	GT:/	0/1:8	0:41	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:38	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:11	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:11	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:39	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.12	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:44	T	A	0
.	.	.	0.0(	.	.	0.993	.	1.82	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:20	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.5	SOM	GT:/	0/1:1	0:12	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0/1:6	0:34	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:2	0:13	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:8,(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:11	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:12	T	C	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:18	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:16	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0/1:1	0:54	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0/1:2	0:58	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:20	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:18	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:30	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0/1:1	0:35	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0/1:1	0:46	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	DB;S	GT:/	0/1:8	0:35	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	DB;S	GT:/	0/1:8	0:35	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:7	0:30	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0/1:4	0:27	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0/1:6	0:33	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0/1:1	0:46	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:39	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0/1:1	0:50	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:11	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:9,(	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:48	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:38	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0/1:6	0:38	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:34	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:10	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:13	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:9,(	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:13	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:46	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SOM	GT:/	0/1:5	0:28	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:23	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:62	C	G	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:7	0:67	A	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:27	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:27	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.	DB;S	GT:/	0/1:5	0:44	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:3	0:10	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:3	0:17	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:2	0:16	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:1	0:13	T	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:9	0:49	A	G	0
.	0	0	.	.	.	.	.	1.77	0	0	DB;S	GT:/	0/1:7	0:37	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:7	0:27	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:4	0:38	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:8	0:58	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.4	DB;S	GT:/	0/1:3	0:23	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:3	0:43	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SON	GT:/	0/1:1	0:11	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:9,(	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:8	0:8,(	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:39	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:6	0:33	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0/1:1	0:8,(	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:6	0:33	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:4	0:22	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3	DB;S	GT:/	0/1:6	0:36	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:7	0:35	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:6	0:24	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.1	1.73	.	.	SON	GT:/	0/1:8	0:39	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:51	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:6	0:39	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:6	0:38	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:5	0:35	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:15	A	C	0
.	.	.	0.2	0.0	0.0,B	1.000	5.3	.	.	.	SON	GT:/	0/1:8	0:38	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:23	T	A	0
.	.	.	0.1	0.0	0.001	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:71	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:5	0:23	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:16	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:43	0/1:7	C	T	0
0.006	0	0	.	.	.	.	.	1.30	.	.	DB;S	GT:/	0:22	0/1:4	C	T	0
.	.	.	0.4	0.0	0.089	1,N	.	1.28	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:3	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	.	1.51	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:46	0/1:9	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:69	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:79	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.2	0.0	0.84,I	1,N	2.7	1.91	.	.	SON	GT:/	0:29	0/1:6	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:51	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:95	0/1:1	G	A	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:12	0/1:2	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:39	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:19	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:65	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:3	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:77	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:13	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:28	0/1:6	C	A	0
.	.	.	0.1	0.9	1.0,D	0.992	5.5	4.01	.	.		SON	GT:A	0:17	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:29	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:37	0/1:5	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	4.5	6.11	.	.		SON	GT:A	0:98	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	0.997	1,D	4.8	4.48	.	.		SON	GT:A	0:57	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:22	0/1:5	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	2.54	.	.		SON	GT:A	0:12	0/1:1	C	T	0
#####	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:22	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:16	0/1:2	T	A	0
.	##	0	.	.	.	.	2	1.90	.	.		SON	GT:A	0:69	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:29	0/1:3	C	T	0
#####	##	0	0.1	0.5	0.975	1,N	.	1.35	.	.		SON	GT:A	0:64	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:42	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:22	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:17	0/1:3	A	G	0
0.005	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.		DB;S	GT:A	0:11	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3	1.88	.	.	SON	GT:A	0:33	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	3.36	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	0.8	0.994	1.000	6.1	4.05	.	.		SON	GT:A	0:35	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0:65	0/1:9	G	C	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:9,(	0/1:1	C	T	0
.	##	0	0.3	0.3	0.975	1,N	.	2.01	.	.		DB;S	GT:A	0:77	0/1:1	G	A	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:10	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.7	0.998	0.969	2.2	4.05	.	.		SON	GT:A	0:45	0/1:1	G	A	0
0.002	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0		SON	GT:A	0:22	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1		SON	GT:A	0:22	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2		DB;S	GT:A	0:23	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.3		DB;S	GT:A	0:56	0/1:8	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		DB;S	GT:A	0:24	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0		DB;S	GT:A	0:44	0/1:7	G	A	0
.	##	.	0.0	0.0	0.065	1.000	4	3.56	.	0		SON	GT:A	0:49	0/1:9	C	T	0
#####	##	0	0.0	0.5	0.98,I	0.999	4.7	2.17	.	.		SON	GT:A	0:11	0/1:1	C	T	0
0.006	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.		DB;S	GT:A	0:47	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.26	.	.		SON	GT:A	0:16	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:46	0/1:7	A	G	0
#####	##	0	.	.	.	.	4.6	1.47	.	.		SON	GT:A	0:36	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.2	.	.	.		SON	GT:A	0:82	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:26	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:68	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:78	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.		SON	GT:A	0:32	0/1:5	C	T	0
.	.	.	0.5	0.0	0.055	1,N	.	.	.	.		SON	GT:A	0:23	0/1:4	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3	.	.	.		SON	GT:A	0:10	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.26	.	.		SON	GT:A	0:49	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:8,(	0/1:5	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:40	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.51	.	.		SON	GT:A	0:17	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.49	.	.		SON	GT:A	0:37	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.		SON	GT:A	0:13	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.4	.	.	.		SON	GT:A	0:16	0/1:2	C	T	0
.	##	0	0.0	0.0	0.006	1,N	3.5	1.43	.	.		SON	GT:A	0:14	0/1:2	C	T	0

.	##	0	0.0	1.0	1.0,D	1.000	5.5	4.84	.	.	SOM	GT:A	0:75	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.5	0.2	0.937	1,D	5.1	4.66	.	0	SOM	GT:A	0:74	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,D	5	10.3	.	.	SOM	GT:A	0:12	0/1:2	C	T	0
.	.	.	0.0	0.0	0.008	1.000	2.2	1.43	.	.	SOM	GT:A	0:92	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:10	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.14	.	.	SOM	GT:A	0:67	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.64	.	.	SOM	GT:A	0:17	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:A	0:58	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:67	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	.	SOM	GT:A	0:10	0/1:2	G	C	0
.	##	0	.	.	.	.	2.3	1.55	0	.	SOM	GT:A	0:78	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0	0.2	0.947	1,N	.	1.35	0	.	SOM	GT:A	0:79	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.2	2.43	.	.	SOM	GT:A	0:86	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0	0.7	0.772	1.000	.	3.12	.	.	SOM	GT:A	0:57	0/1:7	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:15	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:22	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	.	SOM	GT:A	0:20	0/1:3	A	G	0
.	##	0	0.1	0.0	0.161	1.000	3.8	2.32	.	.	SOM	GT:A	0:59	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:29	0/1:4	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:A	0:70	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:20	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	5.8	4.31	.	.	SOM	GT:A	0:53	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	5.6	1.81	.	.	SOM	GT:A	0:30	0/1:5	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:46	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:73	0/1:1	G	T	0
.	.	.	0.9	0.9	1.0,D	1,D	4.4	5.13	.	.	SOM	GT:A	0:13	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.1	.	.	.	SOM	GT:A	0:63	0/1:9	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	5.4	1.33	.	.	SOM	GT:A	0:30	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	4.8	2.89	.	.	SOM	GT:A	0:54	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:43	0/1:8	T	A	0
0.014	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:A	0:33	0/1:3	C	T	0
.	##	0	0.0	0.0	0.029	1,D	5.4	3.98	.	.	SOM	GT:A	0:12	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:52	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.80	.	.	SOM	GT:A	0:15	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:69	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	0.998	1,N	.	3.39	.	.	SOM	GT:A	0:13	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:A	0:32	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.1	.	.	.	SOM	GT:A	0:47	0/1:7	A	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:54	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:66	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:27	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	.	SOM	GT:A	0:48	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:22	0/1:4	C	T	0
.	.	.	0.4	0.7	0.98,I	1,D	5.2	4.82	.	.	SOM	GT:A	0:48	0/1:7	G	A	0
2E-04	##	0	0.0	0.1	0.729	1,D	3.9	4.67	0	.	SOM	GT:A	0:51	0/1:8	G	A	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	2.8	3.49	0	.	SOM	GT:A	0:48	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:11	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:32	0/1:5	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:43	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:12	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:33	0/1:3	A	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:A	0:40	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0:16	0/1:1	G	A	0

.	##	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:54	0/1:8	C	T	0
.	##	0	0.1	0.0	0.001	0.990	.	1.97	.	.	SON	GT:/	0:89	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:24	0/1:4	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.5	.	.	.	SON	GT:/	0:71	0/1:1	G	C	0
.	##	0	.	.	.	.	.	1.40	.	.	DB;S	GT:/	0:48	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:1	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:2	A	T	0
.	.	.	0.0	0.9	0.995	1,D	5.6	1.99	.	.	SON	GT:/	0:48	0/1:7	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:31	0/1:3	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.9	4.51	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:56	0/1:8	T	C	0
.	.	.	.	.	.	1,A	.	3.27	.	.	SON	GT:/	0:19	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	T	C	0
.	##	0	0.0	0.6	0.997	1.000	4.1	3.60	.	.	SON	GT:/	0:96	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	5.4	2.78	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.5	4.45	.	.	SON	GT:/	0:78	0/1:8	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:76	0/1:1	T	G	0
#####	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.5	5.31	.	.	SON	GT:/	0:27	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:60	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.2	2.04	.	.	SON	GT:/	0:34	0/1:5	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	T	G	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0.1	DB;S	GT:/	0:72	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	DB;S	GT:/	0:46	0/1:6	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:2	A	G	0
.	##	0	.	.	.	.	6.2	3.22	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	DB;S	GT:/	0:69	0/1:1	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:48	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4.9	3.57	.	.	SON	GT:/	0:51	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:33	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:88	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:90	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,D	5.5	10.0	.	.	SON	GT:/	0:62	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	1.000	6	3.34	.	.	SON	GT:/	0:66	0/1:7	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:34	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:54	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:33	0/1:4	A	G	0
.	##	0	0.0	0.2	0.978	0.997	3.8	3.72	.	.	SON	GT:/	0:53	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,D	4.3	3.54	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.74	.	.	SON	GT:/	0:60	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.0	0.0,B	0.999	4.2	2.12	.	.	SON	GT:/	0:57	0/1:8	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.62	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:37	0/1:4	T	C	0
.	##	0	0.3	0.0	0.007	1,N	.	.	.	0	SON	GT:/	0:70	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:12	0/1:2	A	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:5	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:4	C	T	0

.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.790	3.9	3.05	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	2.1	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.1	0.6	0.989	1,N	2.9	1.79	.	.	SOM	GT:/	0:80	0/1:	C	A	0
.	.	.	0.1	0.7	0.958	1,D	6.1	3.94	.	.	SOM	GT:/	0:72	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:	T	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:61	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,D	5.4	3.73	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:36	0/1:	C	T	0
.	##	.	0.0	0.8	0.996	1,D	4.2	4.18	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:	C	A	0
.	##	0	0.5	0.0	0.013	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.967	4.8	4.07	.	.	SOM	GT:/	0:69	0/1:	G	A	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.6	4.70	.	.	DB;S	GT:/	0:70	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.0	0.6	0.976	1.000	5.1	2.99	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:	A	G	0
#####	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	4	4.09	0	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:	G	A	0
#####	##	.	.	.	.	.	3.4	.	.	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:	C	T	0
#####	##	0	1.0	0.0	0.027	0.972	2.8	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.55	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:53	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:61	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.2	0.0	0.102	1,N	.	3.19	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	6	3.50	.	.	SOM	GT:/	0:32	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:	G	A	0
.	.	.	0.0	0.6	0.976	0.982	3.2	1.82	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:	G	T	0
.	##	0	0.2	0.0	0.021	0.998	.	2.30	.	.	SOM	GT:/	0:73	0/1:	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:18	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,D	6.1	4.56	.	.	SOM	GT:/	0:54	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.6	.	.	.	SOM	GT:/	0:88	0/1:	C	T	0
.	##	0	.	0.1	0.48	1.000	4.9	2.72	0	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.1	0.5	0.767	1.000	2.9	3.54	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:	C	A	0
.	.	.	0.0	0.2	0.274	1.000	5.8	3.31	.	.	SOM	GT:/	0:52	0/1:	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:	G	A	0
.	.	.	0.0	0.8	0.999	1,N	.	2.96	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:	G	A	0
.	.	.	0.0	0.0	0.223	0.965	3.9	4.16	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:	A	T	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.3	4.11	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:	C	T	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0
3E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:46	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:34	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,D	6.1	4.95	.	.		SOM	GT:/	0:30	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:53	0/1:6	G	A	0
0.001	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:67	0/1:1	C	T	0
.	##	0	0.4	0.9	1.0,D	1.000	3.6	3.57	0	.		SOM	GT:/	0:47	0/1:7	C	T	0
3E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:30	0/1:5	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:18	0/1:3	G	A	0
.	.	.	0.0	0.2	0.617	1.000	3.9	3.19	.	.		SOM	GT:/	0:18	0/1:3	A	G	0
.	##	0	0.0	0.9	0.999	1,D	4.7	4.09	0	.		SOM	GT:/	0:54	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:73	0/1:8	T	C	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.7	4.78	.	.		SOM	GT:/	0:33	0/1:5	G	A	0
#####	##	0	0.0	0.8	0.998	1,D	5.5	3.85	.	.		SOM	GT:/	0:59	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:46	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	1.37	.	.		SOM	GT:/	0:17	0/1:2	C	T	0
2E-04	##	0	.	.	.	.	3.1	.	.	.		SOM	GT:/	0:28	0/1:5	C	T	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:95	0/1:1	C	T	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.6	3.16	.	.		SOM	GT:/	0:72	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.2	6.08	.	.		SOM	GT:/	0:92	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:34	0/1:7	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:48	0/1:9	G	A	0
2E-04	##	0	0.2	0.0	0.002	0.988	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:71	0/1:9	G	A	0
.	.	.	0.0	0.0	0.002	0.777	.	2.96	.	.		SOM	GT:/	0:57	0/1:1	G	A	0
.	.	.	1.0	0.1	0.645	1,D	4.7	.	.	.		SOM	GT:/	0:87	0/1:1	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3	.	.	.		SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:23	0/1:3	G	A	0
.	##	0	0.0	0.9	0.999	1,D	5.6	5.41	0	.		SOM	GT:/	0:34	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:17	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:19	0/1:3	A	G	0
.	.	.	0.1	0.0	0.005	1,D	5.3	3.98	.	.		SOM	GT:/	0:50	0/1:7	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.		DB;S	GT:/	0:46	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.4	.	.	.		SOM	GT:/	0:11	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	3.2	.	.	.		SOM	GT:/	0:41	0/1:6	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:34	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:27	0/1:4	C	T	0
.	.	.	0.6	0.0	0.02,I	0.992	5.6	1.44	.	.		SOM	GT:/	0:81	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	5.2	2.70	.	.		SOM	GT:/	0:39	0/1:5	T	C	0
.	##	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:16	0/1:2	T	C	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:29	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	1.51	.	.		SOM	GT:/	0:21	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:24	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:16	0/1:3	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.28	.	.		SOM	GT:/	0:18	0/1:4	A	C	0
.	.	.	0.2	0.0	0.094	0.932	4	.	.	.		SOM	GT:/	0:48	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:22	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:52	0/1:7	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:72	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:58	0/1:9	C	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:95	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.8	0.1	0.571	0.954	4.5	.	.	.		SOM	GT:/	0:30	0/1:5	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:25	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.2	.	.	.		SOM	GT:/	0:55	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	5	.	.	.		SOM	GT:/	0:34	0/1:7	G	T	0

.													SOM	GT:/	0:49	0/1:(	T	C	0
.													SOM	GT:/	0:28	0/1:(	C	T	0
.										1.67	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:2	A	C	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:2	G	A	0
.											0.2	0.5	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:2	G	A	0
.											0.3	0.5	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:3	G	A	0
2E-04	##	0	.	.	.	.		2.1	3.65	.	.		SOM	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0
.									1.49	.	.		SOM	GT:/	0:18	0/1:2	T	G	0
.													SOM	GT:/	0:18	0/1:2	T	C	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	G	A	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C	A	0
.											0.1	0.1	DB;S	GT:/	0:38	0/1:1	G	A	0
.		0	0	.	.	.	.		2.3	1.39	.	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:(	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:61	0/1:1	A	G	0
.		##	0	.	.	.	.						SOM	GT:/	0:76	0/1:1	C	T	0
.									3.4	1.32	.		0	SOM	GT:/	0:43	0/1:(	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:45	0/1:8	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:70	0/1:1	T	C	0
.		0	0	.	.	.	.						SOM	GT:/	0:14	0/1:2	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:46	0/1:5	T	C	0
.													SOM	GT:/	0:30	0/1:3	C	A	0
.		##	0	0.0(	0.9	1.0,D	1,D		5.7	5.60	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:1	C	T	0
.				0.7:	0.0	0.003	1,N						SOM	GT:/	0:29	0/1:4	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.						SOM	GT:/	0:60	0/1:5	G	A	0
7E-04		0	0	1.0	0.0	0.002	1,N		2.3	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:3	C	T	0
.		##	0	0.0	0.5	0.993	0.854		4	2.75	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:4	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:46	0/1:8	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:18	0/1:2	A	G	0
.				0.0(	0.9	0.999	1.000		4.5	3.86	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:8	A	G	0
.													SOM	GT:/	0:91	0/1:1	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:68	0/1:1	T	C	0
.		##	0	.	.	.	.					0	SOM	GT:/	0:37	0/1:1	C	T	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:3	T	A	0
.													SOM	GT:/	0:24	0/1:4	G	A	0
.		0	0	.	.	.	.						SOM	GT:/	0:62	0/1:8	C	T	0
.											0.2	0	DB;S	GT:/	0:30	0/1:4	G	C	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:3	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	A	G	0
.													SOM	GT:/	0:24	0/1:2	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:14	0/1:2	C	A	0
.				0.6(	0.4	0.976	0.999		5.4	.	.	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:8	G	A	0
.										1.25	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	T	0
.													DB;S	GT:/	0:44	0/1:(	G	A	0
.											0	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:4	C	T	0
.									3	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	A	C	0
.		##	0	0.0	1.0	1.0,D	1,D		5.1	4.07	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:8	C	T	0
#####		##	0	0.1(	0.0	0.157	0.999		5.6	3.15	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:4	G	A	0
.										3.88	.	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:4	G	T	0
.										1.43	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:2	C	T	0
.													SOM	GT:/	0:56	0/1:1	G	A	0
.													SOM	GT:/	0:29	0/1:4	T	G	0
.													SOM	GT:/	0:86	0/1:1	G	T	0
.									3.5	1.73	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:5	A	G	0
.							1,A		3.6	5.01	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:5	C	T	0

.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:3	T	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	3.5	1.85	.	.		SON	GT:/	0:32	0/1:3	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	3.87	.	.		SON	GT:/	0:25	0/1:4	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:13	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:10	0/1:8	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:8,(	0/1:3	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:21	0/1:2	T	A	0
#####		.	.	0.0	0.8	0.998	1,D	6	4.95	.	.		SON	GT:/	0:77	0/1:1	C	T	0
.		.	.	1.0	.	.	1,N	.	.	.	.		SON	GT:/	0:39	0/1:6	T	C	0
.		.	.	0.1	.	.	1,N	2.8	.	.	.		SON	GT:/	0:60	0/1:8	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	3.07	.	.		SON	GT:/	0:32	0/1:5	T	C	0
.	##	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:23	0/1:4	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:80	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	5.2	4.01	.	.		SON	GT:/	0:35	0/1:5	G	A	0
.		.	.	0.0	0.0	0.075	1,N	.	2.39	.	.		SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.		.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	.	4.12	.	.		DB;S	GT:/	0:21	0/1:4	T	A	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.959	5.5	5.36	.	.		SON	GT:/	0:81	0/1:9	C	T	0
.		.	.	0.0	0.9	0.986	1.000	5.4	4.37	.	.		SON	GT:/	0:66	0/1:7	T	C	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0		SON	GT:/	0:12	0/1:2	T	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:74	0/1:2	A	G	0
6E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:67	0/1:1	G	A	0
.	0	0	0.0	.	.	1,D	5.8	5.44	.	.		SON	GT:/	0:64	0/1:1	G	A	0
.		.	0.2	0.0	0.001	1.000	.	.	.	.		SON	GT:/	0:99	0/1:1	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:18	0/1:3	C	A	0
.		.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.4	4.90	.	.		SON	GT:/	0:49	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:87	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:57	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:19	0/1:2	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:35	0/1:4	G	T	0
.		.	.	0.0	.	.	.	4.8	4.78	.	.		SON	GT:/	0:46	0/1:8	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.		SON	GT:/	0:32	0/1:5	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:48	0/1:7	G	T	0
.	0	0	0.0	0.0	0.0	B	1,N	.	.	.	.		SON	GT:/	0:98	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.		SON	GT:/	0:16	0/1:2	G	T	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:66	0/1:9	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.7	.	.	.		SON	GT:/	0:61	0/1:1	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:67	0/1:1	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	0		SON	GT:/	0:80	0/1:1	C	T	0
.		.	0.0	0.2	0.171	1,D	6.2	2.79	.	.		SON	GT:/	0:66	0/1:1	T	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:87	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		DB;S	GT:/	0:33	0/1:2	A	T	0
0.226	0	0	.	.	.	.	.	2.16	0.4	0.4		DB;S	GT:/	0:53	0/1:7	C	T	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	0.979	3.3	2.52	.	.		SON	GT:/	0:13	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	5.3	2.55	.	.		SON	GT:/	0:18	0/1:4	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:15	0/1:2	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:56	0/1:1	G	A	0
#####	##	0	0.0	0.9	0.995	0.986	5.5	3.13	.	.		SON	GT:/	0:51	0/1:9	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:63	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	2.8	.	.	.		SON	GT:/	0:37	0/1:5	C	T	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.4	3.71	.	.		SON	GT:/	0:51	0/1:9	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:18	0/1:3	C	T	0

#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:(	G	A	0
0.013	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:10	0/1::	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:9	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4.6	2.74	.	.	SON	GT:/	0:49	0/1:9	G	A	0
#####	##	0	.	.	.	.	4.8	1.24	.	.	SON	GT:/	0:29	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1::	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.21	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	1.28	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:19	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4.1	2.41	.	.	SON	GT:/	0:48	0/1:8	T	C	0
.	##	0	0.0:	0.9(	1.0,D	0.999	5.2	3.90	0	.	SON	GT:/	0:27	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.23	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:4	C	T	0
.	.	.	0.0,	0.9(	1.0,D	1,D	4.8	4.39	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:19	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:8,(	0/1::	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:77	0/1::	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	C	A	0
.	.	.	0.0(	0.9(	1.0,D	1.000	2.3	3.38	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	3.8	1.28	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.	SON	GT:/	0:40	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.31	.	.	SON	GT:/	0:39	0/1:(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:3	A	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:3	A	G	0
2E-04	##	0	0.3:	0.0(	0.003	1.000	5.4	1.35	.	.	DB;S	GT:/	0:74	0/1::	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:4	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:62	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:45	0/1:5	G	T	0
.	##	0	0.5!	0.0(	0.002	1,N	.	.	0	0	SON	GT:/	0:17	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:56	0/1:(	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:2	T	C	0
2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:5	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:63	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:49	0/1:7	G	A	0
.	##	0	0.1!	0.9!	0.995	1,D	5	3.50	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1::	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:21	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2	.	.	.	SON	GT:/	0:47	0/1:5	G	A	0
.	0	0	0.0(	0.0(	0.022	0.999	2.9	2.38	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:2	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	G	A	0
#####	##	0	1.0,	0.0!	0.608	0.982	3.6	.	.	.	SON	GT:/	0:64	0/1::	C	T	0
.	.	.	0.0,	1.0,	1.0,D	1.000	5.3	3.33	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1::	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	SON	GT:/	0:12	0/1:2	C	T	0
.	.	.	0.0:	0.8:	0.999	0.998	2.3	4.32	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1::	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,A	.	6.60	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1::	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.8	.	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:5	G	T	0
.	##	0	0.1:	0.6(	0.985	1.000	5.1	4.02	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:2	C	T	0
7E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:72	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:52	0/1:9	A	G	0
.	##	0	0.0,	1.0,	1.0,D	1,D	4.4	4.28	.	.	SON	GT:/	0:82	0/1::	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,D	4.5	3.79	.	.	DB;S	GT:/	0:26	0/1:7	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:5	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	2.42	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:27	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:24	0/1:2	A	T	0
.	.	.	0.1	0.9	0.999	1.000	5.6	5.03	.	.	SON	GT:/	0:66	0/1:1	T	G	0
.	.	.	0.9	0.3	0.58,I	0.999	5.4	1.88	.	.	SON	GT:/	0:55	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:20	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:36	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.48	.	.	SON	GT:/	0:67	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:61	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	4.2	2.40	.	.	SON	GT:/	0:54	0/1:5	G	T	0
.	.	##	0	.	.	.	.	.	2.23	.	.	SON	GT:/	0:98	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.5	0.0	0.0,B	1,N	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	A	G	0
.	.	.	0.0	0.9	0.998	1.000	5.9	3.83	.	.	SON	GT:/	0:76	0/1:3	C	T	0
.	.	##	0	.	.	.	.	2	.	.	.	SON	GT:/	0:29	0/1:3	C	T	0
.	.	.	0.3	0.1	0.575	0.907	5	.	.	.	.	SON	GT:/	0:25	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:46	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.2	4.04	0	.	SON	GT:/	0:24	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.	SON	GT:/	0:28	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:44	0/1:3	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:5	C	A	0
#####	##	0	0.0	0.5	0.996	1.000	5.5	4.81	.	.	SON	GT:/	0:28	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.7	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:25	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.2	.	.	.	SON	GT:/	0:79	0/1:1	C	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:55	0/1:3	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	2.6	1.42	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:40	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	3.01	.	.	SON	GT:/	0:25	0/1:4	A	G	0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	1,D	3.7	4.27	.	.	SON	GT:/	0:74	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:58	0/1:3	C	A	0
.	.	.	0.0	0.9	0.998	1,N	.	1.53	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:94	0/1:1	C	T	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	4.6	.	.	.	SON	GT:/	0:56	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
0.016	0	0	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:20	0/1:2	A	T	0
.	##	0	0.1	0.0	0.102	1.000	3.9	3.82	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:46	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:4	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	3.2	.	0	.	SON	GT:/	0:62	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	6.1	2.79	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:98	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	C	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	6.1	4.63	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.54	.	.	SON	GT:/	0:34	0/1:4	G	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:47	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SON	GT:/	0:27	0/1:5	C	T	0

.		.	.	.	.	.	.	.	5.6	.	.	.	SOM	GT:/	0:82	0/1:1	T	G	0
.		.	.	0.2	0.4	0.836	1.000	5.7	4.22	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:8	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:8	T	C	0
#####		##	0	0.8	0.0	0.083	1,D	5.1	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:6	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:6	T	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	1.48	.	.	.	SOM	GT:/	0:54	0/1:6	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.	2.5	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:5	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:5	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	3.1	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:5	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:51	0/1:7	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:75	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	G	T	0
.		##	0	0.0	0.9	1.0,D	0.799	3.3	1.95	0	0	0	SOM	GT:/	0:80	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:79	0/1:1	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:6	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:6	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:70	0/1:9	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:8	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	1,D	.	3.49	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:2	C	T	0
5E-04		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:14	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	1.69	.	.	.	SOM	GT:/	0:72	0/1:1	G	A	0
.		##	0	0.2	0.0	0.004	1,D	4.1	1.85	.	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:6	G	A	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:36	0/1:7	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	C	T	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.996	6.2	4.57	.	.	.	SOM	GT:/	0:62	0/1:1	G	A	0
.		.	.	0.0	0.5	0.959	0.687	3.7	1.42	.	.	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:5	C	A	0
.		.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.4	4.96	.	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:8	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:4	A	T	0
.		.	.	0.1	0.9	0.994	0.879	5.6	3.33	.	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:5	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:6	A	G	0
.		##	0	.	.	.	.	2.2	2.78	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:55	0/1:8	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	1.70	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:4	G	T	0
.		##	0	0.0	0.9	0.998	1,D	5.9	5.07	.	.	.	SOM	GT:/	0:67	0/1:1	G	A	0
.		.	.	0.2	0.1	0.475	0.999	4.1	2.31	.	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:6	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:37	0/1:5	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SOM	GT:/	0:20	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:6	C	T	0
.		.	.	0.1	0.0	0.127	1,N	.	1.50	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	1.36	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:69	0/1:8	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:4	G	A	0
.		.	.	.	.	.	1,A	.	5.21	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	3.8	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:4	A	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	1,D	5.6	4.33	.	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:7	C	T	0

.		0	0	.	.	.	.	.	.		0	0	DB;S	GT:/	0:20	0/1:4	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	G	T	0
#####		0	0	0.0(	1.0,	1.0,D	1.000	3.9	3.90	.	.		SOM	GT:/	0:49	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	4.7	1.51	.	.		SOM	GT:/	0:73	0/1:1	G	T	0
.		##	0	0.0(	0.9!	1.0,D	1.000	5.7	5.10	.	.		SOM	GT:/	0:53	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	1,A	.	8.91	.	.		SOM	GT:/	0:34	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.24	.	.		SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:30	0/1:3	T	C	0
.	.	.	0.0(	0.9!	1.0,D	1,D		5.6	3.37	.	.		SOM	GT:/	0:12	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.9	3.01	.	.		SOM	GT:/	0:24	0/1:3	C	A	0
.	.	.	0.0(	1.0,	1.0,D	1,D		5.5	5.97	.	.		SOM	GT:/	0:86	0/1:1	G	A	0
#####		##	0	0.0(	0.9!	1.0,D	1,D		5.4	5.22	.	.	SOM	GT:/	0:96	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:84	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:4	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:28	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	1,A	5.8	7.24	.	.		SOM	GT:/	0:55	0/1:5	G	T	0
.	.	.	0.0(	0.3:	0.627	1,D		3.9	2.49	.	.		SOM	GT:/	0:34	0/1:6	C	A	0
.		##	0	0.2!	0.0:	0.006	0.647	4.2	1.72	.	.		SOM	GT:/	0:67	0/1:1	T	C	0
.	.	.	0.0(	0.9!	1.0,D	1,D		6	4.97	.	.		SOM	GT:/	0:48	0/1:5	G	T	0
.		##	.	0.1!	0.5	0.819	1.000	5.1	4.00	.	.		SOM	GT:/	0:33	0/1:8	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0		SOM	GT:/	0:10	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0		SOM	GT:/	0:99	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.2	.	.	.		SOM	GT:/	0:47	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.27	.	.		SOM	GT:/	0:95	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.1	.	.	.		SOM	GT:/	0:34	0/1:6	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:36	0/1:5	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0		SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	T	C	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	0.1	0		SOM	GT:/	0:15	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:12	0/1:2	G	A	0
.	.	.	0.0(	0.6	0.909	1,D		3.7	4.04	.	.		SOM	GT:/	0:53	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:27	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:58	0/1:6	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:58	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:32	0/1:4	A	G	0
.	.	.	0.0!	0.5!	0.938	1,N		2.5	.	.	.		SOM	GT:/	0:83	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1		DB;S	GT:/	0:45	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:45	0/1:5	C	T	0
.	.	.	0.5!	0.0,	0.0,B	1,N		.	.	.	.		SOM	GT:/	0:38	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.		SOM	GT:/	0:39	0/1:4	G	A	0
.		##	0	0.1!	0.3:	0.728	1,N		4.9	3.90	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0(	0.9!	1.0,D	1,D		5	3.70	.	.		SOM	GT:/	0:11	0/1:2	G	T	0
.	.	.	0.0(	0.1!	0.569	1.000	5.4	2.84	.	.		SOM	GT:/	0:68	0/1:9	A	G	0
0.002		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:70	0/1:1	G	A	0
0.197		0	1	.	.	.	.	.	.	0.5	0.5		DB;S	GT:/	0:52	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	C	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:83	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:40	0/1:1	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:73	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:35	0/1:8	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:36	0/1:8	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		DB;S	GT:/	0:35	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	5.5	2.43	.	.		SOM	GT:/	0:49	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:18	0/1:2	T	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:37	0/1:4	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:46	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:2	A	G	0
#####	##	.	.	0.2(	0.507	1.000	4.8	1.30	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	C	T	0	
.	.	.	0.4:	0.1.	0.931	1,D	4.3	1.68	.	.	SON	GT:/	0:45	0/1:8	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,D	5.3	2.11	.	.	SON	GT:/	0:39	0/1:6	C	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	2.24	.	.	SON	GT:/	0:40	0/1:6	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	2.2	.	0	0	SON	GT:/	0:20	0/1:2	G	A	0	
.	.	.	0.4:	0.0(	0.0,B	1,N	.	1.81	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	A	G	0	
5E-04	0	0	0.0:	0.4:	0.988	1,N	.	2.82	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:2	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	5.2	.	.	.	SON	GT:/	0:53	0/1:7	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	A	G	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:24	0/1:4	C	G	0	
.	.	.	.	.	.	.	2.9	1.25	.	.	SON	GT:/	0:34	0/1:5	C	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	A	G	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	3.64	.	.	SON	GT:/	0:19	0/1:2	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	3.8	.	.	.	SON	GT:/	0:47	0/1:7	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	3.8	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:1	G	A	0	
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:2	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:23	0/1:3	C	T	0	
.	.	.	0.5!	0.0:	0.04,	1,N	2.1	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	T	0	
.	.	.	0.6!	0.0(	0.0,B	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:53	0/1:9	G	A	0	
.	##	0	0.0(	0.1:	0.588	0.879	5.8	2.16	0	.	SON	GT:/	0:32	0/1:5	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:25	0/1:4	C	T	0	
.	.	.	0.6:	0.3:	0.745	1,D	3.6	2.38	.	.	DB;S	GT:/	0:29	0/1:4	A	C	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:30	0/1:2	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:3	G	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:96	0/1:1	A	G	0	
.	.	.	0.0:	0.6(	0.832	1,D	5.9	5.19	.	.	SON	GT:/	0:43	0/1:6	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:1	G	T	0	
.	.	.	0.0(	0.9	1.0,D	0.617	4.2	4.51	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:1	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	4.9	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:3	A	T	0	
.	##	0	.	.	.	.	.	1.26	.	.	SON	GT:/	0:57	0/1:8	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	2.16	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0	
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:2	T	C	0	
.	##	0	0.0.	0.9	1.0,D	0.977	5.4	3.82	0	.	SON	GT:/	0:51	0/1:6	C	T	0	
.	.	.	0.0,	0.9	0.999	1.000	4.7	3.65	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:6	A	G	0	
.	.	.	1.0,	0.0,	0.0,B	1,N	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:10	0/1:2	A	G	0	
.	##	0	0.1.	0.0(	0.003	1.000	3.6	1.87	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	G	A	0	
.	.	.	0.4:	0.0:	0.044	0.995	4.2	1.79	.	.	SON	GT:/	0:70	0/1:1	T	C	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0	
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:55	0/1:8	G	A	0	
.	.	.	0.0(	1.0,	1.0,D	0.813	4.2	3.64	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	G	A	0	
.	.	.	0.0:	0.9.	0.994	1.000	4.2	2.91	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:65	0/1:1	C	T	0	
.	.	.	0.0.	0.2'	0.479	1,N	3.4	2.43	.	.	SON	GT:/	0:76	0/1:1	C	T	0	
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:89	0/1:1	C	T	0	
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:3	C	T	0	
.	##	0	0.0(	0.8'	0.998	1,D	4	3.02	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0	
.	##	0	0.0(	0.0(	0.003	1,N	.	.	0	0	SON	GT:/	0:70	0/1:1	G	A	0	

.			.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:4	A	G	0
.			.	.	.	.	.	2.7	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:2	T	C	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:5	A	T	0
.			0.0	0.6	0.978	0.861	5.5	3.81	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	G	A	0
.			0.0	0.8	0.998	1,D	5.4	3.63	.	.	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:1	C	A	0
.			.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	G	A	0
.		0	0	0.1	0.5	0.96,I	1.000	5.7	3.45	.	.	SOM	GT:/	0:86	0/1:1	C	T	0
.			.	0.0	0.5	0.984	0.997	5.2	3.64	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:1	G	A	0
.			.	0.0	0.9	0.997	1.000	5.8	4.50	.	.	SOM	GT:/	0:91	0/1:1	C	A	0
2E-04	##		0	0.1	0.2	0.981	0.995	4.3	.	.	.	SOM	GT:/	0:72	0/1:1	C	T	0
.	##		0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.6	3.40	0	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:6	C	T	0
.			.	.	.	.	.	5.1	.	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:9	G	T	0
.			.	0.0	0.0	0.181	1,D	5.8	3.16	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	T	C	0
.			.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	C	T	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:5	C	A	0
.			.	.	.	.	.	5.1	3.89	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:4	T	C	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	G	A	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:88	0/1:1	G	A	0
.	##		0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	3.6	3.58	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	C	T	0
.			.	.	.	.	.	3.2	3.75	.	.	SOM	GT:/	0:47	0/1:1	C	A	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:3	C	T	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	G	A	0
.			.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:21	0/1:4	G	A	0
.			.	.	.	.	.	3.7	3.15	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:4	G	A	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:9	G	T	0
.	##		0	0.1	0.0	0.14,I	0.739	5.2	1.40	0	.	SOM	GT:/	0:83	0/1:1	G	A	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:1	A	T	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:33	0/1:5	G	A	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:4	A	G	0
.	##		0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:8	C	T	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:1	T	A	0
#####	##		0	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:58	0/1:8	G	A	0
.	##		0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.9	6.16	.	.	SOM	GT:/	0:90	0/1:1	G	A	0
.	##		0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:1	C	T	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:2	T	G	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:5	C	T	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	G	A	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:6	T	C	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:3	G	A	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.			.	.	.	.	.	.	2.64	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:2	G	A	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:5	T	C	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:20	0/1:3	G	A	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:52	0/1:8	A	G	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:9	C	T	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:8	G	T	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:9	G	A	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:6	A	G	0
.	##		0	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:81	0/1:1	C	T	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.			.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:1	T	C	0
.			.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	4.2	4.48	.	.	DB;S	GT:/	0:63	0/1:9	C	T	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:99	0/1:1	C	T	0
.			.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.7	5.41	.	.	SOM	GT:/	0:64	0/1:1	G	A	0

.		.	.	0.0	0.9	0.996	1,D	3.6	2.38	.	.	SON	GT:/	0:68	0/1:1	G	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	1.66	.	.	SON	GT:/	0:51	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	3.3	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	1.32	.	.	SON	GT:/	0:40	0/1:4	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.9	2.80	.	.	SON	GT:/	0:28	0/1:3	G	C	0
.		.	.	0.0	0.1	0.865	1,D	4	2.29	.	.	SON	GT:/	0:60	0/1:9	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:84	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:4	C	T	0
.		##	0	0.9	0.0	0.014	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:83	0/1:1	G	A	0
.		.	.	0.0	0.6	0.991	0.706	4.9	1.80	.	.	SON	GT:/	0:96	0/1:1	C	A	0
.		0	0	.	.	.	.	2.2	.	0	0	DB;S	GT:/	0:71	0/1:1	C	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	1.37	0	.	SON	GT:/	0:60	0/1:8	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:84	0/1:1	G	T	0
2E-04		##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:67	0/1:1	C	T	0
.		.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.9	4.56	.	.	SON	GT:/	0:73	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:2	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:60	0/1:1	A	G	0
5E-04		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:40	0/1:6	G	A	0
3E-04		0	0	0.0	0.4	0.99,I	1,N	2.6	2.98	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:39	0/1:6	G	A	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	.	6	3.85	.	.	SON	GT:/	0:73	0/1:1	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	3.4	.	.	.	SON	GT:/	0:34	0/1:3	A	G	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:13	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:24	0/1:3	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.	SON	GT:/	0:45	0/1:5	C	A	0
.		##	0	0.0	0.0	0.007	0.657	4.8	2.89	.	.	SON	GT:/	0:66	0/1:7	C	T	0
2E-04		##	0	0.0	1.0	1.0,D	1,D	.	3.70	.	.	SON	GT:/	0:82	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:3	T	C	0
.		##	0	.	.	.	.	.	1.51	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:5	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:9	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.4	1.98	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.		.	.	0.0	0.9	0.999	1,D	4.5	3.86	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:65	0/1:1	A	C	0
.		.	.	.	.	.	.	5.9	3.72	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:4	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:28	0/1:4	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	2.5	2.14	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:3	G	T	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.998	5.8	3.48	.	.	SON	GT:/	0:70	0/1:8	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:4	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:2	T	C	0
2E-04		##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:54	0/1:9	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:6	A	C	0
.		##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.8	4.37	.	.	SON	GT:/	0:28	0/1:5	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:16	0/1:3	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:1	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:56	0/1:9	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.	SON	GT:/	0:73	0/1:1	C	T	0
2E-04		0	0	.	.	.	.	2.9	2.40	0	0	SON	GT:/	0:22	0/1:3	G	A	0
#####		##	0	0.0	0.3	0.935	1,D	5.2	4.87	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:3	G	A	0
.		.	.	0.3	0.0	0.01,I	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:96	0/1:1	A	G	0
.		##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.6	4.88	.	.	SON	GT:/	0:51	0/1:8	C	T	0

.	##	0	0.1	0.0	0.004	0.982	3.1	2.10	.	.	SON	GT:/	0:34	0/1:	A	G	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.8	4.44	.	.	SON	GT:/	0:48	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:29	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.6	2.16	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:82	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:71	0/1:	T	C	0
.	.	.	0.1	0.1	0.525	1,D	4.6	1.33	.	.	SON	GT:/	0:24	0/1:	T	C	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.6	5.20	.	.	SON	GT:/	0:53	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,A	4.9	8.66	.	.	SON	GT:/	0:74	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:	G	A	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.8	4.61	.	.	SON	GT:/	0:50	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:92	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:70	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:69	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.9	1.44	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.3	0.9	0.993	1,D	4.7	.	.	.	SON	GT:/	0:57	0/1:	T	C	0
.	##	0	.	.	.	.	5.7	.	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:	C	T	0
#####	##	0	0.0	0.0	0.231	1,N	.	3.09	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:14	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:27	0/1:	A	G	0
.	.	.	0.0	0.9	0.996	1,D	5.1	3.79	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3	.	.	.	SON	GT:/	0:97	0/1:	G	T	0
.	.	.	0.3	0.0	0.041	0.967	4.4	1.40	.	.	SON	GT:/	0:54	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.0	0.0	0.167	1.000	5	3.97	.	.	SON	GT:/	0:51	0/1:	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:90	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:99	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:52	0/1:	C	T	0
#####	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:68	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.40	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	3.6	3.67	.	.	SON	GT:/	0:78	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.1	0.0	0.0,B	1.000	4.5	3.16	.	.	SON	GT:/	0:93	0/1:	C	A	0
.	##	0	0.0	0.6	0.966	1.000	.	3.84	.	.	SON	GT:/	0:54	0/1:	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:	G	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	3.2	3.89	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.05	.	.	SON	GT:/	0:29	0/1:	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:13	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:12	0/1:	G	A	0
.	.	.	0.5	0.0	0.011	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:	T	C	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.7	4.60	.	.	SON	GT:/	0:54	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:	G	A	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.6	3.42	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.47	.	.	SON	GT:/	0:40	0/1:	T	C	0
.	##	0	.	.	.	.	5.1	1.42	.	.	SON	GT:/	0:57	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:28	0/1:	A	T	0
#####	##	0	0.1	0.0	0.122	1.000	5.9	3.45	.	.	SON	GT:/	0:29	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.0	0.0	0.013	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:60	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:	C	T	0

.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:31	0/1:3	G	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0:69	0/1:9	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	3.1	.	.	.	SON	GT:A	0:31	0/1:4	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:19	0/1:1	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	4.1	1.68	.	.	0	SON	GT:A	0:58	0/1:8	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:1	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:15	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:17	0/1:5	G	A	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0	D	0.962	.	3.31	.	.	SON	GT:A	0:17	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:A	0:44	0/1:7	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:46	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:1	G	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:21	0/1:4	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:28	0/1:6	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:42	0/1:7	A	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:33	0/1:7	T	C	0
.		.	.	0.4	0.0	0.011		0.982	.	.	.	.	SON	GT:A	0:54	0/1:5	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:49	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:91	0/1:1	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:37	0/1:4	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:34	0/1:8	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:64	0/1:8	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:52	0/1:4	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:22	0/1:3	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:69	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:47	0/1:9	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:33	0/1:4	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:41	0/1:4	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.5	SON	GT:A	0:9,(	0/1:6	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	0	0	SON	GT:A	0:18	0/1:3	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.	SON	GT:A	0:18	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0:17	0/1:4	T	A	0
.		##	0	0.0	0.9	0.994		0.97(	5.3	3.78	.	.	SON	GT:A	0:43	0/1:7	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SON	GT:A	0:9,(	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:75	0/1:1	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:12	0/1:1	G	A	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0	D	1.00(	3.5	3.09	.	.	SON	GT:A	0:20	0/1:3	C	T	0
.		##	0	0.2	0.7	0.994		0.99(	4.8	2.69	.	.	SON	GT:A	0:96	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	3	.	.	.	SON	GT:A	0:49	0/1:9	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:40	0/1:5	G	A	0
.		##	0	0.1	0.9	1.0	D	1.00(	4.7	5.21	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:1	G	A	0
#####		.	.	.	.	.	.	.	3.5	.	.	.	SON	GT:A	0:17	0/1:3	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:41	0/1:6	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.1	SON	GT:A	0:18	0/1:1	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0:13	0/1:1	T	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	5.8	3.77	.	.	SON	GT:A	0:41	0/1:4	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:26	0/1:5	A	G	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0	D	1.00(	5.1	2.61	.	.	SON	GT:A	0:39	0/1:4	C	A	0
4E-04		##	0	0.0	0.9	0.981		0.999	5.9	3.17	.	.	SON	GT:A	0:35	0/1:3	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:10	0/1:1	G	T	0
.		##	0	0.0	0.9	1.0	D	1,D	5.6	4.80	.	.	SON	GT:A	0:87	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:68	0/1:1	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:52	0/1:7	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	1,D	5.5	4.26	.	.	SON	GT:A	0:98	0/1:1	G	T	0

.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:(	C	T	0
.	##	0	0.0(	0.7(	0.998	1,D	6	4.93	0	.	SON	GT:/	0:33	0/1:(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:44	0/1:(	G	A	0
.	##	.	0.0(	0.6:	0.975	1.00(	3.1	4.07	.	.	SON	GT:/	0:90	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.1	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.	0	0	.	.	.	1,A	.	13.8	.	.	SON	GT:/	0:89	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	G	A	0
.	.	.	0.0(	0.9	1.0,D	1,D	4.4	4.77	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	1.45	.	.	SON	GT:/	0:97	0/1:(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:4	T	C	0
.	.	.	0.0,	1.0,	1.0,D	1,D	3.7	3.79	.	.	SON	GT:/	0:34	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0(	0.7	0.999	1.00(	5.7	3.34	.	.	SON	GT:/	0:43	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:75	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:25	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:48	0/1:1	G	A	0
#####	##	0	0.0(	0.8(	0.989	0.995	5.5	4.90	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.8	2.65	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:1	T	A	0
.	.	.	0.0(	0.9	0.998	1.00(	4.9	3.01	.	.	SON	GT:/	0:74	0/1:1	G	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	1.31	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:64	0/1:9	G	T	0
#####	##	0	0.0:	0.8(	0.997	0.987	4	3.66	.	.	SON	GT:/	0:91	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:52	0/1:9	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:51	0/1:(	G	A	0
.	.	.	1.0,	0.0(	0.001	0.993	.	.	.	.	SON	GT:/	0:52	0/1:1	A	G	0
.	.	.	0.6:	0.0(	0.001	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:4	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	3.13	.	.	SON	GT:/	0:29	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:64	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.64	.	.	SON	GT:/	0:40	0/1:8	C	T	0
.	##	0	0.0:	0.2:	0.938	1.00(	5.6	3.26	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:4	C	T	0
.	.	.	0.1(	.	.	.	5	.	.	.	SON	GT:/	0:34	0/1:(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:(	G	A	0
2E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:51	0/1:1	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:57	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:27	0/1:(	C	T	0
5E-04	0	0	.	0.9	1.0,D	.	3.7	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:62	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:68	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	0.2(	0.68,I	.	5.3	1.29	.	.	SON	GT:/	0:65	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0(	0.9	1.0,D	1,D	4.6	5.06	.	.	SON	GT:/	0:99	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.1:	0.0:	0.297	0.998	4.8	4.97	.	.	SON	GT:/	0:24	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:4	C	T	0
#####	##	0	0.4	0.0(	0.003	1,N	.	1.38	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:4	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:37	0/1:4	G	T	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:5	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.63	.	.	SON	GT:/	0:47	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.65	.	.	SON	GT:/	0:84	0/1:1	T	A	0
7E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:57	0/1:1	C	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	3.3	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.	##	0	0.0(	0.0!	0.487	1,N	.	3.36	.	.	.	SON	GT:/	0:68	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,D	4.7	.	.	.	.	SON	GT:/	0:90	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:39	0/1:5	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:92	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:25	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:53	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.5	SON	GT:/	0:9,(	0/1:5	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:2	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:2	G	A	0
.	.	.	0.9(	0.9	0.981	1.000	5.6	2.25	.	.	.	SON	GT:/	0:40	0/1:6	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:8	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:11	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:47	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:43	0/1:8	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4	2.52	.	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:4	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:91	0/1:1	G	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:85	0/1:1	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:43	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:23	0/1:3	G	A	0
#####	0	0	0.2!	0.0(	0.002	1,N	.	.	.	.	.	DB;!	GT:/	0:85	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:68	0/1:1	G	A	0
2E-04	##	0	.	.	.	1,A	.	5.79	.	.	.	SON	GT:/	0:64	0/1:1	G	A	0
0.028	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;!	GT:/	0:76	0/1:1	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SON	GT:/	0:18	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:1	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:44	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	5.6	1.92	.	.	.	SON	GT:/	0:57	0/1:9	C	T	0
.	##	0	0.0(	0.9!	0.999	1,D	3.7	3.34	.	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.3	.	.	.	.	SON	GT:/	0:27	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:3	C	T	0
2E-04	##	0	0.0(	.	.	1.000	.	2.48	.	.	.	SON	GT:/	0:51	0/1:9	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SON	GT:/	0:23	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:8	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:13	0/1:9	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:9	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:27	0/1:3	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;!	GT:/	0:35	0/1:2	C	G	0
.	.	.	0.7!	0.0(	0.097	0.999	5.2	.	.	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4.9	4.20	.	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:5	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	1.75	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	T	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:4	G	A	0
6E-04	0	0	.	.	.	.	2.3	.	.	0	SOM	GT:/	0:55	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.7	.	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:6	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:5	G	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	4.1	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:81	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:62	0/1:8	C	T	0
.	##	0	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5	5.17	.	.	SOM	GT:/	0:78	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	0.997	1,D	5.9	5.77	.	.	SOM	GT:/	0:69	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:7	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:32	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.6	1.45	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.2	0.898	0.687	4.8	3.48	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
0.001	0	0	0.1	0.0	0.108	1.000	3.1	1.59	0	.	SOM	GT:/	0:61	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:50	0/1:6	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:5	C	T	0
0.019	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:65	0/1:7	G	A	0
.	0	.	0.1	0.0	0.014	1,P	.	1.51	0	.	DB;S	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.36	.	.	SOM	GT:/	0:71	0/1:8	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:31	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:1	G	T	0
.	##	0	.	0.0	0.166	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:87	0/1:1	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:6	G	A	0
.	.	.	0.0	0.0	0.278	0.981	4	1.69	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:1	G	T	0
.	##	0	1.0	0.0	0.004	1.000	3.3	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	C	T	0
.	.	.	0.4	0.8	0.998	1.000	3.8	3.69	.	.	SOM	GT:/	0:67	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	0.1	0.389	1.000	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:3	G	A	0
3E-04	0	0	0.3	0.0	0.0,B	0.997	.	1.25	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,D	3.6	2.41	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.2	3.52	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:6	G	A	0
.	0	0	0.2	0.0	0.002	1,N	.	1.50	.	.	SOM	GT:/	0:70	0/1:1	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:3	C	T	0
.	.	.	0.0	0.0	0.101	1,D	6.2	3.93	.	.	SOM	GT:/	0:84	0/1:1	C	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:6	G	A	0
.	.	.	0.1	0.2	0.57,I	0.952	3.1	2.96	.	.	SOM	GT:/	0:62	0/1:1	C	T	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	6	5.23	.	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:3	C	T	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.9	3.74	.	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:1	G	A	0

.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	0.999	5.2	4.81	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	1.41	.	.	SOM	GT:/	0:71	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:	G	A	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.3	4.47	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.1	0.0	0.024	1,D	5.9	2.74	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,D	5.5	13.0	.	.	SOM	GT:/	0:95	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:65	0/1:	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:13	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:	A	C	0
.	.	.	0.0	0.0	0.745	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:	G	A	0
.	##	0	0.0	0.0	0.003	1.000	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.5	.	.	.	SOM	GT:/	0:93	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.7	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.82	.	.	SOM	GT:/	0:70	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:	A	G	0
.	##	0	1.0	0.0	0.019	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	4.6	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:	G	A	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.7	4.59	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:	C	T	0
4E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:	A	G	0
.	0	0	0.3	0.0	0.006	1,N	.	1.43	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:12	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	6.1	2.42	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:	A	G	0
.	.	.	0.4	0.0	0.0,B	1,N	4.4	.	.	.	SOM	GT:/	0:52	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:35	0/1:	C	T	0
.	##	0	0.0	0.4	0.977	0.898	2.2	3.05	.	.	SOM	GT:/	0:94	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:78	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.27	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:	A	G	0
.	.	.	0.0	0.2	0.918	0.999	5.1	3.26	.	.	SOM	GT:/	0:86	0/1:	C	T	0
.	##	0	0.3	0.0	0.023	0.991	5.8	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:69	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.8	.	.	.	SOM	GT:/	0:82	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.8	.	.	.	SOM	GT:/	0:73	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:90	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:	C	A	0
.	.	.	0.1	0.0	0.02,I	1.000	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:	C	T	0

.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	A	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:56	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	0.995	1,D	5.2	4.96	.	.	SON	GT:/	0:69	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:5	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:69	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:64	0/1:1	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:67	0/1:1	C	T	0
.	##	0	0.7	0.3	0.86,I	1,D	5.5	3.10	0	.	SON	GT:/	0:59	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:68	0/1:1	C	A	0
.	##	0	0.2	0.0	0.006	1.000	2.8	.	0	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:52	0/1:1	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	4.8	.	.	.	SON	GT:/	0:63	0/1:1	C	T	0
#####	##	0	0.0	0.9	0.999	1,D	6	4.62	0	.	SON	GT:/	0:57	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.9	4.69	.	.	SON	GT:/	0:82	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.4	2.14	.	.	SON	GT:/	0:94	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:98	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:41	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:23	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:21	0/1:2	C	T	0
.	##	0	0.7	0.0	0.005	1.000	.	2.06	.	.	SON	GT:/	0:56	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:64	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.1	0.0	0.032	1.000	.	.	.	.	SON	GT:/	0:96	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:85	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:80	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.1	0.0	0.041	1,N	3	3.01	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	C	T	0
0.094	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	DB;S	GT:/	0:35	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:47	0/1:8	G	A	0
.	.	.	0.4	0.6	0.94,I	1,N	.	3.02	.	.	SON	GT:/	0:46	0/1:7	C	T	0
.	.	.	0.3	0.0	0.047	1,N	2.7	.	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:58	0/1:1	G	T	0
.	##	0	0.8	0.0	0.016	1,D	.	.	0	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	0	0	0.9	0.0	0.007	0.886	3.7	.	.	.	SON	GT:/	0:71	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.1	0.4	0.389	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:68	0/1:1	G	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.984	4.5	1.94	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:2	C	T	0
0.002	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:67	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:61	0/1:1	G	A	0
.	##	0	0.0	0.9	0.999	0.993	4	3.94	.	.	SON	GT:/	0:43	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:63	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.39	.	.	DB;S	GT:/	0:56	0/1:8	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.5	4.54	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:6	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.	SON	GT:/	0:43	0/1:7	C	T	0
.	##	0	0.4	0.0	0.001	1.000	3.5	.	.	.	SON	GT:/	0:70	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	T	C	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:18	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.	SON	GT:/	0:87	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	0.535	.	3.45	.	.	SON	GT:/	0:60	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:51	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:1	C	T	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:4	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:2	A	T	0
.		0	0	0.0	0.9	0.999	0.996	.		2.73	.		0	SON	GT:/	0:43	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
#####		##	0	0.0	1.0	1.0,D	0.991	4.3	5.25	.	.	SON	GT:/	0:28	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.2	.	.	.	SON	GT:/	0:57	0/1:7	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:2	C	T	0
2E-04		0	0	.	.	.	.	.	.		0	0.1	DB;S	GT:/	0:37	0/1:6	G	A	0
.	.	.		0.0	0.9	1.0,D	1.000	4.6	2.46	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:7	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3	2.07	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:3	T	C	0
.	.	.		0.7	0.2	0.804	1,N	.		2.47	.	.	SON	GT:/	0:53	0/1:5	A	T	0
.		##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D		5	5.02	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:5	T	C	0
0.003		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:33	0/1:5	A	G	0
.	.	.		0.0	0.9	0.999	1,D	5.8	4.12	.	.	SON	GT:/	0:33	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:59	0/1:5	A	G	0
#####		0	0	0.1	0.7	0.99,I	1,N	.		3.04	.	.	SON	GT:/	0:62	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:56	0/1:6	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.		1.99	.	.	SON	GT:/	0:27	0/1:6	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:25	0/1:4	C	T	0
.	.	.		0.7	0.9	1.0,D	1.000	5.9	3.84	.	.	SON	GT:/	0:27	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:19	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:65	0/1:7	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:40	0/1:6	G	A	0
.	.	.		0.1	0.0	0.025	1,N	.		.	0	.	SON	GT:/	0:46	0/1:5	G	A	0
#####		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:47	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:53	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	C	A	0
5E-04		0	0	0.3	0.7	0.996	1,D		6	2.56	0	.	SON	GT:/	0:28	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.6		1.58	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:7	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:11	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:1	A	G	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:56	0/1:8	C	T	0
.	.	.		0.0	0.9	0.998	1,D	6.2		5.20	.	.	SON	GT:/	0:48	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:63	0/1:5	G	A	0
2E-04		##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.2		4.17	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.	.	.		0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.4		3.97	.	.	SON	GT:/	0:37	0/1:4	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:7	C	A	0
.		##	0	.	.	.	.	2.1		1.45	.	.	SON	GT:/	0:28	0/1:4	A	G	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:70	0/1:5	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.		2.57	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:6	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:39	0/1:5	A	G	0
.		##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.2		4.83	0	.	SON	GT:/	0:43	0/1:8	C	T	0

.	.	.	.	.	.	.	.	4.4	1.39	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.28	.	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.59	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
#####	##	.	.	.	.	1,A	3.9	12.2	.		0	SOM	GT:/	0:48	0/1:5	G	A	0
.	##	0	0.1	0.0	0.066	0.723	3.9	3.01	.	.		SOM	GT:/	0:21	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	2.29	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:1	T	G	0
.	##	0	0.0	0.3	0.912	0.999	5.8	3.59	.	.		SOM	GT:/	0:52	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:4	C	T	0
.	##	0	0.0	0.8	0.999	1,D	4.8	4.65	.	.		SOM	GT:/	0:65	0/1:8	G	A	0
#####	##	0	0.0	1.0	1.0,D	1,D	4.9	4.09	.	.		SOM	GT:/	0:47	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:8	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.998	5.6	4.37	.	.		SOM	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3	2.85	.	.		SOM	GT:/	0:60	0/1:9	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:36	0/1:6	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:3	C	T	0
.	.	.	0.0	0.4	0.822	0.954	3.9	1.76	.	.		SOM	GT:/	0:70	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:7	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:6	A	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.		0	.	SOM	GT:/	0:55	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,A	5	8.40	.	.		SOM	GT:/	0:67	0/1:1	C	T	0
5E-04	0	0	.	.	.	.	.	1.65	.	.		SOM	GT:/	0:31	0/1:5	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	3.8	4.93	.	.		SOM	GT:/	0:53	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.50	.	.		SOM	GT:/	0:63	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.46	.	.		SOM	GT:/	0:57	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:5	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:7	C	T	0
.	.	.	0.6	0.0	0.001	1,N	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:81	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.8	.	.	.		SOM	GT:/	0:15	0/1:2	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:37	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:5	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:4	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.2	2.43	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:3	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0
#####	##	0	0.1	0.0	0.008	1,N	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:46	0/1:8	G	A	0
.	.	.	0.1	0.2	0.687	1.000	4.7	1.29	.	.		SOM	GT:/	0:56	0/1:8	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:86	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:5	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:51	0/1:9	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:93	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:4	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	3.2	1.94	.	.		SOM	GT:/	0:95	0/1:1	C	T	0
2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.		0	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:3	C	T	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:48	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:51	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:72	0/1:9	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:19	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:(	T	C	0
.	.	.	0.1	0.0	0.027	1,N	4.8	.	.	.	SON	GT:/	0:83	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:39	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.4	1.62	.	.	SON	GT:/	0:65	0/1:1	G	A	0
0.012	0	0	.	.	.	.	3.9	.	0	0	DB;S	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,D	5.4	16.1	.	.	SON	GT:/	0:83	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.7	0.0	0.024	0.991	5.2	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0
0.005	0	0	0.1	0.0	0.008	1,N	.	1.50	0	.	DB;S	GT:/	0:73	0/1:1	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:37	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	0.9	0.999	.	5.7	5.19	.	.	SON	GT:/	0:79	0/1:1	G	A	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.7	5.02	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:3	C	T	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	4.9	4.04	.	.	SON	GT:/	0:47	0/1:8	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.1	3.01	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:3	G	A	0
.	##	0	0.0	0.1	0.549	1,D	3.2	2.63	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	G	A	0
.	.	.	0.3	.	.	0.992	2.7	1.67	.	.	SON	GT:/	0:64	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:55	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:5	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:5	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:59	0/1:7	A	C	0
0.006	0	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.8	5.04	.	.	DB;S	GT:/	0:96	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.4	0.0	0.002	1.000	5.6	2.60	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:4	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:3	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.90	.	.	SON	GT:/	0:19	0/1:4	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:69	0/1:9	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.4	4.86	.	.	SON	GT:/	0:52	0/1:6	C	T	0
.	.	.	0.1	0.0	0.703	0.630	2.3	2.96	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,D	3.5	11.1	.	.	SON	GT:/	0:64	0/1:1	G	A	0
.	##	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:75	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	1.000	3.5	.	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:5	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:45	0/1:5	T	C	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1.000	4.4	4.35	.	.	SON	GT:/	0:53	0/1:1	T	G	0
.	##	0	0.0	1.0	1.0,D	0.909	3.2	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	G	A	0
#####	.	.	1.0	0.0	0.006	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:77	0/1:1	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:35	0/1:4	C	T	0
.	##	0	0.0	1.0	1.0,D	1.000	5	4.11	.	.	SON	GT:/	0:98	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	5.1	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	G	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	SON	GT:/	0:68	0/1:8	G	A	0
#####	##	0	0.0	0.2	0.928	1.000	5	3.02	.	.	SON	GT:/	0:67	0/1:1	C	T	0
#####	##	0	0.0	0.0	0.006	0.757	3.7	1.63	.	.	SON	GT:/	0:92	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4.7	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:3	T	G	0
.	##	0	0.3	0.8	0.997	1,D	5.3	3.80	.	.	SON	GT:/	0:34	0/1:6	C	T	0
0.023	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:40	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:7	T	A	0
.	##	0	0.0	0.0	0.218	1.000	5	3.71	.	.	SON	GT:/	0:45	0/1:9	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	1.45	.	.	SON	GT:/	0:86	0/1:1	G	A	0

7E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:4	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	G	A			0
.	.	.	0.2(	0.0,	0.0,B	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:86	0/1:1	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	3.1	.	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:9	G	A			0
#####	##	0	0.1:	0.6(	0.998	0.82(	2.3	4.16	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:1	G	A			0
.	.	.	0.0	0.7:	0.991	0.964	3.8	3.80	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:9	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	T	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	2.6	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.	SOM	GT:/	0:61	0/1:1	C	T			0
.	.	.	0.1	0.9	0.995	0.537	2.3	2.09	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:1	C	T			0
.	.	.	0.0:	0.9	0.999	1.000	5	4.68	.	.	SOM	GT:/	0:67	0/1:1	T	C			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:3	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:52	0/1:5	C	T			0
#####	##	0	.	.	.	.	.	3.28	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:4	C	T			0
.	##	0	0.0,	0.9	1.0,D	1,D	4.1	3.12	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:4	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:2	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:3	A	G			0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	4.8	4.03	.	.	SOM	GT:/	0:74	0/1:1	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:1	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:3	G	C			0
.	.	.	.	.	.	.	2.4	.	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:5	C	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:5	A	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:2	C	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:2	T	C			0
.	.	.	.	.	.	.	4.4	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:5	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:3	C	T			0
.	##	0	0.2	0.0	0.652	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:9	G	A			0
.	##	0	0.1(	0.0(	0.096	1,N	.	1.64	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:9	G	A			0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:5	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	G	C		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:6	G	A			0
.	.	.	0.0,	0.9	1.0,D	1,D	5.6	4.14	.	.	SOM	GT:/	0:50	0/1:1	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:2	G	A			0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:30	0/1:4	G	A			0
4E-04	0	0	0.0	0.2	0.647	1,D	5.6	3.66	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:6	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:2	G	A			0
.	##	0	0.0	0.2(	0.284	1,D	5.3	3.64	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:9	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	3.9	1.89	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:4	A	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.33	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:6	T	C			0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.75	.	.	SOM	GT:/	0:99	0/1:1	A	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:6	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	5.8	5.38	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:3	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:8	C	T			0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:5	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:26	0/1:2	T	G			0
.	.	.	.	.	.	.	4.8	.	.	.	SOM	GT:/	0:83	0/1:1	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	2.7	.	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:1	C	A			0
.	.	.	0.1	0.2	0.673	0.986	4.9	3.03	.	.	SOM	GT:/	0:70	0/1:1	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	G	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.81	.	.	SOM	GT:/	0:78	0/1:1	C	A			0
.	.	.	.	.	.	.	4.7	.	.	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:6	G	A			0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:6	T	C			0

.		.	.	0.0(	1.0,	1.0,D	1,D	4.7	4.88	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:(	C	A	0
	0.001	0	0	0.0(	0.9	1.0,D	0.839	4.3	3.69	0	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	C	T	0
	0.002	0	0	0.0(	0.7	0.819	1,N	.	1.29	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:4	C	T	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:8	C	A	0
.		.	.	0.0,	0.9	0.998	1,D	5.5	3.68	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:(	C	T	0
.		.	.	0.0,	1.0,	1.0,D	1,D	5.4	5.19	.	.	SOM	GT:/	0:78	0/1:1	G	A	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:7	C	T	0
.		##	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:21	0/1:3	G	T	0
.		##	0	0.1	1.0,	1.0,D	1,D	5.9	4.06	.	.	SOM	GT:/	0:72	0/1:1	G	A	0
.		.	.	0.0	0.6	0.566	0.975	.	3.26	.	.	SOM	GT:/	0:87	0/1:1	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	2	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:4	G	A	0
.		##	0	0.5(	0.1(	0.642	0.851	4.9	3.51	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:7	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:3	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	3.7	1.29	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	C	T	0
#####		##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:43	0/1:(	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:91	0/1:1	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:4	G	T	0
.		.	.	0.0:	0.9	0.997	1.000	4.9	3.64	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	A	G	0
.		.	.	0.1:	0.0(	0.04,I	1,N	.	2.00	.	.	SOM	GT:/	0:83	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	3.44	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:4	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:87	0/1:1	C	A	0
.		.	.	.	.	.	1.000	2.9	1.47	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:(	T	C	0
.		.	.	0.1:	0.0(	0.0,B	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:9	T	A	0
.		.	.	0.1	0.6(	0.885	1,D	3.1	2.21	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:5	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.2	1.34	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:21	0/1:2	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:64	0/1:9	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:69	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.01	.	.	SOM	GT:/	0:50	0/1:8	C	A	0
.		##	0	0.0:	0.9	1.0,D	1,D	.	4.09	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:7	C	T	0
.		.	.	0.0(	0.9:	0.996	1,D	6	3.76	.	.	SOM	GT:/	0:51	0/1:7	T	C	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:1	C	T	0
.		.	.	0.0(	0.9	1.0,D	1.000	4	4.05	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:(	C	T	0
.		.	.	.	.	.	1,A	3.9	7.41	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:4	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:2	A	C	0
.		.	.	0.0,	0.8(	0.988	0.968	3.7	1.94	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:2	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:(	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	3.1	2.96	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:5	C	T	0
4E-04		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:62	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:(	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:(	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:4	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:2	A	T	0
.		.	.	0.0!	0.0(	0.246	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:55	0/1:9	A	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:(	C	T	0

.	.	.	0.0	0.8	0.98,I	1,N	.	2.20	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.67	.	.	SOM	GT:/	0:66	0/1:1	G	A	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.6	5.03	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:6	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	3.31	.	.	DB;S	GT:/	0:24	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:77	0/1:9	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	0.996	1,D	5.7	5.20	.	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:5	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:7	G	T	0
#####	##	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:3	C	T	0
.	##	0	0.1	0.4	0.995	0.968	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	4.6	.	.	.	SOM	GT:/	0:69	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.01	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	5.3	2.00	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	G	T	0
#####	##	0	0.0	0.8	0.991	0.999	4.1	4.54	.	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:4	C	T	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	4.9	4.81	.	.	SOM	GT:/	0:82	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:34	0/1:3	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	G	C	0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	1,D	5	4.83	.	.	SOM	GT:/	0:95	0/1:1	G	A	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:3	T	C	0
.	0	0	0.0	0.0	0.068	1.000	.	3.03	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.1	0.2	0.565	0.999	3	2.43	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:1	T	G	0
.	0	0	.	.	.	.	3.9	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:5	C	T	0
.	.	.	0.0	0.5	0.956	1,D	5.2	4.98	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:7	A	G	0
.	.	.	0.2	0.0	0.019	1,D	4.9	2.97	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:7	A	G	0
.	.	.	0.0	0.0	0.003	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:55	0/1:8	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	2.9	.	.	.	SOM	GT:/	0:50	0/1:9	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	1.000	5.5	4.78	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:5	A	C	0
#####	##	0	0.4	0.1	0.736	1.000	5.9	2.50	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.50	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:7	G	T	0
.	.	.	0.2	0.9	0.999	1,D	5.1	3.90	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:6	C	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.7	4.55	.	.	SOM	GT:/	0:50	0/1:7	G	T	0
.	##	0	.	.	.	.	3.1	1.36	0	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:3	A	G	0
.	.	.	0.0	0.8	0.997	0.994	3.3	2.82	.	.	SOM	GT:/	0:32	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:72	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:3	G	A	0
.	##	0	0.0	0.2	0.923	1,D	5.7	3.88	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:8	G	A	0
.	##	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:3	T	C	0
.	##	0	0.5	0.0	0.002	1,N	4.1	.	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:53	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	4.4	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:4	G	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.4	4.00	.	.	SOM	GT:/	0:71	0/1:9	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.2	1.0	1.0,D	1,D	6	2.22	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:9	G	T	0

.	.	.	.	.	.	.	.	3.7	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:2	C	A		0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:8	G	A		0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:52	0/1:8	C	T		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:62	0/1:9	T	G		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	A	G		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	3.27	.	.	SOM	GT:/	0:83	0/1:1	G	T		0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.6	2.68	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:2	C	T		0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	2.56	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:5	C	T		0
.	.	.	0.7	0.0	0.001	1,N	.	.	.	.		SOM	GT:/	0:68	0/1:8	A	T		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:9	G	A		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:5	C	T		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	G	T		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	G	A		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:9	G	A		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:3	C	A		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	G	A		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	2.11	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	T	C		0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:4	C	T		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:5	T	C		0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A		0
.	.	.	.	.	.	.	.	5.5	4.12	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:2	T	G		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:7	C	T		0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	C	T		0
.	.	.	0.3	0.8	0.999	1,N	4.4	1.24	0	0		SOM	GT:/	0:40	0/1:7	G	A		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:6	G	T		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:2	T	C		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:6	C	T		0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	1,D	5.8	5.60	.	.		SOM	GT:/	0:57	0/1:9	C	T		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:65	0/1:1	C	T		0
.	.	.	.	0.7	0.99,I	1.000	5.2	4.36	.	.		SOM	GT:/	0:34	0/1:4	G	T		0
.	##	0	0.0	0.7	0.958	1,D	4.9	4.00	0	.		SOM	GT:/	0:26	0/1:3	G	A		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:5	G	A		0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:8	G	A		0
.	.	.	.	.	.	.	.	4.7	1.34	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:2	T	C		0
.	.	.	.	0.3	0.352	1,D	5.9	3.74	.	.		SOM	GT:/	0:27	0/1:6	G	T		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:3	T	G		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:7	C	T		0
.	.	.	0.0	0.0	0.013	1,N	2.1	3.35	.	.		SOM	GT:/	0:57	0/1:7	C	T		0
.	.	.	0.0	0.9	0.998	1,D	5.5	2.69	.	.		SOM	GT:/	0:54	0/1:8	T	C		0
.	##	.	1.0	0.1	0.84,I	0.999	4.1	1.69	.	.		DB;S	GT:/	0:26	0/1:3	C	T		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:43	0/1:5	C	T		0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:3	C	T		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:5	C	T		0
.	.	.	.	.	.	.	.	4.7	3.36	.	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:5	A	C		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:5	G	A		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	C	T		0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:71	0/1:1	C	T		0
#####	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.9	5.76	.	.		SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A		0
#####	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:3	G	A		0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	C	T		0
.	.	.	0.5	0.0	0.004	0.999	5.9	.	.	.		SOM	GT:/	0:56	0/1:1	T	C		0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.4	5.22	.	.		SOM	GT:/	0:63	0/1:1	G	A		0

#####	0	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	3.8	3.80	.	.	SON	GT:/	0:58	0/1:	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:72	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:	G	A	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	4.3	3.99	.	.	SON	GT:/	0:33	0/1:	G	A	0
.	##	0	0.7	0.0	0.003	1.000	.	.	.	.	SON	GT:/	0:82	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:33	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:12	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.8	1.66	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:	A	G	0
.	##	.	0.1	0.0	0.0,B	1,N	3	.	0	0	SON	GT:/	0:77	0/1:	C	A	0
.	0	0	0.0	0.1	0.545	0.999	5.5	3.45	.	.	SON	GT:/	0:82	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	0.0	0.049	1,N	.	1.36	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.1	.	.	.	SON	GT:/	0:28	0/1:	T	C	0
#####	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:86	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:	A	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:	T	A	0
.	.	.	0.0	0.0	0.033	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:	C	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	4.5	6.74	.	.	SON	GT:/	0:40	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.0	0.1	0.955	1,D	4.8	1.42	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,D	5.3	3.23	.	.	SON	GT:/	0:44	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:33	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.	SON	GT:/	0:37	0/1:	G	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	1.31	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.5	1.56	.	.	SON	GT:/	0:67	0/1:	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:	T	C	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.4	3.88	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.	SON	GT:/	0:46	0/1:	T	C	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:53	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:	A	G	0
.	##	0	0.0	0.0	0.417	1,D	3.1	2.69	.	.	SON	GT:/	0:59	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:15	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2.6	1.79	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:	C	T	0
.	##	0	0.1	0.8	0.998	1,D	2.7	2.21	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:	C	T	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	1.98	.	.	SON	GT:/	0:27	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.5	0.5	0.979	0.915	4.9	3.01	.	.	SON	GT:/	0:92	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2	.	.	.	SON	GT:/	0:65	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:	G	T	0
#####	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:95	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:	G	T	0
.	##	0	.	.	.	1,A	5.7	5.57	.	.	SON	GT:/	0:49	0/1:	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	1.26	.	.	SON	GT:/	0:34	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:98	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:	C	T	0

.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.		.	.	0.0(	0.8!	0.984	0.99!	4.3	3.06	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:8	A	G	0
.		.	.	0.2(	0.9!	0.999	1,D	5.4	3.15	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:(	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	3.5	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	4.2	2.86	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:7	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:2	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:5	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:81	0/1:1	C	T	0
.		.	.	0.2:	0.0(	0.02,I	1,D	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:3	C	T	0
.		.	.	0.3:	.	.	1.00(	3.7	1.88	.	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:1	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:66	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:4	G	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:5	C	A	0
.		##	0	0.3:	0.0(	0.104	0.99!	2.3	1.34	.	.	SOM	GT:/	0:99	0/1:1	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:84	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:4	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:4	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:9	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:2	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:96	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:7	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:5	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:9	C	T	0
.		0	0	0.1(	.	.	1,N	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:78	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:7	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:3	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:4	G	A	0
2E-04		##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:70	0/1:1	C	T	0
.		.	.	0.0,	0.9:	0.967	1,D	4	4.18	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:(	A	G	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:55	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:2	G	T	0
.		.	.	0.1!	.	.	1,N	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:(	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.3	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:(	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:4	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:3	G	A	0
.		.	.	0.1(	0.9:	1.0,D	1.00(	4.5	2.61	.	.	SOM	GT:/	0:76	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.07	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:4	G	T	0
6E-04		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:86	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:87	0/1:1	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:9	G	A	0
.		##	0	.	.	.	1,A	3.8	5.48	.	.	SOM	GT:/	0:55	0/1:1	C	T	0
.		##	0	.	.	.	1,D	4.3	7.65	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:3	G	A	0

.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:16	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:48	0/1:6	G	A	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0	D	1,D	4.4	3.92	.	.	SON	GT:A	0:10	0/1:2	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:16	0/1:3	A	G	0
.		##	0	0.0	0.4	0.96	9	0.96	5.8	4.26	.	.	DB;S	GT:A	0:60	0/1:9	G	A	0
	2E-04	0	0	0.0	0.9	1.0	D	1,D	5.7	5.61	.	.	SON	GT:A	0:10	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:39	0/1:6	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:15	0/1:2	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:42	0/1:6	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	1,D	6	3.25	.	.	SON	GT:A	0:27	0/1:3	A	G	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:64	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:17	0/1:2	G	T	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0	D	1,D	5.5	3.28	.	.	SON	GT:A	0:67	0/1:1	T	C	0
.		##	0	0.0	0.9	1.0	D	1,D	5.6	5.38	.	.	SON	GT:A	0:42	0/1:5	G	A	0
.		##	0	0.0	0.9	1.0	D	0.987	2.8	3.48	0	0	SON	GT:A	0:42	0/1:6	C	T	0
.		.	.	0.1	0.0	0.001		1,N	2.8	.	.	.	SON	GT:A	0:32	0/1:3	C	G	0
.		##	0	.	.	.	.		3.7	.	.	.	SON	GT:A	0:71	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:15	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:27	0/1:4	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	3.3	3.65	.	.	SON	GT:A	0:54	0/1:6	T	C	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:32	0/1:6	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:61	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0:23	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:34	0/1:4	C	A	0
.		.	.	0.1	0.9	1.0	D	1,D	6	4.74	.	.	SON	GT:A	0:55	0/1:7	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:76	0/1:1	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:8,(	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:69	0/1:7	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:64	0/1:7	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:14	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:12	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0:46	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:41	0/1:6	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.		2.5	1.34	.	.	SON	GT:A	0:35	0/1:5	C	T	0
	2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:10	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:15	0/1:2	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:58	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:14	0/1:2	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:9,(	0/1:1	C	T	0
.		0	.	1.0	.	.	.	1,N	.	.	.	.	SON	GT:A	0:29	0/1:3	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:23	0/1:3	G	A	0
	#####	##	0	0.0	0.4	0.901		1.000	5.4	3.98	0	.	SON	GT:A	0:14	0/1:2	C	T	0
.		.	.	0.0	0.7	0.999		1,D	5.1	4.69	.	.	SON	GT:A	0:86	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:27	0/1:7	A	T	0
.		##	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:10	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	1.71	.	.	SON	GT:A	0:46	0/1:6	C	T	0
	2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:10	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:18	0/1:3	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:80	0/1:1	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:35	0/1:5	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:45	0/1:5	G	T	0
.		##	0	0.0	0.9	1.0	D	1.000	5.7	3.91	.	.	SON	GT:A	0:40	0/1:6	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	3.4	.	.	.	SON	GT:A	0:23	0/1:3	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:59	0/1:6	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:73	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:17	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:29	0/1:4	A	G	0
.	##	0	.	0.0(	0.001	0.771	3.5	.	.	.		SON	GT:A	0:68	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.1(	0.1(	0.302	1,N	.	.	.	.		SON	GT:A	0:11	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:12	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:9,(	0/1:5	G	C	0
.	##	0	0.0(	0.0(	0.491	1.000	.	.	.	.		SON	GT:A	0:79	0/1:1	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	.		DB;S	GT:A	0:66	0/1:1	C	T	0
.	##	0	0.2(	0.0(	0.006	1,N	.	1.60	.	.		SON	GT:A	0:46	0/1:7	G	A	0
#####	##	0	0.0(	0.8(	0.999	1,D	4.2	3.34	.	.		SON	GT:A	0:17	0/1:2	C	T	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.		SON	GT:A	0:25	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3	.	.	.		SON	GT:A	0:31	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:8,(	0/1:1	C	A	0
#####	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:97	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:28	0/1:6	G	A	0
.	.	.	0.0(	0.6(	0.958	1,N	2.8	2.07	.	.		SON	GT:A	0:44	0/1:4	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:11	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.3(	0.4(	0.833	0.982	2.6	1.55	.	.		SON	GT:A	0:65	0/1:1	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:43	0/1:9	C	T	0
.	.	.	0.0(	0.9(	1.0,D	1,D	5.2	5.25	.	.		SON	GT:A	0:12	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.		SON	GT:A	0:83	0/1:1	G	A	0
.	0	0	0.0(	0.9(	1.0,D	1,D	4.8	4.71	.	.		SON	GT:A	0:69	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.		SON	GT:A	0:22	0/1:2	C	T	0
#####	##	0	0.0(	0.9(	1.0,D	1.000	.	3.51	.	.		SON	GT:A	0:20	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.74	.	.		SON	GT:A	0:99	0/1:1	T	A	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	0		SON	GT:A	0:45	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:30	0/1:5	C	A	0
.	##	0	0.4(	0.0(	0.001	1,N	.	.	0	.		SON	GT:A	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:43	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:32	0/1:5	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:66	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0		SON	GT:A	0:30	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:48	0/1:7	A	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:36	0/1:5	C	T	0
.	0	0	0.3(	0.0(	0.0,B	1,N	.	.	0	0		SON	GT:A	0:52	0/1:9	G	A	0
.	.	.	0.0(	0.8(	0.997	1.000	5.7	3.29	.	.		SON	GT:A	0:61	0/1:9	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:14	0/1:2	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:28	0/1:3	G	A	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:22	0/1:4	C	T	0
2E-04	0	0	0.0(	0.0(	0.003	1,N	.	.	0	.		SON	GT:A	0:90	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0(	0.9(	0.999	0.964	4.8	2.03	.	.		SON	GT:A	0:10	0/1:1	G	T	0
.	##	0	0.2(	0.0(	0.0,B	1,N	.	.	0	.		SON	GT:A	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:37	0/1:5	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:28	0/1:5	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	2.57	.	.		SON	GT:A	0:27	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.86	.	.		SON	GT:A	0:31	0/1:5	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:81	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	5.6	2.61	.	.		SON	GT:A	0:14	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:16	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0:22	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.		SON	GT:A	0:10	0/1:1	T	C	0
.	0	0	0.0(	0.0(	0.0,B	1.000	4.2	2.45	0	.		DB;S	GT:A	0:91	0/1:1	A	T	0
.	0	0	0.6(	0.0(	0.004	1,N	2.2	.	0	.		SON	GT:A	0:18	0/1:3	G	A	0

.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:72	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	0.9	1.0,D	1.000	3.2	2.86	.	.	SON	GT:/	0:50	0/1:8	C	A	0
#####	##	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:82	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.7	4.84	.	.	SON	GT:/	0:60	0/1:8	G	A	0
.	.	.	0.3	0.7	0.998	0.999	4.6	2.75	.	.	SON	GT:/	0:77	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:19	0/1:3	G	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.731	3.6	4.00	.	.	SON	GT:/	0:55	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:55	0/1:7	C	T	0
#####	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.2	3.22	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:25	0/1:2	A	T	0
.	.	.	0.4	.	.	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:27	0/1:2	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.8	3.66	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.23	.	.	SON	GT:/	0:52	0/1:9	T	C	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	0.999	3.4	4.90	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:68	0/1:9	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:6	G	T	0
.	##	0	0.2	0.4	0.99,I	0.896	4.5	.	0	0	SON	GT:/	0:13	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:37	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.4	2.32	.	.	SON	GT:/	0:67	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:43	0/1:8	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:48	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:24	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2.7	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:49	0/1:8	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:8,(	0/1:3	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:5	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:3	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:19	0/1:1	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:19	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:22	0/1:2	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:19	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:28	0/1:4	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:39	0/1:6	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:30	0/1:2	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:24	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:29	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:34	0/1:2	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:35	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:34	0/1:4	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:37	0/1:5	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:23	0/1:3	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:27	0/1:2	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:10	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:13	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:9	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	T	C	0
2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:24	0/1:6	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:49	0/1:9	C	A	0
.	.	.	0.1	0.0	0.002	1.000	.	1.43	.	.	SON	GT:/	0:50	0/1:9	G	T	0

.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:25	0/1:2	A	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:47	0/1:6	G	A	0
	8E-04	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:53	0/1:7	T	C	0
.		.	.	0.0	0.7	0.986	0.671	3.1	3.79	.	.		SON	GT:/	0:61	0/1:8	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	1.73	.	.		SON	GT:/	0:17	0/1:3	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	.		SON	GT:/	0:8,(	0/1:9	A	G	0
.		.	.	0.1	0.8	0.996	1,N	.	1.95	.	.		SON	GT:/	0:93	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:30	0/1:5	A	G	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	0		SON	GT:/	0:13	0/1:1	C	T	0
.		##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.3	3.77	.	.		SON	GT:/	0:89	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.2	1.30	.	.		SON	GT:/	0:60	0/1:9	G	T	0
.		##	0	0.0	0.8	0.996	1.000	.	3.55	.	.		SON	GT:/	0:48	0/1:9	C	T	0
	2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.		SON	GT:/	0:32	0/1:5	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:19	0/1:3	C	A	0
.		##	0	.	0.0	0.124	0.982	.	1.80	.	.		SON	GT:/	0:65	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:41	0/1:5	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.		.	.	0.5	0.8	0.931	0.991	5.5	3.13	.	.		SON	GT:/	0:31	0/1:7	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0		SON	GT:/	0:38	0/1:5	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:25	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:38	0/1:7	C	T	0
	2E-04	##	0	.	0.7	0.996	.	4.1	.	.	.		SON	GT:/	0:25	0/1:4	G	A	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	0	0		SON	GT:/	0:10	0/1:2	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:46	0/1:5	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:38	0/1:5	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0		SON	GT:/	0:10	0/1:8	A	G	0
.		0	0	.	0.0	0.205	.	.	.	0	.		SON	GT:/	0:38	0/1:4	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:14	0/1:1	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0		DB;S	GT:/	0:34	0/1:5	C	T	0
	2E-04	##	0	0.0	0.8	0.984	0.988	5.1	2.66	.		0	SON	GT:/	0:38	0/1:5	G	A	0
.		##	0	0.0	0.7	0.993	1.000	4	2.25	.	.		SON	GT:/	0:64	0/1:1	G	A	0
.		.	.	0.0	0.8	0.997	1.000	.	2.53	.	.		SON	GT:/	0:24	0/1:4	C	T	0
.		.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	4.7	4.17	.	.		SON	GT:/	0:14	0/1:2	T	A	0
	#####	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.		SON	GT:/	0:11	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:58	0/1:9	T	C	0
.		##	0	0.1	0.0	0.025	1,N	.	.	.	.		SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:20	0/1:3	C	T	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.7	4.08	.	.		SON	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:70	0/1:1	C	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:62	0/1:1	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.		##	0	0.0	0.9	0.994	1.000	4.9	4.09	0	.		SON	GT:/	0:81	0/1:1	T	C	0
.		.	.	0.6	0.0	0.001	1,D	5.6	3.09	.	.		SON	GT:/	0:73	0/1:9	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	2.2	.	.	.		SON	GT:/	0:10	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:63	0/1:1	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:13	0/1:2	C	A	0
.		.	.	0.2	0.0	0.142	0.908	5.5	.	.	.		SON	GT:/	0:82	0/1:1	G	T	0
.		##	0	0.0	0.0	0.492	0.972	3.9	4.11	.	.		SON	GT:/	0:40	0/1:4	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:80	0/1:1	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	3.4	2.72	.	.		SON	GT:/	0:62	0/1:9	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	3.4	.	.	.		SON	GT:/	0:11	0/1:1	A	C	0
.		##	0	.	.	.	.	3.2	.	.	.		SON	GT:/	0:32	0/1:5	C	T	0
	#####	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:58	0/1:7	C	T	0

.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:65	0/1:8	G	A	0
.		0	0	0.5!	0.0,	0.002	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.1	0.0	0.019	0.989	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:61	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	A	G	0
0.002		0	0	0.3(	0.3	0.921	0.997	5.4	3.35	.	.	SOM	GT:/	0:74	0/1:1	G	A	0
.		##	0	.	1.0,	1.0,D	1,D	5.6	5.52	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:9	G	A	0
3E-04		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:89	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.68	.	.	SOM	GT:/	0:64	0/1:1	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	2.87	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:8	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	1,A	4.1	19.1	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:7	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.5	.	.	.	SOM	GT:/	0:90	0/1:1	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:74	0/1:1	C	T	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.2	.	.	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:32	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:67	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:84	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	C	A	0
.		1	0	.	.	.	.	2.3	1.54	0.1	0.2	DB;S	GT:/	0:58	0/1:1	T	C	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:50	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:1	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:66	0/1:8	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:86	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:69	0/1:1	A	G	0
.	.	.	0.0(	0.1	0.22,I	0.940	2.9	2.39	.	.	SOM	GT:/	0:96	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0!	0.9	0.99,I	1.000	4.9	5.48	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	A	G	0
.		##	0	1.0,	0.0,	0.0,B	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:67	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:53	0/1:8	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.5	2.71	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:6	G	T	0
.	.	.	0.5;	0.5(	0.627	1.000	4.1	2.37	.	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:9	G	A	0
.		##	0	0.5	0.0	0.248	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:99	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SOM	GT:/	0:42	0/1:8	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:5	A	G	0
.		##	0	.	0.8(	0.977	1.000	4.1	1.52	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:4	G	T	0
.		##	0	0.0!	0.9	1.0,D	1.000	2.6	4.46	.	.	SOM	GT:/	0:62	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:3	C	T	0

.	.	.	0.0	0.9	0.999	1,D	5.1	3.24	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:	G	A	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	SON	GT:/	0:59	0/1:	C	T	0
5E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:57	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:64	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.44	.	.	SON	GT:/	0:57	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:49	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:14	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:39	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:87	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.	SON	GT:/	0:66	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:65	0/1:	C	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:62	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.8	.	.	.	SON	GT:/	0:62	0/1:	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:19	0/1:	G	T	0
.	##	0	0.1	0.9	0.997	1,D	4.5	4.18	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.18	.	.	SON	GT:/	0:80	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:59	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:83	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.3	SON	GT:/	0:9,(	0/1:	A	G	0
.	0	0	.	.	.	.	3.4	.	.	.	SON	GT:/	0:46	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:	A	G	0
#####	##	0	0.0	0.0	0.473	1,N	.	2.27	.	.	SON	GT:/	0:55	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.7	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:	G	T	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.3	5.31	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.41	.	.	SON	GT:/	0:50	0/1:	C	A	0
.	.	.	.	0.0	0.51,I	.	3.5	2.51	.	.	SON	GT:/	0:83	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:63	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:31	0/1:	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	5.5	3.34	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:84	0/1:	G	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.8	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:50	0/1:	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.978	4.8	2.38	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:29	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:	C	T	0
.	##	0	0.0	1.0	1.0,D	1,D	3.9	5.02	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.2	1.45	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:	G	C	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	4.7	.	.	.	SON	GT:/	0:57	0/1:	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:63	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:55	0/1:	G	C	0

#####	##	0	0.0(	0.9!	1.0,D	1.000	3.4	4.53	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:34	0/1:(	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2.6	1.73	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:!	C	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:43	0/1:!	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	A	0
.	0	0	.	0.3!	0.981	0.987	5.5	2.78	0	0	SON	GT:/	0:70	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	0.9!	1.0,D	1,D	4.6	2.18	.	.	SON	GT:/	0:83	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0(	0.9!	1.0,D	1.000	4.1	3.94	.	.	SON	GT:/	0:24	0/1:3	G	A	0
.	##	0	0.0(	0.9(	1.0,D	1,N	.	1.46	0	.	SON	GT:/	0:65	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:62	0/1:1	G	A	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:3	G	A	0
.	.	.	0.0(	0.9!	1.0,D	1,D	5.3	5.05	.	.	SON	GT:/	0:80	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:2	C	A	0
.	##	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:28	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:24	0/1:!	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:66	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:26	0/1:!	C	A	0
.	.	.	.	.	.	1,D	3.8	.	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:3	T	C	0
.	.	.	0.1!	0.8(	0.994	0.964	4.5	2.47	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	##	0	0.0(	0.9(	1.0,D	1.000	3.3	3.15	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.54	.	.	SON	GT:/	0:89	0/1:1	C	T	0
2E-04	0	0	.	.	.	.	2.5	.	0	0	SON	GT:/	0:47	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.6	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.3!	0.0(	0.716	0.995	3.1	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.2	.	.	.	SON	GT:/	0:45	0/1:7	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:!	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:27	0/1:!	G	A	0
.	.	.	0.3(	0.0!	0.131	0.646	4.1	2.86	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:4	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0'	0.8!	0.983	1,D	5.9	3.34	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:39	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:27	0/1:!	G	T	0
.	##	0	0.0(	0.0(	0.313	0.999	4.8	1.42	.	.	SON	GT:/	0:81	0/1:1	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	4	.	.	.	SON	GT:/	0:35	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:49	0/1:7	A	G	0
.	.	.	0.0(	0.9(	1.0,D	1,D	5.9	3.90	.	.	SON	GT:/	0:36	0/1:(	A	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:34	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.1	.	.	.	SON	GT:/	0:28	0/1:3	A	G	0
.	##	0	0.0:	0.7'	0.999	1.000	4.8	4.35	.	.	SON	GT:/	0:85	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:18	0/1:!	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	G	A	0
.	.	.	0.0(	0.9!	0.999	0.997	.	3.46	.	.	SON	GT:/	0:28	0/1:2	G	T	0
#####	0	0	.	.	.	1,D	.	.	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:!	C	T	0
.	.	.	0.0-	0.4-	0.529	1,N	3.8	2.23	.	.	SON	GT:/	0:60	0/1:(	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.56	.	.	SON	GT:/	0:25	0/1:4	A	G	0
.	.	.	0.0'	0.8,	0.993	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:50	0/1:(	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.76	.	.	SON	GT:/	0:56	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.7	3.73	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:3	C	T	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:!	C	T	0
.	##	0	.	0.0,	0.0,B	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:90	0/1:1	G	A	0

.	.	.	0.3	0.2	0.83	0.86	2.8	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	G	A	0	
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:62	0/1:1	C	T	0	
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.99	.	2.19	.	.	SOM	GT:/	0:78	0/1:1	G	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	C	T	0	
6E-04	0	0	0.0	0.2	0.546	1,D	3.5	2.62	.	.	DB;S	GT:/	0:53	0/1:1	G	A	0	
2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:6	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	C	T	0	
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	G	A	0	
.	.	.	0.0	0.1	0.875	0.57	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:8	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	1.24	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:9	C	A	0	
#####	##	0	0.1	0.9	1.0,D	1,D	2.1	3.16	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	2.19	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:3	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	C	T	0	
#####	##	0	.	.	.	.	.	1.68	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:2	G	A	0	
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	G	A	0	
.	.	.	0.5	0.1	0.199	0.996	4.7	1.33	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:7	C	A	0	
#####	##	0	.	.	.	.	.	1.31	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:2	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:2	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:4	C	T	0	
.	##	0	0.0	0.3	0.815	1,N	.	2.00	.	.	SOM	GT:/	0:82	0/1:1	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	1,D	3.7	6.30	.	.	SOM	GT:/	0:66	0/1:9	G	A	0	
7E-04	0	0	0.0	0.8	0.999	1,N	.	4.56	.	.	SOM	GT:/	0:53	0/1:1	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:6	G	A	0	
.	.	.	0.0	0.3	0.416	1,D	4	4.18	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	T	C	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	1.51	.	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:1	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:94	0/1:1	G	A	0	
.	##	0	.	.	.	.	.	1.52	.	.	SOM	GT:/	0:97	0/1:1	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:5	T	C	0	
#####	##	0	0.0	0.1	0.534	1.000	5.3	3.72	.	.	SOM	GT:/	0:92	0/1:1	C	T	0	
#####	0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0	
#####	##	0	0.0	0.0	0.146	1,D	4.1	2.79	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:3	G	A	0	
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:76	0/1:1	C	T	0	
#####	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.4	5.41	0	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:9	G	A	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	1.28	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	G	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C	A	0	
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:85	0/1:1	C	T	0	
0.021	0	0	0.5	0.0	0.084	1,N	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:16	0/1:3	C	T	0	
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:3	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	2.2	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:1	T	G	0	
.	.	.	0.1	0.0	0.004	1,N	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:78	0/1:1	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:6	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	C	G	0	
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0	
.	##	0	0.3	0.0	0.0,B	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	C	T	0	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	A	G	0	
.	.	.	0.1	0.5	0.953	1.000	4.3	2.96	0	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:5	G	A	0	
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	4.8	2.99	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0	
.	.	.	0.0	0.7	0.994	0.671	2.8	3.44	.	.	SOM	GT:/	0:61	0/1:9	C	T	0	
.	.	.	1.0	0.1	0.327	0.911	5.5	.	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:1	G	A	0	

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:31	0/1:(	G	A	0
.	.	.	0.2	0.2	0.514	1.000	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:47	0/1:8	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	##	0	.	.	.	.	.	1.42	.	.	SON	GT:A	0:13	0/1:2	G	A	0
.	.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:16	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:9,(	0/1:1	A	G	0
.	.	.	0.0	0.9	0.993	1,D	4.4	4.77	.	.	.	SON	GT:A	0:70	0/1:1	C	T	0
.	.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:25	0/1:5	C	T	0
#####	.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:52	0/1:7	G	A	0
#####	.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.8	5.30	.	.	SON	GT:A	0:49	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0:31	0/1:4	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:39	0/1:5	G	T	0
2E-04	.	##	0	0.2	0.0	0.012	1,N	.	1.25	0	.	SON	GT:A	0:13	0/1:2	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	0.998	1.000	3	3.50	.	.	.	SON	GT:A	0:55	0/1:8	G	A	0
.	.	.	0.0	0.8	0.99,I	1,D	4.5	4.51	.	.	.	SON	GT:A	0:53	0/1:1	A	C	0
.	.	.	0.2	0.2	0.641	1,N	2.4	.	.	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:34	0/1:(	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	2.2	3.41	.	.	.	SON	GT:A	0:94	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:38	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:71	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:A	0:46	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:32	0/1:2	T	C	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,N	.	1.71	.	.	.	SON	GT:A	0:80	0/1:1	G	A	0
.	.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:59	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.3	0.1	0.804	0.988	4.7	2.67	.	.	.	SON	GT:A	0:90	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:28	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:98	0/1:1	G	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.999	4.4	4.50	.	.	.	SON	GT:A	0:50	0/1:8	C	T	0
#####	.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:24	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:56	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:21	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:17	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:34	0/1:5	C	T	0
.	.	##	0	0.4	0.9	0.997	1,D	5.8	2.48	.	.	SON	GT:A	0:72	0/1:9	C	T	0
#####	.	##	0	0.0	0.0	0.022	1.000	2.1	2.96	.	.	SON	GT:A	0:23	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:84	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:8,(	0/1:1	A	C	0
.	.	##	0	0.0	0.0	0.168	1,D	4.9	3.90	.	.	SON	GT:A	0:58	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:69	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.4	.	.	.	SON	GT:A	0:20	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:12	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:9,(	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:A	0:19	0/1:4	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:42	0/1:8	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:35	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:14	0/1:3	G	A	0
.	.	.	0.2	0.0	0.021	0.935	3.2	1.73	.	.	.	SON	GT:A	0:32	0/1:(	G	T	0
0.002	0	0	0.2	0.0	0.103	1,N	.	2.00	.	.	.	SON	GT:A	0:62	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.2	.	.	.	.	SON	GT:A	0:13	0/1:1	C	T	0
.	.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:10	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0:45	0/1:5	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:19	0/1:3	G	A	0

.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	2.5	3.60	.	.		SON	GT:/	0:72	0/1:	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	1.35	.	.		SON	GT:/	0:15	0/1:	T	C	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.		0	SON	GT:/	0:12	0/1:	G	A	0
.		##	0	0.1	0.2	0.968	0.992	4.2	3.28	.	.		SON	GT:/	0:40	0/1:	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.4	.	.	.		SON	GT:/	0:62	0/1:	G	A	0
.		##	0	.	0.7	0.986	1.000	4.8	3.90	.	.		SON	GT:/	0:13	0/1:	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:44	0/1:	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	2.4	.	.	.		SON	GT:/	0:26	0/1:	G	A	0
.		.	.	0.0	0.0	0.503	1,N	3	2.64	.	.		SON	GT:/	0:14	0/1:	C	T	0
.		.	.	0.4	0.0	0.009	0.551	3.6	2.75	.	.		SON	GT:/	0:65	0/1:	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.41	.	.		SON	GT:/	0:9,(	0/1:	C	A	0
.		.	.	0.0	0.2	0.748	1.000	3.5	2.25	.	.		SON	GT:/	0:42	0/1:	G	C	0
.		.	.	.	.	.	1,A	4.6	7.89	.	.		SON	GT:/	0:31	0/1:	G	T	0
.		.	.	0.2	0.8	0.991	0.983	4.8	2.51	.	.		SON	GT:/	0:69	0/1:	G	T	0
.		.	.	0.0	0.0	0.149	0.884	2.9	2.50	.	.		SON	GT:/	0:41	0/1:	C	T	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.2	3.92	.	.		SON	GT:/	0:65	0/1:	C	A	0
.		.	.	.	.	.	1,A	.	4.13	.	.		SON	GT:/	0:91	0/1:	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0		SON	GT:/	0:73	0/1:	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:24	0/1:	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:19	0/1:	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:41	0/1:	T	G	0
.		.	.	.	0.0	0.012	1,N	.	2.49	.	.		SON	GT:/	0:59	0/1:	G	T	0
.		##	0	.	0.0	0.316	1,N	.	1.91	0	.		SON	GT:/	0:10	0/1:	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:14	0/1:	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:59	0/1:	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:27	0/1:	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.03	.	.		SON	GT:/	0:10	0/1:	C	T	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.989	3.8	2.47	.	.		SON	GT:/	0:10	0/1:	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	1.42	.	.		SON	GT:/	0:9,(	0/1:	T	C	0
.		.	.	0.0	0.5	0.712	1,D	2.4	3.32	.	.		SON	GT:/	0:12	0/1:	G	T	0
.		.	.	0.0	0.8	0.995	0.997	5.3	2.86	.	.		SON	GT:/	0:10	0/1:	C	T	0
#####		##	0	0.0	0.9	0.997	1,D	4.7	3.93	0	0		SON	GT:/	0:14	0/1:	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:34	0/1:	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:27	0/1:	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:66	0/1:	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:9,(	0/1:	C	G	0
.		.	.	0.0	0.2	0.957	1,D	4.1	3.36	.	.		SON	GT:/	0:20	0/1:	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:51	0/1:	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:46	0/1:	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	4.4	2.17	.	.		SON	GT:/	0:47	0/1:	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:17	0/1:	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:23	0/1:	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	2.5	1.43	.	.		SON	GT:/	0:64	0/1:	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:63	0/1:	C	T	0
2E-04		0	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	3.1	4.07	.	.		SON	GT:/	0:17	0/1:	G	A	0
0.002		0	0	.	.	.	.	4.4	1.63	.	.		SON	GT:/	0:10	0/1:	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:17	0/1:	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0		DB;S	GT:/	0:20	0/1:	T	G	0
#####		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:40	0/1:	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:/	0:21	0/1:	G	A	0
.		0	0	0.1	0.0	0.001	0.97	.	1.31	.	.		SON	GT:/	0:66	0/1:	G	A	0
.		.	.	.	.	.	1,D	2.8	1.87	.	.		SON	GT:/	0:96	0/1:	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:2	A	G	0
.	.	.	0.0:	1.0	1.0,D	1,D	.	2.92	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:49	0/1:5	A	G	0
0.004	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:66	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:90	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.3:	0.5	0.782	.	4.8	3.58	.	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:4	G	A	0
2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:96	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.9	1.43	.	.	SON	GT:/	0:88	0/1:1	C	A	0
.	##	.	.	.	.	1,N	.	2.84	.	.	SON	GT:/	0:99	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	G	T	0
.	##	0	0.1:	0.0	0.864	1,N	.	2.24	0	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
#####	0	0	0.0:	0.3	0.529	1,N	.	.	0	.	SON	GT:/	0:47	0/1:8	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:63	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.27	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:37	0/1:5	G	A	0
2E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:32	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	C	T	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:89	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.2:	0.1	0.555	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:3	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	3.8	3.57	0	.	SON	GT:/	0:17	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.56	.	.	SON	GT:/	0:85	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:24	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:4	C	T	0
.	0	0	.	.	.	1,A	3.4	8.95	.	.	SON	GT:/	0:37	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:3	T	C	0
.	.	.	0.0:	0.9	0.99,I	1,D	5.6	4.31	.	.	SON	GT:/	0:55	0/1:8	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:4	T	C	0
2E-04	##	0	0.0:	0.5	0.928	1,N	.	1.82	0	.	SON	GT:/	0:48	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:15	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:16	0/1:4	G	A	0
.	##	0	0.3:	0.0	0.142	1.000	5	2.85	.	0	SON	GT:/	0:55	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:84	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.6	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:10	0/1:6	G	A	0
0.009	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:40	0/1:8	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	A	C	0
2E-04	##	0	0.0,	0.9	1.0,D	1,D	5	5.37	.	.	SON	GT:/	0:52	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:20	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.86	.	.	SON	GT:/	0:73	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:44	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.54	0	0	SON	GT:/	0:9,(	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:31	0/1:2	C	T	0
.	.	.	0.0,	0.9	0.996	1.000	4.4	5.38	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
#####	##	0	.	.	.	.	3.8	3.08	0	0	SON	GT:/	0:53	0/1:7	G	A	0
.	.	.	0.6	0.0	0.02,I	0.757	3.1	.	.	.	SON	GT:/	0:29	0/1:3	G	A	0
.	.	.	0.0,	0.9	1.0,D	1,D	4.5	2.75	.	.	SON	GT:/	0:79	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,A	4.3	8.44	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	G	A	0

2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:78	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:81	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:4	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:1	G	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.6	4.89	.	.	SOM	GT:/	0:61	0/1:5	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.2	4.06	.	.	SOM	GT:/	0:96	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:82	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	T	C	0
.	.	.	0.0	0.0	0.213	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	G	A	0
.	.	.	0.0	0.0	0.437	1,N	.	2.41	.	.	SOM	GT:/	0:64	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:1	G	A	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	3.6	2.21	.	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:8	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:72	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:7	G	A	0
0.002	0	0	.	.	.	.	.	3.33	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	A	G	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	4.6	3.93	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SOM	GT:/	0:38	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:58	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.4	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:78	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:70	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.6	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.5	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	DB;S	GT:/	0:33	0/1:5	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:5	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:3	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:2	C	T	0
.	.	.	0.5	0.1	0.245	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.8	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:3	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	1.49	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:47	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:8	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.71	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:51	0/1:5	G	A	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	4.8	4.76	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:5	C	T	0

.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:4	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:93	0/1:1	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:7	T	C	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5	2.65	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:6	G	A	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.3	3.79	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:8	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:3	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:4	G	A	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.3	4.28	.	.	SOM	GT:/	0:73	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:4	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:53	0/1:8	G	A	0
.		##	.	0.0	0.9	1.0,D	0.997	.	2.81	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:4	C	T	0
.		##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5	4.64	.	.	SOM	GT:/	0:72	0/1:9	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	C	T	0
2E-04		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:9	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:3	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:3	G	A	0
.		##	0	0.0	0.9	1.0,D	0.992	5.5	3.51	.	.	SOM	GT:/	0:90	0/1:1	G	A	0
.		.	.	0.4	0.3	0.837	0.999	4.5	1.36	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:7	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3	SOM	GT:/	0:17	0/1:3	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:2	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.3	DB;S	GT:/	0:19	0/1:3	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:9	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.51	0	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	T	A	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:6	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:61	0/1:9	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:3	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
#####		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:52	0/1:6	G	A	0
#####		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:1	C	T	0
.		.	.	0.0	0.2	0.745	1,N	.	1.99	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	G	T	0
.		.	.	0.0	0.0	0.009	0.766	3.3	2.16	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:7	G	T	0
.		##	0	0.2	0.0	0.127	0.995	3.7	1.77	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:8	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:7	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:50	0/1:8	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:4	G	A	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:3	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.2	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:4	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	4	2.97	.	.	SOM	GT:/	0:81	0/1:1	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:4	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:8	G	A	0
#####		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:72	0/1:1	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:6	C	T	0
#####		0	0	0.2	0.2	0.863	1,N	.	2.01	0	0	SOM	GT:/	0:66	0/1:1	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:47	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,A	4.5	7.78	.	.	.	.	SON	GT:A	0:53	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:10	0/1:3	C	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:75	0/1:1	A	G	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0	D 1,D	4.9	4.46	.	.	.	.	SON	GT:A	0:17	0/1:2	G	A	0
.	.	.	0.0	0.7	0.99	9 0.997	4.4	3.54	.	.	.	.	SON	GT:A	0:14	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:82	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:26	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:49	0/1:9	C	T	0
.	.	.	0.2	0.9	0.99	9 0.996	5.6	4.50	.	.	.	.	SON	GT:A	0:54	0/1:8	C	T	0
.	##	0	0.4	0.0	0.03	5 1,N	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0	0.7	0.94	8 1,D	5.4	5.33	.	.	.	.	SON	GT:A	0:86	0/1:1	C	T	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0	D 1,D	4.4	3.92	.	.	.	.	SON	GT:A	0:69	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:26	0/1:5	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:36	0/1:3	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:82	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:22	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0:13	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:A	0:37	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.2	1.77	.	.	.	.	SON	GT:A	0:26	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	5.5	2.28	.	.	.	.	SON	GT:A	0:30	0/1:5	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:16	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:65	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0	0.2	0.93	7 1,N	2.7	1.74	.	.	.	.	SON	GT:A	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:75	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:15	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:52	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:8,0	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.7	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:21	0/1:3	G	A	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:54	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:53	0/1:6	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0	D 1.000	4.8	4.78	.	.	.	.	SON	GT:A	0:96	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:20	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:19	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:22	0/1:3	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:50	0/1:8	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:70	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:51	0/1:9	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:37	0/1:5	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:17	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0	D 1,D	5.6	4.37	.	.	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.86	.	.	.	.	SON	GT:A	0:71	0/1:1	G	A	0
.	##	0	0.0	0.4	0.91	6 1,N	.	2.58	.	.	.	.	SON	GT:A	0:61	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:71	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:94	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:15	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:58	0/1:5	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:64	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3	4.36	.	.	.	.	SON	GT:A	0:12	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:43	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:29	0/1:4	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:45	0/1:7	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	5.2	3.80	.	.	.	.	SON	GT:A	0:30	0/1:5	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.99	.	.	.	.	SON	GT:A	0:12	0/1:1	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:(
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:99	0/1::
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:86	0/1::
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:3
#####	##	0	0.3	0.0	0.507	1,D	3.3	3.27	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2	
.	##	0	0.1	0.8	0.999	1,D	4	4.03	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1::	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2
.	.	.	.	.	.	.	.	2.7	1.77	.	.	SON	GT:/	0:38	0/1:5
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:89	0/1::
.	.	.	.	.	.	.	.	4.2	1.57	.	.	SON	GT:/	0:65	0/1::
.	.	.	0.0	0.1	0.703	0.962	2.4	1.63	.	.	SON	GT:/	0:63	0/1::	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1::
.	##	0	0.3	0.0	0.585	1,D	3.6	1.69	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1::	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:5
.	.	.	0.3	0.0	0.357	1,D	4.6	3.14	.	.	SON	GT:/	0:74	0/1::	
.	.	.	0.0	0.1	0.206	0.984	5.8	1.66	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1::	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1:2
.	.	.	.	.	.	1,D	5.1	3.90	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:2	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:94	0/1::
.	.	.	.	.	.	.	.	2.4	.	.	.	SON	GT:/	0:22	0/1:4
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:3
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:2
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:29	0/1:3
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:30	0/1:3
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:4
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:(
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:3
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:4
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1::
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:17	0/1::
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:2
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:14	0/1::
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:29	0/1:3
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:60	0/1:8
.	##	0	0.0	0.9	0.998	1,D	4.6	3.56	.	.	SON	GT:/	0:96	0/1::	
.	.	.	0.0	0.8	0.999	0.986	2.9	1.95	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:2	
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1::	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:99	0/1::
.	.	.	0.0	0.0	0.288	1.000	3.8	1.91	.	.	SON	GT:/	0:93	0/1::	
.	.	.	0.1	0.9	1.0,D	1,D	4.5	4.69	.	.	SON	GT:/	0:30	0/1:4	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:41	0/1:5
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:77	0/1::
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:(
.	.	.	.	.	.	1,A	6.1	9.05	.	.	SON	GT:/	0:79	0/1::	
.	.	.	.	.	.	.	2.8	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:2	
.	.	.	0.0	0.5	0.963	0.999	5	4.16	.	.	SON	GT:/	0:40	0/1:(	
.	.	.	0.1	0.9	1.0,D	1.000	4.7	2.63	.	.	SON	GT:/	0:66	0/1::	
.	.	.	0.0	0.9	0.996	0.999	5.2	3.37	.	.	SON	GT:/	0:23	0/1:3	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.55	.	.	SON	GT:/	0:24	0/1:2
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:2
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1::
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	3.9	4.36	.	.	SON	GT:/	0:85	0/1::	
.	.	.	0.0	0.0	0.032	1.000	.	.	.	.	SON	GT:/	0:85	0/1:8	
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:21	0/1:5

G	A	0	
C	T	0	
G	T	0	
C	T	0	
G	A	0	
C	T	0	
G	T	0	
G	A	0	
C	T	0	
C	T	0	
G	A	0	
G	A	0	
C	T	0	
G	T	0	
A	C	0	
G	T	0	
T	C	0	
C	T	0	
G	A	0	
A	G	0	
T	G	0	
G	C	0	
A	G	0	
C	A	0	
A	G	0	
T	G	0	
T	C	0	
T	G	0	
A	C	0	
G	A	0	
C	A	0	
C	A	0	
G	A	0	
G	C	0	
C	T	0	
C	T	0	
G	A	0	
C	A	0	
C	T	0	
A	G	0	
G	A	0	
G	T	0	
C	A	0	
A	G	0	
C	T	0	
G	A	0	
C	A	0	
C	T	0	
T	C	0	
G	A	0	
G	A	0	
C	A	0	
C	T	0	

0.02	0	0	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:82	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.4	.	.		.	SON	GT:/	0:99	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:50	0/1:7	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:15	0/1:5	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	2.4	2.35	.		.	SON	GT:/	0:12	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:41	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:10	0/1:3	G	A	0
#####	0	0	1.0	0.0	0.075	0.926	2.9	.		0	.	SON	GT:/	0:64	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:57	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:32	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.46	.		.	SON	GT:/	0:29	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:69	0/1:8	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.		0	0	SON	GT:/	0:69	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.6	0.955	1.000	5.3	2.25	.		.	SON	GT:/	0:61	0/1:1	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:10	0/1:2	C	T	0
.	.	.	0.0	0.8	0.992	1.000	4.8	4.69	.		.	SON	GT:/	0:93	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:36	0/1:7	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:75	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	SON	GT:/	0:46	0/1:6	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.53	.		.	SON	GT:/	0:15	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	4	1.79	.		.	SON	GT:/	0:86	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	SON	GT:/	0:14	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	5.5	.	.		.	SON	GT:/	0:18	0/1:2	G	A	0
.	##	0	0.1	0.1	0.6,P	1,D	4.7	3.31	.		.	SON	GT:/	0:56	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:36	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.48	.		.	SON	GT:/	0:27	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:37	0/1:5	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.2	2.12	.		.	SON	GT:/	0:52	0/1:6	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:34	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:27	0/1:3	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0:19	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0/1:6	0:41	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	0.1	SON	GT:/	0/1:1	0:9,(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	0	SON	GT:/	0/1:5	0:17	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	0	SON	GT:/	0/1:1	0:9,(	T	C	0
.	.	.	.	.	.	1,D	5.6	4.73	.		.	SON	GT:/	0/1:3	0:18	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	0	SON	GT:/	0/1:3	0:13	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	0.1	SON	GT:/	0/1:9	0:8,(	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	.	SON	GT:/	0/1:2	0:11	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0/1:2	0:82	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0/1:5	0:28	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	0	SON	GT:/	0/1:1	0:13	G	C	0
#####	0	0	.	.	.	.	.	1.33		0	0	DB;S	GT:/	0/1:1	0:49	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0/1:8	0:25	C	T	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.8	4.66	.		.	SON	GT:/	0/1:4	0:21	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0/1:2	0:18	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	0	DB;S	GT:/	0/1:5	0:35	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	0	SON	GT:/	0/1:3	0:13	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	3.4	.	.		.	SON	GT:/	0/1:8	0:58	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		.	SON	GT:/	0/1:1	0:9,(	A	G	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:24	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:15	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	1,D	5.2	4.11	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:25	C	T	0
2E-04	##	0	0.5	0.0	0.007	1,N	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:20	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	2.6	2.20	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:51	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.24	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:20	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	.	SON	GT:/	0/1:7	0:9,(	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:12	G	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:38	T	C	0
.	.	.	0.5	0.0	0.001	1,N	2.8	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:30	A	C	0
.	##	0	0.0	0.0	0.056	1.000	5.5	3.45	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:24	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.63	.	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:8,(	A	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:12	G	A	0
.	##	0	0.0	0.3	0.978	1,N	.	1.80	0	0	0	.	SON	GT:/	0/1:9	0:44	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:29	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	.	DB;S	GT:/	0/1:4	0:35	C	T	0
.	0	0	.	0.0	0.013	1,N	.	.	0.2	0.2	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:40	T	G	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0.3	0.2	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:42	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:99	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	.	SON	GT:/	0/1:1	0:11	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.81	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:9,(	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:7	0:51	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:9,(	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.4	.	SON	GT:/	0/1:2	0:13	A	C	0
.	0	0	.	.	.	1,A	4.7	8.33	0.1	0	.	.	DB;S	GT:/	0/1:1	0:11	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	4.4	1.68	.	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:18	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.6	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:22	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:26	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:39	A	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	.	.	SON	GT:/	0/1:6	0:26	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	.	SON	GT:/	0/1:3	0:12	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:12	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.4	.	DB;S	GT:/	0/1:4	0:33	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.1	1.70	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:26	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.4	2.84	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:84	G	C	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:14	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.6	2.07	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:16	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	.	SON	GT:/	0/1:1	0:9,(	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	.	SON	GT:/	0/1:3	0:11	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:9	0:56	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	1,D	.	1.30	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:21	G	A	0
.	.	.	0.1	0.0	0.008	1.000	4.4	1.76	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:89	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:19	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	4	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:85	G	C	0
.	.	.	0.0	0.9	0.998	1,D	5.7	5.56	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:6	0:20	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:7	0:30	G	C	0
.	.	.	0.1	0.3	0.738	0.983	5	2.81	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:26	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:9,(	G	A	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.8	5.21	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:10	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.5	1.40	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:35	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:23	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.24	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:12	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:23	C	T	0
.	##	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.6	4.51	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:17	G	A	0

.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:9	0:52	T	C	0
.		.	.	0.0	0.74	0.986	1.000	5.9	5.01	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:31	C	T	0
.		.	.	0.0	0.9	0.999	1,D	4.9	3.98	.	.	.	SON	GT:/	0/1:8	0:47	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:12	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:6	0:37	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	3	1.75	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:22	G	T	0
.		.	.	0.0	.	.	0.997	2.2	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:17	G	C	0
.		##	0	0.0	0.4	0.962	1,D	5.2	3.79	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:23	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:31	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:36	A	G	0
.		.	.	0.0	0.9	0.994	1,D	3.2	3.19	.	.	.	SON	GT:/	0/1:9	0:54	G	T	0
.		.	.	0.4	0.0	0.026	1,D	4.2	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:9	0:54	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:10	G	C	0
.		##	0	.	.	.	0.999	2.3	8.58	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:61	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:55	G	C	0
.		##	0	0.0	0.9	0.991	1,D	5.8	5.70	.	.	.	DB;S	GT:/	0/1:3	0:25	G	A	0
.		.	.	0.0	0.0	0.002	0.812	.	3.23	.	.	.	SON	GT:/	0/1:8	0:32	A	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:6	0:33	C	T	0
.		.	.	0.0	0.3	0.817	1.000	5.6	2.56	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:39	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:19	C	T	0
.		.	.	0.0	0.7	0.941	1,D	5.3	5.17	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:20	C	T	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	6.2	4.90	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:17	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:13	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SON	GT:/	0/1:1	0:14	G	C	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.6	4.57	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:24	G	C	0
.		.	.	0.1	0.0	0.0,B	1,N	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:8	0:36	C	T	0
.		0	0	0.1	0.1	0.768	0.632	3.9	1.85	0	0	DB;S	GT:/	0/1:6	0:37	C	T	0	
.		.	.	0.0	0.3	0.974	1.000	4.5	2.94	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:77	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:30	G	A	0
.		.	.	0.6	0.0	0.056	1,D	4.2	2.60	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:14	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:8,(	C	A	0
.		.	.	0.3	0.0	0.001	1,N	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:21	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:14	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.3	DB;S	GT:/	0/1:7	0:39	C	T	0	
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:1	0:8,(	A	G	0	
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.996	5.2	2.21	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:17	C	G	0
.		.	.	0.0	0.0	0.037	1.000	2.5	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:30	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:12	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:72	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	3.7	2.89	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:27	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:29	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:6	0:45	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	4.8	1.97	.	.	.	SON	GT:/	0/1:8	0:54	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:8	0:44	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:15	G	A	0
.		.	.	0.0	0.1	0.202	1,D	6.2	3.33	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:18	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	4	1.65	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:30	G	A	0
.		.	.	0.2	0.0	0.004	1,N	.	1.51	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:39	C	T	0
#####		##	0	0.0	0.6	0.992	0.988	3.8	1.87	0	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:12	C	T	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	0.1	0	DB;S	GT:/	0/1:5	0:43	C	T	0	
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:22	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	4.9	1.37	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:12	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:13	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:69	T	A	0

.	.	.	0.0	0.9	0.999	1,D	6	2.81	.	.	SON	GT:A	0/1:2	0:12	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:81	G	A	0
.	1	1	.	.	.	.	.	.	0.1	0.5	SON	GT:A	0/1:3	0:44	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:6	0:87	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:11	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.76	.	.	SON	GT:A	0/1:4	0:33	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:2	0:13	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:2	0:16	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.9	1.41	.	.	SON	GT:A	0/1:6	0:43	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:6	0:51	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:35	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0	SON	GT:A	0/1:2	0:15	T	C	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	6.1	3.62	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:44	A	G	0
.	.	.	0.0	0.4	0.849	1.000	2.8	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:24	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0/1:2	0:15	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:16	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.	SON	GT:A	0/1:5	0:29	G	A	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5	5.03	.	.	DB;S	GT:A	0/1:1	0:52	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:14	T	A	0
#####	##	0	.	0.9	0.997	1,D	6	5.36	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:42	G	A	0
0.003	0	0	0.0	0.6	0.997	1.000	5.1	3.59	.	.	DB;S	GT:A	0/1:2	0:10	C	T	0
.	.	.	0.0	0.3	0.356	0.946	3.2	1.48	.	.	SON	GT:A	0/1:5	0:46	C	G	0
.	.	.	0.1	0.0	0.064	0.996	5.9	1.36	.	.	SON	GT:A	0/1:4	0:31	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:6	0:28	C	G	0
.	.	.	0.1	0.4	0.881	1.000	5.7	2.53	.	.	SON	GT:A	0/1:7	0:37	C	G	0
.	.	.	.	0.0	0.27,I	1,N	.	2.37	.	.	SON	GT:A	0/1:6	0:49	G	A	0
2E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:27	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:4	0:14	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:8,(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4.1	.	.	.	SON	GT:A	0/1:5	0:43	G	A	0
.	##	0	0.0	1.0	1.0,D	1,D	4.6	4.45	.	.	DB;S	GT:A	0/1:7	0:81	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:7	0:35	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:A	0/1:4	0:58	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0/1:8	0:9,(	C	G	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0.4	0.3	SON	GT:A	0/1:4	0:33	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:A	0/1:4	0:17	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:5	0:58	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0/1:8	0:49	C	T	0
.	.	.	0.0	0.8	0.992	1,N	.	1.98	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:81	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:60	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	4.6	.	.	.	SON	GT:A	0/1:4	0:14	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:8	0:47	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:5	0:76	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.4	3.69	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:10	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:18	G	A	0
.	##	0	0.0	0.5	0.987	1.000	5.8	5.62	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:50	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:7	0:44	C	T	0
.	.	.	0.0	0.5	0.899	1.000	2.6	2.10	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:90	G	C	0
.	##	0	.	0.0	0.001	1,N	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:2	0:24	C	T	0
4E-04	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:2	0:17	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3	.	.	.	SON	GT:A	0/1:2	0:20	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:19	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0/1:3	0:25	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.32	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:32	G	A	0

.		0	0	.	.	.	.	.	.		0	0	SOM	GT:/	0/1:2	0:14	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:22	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.8	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:7	0:24	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:4	0:13	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	1.000	3.1	3.49	.	.			SOM	GT:/	0/1:7	0:57	G	T	0
.	.	.	0.0	0.1	0.43,	1,N	.	.	.	.			SOM	GT:/	0/1:1	0:65	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.			SOM	GT:/	0/1:3	0:32	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,D		4	6.43	.	.		SOM	GT:/	0/1:6	0:37	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.59	.		0	SOM	GT:/	0/1:5	0:62	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:1	0:76	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:1	0:11	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:9	0:48	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	5.9	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:4	0:11	G	A	0
#####	##		0	0.4	0.0	0.005	0.984	.		1.70	0	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:44	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:6	0:17	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:1	0:8,(	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:4	0:28	T	C	0
.	.	.	.	.	.	1,A		5.5	10.7	.	.		SOM	GT:/	0/1:5	0:27	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		DB;S	GT:/	0/1:1	0:20	G	C	0
.	.	.	0.3	0.1	0.487	1,N	.		2.74	.	.		SOM	GT:/	0/1:2	0:15	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4.4	.	.	.			SOM	GT:/	0/1:4	0:24	C	A	0
.		0	0	0.0	0.9	0.371	1.000	3.5	2.43	.	.		SOM	GT:/	0/1:4	0:42	G	A	0
.	.	.	0.0	0.7	0.995	0.973	2.7	2.50	.	.			SOM	GT:/	0/1:6	0:16	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:8	0:9,(	T	A	0
.	.	.	0.3	0.9	0.999	1,D	4.9	4.26	.	.			SOM	GT:/	0/1:7	0:34	G	A	0
.	.	.	0.0	0.0	0.07,	1,N	.	.	.	.			SOM	GT:/	0/1:1	0:15	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.		SOM	GT:/	0/1:6	0:10	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:1	0:15	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:4	0:16	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:6	0:52	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:1	0:45	T	C	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.		0	0	DB;S	GT:/	0/1:1	0:37	T	C	0
.	.	.	1.0	0.0	0.048	1,D	4.9	.	.	.			SOM	GT:/	0/1:7	0:48	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:1	0:93	C	T	0
.	.	.	0.4	0.0	0.007	0.988	4.1	1.44	.	.			SOM	GT:/	0/1:5	0:31	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.		1.47	0	0.1		SOM	GT:/	0/1:2	0:9,(	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.2		SOM	GT:/	0/1:1	0:13	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.		1.67	.	.		SOM	GT:/	0/1:1	0:49	T	A	0
.	.	.	0.5	0.0	0.001	1,N	.	.	.	.			SOM	GT:/	0/1:1	0:72	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.3	.	.	.			SOM	GT:/	0/1:3	0:18	C	G	0
#####	##		0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:8	0:85	C	T	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.		0	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:61	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:4	0:27	C	T	0
2E-04	##		0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:1	0:12	C	T	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.		0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	0.1	SOM	GT:/	0/1:1	0:9,(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:4	0:22	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4.8	.	.	.			SOM	GT:/	0/1:6	0:40	C	T	0
#####	##		0	0.4	0.0	0.002	1,N		2	1.66	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:64	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.		0	0	DB;S	GT:/	0/1:1	0:72	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.4	0.5		DB;S	GT:/	0/1:4	0:52	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.4	0.4		DB;S	GT:/	0/1:3	0:40	G	T	0
.	##		0	.	.	.	.	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:3	0:12	C	T	0
.	##		0	0.0	0.3	0.84,	1,D	2.7	2.81	.	.		SOM	GT:/	0/1:1	0:68	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:33	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0/1:4	0:33	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:24	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:74	T	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:46	C	T	0
.	.	.	0.0	0.1	0.557	.	.	1.91	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:44	G	A	0
.	.	.	1.0	0.0	0.0,B	1.000	4	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:23	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:23	T	C	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:31	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:21	G	T	0
.	##	0	0.4	0.2	0.866	0.990	4.5	2.15	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:81	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.9	2.86	.	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:24	T	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:27	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:25	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0/1:4	0:19	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:32	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:63	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:68	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.46	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:11	G	A	0
.	.	.	0.0	0.6	0.887	1,D	5.8	4.15	.	.	DB;S	GT:/	0/1:7	0:46	A	G	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4	4.84	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:38	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.62	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2.4	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:51	T	C	0
.	.	.	0.2	1.0	1.0,D	1,D	4.8	3.46	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:55	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:44	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:19	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:21	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.45	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:12	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	5.7	4.01	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:37	C	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:22	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:45	G	A	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5	4.65	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:23	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	0.994	1.000	5.1	4.41	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:66	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:2	0:9,(	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:17	G	A	0
.	.	.	0.1	0.0	0.104	1.000	3.8	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:48	T	C	0
.	.	.	0.7	0.0	0.0,B	0.999	2.5	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:26	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:19	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4.1	1.54	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:82	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:7	0:15	G	C	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:24	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:27	C	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:25	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:46	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:74	T	C	0
.	.	.	0.0	0.6	0.955	0.758	4.4	3.62	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:13	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:8,(	C	A	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:9,(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:12	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:26	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.2	DB;S	GT:/	0/1:5	0:38	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:45	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.11	.	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:36	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SON	GT:/	0/1:1	0:19	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SON	GT:/	0/1:1	0:16	G	A	0
.	.	.	0.2!	0.0(	0.014	1,N	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:57	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,A	.	4.71	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:98	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:9,(	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:8,(	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0/1:8	0:9,(	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.3	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:24	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0/1:1	0:72	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:13	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:31	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:1	0:14	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:1	0:8,(	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	5.1	4.13	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:15	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.24	0	0.1	SON	GT:/	0/1:3	0:21	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:1	0:12	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0	SON	GT:/	0/1:1	0:11	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:9,(	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3	DB;!	GT:/	0/1:2	0:35	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:1	0:17	C	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;!	GT:/	0/1:3	0:45	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:20	A	C	0
.	0	0	.	0.8!	0.997	1,N	.	.	0	0	DB;!	GT:/	0/1:5	0:35	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:9,(	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:2	0:9,(	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:2	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:36	0/1:5	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SON	GT:/	0:35	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:14	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.1	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:15	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:17	0/1:2	G	T	0
0.045	0	0	0.0:	0.6·	0.998	1,D	.	3.26	0	0.1	SON	GT:/	0:22	0/1:4	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.3	SON	GT:/	0:12	0/1:1	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	DB;!	GT:/	0:32	0/1:7	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:33	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:2	G	C	0
.	0	0	0.1'	0.0:	0.23!	1,N	.	.	0.1	0.1	SON	GT:/	0:10	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:19	0/1:2	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;!	GT:/	0:23	0/1:3	C	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	1.95	.	.	SON	GT:/	0:42	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0	SON	GT:/	0:37	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0	SON	GT:/	0:36	0/1:5	A	G	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0.1	0.4	DB;!	GT:/	0:26	0/1:3	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0	SON	GT:/	0:14	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:6	0:48	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:58	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	3.5	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:9,(	C	A	0
.	.	.	0.0(	0.9!	1.0,D	0.999	4.8	3.80	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:47	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:4	0:25	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:4	0:25	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	5.9	3.35	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:8,(	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	DB;!	GT:/	0/1:3	0:20	T	C	0

.											0.1	0.3	SOM	GT:/	0/1:3	0:21	G		A		0
.											0.1	0.1	SOM	GT:/	0/1:4	0:18	G		A		0
.												0	SOM	GT:/	0/1:7	0:33	T		C		0
.											0	0	SOM	GT:/	0/1:7	0:38	G		C		0
.										1.23	0.1	0.2	SOM	GT:/	0/1:4	0:17	A		G		0
.											0	0.2	SOM	GT:/	0/1:1	0:12	C		A		0
.			1.0	0.0	0.004	1.000	3.2	1.46	.				SOM	GT:/	0/1:1	0:34	C		G		0
.													SOM	GT:/	0/1:5	0:17	C		G		0
.			0.1	0.9	0.999	1,D	5.8	4.66	.				SOM	GT:/	0/1:7	0:22	C		T		0
.							5.4	.					SOM	GT:/	0/1:5	0:28	G		A		0
.											0	0	SOM	GT:/	0/1:9	0:22	C		T		0
.													SOM	GT:/	0/1:5	0:50	G		C		0
.	##						4.5	2.39	.				SOM	GT:/	0/1:1	0:98	G		T		0
#####	0	0	.								0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:28	G		A		0
.			0.2	0.0	0.001	0.994	4.8	1.44	.				SOM	GT:/	0/1:2	0:13	A		C		0
.	##		0	0.0	0.0	0.298	0.928	4.9	2.12	.			SOM	GT:/	0/1:2	0:21	G		A		0
.	##		0	0.2	0.0	0.001	1,N	.					SOM	GT:/	0/1:1	0:50	C		T		0
.	0	0	.					2.7	.				DB;S	GT:/	0/1:1	0:29	A		G		0
.													SOM	GT:/	0/1:5	0:12	C		G		0
.								5.6	1.28	.			SOM	GT:/	0/1:2	0:10	G		A		0
.			0.4	0.8	0.991	1.000	2.5	2.33	.				SOM	GT:/	0/1:2	0:58	G		A		0
.							2.8	.					SOM	GT:/	0/1:2	0:12	T		G		0
.													SOM	GT:/	0/1:2	0:11	C		G		0
.													SOM	GT:/	0/1:4	0:20	T		C		0
.	##		0	.	0.9	1.0,D	1,D	5.7	4.68	.			SOM	GT:/	0/1:1	0:43	G		A		0
.											0	0	SOM	GT:/	0/1:3	0:8,(	G		A		0
.											0.1	0.4	SOM	GT:/	0/1:1	0:15	G		T		0
.			1.0	0.0	0.001	1,N	.						SOM	GT:/	0/1:3	0:11	C		T		0
.													SOM	GT:/	0/1:1	0:11	G		C		0
.													SOM	GT:/	0/1:8	0:42	G		A		0
.										2.48	.		SOM	GT:/	0/1:1	0:13	C		T		0
.													SOM	GT:/	0/1:4	0:35	T		G		0
.													SOM	GT:/	0/1:7	0:30	C		T		0
.													SOM	GT:/	0/1:6	0:46	G		A		0
.								2.4	1.48	.			SOM	GT:/	0/1:8	0:68	G		A		0
.			0.0	0.9	0.996	1.000	.						SOM	GT:/	0/1:4	0:29	C		A		0
.								3.9	.				SOM	GT:/	0/1:1	0:48	G		C		0
.													SOM	GT:/	0/1:1	0:86	C		T		0
.								2.7	1.88	.			SOM	GT:/	0/1:1	0:85	C		T		0
.								5.3	4.40	.			SOM	GT:/	0/1:4	0:24	A		G		0
.													SOM	GT:/	0/1:1	0:88	A		T		0
.													SOM	GT:/	0/1:1	0:10	G		T		0
.													SOM	GT:/	0/1:5	0:42	G		A		0
.											0	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:18	T		C		0
.										1.59	.		SOM	GT:/	0/1:3	0:31	C		G		0
.											0.1	0	SOM	GT:/	0/1:2	0:16	G		A		0
.											0.1	0	SOM	GT:/	0/1:2	0:13	G		A		0
.			0.0	0.4	0.988	1.000	.	3.03	.				SOM	GT:/	0/1:8	0:59	G		A		0
.								3.7	.				SOM	GT:/	0/1:2	0:15	G		A		0
.										1.91	.		SOM	GT:/	0/1:5	0:17	G		A		0
.											0	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:10	A		G		0
.												0	SOM	GT:/	0/1:7	0:50	T		G		0
.								2.9	.				SOM	GT:/	0/1:9	0:39	G		C		0
.								2.2	.				SOM	GT:/	0/1:8	0:40	C		G		0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:13	T	C			0
.	.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:8	0:38	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SON	GT:A	0/1:1	0:15	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:7	0:40	A	T			0
.	.	.	.	.	.	.	1,A		6	7.18	.	.	SON	GT:A	0/1:5	0:21	G	T			0
.	.	.	0.5	0.0	0.002	1,N		2.9	.	.	.		SON	GT:A	0/1:2	0:83	C	T			0
0.001	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.		SON	GT:A	0/1:1	0:86	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:23	G	C			0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.966		5.7	3.84	.	.		SON	GT:A	0/1:1	0:77	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:2	0:17	G	A			0
.	.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:12	C	T			0
.	.	##	0	.	.	.	.		2.1	.	.	.	SON	GT:A	0/1:2	0:16	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:4	0:18	C	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:11	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:33	G	A			0
.	.	.	0.0	.	.	1,N		.	.	.	.		SON	GT:A	0/1:1	0:15	G	A			0
.	.	.	0.9	0.0	0.053	1,N		.	1.98	.	.		SON	GT:A	0/1:6	0:28	G	C			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:5	0:15	T	C			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:A	0/1:2	0:19	G	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:2	0:10	G	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:6	0:56	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:4	0:30	G	A			0
.	.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:13	G	A			0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	1,D		4.7	4.37	.	.		SON	GT:A	0/1:8	0:42	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:9	0:57	A	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:20	A	T			0
.	.	##	0	.	.	.	1,A		4.1	26.1	.	.	SON	GT:A	0/1:4	0:15	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0/1:3	0:34	G	T			0
.	.	.	0.1	0.8	0.975	1,D		5.5	5.27	.	.		SON	GT:A	0/1:4	0:24	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.25	.	.		SON	GT:A	0/1:1	0:65	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:2	0:17	C	G			0
.	.	##	0	1.0	0.0	0.015	1,D		3.8	.	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:39	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	1.47	.	.		SON	GT:A	0/1:5	0:22	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0		DB;S	GT:A	0/1:1	0:41	A	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:10	C	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:11	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:3	0:8,(	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:9	0:91	C	T			0
.	.	.	0.0	0.5	0.948	1,N		4.3	2.60	.	.		SON	GT:A	0/1:2	0:14	C	A			0
.	.	.	.	.	.	.	1,D		4.2	3.22	.	.	SON	GT:A	0/1:1	0:11	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:4	0:31	G	A			0
.	.	##	0	0.0	0.0	0.507	1.000	.		3.78	.	.	SON	GT:A	0/1:7	0:47	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:8	0:63	G	C			0
.	.	.	0.1	0.0	0.0,B	1,N		.	.	.	.		SON	GT:A	0/1:8	0:46	G	A			0
.	.	.	0.7	0.0	0.0,B	0.713		4.8	.	.	.		SON	GT:A	0/1:3	0:24	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.		3	.	.	.	SON	GT:A	0/1:5	0:43	C	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.		DB;S	GT:A	0/1:5	0:19	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0		DB;S	GT:A	0/1:3	0:22	T	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0		DB;S	GT:A	0/1:9	0:35	T	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.		DB;S	GT:A	0/1:7	0:36	T	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:4	0:20	C	A			0
.	.	.	0.4	0.0	0.001	1,N		.	.	.	.		SON	GT:A	0/1:2	0:22	T	C			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:2	0:13	G	C			0
.	.	.	0.8	0.0	0.049	1,D		5.8	1.77	.	.		SON	GT:A	0/1:3	0:25	C	G			0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:9	0:40	G	A	0
#####	##	.	0.0	0.4	0.801	1,D	.	2.66	.	.	SOM	GT:A	0/1:3	0:20	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:3	0:15	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:1	0:9,(	A	T	0
.	.	.	0.0	0.0	0.028	1,D	5.3	4.86	.	.	SOM	GT:A	0/1:2	0:17	C	T	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	1.52	0	.	SOM	GT:A	0/1:2	0:15	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.30	.	.	SOM	GT:A	0/1:1	0:11	G	A	0
.	.	.	1.0	0.0	0.358	1,D	5.9	2.88	.	.	SOM	GT:A	0/1:7	0:29	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:9	0:66	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:3	0:24	G	C	0
.	##	0	0.1	0.0	0.0,B	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:6	0:30	C	T	0
.	.	.	0.0	0.0	0.661	0.979	4.4	2.60	.	.	SOM	GT:A	0/1:2	0:18	G	A	0
.	.	.	0.0	0.7	0.999	1,N	3.3	2.81	.	.	SOM	GT:A	0/1:8	0:49	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:1	0:8,(	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:2	0:9,(	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.4	SOM	GT:A	0/1:4	0:26	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:A	0/1:4	0:24	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:1	0:86	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:7	0:22	C	G	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:9	0:55	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:1	0:83	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SOM	GT:A	0/1:3	0:33	G	C	0
.	0	0	0.6	0.0	0.014	0.644	4.5	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:7	0:41	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:2	0:17	T	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SOM	GT:A	0/1:2	0:8,(	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:6	0:31	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:A	0/1:4	0:14	A	G	0
.	.	.	0.0	0.7	0.985	1,D	5.7	4.01	.	.	SOM	GT:A	0/1:1	0:58	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:A	0/1:3	0:26	T	C	0
.	.	.	0.0	0.9	0.997	1,D	4.6	1.92	.	.	SOM	GT:A	0/1:1	0:93	C	A	0
.	.	.	0.0	0.9	0.995	1,D	5.4	4.16	.	.	SOM	GT:A	0/1:4	0:15	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:A	0/1:5	0:21	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:A	0/1:1	0:17	C	G	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0.1	DB;S	GT:A	0/1:9	0:60	T	G	0
.	0	0	.	.	.	.	.	1.48	.	.	SOM	GT:A	0/1:6	0:51	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:A	0/1:2	0:26	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:7	0:47	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:A	0/1:7	0:44	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:1	0:17	C	G	0
#####	##	0	0.4	0.0	0.002	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:1	0:87	T	C	0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	0.982	5.5	4.27	.	.	SOM	GT:A	0/1:5	0:42	C	A	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	0.980	5.6	5.56	.	.	SOM	GT:A	0/1:1	0:80	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:6	0:39	G	T	0
.	.	.	0.0	0.0	0.034	1,D	5.3	3.35	.	.	SOM	GT:A	0/1:2	0:16	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SOM	GT:A	0/1:6	0:42	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:2	0:13	C	G	0
.	0	0	0.1	0.0	0.108	0.889	4.6	3.30	0	0	SOM	GT:A	0/1:2	0:10	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:3	0:22	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:3	0:10	G	A	0
.	.	.	0.0	0.5	0.896	0.994	4.8	2.62	.	.	SOM	GT:A	0/1:3	0:19	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:3	0:15	G	T	0
2E-04	##	0	.	.	.	.	3.4	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:7	0:48	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:A	0/1:5	0:38	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.2	DB;S	GT:A	0/1:2	0:19	C	T	0

.	.	.	.	.	.	.	4.3	2.02	.	.	SOM	GT:	0/1:5	0:47	T	C	0
.	.	.	0.6	0.0	0.024	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:9	0:59	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,A	5.6	8.61	.	.	SOM	GT:	0/1:8	0:59	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:6	0:28	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:8	0:45	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0	SOM	GT:	0/1:1	0:11	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:	0/1:8	0:8,	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.9	4.59	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:10	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	.	4.03	.	.	SOM	GT:	0/1:5	0:31	C	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:	0/1:8	0:60	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:3	0:24	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:18	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	2.2	2.54	.	.	SOM	GT:	0/1:9	0:10	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:5	0:29	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:68	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:8	0:71	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.3	.	.	.	SOM	GT:	0/1:3	0:18	C	G	0
.	.	.	0.6	0.0	0.014	0.945	5.1	2.33	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:82	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	5.3	.	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:92	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:54	G	C	0
.	.	.	.	.	.	1,D	4	3.48	.	.	SOM	GT:	0/1:6	0:35	G	A	0
.	.	.	0.2	0.0	0.009	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:8	0:40	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:5	0:43	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	3.5	.	.	.	SOM	GT:	0/1:3	0:21	C	T	0
.	.	.	0.0	0.7	0.983	1,D	5.5	4.92	.	.	SOM	GT:	0/1:9	0:89	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:5	0:35	T	C	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:5	0:40	C	T	0
.	.	.	0.0	0.0	0.22,	1,N	5.3	1.44	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:98	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:16	G	A	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	4.8	3.94	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:88	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	3.9	.	.	.	SOM	GT:	0/1:2	0:16	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:14	G	C	0
.	.	.	0.2	0.6	0.846	1,D	2.3	.	.	.	SOM	GT:	0/1:2	0:12	C	A	0
.	.	.	0.0	0.6	0.934	1,N	4	.	.	.	SOM	GT:	0/1:7	0:48	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	DB;S	GT:	0/1:5	0:24	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:4	0:24	G	T	0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	0.994	3.2	3.49	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:12	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.3	SOM	GT:	0/1:7	0:8,	A	G	0
.	.	.	0.0	0.2	0.867	.	3	.	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:79	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:3	0:24	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:5	0:31	C	A	0
.	.	.	0.6	0.0	0.002	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:80	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:3	0:25	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:5	0:48	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:11	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:10	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:	0/1:1	0:15	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:3	0:16	T	C	0
.	##	0	.	.	.	1.000	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:83	G	A	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5	4.32	.	.	SOM	GT:	0/1:2	0:12	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:8	0:65	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:	0/1:1	0:15	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.	SOM	GT:	0/1:3	0:21	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:	0/1:3	0:29	T	G	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:52	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:37	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:27	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:29	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:11	G	C	0
.	.	.	0.0	0.4	0.938	1,D	2.9	1.62	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:94	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:4	0:33	G	A	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.4	4.70	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:27	C	A	0
.	.	.	0.0	0.7	0.97,I	0.997	5.9	3.43	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:52	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0	SOM	GT:/	0/1:3	0:28	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	3.1	4.26	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:65	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:5	0:23	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:12	G	C	0
.	.	.	0.1	0.4	0.919	1.000	5.7	2.46	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:47	T	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	2.3	1.66	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:45	C	T	0
.	.	.	0.0	0.8	0.993	1.000	5.8	2.89	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:48	C	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.5	4.02	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:40	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:60	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:56	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:11	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:3	0:10	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.4	SOM	GT:/	0/1:2	0:31	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.5	0.5	DB;S	GT:/	0/1:3	0:24	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:16	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:37	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.25	0	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.90	0.1	0	DB;S	GT:/	0/1:6	0:37	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:8,(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:8,(	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:8,(	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.4	SOM	GT:/	0/1:9	0:9,(	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:29	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:8,(	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.6	SOM	GT:/	0/1:9	0:9,(	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:6	0:33	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:4	0:25	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	0.1	0	SOM	GT:/	0/1:5	0:44	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:12	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:5	0:25	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:36	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:10	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.2	SOM	GT:/	0/1:8	0:8,(	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:4	0:22	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:4	0:37	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:9,(	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	DB;S	GT:/	0/1:4	0:26	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0/1:6	0:40	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0/1:2	0:19	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:3	0:12	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:4	0:22	C	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SON	GT:/	0/1:1	0:13	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:87	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.5	DB;S	GT:/	0:22	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.4	SON	GT:/	0:12	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:13	0/1:2	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:22	0/1:5	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.5	SON	GT:/	0:14	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:11	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:37	0/1:3	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:18	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0	SON	GT:/	0:15	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.4	SON	GT:/	0:8,(	0/1:1	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3	SON	GT:/	0:18	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:10	0/1:3	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:13	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:20	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3	DB;S	GT:/	0:51	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SON	GT:/	0:12	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:41	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:46	0/1:1	T	A	0
.	.	.	0.0:	0.1'	0.763	1.000	5.2	2.74	0	.	SON	GT:/	0:58	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:8,(	0/1:9	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:8,(	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:8,(	0/1:9	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.7	.	.	.	SON	GT:/	0:15	0/1:5	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.80	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:4	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:35	0/1:7	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:17	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:3	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:10	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:/	0:14	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0:16	0/1:3	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	1.26	0	.	SON	GT:/	0:12	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:13	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.2	DB;S	GT:/	0:37	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:18	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	DB;S	GT:/	0:20	0/1:8	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	DB;S	GT:/	0:34	0/1:5	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	2.2	.	0	0.1	DB;S	GT:/	0:40	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:16	0/1:4	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:11	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:12	0/1:8	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:44	0/1:1	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3	DB;S	GT:/	0:40	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0:9,(	0/1:2	C	A	0
.	##	0	0.1:	0.9!	1.0,D	1.000	4.2	2.42	.	.	SON	GT:/	0/1:9	0:10	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:47	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:33	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	2.6	.	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:11	G	C	0

.		.	.	.	.	.	.		2.3	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	C	T	0
.		.	.	0.0	.	.	0.994		3.2	2.83	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:85	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.		2.1	1.40	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:13	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:12	C	T	0
.		.	.	.	.	.	1,A		5.3	7.23	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:30	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:2	0:8,(	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0/1:2	0:11	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.4	SOM	GT:/	0/1:1	0:13	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:9,(	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:20	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0/1:3	0:57	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:17	A	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0/1:3	0:16	T	G	0
.		.	.	0.0	0.9	0.996	0.963		4.3	3.06	0	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:38	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.		5.4	1.82	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	A	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:30	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.		3	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:47	G	C	0
.		##	0	0.4	0.1	0.796	1,D		5.4	3.42	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:14	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.		2.3	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:17	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:11	G	C	0
.		.	.	0.1	0.4	0.899	1,N		3.3	1.89	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:14	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.		1.59	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:12	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:17	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0	SOM	GT:/	0/1:5	0:14	A	G	0
.		##	0	0.0	0.6	0.918	0.976		4.9	3.84	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:23	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:15	A	G	0
0.003		0	0	0.2	0.1	0.791	0.946		3.4	.	.	.	DB;S	GT:/	0/1:2	0:10	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:14	C	T	0
.		.	.	.	.	.	1,D		2.9	6.40	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:67	G	A	0
.		.	.	.	.	.	1,D		5.1	4.27	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:55	G	C	0
.		.	.	0.0	0.8	0.919	1.000		4.4	4.65	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:14	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:12	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:23	C	T	0
.		.	.	0.0	0.1	0.693	1.000		5.1	2.94	0	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:31	G	A	0
.		.	.	0.0	0.0	0.004	0.859		3.7	2.36	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:10	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:21	G	A	0
.		.	.	0.0	0.2	0.891	0.757		4.5	3.26	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:14	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.		2.6	2.09	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:17	C	G	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:26	T	C	0
.		.	.	0.0	0.6	0.915	1,D		5.1	3.61	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:25	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:61	G	A	0
.		0	0	.	.	.	.		4.6	2.69	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:16	T	G	0
2E-04		##	0	0.0	0.8	0.999	1,N		3.2	1.45	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:31	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.		2.4	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:18	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:59	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:8,(	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:17	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.		2.9	2.55	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	G	A	0
#####		##	0	0.1	0.0	0.064	0.758		4.1	2.41	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:28	G	A	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:5	0:29	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:27	G	A	0

.	##	0	0.1	0.5	0.853	0.982	2.8	3.03	0	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:17	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.2	5.53	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:25	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:24	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	3.4	1.86	0	0	SOM	GT:/	0/1:9	0:10	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.44	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:41	T	C	0
.	##	0	0.0	0.0	0.012	0.998	.	3.22	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:32	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:90	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:97	G	A	0
.	.	.	0.6	0.9	1.0,D	1,D	4.7	4.05	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:14	C	G	0
0.002	0	0	0.1	0.2	0.881	0.888	4.4	3.43	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:10	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.9	1.92	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:21	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.06	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:29	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SOM	GT:/	0/1:2	0:8,(	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:12	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:88	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.69	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:21	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	4.15	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:30	C	T	0
.	##	0	0.0	0.5	0.948	1,N	.	2.41	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:55	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:15	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:41	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:9,(	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:5	0:53	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:6	0:50	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:23	T	C	0
.	##	0	.	.	.	1.000	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:84	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	3.8	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:66	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:14	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:13	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:14	T	G	0
.	.	.	0.0	0.0	0.0,B	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:56	G	C	0
0.001	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:16	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:27	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	DB;S	GT:/	0/1:1	0:19	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:9,(	T	C	0
.	##	.	.	.	.	.	.	1.49	0	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:12	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:16	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.4	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:16	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	4	3.19	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:38	C	T	0
#####	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	4.6	1.33	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:38	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:95	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0/1:1	0:11	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:83	A	G	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:4	0:40	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:60	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:25	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:30	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:11	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,A	4.6	8.20	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:70	C	T	0
.	.	.	0.1	0.0	0.02,I	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:37	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:11	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:2	0:16	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:36	G	A	0

.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3	SOM	GT:/	0/1:1	0:8,(	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0/1:1	0:9,(	T	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:54	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.2	SOM	GT:/	0/1:1	0:9,(	G	T	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.4	DB;S	GT:/	0/1:6	0:39	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:40	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:49	G	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:50	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	3.7	1.32	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:21	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	3.4	2.15	0	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:11	C	T	0
.		##	0	0.0	1.0	1.0,D	1.000	3.1	4.05	0	.		SOM	GT:/	0/1:2	0:19	C	T	0
.		.	.	0.0	0.9	0.999	0.996	4.6	3.60	.	.		SOM	GT:/	0/1:4	0:27	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:2	0:15	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	3.3	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:38	A	G	0
#####		##	0	0.0	0.1	0.086	0.583	.		2.62	.	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:58	G	A	0
.		0	0	0.4	0.0	0.002	1,N	.	.		0	.	SOM	GT:/	0/1:4	0:34	C	T	0
2E-04		0	0	.	.	.	.	2.2	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:84	C	T	0
2E-04		0	0	0.6	0.0	0.009	1,N	.		2.04	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:80	G	A	0
.		.	.	.	.	.	1,D	4.1	9.70	.	.		SOM	GT:/	0/1:2	0:14	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:47	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:69	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:55	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:47	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.2	DB;S	GT:/	0/1:3	0:26	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:9,(	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:25	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:92	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:28	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.2	1.64	.	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:16	C	A	0
.		.	.	0.2	0.0	0.005	0.999	4.3	1.98	.	.		SOM	GT:/	0/1:2	0:13	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.7	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:6	0:59	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:8	0:55	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:3	0:21	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:14	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:7	0:47	C	A	0
0.001		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:58	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0/1:7	0:8,(	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	3.53		0	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:43	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:58	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	5.4	1.35	.	.		SOM	GT:/	0/1:2	0:15	G	T	0
#####		##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:5	0:25	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:2	0:25	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:9	0:8,(	G	A	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.8	4.25	.	.		SOM	GT:/	0/1:8	0:79	C	T	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.9	4.98	.	.		SOM	GT:/	0/1:1	0:10	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0/1:6	0:56	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3	DB;S	GT:/	0/1:2	0:22	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:11	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0/1:1	0:9,(	C	A	0
.		.	.	0.0	0.5	0.9,P	1.000	2.7	3.35	.	.		SOM	GT:/	0/1:1	0:85	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	4.9	4.07	.	.		SOM	GT:/	0/1:4	0:25	C	T	0
.		.	.	0.1	0.2	0.598	0.999	2.9	2.50	.	.		SOM	GT:/	0/1:1	0:74	C	G	0
.		.	.	0.1	0.5	0.831	1,N	.	.	.	.		SOM	GT:/	0/1:7	0:65	T	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0/1:1	0:8,(	G	A	0

.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:7	0:43	G	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:28	G	C	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:52	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:9	0:93	T	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:20	C	A	0
.		.	.	0.0	1.0	1.0	D	1,D	.	4.09	.	.	SON	GT:/	0/1:8	0:81	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:55	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:14	T	C	0
.		.	.	0.0	1.0	1.0	D	1,D	5	3.25	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:63	G	A	0
.		##	0	0.0	0.3	0.517		1,D	5.7	4.40	0	.	DB;S	GT:/	0/1:2	0:19	C	T	0
	0.006	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0/1:2	0:15	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:86	T	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:62	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:33	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	1.37	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:47	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	1.50	.	0	SON	GT:/	0/1:5	0:36	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:3	0:31	G	A	0
.		.	.	0.1	0.6	0.623		0.884	.	2.43	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:14	A	G	0
.		.	.	0.0	0.6	0.978		1,D	4.4	3.66	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:11	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:/	0/1:1	0:10	A	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:5	0:41	T	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:13	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.3	2.10	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:70	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:98	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:6	0:37	A	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:30	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	2.2	1.33	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:40	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:/	0/1:1	0:53	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	3	1.38	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:66	C	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:86	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:18	T	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:13	T	C	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:9,(	A	T	0
.		##	0	0.7	0.0	0.0	B	0.989	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:10	C	T	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0	D	1.000	4.9	3.96	.	.	SON	GT:/	0/1:9	0:55	A	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:19	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	1.73	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:75	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:72	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:29	G	A	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:12	G	A	0
.		.	.	0.0	0.9	1.0	D	1.000	4	5.08	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:15	G	A	0
	2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:52	G	A	0
.		.	.	0.0	0.0	0.014		1.000	.	3.33	.	.	SON	GT:/	0/1:8	0:56	G	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:3	0:26	C	T	0
.		.	.	0.0	0.4	0.93,		1.000	.	3.58	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:19	T	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:12	G	A	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:72	C	G	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:5	0:37	G	A	0
.		.	.	.	0.9	0.999		1,N	2.4	1.61	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:11	C	T	0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	1.38	.	0	SON	GT:/	0/1:9	0:65	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:10	C	T	0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:1	0:52	C	T	0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:/	0/1:4	0:23	C	A	0
.		0	0	0.0	0.9	1.0	D	1,D	4.8	3.91	.	.	SON	GT:/	0/1:2	0:10	G	A	0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0/1:2	0:15	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:39	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.4	DB;S	GT:A	0:34	0/1:8	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:86	0/1:8	C	T	0
#####	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	2.9	3.92	.	.			SON	GT:A	0:35	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,A	5.9	5.29	.	.			SON	GT:A	0:30	0/1:6	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	DB;S	GT:A	0:33	0/1:7	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:A	0:8,(	0/1:9	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0:8,(	0/1:2	A	G	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0:19	0/1:2	C	T	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0	SON	GT:A	0:35	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:42	0/1:1	A	G	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:12	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:95	0/1:9	G	C	0
.	.	.	0.0	0.9	0.992	1,D	3.6	3.92	.	.			SON	GT:A	0:12	0/1:1	C	G	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	4.4	4.19	.	.			SON	GT:A	0:78	0/1:2	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:13	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:41	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.12	.	.			SON	GT:A	0:37	0/1:6	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:34	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:37	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:A	0:55	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:53	0/1:3	A	C	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	1.89	.	.			SON	GT:A	0:98	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.87	.	.			SON	GT:A	0:49	0/1:4	G	T	0
.	.	.	0.0	0.4	0.9,P	1,D	6.2	4.76	.	.			SON	GT:A	0:12	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	5.7	.	.	.			SON	GT:A	0:20	0/1:2	G	A	0
.	.	.	0.0	0.8	0.998	1.000	5.7	1.95	.	.			SON	GT:A	0:20	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:91	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:10	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:52	0/1:8	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0.2	DB;S	GT:A	0:36	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SON	GT:A	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.5	0.0	0.0,B	0.999	2.9	.	.	.			SON	GT:A	0:55	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.2	.	.	.			SON	GT:A	0:33	0/1:7	A	G	0
#####	##	0	0.2	0.9	0.999	1.000	5.7	4.26	.	.			SON	GT:A	0:52	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.8	4.93	.	.			SON	GT:A	0:33	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:39	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.			SON	GT:A	0:34	0/1:3	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:25	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:31	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:8,(	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	4.9	4.04	.	.			SON	GT:A	0:19	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:34	0/1:2	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0	SON	GT:A	0:8,(	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:12	0/1:2	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:17	0/1:3	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:6	C	A	0
.	.	.	0.1	0.4	0.876	1.000	5.7	2.17	.	.			SON	GT:A	0:21	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:54	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	.	.	.			SON	GT:A	0:23	0/1:5	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	4.6	1.39	.	.			SON	GT:A	0:10	0/1:8	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:26	0/1:6	T	A	0

.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.7	4.84	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:	G	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	5	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:	G	A	0		
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	3.8	5.83	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:	G	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:	T	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:	G	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:	C	T	0		
.	.	.	.	0.0	0.509	0.937	5.8	2.26	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:	C	T	0		
.	.	.	0.0	0.2	0.957	1,D	5.9	5.10	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:	C	T	0		
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1.000	5.7	5.01	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:	G	A	0		
#####	##	0	.	.	.	.	4.5	2.74	.	.	SOM	GT:/	0:82	0/1:	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:	G	A	0		
#####	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.6	4.24	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	4.6	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:	A	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:	A	G	0		
.	.	.	.	.	.	1,A	5.5	6.00	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:	T	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:	T	G	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:	A	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:	A	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:	T	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:	C	T	0		
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	1,D	5.6	6.86	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:76	0/1:	A	C	0		
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	0.957	4.9	3.23	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:	G	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:	T	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	1.39	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:	G	A	0		
.	##	0	0.0	0.7	0.988	1,D	2.5	3.43	0	.	SOM	GT:/	0:59	0/1:	C	T	0		
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:	C	T	0		
.	.	.	0.3	0.0	0.059	0.991	4.9	1.32	.	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:	T	C	0		
.	0	0	.	.	.	.	4	1.94	0.1	0	DB;S	GT:/	0:43	0/1:	A	G	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:57	0/1:	G	A	0		
.	.	.	0.1	0.4	0.392	0.867	3.2	2.29	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:	C	G	0		
.	##	0	0.0	0.9	0.999	1,D	5.8	4.07	0	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:	C	T	0		
.	0	0	.	.	.	.	.	1.62	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:	A	C	0		
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:	C	G	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:	T	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:38	0/1:	A	G	0		
.	.	.	0.1	0.8	0.996	0.999	2.8	2.64	.	.	SOM	GT:/	0:75	0/1:	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:37	0/1:	A	T	0		
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:78	0/1:	C	T	0		
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:10	0/1:	G	A	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	1.69	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:	T	C	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:90	0/1:	C	T	0		
.	.	.	.	.	.	.	2	1.99	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:	C	G	0		
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:	G	A	0		

.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:3	T	C		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:7	C	T		0
	4E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:21	0/1:4	C	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	G	A		0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:3	G	A		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	C	T		0
	#####	##	0	0.7	0.0	0.596	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:1	C	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:5	C	G		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:3	C	G		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:49	0/1:5	C	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:47	0/1:4	C	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:2	A	C		0
.		.	.	.	.	.	.	3.5	2.39	0	.	SOM	GT:/	0:65	0/1:1	C	T		0
.		.	.	.	.	.	.	3.8	2.10	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:9	G	A		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:66	0/1:9	G	A		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:62	0/1:9	G	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	A		0
.		.	.	.	0.9	1.0,D	1,D	4.3	3.43	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:6	C	T		0
.		.	.	0.1	0.0	0.018	1,N	.	1.37	.	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:1	A	C		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:2	C	A		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:1	G	C		0
.		.	.	.	.	.	1,D	4.7	11.6	.	.	SOM	GT:/	0:83	0/1:1	G	A		0
.		.	.	0.0	0.7	0.977	1,N	5.1	3.83	.	.	SOM	GT:/	0:92	0/1:7	G	A		0
.		.	.	.	.	.	1,D	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	C	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:3	C	A		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:52	0/1:2	C	A		0
.		0	0	0.0	0.9	0.999	1.000	3	2.89	.	0	SOM	GT:/	0:96	0/1:7	C	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:6	G	A		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.2	0	SOM	GT:/	0:37	0/1:7	A	G		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	A	C		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:30	0/1:7	C	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.4	0.4	DB;S	GT:/	0:52	0/1:1	A	G		0
.		.	.	.	.	.	1,A	3.1	4.59	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	C	T		0
.		.	.	0.1	0.0	0.104	0.946	5.4	2.06	.	.	SOM	GT:/	0:83	0/1:8	C	T		0
.		.	.	0.0	1.0	1.0,D	0.964	3.8	2.70	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:7	G	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	T	A		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.5	0.5	DB;S	GT:/	0:53	0/1:1	T	C		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:1	T	G		0
.		.	.	.	.	.	.	3	.	0	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	G	A		0
.		0	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	C	T		0
.		.	.	.	.	.	.	4.6	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:4	T	A		0
.		##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:6	C	T		0
.		.	.	.	.	.	.	5.6	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:3	C	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:51	0/1:8	A	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SOM	GT:/	0:22	0/1:2	A	C		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:94	0/1:1	C	A		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	C	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:50	0/1:3	C	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:67	0/1:8	T	G		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	T		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:2	A	T		0
.		.	.	0.0	0.8	0.993	1.000	5.4	4.17	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:2	G	A		0
.		.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:54	0/1:6	G	A		0
.		.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	5.1	3.49	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	C	T		0

.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:3	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1.000	3.1	3.33	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:4	C	A	0
.	.	.	0.1	0.0	0.002	.	2.1	1.30	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:5	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	T	C	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.5	4.92	.	.	SOM	GT:/	0:95	0/1:1	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:45	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.59	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:8	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.5	2.23	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:2	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	4.7	3.12	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	G	0
2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:96	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.91	.	.	SOM	GT:/	0:80	0/1:9	T	C	0
.	.	.	0.4	0.0	0.002	1,D	4.7	1.64	.	.	SOM	GT:/	0:60	0/1:6	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.87	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:4	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.92	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	G	A	0
0.01	0	0	.	.	.	.	4.6	.	0	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:4	C	T	0
.	##	0	0.0	0.9	0.991	1,D	5.8	5.70	.	.	DB;S	GT:/	0:28	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:79	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	DB;S	GT:/	0:55	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4.1	.	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:76	0/1:5	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,D	5.3	4.66	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.74	.	.	SOM	GT:/	0:91	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	A	T	0
.	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1,N	3.2	1.65	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,A	.	5.99	.	.	SOM	GT:/	0:79	0/1:6	G	A	0
#####	##	0	0.0	0.9	1.0,D	0.877	5	3.10	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:1	C	T	0
.	0	0	0.0	0.8	0.997	0.998	5.5	3.85	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:3	T	G	0
#####	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:73	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	6	4.00	.	.	SOM	GT:/	0:62	0/1:6	G	A	0
2E-04	0	0	0.0	1.0	1.0,D	1.000	6	5.21	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SOM	GT:/	0:12	0/1:5	G	C	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:4	A	G	0
.	.	.	0.3	0.0	0.006	0.999	.	1.83	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0	SOM	GT:/	0:13	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:86	0/1:9	C	T	0
.	0	0	0.1	.	.	1,N	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	A	C	0

0.017	0	0	.	.	.	.	2.3	1.34	0	0	SOM	GT:/	0:89	0/1:1	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:3	G	A	0
.	0	0	.	.	.	.	.	.	0	0.2	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:2	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:3	T	C	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.3	5.19	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	A	T	0
#####	##	0	0.0	0.9	1.0,D	1.000	4.8	4.42	.	.	SOM	GT:/	0:61	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	1.0	1.0,D	.	4.4	1.95	.	.	SOM	GT:/	0:58	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	5.6	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.54	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:3	G	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:37	0/1:3	G	A	0
.	.	.	0.4	0.8	0.826	1,D	6.1	3.43	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:2	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:3	G	A	0
.	.	.	0.0	0.0	0.002	1,D	6	4.31	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:2	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3	DB;S	GT:/	0:26	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.27	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:3	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	0	SOM	GT:/	0:90	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.4	.	.	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:4	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:1	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:19	0/1:3	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:2	A	T	0
.	.	.	.	0.9	1.0,D	.	3.3	2.24	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:5	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.8	1.25	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:5	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	1.46	.	.	SOM	GT:/	0:68	0/1:3	G	C	0
.	##	.	.	.	.	.	.	1.76	.	0	SOM	GT:/	0:31	0/1:2	A	G	0
.	.	.	0.0	0.5	0.594	0.995	4.3	3.78	.	.	SOM	GT:/	0:39	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2.7	.	.	.	SOM	GT:/	0:51	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:5	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SOM	GT:/	0:34	0/1:6	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:48	0/1:3	C	A	0
.	##	0	0.0	0.0	0.003	1,N	4.5	1.47	.	.	SOM	GT:/	0:19	0/1:1	C	T	0
.	##	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:93	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	1,D	6	3.52	.	.	SOM	GT:/	0:51	0/1:4	C	A	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.5	3.84	.	.	SOM	GT:/	0:89	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	DB;S	GT:/	0:20	0/1:2	T	C	0
.	.	.	0.6	0.0	0.071	1.000	5.8	1.48	.	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:3	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:70	0/1:3	G	A	0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.6	5.71	.	.	SOM	GT:/	0:44	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:91	0/1:1	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.33	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:3	A	T	0

.	.	.	0.0	0.0	0.006	1,N	.	1.70	.	.	SOM	GT:/	0:30	0/1:2	C	T			0
2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:74	0/1:8	C	T			0
.	.	.	0.0	0.5	0.73,I	1,D	5.8	5.49	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:2	C	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	4.49	0	0	DB;S	GT:/	0:63	0/1:5	G	A			0
.	##	0	0.0	0.9	0.999	0.998	5.6	4.76	0	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:2	G	A			0
.	##	0	.	.	.	1,A	.	5.58	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:5	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	G	A			0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:51	0/1:5	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	3.9	1.88	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:5	A	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:5	G	T			0
0.011	0	0	.	.	.	.	2.5	.	.	.	DB;S	GT:/	0:12	0/1:2	C	T			0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	DB;S	GT:/	0:22	0/1:5	T	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:9	C	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:50	0/1:6	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:13	0/1:1	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:5	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:5	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:54	0/1:6	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:3	A	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:3	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:66	0/1:5	C	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:21	0/1:2	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:36	0/1:5	A	C			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:38	0/1:5	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:2	C	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:61	0/1:6	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.50	.	.	SOM	GT:/	0:53	0/1:6	C	T			0
.	.	.	.	.	.	1,A	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:5	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.84	.	.	DB;S	GT:/	0:21	0/1:2	T	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:9	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	C	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.1	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	C	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:17	0/1:3	T	C			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:9	G	T			0
.	##	0	.	.	.	.	.	1.27	.	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:2	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	3.3	3.26	.	.	SOM	GT:/	0:90	0/1:1	C	T			0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	1,D	4.9	5.51	.	.	SOM	GT:/	0:89	0/1:1	G	A			0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.2	3.76	.	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:2	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:34	0/1:4	A	G			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:50	0/1:3	C	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:80	0/1:9	T	C			0
.	##	0	0.0	0.1	0.958	1,N	3.7	1.71	.	.	SOM	GT:/	0:63	0/1:7	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:42	0/1:4	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:3	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:20	0/1:3	T	C			0
.	.	.	0.0	1.0	1.0,D	1,D	5.2	4.19	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:4	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:2	G	A			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:2	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:46	0/1:5	C	T			0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:1	G	A			0
.	.	.	0.1	0.9	0.999	1,N	4	3.15	.	.	SOM	GT:/	0:15	0/1:2	C	T			0
2E-04	##	0	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:2	G	A			0
.	.	.	.	.	.	1,A	4.8	8.04	.	.	SOM	GT:/	0:32	0/1:8	T	A			0

.	##	0	.	.	.	.	.	1.66	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:4	C	T	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:29	0/1:3	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.72	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:3	G	A	0
.	.	.	0.6	0.0	0.001	0.987	3.8	1.70	.	.	SOM	GT:/	0:33	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:24	0/1:6	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:4	G	T	0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	1,D	4.2	5.24	.	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:25	0/1:3	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:27	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.3	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:3	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	SOM	GT:/	0:10	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.68	0	.	SOM	GT:/	0:22	0/1:7	T	G	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:5	C	T	0
.	##	0	0.0	1.0	1.0,D	1,D	2.7	3.85	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:4	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	4.5	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.48	.	.	SOM	GT:/	0:78	0/1:9	A	C	0
.	##	0	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:23	0/1:2	C	T	0
0.011	0	0	0.0	0.1	0.899	0.996	4	3.11	0	.	DB;S	GT:/	0:16	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:5	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:41	0/1:7	C	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.7	5.49	.	.	SOM	GT:/	0:34	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.2	0.0	0.001	1.000	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:56	0/1:4	T	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	5.8	4.83	.	.	SOM	GT:/	0:17	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	DB;S	GT:/	0:25	0/1:2	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SOM	GT:/	0:27	0/1:3	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	3.4	.	.	.	SOM	GT:/	0:26	0/1:3	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:18	0/1:2	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SOM	GT:/	0:9,(	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:25	0/1:8	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	2.50	.	.	SOM	GT:/	0:11	0/1:1	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	0.997	1.000	5.9	4.12	.	.	SOM	GT:/	0:62	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	4.1	.	.	.	SOM	GT:/	0:45	0/1:5	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	2.7	2.12	.	.	SOM	GT:/	0:79	0/1:8	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	.	.	.	SOM	GT:/	0:12	0/1:2	T	A	0
.	.	.	1.0	0.0	0.0,B	1,N	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:5	G	T	0
.	##	0	0.0	0.0	0.313	0.999	2.5	2.21	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	2.3	1.83	.	.	SOM	GT:/	0:28	0/1:2	T	A	0
.	.	.	0.0	0.0	0.665	1.000	4.9	1.86	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0	DB;S	GT:/	0:26	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:40	0/1:3	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:31	0/1:3	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	5	.	.	.	SOM	GT:/	0:16	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	.	.	0.982	.	2.98	.	.	SOM	GT:/	0:14	0/1:1	A	T	0
.	.	.	0.9	0.9	0.999	1.000	5.8	1.57	.	.	SOM	GT:/	0:76	0/1:8	T	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:70	0/1:1	T	C	0
.	.	.	.	.	.	1,A	5.9	13.3	.	.	SOM	GT:/	0:43	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	1,D	.	2.38	.	.	SOM	GT:/	0:48	0/1:6	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:53	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.26	0	.	SOM	GT:/	0:10	0/1:2	A	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.2	SOM	GT:/	0:8,(	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2.1	.	.	.	SOM	GT:/	0:20	0/1:7	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	DB;S	GT:/	0:19	0/1:2	T	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SOM	GT:/	0:35	0/1:3	C	A	0

.	##	0	0.9	0.0	0.025	0.979	4.8	.	.	.	SON	GT:A	0:48	0/1:7	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:27	0/1:3	G	A	0
.	##	0	0.1	0.0	0.019	1,N	.	.	.	.	SON	GT:A	0:52	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:53	0/1:5	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.00	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:7	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:81	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:22	0/1:4	G	A	0
.	##	0	0.1	0.1	0.205	1.000	5.1	3.30	.	.	SON	GT:A	0:57	0/1:9	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	3.7	.	.	.	SON	GT:A	0:14	0/1:3	C	T	0
.	.	.	0.2	0.0	0.358	1,N	.	.	.	.	SON	GT:A	0:17	0/1:1	T	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:19	0/1:2	A	G	0
.	.	.	0.0	0.8	0.983	0.886	4.2	3.66	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:9	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SON	GT:A	0:37	0/1:3	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	0.1	SON	GT:A	0:15	0/1:8	G	T	0
.	.	.	0.0	.	.	1,D	4.6	1.63	.	.	SON	GT:A	0:58	0/1:9	G	A	0
.	.	.	0.0	0.5	0.927	1.000	5.1	4.23	.	.	SON	GT:A	0:32	0/1:5	C	G	0
.	##	0	0.2	0.0	0.012	1,N	.	.	.	.	SON	GT:A	0:19	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:44	0/1:7	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.1	0.2	SON	GT:A	0:23	0/1:2	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0.3	0.6	SON	GT:A	0:9,0	0/1:1	A	C	0
.	0	0	.	.	.	.	3.2	2.71	.	.	SON	GT:A	0:28	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	0.997	4.6	2.87	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:9,0	0/1:1	A	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.11	.	.	SON	GT:A	0:28	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:29	0/1:1	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	3.37	.	.	SON	GT:A	0:10	0/1:8	G	A	0
.	.	.	0.0	0.4	0.883	1.000	4.7	4.04	.	.	SON	GT:A	0:38	0/1:5	C	G	0
.	##	.	0.3	0.0	0.002	0.974	.	1.77	.	.	SON	GT:A	0:40	0/1:5	G	C	0
.	##	0	0.1	0.0	0.087	0.985	4.1	1.73	.	.	SON	GT:A	0:83	0/1:1	C	T	0
.	.	.	0.0	0.9	0.999	1.000	4.1	4.31	.	.	SON	GT:A	0:13	0/1:9	G	A	0
.	.	.	0.0	0.9	1.0,D	1,D	4.8	5.03	.	.	SON	GT:A	0:20	0/1:2	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:9,0	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:22	0/1:4	G	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	0	.	SON	GT:A	0:12	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:13	0/1:1	C	A	0
.	.	.	.	.	.	.	2	.	.	.	SON	GT:A	0:23	0/1:1	C	G	0
.	.	.	.	.	.	.	2.5	2.83	.	.	SON	GT:A	0:11	0/1:8	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:28	0/1:1	G	C	0
.	.	.	.	.	.	.	2.9	.	.	.	SON	GT:A	0:21	0/1:1	C	T	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:33	0/1:5	A	G	0
.	.	.	.	.	.	.	.	1.29	0.5	0.5	SON	GT:A	0:13	0/1:2	G	A	0
.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	SON	GT:A	0:55	0/1:8	G	A	0

shared_he	OMIM	GWAS_Pu	HGM	GO_	GO_	GO_	KEG(	PID	BIO	REACTOME_PATHWAY
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Homocysti	NA	.	CAR	.	OXII	KEG(	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_VIT/
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Rhabdomy	NA	.	CELI	.	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	RNA	KEG(	PID	.	REACTOME_RNA_POL_II_TRANSCF
0	.	NA	.	RNA	ORG	RNA	KEG(	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CAR	.	OXII	KEG(	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI(
0	.	NA	.	LIPII	INTF	TRAI	.	.	.	REACTOME_PHOSPHOLIPID_META
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUL	.	REC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Malaria, re	NA	.	SIGN	.	.	KEG(	PID	BIO	REACTOME_IMMUNOREGULATORY
0	.	NA	.	NEG	NUC	TRAI	.	PID	.	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	HEM skele	NA	.	.	ORG	DNA	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_LIPI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTF	INTE	KEG(	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;RE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PRO	
0	Mowat-Wil	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	NUC	.	.	PID	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	ORG	LIGA	KEGG	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_TRN	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	G_PI	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR	
0	Spinal mus	NA	.	PRO	.	UNF	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRA	.	PID	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	N_TE	NUC	HIST	KEGG	PID	BIO	REACTOME_PRE_NOTCH_TRANSC	
0	Nail disord	NA	.	MEM	CYT	LIPA	KEGG	.	.	.	
0	.	NA	.	EST	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	CM1	EST	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	REG	.	.	KEGG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NOI	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	BIOF	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;	
0	.	NA	.	CELI	PRO	PRO	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_WNT;F	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	COF	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Coenzyme	NA	.	ISOF	.	TRA	KEGG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR	
0	.	NA	.	MUS	MEM	.	.	.	BIO	.	

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	MAC	EUK	TRAI	.	.	.	REACTOME_TRANSLATION;REACT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUS	.	EXO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	.	SING	.	PID	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PHO	CYT	PHO	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Telangiecta	NA	.	REG	INTR	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	IDEN	.	.	.	.
0	Thrombotic	NA	.	BIOF	PRO	INTE	.	.	.	.
0	Dopamine	NA	.	CELI	CYT	.	KEGC	.	BIO	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	.	.	.	.	REACTOME_MEMBRANE_BINDING_
0	Deafness,	NA	.	PRO	ORG	HYD	.	.	.	.
0	Deafness,	NA	.	PRO	ORG	HYD	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUS	CYT	ACTI	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	?Retinitis p	NA	.	LIPID	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Preeclamp	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cholestery	NA	.	GLY(	CYT(	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Epidermoly	NA	.	SYS	INTR	.	.	PID	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	.	ACID	KEGC	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ENZ	CYT(	NUC	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	SYN	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SULI	.	SULI	KEGC	.	.	REACTOME_CHONDROITIN_SULFA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	PHO	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Emery-Dre	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	GTP	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Immunode	NA	.	.	ORG	STR	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Growth ret	NA	.	PAT	.	.	.	.	.	.
0	Myeloid leu	NA	.	RNA	.	RNA	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	Brittle corn	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Retinitis pi(	NA	.	RNA	ORG	RNA	KEG(	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	HYD	.	PID	.	.
0	.	NA	.	GAM	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Deafness,	NA	.	SEN	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	.	HYD	.	.	.	.
0	Cortical dy:	NA	.	MICI	ORG	STRI	.	PID	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Amelogene	NA	.	RNA	.	ENZ'	KEG(	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CELI	.	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	OXY	KEG(	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CAR	.	ELE(	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	.	TRAI	KEG(	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CAR	INTI	TRAI	KEG(	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GAM	ORG	CHR	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Renal cell	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	Renal cell	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	Aland Islar	NA	.	DET	INTR	CAT	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	ORG	.	.	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Androgen i	NA	.	EST	CYT	LIGA	KEG	PID	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	RNA	.	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_INT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_HS_GAG_BIOSYNTHES
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	MEM	KINA	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	REG	MEM	KINA	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Meier-Gorl	NA	.	DNA	NUC	DNA	KEG	PID	BIO	REACTOME_ACTIVATION_OF_THE_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Myopia 21,	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	INTR	CAT	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	STE	CYT	TRA	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	NUC	PRO	.	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	AGIN	.	.	.	PID	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Bardet-Bie	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cardiomyo	NA	.	MUS	ORG	NUC	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	AICA-ribos	NA	.	NUC	.	HYD	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NUC
0	Alport sync	NA	.	REG	PRO	STRI	KEGG	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spinocereb	NA	.	.	INTR	CAT	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	T-cell immı	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	T-cell immı	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Tietz albini	NA	.	.	.	TRA	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Breast can	NA	.	.	.	PHO	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_FACTORS_INVOLVED_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	VIRA	.	TRA	KEGG	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Alcohol de	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cardiac arı	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	[Blood grou	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Charcot-M	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ORG	.	RAS	KEG	PID	.	REACTOME_FACTORS_INVOLVED_
0	.	NA	.	RNA	NUC	TRA	KEG	PID	.	REACTOME_PRE_NOTCH_TRANSC
0	.	NA	.	BIOF	NUC	PHO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	.	CAT	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	ISOM	KEG	.	.	REACTOME_CHONDROITIN_SULFA
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.
0	Ciliary dysl	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	CELI	ANIC	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TF
0	.	NA	.	EST	ORG	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	ORG	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	INTR	PRO	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Occult mac	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spastic pa	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICK
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TF
0	Lymphopla	NA	.	RNA	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	GTP	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;

0	.	NA	.	CELI	MEM	CATI	KEGG	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	Megaloblas	NA	.	EST/	MEM	PRO	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_STE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_PRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	.	CYT(	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DIGE	PRO	STRI	KEGG	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	{Pulmonar	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	ORG	RAS_	.	.	.	.
0	Exostoses,	NA	.	SYS'	ORG	.	KEGG	.	.	REACTOME_HS_GAG_BIOSYNTHES
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	POS	.	.	KEGG	PID_	.	REACTOME_VEGF_LIGAND_RECEP
0	.	NA	.	BIOF	CYT(	ACID	KEGG	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	REACTOME_MHC_CLASS_II_ANTIG
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	CYT(	RAS_	KEGG	PID_	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	REG	CYT(	RAS_	KEGG	PID_	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Deafness,	NA	.	LYS(	ORG	CALI	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA_	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GLY(	INTR	EXO	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spermatog	NA	.	SYS'	CELI	OXID	KEGG	.	BIO	REACTOME_LATENT_INFECTION_C
0	.	NA	.	.	NUC	TRAI	KEGG	PID_	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	DNA_	NON	TRAI	KEGG	PID_	BIO	REACTOME_TRIF_MEDIATED_TLR3
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	CYT(	SER	.	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.
0	Glaucoma	NA	.	EST/	PRO	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	.	CATI	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Bartter syn	NA	.	.	MEM	CATI	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTF	.	KEG(	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TF
0	Weill-Marc	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Lissencepl	NA	.	CEN	ORG	MICF	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Floating-Ha	NA	.	RNA	.	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Ciliary dysl	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	[Anhaptogl	NA	.	DEFI	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Combined	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Combined	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_INTERFERON_ALPHA_	
0	.	NA	.	CAL(	CELI	IDEN	KEGC	.	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	MOT	KEGC	.	.	.	
0	.	NA	.	GAM	ORG	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	GAM	ORG	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Night blind	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Colorectal	NA	.	SIGN	NUC	.	KEGC	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	CYT(	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	PRO	ORG	CHA	.	.	.	REACTOME_PROTEIN_FOLDING;RE	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Cerebral ci	NA	.	BIOS	.	MET	KEGC	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	MET	KEGC	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	MET	KEGC	.	.	.	
0	Spastic pa	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	EST/	INTR	ACTI	.	.	.	REACTOME_GLUTAMATE_NEUROT	
0	.	NA	.	REG	NUC	SEQ	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Central cor	NA	.	EST/	INTR	CATI	KEGC	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	REG	INTR	PEP	KEGC	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR	

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOS	RIBC	REC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	PID	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI(
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	PID	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	INTR	CATI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Conotrunc	NA	.	SYS	NUC	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GAM	ORG	CHR	.	.	.	.
0	Opitz GBB	NA	.	PAT	ORG	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Lujan-Fryn	NA	.	RNA	NUC	RNA	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Lissencepl	NA	.	SYS	ORG	MICF	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Dent disea	NA	.	LIPII	ORG	PHO	KEGC	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	Hypothyroi	NA	.	SIGN	INTR	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	CYT(	ENZ	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cardiac va	NA	.	NUC	CYT(	ACTI	KEGC	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	NUC	NUC	.	PID	BIO	.
0	?Neurobla	NA	.	DNA	.	TRAI	KEGC	PID	BIO	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	Hypobetali	NA	.	REG	EXTI	INTE	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SEN	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	STR	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ENZ	.	.	KEG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	ACID	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	IDEN	KEG	PID	BIO	.
0	AICA-ribos	NA	.	NUC	.	HYD	KEG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NUC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_FACTORS_INVOLVED_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_FACTORS_INVOLVED_
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Vesicouret	NA	.	SYS	CELI	IDEN	KEG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	DEF	.	LIPA	KEG	.	.	REACTOME_PHOSPHOLIPID_META
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Breast can	NA	.	.	.	PHO	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	Breast can	NA	CM1	.	.	PHO	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	RIBC	RNA	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DET	INTR	.	KEGG	.	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RES	CYT	.	.	.	.	.	.
0	{Abacavir h	NA	.	DEF	CELL	.	KEGG	.	.	REACTOME_ANTIGEN_PROCESSIN	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCR	
0	.	NA	.	REG	.	LIGA	KEGG	PID	BIO	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_PPARA_ACTIVATES_G	
0	.	NA	.	.	.	TRA	KEGG	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI	
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	PID	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MA	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Diabetes m	NA	.	REG	.	CAR	KEGG	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	EXT	HYD	KEGG	PID	BIO	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC	
0	Tumoral ca	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GLU	CYT	PHO	.	.	.	REACTOME_PYRUVATE_METABOL	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Premature	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIG	EXT	REC	.	PID	.	REACTOME_CELL_SURFACE_INTE	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR	
0	Cohen syn	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Seizures, b	NA	.	EST	INTR	CAT	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Craniosync	NA	.	.	INTR	.	KEGG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ADH	STR	.	.	.	.	

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TF
0	Maturity-or	NA	.	REG	CYT(	.	KEG(	.	.	.
0	Aortic valv	NA	.	MUS	NUC	.	KEG(	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	MAC	.	.	.	.	.
0	Brugada sy	NA	.	MUS	MEM	CATI	KEG(	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cardiomyo	NA	.	MAC	ADH	OXID	KEG(	PID	BIO	REACTOME_RESPONSE_TO_ELEV/
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	.	KINA	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	HYD	.	PID	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Bladder ca	NA	CM0	.	.	.	KEG(	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	SIGN	CYT(	CATI	KEG(	.	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	Warsaw br	NA	.	POS	ORG	.	.	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICK
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Leukemia,	NA	.	ENZ	INTR	TRAI	KEG(	.	BIO	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	REC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	EXTI	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mainzer-Sa	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DEFI	EXTI	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_PYRUVATE_METABOL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Fanconi ar	NA	.	DNA	CYT(	.	.	PID	.	REACTOME_FANCONI_ANEMIA_PA
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	NEG	.	TRAI	.	.	.	.
0	Mitochondi	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Koolen-De	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	CATI	KEG(	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	Amyotroph	NA	.	PRO	ORG	HYD	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Diabetes r	NA	.	REG	INTR	G_PI	KEGC	.	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	PID_	BIO	REACTOME_VITAMIN_B5_PANTOTH
0	.	NA	.	DNA_	CYT(	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	RNA_	.	RNA_	.	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	DNA_	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_TRANSCRIPTION_COU
0	.	NA	.	EST/	ORG	.	.	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_PRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	NUC	ACTI	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	LIPID	CYT(	LIPA	.	.	.	REACTOME_ACYL_CHAIN_REMODE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spinocereb	NA	.	DNA_	.	PHO	KEGC	PID_	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spinocereb	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GAM	EXTI	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ANA'	.	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA_	NUC	.	KEGC	.	BIO	REACTOME_ACTIVATION_OF_THE_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ACTI	ORG	CATI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CELI	.	.	.	.	.
0	Neutropeni	NA	.	REG	NON	GTP/	KEGC	PID_	.	REACTOME_TCR_SIGNALING;REAC
0	Aland Islan	NA	.	DET	INTR	CATI	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	ORG	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_HIPPO
0	Tn polyagg	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_
0	CHILD syn	NA	.	BIOS	CYT	STEI	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_LIPI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	CYT	NUC	.	PID	BIO	.
0	.	NA	.	BIOF	.	ACID	KEGG	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	MITC	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_DNA_REPAIR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	[Rh-negati	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUL	PRO	INTE	.	PID	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Psychomot	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	NUC	.	TRA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUL	.	.	.	PID	.	.
0	Cone-rod d	NA	.	EST	CELI	NUC	KEGG	.	.	REACTOME_ABC_FAMILY_PROTEIN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	MEM	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_CROSS_PRESENTATIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	REG	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	ACT	ORG	RAS	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	{Myocardia	NA	.	POS	INTR	.	KEGG	.	.	.	
0	Microcepha	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	BIO	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	BIO	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	LIGA	KEGG	PID	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NUC	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Cystinuria	NA	.	EST/	INTR	ACTI	.	.	.	REACTOME_AMINO_ACID_TRANSP	
0	Cystinuria	NA	.	EST/	INTR	ACTI	.	.	.	REACTOME_AMINO_ACID_TRANSP	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(	
0	Miyoshi mu	NA	.	SYS	MEM	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	ISOF	ORG	OXID	KEGG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	INTR	CATI	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	BIO	REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	NEG	CYT	.	KEGG	.	.	.	

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCI
0	Carbamoyl	NA	.	.	CYT	LIGA	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DEF	NUC	TRA	.	.	.	.
0	.	NA	.	DEF	NUC	TRA	.	.	.	.
0	Brachydac	NA	.	RNA	NUC	TRA	.	PID	BIO	REACTOME_NOTCH1_INTRACELLU
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_FACTORS_INVOLVED_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	Gray platel	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mitochondı	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	LIPO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Robinow s	NA	.	SIGN	EXTI	REC	KEGG	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	END	KEGG	.	.	REACTOME_BASE_EXCISION_REPA
0	.	NA	.	.	NUC	END	KEGG	.	.	REACTOME_BASE_EXCISION_REPA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hailey-Hail	NA	.	REG	ORG	CAT	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Blepharopl	NA	.	DNA	NUC	ENZ	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	.
0	Cutaneous	NA	.	DNA	.	PRO	KEGG	PID	BIO	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_(
0	Bleeding d	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	Leukemia,	NA	.	SYS	CYT	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Fanconi-Bi	NA	.	EST	INTR	SUG	KEGG	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	SMA	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	ORG	.	KEGG	PID	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	REG	NUC	RNA	KEGG	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	NUC	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.	
0	.	NA	.	SIGN	CYT(	.	.	.	.	.	
0	Wolfram sy	NA	.	.	MAC	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	EXTI	CAR	.	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Ceroid lipo	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	[Blood grou	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	SIGN	CYT(	PHO	KEGC	.	.	REACTOME_NITRIC_OXIDE_STIMUI	
0	Short rib-p	NA	.	.	CYT(	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	CELI	CYT(	CAT	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Increased i	NA	.	SYS	INTR	REC	KEGC	PID_	BIO	REACTOME_GROWTH_HORMONE_	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Sandhoff d	NA	.	.	.	PRO	KEGC	.	.	REACTOME_GLYCOSPHINGOLIPID_	
0	Sandhoff d	NA	.	.	.	PRO	KEGC	.	.	REACTOME_GLYCOSPHINGOLIPID_	
0	D-bifunctio	NA	.	.	CYT(	LIPIE	KEGC	.	BIO	REACTOME_BILE_ACID_AND_BILE_	
0	Usher syno	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_CYTOSOLIC_TRNA_AM	
0	Usher syno	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_CYTOSOLIC_TRNA_AM	
0	.	NA	.	SIGN	NUC	HYD	.	.	.	.	
0	Hyperekple	NA	.	REG	INTR	EXC	KEGC	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	CELI	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	RES	CYT(	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	GAM	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_(	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	RNA	NUC	RNA	KEGC	.	.	.	
0	.	NA	.	RNA	NUC	RNA	KEGC	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	{Asthma, s	NA	.	RNA	CELI	REC	KEGC	PID_	BIO	REACTOME_EXTRINSIC_PATHWAY	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	BIOF	NUC	PHO	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Adrenal hy	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_STE	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	RNA	NUC	SPE(	KEGC	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	

0	Combined	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_TRN
0	.	NA	.	.	INTR	G_PI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DEFENSINS;REACTOM
0	.	NA	.	MITC	ORG	PHO	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	REG	CYT	ENZ	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.
0	Spastic pa	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	{Prostate c	NA	.	REG	CYT	STR	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Alopecia, r	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Alopecia, r	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Weaver sy	NA	.	RNA	NUC	HIST	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Maturity-or	NA	.	SIGN	.	.	.	PID	.	REACTOME_ANTIGEN_ACTIVATES_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICK
0	{?Schizoph	NA	.	NEG	.	TRA	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	EST	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_I
0	.	NA	.	.	NUC	IDEN	.	PID	BIO	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_(
0	.	NA	.	SYS	.	TRA	.	PID	.	REACTOME_NOTCH1_INTRACELLU
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	RNA	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spastic pa	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spastic pa	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	.	.	KEG(	PID	BIO	REACTOME_TRAF6_MEDIATED_IRF	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Choreoaca	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_NOTCH1_INTRACELLU	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.	
0	Nail-patella	NA	.	RNA	NUC	TRAI	.	.	.	.	
0	.	NA	.	CELI	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	ENZ	.	.	KEG(	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	CYT(	IDEN	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_MRI	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC	
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC	
0	Deafness,	NA	.	REG	NON	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Microcepha	NA	.	M_P	ORG	MICI	.	.	.	REACTOME_MHC_CLASS_II_ANTIG	
0	.	NA	.	.	NUC	TRAI	.	.	.	.	
0	{Age-relate	NA	.	.	.	LIPII	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Charcot-M	NA	.	.	MEM	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Denys-Dra	NA	.	.	.	.	.	PID	BIO	.	
0	.	NA	.	.	NUC	NUC	KEG(	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	POS	.	.	KEG(	PID	.	REACTOME_VEGF_LIGAND_RECEF	
0	.	NA	.	.	CYT(	DRU	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	CYT(	DRU	.	.	.	.	

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Glaucoma	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	KEGG	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	ORG	PEP	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	PEP	.	.	.	.
0	Megalence	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	HYD	KEGG	.	.	REACTOME_GLYCOLYSIS;REACTO
0	.	NA	.	.	.	HYD	KEGG	.	.	REACTOME_GLYCOLYSIS;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICK
0	Warsaw br	NA	.	POS	ORG	.	.	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	RNA	.	.	.	.
0	Vitamin D-	NA	.	BIOS	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_STE
0	Vitamin D-	NA	.	BIOS	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_STE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	CELI	.	.	.	PID	BIO	.
0	Arthrogryp	NA	.	.	CYT	STR	.	.	.	REACTOME_STRIATED_MUSCLE_C
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Transposit	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ACT	.	LIPA	KEGG	PID	.	REACTOME_ACYL_CHAIN_REMODE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_FACTORS_INVOLVED_
0	Spinocerel	NA	.	SYS	.	REC	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Dystonia, I	NA	.	REG	.	HYD	KEGG	.	.	REACTOME_TETRAHYDROBIOPTEI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Pheochroi	NA	.	RNA	.	TRA	KEGG	PID	BIO	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	{Pheochroi	NA	.	RNA	.	TRA	KEGG	PID	BIO	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	Microphtha	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	CYS	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_STE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	.	.	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	[Skin/hair/e	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MAC	EUK	TRAI	.	.	.	REACTOME_TRANSLATION;REACT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	MEM	ENZ	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cardiofacic	NA	.	SIGN	.	PHO	KEGC	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	SIGN	.	.	KEGC	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	INTR	CAT	KEGC	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Fanconi ar	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	Arthrogryp	NA	.	EST	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	LIPI	.	.	.	.
0	{Coronary	NA	.	MUS	NUC	.	.	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Osteopetrc	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	REC	KEGC	.	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	CYT	PHO	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_MRI
0	.	NA	.	BIOF	CYT	TRAI	.	PID	BIO	REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_S
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	.	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	.	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Systemic l	NA	.	.	INTR	.	KEGC	PID	BIO	REACTOME_CELL_SURFACE_INTEI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	REACTOME_ASSOCIATION_OF_TRI
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	CAT	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.
0	Bleeding d	NA	.	EST/	INTR	CAT	KEGC	.	. REACTOME_ELEVATION_OF_CYTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	.	KEGC	.	BIO .
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	. .
0	.	NA	.	.	.	MOT	KEGC	.	. .
0	.	NA	.	GAM	ORG	.	.	.	. .
0	Mitochondi	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	RNA	ORG	RNA	KEGC	PID	. REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	NUC	HIST	.	.	. .
0	.	NA	.	.	NUC	HIST	.	.	. .
0	.	NA	.	REG	ORG	.	.	.	. REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	Acetyl-CoA	NA	.	.	.	LIGA	KEGC	.	BIO REACTOME_TRIGLYCERIDE_BIOSY
0	.	NA	.	EST/	ORG	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	RNA	NUC	RNA	.	PID	BIO REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	Ovalocytos	NA	.	REG	INTR	ANIC	.	.	. REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	. .
0	.	NA	.	.	MEM	CAT	KEGC	PID	. REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	CYT	REC	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	Hemophag	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	SYS	MEM	MOL	KEGC	PID	BIO .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	REG	INTR	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	CYT	OXID	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	RNA	NUC	S_AI	.	.	. REACTOME_RNA_POL_II_TRANSCF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	Scalp-ear-l	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	Pitt-Hopkin	NA	.	RNA	NUC	TRA	.	PID	. REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	Osteolysis,	NA	.	POS	.	REC	KEGC	.	BIO .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	. .

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	Leukemia,	NA	.	RNA	.	PRO	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Leukemia,	NA	.	RNA	.	PRO	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	MET	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	MET	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	PID	.	.
0	.	NA	.	CHR	NUC	CHR	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hemophag	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Reduced I	NA	.	REG	EXTI	ENZ	KEGC	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	MEM	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	MEM	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	MEM	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	MEM	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	EST/	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	ORG	RNA	.	PID	BIO	REACTOME_SMAD2_SMAD3_SMAD
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Thyroid dy	NA	.	.	INTR	INOF	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	MEM	RAS	KEGC	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	GLU	KEGC	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	GLU	KEGC	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BEH	CELI	ENZ	KEGC	PID	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PRC
0	.	NA	.	BEH	CELI	ENZ	KEGC	PID	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	NUC	REC	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	SMA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	SMA	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	.	.	.	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	Spinocerel	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	Epileptic en	NA	.	.	CYTO	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;RE
0	.	NA	.	RNA	NUC	TRAI	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	RNA	NUC	TRAI	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYTO	.	.	.	.	.
0	Homocystin	NA	CM9	.	CYTO	HYD	KEGG	.	.	REACTOME_SULFUR_AMINO_ACID
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Knobloch s	NA	.	SYS	PRO	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hyperprolin	NA	CM0	.	.	OXID	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ANA	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	CYTO	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	PAT	EXTI	.	KEGG	.	.	REACTOME_PRE_NOTCH_EXPRES
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	Nephronop	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Colorectal	NA	.	REG	NUC	TRAI	KEGG	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	RNA	.	RNA	.	.	.	REACTOME_PPARA_ACTIVATES_G
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	.	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GAM	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	POS	.	RNA	KEGG	.	BIO	REACTOME_TRAFFICKING_AND_PI

0	.	NA	.	POS	.	RNA	KEG(	.	.	REACTOME_TRAFFICKING_AND_PI
0	Becker mu	NA	.	BIOS	PRO	ACTI	KEG(	.	BIO	REACTOME_STRIATED_MUSCLE_C
0	Brunner sy	NA	.	BEH.	.	.	KEG(	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI(
0	?Sarcoma,	NA	.	.	NUC	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	EXTI	REC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TCA_CYCLE_AND_RES
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Lujan-Fryn	NA	.	RNA	NUC	RNA	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	{Asperger :	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	.	.	.	KEG(	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	MUL	.	DNA	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	.	HYD	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTF	.	.	.	.	REACTOME_APOPTOTIC_CLEAVAG
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CEN	ORG	STRI	.	.	.	.
0	Rhabdomy	NA	.	CELI	.	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	CYT(	.	.	.	.	REACTOME_INTERFERON_ALPHA_
0	.	NA	.	NUC	.	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_INHIBITION_OF_THE_F
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOS	ORG	STEI	KEGG	.	.	.
0	Hypomyeli	NA	.	EST/	CYT	ACTI	.	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_PRC
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hypertensi	NA	.	REG	INTR	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	Cerebellar	NA	.	REG	EXTI	OXID	KEGG	PID	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	Cerebellar	NA	.	REG	EXTI	OXID	KEGG	PID	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	AXO	EXTI	REC	KEGG	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Neuropath	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hyperglyci	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_AMINO_ACID_TRANSP
0	.	NA	.	REG	.	.	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	Ehlers-Dar	NA	.	.	.	MET	.	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Emery-Dre	NA	.	ORG	SYN/	ACTI	.	.	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_ACTIVATED_NOTCH1_
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Myoclonus	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	5-oxoprolir	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	.	.	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	NEG	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	.	.	.	.	.	.
0	Pachyonyc	NA	.	SYS	ORG	.	.	.	.	.
0	Lethal con(	NA	.	ENZ	INTR	TRAI	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4
0	.	NA	.	DNA	NUC	DAM	KEGG	.	.	REACTOME_BASE_EXCISION_REPA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	NUC	ACTI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Cerebral i	NA	.	BIOF	.	PHO	KEG(	PID	BIO	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	Tyrosinemi	NA	.	CAR	CYT(	OXID	KEG(	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CAR	ORG	LIGA	KEG(	.	.	REACTOME_BILE_ACID_AND_BILE_
0	.	NA	.	EST/	CYT(	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cortical dy	NA	.	MICF	ORG	STRI	.	PID	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RES	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	IMM	INTR	.	KEG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SEN	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	REC	KEG	.	.	REACTOME_IMMUNOREGULATORY
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	TRA	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	NON	ACT	KEG	PID	.	.
0	Mental reta	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	.	KEG	.	.	REACTOME_ANTIVIRAL_MECHANIS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	POS	.	.	.	.	.	REACTOME_ACTIVATED_NOTCH1_
0	.	NA	.	REG	CYT	NUC	.	PID	BIO	.
0	.	NA	.	REG	CYT	NUC	.	PID	BIO	.
0	.	NA	.	REG	CYT	NUC	.	PID	BIO	.
0	.	NA	.	REG	CYT	NUC	.	PID	BIO	.
0	{Epilepsy,	NA	.	SIGN	INTR	GAB	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	MEM	PHO	KEG	PID	BIO	REACTOME_TGF_BETA_RECEPTOI

0	Peroxisom	NA	.	EST/	CYT(	.	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	CYT(	HYD	KEG(	PID	BIO	REACTOME_APOPTOSIS_INDUCED
0	Nephronop	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_HIPPO
0	Nephronop	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_HIPPO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	TRA	.	.	.	.
0	Cerebellar	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cerebellar	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cerebellar	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Ehlers-Dar	NA	.	SYS	.	PRO	KEG(	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	.	NA	.	POS	.	REC	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	.	ENZ	KEG(	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	Cataract 6,	NA	.	SIGN	INTR	.	KEG(	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Parkinson	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DET	.	.	TAS	KEG(	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	ACT	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	CYT(	GTP	.	.	.	REACTOME_RAP1_SIGNALLING;RE
0	Dyssegme	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	REACTOME_HS_GAG_DEGRADATI(
0	Dyssegme	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	REACTOME_HS_GAG_DEGRADATI(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	STEI	.	.	SER	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Galactose	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_CAR
0	HMG-CoA	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_LIPI
0	.	NA	.	RNA	.	TRA	.	PID	.	.
0	Rh-null dis	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GLY(	ORG	CAT	KEG(	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PRO
0	.	NA	.	SIGN	.	TUB	KEG(	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ENZ	CELI	PRO	.	PID	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	PHO	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	Mental reta	NA	.	RNA	NUC	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	INTR	CATI	KEGG	PID	.	REACTOME_HYALURONAN_UPTAK
0	.	NA	.	REG	INTR	CATI	KEGG	PID	.	REACTOME_HYALURONAN_UPTAK
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ANA	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	IMMI	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	NEG	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	SCID due t	NA	.	REG	ORG	PRO	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_K
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUL	.	DNA	.	.	.	.
0	Palmoplan	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	CYT	MRN	.	.	.	.
0	Ceroid lipo	NA	.	REG	AXO	THIC	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	CATI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	CATI	.	.	.	.
0	Deafness,	NA	.	EST/	.	.	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	Deafness,	NA	.	EST/	.	.	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	SING	.	PID	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAF
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	PHO	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Adenocarc	NA	.	DNA	NUC	.	KEGG	.	.	.
0	Spastic pa	NA	.	CAR	INSC	HYD	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	NUC	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SPRY_REGULATION_C
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Myocardia	NA	.	EST/	.	REC	.	PID	.	REACTOME_PLATELET_HOMEOST/
0	.	NA	.	RNA	NUC	SPE(	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hypercholé	NA	.	REG	EXTI	SER	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_ACTIVATED_AMPK_ST
0	Ciliary dysl	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_IL_7_SIGNALING;REAC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	CYT	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	ORG	LIPI	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PRO
0	.	NA	.	.	INTR	G_PI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	INTR	G_PI	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	INTR	LIPII	KEGC	PID	BIO	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ENZ	INTR	CAR	.	PID	BIO	.
0	Cone-rod c	NA	.	EST/	CELI	NUC	KEGC	.	.	REACTOME_ABC_FAMILY_PROTEIN
0	Cone-rod c	NA	.	EST/	CELI	NUC	KEGC	.	.	REACTOME_ABC_FAMILY_PROTEIN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Fibrochonc	NA	.	SYS	PRO	.	KEGC	PID	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MA
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Megakaryc	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	AMIN	.	CAR	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_PRE_NOTCH_TRANSC
0	.	NA	.	POS	.	HYD	.	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	PID	.	.
0	Myoadenyl	NA	.	.	.	HYD	KEGC	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NUC
0	Myoadenyl	NA	.	.	.	HYD	KEGC	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NUC
0	Bamforth-L	NA	.	RNA	NUC	HYD	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Alagille syr	NA	.	REG	INTR	SPE(	KEGC	PID	.	REACTOME_PRE_NOTCH_TRANSC
0	Alagille syr	NA	.	REG	INTR	SPE(	KEGC	PID	.	REACTOME_PRE_NOTCH_TRANSC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	NUC	KEGC	.	.	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_TRN
0	.	NA	.	PHO	CYT(	PHO	KEGC	PID	.	REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUL	.	REC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_PRC
0	.	NA	.	RNA	CELI	RNA	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	TRAI	.	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	RNA	.	RAS	KEGC	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	DEF	.	.	.	PID	.	REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYS

0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	.	GTP	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	Leukemia,	NA	.	RNA	NUC	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	NEG	NUC	TRA	.	PID	.	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Platelet alp	NA	.	.	ORG	.	KEG	PID	BIO	REACTOME_CELL_SURFACE_INTEI
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	.	MET	.	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Leukemia,	NA	.	BIOF	.	CAT	KEG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Nephrotic s	NA	.	EST/	INTR	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	MEM	CAT	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	NUC	ORG	.	KEG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NOI
0	Leber cong	NA	.	ANA	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hypokalem	NA	.	SYS	MEM	CAT	KEG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	ORG	.	.	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_PRC
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_PHOSPHOLIPID_META
0	?Epilepsy,	NA	.	.	INTR	.	KEG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	PID	.	REACTOME_REGULATION_OF_CON
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Cortisone r	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_STE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Ataxia, pos	NA	.	EST/	INTR	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	SIGN	.	PHO	.	.	.	.
0	Choanal at	NA	.	BIOF	.	PRO	.	.	.	.
0	Choanal at	NA	.	BIOF	.	PRO	.	.	.	.
0	Retinitis pi	NA	.	REG	PRO	PRO	.	.	.	.
0	Retinitis pi	NA	.	REG	PRO	PRO	.	.	.	.
0	Retinitis pi	NA	.	REG	PRO	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	PRO	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	Hyperman	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_TRN
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_TRN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Left-right a	NA	.	ENZ	.	.	KEG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Coenzyme	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	.	PRO	.	.	.	.

0	.	NA	.	EST/	INTR	CAT	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	Arrhythmo	NA	.	REG	MEM	CAT	KEGC	.	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Megalence	NA	.	BIOF	.	.	KEGC	PID	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Thrombocy	NA	.	.	INTR	.	KEGC	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_ACYL_CHAIN_REMODE
0	Inflammato	NA	.	CELI	INTR	.	KEGC	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	.	CAT	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	MOL	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	PRO	.	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	LIGA	KEGC	PID	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NUC
0	.	NA	.	.	.	LIGA	KEGC	PID	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NUC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Neuroblas	NA	.	SYS	INTR	TRA	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	EST/	INTR	CAT	KEGC	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	Leigh synd	NA	.	EST/	ORG	MICF	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	ACT	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	ORG	ACT	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	SYS	ORG	.	.	PID	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	Doyne hon	NA	.	SEN	PRO	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GLU	.	NUC	KEGC	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;RE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_
0	GAPO syn	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	ACT	.	.	.	.
0	.	NA	.	AMI	.	.	KEGC	.	.	.
0	Miyoshi mu	NA	.	SYS	MEM	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ISOF	ORG	OXI	KEGC	.	.	.
0	Pseudoxar	NA	.	REG	INTR	LYA	.	.	.	REACTOME_PTM_GAMMA_CARBO

0	.	NA	.	MUS	MEM	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	.	.	.	.	.	.
0	Retinitis pi	NA	.	RNA	ORG	HYD	KEGG	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUL	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	MEM	.	KEGG	PID	BIO	.
0	.	NA	.	ENZ	MEM	SMA	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Colorectal	NA	.	MITO	ORG	.	KEGG	PID	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CELI	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	GTP	KEGG	PID	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	Thrombopl	NA	.	REG	.	SER	KEGG	PID	BIO	REACTOME_PTM_GAMMA_CARBOX
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	LIPI	ORG	LIPA	KEGG	.	.	REACTOME_GLYCOSPHINGOLIPID_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	.	.	.	.	.	.
0	Nemaline r	NA	.	.	SAR	STR	.	.	.	REACTOME_STRIATED_MUSCLE_C
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICK
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	IMM	.	SER	.	.	.	REACTOME_INTEGRATION_OF_EN
0	.	NA	.	IMM	.	SER	.	.	.	REACTOME_INTEGRATION_OF_EN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cholestasi	NA	.	EST	INTR	CAT	KEGG	.	BIO	REACTOME_BILE_ACID_AND_BILE_
0	Bardet-Bie	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	SIGN	CELL	GTP/	KEGG	.	.	REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURF
0	Wiskott-Al	NA	.	MAC	NON	ACTI	.	PID	.	.
0	Multiple pte	NA	.	REG	INTR	CATI	KEGG	PID	BIO	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Rhizomelic	NA	.	BIOS	CYTO	TRAI	KEGG	.	.	REACTOME_PEROXISOMAL_LIPID_
0	Pigmented	NA	.	SIGN	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	Cardiomyo	NA	.	MUS	ORG	NUC	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Ehlers-Dar	NA	.	SYST	PRO	.	KEGG	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Candidiasis	NA	.	RNA	CYTO	REC	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_K
0	.	NA	.	.	CYTO	LIPID	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELL	NUC	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	3MC syndr	NA	.	CELL	.	PHO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSLATION;REACT
0	.	NA	.	SYST	INTR	INTE	.	.	.	.
0	Cataract 4,	NA	.	SEN	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Carbamoyl	NA	.	.	CYTO	LIGA	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Buruli ulce	NA	.	MUL	INTR	.	KEGG	PID	.	REACTOME_LATENT_INFECTION_C
0	Cholestasis	NA	.	MAC	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spinal mus	NA	.	PRO	.	UNF	.	.	.	.
0	?Muscular	NA	.	ORG	SAR	STRI	KEGG	PID	.	REACTOME_STRIATED_MUSCLE_C
0	.	NA	.	MUS	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	.	KEGG	PID	BIO	.
0	{Coronary	NA	.	ENZY	VESI	PRO	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	INTR	NEU	KEGG	.	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	Perlman sy	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Perlman sy	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	PHO	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Advanced	NA	.	RHY	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	Mental reta	NA	.	EST/	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	EST/	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS'	.	.	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Atrioventric	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Fanconi ar	NA	.	.	.	.	.	PID	BIO	REACTOME_REGULATION_OF_THE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	EST/	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Pontocerel	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	LEOPARD	NA	.	CELI	ORG	.	KEG(	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	NUC	KINA	.	.	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TF
0	Colorectal	NA	.	POS	INTR	TRAI	KEG(	PID	BIO	REACTOME_TGF_BETA_RECEPTOI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GLY(	ORG	TRAI	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	CELI	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Colorectal	NA	.	DNA	.	SING	KEG(	PID	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_I
0	.	NA	.	EST/	ORG	.	.	.	.	.
0	Esophagea	NA	.	NEG	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	INTR	.	KEG(	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	EBD invers	NA	.	SYS'	PRO	.	.	PID	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	.	NA	.	NUC	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT(	CYS'	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MITC	.	RNA	.	PID	.	.
0	.	NA	.	MITC	.	RNA	.	PID	.	.
0	.	NA	.	COF	.	.	KEG(	PID	BIO	REACTOME_PPARA_ACTIVATES_G
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	CHR	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CHR	.	.	.	.	.	.
0	Sinoatrial r	NA	.	EST/	MEM	CAT	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	Hypogonac	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_
0	.	NA	.	SIGN	NUC	.	KEGG	PID	.	REACTOME_REGULATION_OF_APC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	CYT	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	GLY	PRO	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Tietz albini	NA	.	.	.	TRA	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GAM	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Urocanase	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	MUL	.	REC	KEGG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	LIPI	INTR	G_PI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	RAS	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	TRA	KEGG	PID	.	.
0	Cutaneous	NA	.	DNA	.	PRO	KEGG	PID	BIO	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MAC	CYT	TRA	.	PID	.	.
0	Combined	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRA	.	PID	BIO	REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_A(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	INTR	CAT	KEGG	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	.	NA	.	.	.	CYS	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	3-Methylcr	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	ORG	CATI	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	EXTI	REC	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	Leukemia,	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	REC	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	VIRA	.	TRAI	KEGG	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{?Bladder	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	CATI	.	.	.	.
0	.	NA	.	ANA	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	PID	.	.
0	Fetal akine	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Congestiv	NA	.	REG	INTR	AMIN	KEGG	.	.	.
0	Deafness,	NA	.	SYS	INTR	.	.	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NON	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	COACH sy	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	ACID	KEGG	.	.	REACTOME_NEGATIVE_REGULATC
0	.	NA	.	BIOF	.	ACID	KEGG	.	.	REACTOME_NEGATIVE_REGULATC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	CYT	GTP	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	GAB	KEGG	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RES	INTR	PEP	.	.	.	.
0	.	NA	.	LIPI	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Renal tubu	NA	.	.	INTR	CATI	KEGG	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MA

0	.	NA	.	.	EXTI	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	BIOF	.	PHO	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	PAT	ADH	ACTI	.	.	.	.	
0	Fraser syn	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_G0_AND_EARLY_G1;RI	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(	
0	.	NA	.	RNA	CYT(	TRAI	KEGC	PID	BIO	.	
0	Myelodysp	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	CELI	INTR	MET	KEGC	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_HS_GAG_BIOSYNTHES	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	POS	INTR	.	KEGC	.	BIO	.	
0	[Blood grou	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	CYT(	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	EST/	NON	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	NON	MOL	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	CATI	KEGC	PID	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	INTR	CATI	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR	
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.	
0	.	NA	.	ORG	NUC	.	KEGC	.	.	.	
0	Mental reta	NA	.	SIGN	CYT(	.	.	.	.	.	
0	Ciliary dysl	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	ENZ	.	PHO	.	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(	
0	.	NA	.	ENZ	.	PHO	.	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	BIOF	.	.	KEGC	PID	BIO	REACTOME_ACTIVATED_AMPK_ST	

0	Succinyl C	NA	.	.	CYT	TRA	KEG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_LIPI
0	.	NA	.	.	CYT	TRA	KEG	PID	.	REACTOME_PPARA_ACTIVATES_G
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Acrodysost	NA	.	.	INS	HYD	KEG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	ENZ	PRO	INTE	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Agammagl	NA	.	ENZ	CYT	HOR	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	DNA	NUC	.	.	PID	BIO	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	G_P	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	COF	CYT	THIC	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Wagner sy	NA	.	MUL	PRO	CAR	KEG	PID	.	REACTOME_CS_DS_DEGRADATIOI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Febrile sei	NA	.	REG	CELI	CAT	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	ARY	.	.	.	REACTOME_PTM_GAMMA_CARBO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	ORG	CHR	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	ORG	CHR	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	CELI	CYT	ENZ	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	REG	.	.	KEG	PID	BIO	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	REG	.	.	KEG	PID	BIO	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	NUC	NUC	TRA	KEG	PID	BIO	REACTOME_INTERFERON_ALPHA_
0	.	NA	.	NUC	NUC	TRA	KEG	PID	BIO	REACTOME_INTERFERON_ALPHA_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	PHO	KEG(	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_WNT;F
0	Retinitis pi(	NA	.	SEN	.	.	KEG(	PID	.	REACTOME_CGMP_EFFECTS;REAC
0	.	NA	.	.	CELI	ACTI	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	NUC	HYD	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	CYT(	.	KEG(	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	[Memory, e	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_HIPPC
0	.	NA	.	RNA	CYT(	.	KEG(	.	.	REACTOME_CYTOSOLIC_TRNA_AM
0	.	NA	.	SYS'	EXTI	.	KEG(	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Frank-ter H	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Cancer pr	NA	.	ENZ'	INTR	TRAI	KEG(	PID	.	REACTOME_NEGATIVE_REGULATI(
0	{Cancer pr	NA	.	ENZ'	INTR	TRAI	KEG(	PID	.	REACTOME_NEGATIVE_REGULATI(
0	{Cancer pr	NA	.	ENZ'	INTR	TRAI	KEG(	PID	.	REACTOME_NEGATIVE_REGULATI(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSLATION;REACT(
0	Night blind	NA	.	GLU'	INTR	GLU'	KEG(	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GLY(	.	TRAI	KEG(	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PRC
0	.	NA	.	ENE	.	.	KEG(	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PRC
0	.	NA	.	.	ORG	HYD	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	HYD	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Adult i phe	NA	.	BIOS	CELI	TRAI	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	DNA	.	.	.	.
0	Hermansk	NA	.	ORG	AXO	IDEN	.	.	.	REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICK
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Diabetes m	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hemochro	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	PID	.	REACTOME_HOMOLOGOUS_RECO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	LIGA	KEG(	.	.	REACTOME_CYTOSOLIC_TRNA_AM
0	.	NA	.	.	CYT(	.	KEG(	PID	BIO	.
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	KEG(	PID	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	KEG(	PID	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	{Diabetes,	NA	.	SIGN	BRU	CATI	KEG(	.	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	.	LIGA	KEGG	PID	BIO	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	REG	.	LIGA	KEGG	PID	BIO	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	REG	.	LIGA	KEGG	PID	BIO	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	ANA	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_TRANSLATION;REACT
0	Spermatog	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	CYT	TRA	.	.	.	.
0	.	NA	.	ENZ	.	.	.	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_
0	Retinitis pi	NA	.	REG	.	ENZ	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	TRA	.	.	.	.
0	Choriodal	NA	.	SEN	INTR	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	TRA	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	TRA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	MEM	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_MICRORNA_MIRNA_BI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Neuropath	NA	.	ORG	PRO	INTE	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MA
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	Hydatidifor	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Maple syru	NA	CM0	CAR	ORG	LYA	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	SEN	CYT	ELE	.	.	.	.
0	Congenital	NA	.	EST	INTR	SUB	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	POS	.	IDEN	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	LIGA	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	RES	NUC	.	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	.	NUC	.	.	.	REACTOME_DNA_REPAIR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	Muscular d	NA	.	MUS	PRO	STR	KEGG	PID	BIO	REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURF
0	Muscular d	NA	.	MUS	PRO	STR	KEGG	PID	BIO	REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURF
0	Cardiomyo	NA	.	ANA	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ISOF	.	OXI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	G_PI	.	.	.	.
0	Hemophag	NA	.	MEM	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_BOTULINUM_NEUROT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	INTR	SULI	KEGG	.	.	REACTOME_CHONDROITIN_SULFA

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	INTE	ORG	HYD	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	CYT	KINA	.	.	.	.
0	Emery-Dre	NA	.	ORG	SYN	ACTI	.	.	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_
0	Emery-Dre	NA	.	ORG	SYN	ACTI	.	.	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_
0	Emery-Dre	NA	.	ORG	SYN	ACTI	.	.	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_
0	.	NA	.	RES	.	OXID	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	.	NUC	DNA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Microvasc	NA	.	RNA	CYT	OXID	KEGG	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	[LPA defici	NA	.	SYS	.	PRO	.	PID	.	REACTOME_METABOLISM_OF_LIPI
0	.	NA	.	REG	.	PHO	KEGG	PID	BIO	.
0	Adenocarc	NA	.	BIOF	CYT	ACID	KEGG	PID	BIO	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Raine sync	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RES	.	HYD	.	.	.	.
0	.	NA	.	SULI	.	SULI	KEGG	.	.	REACTOME_CHONDROITIN_SULFA
0	Immunode	NA	.	REG	MEM	PRO	KEGG	PID	.	REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spastic pa	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	MEM	LIPID	.	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_ABC_FAMILY_PROTEIN
0	Ciliary dysl	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	PRO	CYT	ENZY	KEGG	.	.	REACTOME_TRIF_MEDIATED_TLR3
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	CYT	CAT	.	.	.	REACTOME_ASSOCIATION_OF_TR
0	Bardet-Bie	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	BIO	.
0	.	NA	.	POS	.	.	.	.	.	.
0	Alpha-keto	NA	.	GEN	ORG	OXI	KEG	.	BIO	REACTOME_PYRUVATE_METABOL
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	MUS	NUC	ENZ	KEG	PID	BIO	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	.	DRU	.	.	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_
0	.	NA	.	SYS	INTR	REC	KEG	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	POS	MEM	PRO	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.
0	Chronic gr	NA	.	DEF	CYT	HYD	KEG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_ACTIVATED_NOTCH1_
0	.	NA	.	EST	MEM	CAT	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ORG	SYN	LIPI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Ehlers-Dar	NA	.	SYS	PRO	.	KEG	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Dystonia-1	NA	.	MUS	PRO	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	PRO	INTR	PHO	.	.	.	.

0	.	NA	.	SIGN	NUC	TRAI	.	PID	BIO	.
0	.	NA	.	SIGN	NUC	TRAI	.	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUL	.	.	.	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	.	NA	.	.	NUC	STRI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	RNA	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT(	.	KEGG	.	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_WNT;F
0	.	NA	.	DNA	NUC	NUC	KEGG	.	BIO	REACTOME_ACTIVATION_OF_THE_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT(	.	.	.	.	.
0	Hyperlysin(	NA	.	PRO	CYT(	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	.	KEGG	.	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Myopathy,	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	Basal cell (	NA	.	.	INTR	REC	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT(	PHO	KEGG	.	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	CYT(	PHO	KEGG	.	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	Renal tubu	NA	.	SYS	CELI	.	KEGG	.	.	REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_I
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cataract 3	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_CAF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	IDEN	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cortical dy	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Alzheimer	NA	.	.	CYT(	OXID	KEGG	PID	BIO	REACTOME_TETRAHYDROBIOPTEI
0	.	NA	.	ORG	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	AXO	PHO	KEGG	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cardiomyo	NA	.	.	.	.	KEGG	.	BIO	REACTOME_ACTIVATED_AMPK_ST
0	Cardiomyo	NA	.	.	.	.	KEGG	.	BIO	REACTOME_ACTIVATED_AMPK_ST
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Ventricular	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	.	ACID	KEGG	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA

0	.	NA	.	BIOF	INTR	PRO	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	INTR	PRO	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Ceroid lipo	NA	.	SYS	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DEFENSINS;REACTOM
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CAL	CELI	IDEN	KEGC	.	.	.
0	Occult mac	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Colorectal	NA	.	REG	.	GTP	.	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_
0	Mental reta	NA	.	GLY	ORG	TRA	KEGC	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Alopecia u	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	REC	KEGC	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Persistent	NA	.	SYS	.	TRA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_FACTORS_INVOLVED_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Hypercho	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	EST	CYT	KINA	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spastic pa	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	.
0	Hypogonac	NA	.	SYS	INTR	TRA	KEGC	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Hypogonac	NA	.	SYS	INTR	TRA	KEGC	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	GAM	CELI	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	NEG	NUC	TRA	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	ORG	MICH	KEGC	.	.	REACTOME_BASE_EXCISION_REP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	PRO	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	MEM	CYT	REC	.	PID	BIO	.	
0	Cerebellar	NA	.	.	.	HYD	KEG	.	.	.	
0	CHARGE s	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	HYD	KEG	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	SIGN	.	RAS	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	CYT	LIPI	KEG	PID	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Achromato	NA	.	SEN	.	.	.	PID	.	.	
0	Achromato	NA	.	SEN	.	.	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	?DECR de	NA	.	.	CYT	OXI	.	.	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_FAT
0	?DECR de	NA	.	.	CYT	OXI	.	.	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_FAT
0	.	NA	.	GEN	.	TRA	KEG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	EST	.	AUX	.	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Ciliary dysl	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Thyroid dy	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.	
0	Birk-Barel	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	Mental reta	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	SYS	INTR	G_PI	KEG	.	.	.	
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Amelogene	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Amelogene	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Epidermoly	NA	.	.	.	STR	.	.	.	.	REACTOME_APOPTOTIC_CLEAVAG
0	.	NA	.	.	.	TRA	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	TRA	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	{?Schizoph	NA	.	EST	INTR	ACT	.	.	.	.	REACTOME_GLUTAMATE_NEUROT
0	Hydroceph	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	NUC	TRA	.	PID	.	.	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSC
0	Bifid nose	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Bifid nose	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	.	KEGG	.	.	REACTOME_TCA_CYCLE_AND_RES
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GAM	.	PHO	.	.	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Obesity, hy	NA	.	ENZ	INTR	GRO	KEGG	PID	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	CYT	.	KEGG	.	.	REACTOME_CYTOSOLIC_TRNA_AM
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	TRA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	PRO	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Porphyria,	NA	.	COF	.	HYD	KEGG	.	BIO	REACTOME_METABOLISM_OF_POR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	EXTI	MET	.	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	Microcepha	NA	.	.	ORG	KINA	.	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	POS	CYT	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Charcot-M	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	Epileptic e	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GLUTAMATE_NEUROT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	NUC	CYT	ACID	KEGG	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_VIT
0	Telangiect	NA	.	REG	INTR	.	.	PID	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	STR	.	PID	.	.	.
0	Epileptic e	NA	.	.	ORG	ACT	KEGG	PID	BIO	.	REACTOME_APOPTOTIC_CLEAVAG
0	Epileptic e	NA	.	.	ORG	ACT	KEGG	PID	BIO	.	REACTOME_APOPTOTIC_CLEAVAG
0	Epileptic e	NA	.	.	ORG	ACT	KEGG	PID	BIO	.	REACTOME_APOPTOTIC_CLEAVAG
0	Epileptic e	NA	.	.	ORG	ACT	KEGG	PID	BIO	.	REACTOME_APOPTOTIC_CLEAVAG
0	.	NA	.	REG	UBIQ	ACID	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	AMI	CYT	.	.	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	AMI	CYT	.	.	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	GLY	ORG	HYD	KEGG	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PRO
0	?Carnitine	NA	.	GEN	.	.	KEGG	.	.	.	REACTOME_PEROXISOMAL_LIPID_
0	?Carnitine	NA	.	GEN	.	.	KEGG	.	.	.	REACTOME_PEROXISOMAL_LIPID_
0	.	NA	.	ENZ	.	.	KEGG	PID	BIO	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	SYS	INTR	.	.	.	.	.	.
0	Amyotroph	NA	.	DNA	NUC	DNA	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSC
0	.	NA	.	.	.	GTP	KEGG	PID	BIO	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	GLY	.	.	KEGG	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Dopamine	NA	.	CELI	CYT	.	KEGG	.	BIO	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	Ehlers-Dar	NA	.	.	PRO	.	KEGG	PID	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Ehlers-Dar	NA	.	.	PRO	.	KEGG	PID	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Ehlers-Dar	NA	.	.	PRO	.	KEGG	PID	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Aortic valv	NA	.	MUS	NUC	.	KEGG	PID	BIO	.	.
0	Aortic valv	NA	.	MUS	NUC	.	KEGG	PID	BIO	.	.
0	Aortic valv	NA	.	MUS	NUC	.	KEGG	PID	BIO	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	POS	.	.	KEGG	PID	BIO	.	REACTOME_EXTRINSIC_PATHWAY
0	Mental reta	NA	.	OLIG	INTR	CAT	KEGG	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PRO
0	Hypophosp	NA	.	REG	MEM	CAT	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Kleefstra s	NA	.	ONE	.	HIST	KEGG	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	CYT	HYD	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	HYD	.	.	.	.	
0	.	NA	.	PRO	ORG	MET	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	MAI	NUC	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	MAI	NUC	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Megaloblas	NA	.	EST	MEM	PRO	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_STE	
0	Megaloblas	NA	.	EST	MEM	PRO	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_STE	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	NEG	CYT	ENZ	.	.	.	.	
0	.	NA	.	SYS	CYT	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Deafness,	NA	.	PRO	ORG	HYD	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURF	
0	Thrombocy	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Thrombocy	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	MUS	CYT	ACT	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Myasthenic	NA	.	.	CYT	.	KEG	.	.	REACTOME_PHOSPHOLIPID_META	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Deafness,	NA	.	REG	NON	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Thyroid pa	NA	.	.	.	STR	KEG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	DNA	ORG	DNA	.	.	.	.	
0	.	NA	.	SYS	PRO	CAR	.	PID	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT	
0	.	NA	.	CEL	ORG	NUC	.	PID	.	.	
0	Hemophag	NA	.	MUL	.	.	KEG	PID	BIO	.	
0	Deafness,	NA	.	REG	NON	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	CYT	OXI	KEG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	PRO	CAT	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	REG	MEM	CAR	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	

0	Cone-rod d	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	MEM	.	.	PID	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Rhabdomy	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Agammagl	NA	.	SYS	.	MOL	KEGG	PID	BIO	.	REACTOME_ANTIGEN_ACTIVATES_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spastic pa	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Urofacial s	NA	.	.	.	HYD	KEGG	.	.	.	REACTOME_HS_GAG_DEGRADATI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Epidermol	NA	.	SYS	INTR	.	.	PID	.	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	REC	.	PID	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	CYT	RNA	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	CYT	GTP	KEGG	PID	BIO	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	CELI	CYT	GTP	KEGG	PID	BIO	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	BIO	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	PRO	.	KEGG	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_WNT;F
0	.	NA	.	SYS	EXTI	ENZ	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Epileptic e	NA	.	EST	ORG	ACT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Pulmonar	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	{Pulmonar	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	{Pulmonar	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	{Pulmonar	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	{Pulmonar	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL

0	Segawa sy	NA	.	ANA	.	OXID	KEGG	PID	BIO	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Immunode	NA	.	PHO	INTR	.	KEGG	PID	.	REACTOME_IMMUNOREGULATORY
0	.	NA	.	.	INTR	SUB	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	SUB	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	NUC	TRA	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	KEGG	PID	.	REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Ovarian ca	NA	.	.	.	HYD	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	HYD	KEGG	.	BIO	REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_S
0	Rickets du	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_STE
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	BIO	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	.	G_PI	.	PID	.	REACTOME_TRIF_MEDIATED_TLR3
0	Glycogen s	NA	.	.	CYT	OXID	KEGG	PID	BIO	REACTOME_PYRUVATE_METABOL
0	Hyperekple	NA	.	CELI	.	CATI	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	ORG	.	.	PID	BIO	REACTOME_APOPTOTIC_CLEAVAG
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hemolytic	NA	.	REG	CELI	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_TRIGLYCERIDE_BIOSY
0	.	NA	.	.	.	IDEN	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	ORG	.	.	PID	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_MRNA_DECAY_BY_5_T
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PHO	.	OXID	KEGG	.	.	REACTOME_PPARA_ACTIVATES_G
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ORG	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	McArdle di	NA	.	GLU	.	TRA	KEGG	.	BIO	REACTOME_GLYCOGEN_BREAKDO
0	.	NA	.	BIOF	CYT	ACID	KEGG	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS

0	.	NA	.	.	NUC	KINA	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_ACTIVATION_OF_THE_
0	.	NA	.	EST/	.	CATI	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	.	NA	.	PRO	ORG	PHO	KEGG	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Metastasis	NA	.	CELI	.	GTP/	KEGG	PID	.	REACTOME_RAP1_SIGNALLING;RE
0	Metastasis	NA	.	CELI	.	GTP/	KEGG	PID	.	REACTOME_RAP1_SIGNALLING;RE
0	Aicardi-Go	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	REACTOME_MHC_CLASS_II_ANTIG
0	.	NA	.	.	PRO	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	PHO	KEGG	PID	BIO	REACTOME_DOWNREGULATION_C
0	Mitochondi	NA	.	.	ORG	.	KEGG	.	.	REACTOME_TCA_CYCLE_AND_RES
0	Osteopetrc	NA	.	POS	INTR	.	KEGG	.	.	REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_I
0	[Skin/hair/e	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	[Skin/hair/e	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	CYT(	.	.	.	.	.
0	Smith-Lem	NA	.	BIOS	ORG	OXIE	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_LIPI
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	CELI	VITA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	CYT(	RAS_	KEGG	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	LIPIE	INTR	.	KEGG	.	.	REACTOME_GLYCOSPHINGOLIPID_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	MEM	PHO	.	.	.	.
0	.	NA	.	G_PI	INTR	GLU'	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Asphyxiatir	NA	.	ORG	CYT(	.	KEGG	.	.	REACTOME_MHC_CLASS_II_ANTIG
0	.	NA	.	.	.	PHO	KEGG	.	.	REACTOME_NITRIC_OXIDE_STIMUI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	.	CATI	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2
0	Alpha-metl	NA	.	.	CYT(	TRAI	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	Ataxia-tela	NA	.	DNA	.	PHO	KEGG	PID	BIO	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ENZ'	CYT(	NUC	.	PID	.	.
0	.	NA	.	MITC	ORG	SEQ	.	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	POS	CELI	PRO	KEGG	.	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	BIOF	.	NUC	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Atrial fibrill	NA	.	EST/	INTR	CATI	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	ORG	.	.	.	.	REACTOME_COPI_MEDIATED_TRA
0	.	NA	.	.	RIBC	RNA_	KEGG	.	.	REACTOME_MRNA_DECAY_BY_5_T
0	Leukemia,	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(

0	Leukemia,	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	Deafness,	NA	.	SEN	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	REC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Leigh synd	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	CYT	.	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Ovarian c	NA	.	CELI	INTR	PEP	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Neuropath	NA	.	EST	CYT	NUC	.	.	.	.
0	Brugada s	NA	.	REG	ORG	CAT	KEGG	.	.	.
0	Brugada s	NA	.	REG	ORG	CAT	KEGG	.	.	.
0	Brugada s	NA	.	REG	ORG	CAT	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	POS	MAC	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	SING	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	INTR	CAT	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	Periodic fe	NA	.	RNA	INTR	REC	KEGG	PID	BIO	REACTOME_EXTRINSIC_PATHWAY
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	OKT4 epito	NA	.	SYS	MEM	KINA	KEGG	PID	BIO	REACTOME_NEF_MEDIATES_DOW
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	STR	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Leukemia,	NA	.	.	.	TRA	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	BIO	REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	BIO	REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hyperbiliru	NA	.	EST	INTR	ACT	.	.	.	REACTOME_BILE_ACID_AND_BILE_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;

0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	RNA	.	TRA	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Ichthyosis	NA	.	SYS	ORG	STR	.	.	.	.	
0	White spor	NA	.	ANA	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	INTR	IDEN	KEG	PID	.	REACTOME_IMMUNOREGULATORY	
0	.	NA	.	PRO	CYT	KINA	KEG	PID	BIO	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Deafness,	NA	.	SEN	ORG	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	LIPI	INTR	CAT	KEG	PID	.	.	
0	.	NA	.	LIPI	INTR	CAT	KEG	PID	.	.	
0	.	NA	.	LIPI	INTR	CAT	KEG	PID	.	.	
0	.	NA	.	LIPI	INTR	CAT	KEG	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	CYT	.	KEG	.	.	.	
0	Spermatog	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	RNA	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	RNA	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	NUC	TRA	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_ASSOCIATION_OF_TR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	BIOF	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	SIGN	.	PRO	.	PID	BIO	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	CYT	HYD	.	.	.	.	
0	Arthrogryp	NA	.	.	CYT	STR	.	.	.	REACTOME_STRIATED_MUSCLE_C	
0	.	NA	.	MUL	INTR	CAR	.	.	.	REACTOME_HYALURONAN_UPTAK	
0	.	NA	.	DNA	NUC	DAM	KEG	.	.	REACTOME_BASE_EXCISION_REP	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Porokerato	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	DAM	.	.	.	REACTOME_DNA_REPAIR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	

0	.	NA	.	SIGN	CYT(	ACID	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Transposit	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Spermatog	NA	.	SYS'	CELI	OXID	KEG(	.	BIO	REACTOME_LATENT_INFECTION_C
0	.	NA	.	PRO	.	PHO	KEG(	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PR(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	RNA	.	.	.	REACTOME_INTERFERON_GAMMA
0	.	NA	.	SIGN	INTR	CATI	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	M_P	ORG	PRO	.	PID	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	MITC	ORG	.	.	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICK
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	MITC	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Muscular d	NA	.	MUS	PRO	.	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	MAC	.	.	KEG(	.	BIO	.
0	Keratosis li	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	ORG	HYD	KEG(	PID	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Pulmonary	NA	.	.	.	.	KEG(	PID	.	.
0	.	NA	.	BIOS	CYT(	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	INTR	.	.	.	.	.
0	Propionica	NA	.	.	.	LIGA	KEG(	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_FAT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS'	NUC	ACTI	.	.	.	.

0	Angiopathy	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_TRN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	REC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	ORG	NUC	.	.	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRA	.	.	.	REACTOME_RNA_POL_II_TRANSCF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Lysinuric p	NA	.	EST	INTR	.	.	.	.	REACTOME_CELL_SURFACE_INTEI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Fanconi ar	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_FANCONI_ANEMIA_PA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Asthma, a	NA	.	SIGN	INTR	RHO	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	LIGA	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_VIT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Molybdenu	NA	.	.	.	.	.	.	BIO	REACTOME_METABOLISM_OF_VIT
0	Bleeding d	NA	.	FOC	ADH	INTE	KEGG	PID	BIO	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Glaucoma	NA	.	EST	PRO	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spinocerel	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DOUBLE_STRAND_BR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	.	.	.	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	Hydrocephi	NA	.	REG	INSC	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_INTERFERON_ALPHA_

0	Goiter, mul	NA	.	MAC	.	HYD	.	PID	.	REACTOME_MICRORNA_MIRNA_BI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUL	EXTI	.	.	PID	.	REACTOME_ACTIVATED_NOTCH1_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	CELI	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_MHC_CLASS_II_ANTIG
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	.	REC	.	.	.	.
0	Breast can	NA	.	REG	MEM	PHO	KEG(	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	REC	KEG(	PID	.	REACTOME_ACTIVATED_NOTCH1_
0	.	NA	.	RNA	.	.	.	.	.	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	CYT(	RAS	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	[Skin/hair/e	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	[Skin/hair/e	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	.	CAT	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Platelet PL	NA	.	REG	.	LIPA	KEG(	PID	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Spinocerel	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	?Cataract,	NA	.	SEN	.	.	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Acromicric	NA	.	SYS	PRO	CAT	.	PID	.	REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURF
0	Acromicric	NA	CM0	SYS	PRO	CAT	.	PID	.	REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Griscelli sy	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	EST	INTR	ACT	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	MAC	.	.	KEG	.	.	.
0	Combined	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Ceroid lipo	NA	.	REG	ORG	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUS	INTR	COL	KEG	PID	.	REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Bardet-Bie	NA	.	CEN	ORG	MICF	.	.	.	.
0	Adrenal ins	NA	.	BIOS	.	OXY	KEG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_STE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Tyrosinemi	NA	.	CAR	.	.	KEG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CELI	.	.	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	Mitochondr	NA	.	DNA	CYT	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	INTR	CAT	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	Acrocallos	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Acrocallos	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Weill-Marc	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	.	SER	.	.	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	SIGN	.	GTP	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	REG	ORG	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	REG	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Lipase defi	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Somatosta	NA	.	SIGN	INTR	NEU	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR	
0	.	NA	.	BIOF	NUC	.	KEGG	PID	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_	
0	.	NA	.	REG	.	PRO	.	.	.	.	
0	.	NA	.	REG	.	PRO	.	.	.	.	
0	.	NA	.	REG	.	PRO	.	.	.	.	
0	.	NA	.	REG	.	PRO	.	.	.	.	
0	.	NA	.	REG	.	PRO	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Osteopetrc	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	EST/	CYT	KINA	KEGG	PID	.	.	
0	.	NA	.	BIOS	RIBC	STRI	KEGG	.	.	REACTOME_TRANSLATION;REACT	
0	Myopathy,	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_PRC	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	POS	UBIC	ACID	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Fanconi ar	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Rubinstein	NA	.	RNA	CYT	TRAI	KEGG	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC	
0	Rubinstein	NA	.	RNA	CYT	TRAI	KEGG	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC	
0	Rubinstein	NA	.	RNA	CYT	TRAI	KEGG	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC	
0	.	NA	.	.	INTR	PHO	KEGG	PID	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	NON	STRI	.	.	.	.	
0	.	NA	.	IMMI	.	RNA	KEGG	.	.	REACTOME_INTERFERON_GAMMA	
0	.	NA	.	IMMI	.	RNA	KEGG	.	.	REACTOME_INTERFERON_GAMMA	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	CELI	INTR	STRI	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Lissencepl	NA	.	CEN	ORG	MICR	.	.	.	.	
0	.	NA	.	EST/	INTR	HYD	KEGG	PID	.	REACTOME_ABC_FAMILY_PROTEIN	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	BIOF	CYT	PHO	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_MRI	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	

0	Glomerulo	NA	.	DEFI	MEM	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REP	.	REC	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	CYT	TRA	.	PID	BIO	REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_S
0	.	NA	.	.	ORG	SMA	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	ONE	.	PRO	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	.	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Combined	NA	.	BIOF	CYT	TRA	.	.	.	.
0	Brody myo	NA	.	EST	.	CATI	KEG	.	.	REACTOME_PRE_NOTCH_EXPRES
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	.	.	.	.	.	.
0	Branched-	NA	.	CAR	ORG	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	SER	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	REC	KEG	PID	BIO	REACTOME_CELL_SURFACE_INTE
0	.	NA	.	MUL	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.
0	Phosphory	NA	.	GEN	.	.	KEG	.	.	REACTOME_GLYCOGEN_BREAKD
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NON

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NOI
0	Hyperalpha	NA	.	REG	EXTI	LIPIE	.	.	.	REACTOME_HDL_MEDIATED_LIPID
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	MAC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTE	CATI	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	CATI	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	EXTI	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	INTE	CATI	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	ORG	SING	.	PID	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	ADH	KINA	KEGG	PID	BIO	REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Autoinflam	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_ANTIGEN_ACTIVATES_
0	Malonyl-Cc	NA	.	COF	CYTI	LYAS	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	RNA	.	.	.	REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Lymphedei	NA	.	SYS	NUC	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Huntington	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Brittle corn	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	LYAS	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_LIPI
0	.	NA	.	CELI	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	INTE	.	PHO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Glomerulo	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	.
0	Retinitis pi	NA	.	RNA	ORG	RNA	KEGG	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	PID	BIO	.
0	.	NA	.	DNA	ORG	TELO	.	PID	.	REACTOME_METABOLISM_OF_MRI
0	.	NA	.	DNA	ORG	TELO	.	PID	.	REACTOME_METABOLISM_OF_MRI
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	BIO	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	.	KEGG	.	BIO	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	BIO	.

0	.	NA	.	EST/	CYT(	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	MEM	CAR	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	NUC	.	KEG(	.	BIO		REACTOME_MICRORNA_MIRNA_BI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.		REACTOME_PHOSPHOLIPID_META
0	.	NA	.	NEG	.	TRAI	.	.	.	.	
0	.	NA	.	GAM	ORG	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	GAM	ORG	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	SULI	INTR	SULI	KEG(	.	.		REACTOME_HS_GAG_BIOSYNTHES
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	PID	BIO		REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	PID	BIO		REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Deafness,	NA	.	SEN	.	.	.	.	.	.	
0	Deafness,	NA	.	SEN	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	RNA	.	PHO	KEG(	PID	BIO		REACTOME_TRIF_MEDIATED_TLR3
0	{Hypertens	NA	.	MUL	CYT(	OXID	KEG(	PID	BIO		REACTOME_LATENT_INFECTION_C
0	.	NA	.	.	INTR	CATI	.	.	.		REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	INTR	CATI	.	.	.		REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	CELI	.	.	.	.	.		REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_
0	{Anxiety-re	NA	.	REG	INTR	ACTI	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.		REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	TRAI	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	MEM	CATI	KEG(	.	.		REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	BIOS	.	STRI	KEG(	.	.		REACTOME_TRANSLATION;REACT(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	

0	Adenocarc	NA	.	SYS	EXTI	PHO	KEG	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	REG	INTR	.	KEG	.	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MEI	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	Hyper-IgE	NA	.	RNA	CYT	REC	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	Hyper-IgE	NA	.	RNA	CYT	REC	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	Hyper-IgE	NA	.	RNA	CYT	REC	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	COF	.	PHO	KEG	.	.	REACTOME_VITAMIN_B5_PANTOTH
0	Pseudohyp	NA	.	EST	CELI	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	PHO	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	PHO	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	PHO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Osteopetrc	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	EXO	.	.	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	LAM	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	NUC	.	.	.	.	.
0	Caffey dise	NA	.	SYS	.	.	KEG	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	{Pseudoxa	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	GAM	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	DOU	.	.	.	.
0	Fanconi ar	NA	.	DNA	NUC	DNA	KEG	.	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_I
0	Breast can	NA	.	BIOF	NUC	PHO	KEG	PID	.	.
0	Growth hor	NA	.	EST	.	HEM	KEG	.	BIO	REACTOME_GROWTH_HORMONE_
0	Hyperkaler	NA	.	EST	.	CAT	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_ABCA_TRANSPORTER
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOS	CYT	ELE	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	RES	.	OXID	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	CELI	NUC	TRAI	.	PID	.	.	
0	Ciliary dysl	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Pityriasis ru	NA	.	POS	CYT	PRO	.	.	.	.	
0	Pityriasis ru	NA	.	POS	CYT	PRO	.	.	.	.	
0	{Moyamoya	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_S	
0	.	NA	.	SYS	MEM	MOL	KEGG	PID	BIO	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Alveolar sc	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_VITAMIN_B5_PANTOTH	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_VITAMIN_B5_PANTOTH	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Seborrhea	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	MUL	CELI	NEU	.	.	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;	
0	.	NA	.	M_P	ORG	.	.	PID	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO	
0	Ataxia, spa	NA	.	.	CYT	UNF	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO	
0	Glucocortic	NA	.	SIGN	INTR	NEU	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Cardiomyo	NA	.	SYS	PRO	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	RNA	NUC	DNA	.	.	.	.	
0	Vici syndro	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Microvillus	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	PRO	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Polymicrog	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	[Blood grou	NA	.	SIGN	.	.	.	PID	.	REACTOME_PYRUVATE_METABOL	
0	.	NA	.	RNA	CYT	NUC	.	.	.	REACTOME_TRANSCRIPTION;REAC	
0	.	NA	.	RNA	CYT	NUC	.	.	.	REACTOME_TRANSCRIPTION;REAC	

0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	RNA	.	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	RNA	NUC	NUC	KEGC	.	.	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCI
0	.	NA	.	MEM	CYT(	OXID	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RES	.	RNA	.	.	.	.
0	.	NA	.	GAM	.	RNA	.	.	.	.
0	.	NA	.	GAM	.	RNA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	INTR	LIPID	KEGC	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Leukemia,	NA	.	SYS	.	.	KEGC	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ORG	NUC	DOU	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	TRAI	KEGC	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	Spastic pa	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_TRANSCRIPTION_COU
0	.	NA	.	DNA	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_TRANSCRIPTION_COU
0	Hemophag	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Dengue fe	NA	.	MUL	.	CAR	.	.	.	.
0	{Dengue fe	NA	.	MUL	.	CAR	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Methylmalc	NA	.	.	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	MEM	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	MEM	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	MEM	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	M_P	NUC	.	KEGC	PID	BIO	REACTOME_ANTIVIRAL_MECHANIS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	G_P	INTR	REC	KEG	.	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	{Malaria, c	NA	.	.	INTR	REC	KEG	PID	BIO	REACTOME_IMMUNOREGULATORY
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	Tyrosine ki	NA	.	BIOF	.	PHO	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;RE
0	.	NA	.	SIGN	INSC	HYD	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	ORG	MICF	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hypercholé	NA	.	GLY	INTR	LIPO	KEG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_LIPI
0	Hypercholé	NA	.	GLY	INTR	LIPO	KEG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_LIPI
0	Adams-Oli	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_FACTORS_INVOLVED_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	.	.	.	.	.	.
0	Mannosido	NA	.	GLY	.	HYD	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	IMM	.	RNA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Celiac dis	NA	.	EST/	ORG	HYD	.	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	HYD	KEG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	DNA	ORG	HYD	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hemolytic a	NA	.	REG	.	.	KEG	.	BIO	REACTOME_GLYCOLYSIS;REACTO
0	.	NA	.	IMM	INTR	.	KEG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Microcepha	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	CAR	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	MEM	LIPIE	KEG	PID	.	.
0	Central cor	NA	.	EST/	INTR	CATI	KEG	.	.	.
0	Central cor	NA	.	EST/	INTR	CATI	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	NUC	KEG	PID	BIO	.

0	.	NA	.	.	NUC	RNA	.	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAI
0	.	NA	.	MUS	ORG	CAT	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cold-induc	NA	.	MUL	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	TRA	.	.	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cutis laxa,	NA	.	REG	PRO	CAT	.	.	.	.
0	Cutis laxa,	NA	.	REG	PRO	CAT	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	.	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	ORG	RNA	.	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAI
0	Camurati-E	NA	.	REG	PRO	TRA	KEG	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	CEL	MEM	RAS	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	Carpenter	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	IMM	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUL	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	TRA	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Leukemia/l	NA	.	POS	CYT	PRO	.	PID	.	.
0	[Blood grou	NA	.	SIG	INTR	REC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_PRO
0	.	NA	.	SIG	INTR	.	.	.	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIG	CYT	STR	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	Cone-rod r	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	KEG	PID	.	REACTOME_SPHINGOLIPID_DE_NO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	ORG	RNA	KEG	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAI
0	.	NA	.	RNA	ORG	RNA	KEG	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAI
0	.	NA	.	ANA	EXT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	PID	.	.
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	NEG	CYT	.	.	PID	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	Mandibular	NA	.	DNA	NUC	NUC	KEG	.	.	REACTOME_BASE_EXCISION_REP/
0	Mandibular	NA	.	DNA	NUC	NUC	KEG	.	.	REACTOME_BASE_EXCISION_REP/
0	Mandibular	NA	.	DNA	NUC	NUC	KEG	.	.	REACTOME_BASE_EXCISION_REP/
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	STR	.	.	.	REACTOME_STRIATED_MUSCLE_C
0	.	NA	.	.	.	STR	.	.	.	REACTOME_STRIATED_MUSCLE_C

0	.	NA	.	SIGN	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	Retinitis pi(	NA	.	RNA	NUC	RIBC	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	REC	KEGC	.	.	REACTOME_IMMUNOREGULATORY
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	.	.	.	.	.	REACTOME_INTEGRATION_OF_EN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	EXTI	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	MEM	.	.	.	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	Spinocerek	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spinocerek	NA	.	RNA	ORG	RNA	.	.	.	REACTOME_ASSOCIATION_OF_TRI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Polyneurop	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PHO	ORG	LIPIL	KEGC	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PRC
0	.	NA	.	EST/	ORG	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	CEN	ORG	KINA	.	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	BIOF	ORG	PRO	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_VIT/
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	.	.	.	KEGC	PID	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	DNA topois	NA	.	RES	NUC	CHR	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	CYT(	.	KEGC	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	ENZ'	INTR	PRO	.	.	.	.

0	.	NA	.	ENZ'	INTR	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	CELI	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUL	EXTI	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;R
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	ACTH-inde	NA	.	REG	EXTI	HYD	KEGC	.	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	ACTH-inde	NA	.	REG	EXTI	HYD	KEGC	.	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Epiphyseal	NA	.	.	PRO	.	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Epiphyseal	NA	.	.	PRO	.	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	PID	BIO	REACTOME_COPI_MEDIATED_TRA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	INTR	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	INTR	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	INTR	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	PID	.	REACTOME_CELL_SURFACE_INTE
0	Alzheimer	NA	.	REG	INTR	PRO	KEGC	PID	BIO	REACTOME_TRIF_MEDIATED_TLR3
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	PHO	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	PHO	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	.	PHO	KEGC	PID	BIO	REACTOME_PHOSPHOLIPID_META
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RES	INTR	REC	KEGC	PID	BIO	REACTOME_INTERFERON_ALPHA_
0	.	NA	.	EST/	.	.	.	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	.	.	PID	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	SYS	INTR	.	.	PID	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	SYS	INTR	.	.	PID	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	SYS	INTR	.	.	PID	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	EST	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	KEGG	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAP
0	.	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	INTR	CATI	.	.	.	.
0	Leukocyte	NA	.	BIOF	.	KINA	KEGG	PID	BIO	REACTOME_IMMUNOREGULATORY
0	.	NA	.	EST	INTR	COF	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_VIT
0	Bethlem m	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Glutamate	NA	.	COF	CYT	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Microcepha	NA	.	ANA	.	.	.	.	BIO	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	DiGeorge s	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	DiGeorge s	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PHO	ORG	PHO	KEGG	PID	.	REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_
0	.	NA	.	.	NUC	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	DNA	NUC	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	INTR	.	KEGG	PID	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	Beta-ureid	NA	.	.	.	HYD	KEGG	.	.	REACTOME_PYRIMIDINE_CATABOL
0	Glutathioni	NA	.	CAR	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUS	NON	ACTI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Muscular d	NA	.	REG	ORG	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	NUC	.	KEGG	.	BIO	REACTOME_ACTIVATION_OF_THE_
0	Deafness,	NA	.	REG	ORG	HYD	KEGG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Surfactant	NA	.	RES	INTR	INTE	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;RE

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Infantile ne	NA	CM1	MEM	.	LIPA	KEGC	.	.	REACTOME_ACYL_CHAIN_REMODE
0	.	NA	.	RNA	.	.	.	.	BIO	REACTOME_FACTORS_INVOLVED_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	INTR	CATI	.	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	EST/	INTR	CATI	.	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	SIGN	.	GTP	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	ORG	CATI	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_PRE_NOTCH_TRANSC
0	.	NA	.	REG	INTR	NEU	KEGC	.	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	RNA	NUC	NUC	KEGC	.	.	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCI
0	.	NA	.	RNA	NUC	NUC	KEGC	.	.	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	LIPID	INTR	TRAI	KEGC	.	.	REACTOME_PHOSPHOLIPID_META
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_(
0	Synpolyda(	NA	.	.	PRO	STRI	.	.	.	.
0	Spinocerek	NA	.	SYS	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	MEM	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	.	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	.	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ENZ	CYT(	KINA	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	BIOS	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	KEGC	.	.	.
0	Chondrody	NA	.	SYS	.	ARYI	.	.	.	REACTOME_PTM_GAMMA_CARBOX
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	EXTI	INTE	.	.	.	.
0	Cataract 4(	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Epileptic e	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	BEH	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Glycerol ki	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_TRIGLYCERIDE_BIOSY
0	Glycerol ki	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_TRIGLYCERIDE_BIOSY
0	Becker mu	NA	.	BIOS	PRO	ACTI	KEGC	.	BIO	REACTOME_STRIATED_MUSCLE_C
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CELI	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Renpennin	NA	.	RNA	NUC	TRA	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_NEGATIVE_REGULATC
0	Neurodege	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Aland Islar	NA	.	DET	INTR	CAT	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	NON	KINA	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	MAC	.	KEGG	PID	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	ORG	PRO	KEGG	PID	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_(
0	Mental reta	NA	.	PRO	NUC	ACID	KEGG	PID	.	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Aarskog-S	NA	.	REG	CYT	GTP	KEGG	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	CYT	.	.	PID	.	.
0	Lujan-Fryn	NA	.	RNA	NUC	RNA	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Charcot-M	NA	CM9	SYS	CELI	.	.	.	.	REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICK
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Cornelia de	NA	.	RNA	NUC	HYD	.	PID	BIO	REACTOME_NOTCH1_INTRACELLU
0	Muscle gly	NA	.	GEN	.	PHO	KEGG	.	.	REACTOME_GLYCOGEN_BREAKDC
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	?Mental re	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	.	VOL	KEGG	PID	BIO	.
0	.	NA	.	EST	CYT	RNA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	BEH	.	LIGA	KEGG	.	.	REACTOME_TRIGLYCERIDE_BIOSY
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Simpson-G	NA	.	ANA	INTR	.	.	.	.	REACTOME_HS_GAG_DEGRADATI
0	Mental reta	NA	.	.	ORG	CATI	KEGG	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	INTR	G_PI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	NEG	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	MEM	.	.	PID	.	REACTOME_CS_DS_DEGRADATION
0	Spinocerel	NA	.	.	MEM	CATI	KEGG	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSLATION;REACT
0	CRASH sy	NA	.	SYS	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	CRASH sy	NA	.	SYS	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	REG	.	PRO	KEGG	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	RNA	CYT	IDEN	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Favism;He	NA	.	GLU	CYT	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_CAR
0	Dyskeratos	NA	.	DNA	NUC	NUC	.	PID	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	SIGN	INTR	PHO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Epsilon-trir	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MAC	CYT	RNA	KEGG	.	BIO	REACTOME_ANTIVIRAL_MECHANIS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	?Deafness	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	RES	NUC	PRO	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	EST/	COA	.	KEG(	PID	BIO	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	TRAI	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	EST/	ORG	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Urofacial s	NA	.	.	.	HYD	KEG(	.	.	REACTOME_HS_GAG_DEGRADATI(	
0	.	NA	.	EST/	ORG	.	.	PID	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO	
0	.	NA	.	.	EXTI	CAR	KEG(	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	DNA	CYT(	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	SYS	INTF	REC	KEG(	PID	.	REACTOME_ACTIVATED_NOTCH1_	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	MICI	ORG	MICI	.	PID	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO	
0	Immunode	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.	
0	.	NA	.	DNA	NUC	PRO	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	SIGN	INTF	TRAI	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Becker mu	NA	.	BIOS	PRO	ACTI	KEG(	.	BIO	REACTOME_STRIATED_MUSCLE_C	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Megakaryc	NA	.	.	.	.	.	PID	BIO	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	MUL	PRO	INTE	.	PID	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT	
0	{Bardet-Bie	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	CEN	ORG	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Elliptocytos	NA	.	ACTI	ORG	ACTI	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC	
0	[Blood grou	NA	.	.	MEM	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Nephropatl	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR	
0	.	NA	.	PRO	.	PRO	.	.	.	.	
0	Homocystil	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	REACTOME_SULFUR_AMINO_ACID	
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.	
0	Sitosterole	NA	.	.	.	PRO	KEG(	.	.	REACTOME_ABCA_TRANSPORTER	

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	Leukodystr	NA	.	CELI	ORG	CHA	KEGC	PID	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_PRC
0	.	NA	.	RNA	.	CATI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	LIPIE	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	IDEN	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	SPE	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Seckel syn	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	Seckel syn	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	POS	INTR	.	KEGC	PID	BIO	REACTOME_EXTRINSIC_PATHWAY
0	Breast can	NA	CM1	.	.	PHO	KEGC	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Adermatog	NA	.	DNA	.	.	.	.	.	.
0	Spastic pa	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI
0	.	NA	.	RNA	NUC	TRA	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	PHO	KEGC	.	.	REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Albinism, c	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	INTR	PEP	KEGC	PID	BIO	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Breast car	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_HYALURONAN_UPTAK
0	.	NA	.	SIGN	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	REC	.	.	.	.
0	{Hypersens	NA	.	.	.	.	KEGC	PID	BIO	REACTOME_NEF_MEDIATED_DOW
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Retinitis pi	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Retinitis pi	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	M_P	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	EST	CYT	KINA	.	PID	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	RAS	.	PID	.	.
0	.	NA	.	SYS	PRO	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Epidermol	NA	.	.	.	STR	.	.	.	REACTOME_APOPTOTIC_CLEAVAG
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	PHO	KEG	.	BIO	REACTOME_GLYCOLYSIS;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	NUC	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	RNA	.	.	.	.
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spermatog	NA	.	SYS	CELI	OXID	KEG	.	BIO	REACTOME_LATENT_INFECTION_C
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Fraser syn	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Fraser syn	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Breast can	NA	.	REG	MEM	PHO	KEG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Night blind	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTF	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	ORG	.	KEGC	.	.	REACTOME_MRNA_DECAY_BY_5_T
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAI
0	.	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spinocerek	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_PHOSPHOLIPID_META
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	.	TRAI	KEGC	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUL	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	ARYI	.	.	.	REACTOME_PTM_GAMMA_CARBOX
0	Epileptic e	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	ORG	MICF	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	NEU	KEGC	.	BIO	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	PRO	.	KINA	KEGC	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_CROSS_PRESENTATIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	ACTI	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Holoprosen	NA	.	DNA	.	CATI	KEGC	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Essential	NA	.	SIGN	INTR	AMIN	KEGC	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	Cone-rod d	NA	.	.	.	HYD	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	EXTI	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	SYS	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Colchicine	NA	.	EST	CELL	NUC	KEGG	PID	BIO	REACTOME_ABACAVIR_TRANSPOF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Thyroid ca	NA	.	.	ORG	.	.	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	SIGN	NON	PRO	KEGG	PID	BIO	REACTOME_APOPTOTIC_CLEAVAG
0	.	NA	.	POS	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_EXTRINSIC_PATHWAY
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	KEGG	PID	.	REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	STR	.	.	.	.
0	Antley-Bixl	NA	.	.	CELL	.	KEGG	PID	.	REACTOME_NEGATIVE_REGULATI
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.
0	Deafness,	NA	.	REG	CYT	.	.	.	BIO	.
0	Deafness,	NA	.	REG	CYT	.	.	.	BIO	.
0	Leukemia,	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_
0	{Diabetes r	NA	.	NUC	CYT	.	.	.	.	REACTOME_INTERFERON_GAMMA
0	Bladder ca	NA	.	REG	NUC	KINA	KEGG	PID	BIO	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	VESI	.	KEGG	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Spinocerek	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	CATI	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CELL	.	KEGG	.	.	.
0	Episodic at	NA	.	REG	INTR	CATI	KEGG	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	PRO	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	INTR	CATI	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CEN	ORG	KINA	.	.	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR

0	.	NA	.	BIOF	INTR	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	INTR	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	MEM	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	.	KINA	KEGC	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	NEG	NUC	TRAI	.	PID	.	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCI
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	IDEN	KEGC	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	Leukoence	NA	.	REG	CYT(	TRAI	.	.	BIO	REACTOME_TRANSLATION;REACT(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	RNA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Diabetes r	NA	.	EST/	CYT(	KINA	KEGC	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Nephronop	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_HIPPO
0	Nephronop	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_HIPPO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Noonan sy	NA	CM1	SIGN	MEM	GTP	.	PID	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	MEM	CAT	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	CAT	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	RNA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	REC	KEG	.	.	REACTOME_TRANSLATION;REACT
0	.	NA	.	EST	.	HYD	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	EST	INTR	NUC	KEG	.	.	REACTOME_HYALURONAN_METAB
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Sebaceous	NA	.	.	.	SEQ	KEG	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	.	KEG	PID	.	REACTOME_VEGF_LIGAND_RECEP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Myelodysp	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	REACTOME_TRIGLYCERIDE_BIOSY
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Asthma, s	NA	.	DEFI	.	REC	KEG	.	.	REACTOME_ANTIGEN_PROCESSIN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Deafness,	NA	.	.	.	.	KEG	PID	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MA
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	BIO	REACTOME_PHOSPHOLIPID_META
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Brachydac	NA	.	SIGN	INTR	TRA	.	PID	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Mental reta	NA	.	OLIG	INTR	CAT	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PRO
0	{AIDS, resi	NA	.	REG	.	G_PI	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Migraine,	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	.	NA	.	SIGN	.	REC	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	EXTI	COF	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Diabetes m	NA	.	EST/	INTR	.	KEGG	PID	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	.	NA	.	NEG	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_ACTIVATED_NOTCH1_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	RIBC	HYD	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOS	CYT	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hawkinsinu	NA	.	CAR	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	.	KEGG	.	.	REACTOME_PHOSPHOLIPID_META
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Fraser syn	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	INTR	PHO	.	PID	.	REACTOME_SPHINGOLIPID_DE_NO
0	Nemaline r	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	PRO	KEGG	.	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_WNT;F
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	.	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	INTR	HYD	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	.	PRO	.	.	.	.
0	Glycogen s	NA	.	GLU	.	LYA	KEGG	PID	BIO	REACTOME_RESPONSE_TO_ELEV/
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Ciliary dysl	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	.	HYD	.	.	.	.
0	Weaver sy	NA	.	ANA	.	CHR	.	.	.	.
0	Mandibulof	NA	.	RNA	ORG	HYD	KEGC	.	.	REACTOME_PROCESSING_OF_CAI
0	.	NA	.	REG	ORG	NUC	KEGC	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	.	INTR	CATI	KEGC	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	RNA	.	RNA	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	CYT(	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	STEI	CYT(	SULI	KEGC	.	.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	INTR	CATI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	SYN/	HYD	.	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Auriculoco	NA	.	REG	.	HYD	KEGC	PID	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	CELI	LIPI[	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Prostate ca	NA	.	.	.	RNA	.	.	.	REACTOME_INTERFERON_ALPHA_
0	{Macular d	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUS	ORG	PRO	.	PID	.	.
0	.	NA	.	PRO	.	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	CATI	KEGC	.	.	REACTOME_TCA_CYCLE_AND_RES
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_INHIBITION_OF_THE_F
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	G_PI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Membrano	NA	.	CELI	INTR	MET	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR	
0	Myelodysp	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Cornelia de	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Cardiomyo	NA	.	SYS	NUC	.	.	.	.	.	
0	{H. pylori ir	NA	.	SYS	INTR	PRO	KEGG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Erythrocyto	NA	.	SYS	.	PRO	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_K	
0	.	NA	.	GEN	CYT	NUC	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	INTR	.	KEGG	.	.	REACTOME_HS_GAG_BIOSYNTHES	
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.	
0	.	NA	.	RNA	ORG	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	NUC	TRA	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	PRO	.	ACI	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;	
0	.	NA	.	RNA	NUC	RNA	KEGG	.	.	.	
0	.	NA	.	SYS	CELI	PRO	.	.	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI	
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Hypertrigly	NA	.	.	.	OXI	KEGG	.	.	REACTOME_TRIGLYCERIDE_BIOSY	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	SIGN	INTR	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR	
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	REACTOME_HS_GAG_DEGRADATI	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Prader-Wil	NA	.	NEG	.	.	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	INTR	MET	KEGG	PID	BIO	.	
0	.	NA	.	.	ORG	PRO	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	MOT	KEGG	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	Mannosido	NA	.	GLY	.	HYD	KEGG	.	.	.	
0	Cold-induc	NA	.	.	EXTI	REC	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	
0	.	NA	.	SYS	.	NUC	KEGG	PID	BIO	.	
0	.	NA	.	.	NUC	.	KEGG	.	.	.	

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SEN	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SEN	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Duane-rad	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	PRO	INTE	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	PID	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Dent disea	NA	.	LIPIE	ORG	PHO	KEGC	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	.	INTR	G_PI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Hemophilia	NA	CM0	REG	.	.	KEGC	.	BIO	REACTOME_RESPONSE_TO_ELEV/
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	TRAI	KEGC	PID	.	.
0	.	NA	.	SIGN	EXTI	REC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Deafness,	NA	.	REG	NON	.	.	.	.	.
0	Albinism, c	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Pulmonary	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	MUL	ORG	REC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GAM	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	ORG	HYD	KEG	.	.	REACTOME_GLYCOSPHINGOLIPID_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	CYT	NUC	KEG	PID	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	MEM	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DEF	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	[LPA defici	NA	.	SYS	.	PRO	.	PID	.	REACTOME_METABOLISM_OF_LIPI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	EXT	COF	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST	INT	ACT	.	.	.	REACTOME_AMINO_ACID_TRANSP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	RNA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	ANA	CYT	HYD	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	MEM	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DNA	.	DNA	.	.	.	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_(
0	Alagille syr	NA	.	REG	INTR	SPE(	KEGC	PID	.	REACTOME_PRE_NOTCH_TRANSC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	CATI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	RAS	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	.	.	KEGC	PID	.	REACTOME_REGULATION_OF_CON
0	Cardiomyo	NA	.	MUS	ORG	NUC	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	BIO	.
0	Spinocerek	NA	.	.	INTR	CATI	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	PRO	CATI	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	INTR	LIPO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	PID	.	REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Megaloblas	NA	.	.	.	.	KEGC	PID	BIO	REACTOME_TETRAHYDROBIOPTER
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	GAB	KEGC	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	DNA	NUC	HYD	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_PHOSPHOLIPID_META
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_PPARA_ACTIVATES_G
0	Muscular d	NA	.	MUS	PRO	STR(	KEGC	PID	BIO	REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURF
0	Mental reta	NA	.	.	NUC	DNA	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	CELI	PRO	KEGC	PID	.	.
0	Spinocerek	NA	.	RNA	NUC	RNA	KEGC	PID	BIO	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Colorectal	NA	.	DNA	.	SING	KEGC	PID	.	.
0	Muscular d	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Maturity-or	NA	.	SIGN	.	.	.	PID	.	REACTOME_ANTIGEN_ACTIVATES_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT(	ELE(	KEGC	.	.	REACTOME_TCA_CYCLE_AND_RES
0	.	NA	.	SIGN	EXTI	HYD	KEGC	PID	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	REG	UBIC	ACIL	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	CYT(	.	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	MEM	CAT	KEG(	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	Cardiomyo	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	NUC	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	POS	.	.	KEG(	PID_	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	RAS_	.	PID_	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GLY(	.	TRA	KEG(	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_PRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	PRO	COL	.	.	.	.
0	Spastic pa	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Congenital	NA	.	REG	ORG	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RES	EXTI	G_PI	KEG(	PID_	BIO	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	PID_	.	REACTOME_GAP_JUNCTION_DEGF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Amyotroph	NA	.	PRO	ORG	HYD	.	.	.	.
0	46XY sex r	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	ORG	CHA	.	.	.	REACTOME_PROTEIN_FOLDING;RE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	GLU	KEG(	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	LIPI[	.	SUB	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	.	.	.	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	Exocrine p	NA	.	.	.	CAT	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Chondrody	NA	.	BIOF	NUC	HYD	.	PID_	BIO	REACTOME_NOTCH1_INTRACELLU
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Dent disea	NA	CM0	EST/	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	POS	INTR	LIPID	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Miyoshi mu	NA	.	SYS	MEM	.	.	.	.	.
0	Miyoshi mu	NA	.	SYS	MEM	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	EXTI	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Adams-Oli	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_
0	Myopia 23,	NA	.	PRO	INTR	CAR	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	RIBC	RNA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	Cockayne	NA	.	DNA	ORG	HYD	KEGG	.	.	REACTOME_TRANSCRIPTION_COU
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Asthma, s	NA	.	DEF	.	REC	KEGG	.	.	REACTOME_ANTIGEN_PROCESSIN
0	Ehlers-Dar	NA	.	ORG	PRO	INTE	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Colchicine	NA	.	EST	CELI	NUC	KEGG	PID	BIO	REACTOME_ABACAVIR_TRANSPOF
0	.	NA	.	SYS	INTR	.	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	CYT	PHO	KEGG	.	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	CYT	PHO	KEGG	.	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	PRO	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Diabetes m	NA	.	RNA	NUC	SPE	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	MEM	CAT	KEGG	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PHO	INTR	PHO	.	PID	.	REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	Ataxia-tela	NA	.	DNA	.	PHO	KEGG	PID	BIO	REACTOME_MEIOSIS;REACTOME_
0	.	NA	.	.	CYT	.	.	.	.	REACTOME_DIABETES_PATHWAYS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Leukemia,	NA	.	.	.	TRA	KEGG	.	.	.
0	Bladder ca	NA	CM0	.	.	.	KEGG	PID	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	Spastic pa	NA	.	EST	ORG	.	.	.	.	REACTOME_MHC_CLASS_II_ANTIG
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Prader-Wil	NA	.	NEG	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	SIGN	INTR	.	KEGG	.	BIO	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Autoinflam	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_ANTIGEN_ACTIVATES_
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Adams-Oli	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_FACTORS_INVOLVED_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	CYT	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	INTR	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	REG	COA	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	Lymphopro	NA	.	CELI	CYT	.	KEGG	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Favism;He	NA	CM9	GLU	CYT	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_CAF

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	NUC	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_CAR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	DET	.	TAS	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	SIGN	CYT	GTP	.	.	.	REACTOME_RAP1_SIGNALLING;RE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	HYD	KEGG	.	.	REACTOME_REVERSIBLE_HYDRAT
0	Chronic gra	NA	.	DEF	.	ELE	KEGG	PID	BIO	REACTOME_ANTIGEN_PROCESSIN
0	.	NA	.	MUS	INTR	CAT	.	.	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;R
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Leukodystr	NA	.	CELI	ORG	CHA	KEGG	PID	.	REACTOME_MITOCHONDRIAL_PRC
0	.	NA	.	EST	NUC	.	.	.	.	.
0	Multiple su	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_PTM_GAMMA_CARBOX
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	PID	.	REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	NUC	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	TRA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GLY	.	TRA	KEGG	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	{Atopy, res	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Narcolepsy	NA	.	SYS	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	POS	CYT	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Prostate c	NA	.	REG	CYT	STR	KEGG	PID	.	.
0	{Coronary	NA	.	.	.	HYD	.	.	.	.

0	.	NA	.	SIGN	NUC	TRAI	.	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	NUC	.	.	.	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NOI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_I
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS'	COA	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	EXTI	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Candidiasi	NA	.	POS	CYT(	PRO	KEG(	.	.	REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYS
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS'	CELI	.	KEG(	.	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REP	EXTI	MET	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	CYT(	GTP	KEG(	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	BIO	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	Hermansky	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Achondrog	NA	.	SYS'	.	.	KEG(	PID	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Transpositi	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Diabetes m	NA	CM0	REG	MAC	TRAI	KEG(	PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_FACTORS_INVOLVED_
0	.	NA	.	ONE	.	MET	.	PID	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NOI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Prader-Wil	NA	.	NEG	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	MAC	CELI	.	KEG(	PID	.	REACTOME_APOPTOTIC_CLEAVAG
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMISSION_ACRC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	PID	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	REC	.	.	.	.
0	.	NA	.	REG	CYT(	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	AMI	ORG	SULI	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	KEG(	PID	.	REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURF

0	.	NA	.	DNA	NUC	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOS	CYT(	ELE(	.	PID	.	.
0	Epidermoly	NA	.	.	INTR	.	KEG(	PID	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	PID	.	REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_S
0	.	NA	.	BIOF	CELI	OXID	.	.	BIO	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	.	NA	.	CELI	INTR	REC	KEG(	.	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	NEG	.	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	PID	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	PID	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	PID	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	REP	INTR	.	.	.	.	.
0	[Bombay p	NA	.	GLY(	INTR	TRAI	KEG(	.	.	.
0	[Bombay p	NA	.	GLY(	INTR	TRAI	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	POS	EXTI	REC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	KEG(	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRIGLYCERIDE_BIOSY
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	INTR	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	PRO	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUS	NON	ACTI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT(	.	.	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Epilepsy, (	NA	.	SIGN	INTR	GAB	KEG(	.	.	.
0	Palmoplan	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	NUC	.	.	KEG(	PID	BIO	REACTOME_DOWNREGULATION_C
0	Ciliary dysl	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	Glycogen s	NA	.	.	MAC	.	KEG(	.	.	REACTOME_GLYCOGEN_BREAKDC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	HYD	.	.	.	.
0	Epidermoly	NA	.	SYS	.	.	KEG(	PID	.	REACTOME_CELL_CELL_COMMUNI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	NUC	TRAI	.	.	.	.
0	Senior-Lok	NA	.	BIOF	.	.	KEG(	PID	.	REACTOME_CELL_CYCLE;REACTO
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	Short statu	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	REG	.	NUC	KEGG	PID	.
0	GAPO syn	NA		.	.	.	.	.	PID	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	Selective T	NA		.	POS	MEM	.	KEGG	PID	BIO
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	Cardiomyo	NA		.	MUS	ORG	NUC	KEGG	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	BIOF	CYT	PRO	KEGG	PID	BIO
0	.	NA		.	BIOF	CYT	PRO	KEGG	PID	BIO
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	Microphtha	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	M_P	ORG	DNA	.	.	BIO
0	.	NA		.	SYS	INTR	G_PI	KEGG	.	.
0	.	NA		.	SYS	INTR	LIPO	.	.	.
0	.	NA		.	REG	INTR	.	.	.	.
0	.	NA		.	REG	INTR	.	.	.	.
0	.	NA		.	BIOS	.	STR	KEGG	.	.
0	Deafness,	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	KEGG	.	.
0	Breast can	NA		CM1	.	.	PHO	KEGG	PID	BIO
0	Myopia 23,	NA		.	PRO	INTR	CAR	.	PID	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	KEGG	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	MEM	RAS	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	POS	ORG	REC	KEGG	PID	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	RNA	NUC	RNA	KEGG	.	.
0	Cardiomyo	NA		.	.	PRO	STR	KEGG	PID	BIO
0	.	NA		.	.	.	.	KEGG	.	.
0	.	NA		.	SIGN	INTR	PEP	KEGG	PID	.
0	.	NA		.	.	.	GTP	KEGG	PID	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	ORG	HYD	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	Shwachma	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA		.	.	.	.	.	.	.

	REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYS
	REACTOME_TCR_SIGNALING;REAC
	REACTOME_MHC_CLASS_II_ANTIG
	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
	REACTOME_TRANSLATION;REACT
	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
	REACTOME_NEGATIVE_REGULATI
	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_
	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	ORG	TRAI	.		PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	ORG	.		.	.	.	.
0	.	NA	.	ACTI	ADH	STRI	.		.	.	REACTOME_MUSCLE_CONTRACTI(
0	.	NA	.	.	INTR	CATI	.		.	.	REACTOME_DEGRADATION_OF_TH
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	5-oxoprolir	NA	.	.	.	.	KEGC	.		.	REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATI(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_HIV_INFECTION;REAC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	HOM	CYT(	IDEN	KEGC		PID	BIO	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Pulmonary	NA	.	.	.	.	.		PID	.	.
0	Cowden sy	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Diabetes m	NA	.	EST/	.		CATI	KEGC	PID	.	REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;F
0	Glycogen s	NA	.	.	CYT(		OXID	KEGC	PID	BIO	REACTOME_PYRUVATE_METABOL
0	Dystonia 2	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Asphyxiatir	NA	.	ORG	CYT(	.		KEGC	.	.	REACTOME_MHC_CLASS_II_ANTIG
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Methylmalc	NA	.	.	.	.	KEGC	.		.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	INTR	CATI	KEGC		PID	.	REACTOME_DEGRADATION_OF_TH
0	Atrial septa	NA	.	REG	ORG	HYD	KEGC		.	.	REACTOME_STRIATED_MUSCLE_C
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	CELI	NUC	.		.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Angelman	NA	.	BIOF	.		.	KEGC	PID	BIO	REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
0	.	NA	.	SYS	.		.	.	.	.	.
0	Colorectal	NA	.	MITC	ORG	.		KEGC	PID	.	REACTOME_INHIBITION_OF_THE_F
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Pseudoxa	NA	.	BIOS	.		UDP	KEGC	.	.	.

0	.	NA	.	POS	INTR	REC	KEGG	.	.	REACTOME_CELL_SURFACE_INTEI
0	.	NA	.	SYS	INTR	REC	KEGG	PID_	BIO	REACTOME_CELL_SURFACE_INTEI
0	.	NA	.	REG	INTR	CATI	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	MUL	UBIQ	ACID	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	POS	INTR	G_PI	KEGG	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	MOT	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Alexander	NA	.	.	ORG	STRI	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4
0	.	NA	.	.	.	.	KEGG	.	.	REACTOME_ABCA_TRANSPORTER
0	.	NA	.	PRO	ORG	CHA	.	.	.	REACTOME_PROTEIN_FOLDING;RE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	[Blood grou	NA	.	EST/	INTR	SUB	.	.	.	REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	NUC	KEGG	.	.	REACTOME_ABCA_TRANSPORTER
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	G_PI	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_GENERIC_TRANSCRIP
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	CAR	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	.	.	.	.	.	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	Epileptic en	NA	.	.	CYT(	.	KEGG	PID_	BIO	REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_FACTORS_INVOLVED_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	INTR	.	KEGG	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	INTR	CATI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CYT(	.	.	.	.	.
0	Bethlem m	NA	.	.	.	.	KEGG	PID_	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	INOF	.	VOL	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	NON	KINA	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GLY(	CYT(	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	PRO	.	KINA	KEGG	PID_	BIO	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	EST/	INTR	.	.	.	.	REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICK
0	Epileptic e	NA	.	.	.	TRAI	KEGC	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	BIOF	NUC	PHO	.	.	.	.
0	.	NA	.	ENZ	INTR	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	PID	BIO	REACTOME_IL_7_SIGNALING;REAC
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_NUC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	CYT(	PRO	KEGC	PID	BIO	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	Thrombocy	NA	.	.	INTR	.	KEGC	.	.	REACTOME_METABOLISM_OF_AMI
0	Donnai-Ba	NA	.	GLY(	CYT(	.	KEGC	PID	.	REACTOME_METABOLISM_OF_STE
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	CELI	NUC	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	G_PI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	.	NA	.	EST/	INTR	NUC	KEGC	.	.	REACTOME_HYALURONAN_METAB
0	Night blind	NA	.	DET	.	.	KEGC	PID	.	REACTOME_CGMP_EFFECTS;REAC
0	.	NA	.	.	.	PHO	.	.	.	REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICK
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	GLU	INTR	.	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SYS	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	PID	.	REACTOME_SIGNALING_BY_RHO_(
0	Adenoma,	NA	.	NEG	ORG	KINA	KEGC	PID	BIO	REACTOME_APOPTOTIC_CLEAVAG
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	[Memory, e	NA	.	.	.	.	.	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_HIPPC
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	PID	.	.
0	.	NA	.	DNA	.	NUC	KEGC	.	.	REACTOME_ACTIVATION_OF_THE_
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Hypogona	NA	.	.	EXTI	.	KEGC	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	{Osteoporc	NA	.	REG	.	HOR	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Charcot-M	NA	.	RES	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	NUC	TRAI	.	PID	.	REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCI
0	Cardiomyo	NA	.	MUS	EXTI	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	KEGC	.	.	REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR
0	.	NA	.	MUS	CYT(	ACTI	.	PID	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	NUC	DNA	.	.	.	REACTOME_PPARA_ACTIVATES_G

0	Neurofibro:	NA	.	NUC	NUC	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	TRAI	KEGC	.	.	REACTOME_O_LINKED_GLYCOSYL
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	SIGN	CYT(	CATI	KEGC	.	.	REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	PHO	KEGC	.	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	.	.	REACTOME_INTEGRATION_OF_EN
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	MRN	.	PID	.	REACTOME_METABOLISM_OF_MRI
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	{Epilepsy, (	NA	.	MUS	MEM	CATI	KEGC	.	.	REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIC
0	.	NA	.	BIOF	.	NUC	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	INTR	G_PI	.	.	.	.
0	.	NA	.	MUS	PRO	.	KEGC	.	.	REACTOME_EXTRACELLULAR_MAT
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	REACTOME_REGULATION_OF_HYF
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	CELI	PRO	.	.	.	.
0	.	NA	.	MAC	.	.	.	.	BIO	REACTOME_TRANSLATION;REACT(
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	BIOF	.	.	KEGC	.	BIO	.
0	Mental reta	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	PID	.	.
0	.	NA	.	RNA	.	TRAI	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	Congenital	NA	CI97	PAT	.	.	.	.	.	.
0	Hemophilia	NA	.	REG	.	.	KEGC	.	BIO	REACTOME_RESPONSE_TO_ELEV/
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.
0	.	NA	.	.	.	.	.	.	.	.

AMINS_AND_COFACTORS

RIPTION;REACTOME_RNA_POL_II_TRANSCRIPTION_PRE_INITIATION_AND_PROMOTER_OPE
PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRN

ONS;REACTOME_CYTOCHROME_P450_ARRANGED_BY_SUBSTRATE_TYPE;REACTOME_PHA
BOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PE;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PC;REACTOME_GLYC

_INTERACTIONS_BETWEEN_A_LYMPHOID_AND_A_NON_LYMPHOID_CELL;REACTOME_IMMU
RIPTION;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHC

DS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_CHOLESTEROL_BIOSYNTHESIS

EACTOME_IL1_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALINC

)TEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;REACTOME_ASPARA(

IA_AMINOACYLATION;REACTOME_TRNA_AMINOACYLATION

;REACTOME_CLASS_B_2_SECRETIN_FAMILY_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREA

RIPTION_AND_TRANSLATION;REACTOME_YAP1_AND_WWTR1_TAZ_STIMULATED_GENE_EX

N_CODING_RNA;REACTOME_ANTIVIRAL_MECHANISM_BY_IFN_STIMULATED_GENES;REACT(

REACTOME_DAG_AND_IP3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIG
REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_CTNNB1_PHOSPHORYLATION_CASCADE;REA

ONS;REACTOME_GLUTATHIONE_CONJUGATION;REACTOME_PHASE_II_CONJUGATION

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

OME_FORMATION_OF_THE_TERNARY_COMPLEX_AND_SUBSEQUENTLY_THE_43S_COMPLE

CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS;F

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_AMINE_DERIVED_HORMONES

_AND_TARGETTING_OF_GAG_PROTEINS;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HIV_LIFE_

ICATION;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_F(

REACTOME_TRIF_MEDIATED_TLR3_SIGNALING;REACTOME_TCR_SIGNALING;REACTOME_D

;REACTOME_OLFACTORY_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNA

)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_AMINO_ACID_TRA

.TE_BIOSYNTHESIS;REACTOME_CHONDROITIN_SULFATE_DERMATAN_SULFATE_METABOLI

CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_ION_TRANSPORT_BY_P_TYPE_ATPASES;R

;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVEN

PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRN

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE

REACTOME_DAG_AND_IP3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIG

ONS;REACTOME_XENOBIOTICS;REACTOME_CYTOCHROME_P450_ARRANGED_BY_SUBSTRA

ONS;REACTOME_GLUTATHIONE_CONJUGATION;REACTOME_PHASE_II_CONJUGATION

S;REACTOME_ACTIVATION_OF_CHAPERONE_GENES_BY_XBP1S;REACTOME_UNFOLDED_PF

'TION_PATHWAY;REACTOME_NUCLEAR_RECEPTOR_TRANSCRIPTION_PATHWAY

RONLESS_PRE_MRNAS;REACTOME_PROCESSING_OF_CAPPED_INTRON_CONTAINING_PRE

SIS;REACTOME_HEPARAN_SULFATE_HEPARIN_HS_GAG_METABOLISM;REACTOME_GLYCOS
GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUG

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGN
REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGN

_PRE_REPLICATIVE_COMPLEX;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_ORC1_REMOVAL_FRO

REACTOME_VOLTAGE_GATED_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CHANNEL

;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVEN
)LOGY;REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOM

ICATION;REACTOME_CELL_EXTRACELLULAR_MATRIX_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_JU

CLEOTIDES;REACTOME_PURINE_RIBONUCLEOSIDE_MONOPHOSPHATE_BIOSYNTHESIS;REA
)LOGY;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FOR
GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUG

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REACTOM
_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOST

ONS;REACTOME_PHASE1_FUNCTIONALIZATION_OF_COMPOUNDS;REACTOME_ETHANOL_O

_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOST
RIPTION_AND_TRANSLATION;REACTOME_PRE_NOTCH_EXPRESSION_AND_PROCESSING;R

REACTOME_TANDEM_PORE_DOMAIN_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CH

.TE_DERMATAN_SULFATE_METABOLISM;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

KING;REACTOME_MEMBRANE_BINDING_AND_TARGETTING_OF_GAG_PROTEINS;REACTOME

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

REACTOME_SIGNALLING_TO_RAS;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PI

)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM
:ROID_HORMONES_AND_VITAMINS_A_AND_D;REACTOME_HDL_MEDIATED_LIPID_TRANSPO

)TEIN_IMPORT;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_AQUAPORIN_MEDIATED_TRANSPORT;REA

.ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_
.ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_

SIS;REACTOME_HEPARAN_SULFATE_HEPARIN_HS_GAG_METABOLISM;REACTOME_GLYCOS

'TOR_INTERACTIONS;REACTOME_RESPONSE_TO_ELEVATED_PLATELET_CYTOSOLIC_CA2_
S;REACTOME_ACTIVATION_OF_CHAPERONE_GENES_BY_XBP1S;REACTOME_UNFOLDED_PR
EN_PRESENTATION;REACTOME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMEN

GTPASES
GTPASES

;REACTOME_OLFACTORY_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNA

)F_HOMO_SAPIENS_WITH_MYCOBACTERIUM_TUBERCULOSIS;REACTOME_NITRIC_OXIDE_S
)LOGY;REACTOME_NOTCH1_INTRACELLULAR_DOMAIN_REGULATES_TRANSCRIPTION;REAC
3_SIGNALING;REACTOME_RIP_MEDIATED_NFKB_ACTIVATION_VIA_DAI;REACTOME_APOPTO

ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR(

;REACTOME_OLFACTORY_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNA

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_MYOGENESIS;REACTOME_NETRIN1_SIGN

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

_BETA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
ICATION;REACTOME_CELL_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION;REACTOME_TIGHT_JUNCTION

EACTOME_POST_CHAPERONIN_TUBULIN_FOLDING_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_O

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES

RANSMITTER_RELEASE_CYCLE;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPS

;REACTOME_PEPTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_

ONS;REACTOME_PHASE1_FUNCTIONALIZATION_OF_COMPOUNDS;REACTOME_ETHANOL_O
ONS;REACTOME_PHASE1_FUNCTIONALIZATION_OF_COMPOUNDS;REACTOME_ETHANOL_O

OLOGY;REACTOME_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_GENERIC_TRANSC

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS
GTPASES;REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICKING;REACTOME_TRANS_GOLGI_NETWORK_VE

ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR(

OLOGY;REACTOME_SIGNALING_BY_NODAL
;REACTOME_OLFACTORY_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNA

CLEOTIDES;REACTOME_PURINE_RIBONUCLEOSIDE_MONOPHOSPHATE_BIOSYNTHESIS;REA

_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_KINESIN
_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_KINESIN
OSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_SIGNALING_BY_ROBO_RECEPTOR
BOLISM;REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTO

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REACTOM
REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REACTOM

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_PE

G_CROSS_PRESENTATION;REACTOME_ENDOSOMAL_VACUOLAR_PATHWAY;REACTOME_E
IPTION;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHOI
TION_PATHWAY;REACTOME_NUCLEAR_RECEPTOR_TRANSCRIPTION_PATHWAY
ENE_EXPRESSION;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_
ONS;REACTOME_GLUTATHIONE_CONJUGATION;REACTOME_PHASE_II_CONJUGATION
TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

OLOGY;REACTOME_REGULATION_OF_BETA_CELL_DEVELOPMENT;REACTOME_REGULATIOI

OSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_SIGNALING_BY_G

ISM_AND_CITRIC_ACID_TCA_CYCLE;REACTOME_TCA_CYCLE_AND_RESPIRATORY_ELECTR

RACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_TIE2_SIGNALING;REACTOME_HEMOSTA

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRAN

OLOGY;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_L1CAM_

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

OLOGY;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONA

ATED_PLATELET_CYTOSOLIC_CA2_;REACTOME_MUSCLE_CONTRACTION;REACTOME_SMO

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_AQUAPORIN_MEDIATED_TRANSPORT;REA

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_
REACTOME_DAG_AND_IP3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIG
S;REACTOME_ACTIVATION_OF_CHAPERONE_GENES_BY_XBP1S;REACTOME_UNFOLDED_PR

KING;REACTOME_TRANS_GOLGI_NETWORK_VESICLE_BUDDING;REACTOME_GOLGI_ASSOC

)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

ISM_AND_CITRIC_ACID_TCA_CYCLE;REACTOME_TCA_CYCLE_AND_RESPIRATORY_ELECTR

THWAY;REACTOME_DNA_REPAIR

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_IN
HENATE_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_VITAMINS_AND_COFACTORS;REACTC

S;REACTOME_PERK_REGULATED_GENE_EXPRESSION;REACTOME_ACTIVATION_OF_GENES
IPLED_NER_TC_NER;REACTOME_NUCLEOTIDE_EXCISION_REPAIR;REACTOME_FORMATION
OTEIN_IMPORT;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_C
S;REACTOME_PERK_REGULATED_GENE_EXPRESSION;REACTOME_ACTIVATION_OF_GENES

ELLING_OF_PI;REACTOME_ACYL_CHAIN_REMODELLING_OF_PC;REACTOME_PHOSPHOLIPID
NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_GLYCOPROTEIN_HORMONES;REACTOME_PEPT

REACTOME_DAG_AND_IP3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIG
TION_PATHWAY

_PRE_REPLICATIVE_COMPLEX;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_ORC1_REMOVAL_FRC

CTOME_GENERATION_OF_SECOND_MESSENGER_MOLECULES;REACTOME_IMMUNE_SYSTE

)

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLA

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROU
DS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_CHOLESTEROL_BIOSYNTHESIS

ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

ICATION;REACTOME_CELL_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION;REACTOME_TIGHT_JUNCTION

NS_MEDIATED_TRANSPORT;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLE

ON_OF_SOLUBLE_EXOGENOUS_ANTIGENS_ENDOSOMES;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSI

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUG

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUG

IPTION_TERMINATION;REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCRIPTION;REACTOME_TRANSCRIPTI

CLEOTIDES;REACTOME_PYRIMIDINE_METABOLISM

ORT_ACROSS_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_
ORT_ACROSS_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_
GTPASES

GTPASES

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

IPTION_TERMINATION;REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCRIPTION;REACTOME_TRANSCRIPTI

RIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_2_PROMOTER;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION
NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES

LAR_DOMAIN_REGULATES_TRANSCRIPTION;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTO

IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOST

;REACTOME_CLASS_B_2_SECRETIN_FAMILY_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BIND

AIR;REACTOME_RESOLUTION_OF_AP_SITES_VIA_THE_MULTIPLE_NUCLEOTIDE_PATCH_RE
AIR;REACTOME_RESOLUTION_OF_AP_SITES_VIA_THE_MULTIPLE_NUCLEOTIDE_PATCH_RE

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_ION_TRANSPORT_BY_P_TYPE_ATPASES;R

CELL_CYCLE;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_REGULATION_OF_THE_
;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_P2Y_RECEPTORS;REA

OLOGY;REACTOME_REGULATION_OF_BETA_CELL_DEVELOPMENT;REACTOME_REGULATION

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_TRANSCR

TION_PATHWAY
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS
OLOGY;REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOM

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

LATES_GUANYLATE_CYCLASE;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_HEMOST

_RECEPTOR_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_PROLACTIN_RECE

IPTION_TERMINATION;REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_II_T

_METABOLISM;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_CS_DS_DEGRADATIO
_METABOLISM;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_CS_DS_DEGRADATIO
_SALT_METABOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_BILE_ACIDS_AND_BILE_SALTS_VIA_7ALPH
MINOACYLATION;REACTOME_TRNA_AMINOACYLATION
MINOACYLATION;REACTOME_TRNA_AMINOACYLATION

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT;REACTOME_L

OLOGY;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIA

CELL_CYCLE;REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCRIPTION;REACTOME_TRANSCRIPTION;REAC

_FOR_APOPTOSIS;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_TRANSCRIPTIONA

EROID_HORMONES_AND_VITAMINS_A_AND_D;REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATIONS;REAC

IA_AMINOACYLATION;REACTOME_TRNA_AMINOACYLATION

IE_BETA_DEFENSINS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLA

_B_CELL_RECEPTOR_LEADING_TO_GENERATION_OF_SECOND_MESSENGERS;REACTOME_

KING;REACTOME_ENDOSOMAL_SORTING_COMPLEX_REQUIRED_FOR_TRANSPORT_ESCRT
4;REACTOME_DOWNREGULATION_OF_ERBB2_ERBB3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_I

RECYCLING;REACTOME_NEF_MEDIATES_DOWN_MODULATION_OF_CELL_SURFACE_RECEI
CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS;I
ILAR_DOMAIN_REGULATES_TRANSCRIPTION;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTO

F7_ACTIVATION;REACTOME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_A

ILAR_DOMAIN_REGULATES_TRANSCRIPTION;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTO

REACTOME_ARMS_MEDIATED_ACTIVATION;REACTOME_PROLONGED_ERK_ACTIVATION_E\

NA;REACTOME_METABOLISM_OF_RNA;REACTOME_NONSENSE_MEDIATED_DECAY_ENHAN(

)LOGY;REACTOME_REGULATION_OF_APOPTOSIS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOMI
)LOGY;REACTOME_REGULATION_OF_APOPTOSIS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOMI

EN_PRESENTATION;REACTOME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMEI

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_

PTOR_INTERACTIONS;REACTOME_RESPONSE_TO_ELEVATED_PLATELET_CYTOSOLIC_CA2_

)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCA

ME_GLUCONEOGENESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOME_GLU
ME_GLUCONEOGENESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOME_GLU
KING;REACTOME_TRANS_GOLGI_NETWORK_VESICLE_BUDDING;REACTOME_GOLGI_ASSOC
S;REACTOME_ACTIVATION_OF_CHAPERONE_GENES_BY_XBP1S;REACTOME_UNFOLDED_PR

ROID_HORMONES_AND_VITAMINS_A_AND_D;REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATIONS;REACT
ROID_HORMONES_AND_VITAMINS_A_AND_D;REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATIONS;REACT

ONTRACTION;REACTOME_MUSCLE_CONTRACTION

)LOGY;REACTOME_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_METABOLISM_OF_

LLING_OF_PI;REACTOME_ACYL_CHAIN_REMODELLING_OF_PC;REACTOME_PHOSPHOLIPID

_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOST

RIN_BH4_SYNTHESIS_RECYCLING_SALVAGE_AND_REGULATION;REACTOME_ENOS_ACTIVA

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_CYCLIN_E_ASSOCIATED_EVENTS_DURING_G1_S_T
ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_CYCLIN_E_ASSOCIATED_EVENTS_DURING_G1_S_T

ROID_HORMONES_AND_VITAMINS_A_AND_D;REACTOME_TRAFFICKING_AND_PROCESSINC

ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR(

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_C

OME_FORMATION_OF_THE_TERNARY_COMPLEX_AND_SUBSEQUENTLY_THE_43S_COMPLE

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_
REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE

OSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_TRIF_MEDIATED_TLR3_SIGNALING;RE

NA;REACTOME_METABOLISM_OF_RNA;REACTOME_NONSENSE_MEDIATED_DECAY_ENHAN(
SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_PKB_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_SIGNALING_BY_IN
RIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_2_PROMOTER;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION

RACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIO

IC_CCT_WITH_TARGET_PROTEINS_DURING_BIOSYNTHESIS;REACTOME_PROTEIN_FOLDIN(

SOLIC_CA2_LEVELS;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_PLATELET_CALCIU

LOGY;REACTOME_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_RORA_ACTIVATES

GTPASES

NTHESIS;REACTOME_FATTY_ACYL_COA_BIOSYNTHESIS;REACTOME_INTEGRATION_OF_EN

LOGY;REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOM

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCA

RIPTION;REACTOME_MRNA_CAPPING;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_TRANS

LOGY;REACTOME_MYOGENESIS

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_ION_TRANSPORT_BY_P_TYPE_ATPASES;R

GTPASES
GTPASES
)LOGY;REACTOME_MYOGENESIS
)LOGY;REACTOME_MYOGENESIS

)LOGY;REACTOME_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_METABOLISM_OF_

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_
ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_
ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_
ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_

'TION_PATHWAY

4_HETEROTRIMER_REGULATES_TRANSCRIPTION;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_ACTIVIT

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_AMINE_DERIVED_HORMONES;REACTOME_TRAN

REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GP
)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT
)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

)TEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_MODIFICATION_SYNTHESIS_OF_GPI_ANCHORE
)TEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_MODIFICATION_SYNTHESIS_OF_GPI_ANCHORE

'TION_PATHWAY

ICATION;REACTOME_SIGNAL_REGULATORY_PROTEIN_SIRP_FAMILY_INTERACTIONS

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_

EACTOME_REGULATION_OF_SIGNALING_BY_CBL;REACTOME_IL_3_5_AND_GM_CSF_SIGNAL
)LOGY;REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOM
)LOGY;REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOM

_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_AMINO_ACIDS_AND_DERIVATIVES

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES

SION_AND_PROCESSING;REACTOME_PRE_NOTCH_PROCESSING_IN_GOLGI;REACTOME_SI

)LOGY;REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOM
ENE_EXPRESSION;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_
CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS

ROCESSING_OF_ENDOSOMAL_TLR;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_INDUCTION_OF_NFKB_A

ROCESSING_OF_ENDOSOMAL_TLR;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_INDUCTION_OF_NFKB_A
:ONTRACTION;REACTOME_MUSCLE_CONTRACTION
ONS;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_

SPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT;REACTOME_RESPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT;

)LOGY;REACTOME_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_GENERIC_TRANSC

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REA

SE_OF_CELLULAR_PROTEINS;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME_APOPTOTIC_EXECUTION

_BETA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA

)LOGY;REACTOME_TCR_SIGNALING;REACTOME_GENERATION_OF_SECOND_MESSENGER_

PROTEOLYTIC_ACTIVITY_OF_APC_C_REQUIRED_FOR_THE_ONSET_OF_ANAPHASE_BY_MIT(

)TEIN_IMPORT;REACTOME_GLUCONEOGENESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;I
ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR(

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_PE
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

'TION_PATHWAY
)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_ACTIVATION_OF_RAC;REACTOME_SIGNA

ORT_ACROSS_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION
TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS

.TRANSMITS_SIGNAL_TO_THE_NUCLEUS;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_

ONS;REACTOME_GLUTATHIONE_CONJUGATION;REACTOME_PHASE_II_CONJUGATION

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGN

4;REACTOME_DOWNREGULATION_OF_ERBB2_ERBB3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_E
AIR;REACTOME_RESOLUTION_OF_AP_SITES_VIA_THE_MULTIPLE_NUCLEOTIDE_PATCH_RE

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_G_
NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES

_SALT_METABOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_BILE_ACIDS_AND_BILE_SALTS_VIA_7ALPH

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE

'_INTERACTIONS_BETWEEN_A_LYMPHOID_AND_A_NON_LYMPHOID_CELL;REACTOME_IMMU

)LOGY;REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOM

;M_BY_IFN_STIMULATED_GENES;REACTOME_INTERFERON_ALPHA_BETA_SIGNALING;REAC

ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR(

_TRANSMITS_SIGNAL_TO_THE_NUCLEUS;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_

R_SIGNALING_IN_EMT_EPITHELIAL_TO_MESENCHYMAL_TRANSITION;REACTOME_GPVI_MEI

_DNA_FRAGMENTATION;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME_APOPTOTIC_EXECUTION_PH
)
)

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGN

;REACTOME_CLASS_C_3_METABOTROPIC_GLUTAMATE_PHEROMONE_RECEPTORS;REACT
ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR
ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR

ACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM
ON;REACTOME_CHONDROITIN_SULFATE_DERMATAN_SULFATE_METABOLISM;REACTOME_
ON;REACTOME_CHONDROITIN_SULFATE_DERMATAN_SULFATE_METABOLISM;REACTOME_

RBOHYDRATES
DS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BOD

OTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;REACTOME_ASPARA

REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_TRIF_MEDIATED_TLR3_SIGNALING;RE

E_AND_DEGRADATION;REACTOME_HYALURONAN_METABOLISM;REACTOME_GLYCOSAMIN
E_AND_DEGRADATION;REACTOME_HYALURONAN_METABOLISM;REACTOME_GLYCOSAMIN

<IT;REACTOME_REGULATION_OF_KIT_SIGNALING;REACTOME_NEF_MEDIATES_DOWN_MOD

REACTOME_VOLTAGE_GATED_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CHANNEL
REACTOME_VOLTAGE_GATED_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CHANNEL

PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRN
OLOGY;REACTOME_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_GENERIC_TRANSC

OF_FGF_SIGNALING;REACTOME_NEGATIVE_REGULATION_OF_FGFR_SIGNALING;REACTOME

ASIS;REACTOME_PLATELET_SENSITIZATION_BY_LDL;REACTOME_HEMOSTASIS

IMULATES_FATTY_ACID_OXIDATION_IN_MUSCLE;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNAL

:TOME_ANTIVIRAL_MECHANISM_BY_IFN_STIMULATED_GENES;REACTOME_SIGNALING_BY_

OTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_MODIFICATION_SYNTHESIS_OF_GPI_ANCHORE

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_CL

NS_MEDIATED_TRANSPORT;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLE
NS_MEDIATED_TRANSPORT;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLE

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

RIPTION_AND_TRANSLATION;REACTOME_PRE_NOTCH_EXPRESSION_AND_PROCESSING;R
GTPASES;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REAC

CLEOTIDES;REACTOME_PURINE_SALVAGE;REACTOME_PURINE_METABOLISM
CLEOTIDES;REACTOME_PURINE_SALVAGE;REACTOME_PURINE_METABOLISM

RIPTION_AND_TRANSLATION;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH2;REACTOME_PRE_NOTC
RIPTION_AND_TRANSLATION;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH2;REACTOME_PRE_NOTC

RIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_2_PROMOTER;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION

IA_AMINOACYLATION;REACTOME_TRNA_AMINOACYLATION
_AT_THE_GOLGI_MEMBRANE;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_PI_MET

ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR
OTEIN_IMPORT;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_DNA_REPL
GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REAC

TEM;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_COMPLEMENT_CASCADE;REACTOME_CRE

;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVEN

RIPTION;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHC

RACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_RESPONSE_TO_ELEVATED_PLATELET_C

S;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_LIKE_GROWTH_FACTOR_IGF_ACTIVITY_BY_INSUL

)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_SIGNALING_BY_ROBO_RECEPTOR

N_CODING_RNA;REACTOME_ANTIVIRAL_MECHANISM_BY_IFN_STIMULATED_GENES;REACTC

)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCA

)TEIN_IMPORT;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS
BOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PE;REACTOME_GLYCEROPHOSPHOLIPID_BIOSYNTHE
)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCA
MPLEMENT_CASCADE;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM

)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_CRMPS_IN_SEMA3A_SIGNALING;REACTO
EROID_HORMONES_AND_VITAMINS_A_AND_D;REACTOME_STEROID_HORMONES;REACTOM

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_IRON_UPTAKE_AND_TRANSPORT

TION_PATHWAY;REACTOME_NUCLEAR_RECEPTOR_TRANSCRIPTION_PATHWAY

IA_AMINOACYLATION;REACTOME_TRNA_AMINOACYLATION
IA_AMINOACYLATION;REACTOME_TRNA_AMINOACYLATION

)LOGY;REACTOME_SIGNALING_BY_NODAL;REACTOME_RESPONSE_TO_ELEVATED_PLATEL

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROU(

REACTOME_TANDEM_PORE_DOMAIN_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CH

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_

'TION_PATHWAY

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_AMINE_DERIVED_HORMONES

ELLING_OF_PC;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_ACYL_CHAIN_REMOD
REACTOME_GROWTH_HORMONE_RECEPTOR_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERB

REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_REGULATION_OF_INSUL

)LOGY;REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOM

CLEOTIDES;REACTOME_PYRIMIDINE_METABOLISM
CLEOTIDES;REACTOME_PYRIMIDINE_METABOLISM

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

)LOGY;REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOMI
)LOGY;REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOMI
REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING

ONS;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOME_GLUCURONIDATION;REA
EACTOME_IL1_SIGNALING;REACTOME_IRAK1_RECRUITS_IKK_COMPLEX;REACTOME_TRAF6_
GTPASES

KYLATION_HYPUSINE_FORMATION_AND_ARYLSULFATASE_ACTIVATION;REACTOME_GAMMA

PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRN

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_DNA_REPL

REACTOME_SIGNALLING_TO_RAS;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PL
KYLATION_HYPUSINE_FORMATION_AND_ARYLSULFATASE_ACTIVATION;REACTOME_GAMMA

_METABOLISM;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_SPHINGOLIPID_META

;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDIN

CONTRACTION;REACTOME_MUSCLE_CONTRACTION
KING;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_EGFR_DOWNREGULATION

ERGY_METABOLISM;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_SYNT
ERGY_METABOLISM;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_SYNT

_SALT_METABOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_BILE_ACIDS_AND_BILE_SALTS_VIA_7ALPH

ME_MHC_CLASS_II_ANTIGEN_PRESENTATION;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOI
FACE_INTERACTIONS;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_IN

)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS
;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVEI

)LOGY;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_CROSS_PRESENTATION;REACTOME_CELL_SUI
)LOGY;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FOI

(IT;REACTOME_GROWTH_HORMONE_RECEPTOR_SIGNALING;REACTOME_ANTIVIRAL_MECI

OME_METABOLISM_OF_PROTEINS

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES

)F_HOMO_SAPIENS_WITH_MYCOBACTERIUM_TUBERCULOSIS;REACTOME_TRANSMEMBRAI

:ONTRACTION;REACTOME_MUSCLE_CONTRACTION

REACTOME_GROWTH_HORMONE_RECEPTOR_SIGNALING;REACTOME_INSULIN_RECEPTOI

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_PE

2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOME_CIRCADIAN_CLOCK

)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS

E_FANCONI_ANEMIA_PATHWAY;REACTOME_FANCONI_ANEMIA_PATHWAY;REACTOME_DNA_
)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_

REACTOME_VOLTAGE_GATED_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CHANNEL
'TION_PATHWAY;REACTOME_NUCLEAR_RECEPTOR_TRANSCRIPTION_PATHWAY

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS
R_SIGNALING_IN_EMT_EPITHELIAL_TO_MESENCHYMAL_TRANSITION;REACTOME_DOWNRE

MEIOTIC_RECOMBINATION

;REACTOME_PEPTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

ENE_EXPRESSION;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_

)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM
)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM
_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR
)PTOSIS;REACTOME_ROLE_OF_DCC_IN_REGULATING_APOPTOSIS;REACTOME_APOPTOSIS

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES
)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_CRMPS_IN_SEMA3A_SIGNALING;REACTO

CELL_CYCLE;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_REGULATION_OF_THE_
TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

CTIVITY_OF_SMAD2_SMAD3_SMAD4_HETEROTRIMER;REACTOME_DOWNREGULATION_OF_

REACTOME_CGMP_EFFECTS;REACTOME_NITRIC_OXIDE_STIMULATES_GUANYLATE_CYCLA

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_BRANCHED_CHAIN_AMINO_ACID_CATABOLISM

;REACTOME_PEPTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_

S;REACTOME_ACTIVATION_OF_CHAPERONE_GENES_BY_XBP1S;REACTOME_UNFOLDED_PI

ORS_OF_RIG_I_MDA5_SIGNALING;REACTOME_RIG_I_MDA5_MEDIATED_INDUCTION_OF_IFN_
ORS_OF_RIG_I_MDA5_SIGNALING;REACTOME_RIG_I_MDA5_MEDIATED_INDUCTION_OF_IFN_

GTPASES

OSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

S;REACTOME_INSULIN_SYNTHESIS_AND_PROCESSING

ONS;REACTOME_GLUCURONIDATION;REACTOME_PHASE_II_CONJUGATION

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS
TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

EACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_MITOTIC_G1_G1_S

GTPASES

SIS;REACTOME_HEPARAN_SULFATE_HEPARIN_HS_GAG_METABOLISM;REACTOME_GLYCOS

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLA

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS
ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REAC
GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REAC

IMULATES_FATTY_ACID_OXIDATION_IN_MUSCLE;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNAL

DS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BOD
ENE_EXPRESSION;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_

;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_DARPP_32_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOW

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_CHROMOS

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REACTOM
ME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_ACTIVATION_OF_ATR_IN_RESPONSE_TO_RE

N;REACTOME_CHONDROITIN_SULFATE_BIOSYNTHESIS;REACTOME_CHONDROITIN_SULFAT

KYLATION_HYPUSINE_FORMATION_AND_ARYLSULFATASE_ACTIVATION;REACTOME_GLYCO

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_OTHER_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;RE

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_CYCLIN_A
ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_CYCLIN_A
_BETA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA
_BETA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA

REACTOME_CTNNB1_PHOSPHORYLATION_CASCADE
CTOME_NITRIC_OXIDE_STIMULATES_GUANYLATE_CYCLASE;REACTOME_PLATELET_HOMEO

)
MINOACYLATION;REACTOME_TRNA_AMINOACYLATION
OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NETRIN1_SIGNALING

ON_OF_FGFR_SIGNALING;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACTO
ON_OF_FGFR_SIGNALING;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACTO
ON_OF_FGFR_SIGNALING;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACTO

OME_SRP_DEPENDENT_COTRANSLATIONAL_PROTEIN_TARGETING_TO_MEMBRANE;REACT
;REACTOME_CLASS_C_3_METABOTROPIC_GLUTAMATE_PHEROMONE_RECEPTORS;REACT

OTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;REACTOME_ASPARA
OTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;REACTOME_SYNTHE

KING;REACTOME_TRANS_GOLGI_NETWORK_VESICLE_BUDDING;REACTOME_GOLGI_ASSOC

TION_PATHWAY

MBINATION_REPAIR_OF_REPLICATION_INDEPENDENT_DOUBLE_STRAND_BREAKS;REACTO

MINOACYLATION;REACTOME_TRNA_AMINOACYLATION

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION
TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION
REACTOME_DAG_AND_IP3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIG

'TION_PATHWAY;REACTOME_NUCLEAR_RECEPTOR_TRANSCRIPTION_PATHWAY
'TION_PATHWAY;REACTOME_NUCLEAR_RECEPTOR_TRANSCRIPTION_PATHWAY
'TION_PATHWAY;REACTOME_NUCLEAR_RECEPTOR_TRANSCRIPTION_PATHWAY
OME_SRP_DEPENDENT_COTRANSLATIONAL_PROTEIN_TARGETING_TO_MEMBRANE;REACT

_IN_DISEASE;REACTOME_FRS2_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALI

OGENESIS;REACTOME_REGULATORY_RNA_PATHWAYS

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_BRANCHED_CHAIN_AMINO_ACID_CATABOLISM

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRAN

'TION_PATHWAY;REACTOME_NUCLEAR_RECEPTOR_TRANSCRIPTION_PATHWAY

FACE_INTERACTIONS
FACE_INTERACTIONS

OXICITY;REACTOME_PROTEOLYTIC_CLEAVAGE_OF_SNARE_COMPLEX_PROTEINS;REACTO

TE_DERMATAN_SULFATE_METABOLISM;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM

CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS
CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS
CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS

DS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_LIPID_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPORT;F

ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR(

TE_BIOSYNTHESIS;REACTOME_CHONDROITIN_SULFATE_DERMATAN_SULFATE_METABOLI
ALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_ACTIVATION_OF_NF_KAPPAB_IN_

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_G_

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

NS_MEDIATED_TRANSPORT;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLE

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_BRANCHED_CHAIN_AMINO_ACID_CATABOLISM
B_SIGNALING;REACTOME_TAK1_ACTIVATES_NFKB_BY_PHOSPHORYLATION_AND_ACTIVATI(

IC_CCT_WITH_TARGET_PROTEINS_DURING_BIOSYNTHESIS;REACTOME_PROTEIN_FOLDIN(

ISM_AND_CITRIC_ACID_TCA_CYCLE;REACTOME_TCA_CYCLE_AND_RESPIRATORY_ELECTR
REACTOME_DAG_AND_IP3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIG
S;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_LIKE_GROWTH_FACTOR_IGF_ACTIVITY_BY_INSUL

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLA

CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS
;REACTOME_CLASS_B_2_SECRETIN_FAMILY_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BIN

TRANSMITS_SIGNAL_TO_THE_NUCLEUS;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_

OLOGY;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_CELL_SURFACE

ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR(

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_

_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_FG

REACTOME_CROSS_PRESENTATION_OF_SOLUBLE_EXOGENOUS_ANTIGENS_ENDOSOMES;
_PRE_REPLICATIVE_COMPLEX;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_ORC1_REMOVAL_FRC

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES

ICATION;REACTOME_CELL_EXTRACELLULAR_MATRIX_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_JU
;REACTOME_CLASS_B_2_SECRETIN_FAMILY_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BIND

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_G_
ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_G_

RECYCLING;REACTOME_LATENT_INFECTION_OF_HOMO_SAPIENS_WITH_MYCOBACTERIUM

RBOHYDRATES;REACTOME_DIGESTION_OF_DIETARY_CARBOHYDRATE

RIN_BH4_SYNTHESIS_RECYCLING_SALVAGE_AND_REGULATION;REACTOME_LATENT_INFE

)LOGY;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_DAI

IMULATES_FATTY_ACID_OXIDATION_IN_MUSCLE;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNAL
IMULATES_FATTY_ACID_OXIDATION_IN_MUSCLE;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNAL

ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR

IE_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM

GTPASES
OTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;REACTOME_ASPARA

_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOST

MEIOTIC_RECOMBINATION

OLOGY;REACTOME_NEGATIVE_REGULATION_OF_FGFR_SIGNALING;REACTOME_INSULIN_RE
OLOGY;REACTOME_NEGATIVE_REGULATION_OF_FGFR_SIGNALING;REACTOME_INSULIN_RE

AIR;REACTOME_RESOLUTION_OF_AP_SITES_VIA_THE_MULTIPLE_NUCLEOTIDE_PATCH_RE

;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVEI

)LOGY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_TRANSCRIPT

TY_ACID_BETA_OXIDATION;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REA
TY_ACID_BETA_OXIDATION;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REA

REACTOME_VOLTAGE_GATED_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CHANNEL

REACTOME_TANDEM_PORE_DOMAIN_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CH

SE_OF_CELLULAR_PROTEINS;REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REACTOME_CASP

TRANSMITTER_RELEASE_CYCLE;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPS

RIPTION;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHC

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

SPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT;REACTOME_RESPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT;

ICATION;REACTOME_CELL_EXTRACELLULAR_MATRIX_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_JU

REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE

REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_SIGNALLING_TO_RAS
MINOACYLATION;REACTOME_TRNA_AMINOACYLATION

RPHYRINS
TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION
TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION
TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

S;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_LIKE_GROWTH_FACTOR_IGF_ACTIVITY_BY_INSUL
ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGN

ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR
RANSMITTER_RELEASE_CYCLE;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPS

AMINS_AND_COFACTORS

GE_OF_CELLULAR_PROTEINS;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_CELL_C
GE_OF_CELLULAR_PROTEINS;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_CELL_C
GE_OF_CELLULAR_PROTEINS;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_CELL_C
GE_OF_CELLULAR_PROTEINS;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_CELL_C

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_AMINO_ACID_SYNTHESIS_AND_INTERCONVERS
NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_AMINO_ACID_SYNTHESIS_AND_INTERCONVERS
OTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;REACTOME_SYNTHE
METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS
METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS
REACTOME_ARMS_MEDIATED_ACTIVATION;REACTOME_PROLONGED_ERK_ACTIVATION_E

RIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_2_PROMOTER;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTIO
REACTOME_SIGNALLING_TO_RAS;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PI

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_AMINE_DERIVED_HORMONES
OLOGY;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FOR
OLOGY;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FOR
OLOGY;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FOR

_FOR_APOPTOSIS;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_IRF7_ACTIVATION;REACTOME_TRAF6_M
OTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;REACTOME_ASPARA
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRAN

EROID_HORMONES_AND_VITAMINS_A_AND_D;REACTOME_HDL_MEDIATED_LIPID_TRANSPO
EROID_HORMONES_AND_VITAMINS_A_AND_D;REACTOME_HDL_MEDIATED_LIPID_TRANSPO

FACE_INTERACTIONS;REACTOME_P130CAS_LINKAGE_TO_MAPK_SIGNALING_FOR_INTEGRI

BOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PC;REACTOME_GLYCEROPHOSPHOLIPID_BIOSYNTHE

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_DARPP_32_EVENTS

ONS;REACTOME_XENOBIOTICS;REACTOME_CYTOCHROME_P450_ARRANGED_BY_SUBSTRA

_B_CELL_RECEPTOR_LEADING_TO_GENERATION_OF_SECOND_MESSENGERS;REACTOME_

ON;REACTOME_HEPARAN_SULFATE_HEPARIN_HS_GAG_METABOLISM;REACTOME_GLYCOS

ICATION;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_F(

REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING
OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCA

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NETRIN1_SIGNALING;REACTOME_DCC_M
OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NETRIN1_SIGNALING;REACTOME_DCC_M

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATIONS;REACTOME_PHASE1_
NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATIONS;REACTOME_PHASE1_
NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATIONS;REACTOME_PHASE1_

REACTOME_CROSS_PRESENTATION_OF_SOLUBLE_EXOGENOUS_ANTIGENS_ENDOSOMES;

REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_NEF_MEDIATES_DOWN_MODULATION

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_
ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_
ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_
ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_
ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_AMINE_DERIVED_HORMONES

'_INTERACTIONS_BETWEEN_A_LYMPHOID_AND_A_NON_LYMPHOID_CELL;REACTOME_IMMI

;REACTOME_OLFACTORY_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNA

2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOME_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSIC

SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_GPCR_DOWNSTREA
EROID_HORMONES_AND_VITAMINS_A_AND_D;REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATIONS;REACT

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_AMINE_DERIVED_HORMONES

3_SIGNALING;REACTOME_RIP_MEDIATED_NFKB_ACTIVATION_VIA_DAI;REACTOME_GASTRIN
ISM_AND_CITRIC_ACID_TCA_CYCLE;REACTOME_TCA_CYCLE_AND_RESPIRATORY_ELECTR
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

GE_OF_CELLULAR_PROTEINS;REACTOME_CASPASE_MEDIATED_CLEAVAGE_OF_CYTOSKEL

'NTHESIS;REACTOME_FATTY_ACYL_COA_BIOSYNTHESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIP

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE

;REACTOME_OLFACTORY_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNA

;REACTOME_OLFACTORY_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNA
;REACTOME_OLFACTORY_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNA
TO_3_EXORIBONUCLEASE;REACTOME_METABOLISM_OF_MRNA;REACTOME_DEADENYLATIC

ENE_EXPRESSION;REACTOME_ALPHA_LINOLENIC_ACID_ALA_METABOLISM;REACTOME_ME

PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_TRANSPORT_OF_MATURE_TRANSCRI

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGN
OWN_GLYCOGENOLYSIS;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOME_GLU
S;REACTOME_ACTIVATION_OF_CHAPERONE_GENES_BY_XBP1S;REACTOME_UNFOLDED_PF

_PRE_REPLICATIVE_COMPLEX;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_PROCESSIVE_SYNTHE
REACTOME_TANDEM_PORE_DOMAIN_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CH

ACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM
ACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

EN_PRESENTATION;REACTOME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMEI

)F_TGF_BETA_RECEPTOR_SIGNALING;REACTOME_TGF_BETA_RECEPTOR_SIGNALING_ACT
SPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT;REACTOME_RESPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT;
RECYCLING;REACTOME_LATENT_INFECTION_OF_HOMO_SAPIENS_WITH_MYCOBACTERIUM

DS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_CHOLESTEROL_BIOSYNTHESIS

GTPASES

_METABOLISM;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_SPHINGOLIPID_META
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

EN_PRESENTATION;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTE
LATES_GUANYLATE_CYCLASE;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_HEMOST

2;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HOST_INTERACTIONS_OF_HIV_FACTORS;REACT
NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_BRANCHED_CHAIN_AMINO_ACID_CATABOLISM;
CELL_CYCLE;REACTOME_P53_INDEPENDENT_G1_S_DNA_DAMAGE_CHECKPOINT;REACTOM

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_DNA_REPL
ICATION;REACTOME_ADHERENS_JUNCTIONS_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_CELL_JUN

)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_INTE

NSPORT;REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICKING
TO_3_EXORIBONUCLEASE;REACTOME_METABOLISM_OF_MRNA;REACTOME_DEADENYLATI
GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REAC

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REAC

;REACTOME_OLFACTORY_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNA

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_G1_PHASE;REACTOME_MITOTIC_G1_G1_S_PHASES

REACTOME_VOLTAGE_GATED_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CHANNEL
_FOR_APOPTOSIS;REACTOME_APOPTOSIS

N_MODULATION_OF_CELL_SURFACE_RECEPTORS_BY_RECRUITING_THEM_TO_CLATHRIN_

_AT_THE_GOLGI_MEMBRANE;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_SYNTH
_AT_THE_GOLGI_MEMBRANE;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_SYNTH

_SALT_METABOLISM;REACTOME_RECYCLING_OF_BILE_ACIDS_AND_SALTS;REACTOME_TR

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_
ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_

REACTOME_DAG_AND_IP3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIG

'_INTERACTIONS_BETWEEN_A_LYMPHOID_AND_A_NON_LYMPHOID_CELL;REACTOME_INTE

IC_CCT_WITH_TARGET_PROTEINS_DURING_BIOSYNTHESIS;REACTOME_PREFOLDIN_MEDI/

:ONTRACTION;REACTOME_MUSCLE_CONTRACTION
E_AND_DEGRADATION;REACTOME_HYALURONAN_METABOLISM;REACTOME_GLYCOSAMIN
AIR;REACTOME_RESOLUTION_OF_AP_SITES_VIA_THE_MULTIPLE_NUCLEOTIDE_PATCH_RE

)LOGY;REACTOME_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_METABOLISM_OF_
)F_HOMO_SAPIENS_WITH_MYCOBACTERIUM_TUBERCULOSIS;REACTOME_NITRIC_OXIDE_S

)TEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;REACTOME_ASPARA(

_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_ALPHA_BETA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_DNA_REPL
ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_DNA_REPL
<ING;REACTOME_TRANS_GOLGI_NETWORK_VESICLE_BUDDING;REACTOME_GOLGI_ASSOC

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLA

_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_FG

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_TRANSCR

TY_ACID_BETA_OXIDATION;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REA

)LOGY;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FOF
IA_AMINOACYLATION;REACTOME_TRNA_AMINOACYLATION

RIPTION;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_FORMATION_OF_RNA_POL_II_ELONGATI

RACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_BASIGIN_INTERACTIONS;REACTOME_AM

THWAY;REACTOME_DNA_REPAIR

;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_EICOSANOID_LIGAND_

AMINS_AND_COFACTORS

AMINS_AND_COFACTORS
ICATION;REACTOME_RESPONSE_TO_ELEVATED_PLATELET_CYTOSOLIC_CA2_;REACTOME_

EAK_REPAIR;REACTOME_DNA_REPAIR

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_CL

_BETA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA

OGENESIS;REACTOME_REGULATORY_RNA_PATHWAYS

.TRANSMITS_SIGNAL_TO_THE_NUCLEUS;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_

EN_PRESENTATION;REACTOME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMEI

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_

.TRANSMITS_SIGNAL_TO_THE_NUCLEUS;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH4;REACTOME_
RIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_2_PROMOTER;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTIOI

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_ION_TRANSPORT_BY_P_TYPE_ATPASES;R
ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR(
ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR(

OSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_ACTIVATION_OF_RAC;REACTOME_SIGNA
ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_
OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_C
OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_C

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES

)LOGY;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_
FACE_INTERACTIONS
FACE_INTERACTIONS

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_ION_TRANSPORT_BY_P_TYPE_ATPASES;R

S;REACTOME_INSULIN_SYNTHESIS_AND_PROCESSING
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_PASSIVE_TRANSPORT_BY_AQUAPORINS;F

FACE_INTERACTIONS

ROID_HORMONES_AND_VITAMINS_A_AND_D;REACTOME_BIOLOGICAL_OXIDATIONS;REACT

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUG

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_SIGNALING_BY_NODAL

;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVEN

GTPASES

;REACTOME_PEPTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_
CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS

OME_SRP_DEPENDENT_COTRANSLATIONAL_PROTEIN_TARGETING_TO_MEMBRANE;REACT
OTEIN_IMPORT;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS

OLOGY;REACTOME_MYOGENESIS

'TION_PATHWAY

OLOGY;REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOM
OLOGY;REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOM
OLOGY;REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOM
REACTOME_DAG_AND_IP3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIG

_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOI
_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOI

NS_MEDIATED_TRANSPORT;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLE

NA;REACTOME_METABOLISM_OF_RNA;REACTOME_NONSENSE_MEDIATED_DECAY_ENHAN

SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_PKB_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_SIGNALING_BY_I

SION_AND_PROCESSING;REACTOME_PRE_NOTCH_PROCESSING_IN_GOLGI;REACTOME_TF

RACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIO
'TION_PATHWAY

)WN_GLYCOGENOLYSIS;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOME_GLU

N_CODING_RNA;REACTOME_ANTIVIRAL_MECHANISM_BY_IFN_STIMULATED_GENES;REACT(

N_CODING_RNA;REACTOME_ANTIVIRAL_MECHANISM_BY_IFN_STIMULATED_GENES;REACT(
_TRANSPORT;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_LIPID

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS;F

FACE_INTERACTIONS;REACTOME_P130CAS_LINKAGE_TO_MAPK_SIGNALING_FOR_INTEGRI

_B_CELL_RECEPTOR_LEADING_TO_GENERATION_OF_SECOND_MESSENGERS;REACTOME_

IPTION_TERMINATION;REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCRIPTION;REACTOME_TRANSCRIPTI

DS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_CHOLESTEROL_BIOSYNTHESIS

PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRN

NA;REACTOME_METABOLISM_OF_RNA;REACTOME_NONSENSE_MEDIATED_DECAY_ENHAN(
NA;REACTOME_METABOLISM_OF_RNA;REACTOME_NONSENSE_MEDIATED_DECAY_ENHAN(

OSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR(

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

OGENESIS;REACTOME_REGULATORY_RNA_PATHWAYS;REACTOME_PROCESSING_OF_CAP

BOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_AT_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_PI_M

SIS;REACTOME_HEPARAN_SULFATE_HEPARIN_HS_GAG_METABOLISM;REACTOME_GLYCOS

OLOGY;REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOM
OLOGY;REACTOME_BMAL1_CLOCK_NPAS2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOM

S_SIGNALING;REACTOME_MAP_KINASE_ACTIVATION_IN_TLR_CASCADE;REACTOME_ACTIVA
OF_HOMO_SAPIENS_WITH_MYCOBACTERIUM_TUBERCULOSIS;REACTOME_NITRIC_OXIDE_S
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_FG

REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_NEF_MEDIATES_DOWN_MODULATION

OLOGY;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONA
OME_SRP_DEPENDENT_COTRANSLATIONAL_PROTEIN_TARGETING_TO_MEMBRANE;REACT

)LOGY;REACTOME_DOWNREGULATION_OF_ERBB2_ERBB3_SIGNALING;REACTOME_SIGNAL
;REACTOME_PEPTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_GROWTH_HORMONE_RECEPTOR_SIGNA
REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_GROWTH_HORMONE_RECEPTOR_SIGNA
REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_GROWTH_HORMONE_RECEPTOR_SIGNA
HENATE_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_VITAMINS_AND_COFACTORS

)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR(

)LOGY;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_CELL_SURFACE_

FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION

_RECEPTOR_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_PROLACTIN_RECE
)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_INTE

S_IN_LIPID_HOMEOSTASIS;REACTOME_ABC_FAMILY_PROTEINS_MEDIATED_TRANSPORT;R

SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_REGULATION_OF_AMPK_ACTIVITY_VIA_LKB1;REACTOM

HENATE_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_VITAMINS_AND_COFACTORS;REACTC
HENATE_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_VITAMINS_AND_COFACTORS;REACTC

REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SI
ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_DNA_REPL

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE
;REACTOME_PEPTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_

ICATION;REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_AQUAPORIN_MEDIATED_TRANSPORT;REA

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_ION_TRANSPORT_BY_P_TYPE_ATPASES;R

ISM_AND_CITRIC_ACID_TCA_CYCLE;REACTOME_TCA_CYCLE_AND_RESPIRATORY_ELECTR
CTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAL_TRANSCRIPTION
CTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAL_TRANSCRIPTION

PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRN

GTPASES
RIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_2_PROMOTER;REACTOME_MICRORNA_MIRNA_BIOGENES

;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOM
GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_TGF_BETA_RECEPTOR_SIGNALIN(

IPLED_NER_TC_NER;REACTOME_NUCLEOTIDE_EXCISION_REPAIR;REACTOME_FORMATION
IPLED_NER_TC_NER;REACTOME_NUCLEOTIDE_EXCISION_REPAIR;REACTOME_FORMATION

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_
ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_
ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_

SM_BY_IFN_STIMULATED_GENES;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_NEGAT

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_CL
_INTERACTIONS_BETWEEN_A_LYMPHOID_AND_A_NON_LYMPHOID_CELL;REACTOME_INTE

ACTOME_INTERFERON_ALPHA_BETA_SIGNALING;REACTOME_REGULATION_OF_IFNA_SIGI

DS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_LIPID_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPORT;R
DS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_LIPID_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPORT;R
IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOST

REACTOME_DAG_AND_IP3_SIGNALING;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_SIGNALING_E

;REACTOME_OLFACTORY_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNA

_IN_CANCER;REACTOME_EGFR_DOWNREGULATION

GTPASES

;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_DARPP_32_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOW

TION_PATHWAY

ME_GLUCONEOGENESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOME_GLU

TION_PATHWAY

PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRN

PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRN
OLOGY;REACTOME_TGF_BETA_RECEPTOR_SIGNALING_IN_EMT_EPITHELIAL_TO_MESENCHY
REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GP

TION_PATHWAY
TION_PATHWAY

OTEIN_IMPORT;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS
ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_CL

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

OVO_BIOSYNTHESIS;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_SPHINGOLIPID_

PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRN
PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRN

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_SEMA4D_IN_SEMAPHORIN_SIGNALING;RE
TION_PATHWAY;REACTOME_NUCLEAR_RECEPTOR_TRANSCRIPTION_PATHWAY
AIR;REACTOME_RESOLUTION_OF_AP_SITES_VIA_THE_MULTIPLE_NUCLEOTIDE_PATCH_RE
AIR;REACTOME_RESOLUTION_OF_AP_SITES_VIA_THE_MULTIPLE_NUCLEOTIDE_PATCH_RE
AIR;REACTOME_RESOLUTION_OF_AP_SITES_VIA_THE_MULTIPLE_NUCLEOTIDE_PATCH_RE

CONTRACTION;REACTOME_MUSCLE_CONTRACTION
CONTRACTION;REACTOME_MUSCLE_CONTRACTION

)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

'_INTERACTIONS_BETWEEN_A_LYMPHOID_AND_A_NON_LYMPHOID_CELL;REACTOME_IMMU

ERGY_METABOLISM;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION

'TION_PATHWAY
'TION_PATHWAY
'TION_PATHWAY

ICATION;REACTOME_CELL_SURFACE_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOM

IC_CCT_WITH_TARGET_PROTEINS_DURING_BIOSYNTHESIS;REACTOME_PROTEIN_FOLDING

)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCA

)TEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_MODIFICATION_SYNTHESIS_OF_GPI_ANCHORE

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE
AMINS_AND_COFACTORS

)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_DAG_AND_IP3_SIGNALING;REACTOMI

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRAN

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRAN

REACTOME_VOLTAGE_GATED_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CHANNEL
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_ION_TRANSPORT_BY_P_TYPE_ATPASES;R

;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TR
CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS

OLOGY;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FOR
OLOGY;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FOR
NSPORT;REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICKING;REACTOME_DIABETES_PATHWAYS;REACT

RACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIO
3_SIGNALING;REACTOME_RIP_MEDIATED_NFKB_ACTIVATION_VIA_DAI;REACTOME_GASTRIN

BOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_AT_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_PI_M

BETA_SIGNALING;REACTOME_REGULATION_OF_IFNA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERO
GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROU

ICATION;REACTOME_DSCAM_INTERACTIONS
ICATION;REACTOME_DSCAM_INTERACTIONS
ICATION;REACTOME_DSCAM_INTERACTIONS
ICATION;REACTOME_DSCAM_INTERACTIONS

PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_TRANSPORT_OF_MATURE_TRANSCRI

'_INTERACTIONS_BETWEEN_A_LYMPHOID_AND_A_NON_LYMPHOID_CELL;REACTOME_CELI
AMINS_AND_COFACTORS
)LOGY;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FOF
NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE

_AT_THE_GOLGI_MEMBRANE;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_PI_MET

REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SI(
_ISM;REACTOME_METABOLISM_OF_NUCLEOTIDES;REACTOME_PYRIMIDINE_METABOLISM
ONS;REACTOME_GLUTATHIONE_CONJUGATION;REACTOME_PHASE_II_CONJUGATION

_PRE_REPLICATIVE_COMPLEX;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_ORC1_REMOVAL_FRO
)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_SEMA4D_IN_SEMAPHORIN_SIGNALING;RE
EACTOME_IL_3_5_AND_GM_CSF_SIGNALING;REACTOME_IL_RECEPTOR_SHC_SIGNALING;RE

ELLING_OF_PC;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_ACYL_CHAIN_REMOD
_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOST

)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT
)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCA
RIPTION_AND_TRANSLATION;REACTOME_PRE_NOTCH_EXPRESSION_AND_PROCESSING;R
ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_PE
RIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_2_PROMOTER;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION
RIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_2_PROMOTER;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION
ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_DNA_REPL

BOLISM;REACTOME_GLYCEROPHOSPHOLIPID_BIOSYNTHESIS;REACTOME_METABOLISM_O

CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS

KYLATION_HYPUSINE_FORMATION_AND_ARYLSULFATASE_ACTIVATION;REACTOME_GLYCO

'NTHESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_A
'NTHESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_A
:ONTRACTION;REACTOME_MUSCLE_CONTRACTION

)RS_OF_RIG_I_MDA5_SIGNALING;REACTOME_RIG_I_MDA5_MEDIATED_INDUCTION_OF_IFN_

REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUGH_JNK;REACTOME_REGULATION_OF_APOP

CELL_CYCLE;REACTOME_PROCESSING_OF_CAPPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;RE
ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR(

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROU(

GTPASES

)LOGY;REACTOME_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_GENERIC_TRANSC
KING;REACTOME_GAP_JUNCTION_TRAFFICKING;REACTOME_GAP_JUNCTION_ASSEMBLY

LAR_DOMAIN_REGULATES_TRANSCRIPTION;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTO
)WN_GLYCOGENOLYSIS;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOME_GLU

'NTHESIS;REACTOME_FATTY_ACYL_COA_BIOSYNTHESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIP

ON;REACTOME_CHONDROITIN_SULFATE_DERMATAN_SULFATE_METABOLISM;REACTOME_I
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_ION_TRANSPORT_BY_P_TYPE_ATPASES;R

N;REACTOME_CHONDROITIN_SULFATE_BIOSYNTHESIS;REACTOME_CHONDROITIN_SULFAT
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_PLA
OME_SRP_DEPENDENT_COTRANSLATIONAL_PROTEIN_TARGETING_TO_MEMBRANE;REACT
OLOGY;REACTOME_CELL_SURFACE_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME
OLOGY;REACTOME_CELL_SURFACE_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME

RBOHYDRATES
ME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_TELOMERE_MAINTENANCE;REACTOME_EX

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES

SM_BY_IFN_STIMULATED_GENES;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IMMUN

ON;REACTOME_HEPARAN_SULFATE_HEPARIN_HS_GAG_METABOLISM;REACTOME_GLYCOS
ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE

TRANSMITS_SIGNAL_TO_THE_NUCLEUS;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH4;REACTOME_

ME_MHC_CLASS_II_ANTIGEN_PRESENTATION;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOI

ONTRACTION;REACTOME_MUSCLE_CONTRACTION

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_C
;REACTOME_PEPTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_

;REACTOME_CLASS_B_2_SECRETIN_FAMILY_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BIND

_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_AMINO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME

S_IN_LIPID_HOMEOSTASIS;REACTOME_ABC_FAMILY_PROTEINS_MEDIATED_TRANSPORT;R

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS
OTEIN_IMPORT;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE
ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE

_FOR_APOPTOSIS;REACTOME_APOPTOSIS
REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REACTOM

ONS;REACTOME_CYTOCHROME_P450_ARRANGED_BY_SUBSTRATE_TYPE;REACTOME_PHA

AT_THE_EARLY_ENDOSOME_MEMBRANE;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REAC

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_PE

E_AND_DEGRADATION;REACTOME_HYALURONAN_METABOLISM;REACTOME_GLYCOSAMIN

NREGULATION_OF_MHC_CLASS_I_COMPLEX_CELL_SURFACE_EXPRESSION;REACTOME_AI

SE_OF_CELLULAR_PROTEINS;REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REACTOME_CASP

ME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOME_GLUCOSE_METABOLISM

)F_HOMO_SAPIENS_WITH_MYCOBACTERIUM_TUBERCULOSIS;REACTOME_NITRIC_OXIDE_S

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_

TO_3_EXORIBONUCLEASE;REACTOME_METABOLISM_OF_MRNA;REACTOME_DEADENYLATIC
PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRN
TION_PATHWAY

BOLISM;REACTOME_GLYCEROPHOSPHOLIPID_BIOSYNTHESIS;REACTOME_METABOLISM_O

XYLATION_HYPUSINE_FORMATION_AND_ARYLSULFATASE_ACTIVATION;REACTOME_GLYCC

OLOGY;REACTOME_MHC_CLASS_II_ANTIGEN_PRESENTATION;REACTOME_AXON_GUIDANCE

OSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT
REACTOME_TRIF_MEDIATED_TLR3_SIGNALING;REACTOME_P75NTR_RECRUITS_SIGNALLIN

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION
ON_OF_SOLUBLE_EXOGENOUS_ANTIGENS_ENDOSOMES;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSIN

OLOGY;REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOMI

S;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_LIKE_GROWTH_FACTOR_IGF_ACTIVITY_BY_INSUL

;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_AMINE_LIGAND_BINDI

IPTION;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHOI

OLOGY;REACTOME_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_METABOLISM_OF_

RT_AND_METABOLISM;REACTOME_ABC_FAMILY_PROTEINS_MEDIATED_TRANSPORT;REACT

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE
SE_OF_CELLULAR_PROTEINS;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_CELL_C
_FOR_APOPTOSIS;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_IRF7_ACTIVATION;REACTOME_TRAF6_M

FACE_INTERACTIONS

ON_OF_FGFR_SIGNALING;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACT(

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REAC
_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_ALPHA_BETA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON
ME_ORC1_REMOVAL_FROM_CHROMATIN;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_C

S;REACTOME_INSULIN_SYNTHESIS_AND_PROCESSING

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

OSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_INTEGRATION_OF
;REACTOME_OLFACTORY_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNA

REACTOME_POTASSIUM_CHANNELS

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

REACTOME_TRIF_MEDIATED_TLR3_SIGNALING;REACTOME_P75NTR_RECRUITS_SIGNALLIN

RIPTION;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHC

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REAC
OME_METABOLISM_OF_PROTEINS

ICATION;REACTOME_ADHERENS_JUNCTIONS_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_CELL_JUN

)
)

REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SI(

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRAN

OME_FORMATION_OF_THE_TERNARY_COMPLEX_AND_SUBSEQUENTLY_THE_43S_COMPLE
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_ION_TRANSPORT_BY_P_TYPE_ATPASES;R
OLISM;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_ABC_FAMILY_PROTE
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT;REACTOME_L

TOR_INTERACTIONS;REACTOME_RESPONSE_TO_ELEVATED_PLATELET_CYTOSOLIC_CA2_

NTHESIS;REACTOME_FATTY_ACYL_COA_BIOSYNTHESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIP

OLOGY;REACTOME_REGULATION_OF_APOPTOSIS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOM

G_CROSS_PRESENTATION;REACTOME_ENDOSOMAL_VACUOLAR_PATHWAY;REACTOME_E

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

BOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_AT_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_PI_M

)TEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;REACTOME_ASPARA(
4;REACTOME_NUCLEAR_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTO

REACTOME_TANDEM_PORE_DOMAIN_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CH

REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_REGULATION_OF_INSUL

_TRANSMITS_SIGNAL_TO_THE_NUCLEUS;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES

BOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_AT_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_PI_M

)VO_BIOSYNTHESIS;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_SPHINGOLIPID_

REACTOME_CTNNB1_PHOSPHORYLATION_CASCADE;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_

ATED_PLATELET_CYTOSOLIC_CA2_;REACTOME_GLYCOLYSIS;REACTOME_GLUCONEOGENE

PPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRN
S;REACTOME_UNFOLDED_PROTEIN_RESPONSE
OSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

ONS;REACTOME_CYTOSOLIC_SULFONATION_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_PHASE_

OSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

OSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_SIGNALING_BY_G

BETA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REA

SPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT;REACTOME_RESPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT;

PROTEOLYTIC_ACTIVITY_OF_APC_C_REQUIRED_FOR_THE_ONSET_OF_ANAPHASE_BY_MIT

;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_DARPP_32_EVENTS

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

KIT;REACTOME_GROWTH_HORMONE_RECEPTOR_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_E

SIS;REACTOME_HEPARAN_SULFATE_HEPARIN_HS_GAG_METABOLISM;REACTOME_GLYCOS

REACTOME_TRIF_MEDIATED_TLR3_SIGNALING;REACTOME_TCR_SIGNALING;REACTOME_D

ICATION;REACTOME_DSCAM_INTERACTIONS

'NTHESIS;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PA;REACT

;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM
ON;REACTOME_CHONDROITIN_SULFATE_DERMATAN_SULFATE_METABOLISM;REACTOME_I

ICATION;REACTOME_CELL_EXTRACELLULAR_MATRIX_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_JU

GTPASES;REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICKING;REACTOME_TRANS_GOLGI_NETWORK_VE

ATED_PLATELET_CYTOSOLIC_CA2_;REACTOME_FORMATION_OF_FIBRIN_CLOT_CLOTTING_

_METABOLISM;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_SPHINGOLIPID_META

REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REACTOME_P75NTR_RECRUITS_SIGNALLING_C

DS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_LIPID_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPORT;R

ORT_ACROSS_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_

CELL_CYCLE;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS
RIPTION_AND_TRANSLATION;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH2;REACTOME_PRE_NOTC

MPLEMENT_CASCADE;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM

FACE_INTERACTIONS;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF

RIN_BH4_SYNTHESIS_RECYCLING_SALVAGE_AND_REGULATION;REACTOME_METABOLISM_

OSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

BOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PC;REACTOME_GLYCEROPHOSPHOLIPID_BIOSYNTHE
ENE_EXPRESSION;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_
FACE_INTERACTIONS

RIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_2_PROMOTER;REACTOME_RNA_POL_II_TRANSCRIPTION

_B_CELL_RECEPTOR_LEADING_TO_GENERATION_OF_SECOND_MESSENGERS;REACTOME_

SPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT;REACTOME_MITOCHONDRIAL_PROTEIN_IMPORT;REA
ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_IN

)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM

)TEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;REACTOME_SYNTHE

;REACTOME_PEPTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_

RADATION;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REAC

EACTOME_POST_CHAPERONIN_TUBULIN_FOLDING_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_O

)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

ICATION;REACTOME_SIGNAL_REGULATORY_PROTEIN_SIRP_FAMILY_INTERACTIONS

LAR_DOMAIN_REGULATES_TRANSCRIPTION;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTO

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

OLOGY;REACTOME_HS_GAG_DEGRADATION;REACTOME_CHONDROITIN_SULFATE_DERMAT

GTPASES

IPLED_NER_TC_NER;REACTOME_NUCLEOTIDE_EXCISION_REPAIR;REACTOME_FORMATION

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NETRIN1_SIGNALING;REACTOME_DCC_M

IG_CROSS_PRESENTATION;REACTOME_ENDOSOMAL_VACUOLAR_PATHWAY;REACTOME_E

RT_AND_METABOLISM;REACTOME_ABC_FAMILY_PROTEINS_MEDIATED_TRANSPORT;REACT

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_G_
ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_G_
;REACTOME_OLFACTORY_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNA

OSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM

TION_PATHWAY

_AT_THE_EARLY_ENDOSOME_MEMBRANE;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_AT_THE_GOLG
ICATION;REACTOME_CELL_EXTRACELLULAR_MATRIX_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_JU
CELL_CYCLE;REACTOME_P53_INDEPENDENT_G1_S_DNA_DAMAGE_CHECKPOINT;REACTOM
S;REACTOME_ACTIVATION_OF_CHAPERONE_GENES_BY_XBP1S;REACTOME_UNFOLDED_PR

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_
EN_PRESENTATION;REACTOME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMEN
REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_REGULATION_OF_INSUL

)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

_B_CELL_RECEPTOR_LEADING_TO_GENERATION_OF_SECOND_MESSENGERS;REACTOME_

_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOST

'TION_PATHWAY

)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

RBOHYDRATES

RBOHYDRATES

;REACTOME_CLASS_C_3_METABOTROPIC_GLUTAMATE_PHEROMONE_RECEPTORS;REACT
ACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

ION_OF_CARBON_DIOXIDE
G_CROSS_PRESENTATION;REACTOME_LATENT_INFECTION_OF_HOMO_SAPIENS_WITH_M
REACTOME_VOLTAGE_GATED_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CHANNEL

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLA

OTEIN_IMPORT;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS

KYLATION_HYPUSINE_FORMATION_AND_ARYLSULFATASE_ACTIVATION;REACTOME_GLYCC
2_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOME_CIRCADIAN_CLOCK

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_DNA_REPL

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLA

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NETRIN1_SIGNALING;REACTOME_DCC_M

N_CODING_RNA;REACTOME_ANTIVIRAL_MECHANISM_BY_IFN_STIMULATED_GENES;REACT(

RECYCLING;REACTOME_LATENT_INFECTION_OF_HOMO_SAPIENS_WITH_MYCOBACTERIUM

TEM;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_NOD1_2_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME

ICATION;REACTOME_TGF_BETA_RECEPTOR_SIGNALING_IN_EMT_EPITHELIAL_TO_MESENC

)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NETRIN1_SIGNALING;REACTOME_DCC_M

NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_AMINE_DERIVED_HORMONES

)LOGY;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FOR

)LOGY;REACTOME_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_METABOLISM_OF_
)LOGY;REACTOME_REGULATION_OF_BETA_CELL_DEVELOPMENT;REACTOME_REGULATION
_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOST
N_CODING_RNA;REACTOME_METABOLISM_OF_RNA

GE_OF_CELLULAR_PROTEINS;REACTOME_MEMBRANE_TRAFFICKING;REACTOME_SIGNALIN
)SS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMIT

FACE_INTERACTIONS

ICATION;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_JUNCTI
SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_REGULATION_OF_AMPK_ACTIVITY_VIA_LKB1;REACTOM
TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION;REACTOME_METABOLISM_OF_L

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLA
ATION_OF_MUCINS;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLA

TION_PATHWAY

TION_PATHWAY

NTHESIS;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PE;REAC

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROU

OF_TGF_BETA_RECEPTOR_SIGNALING;REACTOME_TGF_BETA_RECEPTOR_SIGNALING_ACT

OWN_GLYCOGENOLYSIS;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOME_GLU

ICATION;REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION

ME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTE

TEM;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_INFLAMMASOMES;REACTOME_NUCLEOTID

CTOME_TRANSLOCATION_OF_ZAP_70_TO_IMMUNOLOGICAL_SYNAPSE;REACTOME_GENERA

EN_PRESENTATION;REACTOME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMEI
;REACTOME_CLASS_B_2_SECRETIN_FAMILY_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREA

OME_SRP_DEPENDENT_COTRANSLATIONAL_PROTEIN_TARGETING_TO_MEMBRANE;REACT

REACTOME_SIGNALING_BY_SCF_KIT;REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REACTOM

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_ION_TRANSPORT_BY_P_TYPE_ATPASES;R
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_ION_TRANSPORT_BY_P_TYPE_ATPASES;R

ON_OF_FGFR_SIGNALING;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACT

;REACTOME_PEPTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_
GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRE

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_

ON;REACTOME_SMOOTH_MUSCLE_CONTRACTION
HE_EXTRACELLULAR_MATRIX;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION

ONS;REACTOME_GLUTATHIONE_CONJUGATION;REACTOME_PHASE_II_CONJUGATION
TOME_HIV_LIFE_CYCLE;REACTOME_EARLY_PHASE_OF_HIV_LIFE_CYCLE;REACTOME_HOST

OLOGY;REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION;REACTOME_IMMUNOREGULATORY_INTEI

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_

REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_ABC_FAMILY_PROTEINS
ISM_AND_CITRIC_ACID_TCA_CYCLE;REACTOME_TCA_CYCLE_AND_RESPIRATORY_ELECTR

EN_PRESENTATION;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTE

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

HE_EXTRACELLULAR_MATRIX;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION
CONTRACTION;REACTOME_MUSCLE_CONTRACTION

ACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PR

PROTEOLYTIC_ACTIVITY_OF_APC_C_REQUIRED_FOR_THE_ONSET_OF_ANAPHASE_BY_MIT

RACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_BASIGIN_INTERACTIONS;REACTOME_HE
RACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIO
RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

;REACTOME_CLASS_B_2_SECRETIN_FAMILY_RECEPTORS;REACTOME_GLUCAGON_TYPE_L

4;REACTOME_NUCLEAR_SIGNALING_BY_ERBB4
S_IN_LIPID_HOMEOSTASIS;REACTOME_ABC_FAMILY_PROTEINS_MEDIATED_TRANSPORT;R
EACTOME_POST_CHAPERONIN_TUBULIN_FOLDING_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_O

RANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANS

S_IN_LIPID_HOMEOSTASIS;REACTOME_ABC_FAMILY_PROTEINS_MEDIATED_TRANSPORT;R

;REACTOME_CLASS_B_2_SECRETIN_FAMILY_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BIND

'TION_PATHWAY

ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_PE
)LOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCA
ALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_
_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOST

)LOGY;REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FOR

REACTOME_TRIF_MEDIATED_TLR3_SIGNALING;REACTOME_P75NTR_RECRUITS_SIGNALLIN

KING;REACTOME_GAP_JUNCTION_TRAFFICKING;REACTOME_GAP_JUNCTION_ASSEMBLY
ATION_OF_MUCINS;REACTOME_TERMINATION_OF_O_GLYCAN_BIOSYNTHESIS;REACTOME_

CTOME_ANTIVIRAL_MECHANISM_BY_IFN_STIMULATED_GENES;REACTOME_SIGNALING_BY_
CLEOTIDES;REACTOME_PURINE_SALVAGE;REACTOME_PURINE_METABOLISM

GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUG
NO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_AMINE_DERIVED_HORMONES
EROID_HORMONES_AND_VITAMINS_A_AND_D;REACTOME_STEROID_HORMONES;REACTOM

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION
OLISM;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_ABC_FAMILY_PROTE
CTOME_NITRIC_OXIDE_STIMULATES_GUANYLATE_CYCLASE;REACTOME_PLATELET_HOMEO
KING;REACTOME_TRANS_GOLGI_NETWORK_VESICLE_BUDDING;REACTOME_GOLGI_ASSOC

;REACTOME_PEPTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_OTHER_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;RE
GTPASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMIC
SE_OF_CELLULAR_PROTEINS;REACTOME_SIGNALING_BY_WNT;REACTOME_CTNNB1_PHOS

OLOGY;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIA
)

_PRE_REPLICATIVE_COMPLEX;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_PROCESSIVE_SYNTHE

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_CRMPS_IN_SEMA3A_SIGNALING;REACTO

RIPTION;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHO

;REACTOME_OLFACTORY_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNA

ENE_EXPRESSION;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_

ATION_OF_MUCINS;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLA

REACTOME_DAG_AND_IP3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIG

ERGY_METABOLISM;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_INCRI

NA;REACTOME_METABOLISM_OF_RNA;REACTOME_DESTABILIZATION_OF_MRNA_BY_BRF1;

OLOGY;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCA

TRIX_ORGANIZATION;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION

POXIA_INDUCIBLE_FACTOR_HIF_BY_OXYGEN;REACTOME_OXYGEN_DEPENDENT_PROLINE_

OME_FORMATION_OF_THE_TERNARY_COMPLEX_AND_SUBSEQUENTLY_THE_43S_COMPLE

ATED_PLATELET_CYTOSOLIC_CA2_;REACTOME_FORMATION_OF_FIBRIN_CLOT_CLOTTING_

NING;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_II_PRE_TRANSCRIPTION_EVENTS
NA_SPLICING

SE1_FUNCTIONALIZATION_OF_COMPOUNDS
ERROPHOSPHOLIPID_BIOSYNTHESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTI

UNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM
ONDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_INITIATION_FROM_TY

G_IN_IMMUNE_SYSTEM

GINE_N_LINKED_GLYCOSYLATION;REACTOME_TRANSPORT_TO_THE_GOLGI_AND_SUBSEQ

AM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_I

XPRESSION;REACTOME_PRE_NOTCH_EXPRESSION_AND_PROCESSING;REACTOME_NOTCH

OME_PROCESSING_OF_CAPPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_TRANSPOI

NALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLAS
ACTOME_SPRY_REGULATION_OF_FGF_SIGNALING;REACTOME_TRIF_MEDIATED_TLR3_SIGN

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_C

:X;REACTOME_ACTIVATION_OF_THE_MRNA_UPON_BINDING_OF_THE_CAP_BINDING_COMP

REACTOME_PACKAGING_OF_TELOMERE_ENDS;REACTOME_TELOMERE_MAINTENANCE

_CYCLE;REACTOME_LATE_PHASE_OF_HIV_LIFE_CYCLE

ORMATION;REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION

OWNSTREAM_TCR_SIGNALING;REACTOME_P75NTR_RECRUITS_SIGNALLING_COMPLEXES;

ALING

ANSPORT_ACROSS_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT

SM;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_CARB

:EACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT

ITS

NA_SPLICING;REACTOME_MRNA_SPLICING_MINOR_PATHWAY

EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC

NALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLAS

ATE_TYPE;REACTOME_PHASE1_FUNCTIONALIZATION_OF_COMPOUNDS

ROTEIN_RESPONSE

E_MRNA;REACTOME_RNA_POL_II_TRANSCRIPTION;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACT

SAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES
GH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_

ALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_PI3K_EVENTS
ALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_PI3K_EVENTS

OM_CHROMATIN;REACTOME_ASSOCIATION_OF_LICENSING_FACTORS_WITH_THE_PRE_REP

S

ITS
IE_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EX

JNCTION_ORGANIZATION

ACTOME_PURINE_METABOLISM
RMATION;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIONS;REACTOME_SIGNALING_B
GH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_

E_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_C
TASIS

XIDATION

ΓASIS;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HOST_INTERACTIONS_OF_HIV_FACTORS;RE
EACTOME_NOTCH1_INTRACELLULAR_DOMAIN_REGULATES_TRANSCRIPTION;REACTOME_

ANNELS

;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

E_ENDOSOMAL_SORTING_COMPLEX_REQUIRED_FOR_TRANSPORT_ESCRT;REACTOME_HIV

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

LASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALLING_TO_ERKS;REACTOME_P38MAPK_EVENTS

RT;REACTOME_STEROID_HORMONES;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPRC

CTOME_REGULATION_OF_WATER_BALANCE_BY_RENAL_AQUAPORINS

_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO
_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO

SAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

_;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREG
ROTEIN_RESPONSE
NT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_KINESINS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTC

ALING

STIMULATES_GUANYLATE_CYCLASE;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_HE
CTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_ACTIVITY_OF_SMAD2_SM
SIS_INDUCED_DNA_FRAGMENTATION;REACTOME_TAK1_ACTIVATES_NFKB_BY_PHOSPHOR

OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

ALING

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

JALING

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_VITAMINS_NUCLEOSIDES_AND_RELATED_MOLECULE

\CTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM
|_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION

F_PROTEINS

ES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMITTER_RELEASE_CYCLE;F

_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_

)XIDATION
)XIDATION

CRIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME

ESICLE_BUDDING;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_AT_THE_GOLGI_MEMBRANE;REACTOM

ɔCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

ʌLING

ʌCTOME_PURINE_METABOLISM

S;REACTOME_HEMOSTASIS
S;REACTOME_HEMOSTASIS

ɔME_GLYCEROPHOSPHOLIPID_BIOSYNTHESIS;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOM

E_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_C
E_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_C

:PTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTC

:R_PHAGOSOME_PATHWAY;REACTOME_IMMUNOREGULATORY_INTERACTIONS_BETWEEN_
NDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCRIPTION_INITIATION

_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM

N_OF_GENE_EXPRESSION_IN_BETA_CELLS;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_O

;PCR;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_OPIOID_SIGNALLIN

ON_TRANSPORT;REACTOME_REGULATION_OF_PYRUVATE_DEHYDROGENASE_PDH_COMP

SIS

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

_INTERACTIONS;REACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_AND_ANKYRINS;REACTOME_VOL

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_VITAMINS_NUCLEOSIDES_AND_RELATED_MOLECULE

AL_SYSTEM;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_AXON_GUID

OTH_MUSCLE_CONTRACTION;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIVATIC

CTOME_REGULATION_OF_WATER_BALANCE_BY_RENAL_AQUAPORINS

_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_CO
NALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_ANTIGEN_ACTIVATES_B_CELL_RECEPTOR_LEA
ROTEIN_RESPONSE

CIATED_VESICLE_BIOGENESIS

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

ON_TRANSPORT;REACTOME_REGULATION_OF_PYRUVATE_DEHYDROGENASE_PDH_COMP

TEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_GLUCAGON_SIGNALING_IN_METABOLI
)ME_TRIGLYCERIDE_BIOSYNTHESIS;REACTOME_FATTY_ACYL_COA_BIOSYNTHESIS;REACT(

S_BY_ATF4;REACTOME_UNFOLDED_PROTEIN_RESPONSE;REACTOME_METABOLISM_OF_MI
I_OF_TRANSCRIPTION_COUPLED_NER_TC_NER_REPAIR_COMPLEX;REACTOME_DNA_REPA

GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_ANI
S_BY_ATF4;REACTOME_UNFOLDED_PROTEIN_RESPONSE;REACTOME_METABOLISM_OF_MI

)_METABOLISM;REACTOME_ACYL_CHAIN_REMODELLING_OF_PE;REACTOME_GLYCEROPH(
IDE_HORMONE_BIOSYNTHESIS

NALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLAS

)M_CHROMATIN;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOINT

EM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

ΓIONAL_PROTEIN_MODIFICATION

GH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_

OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

I_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION

ECULES

NG_CROSS_PRESENTATION;REACTOME_INTERFERON_GAMMA_SIGNALING;REACTOME_INT

GH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_

GH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_

ON;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTO

_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACT(
_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACT(

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

ON;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTO

N;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAI

ME_SIGNALING_BY_NOTCH

TASIS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_TC

DING

PLACEMENT_PATHWAY;REACTOME_BASE_FREE_SUGAR_PHOSPHATE_REMOVAL_VIA_THE
PLACEMENT_PATHWAY;REACTOME_BASE_FREE_SUGAR_PHOSPHATE_REMOVAL_VIA_THE

EACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT

FANCONI_ANEMIA_PATHWAY;REACTOME_FANCONI_ANEMIA_PATHWAY;REACTOME_DNA_F
CTOME_NUCLEOTIDE_LIKE_PURINERGIC_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_

N_OF_GENE_EXPRESSION_IN_BETA_CELLS;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METAI

IPTION_COUPLED_NER_TC_NER;REACTOME_POL_SWITCHING;REACTOME_NUCLEOTIDE_E

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O
IE_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EX

ASIS

PTOR_SIGNALING;REACTOME_NUCLEAR_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_IMMUNE_SYS

RANSCRIPTION;REACTOME_MRNA_CAPPING;REACTOME_TRANSCRIPTION_COUPLED_NER

N;REACTOME_HYALURONAN_UPTAKE_AND_DEGRADATION;REACTOME_HYALURONAN_ME
N;REACTOME_HYALURONAN_UPTAKE_AND_DEGRADATION;REACTOME_HYALURONAN_ME
A_HYDROXYCHOLESTEROL;REACTOME_SYNTHESIS_OF_BILE_ACIDS_AND_BILE_SALTS;RE

IGAND_GATED_ION_CHANNEL_TRANSPORT

ATION

TOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTOME_CHRC

L_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIATION;REACTOME_APOPTOSIS

TOME_CYTOCHROME_P450_ARRANGED_BY_SUBSTRATE_TYPE;REACTOME_PHASE1_FUNC

ΓIONAL_PROTEIN_MODIFICATION

_SIGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_

3Y_ERBB2;REACTOME_GRB2_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_

ᵖTORS_BY_RECRUITING_THEM_TO_CLATHRIN_ADAPTERS;REACTOME_LATENT_INFECTION_
ʀEACTOME_PACKAGING_OF_TELOMERE_ENDS;REACTOME_TELOMERE_MAINTENANCE
ME_SIGNALING_BY_NOTCH

ND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_TRAF3_DEPENDENT_IRF_ACTIVATION_PATHWAY

ME_SIGNALING_BY_NOTCH

VENTS;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTC

CED_BY_THE_EXON_JUNCTION_COMPLEX

E_ROLE_OF_DCC_IN_REGULATING_APOPTOSIS;REACTOME_NETRIN1_SIGNALING;REACTOI
E_ROLE_OF_DCC_IN_REGULATING_APOPTOSIS;REACTOME_NETRIN1_SIGNALING;REACTOI

NT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_KINESINS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTC

_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO

_;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREG

M_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOM

JCOSE_METABOLISM
JCOSE_METABOLISM
CIATED_VESICLE_BIOGENESIS
ROTEIN_RESPONSE

TOME_CYTOCHROME_P450_ARRANGED_BY_SUBSTRATE_TYPE;REACTOME_PHASE1_FUNC
TOME_CYTOCHROME_P450_ARRANGED_BY_SUBSTRATE_TYPE;REACTOME_PHASE1_FUNC

LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_B

)_METABOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PA;REACTOME_ACYL_CHAIN_REMODELLING_C

TASIS

TION_AND_REGULATION

RANSITION_;REACTOME_G1_S_TRANSITION;REACTOME_MITOTIC_G1_G1_S_PHASES;REAC
RANSITION_;REACTOME_G1_S_TRANSITION;REACTOME_MITOTIC_G1_G1_S_PHASES;REAC

G_OF_ENDOSOMAL_TLR;REACTOME_MHC_CLASS_II_ANTIGEN_PRESENTATION;REACTOME_

OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_AND

X;REACTOME_ACTIVATION_OF_THE_MRNA_UPON_BINDING_OF_THE_CAP_BINDING_COMP

_TRIF_MEDIATED_TLR3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGNAL

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

EACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_NUC

CED_BY_THE_EXON_JUNCTION_COMPLEX
NSULIN_RECEPTOR;REACTOME_MTORC1_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_PI3K_CASCA
N;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAL

NS;REACTOME_HEMOSTASIS

G;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS

IM_HOMEOSTASIS;REACTOME_HEMOSTASIS

_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REA

NERGY_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOM

IE_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EX

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

M_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH

CRIPTION;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HIV_LIFE_CYCLE;REACTOME_LATE_PHA

EACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT

_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_B

_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO
_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO
_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO
_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO

Y_OF_SMAD2_SMAD3_SMAD4_HETEROTRIMER;REACTOME_GENERIC_TRANSCRIPTION_PA

NSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSM

CR;REACTOME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SI
TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_
TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

ED_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;REACTOME_H
ED_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;REACTOME_H

_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOMI

.ING;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HOST_INTERACTIONS_OF_HIV_FACTORS;REA
IE_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EX
IE_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EX

GNALING_BY_NOTCH

IE_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_PRE_NOTCH_TRANSCRIPTION_ANI
_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM

ND_MAP_KINASES_UPON_TLR7_8_OR_9_ACTIVATION;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_IRF7_

ND_MAP_KINASES_UPON_TLR7_8_OR_9_ACTIVATION;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_IRF7_

_SYSTEM;REACTOME_PHASE1_FUNCTIONALIZATION_OF_COMPOUNDS;REACTOME_NEURO

REACTOME_RESPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT_ATP_SYNTHESIS_BY_CHEMIOSMOTIC

CRIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME

ACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUGH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_

N_PHASE

ACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

_MOLECULES;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_SIGNALING_BY_ROBO_RECEPTOR

OTIC_SPINDLE_CHECKPOINT_COMPONENTS;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_CELL_C

REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOME_GLUCOSE_METABOLISM
OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

PTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTO
SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_O
SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_O

LING_BY_ROBO_RECEPTOR;REACTOME_NETRIN1_SIGNALING

_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACTO

SIGNALING_BY_NOTCH

ALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_PI3K_EVENTS

3Y_ERBB2;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING
PLACEMENT_PATHWAY;REACTOME_BASE_FREE_SUGAR_PHOSPHATE_REMOVAL_VIA_THE

ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME

HA_HYDROXYCHOLESTEROL;REACTOME_SYNTHESIS_OF_BILE_ACIDS_AND_BILE_SALTS_VI

EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC

JNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

IE_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EX

:TOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_NEGATIVE_REGULATORS_OF_RIG_I_MDA5_S

OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

_SIGNALING_BY_NOTCH

DIATED_ACTIVATION_CASCADE;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_SIGNALING_BY_TGF

ASE

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_C

ALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_PI3K_EVENTS

OME_GPCR_LIGAND_BINDING
OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA
OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

HS_GAG_BIOSYNTHESIS;REACTOME_HEPARAN_SULFATE_HEPARIN_HS_GAG_METABOLISM
HS_GAG_BIOSYNTHESIS;REACTOME_HEPARAN_SULFATE_HEPARIN_HS_GAG_METABOLISM

Y_METABOLISM

GINE_N_LINKED_GLYCOSYLATION;REACTOME_TRANSPORT_TO_THE_GOLGI_AND_SUBSEQ

EACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_GAS

OGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECU
OGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECU

)ULATION_OF_CELL_SURFACE_RECEPTORS_BY_RECRUITING_THEM_TO_CLATHRIN_ADAPT

S
S

NA_SPLICING
CRIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME

E_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR

LING_CASCADE;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_REGUL

ILS;REACTOME_IL_3_5_AND_GM_CSF_SIGNALING;REACTOME_IL_RECEPTOR_SHC_SIGNALI

ED_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION

ASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;RE

ECULES
ECULES

EACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH
CTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GP

H_EXPRESSION_AND_PROCESSING;REACTOME_PRE_NOTCH_PROCESSING_IN_GOLGI;REA
H_EXPRESSION_AND_PROCESSING;REACTOME_PRE_NOTCH_PROCESSING_IN_GOLGI;REA

N;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAI

TABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

ICATION;REACTOME_MITOTIC_PROMETAPHASE
TOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUGH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VI

ATION_OF_C4_AND_C2_ACTIVATORS;REACTOME_INITIAL_TRIGGERING_OF_COMPLEMENT

ITS;REACTOME_G_ALPHA_Z_SIGNALLING_EVENTS

ONDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_INITIATION_FROM_TY

CYTOSOLIC_CA2_;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALIN

LIN_LIKE_GROWTH_FACTOR_BINDING_PROTEINS_IGFBPS

OME_PROCESSING_OF_CAPPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_TRANSPOR

M_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH

SIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS
M_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS
M;REACTOME_COMPLEMENT_CASCADE

ME_OTHER_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_SEMA3A_PAK_DEPENDENT_AXON_R
E_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

ET_CYTOSOLIC_CA2_;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGN

GH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_

ANNELS

_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_DOWNREGULATION_OF_ERBB2_ERBB3_SIGNALING;RE/

)ELLING_OF_PE;REACTOME_GLYCEROPHOSPHOLIPID_BIOSYNTHESIS;REACTOME_METAB(
3B4;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_NUCLEAR_SIGNALING_BY_E

.IN_SECRETION_BY_GLUCAGON_LIKE_PEPTIDE1;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SE

IE_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EX(

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

E_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;RE
E_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;RE

ACTOME_PHASE_II_CONJUGATION;REACTOME_GLUCOSE_METABOLISM
_MEDIATED_INDUCTION_OF_NFKB_AND_MAP_KINASES_UPON_TLR7_8_OR_9_ACTIVATION;I

A_CARBOXYLATION_TRANSPORT_AND_AMINO_TERMINAL_CLEAVAGE_OF_PROTEINS;REAC

NA_SPLICING;REACTOME_MRNA_SPLICING_MINOR_PATHWAY

ICATION;REACTOME_MITOTIC_PROMETAPHASE

LASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALLING_TO_ERKS;REACTOME_P38MAPK_EVENTS
A_CARBOXYLATION_TRANSPORT_AND_AMINO_TERMINAL_CLEAVAGE_OF_PROTEINS;REAC

BOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

NG

N;REACTOME_ENDOSOMAL_SORTING_COMPLEX_REQUIRED_FOR_TRANSPORT_ESCRT

HESIS_SECRETION_AND_INACTIVATION_OF_GIP;REACTOME_INCRETIN_SYNTHESIS_SECRE
HESIS_SECRETION_AND_INACTIVATION_OF_GIP;REACTOME_INCRETIN_SYNTHESIS_SECRE

HA_HYDROXYCHOLESTEROL;REACTOME_RECYCLING_OF_BILE_ACIDS_AND_SALTS;REACTO

ME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTEINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_
ITEGRIN_ALPHAIIB_BETA3_SIGNALING;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION_

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

NTS;REACTOME_CGMP_EFFECTS;REACTOME_NITRIC_OXIDE_STIMULATES_GUANYLATE_C

RFACE_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_PECAM1_INTERACTIONS;RE
RMATION;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCA

HANISM_BY_IFN_STIMULATED_GENES;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REAC

NE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_

R_SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_M

PTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTC

_REPAIR
TTER_RELEASE_CYCLE;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECUL

_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_GRB2_EVENTS_IN_

S

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O
GULATION_OF_TGF_BETA_RECEPTOR_SIGNALING;REACTOME_TGF_BETA_RECEPTOR_SIG

_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_CHEMOKINE_RECEPTORS_BIND_CHEMOKINES;REACTOME_

_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_METABO

;

ME_OTHER_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_SEMA3A_PAK_DEPENDENT_AXON_F

FANCONI_ANEMIA_PATHWAY;REACTOME_FANCONI_ANEMIA_PATHWAY;REACTOME_DNA_F

SMAD2_3_SMAD4_TRANSCRIPTIONAL_ACTIVITY;REACTOME_GENERIC_TRANSCRIPTION_PA

SE;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_POTASSIU

_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_

_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO

ROTEIN_RESPONSE

_ALPHA_BETA_PATHWAYS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_IMMUNE_SY
_ALPHA_BETA_PATHWAYS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_IMMUNE_SY

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

_PHASES

SAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

TIONAL_PROTEIN_MODIFICATION

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O
EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

TOME_GASTRIN_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_NRAGE_
TOME_GASTRIN_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_NRAGE_

LING_CASCADE;REACTOME_REGULATION_OF_AMPK_ACTIVITY_VIA_LKB1;REACTOME_ENE

Y_METABOLISM
_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_CHOLES

/NSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS

OME_MAINTENANCE;REACTOME_DEPOSITION_OF_NEW_CENPA_CONTAINING_NUCLEOSOM

E_IL_7_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;F
PLICATION_STRESS;REACTOME_G2_M_CHECKPOINTS

'E_DERMATAN_SULFATE_METABOLISM;REACTOME_HEPARAN_SULFATE_HEPARIN_HS_GAG

)SPHINGOLIPID_METABOLISM;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_THE_A

EACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS

_B1_ASSOCIATED_EVENTS_DURING_G2_M_TRANSITION;REACTOME_MITOTIC_G2_G2_M_P
_B1_ASSOCIATED_EVENTS_DURING_G2_M_TRANSITION;REACTOME_MITOTIC_G2_G2_M_P
ACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM
ACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

OSTASIS;REACTOME_HEMOSTASIS

OME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REAC
OME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REAC
OME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REAC

TOME_PEPTIDE_CHAIN_ELONGATION;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_
OME_GPCR_LIGAND_BINDING

GINE_N_LINKED_GLYCOSYLATION;REACTOME_TRANSPORT_TO_THE_GOLGI_AND_SUBSEQ
SIS_OF_SUBSTRATES_IN_N_GLYCAN_BIOSYTHESIS;REACTOME_ASPARAGINE_N_LINKED_G

CIATED_VESICLE_BIOGENESIS

OME_DOUBLE_STRAND_BREAK_REPAIR;REACTOME_DNA_REPAIR

NALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_ANTIGEN_ACTIVATES_B_CELL_RECEPTOR_LEA

TOME_PEPTIDE_CHAIN_ELONGATION;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_

NG_OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_VITAMINS_NUCLEOSIDES_AND_RELATED_MOLECULES

ME_NEURONAL_SYSTEM

;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

REACTOME_LIPOPROTEIN_METABOLISM

OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

SM;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_CARB
_B_CELLS;REACTOME_SIGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_TCR_SIG

ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME

ECULES

ON_OF_IKKS_COMPLEX;REACTOME_MAP_KINASE_ACTIVATION_IN_TLR_CASCADE;REACTO

G;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS

ON_TRANSPORT;REACTOME_METABOLISM_OF_AMINO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTO
NALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLAS
.IN_LIKE_GROWTH_FACTOR_BINDING_PROTEINS_IGFBPS

TIONAL_PROTEIN_MODIFICATION

)ING

SIGNALING_BY_NOTCH

_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION;REACTOI

OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO

;FR1_FUSION_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS

REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_CROSS_PRESENTATION;REACTOME_ER_PHAGOSOMI
)M_CHROMATIN;REACTOME_ASSOCIATION_OF_LICENSING_FACTORS_WITH_THE_PRE_REF

JNCTION_ORGANIZATION
)ING

ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME
ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME

I_TUBERCULOSIS;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;RE

CTION_OF_HOMO_SAPIENS_WITH_MYCOBACTERIUM_TUBERCULOSIS;REACTOME_ENOS_A

RPP_32_EVENTS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_CRMPS_IN_SEMA3A_SIGNALIN

LING_CASCADE;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_REGUL
LING_CASCADE;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_REGUL

OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

GINE_N_LINKED_GLYCOSYLATION

ΓASIS

ECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOM
ECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOM

PLACEMENT_PATHWAY;REACTOME_BASE_FREE_SUGAR_PHOSPHATE_REMOVAL_VIA_THE

NTS

TIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIATION;REACTOME_HORMONE_S

ACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM
ACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM

S

ANNELS

ASE_MEDIATED_CLEAVAGE_OF_CYTOSKELETAL_PROTEINS;REACTOME_CELL_JUNCTION_(

ES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMITTER_RELEASE_CYCLE;F

ONDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_TERMINATION

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

REACTOME_RESPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT_ATP_SYNTHESIS_BY_CHEMIOSMOTIC

JNCTION_ORGANIZATION

S;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_S

.IN_LIKE_GROWTH_FACTOR_BINDING_PROTEINS_IGFBPS
EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC

ALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_PI3K_EVENTS

OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA
ES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMITTER_RELEASE_CYCLE;F

ELL_COMMUNICATION;REACTOME_CASPASE_MEDIATED_CLEAVAGE_OF_CYTOSKELETAL_I
ELL_COMMUNICATION;REACTOME_CASPASE_MEDIATED_CLEAVAGE_OF_CYTOSKELETAL_I
ELL_COMMUNICATION;REACTOME_CASPASE_MEDIATED_CLEAVAGE_OF_CYTOSKELETAL_I
ELL_COMMUNICATION;REACTOME_CASPASE_MEDIATED_CLEAVAGE_OF_CYTOSKELETAL_I

SION_TRANSAMINATION;REACTOME_TRYPTOPHAN_CATABOLISM
SION_TRANSAMINATION;REACTOME_TRYPTOPHAN_CATABOLISM
SIS_OF_SUBSTRATES_IN_N_GLYCAN_BIOSYTHESIS;REACTOME_ASPARAGINE_N_LINKED_G

VENTS;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTO

N;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAL
LASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALLING_TO_ERKS;REACTOME_P38MAPK_EVENTS

RMATION;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCA
RMATION;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCA
RMATION;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCA

EDIATED_NFKB_ACTIVATION;REACTOME_RIG_I_MDA5_MEDIATED_INDUCTION_OF_IFN_ALP
GINE_N_LINKED_GLYCOSYLATION;REACTOME_CALNEXIN_CALRETICULIN_CYCLE;REACTOM
SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

RT;REACTOME_STEROID_HORMONES;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPRC
RT;REACTOME_STEROID_HORMONES;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPRC

NS;REACTOME_GRB2_SOS_PROVIDES_LINKAGE_TO_MAPK_SIGNALING_FOR_INTERGRINS_

:SIS;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_

ATE_TYPE;REACTOME_PHASE1_FUNCTIONALIZATION_OF_COMPOUNDS

_SIGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;REACTOME

SAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

ORMATION;REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION

M_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH

IEDIATED_ATTRACTIVE_SIGNALING;REACTOME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTI
IEDIATED_ATTRACTIVE_SIGNALING;REACTOME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTI

_FUNCTIONALIZATION_OF_COMPOUNDS;REACTOME_METABOLISM_OF_POLYAMINES
_FUNCTIONALIZATION_OF_COMPOUNDS;REACTOME_METABOLISM_OF_POLYAMINES
_FUNCTIONALIZATION_OF_COMPOUNDS;REACTOME_METABOLISM_OF_POLYAMINES

REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_CROSS_PRESENTATION;REACTOME_ER_PHAGOSOMI

N_OF_CELL_SURFACE_RECEPTORS_BY_RECRUITING_THEM_TO_CLATHRIN_ADAPTERS;REA

_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO
_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO
_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO
_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO
_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO

JNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

ALING

ON;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOME_CIRCADIAN_REPR

M_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_CGMP_EFFECTS
TOME_CYTOCHROME_P450_ARRANGED_BY_SUBSTRATE_TYPE;REACTOME_PHASE1_FUNC

J_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;RI
ON_TRANSPORT;REACTOME_PYRUVATE_METABOLISM
SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_C

ETAL_PROTEINS;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME_APOPTOTIC_EXECUTION_PHASE

IDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BOD

EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC

ALING

ALING
ALING
ON_DEPENDENT_MRNA_DECAY;REACTOME_METABOLISM_OF_RNA

ETABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_

PT_TO_CYTOPLASM;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_TRANSPORT_OF_MATUI

ALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_PI3K_EVENTS
COSE_METABOLISM
ROTEIN_RESPONSE

ESIS_ON_THE_LAGGING_STRAND;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_M_G1_TR
ANNELS

NT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_KINESINS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTC

TIVATES_SMADS;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REAC
REACTOME_RESPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT_ATP_SYNTHESIS_BY_CHEMIOSMOTIC
I_TUBERCULOSIS;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;RE

BOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS
SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_VITAMINS_NUCLEOSIDES_AND_RELATED_MOLECULE

M
TASIS

OME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MH
REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIAC
ME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_HOMOLOGOUS_RECOMBINATION_REPAIR_OF

ICATION;REACTOME_MITOTIC_PROMETAPHASE
CTION_ORGANIZATION;REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION

RACTION_BETWEEN_L1_AND_ANKYRINS

ON_DEPENDENT_MRNA_DECAY;REACTOME_METABOLISM_OF_RNA
TOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUGH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VI

:TOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUGH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VI

ALING

;

S

_ADAPTERS;REACTOME_DEFENSINS;REACTOME_TCR_SIGNALING;REACTOME_DOWNSTRE

IESIS_OF_PIPS_AT_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_PI_METABOLISM;REACTOME_ME
IESIS_OF_PIPS_AT_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_PI_METABOLISM;REACTOME_ME

ANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANS

_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO
_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO

NALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLAS

:GRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIONS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIV

ATED_TRANSFER_OF_SUBSTRATE_TO_CCT_TRIC;REACTOME_PROTEIN_FOLDING;REACTO

OGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES
PLACEMENT_PATHWAY;REACTOME_BASE_FREE_SUGAR_PHOSPHATE_REMOVAL_VIA_THE

_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_E
STIMULATES_GUANYLATE_CYCLASE;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_HE

GINE_N_LINKED_GLYCOSYLATION;REACTOME_N_GLYCAN_TRIMMING_IN_THE_ER_AND_CA

I_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE

ICATION;REACTOME_MITOTIC_PROMETAPHASE
ICATION;REACTOME_MITOTIC_PROMETAPHASE
CIATED_VESICLE_BIOGENESIS

TIONAL_PROTEIN_MODIFICATION

FR1_FUSION_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS

RIPTION_COUPLED_NER_TC_NER;REACTOME_POL_SWITCHING;REACTOME_NUCLEOTIDE_E

ACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM

RMATION;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIONS;REACTOME_SIGNALING_B

ON_COMPLEX_;REACTOME_ELONGATION_ARREST_AND_RECOVERY;REACTOME_RNA_POL

MINO_ACID_TRANSPORT_ACROSS_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_TRANSMEMBRAN

_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_PROSTANOID_LIGAND_RECEPTORS;REACTOME_GPCR

_CELL_EXTRACELLULAR_MATRIX_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZA

ASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;RE

ACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

_SIGNALING_BY_NOTCH

NT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_KINESINS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTC

_TETRAHYDROBIOPTERIN_BH4_SYNTHESIS_RECYCLING_SALVAGE_AND_REGULATION;REA

_SIGNALING_BY_NOTCH2;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_SIGNALING_BY_
N;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAI

:EACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT
OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA
OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

LING_BY_ROBO_RECEPTOR
_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOMI
GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_AND
GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_AND

_POST_TRANSLATIONAL_MODIFICATION_SYNTHESIS_OF_GPI_ANCHORED_PROTEINS;REAC

EACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT

REACTOME_AQUAPORIN_MEDIATED_TRANSPORT

TOME_CYTOCHROME_P450_ARRANGED_BY_SUBSTRATE_TYPE;REACTOME_PHASE1_FUNC

GH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_C

ITS

_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_

TOME_PEPTIDE_CHAIN_ELONGATION;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_

IE_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_PRE_NOTCH_TRANSCRIPTION_ANI
IE_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_PRE_NOTCH_TRANSCRIPTION_ANI
IE_PPARA_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_PRE_NOTCH_TRANSCRIPTION_ANI
NALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLAS

ME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM
ME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

ECULES

CED_BY_THE_EXON_JUNCTION_COMPLEX

NSULIN_RECEPTOR;REACTOME_MTORC1_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_PI3K_CASCA

RANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTA

NS;REACTOME_HEMOSTASIS

COSE_METABOLISM

OME_PROCESSING_OF_CAPPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_TRANSPOR

OME_PROCESSING_OF_CAPPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_TRANSPOF
)_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPORT;REACTOME_LIPOPROTEIN_METABOLISM

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

REACTOME_PACKAGING_OF_TELOMERE_ENDS;REACTOME_TELOMERE_MAINTENANCE

NS;REACTOME_INTEGRIN_ALPHAIIB_BETA3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;I

_SIGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_GPVI_MEDIATED_ACTIVATION_

ON;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTO

NA_SPLICING;REACTOME_MRNA_SPLICING_MINOR_PATHWAY

CED_BY_THE_EXON_JUNCTION_COMPLEX
CED_BY_THE_EXON_JUNCTION_COMPLEX

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_C

PED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_RNA_POL_II_TRANSCRIPTION;REACTC

ETABOLISM;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_GPVI_MEDIATED_ACTIVATION_C

SAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

IE_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_NUCLEAR_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_PPARA
IE_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_NUCLEAR_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_PPARA

ATED_TAK1_MEDIATES_P38_MAPK_ACTIVATION;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_INDUCTION_
STIMULATES_GUANYLATE_CYCLASE;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_HE
SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_C
SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_C

FR1_FUSION_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS

N_OF_CELL_SURFACE_RECEPTORS_BY_RECRUITING_THEM_TO_CLATHRIN_ADAPTERS;REA

AL_SYSTEM;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_
TOME_PEPTIDE_CHAIN_ELONGATION;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_

.ING_BY_ERBB2;REACTOME_GRB2_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVEN
_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_CHEMOKINE_RECEPTORS_BIND_CHEMOKINES;REACTOME_

.LING;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOM
.LING;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOM
.LING;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOM

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_COLLAGEN_FORMATION;REACTOI

I;REACTOME_MEIOTIC_RECOMBINATION;REACTOME_HEMOSTASIS

PTOR_SIGNALING;REACTOME_NUCLEAR_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_DIABETES_PA
RACTION_BETWEEN_L1_AND_ANKYRINS

EACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES

IE_ENERGY_DEPENDENT_REGULATION_OF_MTOR_BY_LKB1_AMPK;REACTOME_PKB_MEDI/

)ME_TRIGLYCERIDE_BIOSYNTHESIS;REACTOME_FATTY_ACYL_COA_BIOSYNTHESIS;REACT(
)ME_TRIGLYCERIDE_BIOSYNTHESIS;REACTOME_FATTY_ACYL_COA_BIOSYNTHESIS;REACT(

GNALING_BY_GPCR;REACTOME_CLASS_B_2_SECRETIN_FAMILY_RECEPTORS;REACTOME_(
ICATION;REACTOME_MITOTIC_PROMETAPHASE

EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC
_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_S

CTOME_REGULATION_OF_WATER_BALANCE_BY_RENAL_AQUAPORINS

EACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT

ON_TRANSPORT;REACTOME_CELL_SURFACE_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;F

NA_SPLICING

SIS;REACTOME_REGULATORY_RNA_PATHWAYS;REACTOME_PROCESSING_OF_CAPPED_IN

_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BIN

ME_ANTIGEN_ACTIVATES_B_CELL_RECEPTOR_LEADING_TO_GENERATION_OF_SECOND_M
G_IN_EMT_EPITHELIAL_TO_MESENCHYMAL_TRANSITION;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DE

I_OF_TRANSCRIPTION_COUPLED_NER_TC_NER_REPAIR_COMPLEX;REACTOME_DNA_REPA
I_OF_TRANSCRIPTION_COUPLED_NER_TC_NER_REPAIR_COMPLEX;REACTOME_DNA_REPA

_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO
_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO
_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO

IVE_REGULATORS_OF_RIG_I_MDA5_SIGNALING;REACTOME_RIG_I_MDA5_MEDIATED_INDU

ASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;RE
:GRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIONS;REACTOME_INTERFERON_GAMMA_SIGNALING;REA(

NALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IL_6_SIGNALING;REACTOME_IM

REACTOME_LIPOPROTEIN_METABOLISM;REACTOME_CHYLOMICRON_MEDIATED_LIPID_TRA
REACTOME_LIPOPROTEIN_METABOLISM;REACTOME_CHYLOMICRON_MEDIATED_LIPID_TRA
TASIS

BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VI

ALING

NSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS

JCOSE_METABOLISM

NA_SPLICING

NA_SPLICING
YMAL_TRANSITION;REACTOME_DOWNREGULATION_OF_TGF_BETA_RECEPTOR_SIGNALINC
CR;REACTOME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIC

ASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;RE

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

NA_SPLICING
NA_SPLICING

EACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_SEMA4D_INDUCED_CELL_MIGRATION

PLACEMENT_PATHWAY;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_PROCESSIVE_SYNTHESIS_O
PLACEMENT_PATHWAY;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_PROCESSIVE_SYNTHESIS_O
PLACEMENT_PATHWAY;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_PROCESSIVE_SYNTHESIS_O

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

JNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

ME_SIGNAL_REGULATORY_PROTEIN_SIRP_FAMILY_INTERACTIONS;REACTOME_HEMOSTAS

G;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS

M_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH

ED_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION

EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

E_ANTIVIRAL_MECHANISM_BY_IFN_STIMULATED_GENES;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_(

S
EACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT

ANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_GLUCAGON_SIGNALING_IN_METABOLIC_RE
ANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_GLUCAGON_SIGNALING_IN_METABOLIC_RE

RMATION;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCA
RMATION;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCA
OME_ACTIVATION_OF_CHAPERONE_GENES_BY_XBP1S;REACTOME_UNFOLDED_PROTEIN_

NS;REACTOME_HEMOSTASIS
_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_RESPONSE_TO_ELEVAT

ETABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

N_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUN
GH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_

PT_TO_CYTOPLASM;REACTOME_RNA_POL_II_TRANSCRIPTION;REACTOME_MRNA_PROCES

L_SURFACE_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURF

RMATION;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCA

EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC

TABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

GNALING_BY_GPCR;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_NU

)M_CHROMATIN;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOINT
EACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_SEMA4D_INDUCED_CELL_MIGRATION
EACTOME_IL_2_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALIN

)ELLING_OF_PE;REACTOME_GLYCEROPHOSPHOLIPID_BIOSYNTHESIS;REACTOME_METABC
TASIS

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_
TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

M_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH
EACTOME_REGULATORY_RNA_PATHWAYS;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH
PTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTC
N;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAI
N;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAI
ICATION;REACTOME_MITOTIC_PROMETAPHASE

)F_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

)SPHINGOLIPID_METABOLISM;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_THE_A

CID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM
CID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM

_ALPHA_BETA_PATHWAYS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_IMMUNE_SY

'TOSIS;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_P

:ACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRNA_SPLI
OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

GH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_

:RIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME

ME_SIGNALING_BY_NOTCH
COSE_METABOLISM

'IDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BOI

HS_GAG_BIOSYNTHESIS;REACTOME_HEPARAN_SULFATE_HEPARIN_HS_GAG_METABOLISM
SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

:EACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT

'E_DERMATAN_SULFATE_METABOLISM;REACTOME_HEPARAN_SULFATE_HEPARIN_HS_GAG
ATELET_CALCIUM_HOMEOSTASIS;REACTOME_ION_TRANSPORT_BY_P_TYPE_ATPASES;REA
TOME_METABOLISM_OF_PROTEINS
_BASIGIN_INTERACTIONS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_L1CAM_INTERACTION
_BASIGIN_INTERACTIONS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_L1CAM_INTERACTION

:TENSION_OF_TELOMERES

E_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

SAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES
EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC

SIGNALING_BY_NOTCH2;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_SIGNALING_BY_

ME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DE

GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_AND
_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

DING

E_BIOLOGICAL_OXIDATIONS;REACTOME_PHASE_II_CONJUGATION

EACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_METABOL

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_(

EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC
EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC

E_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_C

SE1_FUNCTIONALIZATION_OF_COMPOUNDS

TOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_AT_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_PI_METABOLISM;RE

PTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTO

OGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

NTIGEN_PROCESSING_CROSS_PRESENTATION;REACTOME_ENDOSOMAL_VACUOLAR_PATI

ASE_MEDIATED_CLEAVAGE_OF_CYTOSKELETAL_PROTEINS;REACTOME_CELL_JUNCTION_(

STIMULATES_GUANYLATE_CYCLASE;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_HE

_TETRAHYDROBIOPTERIN_BH4_SYNTHESIS_RECYCLING_SALVAGE_AND_REGULATION;REA

)N_DEPENDENT_MRNA_DECAY;REACTOME_METABOLISM_OF_RNA
NA_SPLICING

)F_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

)SPHINGOLIPID_METABOLISM;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_THE_A

E;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_RECYCLING_PATHWAY_OF_L1;REACTOM

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_
IG_COMPLEXES;REACTOME_P75NTR_SIGNALS_VIA_NFKB;REACTOME_NFKB_IS_ACTIVATED

NG_CROSS_PRESENTATION;REACTOME_INTERFERON_GAMMA_SIGNALING;REACTOME_INT

E_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;RE

.IN_LIKE_GROWTH_FACTOR_BINDING_PROTEINS_IGFBPS

NG_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SI

NDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCRIPTION_INITIATION

LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_B

TOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES

EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC
ELL_COMMUNICATION;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIONS;REACTOME_
EDIATED_NFKB_ACTIVATION;REACTOME_RIG_I_MDA5_MEDIATED_INDUCTION_OF_IFN_ALP

OME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_ACTIVATED_POINT_MUTANTS_OF_FGI

TOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUGH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VI
I_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE
YCLIN_E_ASSOCIATED_EVENTS_DURING_G1_S_TRANSITION_;REACTOME_G1_PHASE;REA

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION
LING

EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC
SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

IG_COMPLEXES;REACTOME_P75NTR_SIGNALS_VIA_NFKB;REACTOME_NFKB_IS_ACTIVATED

ONDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_INITIATION_FROM_TY

:TOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUGH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VI

CTION_ORGANIZATION;REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION

GNALLING_TO_ERKS;REACTOME_SIGNALLING_TO_P38_VIA_RIT_AND_RIN

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

X;REACTOME_SRP_DEPENDENT_COTRANSLATIONAL_PROTEIN_TARGETING_TO_MEMBRAI
EACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT
INS_MEDIATED_TRANSPORT;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOI
IGAND_GATED_ION_CHANNEL_TRANSPORT

;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREG

IDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BOI

E_ROLE_OF_DCC_IN_REGULATING_APOPTOSIS;REACTOME_NETRIN1_SIGNALING;REACTOI

R_PHAGOSOME_PATHWAY;REACTOME_IMMUNOREGULATORY_INTERACTIONS_BETWEEN_

ETABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

GINE_N_LINKED_GLYCOSYLATION;REACTOME_CALNEXIN_CALRETICULIN_CYCLE;REACTOM
ME_PEPTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RE

ANNELS

IN_SECRETION;REACTOME_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_INWARDLY_RECTIFYING_

SIGNALING_BY_NOTCH

ETABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_COSTIMULATION_BY_THE_CD28_FAMILY;REACTOME_C

ESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOM

NA_SPLICING;REACTOME_MRNA_SPLICING_MINOR_PATHWAY

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

II_CONJUGATION

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

GPCR;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_ADENYLATE_CYCLASE_INHIBITORY_PAT

ACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

REACTOME_RESPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT_ATP_SYNTHESIS_BY_CHEMIOSMOTIC

OTIC_SPINDLE_CHECKPOINT_COMPONENTS;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_CELL_C

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

ERBB4;REACTOME_PROLACTIN_RECEPTOR_SIGNALING;REACTOME_NUCLEAR_SIGNALING_

SAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

OWNSTREAM_TCR_SIGNALING;REACTOME_P75NTR_RECRUITS_SIGNALLING_COMPLEXES;

TOME_GLYCEROPHOSPHOLIPID_BIOSYNTHESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_

_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BIN
HS_GAG_BIOSYNTHESIS;REACTOME_HEPARAN_SULFATE_HEPARIN_HS_GAG_METABOLISM

JNCTION_ORGANIZATION

ESICLE_BUDDING;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_AT_THE_GOLGI_MEMBRANE;REACTOM

_CASCADE;REACTOME_INTRINSIC_PATHWAY;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATE

.BOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

OMPLEXES;REACTOME_P75NTR_SIGNALS_VIA_NFKB;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_ME

REACTOME_LIPOPROTEIN_METABOLISM

_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACT(

_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO

H_EXPRESSION_AND_PROCESSING;REACTOME_PRE_NOTCH_PROCESSING_IN_GOLGI;REA

M;REACTOME_COMPLEMENT_CASCADE

_OF_VITAMINS_AND_COFACTORS;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_ENOS_ACTIVATION

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

ESIS;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC
_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM

;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_II_TRANSCRIPTION_PRE

_SIGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_

CTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_RESPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT
TEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REA

SIS_OF_SUBSTRATES_IN_N_GLYCAN_BIOSYTHESIS;REACTOME_ASPARAGINE_N_LINKED_G

_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_CHEMOKINE_RECEPTORS_BIND_CHEMOKINES;REACTOME_

CTOME_MEMBRANE_TRAFFICKING;REACTOME_TRANS_GOLGI_NETWORK_VESICLE_BUDDIN

F_PROTEINS

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

ME_SIGNALING_BY_NOTCH

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

'AN_SULFATE_METABOLISM;REACTOME_HS_GAG_BIOSYNTHESIS;REACTOME_HEPARAN_S

I_OF_TRANSCRIPTION_COUPLED_NER_TC_NER_REPAIR_COMPLEX;REACTOME_DNA_REPA

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_VITAMINS_NUCLEOSIDES_AND_RELATED_MOLECULE

IEDIATED_ATTRACTIVE_SIGNALING

:R_PHAGOSOME_PATHWAY;REACTOME_IMMUNOREGULATORY_INTERACTIONS_BETWEEN_

ΓOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES

ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME
ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME
ALING

GI_MEMBRANE;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS
JNCTION_ORGANIZATION
ME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_HOMOLOGOUS_RECOMBINATION_REPAIR_OF
ROTEIN_RESPONSE

_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_CO
NT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_KINESINS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTC
.IN_SECRETION_BY_GLUCAGON_LIKE_PEPTIDE1;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SE

TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

_SIGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_GPVI_MEDIATED_ACTIVATION_

TASIS

TTER_RELEASE_CYCLE;REACTOME_DOPAMINE_NEUROTRANSMITTER_RELEASE_CYCLE

OME_GPCR_LIGAND_BINDING

YCOBACTERIUM_TUBERCULOSIS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMM
S

TIONAL_PROTEIN_MODIFICATION

)SPHINGOLIPID_METABOLISM;REACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_THE_A

ICATION

TIONAL_PROTEIN_MODIFICATION

IEDIATED_ATTRACTIVE_SIGNALING

OME_PROCESSING_OF_CAPPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_TRANSPOF

I_TUBERCULOSIS;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;RE

E_NUCLEOTIDE_BINDING_DOMAIN_LEUCINE_RICH_REPEAT_CONTAINING_RECEPTOR_NLR_

CHYMAL_TRANSITION;REACTOME_CELL_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION;REACTOME_TIGH

IEDIATED_ATTRACTIVE_SIGNALING;REACTOME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTI

RMATION;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIONS;REACTOME_SIGNALING_B

LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_E
N_OF_GENE_EXPRESSION_IN_BETA_CELLS
TASIS

G_BY_HIPPO;REACTOME_APOPTOTIC_CLEAVAGE_OF_CELL_ADHESION_PROTEINS;REACT(
TTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_

ON_ORGANIZATION
E_ENERGY_DEPENDENT_REGULATION_OF_MTOR_BY_LKB1_AMPK;REACTOME_PKB_MEDI
IPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_LIPID_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPOR

TIONAL_PROTEIN_MODIFICATION
TIONAL_PROTEIN_MODIFICATION

TOME_SYNTHESIS_OF_PC;REACTOME_GLYCEROPHOSPHOLIPID_BIOSYNTHESIS;REACTOM

GH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_

TIVATES_SMADS;REACTOME_SIGNALING_BY_TGF_BETA_RECEPTOR_COMPLEX

COSE_METABOLISM

EINS_AND_COMPLEXES;REACTOME_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REAC

E_BINDING_DOMAIN_LEUCINE_RICH_REPEAT_CONTAINING_RECEPTOR_NLR_SIGNALING_F

ATION_OF_SECOND_MESSENGER_MOLECULES;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_

NT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_KINESINS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTC
M_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_I

TOME_PEPTIDE_CHAIN_ELONGATION;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_

E_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_C

EACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT
EACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT

OME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_ACTIVATED_POINT_MUTANTS_OF_FGI

_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_G_PROTEIN_ACTIVATION;
SSION;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUGH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIC

_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO

T_INTERACTIONS_OF_HIV_FACTORS;REACTOME_INTERACTIONS_OF_VPR_WITH_HOST_CE

RACTIONS_BETWEEN_A_LYMPHOID_AND_A_NON_LYMPHOID_CELL;REACTOME_CELL_SURF

_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATIO

_MEDIATED_TRANSPORT;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLEC
ON_TRANSPORT;REACTOME_PYRUVATE_METABOLISM

M

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

OCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION_PROTEA

OTIC_SPINDLE_CHECKPOINT_COMPONENTS;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_CELL_C

EMOSTASIS
NS;REACTOME_HEMOSTASIS
SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_O

IGAND_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_

EACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES
F_PROTEINS

SPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_O

EACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES

DING

PTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTO
M_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH
SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOMI
TASIS

RMATION;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCA

G_COMPLEXES;REACTOME_P75NTR_SIGNALS_VIA_NFKB;REACTOME_NFKB_IS_ACTIVATED

_PRE_NOTCH_EXPRESSION_AND_PROCESSING;REACTOME_PRE_NOTCH_PROCESSING_IN

ILS;REACTOME_IL_3_5_AND_GM_CSF_SIGNALING;REACTOME_IL_RECEPTOR_SHC_SIGNALI

GH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_

E_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

EINS_MEDIATED_TRANSPORT;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOI
OSTASIS;REACTOME_HEMOSTASIS
CIATED_VESICLE_BIOGENESIS

_LIKE_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_S

EACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS
AL_SYNAPSES;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUGH_JNK;REACTOME_NEURON
PHORYLATION_CASCADE;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME_APOPTOTIC_EXECUTION_PI

ATION

ESIS_ON_THE_LAGGING_STRAND;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_M_G1_TR

ME_SEMA3A_PAK_DEPENDENT_AXON_REPULSION;REACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIO

ONDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_TERMINATION

ALING

_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM

ΓIONAL_PROTEIN_MODIFICATION

NALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_ANTIGEN_ACTIVATES_B_CELL_RECEPTOR_LEA

ETIN_SYNTHESIS_SECRETION_AND_INACTIVATION;REACTOME_SYNTHESIS_SECRETION_AI

REACTOME_REGULATION_OF_MRNA_STABILITY_BY_PROTEINS_THAT_BIND_AU_RICH_ELEI

M_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH

_HYDROXYLATION_OF_HYPOXIA_INDUCIBLE_FACTOR_ALPHA

X;REACTOME_ACTIVATION_OF_THE_MRNA_UPON_BINDING_OF_THE_CAP_BINDING_COMP

_CASCADE;REACTOME_INTRINSIC_PATHWAY;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATE

S;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HIV_LIFE_CYCLE;REACTOME_LATE_PHASE_OF_H

EINS

/PE_3_PROMOTER

)UENT_MODIFICATION;REACTOME_N_GLYCAN_ANTENNAE_ELONGATION;REACTOME_N_GL

BINDING

I1_INTRACELLULAR_DOMAIN_REGULATES_TRANSCRIPTION;REACTOME_SIGNALING_BY_NC

RT_OF_MATURE_TRANSCRIPT_TO_CYTOPLASM;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPOF

SMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_TRANSMISSIO
NALING;REACTOME_NEGATIVE_REGULATION_OF_FGFR_SIGNALING;REACTOME_CELL_CYC

ORGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_FACILITATIVE_NA_IN

LEX_AND_EIFS_AND_SUBSEQUENT_BINDING_TO_43S;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTI

;REACTOME_REGULATED_PROTEOLYSIS_OF_P75NTR;REACTOME_P75NTR_SIGNALS_VIA_N

_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;RE

OHYDRATES

TOME_RECRUITMENT_OF_NUMA_TO_MITOTIC_CENTROSOMES;REACTOME_MITOTIC_G2_G

SMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALING_B

ˉOME_MRNA_SPLICING;REACTOME_PROCESSING_OF_CAPPED_INTRONLESS_PRE_MRNA;R

P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOM

S_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOME_DOV
S_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOME_DOV

PLICATIVE_COMPLEX;REACTOME_E2F_ENABLED_INHIBITION_OF_PRE_REPLICATION_COMP

PRESSION;REACTOME_YAP1_AND_WWTR1_TAZ_STIMULATED_GENE_EXPRESSION;REACT(

SY_PDGF;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_NC
P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOM

ONSTITUTIVELY_ACTIVE_EGFR;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_

EACTOME_THE_ROLE_OF_NEF_IN_HIV1_REPLICATION_AND_DISEASE_PATHOGENESIS
SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_GENERIC_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_NC

LIGOPEPTIDES

/_INFECTION;REACTOME_HIV_LIFE_CYCLE;REACTOME_LATE_PHASE_OF_HIV_LIFE_CYCLE

LIGOPEPTIDES

)TEINS;REACTOME_LIPID_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPORT;REACTOME_LIPOPI

N
N

ATION

)ME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

:MOSTASIS
AD3_SMAD4_HETEROTRIMER;REACTOME_DOWNREGULATION_OF_SMAD2_3_SMAD4_TRAN
RYLATION_AND_ACTIVATION_OF_IKKS_COMPLEX;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_NFKB_ACT

.SOME_DEGRADATION

LIGOPEPTIDES

S;REACTOME_TRANSPORT_OF_ORGANIC_ANIONS

REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEI

_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

E_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_TRANS

IE_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_PI_METABOLISM;REACTOME_GOLGI_ASSOCI

.SOME_DEGRADATION

ME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REAC

ONSTITUTIVELY_ACTIVE_EGFR;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME
ONSTITUTIVELY_ACTIVE_EGFR;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME

)RS;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGI

_A_LYMPHOID_AND_A_NON_LYMPHOID_CELL;REACTOME_INTERFERON_GAMMA_SIGNALIN(

)F_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REAC

NG;REACTOME_ADENYLATE_CYCLASE_INHIBITORY_PATHWAY;REACTOME_NEUROTRANSM

)LEX;REACTOME_PYRUVATE_METABOLISM

)LIGOPEPTIDES

LTAGE_GATED_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_CHANNELS

S

ANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRET

)N_SIGNALING_AND_AGGREGATION

NSTITUTIVELY_ACTIVE_EGFR;REACTOME_GRB2_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOM
ADING_TO_GENERATION_OF_SECOND_MESSENGERS;REACTOME_SIGNALING_BY_THE_B_C

CELL;REACTOME_ACETYLCHOLINE_BINDING_AND_DOWNSTREAM_EVENTS;REACTOME_HI(

'LEX;REACTOME_PYRUVATE_METABOLISM

C_REGULATION;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_CLASS_B_2_SE
OME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_

RNA;REACTOME_METABOLISM_OF_RNA;REACTOME_REGULATION_OF_MRNA_STABILITY_B
AIR

D_ANKYRINS
RNA;REACTOME_MRNA_DECAY_BY_3_TO_5_EXORIBONUCLEASE;REACTOME_DEADENYLAT

OSPHOLIPID_BIOSYNTHESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

SMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_RESPONSE_T

TS;REACTOME_M_G1_TRANSITION;REACTOME_G1_S_TRANSITION;REACTOME_SYNTHESIS_

P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOM

.SOME_DEGRADATION

ˉERFERON_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYS

P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOM

P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOM

ME_RNA_POL_I_TRANSCRIPTION_INITIATION

OME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_OLIGOPEPTIDES
OME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_OLIGOPEPTIDES

LIGOPEPTIDES

ME_RNA_POL_I_TRANSCRIPTION_INITIATION

-_TRANSCRIPTION

)LL_RECEPTOR_CASCADES

_SINGLE_NUCLEOTIDE_REPLACEMENT_PATHWAY;REACTOME_DNA_REPAIR;REACTOME_R
_SINGLE_NUCLEOTIDE_REPLACEMENT_PATHWAY;REACTOME_DNA_REPAIR;REACTOME_R

REPAIR;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_ACTIVATION_OF_ATR_IN_R
_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_SIGNAL_AMPLIFICAT

BOLISM;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_

EXCISION_REPAIR;REACTOME_REPAIR_SYNTHESIS_FOR_GAP_FILLING_BY_DNA_POL_IN_TC

)LIGOPEPTIDES
PRESSION;REACTOME_CIRCADIAN_REPRESSION_OF_EXPRESSION_BY_REV_ERBA;REACTC

TEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

_TC_NER;REACTOME_RNA_POL_II_TRANSCRIPTION_PRE_INITIATION_AND_PROMOTER_OF

TABOLISM;REACTOME_CHONDROITIN_SULFATE_DERMATAN_SULFATE_METABOLISM;REAC
TABOLISM;REACTOME_CHONDROITIN_SULFATE_DERMATAN_SULFATE_METABOLISM;REAC
EACTOME_ALPHA_LINOLENIC_ACID_ALA_METABOLISM;REACTOME_PEROXISOMAL_LIPID_M

OMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_DEPOSITION_OF_NEW_CENPA_CONTAINING_NUCLE

TIONALIZATION_OF_COMPOUNDS;REACTOME_ENDOGENOUS_STEROLS;REACTOME_STER

ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_SHC1_EVENTS_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_E\

_OF_HOMO_SAPIENS_WITH_MYCOBACTERIUM_TUBERCULOSIS;REACTOME_TRANSMEMBR

;REACTOME_INTERFERON_ALPHA_BETA_SIGNALING;REACTOME_REGULATION_OF_IFNA_S

)ME_SIGNALLING_TO_ERKS;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_

ME_APOPTOSIS
ME_APOPTOSIS

)ME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

N

ATION

ME_SIGNAL_TRANSDUCTION_BY_L1;REACTOME_INTERFERON_GAMMA_SIGNALING;REACTC

TIONALIZATION_OF_COMPOUNDS;REACTOME_STEROID_HORMONES;REACTOME_METABOI
TIONALIZATION_OF_COMPOUNDS;REACTOME_STEROID_HORMONES;REACTOME_METABOI

BODY_METABOLISM;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_

OF_PG;REACTOME_ACYL_CHAIN_REMODELLING_OF_PE;REACTOME_ACYL_CHAIN_REMODE

TOME_S_PHASE
TOME_S_PHASE

_STEROID_HORMONES;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTC

.SOME_DEGRADATION

D_ANKYRINS

LEX_AND_EIFS_AND_SUBSEQUENT_BINDING_TO_43S;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTI

ING_BY_ERBB2;REACTOME_GRB2_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_

CELL;REACTOME_ACETYLCHOLINE_BINDING_AND_DOWNSTREAM_EVENTS;REACTOME_HI(

LEAR_EVENTS_KINASE_AND_TRANSCRIPTION_FACTOR_ACTIVATION;REACTOME_ERK_MAI

ADE
_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_3_I

CTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_(

E_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM

PRESSION;REACTOME_YAP1_AND_WWTR1_TAZ_STIMULATED_GENE_EXPRESSION;REACT(

LIGOPEPTIDES

SE_OF_HIV_LIFE_CYCLE

3ODY_METABOLISM;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_

N
N
N
N

THWAY;REACTOME_SIGNALING_BY_TGF_BETA_RECEPTOR_COMPLEX

EMBRANE_TRANSPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_

GNALING
CELL;REACTOME_ACTIVATION_OF_KAINATE_RECEPTORS_UPON_GLUTAMATE_BINDING;RE
CELL;REACTOME_ACTIVATION_OF_KAINATE_RECEPTORS_UPON_GLUTAMATE_BINDING;RE

EMOSTASIS
EMOSTASIS

E_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_

ACTOME_THE_ROLE_OF_NEF_IN_HIV1_REPLICATION_AND_DISEASE_PATHOGENESIS;REAC
PRESSION;REACTOME_YAP1_AND_WWTR1_TAZ_STIMULATED_GENE_EXPRESSION;REACT
PRESSION;REACTOME_YAP1_AND_WWTR1_TAZ_STIMULATED_GENE_EXPRESSION;REACT

D_TRANSLATION;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOME_PRE

_ACTIVATION_IN_TLR7_8_OR_9_SIGNALING;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTO

_ACTIVATION_IN_TLR7_8_OR_9_SIGNALING;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTO

TRANSMITTER_RELEASE_CYCLE;REACTOME_NOREPINEPHRINE_NEUROTRANSMITTER_RE

:_COUPLING_AND_HEAT_PRODUCTION_BY_UNCOUPLING_PROTEINS_

E_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_TRANS

_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;R

;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

:YCLE_MITOTIC;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_REGULATION_OF_MI

.SOME_DEGRADATION

)RS;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGI
)RGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_METAL_ION_SLC_TR
)RGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_METAL_ION_SLC_TR

)ME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_OLIGOPEPTIDES

S_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOME_DOW

_SINGLE_NUCLEOTIDE_REPLACEMENT_PATHWAY;REACTOME_DNA_REPAIR;REACTOME_R

:_G_ALPHA_Z_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_EFFECTS_OF_PIP2_HYDROLYSIS;REACTOI

A_24_HYDROXYCHOLESTEROL;REACTOME_SYNTHESIS_OF_BILE_ACIDS_AND_BILE_SALTS

TOME_RECRUITMENT_OF_NUMA_TO_MITOTIC_CENTROSOMES;REACTOME_MITOTIC_G2_G

PRESSION;REACTOME_YAP1_AND_WWTR1_TAZ_STIMULATED_GENE_EXPRESSION;REACT(

IGNALING;REACTOME_RIG_I_MDA5_MEDIATED_INDUCTION_OF_IFN_ALPHA_BETA_PATHWA

.SOME_DEGRADATION

_BETA_RECEPTOR_COMPLEX;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGR

)RGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_FACILITATIVE_NA_IN

S_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOME_DOV

.SOME_DEGRADATION
.SOME_DEGRADATION

1;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_A_TETRASACCHARIDE_LIN
1;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_A_TETRASACCHARIDE_LIN

)UENT_MODIFICATION

TRIN_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_NUCLEAR_EVENTS_

ILES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACTOME_TRANSPOR
ILES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACTOME_TRANSPOR

TERS;REACTOME_CELL_SURFACE_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_

E_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_TRANS

ATION_OF_AMPK_ACTIVITY_VIA_LKB1;REACTOME_ENERGY_DEPENDENT_REGULATION_OF

NG;REACTOME_REGULATION_OF_IFNG_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_GAMMA_SIG

:ACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS

CR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_SEMA4D_IN_SEMAPHORIN_SIGNALING;REACTC

\CTOME_GENERIC_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_NOTCH_HLH_TRANSCRIPTION_
\CTOME_GENERIC_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_NOTCH_HLH_TRANSCRIPTION_

-_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_3_F

.SOME_DEGRADATION

IA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;RE/

/PE_3_PROMOTER

G_AND_AGGREGATION

RT_OF_MATURE_TRANSCRIPT_TO_CYTOPLASM;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPOF

REPULSION;REACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_SEMA3A_PLEXIN_REPUI

ALING_AND_AGGREGATION

P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOM

ACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME

OLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS
ERBB4;REACTOME_ACTIVATED_NOTCH1_TRANSMITS_SIGNAL_TO_THE_NUCLEUS;REACTOI

ECRETION;REACTOME_VOLTAGE_GATED_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_

PRESSION;REACTOME_YAP1_AND_WWTR1_TAZ_STIMULATED_GENE_EXPRESSION;REACTO

LIGOPEPTIDES;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_PLATELET_CALCIUM_H

ACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_AND_ANKYRINS;REACTOME_NEPHRIN_INTERACTIO
ACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_AND_ANKYRINS;REACTOME_NEPHRIN_INTERACTIO

REACTOME_MYD88_MAL_CASCADE_INITIATED_ON_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_INNAT

TOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFI

:TOME_CELL_SURFACE_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_COMMON_

ETION_AND_INACTIVATION;REACTOME_SYNTHESIS_SECRETION_AND_INACTIVATION_OF_G
ETION_AND_INACTIVATION;REACTOME_SYNTHESIS_SECRETION_AND_INACTIVATION_OF_G

OME_SYNTHESIS_OF_BILE_ACIDS_AND_BILE_SALTS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_

_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REACTOME_MITOTIC_G2_G2_M_PHASES;F
_BY_GLUCAGON_LIKE_PEPTIDE1;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REAC

CELL;REACTOME_ACETYLCHOLINE_BINDING_AND_DOWNSTREAM_EVENTS;REACTOME_HI(

YCLASE;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_HEMOSTASIS

:ACTOME_INTEGRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIONS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACT
AM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH

CTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_FUSION_MUT

TRANSPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_A

EMBRANE;REACTOME_PI3K_AKT_ACTIVATION;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEP

)RS;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGI

ES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACTOME_TRANSPORT_

ERBB2_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_SHC1_EVEN

LIGOPEPTIDES
NALING_ACTIVATES_SMADS;REACTOME_SIGNALING_BY_TGF_BETA_RECEPTOR_COMPLEX

_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOI

LISM_OF_PORPHYRINS

REPULSION;REACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_SEMA3A_PLEXIN_REPUI

REPAIR;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_ACTIVATION_OF_ATR_IN_R

ATHWAY;REACTOME_SIGNALING_BY_TGF_BETA_RECEPTOR_COMPLEX

JM_CHANNELS

_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

N

STEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANT
STEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANT

CELL;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_GA

LIGOPEPTIDES

)LIGOPEPTIDES
TOME_MITOTIC_G2_G2_M_PHASES

)LIGOPEPTIDES

SIGNALS_DEATH_THROUGH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF
SIGNALS_DEATH_THROUGH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF

RGY_DEPENDENT_REGULATION_OF_MTOR_BY_LKB1_AMPK;REACTOME_REGULATION_OF_

TEROL_BIOSYNTHESIS

MES_AT_THE_CENTROMERE;REACTOME_DNA_REPLICATION;REACTOME_MITOTIC_PROMET

REACTOME_SIGNALING_BY_CONSTITUTIVELY_ACTIVE_EGFR;REACTOME_SIGNALING_BY_E

S_METABOLISM;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_A_TETRASA

ACTIVATION_OF_ARYLSULFATASES;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_S

HASES;REACTOME_ACTIVATION_OF_ATR_IN_RESPONSE_TO_REPLICATION_STRESS;REAC
HASES;REACTOME_ACTIVATION_OF_ATR_IN_RESPONSE_TO_REPLICATION_STRESS;REAC

CTOME_FRS2_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_PI_3K_CASCADE;REACTOME_DOWNSTREA
CTOME_FRS2_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_PI_3K_CASCADE;REACTOME_DOWNSTREA
CTOME_FRS2_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_PI_3K_CASCADE;REACTOME_DOWNSTREA

_3_UTR_MEDIATED_TRANSLATIONAL_REGULATION;REACTOME_METABOLISM_OF_MRNA;RI

)UENT_MODIFICATION;REACTOME_N_GLYCAN_ANTENNAE_ELONGATION;REACTOME_N_GL
GLYCOSYLATION;REACTOME_BIOSYNTHESIS_OF_THE_N_GLYCAN_PRECURSOR_DOLICHOL

ADING_TO_GENERATION_OF_SECOND_MESSENGERS;REACTOME_SIGNALING_BY_THE_B_C

_3_UTR_MEDIATED_TRANSLATIONAL_REGULATION;REACTOME_METABOLISM_OF_MRNA;RI

S

.SOME_DEGRADATION

OHYDRATES
NALING;REACTOME_DOWNSTREAM_TCR_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACT

:_EFFECTS_OF_PIP2_HYDROLYSIS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIV

ME_JNK_C_JUN_KINASES_PHOSPHORYLATION_AND_ACTIVATION_MEDIATED_BY_ACTIVATE

ME_CITRIC_ACID_CYCLE_TCA_CYCLE
SMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_TRANSMISSIO

ME_PLATELET_ADHESION_TO_EXPOSED_COLLAGEN;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURFAC

SOME_DEGRADATION

N

E_PATHWAY;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_ORC1_REMOVAL_FROM_CHROMATIN;RI
PLICATIVE_COMPLEX;REACTOME_E2F_ENABLED_INHIBITION_OF_PRE_REPLICATION_COMP

E_EFFECTS_OF_PIP2_HYDROLYSIS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIV
E_EFFECTS_OF_PIP2_HYDROLYSIS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIV

ACTOME_IRON_UPTAKE_AND_TRANSPORT;REACTOME_TRANSFERRIN_ENDOCYTOSIS_AN

CTIVATION_AND_REGULATION;REACTOME_NITRIC_OXIDE_STIMULATES_GUANYLATE_CYCI

G;REACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKA

ATION_OF_AMPK_ACTIVITY_VIA_LKB1;REACTOME_ENERGY_DEPENDENT_REGULATION_OF
ATION_OF_AMPK_ACTIVITY_VIA_LKB1;REACTOME_ENERGY_DEPENDENT_REGULATION_OF

SOME_DEGRADATION

/E_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_ACTIVATED_POINT_MUTA
/E_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_ACTIVATED_POINT_MUTA

_SINGLE_NUCLEOTIDE_REPLACEMENT_PATHWAY;REACTOME_DNA_REPAIR;REACTOME_R

ENSITIVE_LIPASE_HSL_MEDIATED_TRIACYLGLYCEROL_HYDROLYSIS;REACTOME_LIPID_DI(

ORGANIZATION;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME_APOPTOTIC_EXECUTION_PHASE

REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEI

LIGOPEPTIDES

_COUPLING_AND_HEAT_PRODUCTION_BY_UNCOUPLING_PROTEINS_

IGNALLING_TO_ERKS;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR;REACTOME_SIGNA

TOME_MITOTIC_G2_G2_M_PHASES

S_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOME_DOW

SOME_DEGRADATION
REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_DOPAMINE_NEUROTRAN

PROTEINS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OU
PROTEINS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OU
PROTEINS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OU
PROTEINS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OU

GLYCOSYLATION;REACTOME_BIOSYNTHESIS_OF_THE_N_GLYCAN_PRECURSOR_DOLICHOL

OME_SIGNALLING_TO_ERKS;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_

_TRANSCRIPTION

AM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH
AM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH
AM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH

HA_BETA_PATHWAYS;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REA
ME_N_GLYCAN_TRIMMING_IN_THE_ER_AND_CALNEXIN_CALRETICULIN_CYCLE
LIGOPEPTIDES

)TEINS;REACTOME_LIPID_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPORT;REACTOME_LIPOPI
)TEINS;REACTOME_LIPID_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPORT;REACTOME_LIPOPI

;REACTOME_INTEGRIN_ALPHAIIB_BETA3_SIGNALING;REACTOME_PLATELET_AGGREGATIO

SYSTEM;REACTOME_NEUROTRANSMITTER_RELEASE_CYCLE;REACTOME_ACETYLCHOLINE

_REGULATION_OF_SIGNALING_BY_CBL;REACTOME_IL_3_5_AND_GM_CSF_SIGNALING;REA(

E_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOSTASIS
E_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOSTASIS

E_PATHWAY;REACTOME_CELL_CYCLE;REACTOME_ORC1_REMOVAL_FROM_CHROMATIN;RI

ACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FRO

N
N
N
N
N

ESSION_OF_EXPRESSION_BY_REV_ERBA;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPO

;REACTOME_NITRIC_OXIDE_STIMULATES_GUANYLATE_CYCLASE;REACTOME_PLATELET_H
TIONALIZATION_OF_COMPOUNDS;REACTOME_STEROID_HORMONES;REACTOME_METABO

EACTOME_PEPTIDE_LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LI

ORGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_NA_CL_DEPENDENT_

OY_METABOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_VERY_LONG_CHAIN_FATTY_ACYL_COAS

TOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_MITOTIC_G2_G2_M_PHASES;REACTOME_DN

_AND_KETONE_BODY_METABOLISM

RE_MRNA_DERIVED_FROM_AN_INTRONLESS_TRANSCRIPT

S_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOME_DOW

ANSITION;REACTOME_G1_S_TRANSITION;REACTOME_POL_SWITCHING;REACTOME_SYNTH

OME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

TOME_DARPP_32_EVENTS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REAC
_COUPLING_AND_HEAT_PRODUCTION_BY_UNCOUPLING_PROTEINS_
ACTOME_IRON_UPTAKE_AND_TRANSPORT;REACTOME_TRANSFERRIN_ENDOCYTOSIS_AN

S;REACTOME_TRANSPORT_OF_ORGANIC_ANIONS

IC_MEDIATED_ANTIGEN_PROCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSINC
YLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM
_REPLICATION_INDEPENDENT_DOUBLE_STRAND_BREAKS;REACTOME_P53_DEPENDENT_G

A_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REA

IA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;RE/

AM_TCR_SIGNALING;REACTOME_PHOSPHORYLATION_OF_CD3_AND_TCR_ZETA_CHAINS;RI

:TABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS
:TABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

MEMBRANE_TRANSPORT;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REAC

N
N

;MA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_TRANSMISSIO

'E_IMMUNE_SYSTEM

ME_FORMATION_OF_TUBULIN_FOLDING_INTERMEDIATES_BY_CCT_TRIC;REACTOME_META

_SINGLE_NUCLEOTIDE_REPLACEMENT_PATHWAY;REACTOME_DNA_REPAIR;REACTOME_R

BODY_METABOLISM;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_
EMOSTASIS

LNEXIN_CALRETICULIN_CYCLE

E_SYSTEM

EXCISION_REPAIR;REACTOME_REPAIR_SYNTHESIS_FOR_GAP_FILLING_BY_DNA_POL_IN_TC

SY_PDGF;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_NC

_II_PRE_TRANSCRIPTION_EVENTS;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HIV_LIFE_CYC

IE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_T

_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GP

TION;REACTOME_NEPHRIN_INTERACTIONS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELE

EACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

)ME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

CTOME_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_DOWNREGULATION_OF_ERBB2_ERBB3_SIGNAI

NOTCH3;REACTOME_RECEPTOR_LIGAND_BINDING_INITIATES_THE_SECOND_PROTEOLYTI
_TRANSCRIPTION

SOME_DEGRADATION
SOME_DEGRADATION

CELL;REACTOME_ACETYLCHOLINE_BINDING_AND_DOWNSTREAM_EVENTS;REACTOME_HI(

E_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_
)_ANKYRINS
)_ANKYRINS

CTOME_OTHER_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;R

TIONALIZATION_OF_COMPOUNDS;REACTOME_ENDOGENOUS_STEROLS;REACTOME_STER

P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOM

ORGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_AMINE_COMPOUND_

_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

_3_UTR_MEDIATED_TRANSLATIONAL_REGULATION;REACTOME_METABOLISM_OF_MRNA;RI

D_TRANSLATION;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOME_YAF
D_TRANSLATION;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOME_YAF
D_TRANSLATION;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSION;REACTOME_YAF
SMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_TRANSMISSIO

ADE

ASIS;REACTOME_PLATELET_CALCIUM_HOMEOSTASIS;REACTOME_ION_TRANSPORT_BY_P_

RT_OF_MATURE_TRANSCRIPT_TO_CYTOPLASM;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPOF

RT_OF_MATURE_TRANSCRIPT_TO_CYTOPLASM;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPOF

LIGOPEPTIDES

LIGOPEPTIDES

REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_PLATELET_AGGREGATIO

CASCADE;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_IM

ME_RNA_POL_I_TRANSCRIPTION_INITIATION

CELL;REACTOME_ACTIVATION_OF_NMDA_RECEPTOR_UPON_GLUTAMATE_BINDING_AND_F

SOME_DEGRADATION

)RGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_BILE_SALT_AND_OR(

)ME_MRNA_CAPPING;REACTOME_TRANSCRIPTION_COUPLED_NER_TC_NER;REACTOME_RI

CASCADE;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_BETA_GAMMA_SIG

A_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSIO
A_ACTIVATES_GENE_EXPRESSION;REACTOME_RORA_ACTIVATES_CIRCADIAN_EXPRESSIO

_OF_NFKB_AND_MAP_KINASES_UPON_TLR7_8_OR_9_ACTIVATION;REACTOME_NFKB_AND_
:MOSTASIS
)RGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_BILE_SALT_AND_OR(
)RGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_BILE_SALT_AND_OR(

ACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FRO

_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH
_3_UTR_MEDIATED_TRANSLATIONAL_REGULATION;REACTOME_METABOLISM_OF_MRNA;RI

TS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_SEMA4D_IN_SEMAPHO
_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOI

ME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACT
ME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACT
ME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACT

CELL;REACTOME_TRAFFICKING_OF_AMPA_RECEPTORS;REACTOME_TRAFFICKING_OF_GLU

SOME_DEGRADATION

ME_PLATELET_ADHESION_TO_EXPOSED_COLLAGEN;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURFAC

ATHWAYS;REACTOME_SYNTHESIS_SECRETION_AND_DEACYLATION_OF_GHRELIN;REACTOI

ATED_EVENTS;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR;REACTOME_MTORC1_MED

OME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_
OME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_

GLUCAGON_TYPE_LIGAND_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;RE

TOME_MITOTIC_G2_G2_M_PHASES
_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

REACTOME_BASIGIN_INTERACTIONS;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SURFACE_INTERACTION

ITRON_CONTAINING_PRE_MRNA;REACTOME_RNA_POL_II_TRANSCRIPTION;REACTOME_RN

DING

ESSENGERS;REACTOME_SIGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_NRAG
ATH_THROUGH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;

IR
IR

N
N
N

CTION_OF_IFN_ALPHA_BETA_PATHWAYS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOM

:ACTOME_P2Y_RECEPTORS;REACTOME_NUCLEOTIDE_LIKE_PURINERGIC_RECEPTORS;REA
CTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IM

MUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

NSPORT
NSPORT

A_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;F

G;REACTOME_TGF_BETA_RECEPTOR_SIGNALING_ACTIVATES_SMADS;REACTOME_RESPON
GNALING

EACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

LIGOPEPTIDES;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_PLATELET_CALCIUM_H(

_AND_GROWTH_CONE_COLLAPSE

N_THE_LAGGING_STRAND;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_TRANSCRIPTIOI
N_THE_LAGGING_STRAND;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_TRANSCRIPTIOI
N_THE_LAGGING_STRAND;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_TRANSCRIPTIOI

CELL;REACTOME_TRAFFICKING_OF_AMPA_RECEPTORS

IS

TOME_MITOTIC_G2_G2_M_PHASES

CELL;REACTOME_TRAFFICKING_OF_AMPA_RECEPTORS

2;REACTOME_SIGNALING_BY_CONSTITUTIVELY_ACTIVE_EGFR;REACTOME_SIGNALING_BY

LIGOPEPTIDES

ORGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_BILE_SALT_AND_OR

EGULATION;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION_BY_GLUCAGON_LIKE_PEP
EGULATION;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION_BY_GLUCAGON_LIKE_PEP

AM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH
AM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH
RESPONSE

ED_PLATELET_CYTOSOLIC_CA2_;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_PEPTIDE_

E_SYSTEM
P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOM

SSING;REACTOME_MRNA_SPLICING;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_MRNA_3_ENI

ACE_INTERACTIONS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_

M1_INTERACTIONS;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH

TOME_MITOTIC_G2_G2_M_PHASES

JCLEOTIDE_LIKE_PURINERGIC_RECEPTORS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING

TS;REACTOME_M_G1_TRANSITION;REACTOME_G1_S_TRANSITION;REACTOME_SYNTHESIS_
_AND_GROWTH_CONE_COLLAPSE
NG_IN_IMMUNE_SYSTEM

OLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

CELL;REACTOME_INHIBITION_OF_VOLTAGE_GATED_CA2_CHANNELS_VIA_GBETA_GAMMA_
CELL;REACTOME_INHIBITION_OF_VOLTAGE_GATED_CA2_CHANNELS_VIA_GBETA_GAMMA_

RS;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGI
_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_3_F
_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_3_F

ACTIVATION_OF_ARYLSULFATASES;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_S

STEM

75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_ROLE_OF_DCC_IN_REGULATING_

CING;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;F
SOME_DEGRADATION

P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOM

E_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_TRANS

)Y_METABOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_VERY_LONG_CHAIN_FATTY_ACYL_COAS

1;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_A_TETRASACCHARIDE_LIN
)LIGOPEPTIDES

S_METABOLISM;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_A_TETRASA
ACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT;REACTOME_HEMOSTASIS

IS;REACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_AND_ANKYRINS;REACTOME_SIGNAL_TRANSDU
IS;REACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_AND_ANKYRINS;REACTOME_SIGNAL_TRANSDU

TOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_MITOTIC_G2_G2_M_PHASES;REACTOME_DN

NOTCH3;REACTOME_RECEPTOR_LIGAND_BINDING_INITIATES_THE_SECOND_PROTEOLYTI

EVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_KINESINS;REACTOME_DNA_REPL

D_ANKYRINS

LISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_LIPID_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_T

ORGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_ZINC_TRANSPORTEI

TOME_MITOTIC_G2_G2_M_PHASES
TOME_MITOTIC_G2_G2_M_PHASES

ONSTITUTIVELY_ACTIVE_EGFR;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_

EACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

RS;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGI

HWAY;REACTOME_ER_PHAGOSOME_PATHWAY;REACTOME_NEF_MEDIATES_DOWN_MODU

ORGANIZATION;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME_APOPTOTIC_EXECUTION_PHASE

:MOSTASIS

CTOME_SIGNALING_BY_ERBB4;REACTOME_DOWNREGULATION_OF_ERBB2_ERBB3_SIGNAI

ACTIVATION_OF_ARYLSULFATASES;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_S

E_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTI

CELL;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_GA
)_AND_SIGNALS_SURVIVAL;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REA

TERFERON_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYS

EACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_AND_ANKYRINS;REACTOME_NEPHRIN_INTERACTIO

GNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

3ODY_METABOLISM;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_

TOME_MITOTIC_G2_G2_M_PHASES
_P130CAS_LINKAGE_TO_MAPK_SIGNALING_FOR_INTEGRINS;REACTOME_GRB2_SOS_PROV
HA_BETA_PATHWAYS;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REA

FR2;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REACTOME_FRS2_MEDIATED_CASCADE;I

A_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;RE/
E_SYSTEM
CTOME_G1_S_TRANSITION;REACTOME_SYNTHESIS_OF_DNA;REACTOME_MITOTIC_G1_G1_

LIGOPEPTIDES

TOME_MITOTIC_G2_G2_M_PHASES
LIGOPEPTIDES

)_AND_SIGNALS_SURVIVAL;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REA

/PE_3_PROMOTER

IA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;RE/

)LIGOPEPTIDES

NE;REACTOME_ACTIVATION_OF_THE_MRNA_UPON_BINDING_OF_THE_CAP_BINDING_COMF

LECULES;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

ATION

)Y_METABOLISM;REACTOME_SYNTHESIS_OF_VERY_LONG_CHAIN_FATTY_ACYL_COAS

ME_APOPTOSIS

_A_LYMPHOID_AND_A_NON_LYMPHOID_CELL;REACTOME_INTERFERON_GAMMA_SIGNALIN(

ME_N_GLYCAN_TRIMMING_IN_THE_ER_AND_CALNEXIN_CALRETICULIN_CYCLE
CEPTORS;REACTOME_CHEMOKINE_RECEPTORS_BIND_CHEMOKINES;REACTOME_GPCR_D

K_CHANNELS

CTLA4_INHIBITORY_SIGNALING;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_PLATEL

E_GLUCOSE_METABOLISM;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREG

CELL;REACTOME_TRAFFICKING_OF_AMPA_RECEPTORS

CELL;REACTOME_TRAFFICKING_OF_AMPA_RECEPTORS;REACTOME_TRAFFICKING_OF_GL

ΓHWAY;REACTOME_NEUROTRANSMITTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRAI

:_COUPLING_AND_HEAT_PRODUCTION_BY_UNCOUPLING_PROTEINS_

:YCLE_MITOTIC;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_REGULATION_OF_MI

LIGOPEPTIDES

_BY_ERBB4;REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;REACTOME_IL_3_5_AND_GM_CSF_SIGNALING;F

;REACTOME_REGULATED_PROTEOLYSIS_OF_P75NTR;REACTOME_P75NTR_SIGNALS_VIA_N

_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_META

DING
1;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_A_TETRASACCHARIDE_LIN

IE_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_PI_METABOLISM;REACTOME_GOLGI_ASSOCI

LET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

EDIATED_SIGNALLING;REACTOME_CELL_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION;REACTOME_TIGH

OME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_OLIGOPEPTIDES

N

ACTOME_GENERIC_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_NOTCH_HLH_TRANSCRIPTION_

N_AND_REGULATION;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_G1_S_TRANSITION;RE

CELL;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_GA

E_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND

_INITIATION_AND_PROMOTER_OPENING;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_PO

ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

;REACTOME_RESPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT_ATP_SYNTHESIS_BY_CHEMIOSMOTIC
ACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SE

;LYCOSYLATION;REACTOME_BIOSYNTHESIS_OF_THE_N_GLYCAN_PRECURSOR_DOLICHOL

_GPCR_LIGAND_BINDING

NG;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA

CELL;REACTOME_ACTIVATION_OF_KAINATE_RECEPTORS_UPON_GLUTAMATE_BINDING;RE

LIGOPEPTIDES

ULFATE_HEPARIN_HS_GAG_METABOLISM;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLIS

IR

S;REACTOME_TRANSPORT_OF_ORGANIC_ANIONS

_A_LYMPHOID_AND_A_NON_LYMPHOID_CELL;REACTOME_INTERFERON_GAMMA_SIGNALIN

_EFFECTS_OF_PIP2_HYDROLYSIS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIV
_EFFECTS_OF_PIP2_HYDROLYSIS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIV

S_AT_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_PI_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF

_REPLICATION_INDEPENDENT_DOUBLE_STRAND_BREAKS;REACTOME_P53_DEPENDENT_G

NSTITUTIVELY_ACTIVE_EGFR;REACTOME_GRB2_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOM
OME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM
ECRETION;REACTOME_VOLTAGE_GATED_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_POTASSIUM_

CELL;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_GA

CASCADE;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_IM

/UNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PROCESSING_PRESENTAT

ACTIVATION_OF_ARYLSULFATASES;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_S

RT_OF_MATURE_TRANSCRIPT_TO_CYTOPLASM;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPOF

:ACTOME_IRON_UPTAKE_AND_TRANSPORT;REACTOME_TRANSFERRIN_ENDOCYTOSIS_AN

_SIGNALING_PATHWAYS

T_JUNCTION_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION;REACTOME_SI(

E_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOSTASIS

SY_PDGF;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTOME_NC

BODY_METABOLISM;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_

OME_APOPTOSIS;REACTOME_APOPTOTIC_EXECUTION_PHASE
CELL;REACTOME_ACETYLCHOLINE_BINDING_AND_DOWNSTREAM_EVENTS;REACTOME_HI(

ATED_EVENTS;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR;REACTOME_MTORC1_MED
T;REACTOME_LIPOPROTEIN_METABOLISM;REACTOME_CHYLOMICRON_MEDIATED_LIPID_TI

E_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEI

P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOM

TOME_MITOTIC_G2_G2_M_PHASES;REACTOME_SIGNALLING_BY_NGF;REACTOME_SIGNALI

PATHWAYS

_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

OME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM
BINDING

_3_UTR_MEDIATED_TRANSLATIONAL_REGULATION;REACTOME_METABOLISM_OF_MRNA;RI

ONSTITUTIVELY_ACTIVE_EGFR;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_

FR2;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR3_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTA

REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVEN
GNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIG

N

LLULAR_PROTEINS;REACTOME_INTEGRATION_OF_PROVIRUS;REACTOME_APOBEC3G_MEI

FACE_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_PLATELET_ADHESION_TO_EX

N

ULES;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_POTASSIUM_CHANN

LIGOPEPTIDES

SOME_DEGRADATION

YCLE_MITOTIC;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_REGULATION_OF_MI

)LIGOPEPTIDES

_S_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

)RGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_AMINE_COMPOUND_

)RS;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGI

E_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_

AM1_INTERACTIONS;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH

)_AND_SIGNALS_SURVIVAL;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REA

I_GOLGI;REACTOME_KERATAN_SULFATE_BIOSYNTHESIS;REACTOME_KERATAN_SULFATE_

NG;REACTOME_REGULATION_OF_IFNG_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_GAMMA_SIG

P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOM

LECULES;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

IAL_SYSTEM;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTC
HASE

RANSITION;REACTOME_G1_S_TRANSITION;REACTOME_POL_SWITCHING;REACTOME_SYNTH

NS;REACTOME_SEMA3A_PLEXIN_REPULSION_SIGNALING_BY_INHIBITING_INTEGRIN_ADHE

ADING_TO_GENERATION_OF_SECOND_MESSENGERS;REACTOME_SIGNALING_BY_THE_B_C

ND_INACTIVATION_OF_GLP1

MENTS

LEX_AND_EIFS_AND_SUBSEQUENT_BINDING_TO_43S;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTI

LET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

HIV_LIFE_CYCLE

YCAN_ANTENNAE_ELONGATION_IN_THE_MEDIAL_TRANS_GOLGI

)TCH1;REACTOME_GENERIC_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_RNA_POL_I_TRANSC

RT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_TRANSPORT_OF_

N_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_SIGNALIN
LE;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_

IDEPENDENT_GLUCOSE_TRANSPORTERS

EINS;REACTOME_3_UTR_MEDIATED_TRANSLATIONAL_REGULATION

IFKB;REACTOME_NRIF_SIGNALS_CELL_DEATH_FROM_THE_NUCLEUS;REACTOME_NFKB_IS

:ACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_OLIGOPEPT

2_M_PHASES

Y_GPCR;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_OPIOID_SIGNAI

EACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_MRNA_3_END_PROCESSING;REACTOME_CLEAVA(

ME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING

WNSTREAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_SIGNALING_BY_
WNSTREAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_SIGNALING_BY_

LEX_FORMATION;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOI

OME_CIRCADIAN_REPRESSION_OF_EXPRESSION_BY_REV_ERBA;REACTOME_GENERIC_TR

CAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH
ME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING

_PI3K_EVENTS_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;RE

)TCH_HLH_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH

ROTEIN_METABOLISM

ISCRIPTIONAL_ACTIVITY;REACTOME_GENERIC_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_ME
TIVATION;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_INDUCTION_OF_NFKB_AND_MAP_KINASES_UPON_

DIATED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATION

CRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIATION

ATED_VESICLE_BIOGENESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

CTOME_EFFECTS_OF_PIP2_HYDROLYSIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOP

_PI3K_EVENTS_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;RE
_PI3K_EVENTS_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;RE

NALING;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

G;REACTOME_INTERFERON_ALPHA_BETA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALIN

TOME_GLUCOSE_TRANSPORT;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOM

ITTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC

ION;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH;REACTOME_INHIBITION_

E_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_SHC1_EVENTS_IN_ERBB4_SIGNALING;RE
CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEM

GHLY_CALCIUM_PERMEABLE_POSTSYNAPTIC_NICOTINIC_ACETYLCHOLINE_RECEPTORS

ECRETIN_FAMILY_RECEPTORS;REACTOME_GLUCAGON_TYPE_LIGAND_RECEPTORS;REACT
_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METAE

Y_PROTEINS_THAT_BIND_AU_RICH_ELEMENTS;REACTOME_DESTABILIZATION_OF_MRNA_E

ION_DEPENDENT_MRNA_DECAY;REACTOME_METABOLISM_OF_RNA;REACTOME_DESTABIL

O_ELEVATED_PLATELET_CYTOSOLIC_CA2_;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMIC/

_OF_DNA;REACTOME_MITOTIC_G1_G1_S_PHASES;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;

/E_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING

TEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_M

/E_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING

/E_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING

S;REACTOME_AMINO_ACID_AND_OLIGOPEPTIDE_SLC_TRANSPORTERS
S;REACTOME_AMINO_ACID_AND_OLIGOPEPTIDE_SLC_TRANSPORTERS

ESOLUTION_OF_AP_SITES_VIA_THE_SINGLE_NUCLEOTIDE_REPLACEMENT_PATHWAY
ESOLUTION_OF_AP_SITES_VIA_THE_SINGLE_NUCLEOTIDE_REPLACEMENT_PATHWAY

ESPONSE_TO_REPLICATION_STRESS;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS;REACTOME_G2_M_
TION;REACTOME_ADP_SIGNALLING_THROUGH_P2RY12;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDIN

REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_SLC_MEDIATED_TRANSMEMBRANE_TR

C_NER;REACTOME_SYNTHESIS_OF_DNA;REACTOME_DNA_REPAIR;REACTOME_CHROMOSO

OME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLY

ENING;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_NUCLE(

TOME_KERATAN_SULFATE_KERATIN_METABOLISM;REACTOME_KERATAN_SULFATE_DEGR
TOME_KERATAN_SULFATE_KERATIN_METABOLISM;REACTOME_KERATAN_SULFATE_DEGR
ETABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

OSOMES_AT_THE_CENTROMERE;REACTOME_RNA_POL_I_PROMOTER_OPENING;REACTOM

OID_HORMONES;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

VENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOME_NUCLEAR_SIGNALING_BY_ERBB4

ANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_IRON_UPTAKE_AND_TRANSPORT;F

SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_RIG_I_MDA5_MEDIATED_INDU

_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;REACTOME_REGULATION_OF_SI(

)ME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGN/

LISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS
LISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

_DIFFERENTIATION

ELLING_OF_PS;REACTOME_GLYCEROPHOSPHOLIPID_BIOSYNTHESIS;REACTOME_METABOL

)ME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_TOLL_RECEPTO

EINS;REACTOME_3_UTR_MEDIATED_TRANSLATIONAL_REGULATION

_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_SHC1_EVENTS_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_INSU

GHLY_CALCIUM_PERMEABLE_POSTSYNAPTIC_NICOTINIC_ACETYLCHOLINE_RECEPTORS;RI

PK_TARGETS;REACTOME_MYOGENESIS;REACTOME_MAP_KINASE_ACTIVATION_IN_TLR_CA

PROMOTER;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_TERMINATION;REACTOME_RNA_POI

CIRCADIAN_CLOCK;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_

OME_CIRCADIAN_REPRESSION_OF_EXPRESSION_BY_REV_ERBA;REACTOME_GENERIC_TR

_DIFFERENTIATION

_AMINO_ACIDS_OLIGOPEPTIDES;REACTOME_AMINO_ACID_AND_OLIGOPEPTIDE_SLC_TRAN

:ACTOME_IONOTROPIC_ACTIVITY_OF_KAINATE_RECEPTORS
:ACTOME_IONOTROPIC_ACTIVITY_OF_KAINATE_RECEPTORS

NEUROTRANSMITTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_

TOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM
OME_CIRCADIAN_REPRESSION_OF_EXPRESSION_BY_REV_ERBA;REACTOME_GENERIC_TR
OME_CIRCADIAN_REPRESSION_OF_EXPRESSION_BY_REV_ERBA;REACTOME_GENERIC_TR

E_NOTCH_EXPRESSION_AND_PROCESSING;REACTOME_NOTCH1_INTRACELLULAR_DOMAI

ME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_TOLL_RECEPTOR_CASCADES

ME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_TOLL_RECEPTOR_CASCADES

LEASE_CYCLE

CRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIATION

EACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTC

TOTIC_CELL_CYCLE;REACTOME_APC_C_CDH1_MEDIATED_DEGRADATION_OF_CDC20_AND

NALING;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING
ANSPORTERS;REACTOME_IRON_UPTAKE_AND_TRANSPORT
ANSPORTERS;REACTOME_IRON_UPTAKE_AND_TRANSPORT

S;REACTOME_AMINO_ACID_AND_OLIGOPEPTIDE_SLC_TRANSPORTERS

VNSTREAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_SIGNALING_BY_

ESOLUTION_OF_AP_SITES_VIA_THE_SINGLE_NUCLEOTIDE_REPLACEMENT_PATHWAY

ME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

;REACTOME_PEROXISOMAL_LIPID_METABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_ANI

2_M_PHASES

ɔME_CIRCADIAN_REPRESSION_OF_EXPRESSION_BY_REV_ERBA;REACTOME_GENERIC_TR

.YS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTC

:EGATION

IDEPENDENT_GLUCOSE_TRANSPORTERS

VNSTREAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_SIGNALING_BY_

IKER_SEQUENCE_IS_REQUIRED_FOR_GAG_SYNTHESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPII
IKER_SEQUENCE_IS_REQUIRED_FOR_GAG_SYNTHESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPII

KINASE_AND_TRANSCRIPTION_FACTOR_ACTIVATION;REACTOME_ERK_MAPK_TARGETS;RE

T_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_OLIGOPEPTIDES;REACTOME_ME
T_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_OLIGOPEPTIDES;REACTOME_ME

PECAM1_INTERACTIONS;REACTOME_TCR_SIGNALING;REACTOME_DOWNSTREAM_TCR_SI(

CRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIATION

_MTOR_BY_LKB1_AMPK;REACTOME_REGULATION_OF_RHEB_GTPASE_ACTIVITY_BY_AMPK

;NALING;REACTOME_INTERFERON_ALPHA_BETA_SIGNALING;REACTOME_REGULATION_OF

;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

)ME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_SEMA4D_INDUCED_CELL_MIGRATION_AND_

_PATHWAY;REACTOME_RECEPTOR_LIGAND_BINDING_INITIATES_THE_SECOND_PROTEOLY
_PATHWAY;REACTOME_RECEPTOR_LIGAND_BINDING_INITIATES_THE_SECOND_PROTEOLY

ROMOTER;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_TERMINATION;REACTOME_RNA_PO

ACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_G_ALPHA1213_S

RT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_TRANSPORT_OF_

_SION_SIGNALING_BY_INHIBITING_INTEGRIN_ADHESION

ME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING

E_PI3K_EVENTS_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;RE

ME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_REGULATED_PROTEOLYSIS_OF_P75NTR;REACTO

_CHANNELS

OME_CIRCADIAN_REPRESSION_OF_EXPRESSION_BY_REV_ERBA;REACTOME_GENERIC_TR

OMEOSTASIS;REACTOME_HEMOSTASIS

NS
NS

TE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ACTIVATED_TLR4_SIGNALLING;REACTOME_IMMUNE_SYS

CATION

PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_FORMATION_OF_FIBRIN_C

;LP1
;LP1

AND_LIPOPROTEINS

REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM
TOME_RAP1_SIGNALLING;REACTOME_PLATELET_AGGREGATION_PLUG_FORMATION;REAC

GHLY_CALCIUM_PERMEABLE_POSTSYNAPTIC_NICOTINIC_ACETYLCHOLINE_RECEPTORS;R

OME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_SIGNAL_TRANSDUCTION_BY_L1;REACTOME_HEM

ANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REA

AND_ORGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_METAL_ION_SL

TOR;REACTOME_SIGNAL_ATTENUATION;REACTOME_SOS_MEDIATED_SIGNALLING;REACT

NALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_ORGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AI

ITS_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACT

(

ME_GPCR_LIGAND_BINDING

_SION_SIGNALING_BY_INHIBITING_INTEGRIN_ADHESION

ESPONSE_TO_REPLICATION_STRESS;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS;REACTOME_G2_M_

'IGEN_PROCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION
'IGEN_PROCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION

ABA_A_RECEPTOR_ACTIVATION;REACTOME_GABA_RECEPTOR_ACTIVATION;REACTOME_IC

_AND_NADE;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNA
_AND_NADE;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNA

RHEB_GTPASE_ACTIVITY_BY_AMPK;REACTOME_PKB_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_SIG

ΓAPHASE

GFR_IN_CANCER;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVEN

CCHARIDE_LINKER_SEQUENCE_IS_REQUIRED_FOR_GAG_SYNTHESIS;REACTOME_METABC

SPHINGOLIPID_METABOLISM;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;

TOME_G2_M_CHECKPOINTS;REACTOME_G2_M_DNA_DAMAGE_CHECKPOINT
TOME_G2_M_CHECKPOINTS;REACTOME_G2_M_DNA_DAMAGE_CHECKPOINT

AM_SIGNALING_OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_C_MEDIATED_CASCAD
AM_SIGNALING_OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_C_MEDIATED_CASCAD
AM_SIGNALING_OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_C_MEDIATED_CASCAD

EACTOME_METABOLISM_OF_RNA;REACTOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_INFLUE

YCAN_ANTENNAE_ELONGATION_IN_THE_MEDIAL_TRANS_GOLGI
_LIPID_LINKED_OLIGOSACCHARIDE_LLO_AND_TRANSFER_TO_A_NASCENT_PROTEIN

CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEM

EACTOME_METABOLISM_OF_RNA;REACTOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_INFLUE

TOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

VATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

ED_HUMAN_TAK1;REACTOME_ACTIVATED_TAK1_MEDIATES_P38_MAPK_ACTIVATION;REACT

N_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_SIGNALIN

E_INTERACTIONS;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_GPVI_MEDIATED_ACTIVA

EACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_A
LEX_FORMATION;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOII

'ATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION
'ATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

D_RECYCLING;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR

LASE;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_HEMOSTASIS

ARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_HEMOSTASIS

_MTOR_BY_LKB1_AMPK;REACTOME_REGULATION_OF_RHEB_GTPASE_ACTIVITY_BY_AMPK
_MTOR_BY_LKB1_AMPK;REACTOME_REGULATION_OF_RHEB_GTPASE_ACTIVITY_BY_AMPK

ANTS_OF_FGFR1;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REACTOME_AXON_GUIDANC
ANTS_OF_FGFR1;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REACTOME_AXON_GUIDANC

ESOLUTION_OF_AP_SITES_VIA_THE_SINGLE_NUCLEOTIDE_REPLACEMENT_PATHWAY

GESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPORT

DIATED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATION

L_ATTENUATION;REACTOME_SHC_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SHC_RELATED_EVI

VNSTREAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_SIGNALING_BY_

NSMITTER_RELEASE_CYCLE;REACTOME_ACETYLCHOLINE_NEUROTRANSMITTER_RELEASE

JT_GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_
JT_GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_
JT_GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_
JT_GROWTH;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_INTERACTION_BETWEEN_L1_

_LIPID_LINKED_OLIGOSACCHARIDE_LLO_AND_TRANSFER_TO_A_NASCENT_PROTEIN

_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;REACTOME_REGULATION_OF_SI

CTOME_IMMUNE_SYSTEM

ROTEIN_METABOLISM
ROTEIN_METABOLISM

N_PLUG_FORMATION;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGN

_NEUROTRANSMITTER_RELEASE_CYCLE;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPO

CTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE

EACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_

M_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_MHC_CLASS_II_ANTIGEN_PRESENTATION;REACT

PROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLIS

IOMEOSTASIS;REACTOME_PKB_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_R
LISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

KE_RECEPTORS;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWN

_NEUROTRANSMITTER_TRANSPORTERS;REACTOME_AMINE_COMPOUND_SLC_TRANSPOR

IA_REPLICATION;REACTOME_MITOTIC_PROMETAPHASE

VNSTREAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_SIGNALING_BY_

HESIS_OF_DNA;REACTOME_MITOTIC_G1_G1_S_PHASES;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PH

CTOME_HORMONE_SENSITIVE_LIPASE_HSL_MEDIATED_TRIACYLGLYCEROL_HYDROLYSIS;F

D_RECYCLING;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR

G_UBIQUITINATION_PROTEASOME_DEGRADATION;REACTOME_VIF_MEDIATED_DEGRADATI

G1_DNA_DAMAGE_RESPONSE;REACTOME_REGULATION_OF_THE_FANCONI_ANEMIA_PATH\

ACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_G_ALPHA1213_S

ACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_G_ALPHA1213_S

EACTOME_TRANSLOCATION_OF_ZAP_70_TO_IMMUNOLOGICAL_SYNAPSE;REACTOME_GEN

TOME_TRANSPORT_OF_VITAMINS_NUCLEOSIDES_AND_RELATED_MOLECULES;REACTOME

N_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_SIGNALIN

ABOLISM_OF_PROTEINS

ESOLUTION_OF_AP_SITES_VIA_THE_SINGLE_NUCLEOTIDE_REPLACEMENT_PATHWAY

_DIFFERENTIATION

C_NER;REACTOME_SYNTHESIS_OF_DNA;REACTOME_DNA_REPAIR;REACTOME_CHROMOSC

CAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH

LE;REACTOME_LATE_PHASE_OF_HIV_LIFE_CYCLE

TRANSPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_INORGANIC_CATIONS_ANIONS_AND_AMINO_ACI

PCR_LIGAND_BINDING

ET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

_ING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;RE

C_CLEAVAGE_OF_NOTCH_RECEPTOR;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH

GHLY_CALCIUM_PERMEABLE_POSTSYNAPTIC_NICOTINIC_ACETYLCHOLINE_RECEPTORS

NEUROTRANSMITTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_

EACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;REACTOME_SYNTHESIS_OF_(

OID_HORMONES;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

/E_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING

_SLC_TRANSPORTERS

EACTOME_METABOLISM_OF_RNA;REACTOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_INFLUE

P1_AND_WWTR1_TAZ_STIMULATED_GENE_EXPRESSION;REACTOME_PRE_NOTCH_EXPRES
P1_AND_WWTR1_TAZ_STIMULATED_GENE_EXPRESSION;REACTOME_PRE_NOTCH_EXPRES
P1_AND_WWTR1_TAZ_STIMULATED_GENE_EXPRESSION;REACTOME_PRE_NOTCH_EXPRES
N_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_SIGNALIN

_TYPE_ATPASES;REACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT;REACTOME_SIGNALING_BY_NOT

RT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_TRANSPORT_OF_

RT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_TRANSPORT_OF_

N_PLUG_FORMATION;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGN

MUNE_SYSTEM;REACTOME_TOLL_RECEPTOR_CASCADES;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_

POSTSYNAPTIC_EVENTS;REACTOME_POST_NMDA_RECEPTOR_ACTIVATION_EVENTS

GANIC_ANION_SLC_TRANSPORTERS

NA_POL_II_TRANSCRIPTION_PRE_INITIATION_AND_PROMOTER_OPENING;REACTOME_MRN

NALLING_THROUGH_PI3KGAMMA;REACTOME_G_PROTEIN_BETA_GAMMA_SIGNALLING;REA

N;REACTOME_NOTCH1_INTRACELLULAR_DOMAIN_REGULATES_TRANSCRIPTION;REACTOM
N;REACTOME_NOTCH1_INTRACELLULAR_DOMAIN_REGULATES_TRANSCRIPTION;REACTOM

MAP_KINASES_ACTIVATION_MEDIATED_BY_TLR4_SIGNALING_REPERTOIRE;REACTOME_MY

GANIC_ANION_SLC_TRANSPORTERS
GANIC_ANION_SLC_TRANSPORTERS

M_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_MHC_CLASS_II_ANTIGEN_PRESENTATION;REACT

EACTOME_METABOLISM_OF_RNA;REACTOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_INFLUE

ORIN_SIGNALING;REACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_SEMA4D_INDUCED
ME_GPCR_LIGAND_BINDING

TOME_SIGNALING_BY_FGFR1_FUSION_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTAN
TOME_SIGNALING_BY_FGFR1_FUSION_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTAN
TOME_SIGNALING_BY_FGFR1_FUSION_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTAN

UR2_CONTAINING_AMPA_RECEPTORS

E_INTERACTIONS;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_GPVI_MEDIATED_ACTIVAT

ME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

IATED_SIGNALLING;REACTOME_PI3K_CASCADE

_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METAE
_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METAE

ACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

S;REACTOME_PYRUVATE_METABOLISM;REACTOME_HEMOSTASIS

A_POL_III_TRANSCRIPTION;REACTOME_MRNA_CAPPING;REACTOME_TRANSCRIPTION_COU

;E_SIGNALS_DEATH_THROUGH_JNK;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NI
REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GP(

IE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

ACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS
MUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;R

ISE_TO_ELEVATED_PLATELET_CYTOSOLIC_CA2_;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULA

OMEOSTASIS;REACTOME_HEMOSTASIS

N_COUPLED_NER_TC_NER;REACTOME_POL_SWITCHING;REACTOME_NUCLEOTIDE_EXCISI
N_COUPLED_NER_TC_NER;REACTOME_POL_SWITCHING;REACTOME_NUCLEOTIDE_EXCISI
N_COUPLED_NER_TC_NER;REACTOME_POL_SWITCHING;REACTOME_NUCLEOTIDE_EXCISI

_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_ANTIGEN_ACTIVATES_B_CELL_RECEPTOR_LEADING_TO_(

GANIC_ANION_SLC_TRANSPORTERS

TIDE1;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_CLASS_B_2_SECRET
TIDE1;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_CLASS_B_2_SECRET

LIGAND_BINDING_RECEPTORS;REACTOME_CLASS_A1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTORS;REA

ME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING

D_PROCESSING;REACTOME_CLEAVAGE_OF_GROWING_TRANSCRIPT_IN_THE_TERMINATIO

ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

;REACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

_OF_DNA;REACTOME_MITOTIC_G1_G1_S_PHASES;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;

_SUBUNITS;REACTOME_GABA_B_RECEPTOR_ACTIVATION;REACTOME_GABA_RECEPTOR_A
_SUBUNITS;REACTOME_GABA_B_RECEPTOR_ACTIVATION;REACTOME_GABA_RECEPTOR_A

NALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING
PROMOTER;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_TERMINATION;REACTOME_RNA_POL
PROMOTER;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_TERMINATION;REACTOME_RNA_POL

SPHINGOLIPID_METABOLISM;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;

_APOPTOSIS;REACTOME_APOPTOSIS

REACTOME_DNA_REPLICATION;REACTOME_MITOTIC_PROMETAPHASE;REACTOME_MEIOTIC

ME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING

CRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIATION

IKER_SEQUENCE_IS_REQUIRED_FOR_GAG_SYNTHESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_CAR

CCHARIDE_LINKER_SEQUENCE_IS_REQUIRED_FOR_GAG_SYNTHESIS;REACTOME_METABC

JCTION_BY_L1;REACTOME_RECYCLING_PATHWAY_OF_L1;REACTOME_HEMOSTASIS
JCTION_BY_L1;REACTOME_RECYCLING_PATHWAY_OF_L1;REACTOME_HEMOSTASIS

IA_REPLICATION;REACTOME_MITOTIC_PROMETAPHASE

C_CLEAVAGE_OF_NOTCH_RECEPTOR;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH

ICATION;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_I

RANSPORT

RS;REACTOME_METAL_ION_SLC_TRANSPORTERS

_PI3K_EVENTS_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;RE

NALING;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING;REACTOME_THROMBIN_SIGNALLING_THROUC

LATION_OF_CELL_SURFACE_RECEPTORS_BY_RECRUITING_THEM_TO_CLATHRIN_ADAPTE

_ING;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;RE

SPHINGOLIPID_METABOLISM;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;

ION;REACTOME_KINESINS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTO

ABA_A_RECEPTOR_ACTIVATION;REACTOME_GABA_RECEPTOR_ACTIVATION;REACTOME_IC
CTOME_TAK1_ACTIVATES_NFKB_BY_PHOSPHORYLATION_AND_ACTIVATION_OF_IKKS_COM

TEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_M

NS

_DIFFERENTIATION

IDES_LINKAGE_TO_MAPK_SIGNALING_FOR_INTERGRINS_;REACTOME_INTEGRIN_ALPHAIIB_
CTOME_IMMUNE_SYSTEM

REACTOME_PI_3K_CASCADE;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_ACTIVATED_FGFI

ACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_G_ALPHA1213_S

_S_PHASES;REACTOME_INHIBITION_OF_REPLICATION_INITIATION_OF_DAMAGED_DNA_BY_

CTOME_TAK1_ACTIVATES_NFKB_BY_PHOSPHORYLATION_AND_ACTIVATION_OF_IKKS_COM

ACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_G_ALPHA1213_S

PLEX_AND_EIFS_AND_SUBSEQUENT_BINDING_TO_43S;REACTOME_PEPTIDE_CHAIN_ELONG

G;REACTOME_INTERFERON_ALPHA_BETA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALIN

)OWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCI

.ET_HOMEOSTASIS;REACTOME_PLATELET_SENSITIZATION_BY_LDL;REACTOME_DNA_REPL

ATION

UR2_CONTAINING_AMPA_RECEPTORS

NSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_CELL;REACTOME_PLC_BETA_MEDIATED_EVENTS;REA

TOTIC_CELL_CYCLE;REACTOME_APC_C_CDH1_MEDIATED_DEGRADATION_OF_CDC20_AND

REACTOME_IL_RECEPTOR_SHC_SIGNALING;REACTOME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKAI

IFKB;REACTOME_NRIF_SIGNALS_CELL_DEATH_FROM_THE_NUCLEUS;REACTOME_NFKB_IS

BOLISM

IKER_SEQUENCE_IS_REQUIRED_FOR_GAG_SYNTHESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_CAR

ATED_VESICLE_BIOGENESIS;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

ɨT_JUNCTION_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION

ȿ;REACTOME_AMINO_ACID_AND_OLIGOPEPTIDE_SLC_TRANSPORTERS

_PATHWAY;REACTOME_RECEPTOR_LIGAND_BINDING_INITIATES_THE_SECOND_PROTEOLY

ACTOME_MITOTIC_G1_G1_S_PHASES;REACTOME_E2F_MEDIATED_REGULATION_OF_DNA_

ABA_A_RECEPTOR_ACTIVATION;REACTOME_GABA_RECEPTOR_ACTIVATION;REACTOME_IC

)_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AND_ORGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOU

OL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTOME_RNA_POL_II_PRE_T

C_COUPLING_AND_HEAT_PRODUCTION_BY_UNCOUPLING_PROTEINS_
ECRETION_BY_ACETYLCHOLINE;REACTOME_ADP_SIGNALLING_THROUGH_P2RY1;REACTOM

_LIPID_LINKED_OLIGOSACCHARIDE_LLO_AND_TRANSFER_TO_A_NASCENT_PROTEIN

_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_MHC_CLASS_II_ANTIGEN_PRESENTATION;F

:ACTOME_IONOTROPIC_ACTIVITY_OF_KAINATE_RECEPTORS

M;REACTOME_A_TETRASACCHARIDE_LINKER_SEQUENCE_IS_REQUIRED_FOR_GAG_SYNTI

G;REACTOME_INTERFERON_ALPHA_BETA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALIN

'ATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION
'ATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

:_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

S1_DNA_DAMAGE_RESPONSE;REACTOME_REGULATION_OF_THE_FANCONI_ANEMIA_PATH\

E_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_SHC1_EVENTS_IN_ERBB4_SIGNALING;RE

_CHANNELS

ABA_A_RECEPTOR_ACTIVATION;REACTOME_GABA_RECEPTOR_ACTIVATION;REACTOME_IC

MUNE_SYSTEM;REACTOME_TOLL_RECEPTOR_CASCADES;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_

TION

SPHINGOLIPID_METABOLISM;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;

RT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_TRANSPORT_OF_

D_RECYCLING;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR

GNALING_BY_TGF_BETA_RECEPTOR_COMPLEX

CAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH

_DIFFERENTIATION

GHLY_CALCIUM_PERMEABLE_POSTSYNAPTIC_NICOTINIC_ACETYLCHOLINE_RECEPTORS

IATED_SIGNALLING;REACTOME_PI3K_CASCADE
RANSPORT

ROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM

/E_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING

NG_BY_SCF_KIT;REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY;REACTOME_SIGNALING_BY_ERBE

EACTOME_METABOLISM_OF_RNA;REACTOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_INFLUE

_PI3K_EVENTS_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;RE

ANTS;REACTOME_FRS2_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_PI_3K_CASCADE;REACTOME_DC

TS;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING
NALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENT

)IATED_RESISTANCE_TO_HIV1_INFECTION

‹POSED_COLLAGEN;REACTOME_BASIGIN_INTERACTIONS;REACTOME_INTEGRIN_CELL_SUI

ELS;REACTOME_INWARDLY_RECTIFYING_K_CHANNELS

TOTIC_CELL_CYCLE;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_DNA_REPLICATIO

_SLC_TRANSPORTERS

\ALING;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

NEUROTRANSMITTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_

CTOME_TAK1_ACTIVATES_NFKB_BY_PHOSPHORYLATION_AND_ACTIVATION_OF_IKKS_COM

KERATIN_METABOLISM;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_MET

NALING;REACTOME_INTERFERON_ALPHA_BETA_SIGNALING;REACTOME_REGULATION_OF

ME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING

OME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REAC

HESIS_OF_DNA;REACTOME_MITOTIC_G1_G1_S_PHASES;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PH

SION

CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEM

EINS;REACTOME_3_UTR_MEDIATED_TRANSLATIONAL_REGULATION

:RIPTION;REACTOME_NOTCH_HLH_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_TRANSCRIPTIC

_MATURE_MRNA_DERIVED_FROM_AN_INTRONLESS_TRANSCRIPT;REACTOME_SLC_MEDIAT

G_BY_GPCR;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_CA_DEPENDENT_EVENTS;REAC
_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_NUCLEAR_EVENTS_KINASE_AND_TRANSCI

_ACTIVATED_AND_SIGNALS_SURVIVAL;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE

¯IDES;REACTOME_AMINO_ACID_AND_OLIGOPEPTIDE_SLC_TRANSPORTERS

_LING;REACTOME_CA_DEPENDENT_EVENTS;REACTOME_DARPP_32_EVENTS;REACTOME_F

GE_OF_GROWING_TRANSCRIPT_IN_THE_TERMINATION_REGION_

_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;R
_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;R

NTS;REACTOME_CDC6_ASSOCIATION_WITH_THE_ORC_ORIGIN_COMPLEX;REACTOME_M_G

ANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REAC

ACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_CELL_SURFACE_INTER

ETABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_
_TLR7_8_OR_9_ACTIVATION;REACTOME_ADVANCED_GLYCOSYLATION_ENDPRODUCT_REC

IS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_OLIGOPEPTIDES;REACTOME_AMINO_ACID_AND_OLIGOPEI

ROTEINS;REACTOME_HORMONE_SENSITIVE_LIPASE_HSL_MEDIATED_TRIACYLGLYCEROL_

ACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_CELL_SURFACE_INTERA
ACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_CELL_SURFACE_INTERA

G;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYT

E_REGULATION_OF_GLUCOKINASE_BY_GLUCOKINASE_REGULATORY_PROTEIN

_CELL;REACTOME_PLC_BETA_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_G_PROTEIN_ACTIVATION;R

_OF_INSULIN_SECRETION_BY_ADRENALINE_NORADRENALINE

ACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_S
BRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGNA

TOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS;RE
BOLISM

BY_KSRP

LIZATION_OF_MRNA_BY_BRF1;REACTOME_REGULATION_OF_MRNA_STABILITY_BY_PROTEI

AL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTEM;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTC

REACTOME_ASSEMBLY_OF_THE_PRE_REPLICATIVE_COMPLEX;REACTOME_DNA_REPLICAT

MEDIATED_ANTIGEN_PROCESSING_PRESENTATION

CHECKPOINTS;REACTOME_G2_M_DNA_DAMAGE_CHECKPOINT
G;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREC

RANSPORT;REACTOME_TRANSPORT_OF_GLUCOSE_AND_OTHER_SUGARS_BILE_SALTS_AN

OME_MAINTENANCE;REACTOME_GLOBAL_GENOMIC_NER_GG_NER;REACTOME_LAGGING_S

CEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_CIRCADIAN_CLOCK;REACTOME_TR

OTIDE_EXCISION_REPAIR;REACTOME_FORMATION_OF_RNA_POL_II_ELONGATION_COMPLE

RADATION;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_SPHINGOLIPID_M
RADATION;REACTOME_GLYCOSAMINOGLYCAN_METABOLISM;REACTOME_SPHINGOLIPID_M

ME_MEIOTIC_RECOMBINATION;REACTOME_MEIOTIC_SYNAPSIS;REACTOME_AMYLOIDS;REA

REACTOME_TRANSFERRIN_ENDOCYTOSIS_AND_RECYCLING;REACTOME_SIGNALING_BY_I

JCTION_OF_IFN_ALPHA_BETA_PATHWAYS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_INNATE_IL

GNALING_BY_CBL;REACTOME_IL_3_5_AND_GM_CSF_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYS

ALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

ISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

R_CASCADES;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

JLIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_ARMS_MEDIATED_ACTIVATION;REAC

EACTOME_PRESYNAPTIC_NICOTINIC_ACETYLCHOLINE_RECEPTORS

SCADE;REACTOME_MAPK_TARGETS_NUCLEAR_EVENTS_MEDIATED_BY_MAP_KINASES;RE

L_III_CHAIN_ELONGATION

DIFFERENTIATION

ANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_NUCLEAR_RECEPTOR_TRANSCRIPTION_PATHWAY;R

ISPORTERS

POSTSYNAPTIC_CELL;REACTOME_PLC_BETA_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_G_ALPHA_Q

ANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REAC
ANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REAC

N_REGULATES_TRANSCRIPTION;REACTOME_CIRCADIAN_REPRESSION_OF_EXPRESSION_B

)ME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_CELL_EXTRACELLULAR_MATRIX_INTEF

_OTHER_APC_C_CDH1_TARGETED_PROTEINS_IN_LATE_MITOSIS_EARLY_G1;REACTOME_A

_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLAS

›_LIPOPROTEINS

ANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REAC

OKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLAS

OS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOME_LIPI
OS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES;REACTOME_LIPI

EACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYSTE

TABOLISM_OF_CARBOHYDRATES
TABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

GNALING;REACTOME_PHOSPHORYLATION_OF_CD3_AND_TCR_ZETA_CHAINS;REACTOME_T

;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIA

_IFNA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IL_2_SIGNALING;REA(

_GROWTH_CONE_COLLAPSE

'TIC_CLEAVAGE_OF_NOTCH_RECEPTOR;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH
'TIC_CLEAVAGE_OF_NOTCH_RECEPTOR;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH

L_III_CHAIN_ELONGATION

SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_SEMA4D_I

_MATURE_MRNA_DERIVED_FROM_AN_INTRONLESS_TRANSCRIPT;REACTOME_SLC_MEDIAT

EACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_S

ME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_RECEPTOR_LIGAND_BINDIN

ANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REAC

STEM;REACTOME_TOLL_RECEPTOR_CASCADES;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMM

:LOT_CLOTTING_CASCADE;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;F

:TOME_HEMOSTASIS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTE

EACTOME_PRESYNAPTIC_NICOTINIC_ACETYLCHOLINE_RECEPTORS

/OSTASIS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTO

CTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;REACTOM

LC_TRANSPORTERS

OME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM;REACTOM

ND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_NA_CL_DEPENDENT_NEUROTRANSMITTER_TRANSPO

OME_ARMS_MEDIATED_ACTIVATION;REACTOME_PROLONGED_ERK_ACTIVATION_EVENTS;

CHECKPOINTS;REACTOME_G2_M_DNA_DAMAGE_CHECKPOINT

_PROTEASOME_DEGRADATION
_PROTEASOME_DEGRADATION

)N_CHANNEL_TRANSPORT;REACTOME_LIGAND_GATED_ION_CHANNEL_TRANSPORT

LING_BY_GPCR;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVEN
LING_BY_GPCR;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVEN

NALING_BY_INSULIN_RECEPTOR;REACTOME_PI3K_CASCADE

TS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOME_ANTIGEN_ACTIVATES_B_CELL_RECEPTOR_LEADING

OLISM_OF_CARBOHYDRATES

;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

)E;REACTOME_SHC_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR
)E;REACTOME_SHC_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR
)E;REACTOME_SHC_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR

:NZA_VIRAL_RNA_TRANSCRIPTION_AND_REPLICATION;REACTOME_NONSENSE_MEDIATED_

|BRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGNA

ENZA_VIRAL_RNA_TRANSCRIPTION_AND_REPLICATION;REACTOME_NONSENSE_MEDIATED

ΓOME_SIGNALING_BY_ILS;REACTOME_IL1_SIGNALING;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_INDU

G_BY_GPCR;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_OPIOID_SI

ΓION_CASCADE;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTC

ACTIVATION_OF_NF_KAPPAB_IN_B_CELLS;REACTOME_SIGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEI
NTS;REACTOME_CDC6_ASSOCIATION_WITH_THE_ORC_ORIGIN_COMPLEX;REACTOME_M_G

;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIA
;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIA

:E;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH;REACTOME_FRS2_MEDIAT
:E;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH;REACTOME_FRS2_MEDIAT

JS_ANIONS_AND_AMINO_ACIDS_OLIGOPEPTIDES;REACTOME_AMINO_ACID_AND_OLIGOPEI

ENTS

_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLAS

:_CYCLE;REACTOME_NOREPINEPHRINE_NEUROTRANSMITTER_RELEASE_CYCLE;REACTOM

_AND_ANKYRINS;REACTOME_NEPHRIN_INTERACTIONS;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME
_AND_ANKYRINS;REACTOME_NEPHRIN_INTERACTIONS;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME
_AND_ANKYRINS;REACTOME_NEPHRIN_INTERACTIONS;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME
_AND_ANKYRINS;REACTOME_NEPHRIN_INTERACTIONS;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME

GNALING_BY_CBL;REACTOME_IL_3_5_AND_GM_CSF_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYS

ALING_AND_AGGREGATION

PROTEINS

_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

ACTIVATION_OF_NF_KAPPAB_IN_B_CELLS;REACTOME_SIGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEI

OME_RETROGRADE_NEUROTROPHIN_SIGNALLING;REACTOME_EGFR_DOWNREGULATION;

M;REACTOME_CIRCADIAN_CLOCK

ECEPTOR;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PI3K_CASCADE

STREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_TAK1_ACT

TERS

_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLAS

ASES;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_LAGGING_STRAND_SYNTHES

REACTOME_LIPID_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPORT;REACTOME_SIGNALING_BY

ON_OF_APOBEC3G

WAY;REACTOME_FANCONI_ANEMIA_PATHWAY;REACTOME_DOUBLE_STRAND_BREAK_REPA

SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_SEMA4D_I

SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_SEMA4D_I

ERATION_OF_SECOND_MESSENGER_MOLECULES;REACTOME_PD1_SIGNALING;REACTOME

E_TRANSPORT_OF_ORGANIC_ANIONS

G_BY_GPCR;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_OPIOID_SI

)ME_MAINTENANCE;REACTOME_GLOBAL_GENOMIC_NER_GG_NER;REACTOME_LAGGING_S

DS_OLIGOPEPTIDES;REACTOME_AMINO_ACID_AND_OLIGOPEPTIDE_SLC_TRANSPORTERS;

ACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNA

POSTSYNAPTIC_CELL;REACTOME_PLC_BETA_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_G_ALPHA_Q

GLYCOSYLPHOSPHATIDYLINOSITOL_GPI

ENZA_VIRAL_RNA_TRANSCRIPTION_AND_REPLICATION;REACTOME_NONSENSE_MEDIATED

SION_AND_PROCESSING;REACTOME_NOTCH1_INTRACELLULAR_DOMAIN_REGULATES_TR
SION_AND_PROCESSING;REACTOME_NOTCH1_INTRACELLULAR_DOMAIN_REGULATES_TR
SION_AND_PROCESSING;REACTOME_NOTCH1_INTRACELLULAR_DOMAIN_REGULATES_TR
G_BY_GPCR;REACTOME_INTEGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_OPIOID_SI

CH;REACTOME_HEMOSTASIS

_MATURE_MRNA_DERIVED_FROM_AN_INTRONLESS_TRANSCRIPT;REACTOME_SLC_MEDIAT

_MATURE_MRNA_DERIVED_FROM_AN_INTRONLESS_TRANSCRIPT;REACTOME_SLC_MEDIAT

ALING_AND_AGGREGATION

_SYSTEM;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

IA_PROCESSING;REACTOME_MRNA_SPLICING;REACTOME_MRNA_SPLICING_MINOR_PATHV

ACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOI

ME_CIRCADIAN_REPRESSION_OF_EXPRESSION_BY_REV_ERBA;REACTOME_SIGNALING_BY_
ME_CIRCADIAN_REPRESSION_OF_EXPRESSION_BY_REV_ERBA;REACTOME_SIGNALING_BY_

YD88_MAL_CASCADE_INITIATED_ON_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SY

OME_RETROGRADE_NEUROTROPHIN_SIGNALLING;REACTOME_EGFR_DOWNREGULATION;

ENZA_VIRAL_RNA_TRANSCRIPTION_AND_REPLICATION;REACTOME_NONSENSE_MEDIATED_

)_CELL_MIGRATION_AND_GROWTH_CONE_COLLAPSE

NTS;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTIO
NTS;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTIO
NTS;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTIO

ΓION_CASCADE;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM1_INTERACTIONS;REACTC

3OLISM
3OLISM

JPLED_NER_TC_NER;REACTOME_RNA_POL_II_TRANSCRIPTION_PRE_INITIATION_AND_PRC

RIF_AND_NADE;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIG
CR;REACTOME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIC

;REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

EACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_GLUCONEOGENESIS;REACTOME_OPIOID_SI

TION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIATION;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_SIG

ON_REPAIR;REACTOME_REPAIR_SYNTHESIS_FOR_GAP_FILLING_BY_DNA_POL_IN_TC_NER
ON_REPAIR;REACTOME_REPAIR_SYNTHESIS_FOR_GAP_FILLING_BY_DNA_POL_IN_TC_NER
ON_REPAIR;REACTOME_REPAIR_SYNTHESIS_FOR_GAP_FILLING_BY_DNA_POL_IN_TC_NER

GENERATION_OF_SECOND_MESSENGERS;REACTOME_SIGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEI

ΓIN_FAMILY_RECEPTORS;REACTOME_GLUCAGON_TYPE_LIGAND_RECEPTORS;REACTOME_
ΓIN_FAMILY_RECEPTORS;REACTOME_GLUCAGON_TYPE_LIGAND_RECEPTORS;REACTOME_

ACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING

N_REGION_

REACTOME_ASSEMBLY_OF_THE_PRE_REPLICATIVE_COMPLEX;REACTOME_DNA_REPLICAT

.CTIVATION;REACTOME_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_INWARDLY_RECTIFYING_K_CI
.CTIVATION;REACTOME_POTASSIUM_CHANNELS;REACTOME_INWARDLY_RECTIFYING_K_CI

L_III_CHAIN_ELONGATION
L_III_CHAIN_ELONGATION

;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

C_SYNAPSIS

:BOHYDRATES

)LISM_OF_CARBOHYDRATES

MMUNE_SYSTEM

ACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_CELL_SURFACE_INTERA

GH_PROTEINASE_ACTIVATED_RECEPTORS_PARS;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PL

RS;REACTOME_IMMUNOREGULATORY_INTERACTIONS_BETWEEN_A_LYMPHOID_AND_A_NO

ACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNA

;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

OME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

)N_CHANNEL_TRANSPORT;REACTOME_LIGAND_GATED_ION_CHANNEL_TRANSPORT
MPLEX;REACTOME_MAP_KINASE_ACTIVATION_IN_TLR_CASCADE;REACTOME_JNK_C_JUN_K

MEDIATED_ANTIGEN_PROCESSING_PRESENTATION

_BETA3_SIGNALING;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NE

R;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_C_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_SHC_MEDIATED_CAS

SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_SEMA4D_I

RB1_E2F1;REACTOME_DNA_REPLICATION;REACTOME_E2F_MEDIATED_REGULATION_OF_D

/IPLEX;REACTOME_MAP_KINASE_ACTIVATION_IN_TLR_CASCADE;REACTOME_JNK_C_JUN_K

SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_ACTIVATIC

GATION;REACTOME_METABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_3_UTR_MEDIATED_TRANSLA

G;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYT

R_LIGAND_BINDING

ICATION;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_MITOTIC_PROMETAPHASE;REACTOME_IMM

ACTOME_G_PROTEIN_ACTIVATION;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOM

_OTHER_APC_C_CDH1_TARGETED_PROTEINS_IN_LATE_MITOSIS_EARLY_G1;REACTOME_A

RYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_REGULATION_OF_IFI

_ACTIVATED_AND_SIGNALS_SURVIVAL;REACTOME_CELL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE

:BOHYDRATES

'TIC_CLEAVAGE_OF_NOTCH_RECEPTOR;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH

REPLICATION;REACTOME_G1_S_SPECIFIC_TRANSCRIPTION

)N_CHANNEL_TRANSPORT;REACTOME_LIGAND_GATED_ION_CHANNEL_TRANSPORT

JNDS;REACTOME_AMINE_COMPOUND_SLC_TRANSPORTERS;REACTOME_METABOLISM_OF

RANSCRIPTION_EVENTS;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_INITIATION_FROM_TYF

ME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_SIGNAL_AMPLIFICATION;REACTOME_THI

REACTOME_RETROGRADE_NEUROTROPHIN_SIGNALLING;REACTOME_EGFR_DOWNREGUL

HESIS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_ACTIVATION_OF_RAC;REACTOME_SIGNAI

G;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYT

/WAY;REACTOME_FANCONI_ANEMIA_PATHWAY;REACTOME_DOUBLE_STRAND_BREAK_REP

ACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_S

)N_CHANNEL_TRANSPORT;REACTOME_LIGAND_GATED_ION_CHANNEL_TRANSPORT

_SYSTEM;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

_MATURE_MRNA_DERIVED_FROM_AN_INTRONLESS_TRANSCRIPT;REACTOME_SLC_MEDIAT

34;REACTOME_DOWNREGULATION_OF_ERBB2_ERBB3_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_

ENZA_VIRAL_RNA_TRANSCRIPTION_AND_REPLICATION;REACTOME_NONSENSE_MEDIATED_

ACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_CELL_SURFACE_INTERA

OWNSTREAM_SIGNALING_OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_C_MEDIATE

TS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AN

RFACE_INTERACTIONS;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_OTHER_SEMAPHORIN_IN

N;REACTOME_APC_C_CDC20_MEDIATED_DEGRADATION_OF_MITOTIC_PROTEINS;REACTOI

POSTSYNAPTIC_CELL;REACTOME_PLC_BETA_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_G_ALPHA_Q

MPLEX;REACTOME_MAP_KINASE_ACTIVATION_IN_TLR_CASCADE;REACTOME_JNK_C_JUN_K

TABOLISM_OF_PROTEINS;REACTOME_POST_TRANSLATIONAL_PROTEIN_MODIFICATION;RE

_IFNA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IL_2_SIGNALING;REA

CTOME_NEUROTRANSMITTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_

ASES;REACTOME_CHROMOSOME_MAINTENANCE;REACTOME_LAGGING_STRAND_SYNTHE

BRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGNA

)N;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTOM

ΓED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACTOME_GLUCOSE_TRANSPORT;REACTOME_MET

TOME_NEUROTRANSMITTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_II
RIPTION_FACTOR_ACTIVATION;REACTOME_ERKS_ARE_INACTIVATED;REACTOME_ERK_MAI

_NRIF_AND_NADE;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_

PLC_BETA_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_PKA_MEDIATED_PHOSPHORYLATION_OF_CREB

EACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIG
EACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIG

G1_TRANSITION;REACTOME_G1_S_TRANSITION;REACTOME_CDT1_ASSOCIATION_WITH_TH

TOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_CI

ACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_

_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHI
EPTOR_SIGNALING;REACTOME_NFKB_AND_MAP_KINASES_ACTIVATION_MEDIATED_BY_TL

PTIDE_SLC_TRANSPORTERS

HYDROLYSIS;REACTOME_LIPID_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPORT;REACTOME_

ACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_
ACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_

˙OKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ANTIGEN_PRESENTATION_FOLDING_

EACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_INHIBITION_OF_INSULIN_SE

IGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLIN(
LLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_INTI

:ACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING

NS_THAT_BIND_AU_RICH_ELEMENTS;REACTOME_DESTABILIZATION_OF_MRNA_BY_KSRP;R

)ME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_CA_DEPENDENT_EVENTS;REACTOME_NEUROTRANS

TION;REACTOME_ACTIVATION_OF_ATR_IN_RESPONSE_TO_REPLICATION_STRESS;REACTO

GATION

ID_ORGANIC_ACIDS_METAL_IONS_AND_AMINE_COMPOUNDS;REACTOME_FACILITATIVE_NA

STRAND_SYNTHESIS;REACTOME_DNA_REPLICATION;REACTOME_ACTIVATION_OF_ATR_IN_

ANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIATION

:X_;REACTOME_FORMATION_OF_TRANSCRIPTION_COUPLED_NER_TC_NER_REPAIR_COMF

ETABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_METAB
ETABOLISM;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_METAB

\CTOME_PACKAGING_OF_TELOMERE_ENDS;REACTOME_TELOMERE_MAINTENANCE

NSULIN_RECEPTOR;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HOST_INTERACTIONS_OF_HIV

MMUNE_SYSTEM;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMM

TEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

ГOME_PROLONGED_ERK_ACTIVATION_EVENTS;REACTOME_SIGNALLING_TO_RAS;REACTO

ACTOME_TRAF6_MEDIATED_INDUCTION_OF_NFKB_AND_MAP_KINASES_UPON_TLR7_8_OR

:EACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIAC

)_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_RE

TOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_CI
TOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_CI

3Y_REV_ERBA;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_REGULATION_OF_HYPOXIA

ʀACTIONS;REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION

APC_C_CDC20_MEDIATED_DEGRADATION_OF_MITOTIC_PROTEINS;REACTOME_AUTODEGR

SMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_PI3K_AKT_AC

TOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_CI

SMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_PI3K_AKT_AC

D_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPORT;REACTOME_LIPOPROTEIN_METABOLISM;R
D_DIGESTION_MOBILIZATION_AND_TRANSPORT;REACTOME_LIPOPROTEIN_METABOLISM;R

:M;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_NEUROTRANSMITTER_RECEPTOR_BINDI

TRANSLOCATION_OF_ZAP_70_TO_IMMUNOLOGICAL_SYNAPSE;REACTOME_GENERATION_O

CYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_PKB_MEDIATED_EVENTS;R

CTOME_IL_6_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_

N_SEMAPHORIN_SIGNALING;REACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_SEMA4

ΓED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACTOME_GLUCOSE_TRANSPORT;REACTOME_MET

SIGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FR

JG_INITIATES_THE_SECOND_PROTEOLYTIC_CLEAVAGE_OF_NOTCH_RECEPTOR;REACTOM

TOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_CI

IUNE_SYSTEM

REACTOME_HEMOSTASIS

EM;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

OME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PROCESSING_PRESENTATION

ME_REGULATION_OF_IFNG_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_GAMMA_SIGNALING;REA

E_PI3K_CASCADE

)RTERS;REACTOME_AMINE_COMPOUND_SLC_TRANSPORTERS;REACTOME_GABA_SYNTHE

;REACTOME_SIGNALLING_TO_RAS;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PI

ITS;REACTOME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SI
ITS;REACTOME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SI

s_TO_GENERATION_OF_SECOND_MESSENGERS;REACTOME_SIGNALING_BY_THE_B_CELL_

:;REACTOME_FGFR_LIGAND_BINDING_AND_ACTIVATION;REACTOME_FGFR4_LIGAND_BINDI
:;REACTOME_FGFR_LIGAND_BINDING_AND_ACTIVATION;REACTOME_FGFR4_LIGAND_BINDI
:;REACTOME_FGFR_LIGAND_BINDING_AND_ACTIVATION;REACTOME_FGFR4_LIGAND_BINDI

_DECAY_ENHANCED_BY_THE_EXON_JUNCTION_COMPLEX

.LLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_INTI

_DECAY_ENHANCED_BY_THE_EXON_JUNCTION_COMPLEX

CTION_OF_NFKB_AND_MAP_KINASES_UPON_TLR7_8_OR_9_ACTIVATION;REACTOME_NFKB

GNALLING;REACTOME_CA_DEPENDENT_EVENTS;REACTOME_ADENYLATE_CYCLASE_ACTI\

)ME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOM

PTOR_BCR;REACTOME_P53_INDEPENDENT_G1_S_DNA_DAMAGE_CHECKPOINT;REACTOME
G1_TRANSITION;REACTOME_G1_S_TRANSITION;REACTOME_CDT1_ASSOCIATION_WITH_TH

CYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_PKB_MEDIATED_EVENTS;R
CYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_PKB_MEDIATED_EVENTS;R

ΓED_CASCADE;REACTOME_PI_3K_CASCADE;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_A(
ΓED_CASCADE;REACTOME_PI_3K_CASCADE;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_A(

PTIDE_SLC_TRANSPORTERS

SMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_PI3K_AKT_AC

ME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_GABA_SYNTHESIS_RELEASE_REUP

E_APOPTOTIC_EXECUTION_PHASE
E_APOPTOTIC_EXECUTION_PHASE
E_APOPTOTIC_EXECUTION_PHASE
E_APOPTOTIC_EXECUTION_PHASE

TEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

PTOR_BCR;REACTOME_P53_INDEPENDENT_G1_S_DNA_DAMAGE_CHECKPOINT;REACTOME

;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYS

IVATES_NFKB_BY_PHOSPHORYLATION_AND_ACTIVATION_OF_IKKS_COMPLEX;REACTOME_

SMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_PI3K_AKT_AC

SIS;REACTOME_INHIBITION_OF_REPLICATION_INITIATION_OF_DAMAGED_DNA_BY_RB1_E2F

Y_TGF_BETA_RECEPTOR_COMPLEX

AIR;REACTOME_AUTODEGRADATION_OF_THE_E3_UBIQUITIN_LIGASE_COP1;REACTOME_D

N_SEMAPHORIN_SIGNALING;REACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_SEMA4

N_SEMAPHORIN_SIGNALING;REACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_SEMA4

E_COSTIMULATION_BY_THE_CD28_FAMILY;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HIV_LIF

GNALLING;REACTOME_CA_DEPENDENT_EVENTS;REACTOME_ADENYLATE_CYCLASE_ACTI

STRAND_SYNTHESIS;REACTOME_DNA_REPLICATION;REACTOME_ACTIVATION_OF_ATR_IN_

REACTOME_HEMOSTASIS

ALING;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REAC

)_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_RE

_DECAY_ENHANCED_BY_THE_EXON_JUNCTION_COMPLEX

ANSCRIPTION;REACTOME_CIRCADIAN_REPRESSION_OF_EXPRESSION_BY_REV_ERBA;REA
ANSCRIPTION;REACTOME_CIRCADIAN_REPRESSION_OF_EXPRESSION_BY_REV_ERBA;REA
ANSCRIPTION;REACTOME_CIRCADIAN_REPRESSION_OF_EXPRESSION_BY_REV_ERBA;REA
GNALLING;REACTOME_CA_DEPENDENT_EVENTS;REACTOME_ADENYLATE_CYCLASE_ACTI

ΓED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACTOME_GLUCOSE_TRANSPORT;REACTOME_MET

ΓED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACTOME_GLUCOSE_TRANSPORT;REACTOME_MET

VAY;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_NUCLEOTIDE_EXCISION_REPAIR;REACTOME

ME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

_NOTCH1;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_ACTIVITY_OF_SMAD2_SMAD3_SMAD4_HETEROT
_NOTCH1;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_ACTIVITY_OF_SMAD2_SMAD3_SMAD4_HETEROT

/STEM;REACTOME_ACTIVATED_TLR4_SIGNALLING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOM

;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURONAL_SYS

_DECAY_ENHANCED_BY_THE_EXON_JUNCTION_COMPLEX

N;REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;REACTOME_IL_6_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTE
N;REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;REACTOME_IL_6_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTE
N;REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;REACTOME_IL_6_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTE

)ME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOM

)MOTER_OPENING;REACTOME_MRNA_PROCESSING;REACTOME_MRNA_SPLICING;REACTOI

NALING_BY_GPCR;REACTOME_GPVI_MEDIATED_ACTIVATION_CASCADE;REACTOME_G_ALI
GNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_TGF_BETA_RECEPTOR_COMPLEX

GNALLING;REACTOME_RECRUITMENT_OF_MITOTIC_CENTROSOME_PROTEINS_AND_COMP

GNALING_BY_TGF_BETA_RECEPTOR_COMPLEX;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNA

;REACTOME_SYNTHESIS_OF_DNA;REACTOME_DNA_REPAIR;REACTOME_CHROMOSOME_M
;REACTOME_SYNTHESIS_OF_DNA;REACTOME_DNA_REPAIR;REACTOME_CHROMOSOME_M
;REACTOME_SYNTHESIS_OF_DNA;REACTOME_DNA_REPAIR;REACTOME_CHROMOSOME_M

PTOR_BCR;REACTOME_PROLONGED_ERK_ACTIVATION_EVENTS;REACTOME_CELL_SURFA(

_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOM
_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOM

;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_TAK1_ACTIVATES_NFKB_BY_PH

ION;REACTOME_ACTIVATION_OF_ATR_IN_RESPONSE_TO_REPLICATION_STRESS;REACTO

HANNELS
HANNELS

ACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_

LATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

ON_LYMPHOID_CELL;REACTOME_INTERFERON_GAMMA_SIGNALING;REACTOME_INTERFER

ALING;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REAC

KINASES_PHOSPHORYLATION_AND_ACTIVATION_MEDIATED_BY_ACTIVATED_HUMAN_TAK1;

URITE_OUT_GROWTH;REACTOME_NETRIN1_SIGNALING;REACTOME_DCC_MEDIATED_ATTF

CADE;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR;REACTOME_FGFR_LIGAND_BINDIN(

N_SEMAPHORIN_SIGNALING;REACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_SEMA4

)NA_REPLICATION;REACTOME_S_PHASE

KINASES_PHOSPHORYLATION_AND_ACTIVATION_MEDIATED_BY_ACTIVATED_HUMAN_TAK1;

ON_OF_RAC;REACTOME_SIGNALING_BY_ROBO_RECEPTOR

TIONAL_REGULATION;REACTOME_METABOLISM_OF_MRNA;REACTOME_METABOLISM_OF_F

TOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ANTIGEN_PRESENTATION_FOLDING_

IUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

/E_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS;REAC

\PC_C_CDC20_MEDIATED_DEGRADATION_OF_MITOTIC_PROTEINS;REACTOME_AUTODEGR

NG_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_GAMMA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_S

_NRIF_AND_NADE;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_

_LIPIDS_AND_LIPOPROTEINS

PE_3_PROMOTER;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HIV_LIFE_CYCLE;REACTOME_LA

ROMBOXANE_SIGNALLING_THROUGH_TP_RECEPTOR;REACTOME_THROMBIN_SIGNALLING

ATION;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_LYSOSOME_VESICLE_BIOGENESIS;REAC

_ING_BY_ROBO_RECEPTOR;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

˙OKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ANTIGEN_PRESENTATION_FOLDING_

AIR;REACTOME_AUTODEGRADATION_OF_THE_E3_UBIQUITIN_LIGASE_COP1;REACTOME_D

IGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLIN

ΓED_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT;REACTOME_GLUCOSE_TRANSPORT;REACTOME_MET

_BY_ERBB2;REACTOME_SIGNALING_BY_EGFR_IN_CANCER;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_E

_DECAY_ENHANCED_BY_THE_EXON_JUNCTION_COMPLEX

ACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_

D_CASCADE;REACTOME_SHC_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_F

ID_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_MET

NTERACTIONS;REACTOME_SEMAPHORIN_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_EXTRACELLULA

ME_MITOTIC_PROMETAPHASE;REACTOME_APC_CDC20_MEDIATED_DEGRADATION_OF_NE

)_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_RE

(INASES_PHOSPHORYLATION_AND_ACTIVATION_MEDIATED_BY_ACTIVATED_HUMAN_TAK1;

ACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH;REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

CTOME_IL_6_SIGNALING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_

IN_THE_POSTSYNAPTIC_CELL;REACTOME_G_ALPHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME

SIS;REACTOME_INHIBITION_OF_REPLICATION_INITIATION_OF_DAMAGED_DNA_BY_RB1_E2F

LLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_INTI

IE_SIGNALING_BY_NOTCH;REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCRIPTION_INITIATION

ABOLISM_OF_RNA;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_METABOLISM_OF_CA

N_THE_POSTSYNAPTIC_CELL;REACTOME_PLC_BETA_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_SIGN
PK_TARGETS;REACTOME_GLYCOLYSIS;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_INTE

TAK1_ACTIVATES_NFKB_BY_PHOSPHORYLATION_AND_ACTIVATION_OF_IKKS_COMPLEX;RE

;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_GLUCA

NALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_PI3K_AKT_ACTIVATION;REACTOME_GAB1_SIGN
NALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_PI3K_AKT_ACTIVATION;REACTOME_GAB1_SIGN

E_CDC6_ORC_ORIGIN_COMPLEX;REACTOME_SYNTHESIS_OF_DNA;REACTOME_MITOTIC_G

RCADIAN_CLOCK;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_D

_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_PHOSPH(

TE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIATION;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH;REACTOME_SIGNAL
R4_SIGNALING_REPERTOIRE;REACTOME_RIG_I_MDA5_MEDIATED_INDUCTION_OF_IFN_ALF

HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_PHOSPH
PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_PHOSPH

ASSEMBLY_AND_PEPTIDE_LOADING_OF_CLASS_I_MHC;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIAT

CRETION_BY_ADRENALINE_NORADRENALINE;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALIN

G_CASCADE;REACTOME_ARMS_MEDIATED_ACTIVATION;REACTOME_PROLONGED_ERK_AC
EGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_PLC_E

REACTOME_DESTABILIZATION_OF_MRNA_BY_TRISTETRAPROLIN_TTP

SMITTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPT

ME_UNWINDING_OF_DNA;REACTOME_G2_M_CHECKPOINTS;REACTOME_S_PHASE;REACTC

_INDEPENDENT_GLUCOSE_TRANSPORTERS;REACTOME_GLUCOSE_TRANSPORT;REACTO

_RESPONSE_TO_REPLICATION_STRESS;REACTOME_TELOMERE_MAINTENANCE;REACTOME

›LEX;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POL_III_AND_MITOCHONDRIAL_TRANSCRIPTION;REACT(

OLISM_OF_CARBOHYDRATES
OLISM_OF_CARBOHYDRATES

/_FACTORS;REACTOME_THE_ROLE_OF_NEF_IN_HIV1_REPLICATION_AND_DISEASE_PATHO

IUNE_SYSTEM

ME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALLIN(

_9_ACTIVATION;REACTOME_NFKB_AND_MAP_KINASES_ACTIVATION_MEDIATED_BY_TLR4_

YLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;REACTOME_CIRCADIAN_CLOCK;REACTOI

:GULATION_OF_INSULIN_SECRETION_BY_ACETYLCHOLINE;REACTOME_G_BETA_GAMMA_S

RCADIAN_CLOCK;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_D
RCADIAN_CLOCK;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_D

_INDUCIBLE_FACTOR_HIF_BY_OXYGEN;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPI

ADATION_OF_CDH1_BY_CDH1_APC_C;REACTOME_APC_C_CDC20_MEDIATED_DEGRADATIC

ΓIVATION;REACTOME_GAB1_SIGNALOSOME;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_

RCADIAN_CLOCK;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_D

TIVATION;REACTOME_AKT_PHOSPHORYLATES_TARGETS_IN_THE_CYTOSOL;REACTOME_G

EACTOME_CHYLOMICRON_MEDIATED_LIPID_TRANSPORT;REACTOME_AMYLOIDS
EACTOME_CHYLOMICRON_MEDIATED_LIPID_TRANSPORT;REACTOME_AMYLOIDS

NG_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_CELL;REACTOME_AXON

F_SECOND_MESSENGER_MOLECULES;REACTOME_GPVI_MEDIATED_ACTIVATION_CASCAD

EACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR;REACTOME_PI3K_CASCADE

_IN_IMMUNE_SYSTEM

ID_INDUCED_CELL_MIGRATION_AND_GROWTH_CONE_COLLAPSE

ABOLISM_OF_RNA;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_METABOLISM_OF_CA

ROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_

E_SIGNALING_BY_NOTCH;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALIN

RCADIAN_CLOCK;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_D

CTOME_INTERFERON_ALPHA_BETA_SIGNALING;REACTOME_REGULATION_OF_IFNA_SIGNA

:SIS_RELEASE_REUPTAKE_AND_DEGRADATION

LASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALLING_TO_ERKS;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_

GNALING;REACTOME_NETRIN1_SIGNALING;REACTOME_DCC_MEDIATED_ATTRACTIVE_SIGI
GNALING;REACTOME_NETRIN1_SIGNALING;REACTOME_DCC_MEDIATED_ATTRACTIVE_SIGI

RECEPTOR_BCR;REACTOME_INSULIN_RECEPTOR_SIGNALLING_CASCADE;REACTOME_CEl

NG_AND_ACTIVATION;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR;REACTOME_PI3K_CASCADE
NG_AND_ACTIVATION;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR;REACTOME_PI3K_CASCADE
NG_AND_ACTIVATION;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR;REACTOME_PI3K_CASCADE

EGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_PLC_E

_AND_MAP_KINASES_ACTIVATION_MEDIATED_BY_TLR4_SIGNALING_REPERTOIRE;REACTO

VATING_PATHWAY;REACTOME_ADENYLATE_CYCLASE_INHIBITORY_PATHWAY;REACTOME_

IE_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

:_CDK_MEDIATED_PHOSPHORYLATION_AND_REMOVAL_OF_CDC6;REACTOME_METABOLISM
E_CDC6_ORC_ORIGIN_COMPLEX;REACTOME_SYNTHESIS_OF_DNA;REACTOME_MITOTIC_G

EACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR;REACTOME_PI3K_CASCADE
EACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR;REACTOME_PI3K_CASCADE

CTIVATED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_C_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_SHC_M
CTIVATED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_C_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_SHC_M

TIVATION;REACTOME_GAB1_SIGNALOSOME;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_

TAKE_AND_DEGRADATION

:_CDK_MEDIATED_PHOSPHORYLATION_AND_REMOVAL_OF_CDC6;REACTOME_METABOLISM

TEM;REACTOME_NEUROTRANSMITTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANS

_GPCR_LIGAND_BINDING;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_NFKB_ACTIVATION;REACTOME_TR

TIVATION;REACTOME_AKT_PHOSPHORYLATES_TARGETS_IN_THE_CYTOSOL;REACTOME_G

F1;REACTOME_DNA_REPLICATION;REACTOME_E2F_MEDIATED_REGULATION_OF_DNA_REF

NA_REPAIR;REACTOME_MEIOTIC_RECOMBINATION;REACTOME_G2_M_CHECKPOINTS;REAC

ID_INDUCED_CELL_MIGRATION_AND_GROWTH_CONE_COLLAPSE

ID_INDUCED_CELL_MIGRATION_AND_GROWTH_CONE_COLLAPSE

E_CYCLE;REACTOME_EARLY_PHASE_OF_HIV_LIFE_CYCLE;REACTOME_HOST_INTERACTIC

VATING_PATHWAY;REACTOME_ADENYLATE_CYCLASE_INHIBITORY_PATHWAY;REACTOME_

RESPONSE_TO_REPLICATION_STRESS;REACTOME_TELOMERE_MAINTENANCE;REACTOME

:TOME_SIGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_T

:GULATION_OF_INSULIN_SECRETION_BY_ACETYLCHOLINE;REACTOME_G_BETA_GAMMA_S

ACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_REGULATION_OF_HYPOXIA_INDUCIBLE_FAC
ACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_REGULATION_OF_HYPOXIA_INDUCIBLE_FAC
ACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH1;REACTOME_REGULATION_OF_HYPOXIA_INDUCIBLE_FAC
VATING_PATHWAY;REACTOME_ADENYLATE_CYCLASE_INHIBITORY_PATHWAY;REACTOME_

ABOLISM_OF_RNA;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_METABOLISM_OF_CA

ABOLISM_OF_RNA;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_METABOLISM_OF_CA

:_FORMATION_OF_RNA_POL_II_ELONGATION_COMPLEX_;REACTOME_ELONGATION_ARRES

RIMER;REACTOME_DOWNREGULATION_OF_SMAD2_3_SMAD4_TRANSCRIPTIONAL_ACTIVIT
RIMER;REACTOME_DOWNREGULATION_OF_SMAD2_3_SMAD4_TRANSCRIPTIONAL_ACTIVIT

ME_TOLL_RECEPTOR_CASCADES

TEM;REACTOME_NEUROTRANSMITTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANS

EM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM
EM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM
EM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

IE_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

ME_MRNA_SPLICING_MINOR_PATHWAY;REACTOME_TRANSCRIPTION;REACTOME_NUCLEO

PHA1213_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_CD28_CO_STIMULATION;REACTOME_GPCR_DC

'LEXES;REACTOME_CA_DEPENDENT_EVENTS;REACTOME_DARPP_32_EVENTS;REACTOME_

LING_AND_AGGREGATION

IAINTENANCE;REACTOME_GLOBAL_GENOMIC_NER_GG_NER;REACTOME_LAGGING_STRAN
IAINTENANCE;REACTOME_GLOBAL_GENOMIC_NER_GG_NER;REACTOME_LAGGING_STRAN
IAINTENANCE;REACTOME_GLOBAL_GENOMIC_NER_GG_NER;REACTOME_LAGGING_STRAN

CE_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FI

ME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_G_ALPHA_Z_SIGNALLING_EVENTS;REAC
ME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_G_ALPHA_Z_SIGNALLING_EVENTS;REAC

HOSPHORYLATION_AND_ACTIVATION_OF_IKKS_COMPLEX;REACTOME_GPCR_LIGAND_BIND

ME_UNWINDING_OF_DNA;REACTOME_G2_M_CHECKPOINTS;REACTOME_S_PHASE;REACTC

_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_PHOSPH(

ON_ALPHA_BETA_SIGNALING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_HIV_INFEC

:TOME_SIGNALING_BY_THE_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_T

;REACTOME_ACTIVATED_TAK1_MEDIATES_P38_MAPK_ACTIVATION;REACTOME_SIGNALING

ʀACTIVE_SIGNALING;REACTOME_SIGNAL_REGULATORY_PROTEIN_SIRP_FAMILY_INTERACT

G_AND_ACTIVATION;REACTOME_FGFR2C_LIGAND_BINDING_AND_ACTIVATION;REACTOME_

ɬD_INDUCED_CELL_MIGRATION_AND_GROWTH_CONE_COLLAPSE

;REACTOME_ACTIVATED_TAK1_MEDIATES_P38_MAPK_ACTIVATION;REACTOME_SIGNALING

RNA;REACTOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_INFLUENZA_VIRAL_RNA_TRANSCRIP

ASSEMBLY_AND_PEPTIDE_LOADING_OF_CLASS_I_MHC;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIAT

ГOME_G_ALPHA_Z_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_SIGNAL_AMPLIFICATION;REACTOME_

ADATION_OF_CDH1_BY_CDH1_APC_C;REACTOME_APC_C_CDC20_MEDIATED_DEGRADATIC

IGNALING;REACTOME_IL_2_SIGNALING;REACTOME_IL_6_SIGNALING;REACTOME_HEMOSTA

TAK1_ACTIVATES_NFKB_BY_PHOSPHORYLATION_AND_ACTIVATION_OF_IKKS_COMPLEX;RE

.TE_PHASE_OF_HIV_LIFE_CYCLE

_THROUGH_PROTEINASE_ACTIVATED_RECEPTORS_PARS;REACTOME_HEMOSTASIS;REAC

TOME_GOLGI_ASSOCIATED_VESICLE_BIOGENESIS;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REA

ASSEMBLY_AND_PEPTIDE_LOADING_OF_CLASS_I_MHC;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIAT

NA_REPAIR;REACTOME_MEIOTIC_RECOMBINATION;REACTOME_G2_M_CHECKPOINTS;REAC

G_CASCADE;REACTOME_ARMS_MEDIATED_ACTIVATION;REACTOME_PROLONGED_ERK_AC

ABOLISM_OF_RNA;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_METABOLISM_OF_CA

RBB4_SIGNALING;REACTOME_PI3K_EVENTS_IN_ERBB2_SIGNALING;REACTOME_DOWNSTR

_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_PHOSPH(

RECEPTOR;REACTOME_FGFR_LIGAND_BINDING_AND_ACTIVATION;REACTOME_FGFR2C_LI(

ABOLISM

AR_MATRIX_INTERACTIONS;REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION;REACTOME_L1CA

K2A

EGULATION_OF_INSULIN_SECRETION_BY_ACETYLCHOLINE;REACTOME_G_BETA_GAMMA_S

;REACTOME_ACTIVATED_TAK1_MEDIATES_P38_MAPK_ACTIVATION;REACTOME_SIGNALING

_IN_IMMUNE_SYSTEM

E_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_RAS_ACTIVATION_UOPN_CA2_INFUX_THR

F1;REACTOME_DNA_REPLICATION;REACTOME_E2F_MEDIATED_REGULATION_OF_DNA_REF

EGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_OPIOID_SIGNALLING;REACTOME_PLC_E

ARBOHYDRATES;REACTOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_NEP_NS2_INTERACTS_W

NALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_ACTIV
EGRATION_OF_ENERGY_METABOLISM;REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC;REACTOME_OPI

EACTOME_MAP_KINASE_ACTIVATION_IN_TLR_CASCADE;REACTOME_JNK_C_JUN_KINASES_

.GON_SIGNALING_IN_METABOLIC_REGULATION;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTO

IALOSOME;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSD
IALOSOME;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSD

1_G1_S_PHASES;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_ASSEMBLY_OF_THE_

IFFERENTIATION

OLIPID_METABOLISM;REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_M

_ING_BY_TGF_BETA_RECEPTOR_COMPLEX
'HA_BETA_PATHWAYS;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME_MYD88_MAL_CASCADE_INITIAT

OLIPID_METABOLISM;REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_M
OLIPID_METABOLISM;REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_M

ΓED_ANTIGEN_PROCESSING_PRESENTATION

IG;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EV

:TIVATION_EVENTS;REACTOME_SIGNALLING_TO_RAS;REACTOME_CELL_SURFACE_INTERA
3ETA_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_ELEVATION_OF_CYTOSOLIC_CA2_LEVELS;REACTOM

IC_CELL;REACTOME_PLC_BETA_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;RE

OME_DNA_STRAND_ELONGATION

ME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES

E_EXTENSION_OF_TELOMERES;REACTOME_G2_M_CHECKPOINTS;REACTOME_S_PHASE;RE

OME_DNA_REPAIR;REACTOME_RNA_POL_II_PRE_TRANSCRIPTION_EVENTS;REACTOME_GL

GENESIS

G_TO_ERKS;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALLING_TO_F

SIGNALING_REPERTOIRE;REACTOME_MYD88_MAL_CASCADE_INITIATED_ON_PLASMA_MEM

ME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIATION

IGNALLING_THROUGH_PLC_BETA;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOM

IFFERENTIATION
IFFERENTIATION

ROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM

)N_OF_CYCLIN_B;REACTOME_CONVERSION_FROM_APC_C_CDC20_TO_APC_C_CDH1_IN_LA

_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_CD28_CO_STIMULATION;REACTOME_

IFFERENTIATION

AB1_SIGNALOSOME;REACTOME_REGULATION_OF_APOPTOSIS;REACTOME_SIGNALING_BY

_GUIDANCE;REACTOME_ACTIVATION_OF_NMDA_RECEPTOR_UPON_GLUTAMATE_BINDING_

E;REACTOME_CD28_CO_STIMULATION;REACTOME_CD28_DEPENDENT_VAV1_PATHWAY;RE

ARBOHYDRATES;REACTOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_NEP_NS2_INTERACTS_W

_NEGATIVE_REGULATION_OF_THE_PI3K_AKT_NETWORK;REACTOME_PI3K_AKT_ACTIVATIC

G_IN_IMMUNE_SYSTEM

IFFERENTIATION

ıLING;REACTOME_INTERFERON_SIGNALING;REACTOME_IL_6_SIGNALING;REACTOME_IMMU

IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALLING_TO_P38_VIA_RIT_AND_RIN;REACTOME_GASTRIN_CR

NALING
NALING

_L_SURFACE_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA

ETA_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_ELEVATION_OF_CYTOSOLIC_CA2_LEVELS;REACTOM

ME_MYD88_MAL_CASCADE_INITIATED_ON_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_INNATE_IMMU

NEUROTRANSMITTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_

M_OF_AMINO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_REGULATION_OF_ORNITHINE_DECAR
1_G1_S_PHASES;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REACTOME_ASSEMBLY_OF_THE_

MEDIATED_CASCADE;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_SIGNAL_TRANSDUCT
MEDIATED_CASCADE;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_SIGNAL_TRANSDUCT

_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_CD28_CO_STIMULATION;REACTOME_

M_OF_AMINO_ACIDS_AND_DERIVATIVES;REACTOME_REGULATION_OF_ORNITHINE_DECAR

MISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_CELL;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_TRAFFI

:AF6_MEDIATED_INDUCTION_OF_NFKB_AND_MAP_KINASES_UPON_TLR7_8_OR_9_ACTIVAT

:AB1_SIGNALOSOME;REACTOME_NRAGE_SIGNALS_DEATH_THROUGH_JNK;REACTOME_CE

LICATION;REACTOME_TELOMERE_MAINTENANCE;REACTOME_EXTENSION_OF_TELOMERE

CTOME_G2_M_DNA_DAMAGE_CHECKPOINT

)NS_OF_HIV_FACTORS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_THE_ROLE_OF_

.NEUROTRANSMITTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_

E_EXTENSION_OF_TELOMERES;REACTOME_G2_M_CHECKPOINTS;REACTOME_S_PHASE;RE

ˉRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REA

IGNALLING_THROUGH_PLC_BETA;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOM

TOR_HIF_BY_OXYGEN;REACTOME_GENERIC_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_NOT(
TOR_HIF_BY_OXYGEN;REACTOME_GENERIC_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_NOT(
TOR_HIF_BY_OXYGEN;REACTOME_GENERIC_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_NOT(
NEUROTRANSMITTER_RECEPTOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_

ARBOHYDRATES;REACTOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_NEP_NS2_INTERACTS_W

ARBOHYDRATES;REACTOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_NEP_NS2_INTERACTS_W

ST_AND_RECOVERY;REACTOME_FORMATION_OF_TRANSCRIPTION_COUPLED_NER_TC_NE

Y;REACTOME_GENERIC_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_
Y;REACTOME_GENERIC_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_

MISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_CELL;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_TRAFFI

TIDE_EXCISION_REPAIR;REACTOME_FORMATION_OF_RNA_POL_II_ELONGATION_COMPLE›

›WNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_CD28_DEPENDENT_VAV1_PATHWAY;REACTOME_COS

_LOSS_OF_NLP_FROM_MITOTIC_CENTROSOMES;REACTOME_PLC_BETA_MEDIATED_EVENT

D_SYNTHESIS;REACTOME_DNA_REPLICATION;REACTOME_TELOMERE_MAINTENANCE;REA
D_SYNTHESIS;REACTOME_DNA_REPLICATION;REACTOME_TELOMERE_MAINTENANCE;REA
D_SYNTHESIS;REACTOME_DNA_REPLICATION;REACTOME_TELOMERE_MAINTENANCE;REA

ROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALLING_TO_ERKS;REACTOME_SIGNALING

CTOME_GPCR_LIGAND_BINDING;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_AQUAP
CTOME_GPCR_LIGAND_BINDING;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_AQUAP

ING;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_NFKB_ACTIVATION;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_INDU

)ME_DNA_STRAND_ELONGATION

OLIPID_METABOLISM;REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_M

CTION;REACTOME_HOST_INTERACTIONS_OF_HIV_FACTORS;REACTOME_THE_ROLE_OF_NE

TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REA

_BY_ILS;REACTOME_IL1_SIGNALING;REACTOME_IRAK1_RECRUITS_IKK_COMPLEX;REACTO

TIONS;REACTOME_PLATELET_AGGREGATION_PLUG_FORMATION;REACTOME_APOPTOSIS;F

SIGNALING_BY_FGFR;REACTOME_PI3K_CASCADE

_BY_ILS;REACTOME_IL1_SIGNALING;REACTOME_IRAK1_RECRUITS_IKK_COMPLEX;REACTO

TION_AND_REPLICATION;REACTOME_NONSENSE_MEDIATED_DECAY_ENHANCED_BY_THE_

ΓED_ANTIGEN_PROCESSING_PRESENTATION

ADP_SIGNALLING_THROUGH_P2RY12;REACTOME_GABA_B_RECEPTOR_ACTIVATION;REAC

ON_OF_CYCLIN_B;REACTOME_CONVERSION_FROM_APC_C_CDC20_TO_APC_C_CDH1_IN_L

ASIS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

EACTOME_MAP_KINASE_ACTIVATION_IN_TLR_CASCADE;REACTOME_JNK_C_JUN_KINASES_

:TOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

ACTOME_SIGNAL_TRANSDUCTION_BY_L1;REACTOME_RECYCLING_PATHWAY_OF_L1;REAC

ГED_ANTIGEN_PROCESSING_PRESENTATION

CTOME_G2_M_DNA_DAMAGE_CHECKPOINT

CTIVATION_EVENTS;REACTOME_SIGNALLING_TO_RAS;REACTOME_CELL_SURFACE_INTERA

ARBOHYDRATES;REACTOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_NEP_NS2_INTERACTS_W

EAM_SIGNALING_EVENTS_OF_B_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_SIGNALING_BY_THE_I

OLIPID_METABOLISM;REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_M

GAND_BINDING_AND_ACTIVATION;REACTOME_FGFR4_LIGAND_BINDING_AND_ACTIVATION;

AM_INTERACTIONS;REACTOME_SIGNAL_TRANSDUCTION_BY_L1;REACTOME_HEMOSTASIS;

IGNALLING_THROUGH_PLC_BETA;REACTOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOM

_BY_ILS;REACTOME_IL1_SIGNALING;REACTOME_IRAK1_RECRUITS_IKK_COMPLEX;REACTO

OUGH_NMDA_RECEPTOR;REACTOME_ACTIVATION_OF_NMDA_RECEPTOR_UPON_GLUTAM

LICATION;REACTOME_TELOMERE_MAINTENANCE;REACTOME_EXTENSION_OF_TELOMERE

ETA_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_ELEVATION_OF_CYTOSOLIC_CA2_LEVELS;REACTOM

/ITH_THE_CELLULAR_EXPORT_MACHINERY;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_TRAN

ATION_OF_NMDA_RECEPTOR_UPON_GLUTAMATE_BINDING_AND_POSTSYNAPTIC_EVENTS;
OID_SIGNALLING;REACTOME_DARPP_32_EVENTS;REACTOME_G1_PHASE;REACTOME_G1_S

_PHOSPHORYLATION_AND_ACTIVATION_MEDIATED_BY_ACTIVATED_HUMAN_TAK1;REACTO

ME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECR

)UCTION;REACTOME_CD28_CO_STIMULATION;REACTOME_COSTIMULATION_BY_THE_CD28_
)UCTION;REACTOME_CD28_CO_STIMULATION;REACTOME_COSTIMULATION_BY_THE_CD28_

_PRE_REPLICATIVE_COMPLEX;REACTOME_DNA_REPLICATION;REACTOME_E2F_MEDIATED_

MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_AT_

ED_ON_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ACTIVATI

MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_AT_
MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_AT_

ENTS;REACTOME_G_ALPHA_Z_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_SIGNAL_AMPLIFICATION;F

ıCTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_I
E_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_

ACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_TRAFFICKING_OF_AMPA_R

:ACTOME_DNA_STRAND_ELONGATION

.OBAL_GENOMIC_NER_GG_NER;REACTOME_FORMATION_OF_INCISION_COMPLEX_IN_GG_I

'38_VIA_RIT_AND_RIN;REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_

IBRANE;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ACTIVATED_TLR4_SIGNALLING;

/E_G_PROTEIN_BETA_GAMMA_SIGNALLING;REACTOME_ACTIVATION_OF_KAINATE_RECEP

;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_IRF7_ACTIVATION;REACTOME_CIRCADIAN_CLOCK;REACTC

ATE_ANAPHASE;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_PHOSPHORYLATION_OF_THE_A

_COSTIMULATION_BY_THE_CD28_FAMILY;REACTOME_CD28_DEPENDENT_PI3K_AKT_SIGNA

'_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_PI_3K_CASCADE;

_AND_POSTSYNAPTIC_EVENTS;REACTOME_CREB_PHOSPHORYLATION_THROUGH_THE_AC

EACTOME_PD1_SIGNALING;REACTOME_COSTIMULATION_BY_THE_CD28_FAMILY;REACTOM

/ITH_THE_CELLULAR_EXPORT_MACHINERY;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_TRAN

)N;REACTOME_AKT_PHOSPHORYLATES_TARGETS_IN_THE_CYTOSOL;REACTOME_GAB1_SI

INE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

EB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SHC1_EVENTS_IN_EGFR_SIG

_TRKA_FROM_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;R

E_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_

JNE_SYSTEM;REACTOME_ACTIVATED_TLR4_SIGNALLING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;RE

_POSTSYNAPTIC_CELL;REACTOME_PLC_BETA_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_PKA_MEDIA

BOXYLASE_ODC;REACTOME_REGULATION_OF_APOPTOSIS;REACTOME_CELL_CYCLE_MITC
_PRE_REPLICATIVE_COMPLEX;REACTOME_DNA_REPLICATION;REACTOME_E2F_MEDIATED_

'ION_BY_L1;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR;REACTOME_FGFR_LIGAND_BI
'ION_BY_L1;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR;REACTOME_FGFR_LIGAND_BI

_COSTIMULATION_BY_THE_CD28_FAMILY;REACTOME_CD28_DEPENDENT_PI3K_AKT_SIGNA

BOXYLASE_ODC;REACTOME_REGULATION_OF_APOPTOSIS;REACTOME_CELL_CYCLE_MITC

CKING_OF_AMPA_RECEPTORS;REACTOME_TRAFFICKING_OF_GLUR2_CONTAINING_AMPA_

ION;REACTOME_ADVANCED_GLYCOSYLATION_ENDPRODUCT_RECEPTOR_SIGNALING;REA

LL_DEATH_SIGNALLING_VIA_NRAGE_NRIF_AND_NADE;REACTOME_P75_NTR_RECEPTOR_M

:S;REACTOME_S_PHASE;REACTOME_DNA_STRAND_ELONGATION

NEF_IN_HIV1_REPLICATION_AND_DISEASE_PATHOGENESIS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;

_POSTSYNAPTIC_CELL;REACTOME_PLC_BETA_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_PKA_MEDIA

:ACTOME_DNA_STRAND_ELONGATION

ACTOME_ENOS_ACTIVATION_AND_REGULATION;REACTOME_NEGATIVE_REGULATION_OF_T

ME_G_PROTEIN_BETA_GAMMA_SIGNALLING;REACTOME_ACTIVATION_OF_KAINATE_RECEP

CH_HLH_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROT
CH_HLH_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROT
CH_HLH_TRANSCRIPTION_PATHWAY;REACTOME_METABOLISM_OF_LIPIDS_AND_LIPOPROT
_POSTSYNAPTIC_CELL;REACTOME_PLC_BETA_MEDIATED_EVENTS;REACTOME_PKA_MEDIA

/ITH_THE_CELLULAR_EXPORT_MACHINERY;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_TRANS

/ITH_THE_CELLULAR_EXPORT_MACHINERY;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_TRANS

R_REPAIR_COMPLEX;REACTOME_DNA_REPAIR;REACTOME_RNA_POL_II_PRE_TRANSCRIPT

_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_M
_AND_LIPOPROTEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_M

CKING_OF_AMPA_RECEPTORS;REACTOME_TRAFFICKING_OF_GLUR2_CONTAINING_AMPA_

(_;REACTOME_ELONGATION_ARREST_AND_RECOVERY;REACTOME_FORMATION_OF_TRAN

STIMULATION_BY_THE_CD28_FAMILY;REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;REACTOME_REGULAT

¯S;REACTOME_PKA_MEDIATED_PHOSPHORYLATION_OF_CREB;REACTOME_TRANSMEMBRA

.CTOME_REMOVAL_OF_THE_FLAP_INTERMEDIATE_FROM_THE_C_STRAND;REACTOME_EXT
.CTOME_REMOVAL_OF_THE_FLAP_INTERMEDIATE_FROM_THE_C_STRAND;REACTOME_EXT
.CTOME_REMOVAL_OF_THE_FLAP_INTERMEDIATE_FROM_THE_C_STRAND;REACTOME_EXT

S_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACTOME_SIGNAL

'ORIN_MEDIATED_TRANSPORT;REACTOME_PROSTACYCLIN_SIGNALLING_THROUGH_PROS
'ORIN_MEDIATED_TRANSPORT;REACTOME_PROSTACYCLIN_SIGNALLING_THROUGH_PROS

UCTION_OF_NFKB_AND_MAP_KINASES_UPON_TLR7_8_OR_9_ACTIVATION;REACTOME_ADV

MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_AT_

EF_IN_HIV1_REPLICATION_AND_DISEASE_PATHOGENESIS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;RI

\CTOME_ENOS_ACTIVATION_AND_REGULATION;REACTOME_NEGATIVE_REGULATION_OF_T

ME_TRAF6_MEDIATED_INDUCTION_OF_NFKB_AND_MAP_KINASES_UPON_TLR7_8_OR_9_AC

REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGA

ME_TRAF6_MEDIATED_INDUCTION_OF_NFKB_AND_MAP_KINASES_UPON_TLR7_8_OR_9_AC

_EXON_JUNCTION_COMPLEX

TOME_GABA_RECEPTOR_ACTIVATION;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_AC

ATE_ANAPHASE;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_PHOSPHORYLATION_OF_THE_A

/

_PHOSPHORYLATION_AND_ACTIVATION_MEDIATED_BY_ACTIVATED_HUMAN_TAK1;REACTO

ГOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMU

.CTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_I

/ITH_THE_CELLULAR_EXPORT_MACHINERY;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_TRAN

3_CELL_RECEPTOR_BCR;REACTOME_NGF_SIGNALLING_VIA_TRKA_FROM_THE_PLASMA_M

MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACTOME_SYNTHESIS_OF_PIPS_AT_

REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR;REACTOME_PI3K_CASCADE

REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM

/E_G_PROTEIN_BETA_GAMMA_SIGNALLING;REACTOME_ACTIVATION_OF_KAINATE_RECEP

ME_TRAF6_MEDIATED_INDUCTION_OF_NFKB_AND_MAP_KINASES_UPON_TLR7_8_OR_9_AC

ATE_BINDING_AND_POSTSYNAPTIC_EVENTS;REACTOME_CREB_PHOSPHORYLATION_THR(

:S;REACTOME_S_PHASE;REACTOME_DNA_STRAND_ELONGATION

E_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_

SPORT_OF_RIBONUCLEOPROTEINS_INTO_THE_HOST_NUCLEUS;REACTOME_HIV_LIFE_CYC

;REACTOME_POST_NMDA_RECEPTOR_ACTIVATION_EVENTS;REACTOME_DOWNSTREAM_S
S_TRANSITION;REACTOME_COSTIMULATION_BY_THE_CD28_FAMILY;REACTOME_CTLA4_INH

ME_ACTIVATED_TAK1_MEDIATES_P38_MAPK_ACTIVATION;REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;

:ETION_BY_GLUCAGON_LIKE_PEPTIDE1;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETIOI

_FAMILY;REACTOME_CD28_DEPENDENT_PI3K_AKT_SIGNALING;REACTOME_PI_3K_CASCAD
_FAMILY;REACTOME_CD28_DEPENDENT_PI3K_AKT_SIGNALING;REACTOME_PI_3K_CASCAD

_REGULATION_OF_DNA_REPLICATION;REACTOME_ACTIVATION_OF_ATR_IN_RESPONSE_TC

THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_FUSION_MUTANTS;REACTO

ED_TLR4_SIGNALLING;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_TOLL_RECEPTOR_CASCA

THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_FUSION_MUTANTS;REACTO
THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_FUSION_MUTANTS;REACTO

REACTOME_ADP_SIGNALLING_THROUGH_P2RY12;REACTOME_GABA_B_RECEPTOR_ACTIVA

PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALLING_TO_ERKS;REACTOME_P38MAPK_EVENTS;RE
_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION_BY_GLUCAGON_LIKE_PEPTIDE1;REACTOME_G_AL

ECEPTORS;REACTOME_TRAFFICKING_OF_GLUR2_CONTAINING_AMPA_RECEPTORS;REACT

\NER;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HIV_LIFE_CYCLE;REACTOME_FORMATION_OF

MAPK;REACTOME_SHC1_EVENTS_IN_EGFR_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;

;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_TOLL_RECEPTOR_CASCADES

TORS_UPON_GLUTAMATE_BINDING

)ME_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUC

APC_C;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_AN

ALING;REACTOME_PI_3K_CASCADE;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_ACTIVATED

;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_ROLE_OF_DCC

CTIVATION_OF_RAS;REACTOME_POST_NMDA_RECEPTOR_ACTIVATION_EVENTS;REACTOM

E_CD28_DEPENDENT_PI3K_AKT_SIGNALING;REACTOME_CTLA4_INHIBITORY_SIGNALING;RE

SPORT_OF_RIBONUCLEOPROTEINS_INTO_THE_HOST_NUCLEUS;REACTOME_HIV_LIFE_CYC

GNALOSOME;REACTOME_REGULATION_OF_BETA_CELL_DEVELOPMENT;REACTOME_REGU

;NALING;REACTOME_TRANSMISSION_ACROSS_CHEMICAL_SYNAPSES;REACTOME_NEURON

:EACTOME_PHOSPHOLIPID_METABOLISM;REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGNALLING_PATHW

REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION_BY_GLUCAGON_LIKE_PEPTIDE1;REACTOME_G_AL

ACTOME_TOLL_RECEPTOR_CASCADES;REACTOME_NOD1_2_SIGNALING_PATHWAY;REACT

\TED_PHOSPHORYLATION_OF_CREB;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMA

)TIC;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_CYCLIN_E_ASSOCIATED_EVENT
_REGULATION_OF_DNA_REPLICATION;REACTOME_ACTIVATION_OF_ATR_IN_RESPONSE_TC

NDING_AND_ACTIVATION;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR;REACTOME_FGFR1_LIGAND_B
NDING_AND_ACTIVATION;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR;REACTOME_FGFR1_LIGAND_B

ALING;REACTOME_PI_3K_CASCADE;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_ACTIVATED

)TIC;REACTOME_CELL_CYCLE_CHECKPOINTS;REACTOME_CYCLIN_E_ASSOCIATED_EVENT

_RECEPTORS;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_SIGNAL_TRANSDUCTION_BY_

CTOME_NFKB_AND_MAP_KINASES_ACTIVATION_MEDIATED_BY_TLR4_SIGNALING_REPERT(

IEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGN

REACTOME_BINDING_AND_ENTRY_OF_HIV_VIRION;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTE

ATED_PHOSPHORYLATION_OF_CREB;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMA

ΓHE_PI3K_AKT_NETWORK;REACTOME_PI3K_AKT_ACTIVATION;REACTOME_AKT_PHOSPHOF

ΤORS_UPON_GLUTAMATE_BINDING

ˉEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;RE
ˉEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;RE
ˉEINS;REACTOME_FATTY_ACID_TRIACYLGLYCEROL_AND_KETONE_BODY_METABOLISM;RE
ATED_PHOSPHORYLATION_OF_CREB;REACTOME_TRANSMEMBRANE_TRANSPORT_OF_SMA

SPORT_OF_RIBONUCLEOPROTEINS_INTO_THE_HOST_NUCLEUS;REACTOME_HIV_LIFE_CYC

SPORT_OF_RIBONUCLEOPROTEINS_INTO_THE_HOST_NUCLEUS;REACTOME_HIV_LIFE_CYC

TION_EVENTS;REACTOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_INFLUENZA_VIRAL_RNA_TF

METABOLISM;REACTOME_CIRCADIAN_CLOCK;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION
METABOLISM;REACTOME_CIRCADIAN_CLOCK;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_REGULATION

RECEPTORS;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_SIGNAL_TRANSDUCTION_BY_

ISCRIPTION_COUPLED_NER_TC_NER_REPAIR_COMPLEX;REACTOME_RNA_POL_I_RNA_POI

TION_OF_SIGNALING_BY_CBL;REACTOME_IL_3_5_AND_GM_CSF_SIGNALING;REACTOME_HE

ANE_TRANSPORT_OF_SMALL_MOLECULES;REACTOME_GLUCAGON_SIGNALING_IN_METAB

TENSION_OF_TELOMERES;REACTOME_S_PHASE;REACTOME_DNA_STRAND_ELONGATION
TENSION_OF_TELOMERES;REACTOME_S_PHASE;REACTOME_DNA_STRAND_ELONGATION
TENSION_OF_TELOMERES;REACTOME_S_PHASE;REACTOME_DNA_STRAND_ELONGATION

.ING_BY_FGFR1_FUSION_MUTANTS;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REACTOM

TACYCLIN_RECEPTOR;REACTOME_REGULATION_OF_WATER_BALANCE_BY_RENAL_AQUAF
TACYCLIN_RECEPTOR;REACTOME_REGULATION_OF_WATER_BALANCE_BY_RENAL_AQUAF

'ANCED_GLYCOSYLATION_ENDPRODUCT_RECEPTOR_SIGNALING;REACTOME_NFKB_AND_I

THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_FUSION_MUTANTS;REACTOI

EACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SY

ГHE_PI3K_AKT_NETWORK;REACTOME_PI3K_AKT_ACTIVATION;REACTOME_AKT_PHOSPHOF

CTIVATION;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_IRF7_ACTIVATION_IN_TLR7_8_OR_9_SIGNALING;

TION;REACTOME_APOPTOTIC_EXECUTION_PHASE

CTIVATION;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_IRF7_ACTIVATION_IN_TLR7_8_OR_9_SIGNALING;I

CTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

APC_C;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_AN

ME_ACTIVATED_TAK1_MEDIATES_P38_MAPK_ACTIVATION;REACTOME_SIGNALING_BY_ILS;

JNE_SYSTEM;REACTOME_GAP_JUNCTION_TRAFFICKING

PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALLING_TO_ERKS;REACTOME_P38MAPK_EVENTS;RE

SPORT_OF_RIBONUCLEOPROTEINS_INTO_THE_HOST_NUCLEUS;REACTOME_HIV_LIFE_CYC

EMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_NEGATIVE_REGULA

THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_FUSION_MUTANTS;REACTO

TORS_UPON_GLUTAMATE_BINDING

CTIVATION;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_IRF7_ACTIVATION_IN_TLR7_8_OR_9_SIGNALING;

OUGH_THE_ACTIVATION_OF_RAS;REACTOME_POST_NMDA_RECEPTOR_ACTIVATION_EVEN

REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION_BY_GLUCAGON_LIKE_PEPTIDE1;REACTOME_G_AL

CLE;REACTOME_HOST_INTERACTIONS_OF_HIV_FACTORS;REACTOME_LATE_PHASE_OF_HI

IGNALING_OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_C_MEDIATED_CASCADE;RE
HIBITORY_SIGNALING;REACTOME_METABOLISM_OF_MRNA;REACTOME_METABOLISM_OF_R

REACTOME_IL1_SIGNALING;REACTOME_IRAK1_RECRUITS_IKK_COMPLEX;REACTOME_TRAI

ง;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPA

E;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_PKB_MEDIAT
E;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_PKB_MEDIAT

D_REPLICATION_STRESS;REACTOME_G1_S_SPECIFIC_TRANSCRIPTION;REACTOME_G2_M_

ME_PI_METABOLISM;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REACTOME_PI3K_AKT_A

\DES;REACTOME_APOPTOTIC_EXECUTION_PHASE

ME_PI_METABOLISM;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REACTOME_PI3K_AKT_A
ME_PI_METABOLISM;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REACTOME_PI3K_AKT_A

\TION;REACTOME_GABA_RECEPTOR_ACTIVATION;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_P

EACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALLING_TO_P38_VIA_RIT_AN
PHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOI

ˉOME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_Z_SIGNALLING_EVENTS;RE

F_THE_HIV1_EARLY_ELONGATION_COMPLEX;REACTOME_LATE_PHASE_OF_HIV_LIFE_CYCL

REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;RE

:TION;REACTOME_TRAF3_DEPENDENT_IRF_ACTIVATION_PATHWAY;REACTOME_RIG_I_MDA

TIGEN_PROCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATIOI

)_FGFR;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOMI

:_IN_REGULATING_APOPTOSIS;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYS

E_MAP_KINASE_ACTIVATION_IN_TLR_CASCADE;REACTOME_MAPK_TARGETS_NUCLEAR_E\

EACTOME_SIGNALING_BY_ILS;REACTOME_IL_2_SIGNALING;REACTOME_HEMOSTASIS;REAC

CLE;REACTOME_HOST_INTERACTIONS_OF_HIV_FACTORS;REACTOME_LATE_PHASE_OF_HI

ILATION_OF_GENE_EXPRESSION_IN_BETA_CELLS;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REAC

NAL_SYSTEM;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_NEUROTRANSMITTER_RECEP

VAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_MUTANTS;REACTOME_SYNTI

PHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOI

OME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_NUCLEOTIDE_BINDING_DOI

ALL_MOLECULES;REACTOME_GLUCAGON_SIGNALING_IN_METABOLIC_REGULATION;REACT

S_DURING_G1_S_TRANSITION_;REACTOME_P53_DEPENDENT_G1_DNA_DAMAGE_RESPONS
D_REPLICATION_STRESS;REACTOME_G2_M_CHECKPOINTS;REACTOME_S_PHASE

INDING_AND_ACTIVATION;REACTOME_PI3K_CASCADE
INDING_AND_ACTIVATION;REACTOME_PI3K_CASCADE

)_FGFR;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOMI

S_DURING_G1_S_TRANSITION_;REACTOME_P53_DEPENDENT_G1_DNA_DAMAGE_RESPONS

_L1;REACTOME_RECYCLING_PATHWAY_OF_L1;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HC

OIRE;REACTOME_RIG_I_MDA5_MEDIATED_INDUCTION_OF_IFN_ALPHA_BETA_PATHWAYS;R

IAL_TRANSDUCTION;REACTOME_PI_3K_CASCADE;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_

EM

LL_MOLECULES;REACTOME_GLUCAGON_SIGNALING_IN_METABOLIC_REGULATION;REACT

RYLATES_TARGETS_IN_THE_CYTOSOL;REACTOME_GAB1_SIGNALOSOME;REACTOME_INTE

ACTOME_TRAF6_MEDIATED_IRF7_ACTIVATION;REACTOME_CIRCADIAN_CLOCK;REACTOME
ACTOME_TRAF6_MEDIATED_IRF7_ACTIVATION;REACTOME_CIRCADIAN_CLOCK;REACTOME
ACTOME_TRAF6_MEDIATED_IRF7_ACTIVATION;REACTOME_CIRCADIAN_CLOCK;REACTOME
\LL_MOLECULES;REACTOME_GLUCAGON_SIGNALING_IN_METABOLIC_REGULATION;REACT

CLE;REACTOME_HOST_INTERACTIONS_OF_HIV_FACTORS;REACTOME_LATE_PHASE_OF_HI

CLE;REACTOME_HOST_INTERACTIONS_OF_HIV_FACTORS;REACTOME_LATE_PHASE_OF_HI

RANSCRIPTION_AND_REPLICATION;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HIV_LIFE_CYCL

L_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIATION;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH;REACTOM
L_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIATION;REACTOME_SIGNALING_BY_NOTCH;REACTOM

_L1;REACTOME_RECYCLING_PATHWAY_OF_L1;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HC

-_III_AND_MITOCHONDRIAL_TRANSCRIPTION;REACTOME_DNA_REPAIR;REACTOME_RNA_P

EMOSTASIS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACT

OLIC_REGULATION;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_

/E_PECAM1_INTERACTIONS;REACTOME_TCR_SIGNALING;REACTOME_GENERATION_OF_SE

PORINS;REACTOME_HEMOSTASIS
PORINS;REACTOME_HEMOSTASIS

MAP_KINASES_ACTIVATION_MEDIATED_BY_TLR4_SIGNALING_REPERTOIRE;REACTOME_RIC

ME_PI_METABOLISM;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REACTOME_PI3K_AKT_A

/STEM;REACTOME_ANTIGEN_PRESENTATION_FOLDING_ASSEMBLY_AND_PEPTIDE_LOADIN

RYLATES_TARGETS_IN_THE_CYTOSOL;REACTOME_GAB1_SIGNALOSOME;REACTOME_INTE

REACTOME_NFKB_AND_MAP_KINASES_ACTIVATION_MEDIATED_BY_TLR4_SIGNALING_REPI

REACTOME_NFKB_AND_MAP_KINASES_ACTIVATION_MEDIATED_BY_TLR4_SIGNALING_REP

TIGEN_PROCESSING_PRESENTATION;REACTOME_ANTIGEN_PROCESSING_UBIQUITINATION

REACTOME_IL1_SIGNALING;REACTOME_IRAK1_RECRUITS_IKK_COMPLEX;REACTOME_TRAI

EACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_IN_DISEASE;REACTOME_SIGNALLING_TO_P38_VIA_RIT_AN

CLE;REACTOME_HOST_INTERACTIONS_OF_HIV_FACTORS;REACTOME_LATE_PHASE_OF_HI

TION_OF_THE_PI3K_AKT_NETWORK;REACTOME_PI3K_AKT_ACTIVATION;REACTOME_AKT_P

ME_PI_METABOLISM;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REACTOME_PI3K_AKT_A

REACTOME_NFKB_AND_MAP_KINASES_ACTIVATION_MEDIATED_BY_TLR4_SIGNALING_REPI

NTS

PHA_Q_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOI

V_LIFE_CYCLE;REACTOME_INTERACTIONS_OF_VPR_WITH_HOST_CELLULAR_PROTEINS;RE

EACTOME_SIGNALING_BY_FGFR
NA;REACTOME_MITOTIC_G1_G1_S_PHASES;REACTOME_MITOTIC_M_M_G1_PHASES;REAC

F6_MEDIATED_IRF7_ACTIVATION;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_NFKB_ACTIVATION;REACT

ASE_C_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_AQUAPORIN_MEDIATED_TRANSPORT;REACTOME

ED_EVENTS;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR;REACTOME_IMMUNE_SYSTEI
ED_EVENTS;REACTOME_SIGNALING_BY_INSULIN_RECEPTOR;REACTOME_IMMUNE_SYSTEI

CHECKPOINTS;REACTOME_S_PHASE

CTIVATION;REACTOME_TCR_SIGNALING;REACTOME_DOWNSTREAM_TCR_SIGNALING;REA

CTIVATION;REACTOME_TCR_SIGNALING;REACTOME_DOWNSTREAM_TCR_SIGNALING;REA
CTIVATION;REACTOME_TCR_SIGNALING;REACTOME_DOWNSTREAM_TCR_SIGNALING;REA

LATELET_ACTIVATION_SIGNALING_AND_AGGREGATION

ND_RIN;REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTO
ME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_ACTIVA

ACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_

.E;REACTOME_RNA_POL_I_TRANSCRIPTION_INITIATION

EACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH

\5_MEDIATED_INDUCTION_OF_IFN_ALPHA_BETA_PATHWAYS;REACTOME_TRANSCRIPTION/

N_PROTEASOME_DEGRADATION;REACTOME_APC_CDC20_MEDIATED_DEGRADATION_OF_N

Ξ_PIP3_ACTIVATES_AKT_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR

TEM;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_N

VENTS_MEDIATED_BY_MAP_KINASES;REACTOME_L1CAM_INTERACTIONS;REACTOME_SIGN

CTOME_HIV_INFECTION;REACTOME_HOST_INTERACTIONS_OF_HIV_FACTORS;REACTOME_T

V_LIFE_CYCLE;REACTOME_INTERACTIONS_OF_VPR_WITH_HOST_CELLULAR_PROTEINS;RE

TOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_GPVI_MEDIATED_ACTIVATION_CASCADE;REACTC

TOR_BINDING_AND_DOWNSTREAM_TRANSMISSION_IN_THE_POSTSYNAPTIC_CELL;REACT(

HESIS_OF_PIPS_AT_THE_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR1_FUSION

ME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_ACTIVA

MAIN_LEUCINE_RICH_REPEAT_CONTAINING_RECEPTOR_NLR_SIGNALING_PATHWAYS

OME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOM

SE;REACTOME_M_G1_TRANSITION;REACTOME_G1_S_TRANSITION;REACTOME_CDT1_ASSC

Ξ_PIP3_ACTIVATES_AKT_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR

SE;REACTOME_M_G1_TRANSITION;REACTOME_G1_S_TRANSITION;REACTOME_CDT1_ASSC

)ST_INTERACTIONS_OF_HIV_FACTORS;REACTOME_THE_ROLE_OF_NEF_IN_HIV1_REPLICAT

EACTOME_MYD88_MAL_CASCADE_INITIATED_ON_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_INNATI

OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_APOPTOSIS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_

OME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOM

GRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIONS;REACTOME_REGULATION_OF_BETA_CELL_DEVELOF

_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTIC
_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTIC
_FACTORS_INVOLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTIC
OME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOM

V_LIFE_CYCLE;REACTOME_INTERACTIONS_OF_VPR_WITH_HOST_CELLULAR_PROTEINS;RE

V_LIFE_CYCLE;REACTOME_INTERACTIONS_OF_VPR_WITH_HOST_CELLULAR_PROTEINS;RE

_E;REACTOME_ABORTIVE_ELONGATION_OF_HIV1_TRANSCRIPT_IN_THE_ABSENCE_OF_TAT

IE_SIGNALING_BY_TGF_BETA_RECEPTOR_COMPLEX
IE_SIGNALING_BY_TGF_BETA_RECEPTOR_COMPLEX

)ST_INTERACTIONS_OF_HIV_FACTORS;REACTOME_THE_ROLE_OF_NEF_IN_HIV1_REPLICAT

OL_II_PRE_TRANSCRIPTION_EVENTS;REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_INITIATIOI

'OME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SIG

TRANSDUCTION;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION_BY_GLUCAGON_LIKE

ECOND_MESSENGER_MOLECULES;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNST

G_I_MDA5_MEDIATED_INDUCTION_OF_IFN_ALPHA_BETA_PATHWAYS;REACTOME_HEMOSTA

CTIVATION;REACTOME_TCR_SIGNALING;REACTOME_DOWNSTREAM_TCR_SIGNALING;REA(

IG_OF_CLASS_I_MHC;REACTOME_CLASS_I_MHC_MEDIATED_ANTIGEN_PROCESSING_PRES

GRIN_CELL_SURFACE_INTERACTIONS;REACTOME_REGULATION_OF_BETA_CELL_DEVELOF

ERTOIRE;REACTOME_MYD88_MAL_CASCADE_INITIATED_ON_PLASMA_MEMBRANE;REACTO

ERTOIRE;REACTOME_MYD88_MAL_CASCADE_INITIATED_ON_PLASMA_MEMBRANE;REACTO

N_PROTEASOME_DEGRADATION;REACTOME_APC_CDC20_MEDIATED_DEGRADATION_OF_N

F6_MEDIATED_IRF7_ACTIVATION;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_NFKB_ACTIVATION;REACT

ɹD_RIN;REACTOME_GASTRIN_CREB_SIGNALLING_PATHWAY_VIA_PKC_AND_MAPK;REACTO

V_LIFE_CYCLE;REACTOME_INTERACTIONS_OF_VPR_WITH_HOST_CELLULAR_PROTEINS;RE

PHOSPHORYLATES_TARGETS_IN_THE_CYTOSOL;REACTOME_GAB1_SIGNALOSOME;REACTC

CTIVATION;REACTOME_TCR_SIGNALING;REACTOME_DOWNSTREAM_TCR_SIGNALING;REA

ERTOIRE;REACTOME_MYD88_MAL_CASCADE_INITIATED_ON_PLASMA_MEMBRANE;REACTO

ME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_ACTIVA

EACTOME_REGULATION_OF_GLUCOKINASE_BY_GLUCOKINASE_REGULATORY_PROTEIN;RE

TOME_MAP_KINASE_ACTIVATION_IN_TLR_CASCADE;REACTOME_MAPK_TARGETS_NUCLEA

OME_IRAK2_MEDIATED_ACTIVATION_OF_TAK1_COMPLEX_UPON_TLR7_8_OR_9_STIMULATI

:_REGULATION_OF_WATER_BALANCE_BY_RENAL_AQUAPORINS;REACTOME_FACTORS_INV

M;REACTOME_MTORC1_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;F
M;REACTOME_MTORC1_MEDIATED_SIGNALLING;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;F

CTOME_GAB1_SIGNALOSOME;REACTOME_TIE2_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_GF

CTOME_GAB1_SIGNALOSOME;REACTOME_TIE2_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_GF
CTOME_GAB1_SIGNALOSOME;REACTOME_TIE2_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_GF

ME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REACTOME_SHC1_EVENTS_IN_EGFR_SIGNALING;REA
TED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_C_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_EFFECTS_O

_C_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_PLATELET_ACTIVATION_SI

;REACTOME_FRS2_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNALING_OF_ACTI‘

AL_REGULATION_OF_WHITE_ADIPOCYTE_DIFFERENTIATION;REACTOME_SIGNALING_BY_N

JEK2A

IOD1_2_SIGNALING_PATHWAY;REACTOME_PIP3_ACTIVATES_AKT_SIGNALING;REACTOME_I

IAL_TRANSDUCTION_BY_L1;REACTOME_RECYCLING_PATHWAY_OF_L1;REACTOME_TRAF6_

THE_ROLE_OF_NEF_IN_HIV1_REPLICATION_AND_DISEASE_PATHOGENESIS;REACTOME_IMI

EACTOME_REGULATION_OF_GLUCOKINASE_BY_GLUCOKINASE_REGULATORY_PROTEIN;RE

)ME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_CD28_CO_STIMULATION;REACTC

ɔME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_DOWNSTREAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOM

_MUTANTS;REACTOME_PI_METABOLISM;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REA

TED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_C_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_EFFECTS_O

ME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REAC

)CIATION_WITH_THE_CDC6_ORC_ORIGIN_COMPLEX;REACTOME_SYNTHESIS_OF_DNA;REA(

)CIATION_WITH_THE_CDC6_ORC_ORIGIN_COMPLEX;REACTOME_SYNTHESIS_OF_DNA;REA(

TION_AND_DISEASE_PATHOGENESIS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_

E_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ACTIVATED_TLR4_SIGNALLING;REACTOME_IMMUNE_SYST

ACTIVATION_OF_BH3_ONLY_PROTEINS;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOI

ME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION_BY_GLUCAGON_LIKE_PEPTIDE1;REACTOME_RE

PMENT;REACTOME_REGULATION_OF_GENE_EXPRESSION_IN_BETA_CELLS;REACTOME_SIG

)N;REACTOME_TRAF3_DEPENDENT_IRF_ACTIVATION_PATHWAY;REACTOME_RIG_I_MDA5_M
)N;REACTOME_TRAF3_DEPENDENT_IRF_ACTIVATION_PATHWAY;REACTOME_RIG_I_MDA5_M
)N;REACTOME_TRAF3_DEPENDENT_IRF_ACTIVATION_PATHWAY;REACTOME_RIG_I_MDA5_M
ME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_ALPHA_I_SIGNALLING_EVENTS;REACT

EACTOME_REGULATION_OF_GLUCOKINASE_BY_GLUCOKINASE_REGULATORY_PROTEIN;RE

EACTOME_REGULATION_OF_GLUCOKINASE_BY_GLUCOKINASE_REGULATORY_PROTEIN;RE

T;REACTOME_FORMATION_OF_THE_HIV1_EARLY_ELONGATION_COMPLEX;REACTOME_VIRA

TION_AND_DISEASE_PATHOGENESIS;REACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_

N_FROM_TYPE_3_PROMOTER;REACTOME_INFLUENZA_LIFE_CYCLE;REACTOME_INFLUENZA

GNALING_AND_AGGREGATION

_PEPTIDE1;REACTOME_REGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_DOWNSTREAM

'REAM_SIGNAL_TRANSDUCTION;REACTOME_AXON_GUIDANCE;REACTOME_DOWNSTREAM

ASIS;REACTOME_MYD88_MAL_CASCADE_INITIATED_ON_PLASMA_MEMBRANE;REACTOME_I

CTOME_GAB1_SIGNALOSOME;REACTOME_TIE2_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_GF

ENTATION

PMENT;REACTOME_REGULATION_OF_GENE_EXPRESSION_IN_BETA_CELLS;REACTOME_SIG

ME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ACTIVATED_TLR4_SIGNALLING;REACTOME_IMM

ME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ACTIVATED_TLR4_SIGNALLING;REACTOME_IMM

JEK2A

OME_IRAK2_MEDIATED_ACTIVATION_OF_TAK1_COMPLEX_UPON_TLR7_8_OR_9_STIMULATI

ME_SIGNALING_BY_FGFR_MUTANTS;REACTOME_SHC1_EVENTS_IN_EGFR_SIGNALING;REA

EACTOME_REGULATION_OF_GLUCOKINASE_BY_GLUCOKINASE_REGULATORY_PROTEIN;RE

OME_REGULATION_OF_BETA_CELL_DEVELOPMENT;REACTOME_REGULATION_OF_GENE_E

CTOME_GAB1_SIGNALOSOME;REACTOME_TIE2_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_GF

ME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ACTIVATED_TLR4_SIGNALLING;REACTOME_IMM

ɪED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_C_MEDIATED_CASCADE;REACTOME_EFFECTS_O

EACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

R_EVENTS_MEDIATED_BY_MAP_KINASES;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOM

ON;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_INDUCTION_OF_NFKB_AND_MAP_KINASES_UPON_TLR7

/OLVED_IN_MEGAKARYOCYTE_DEVELOPMENT_AND_PLATELET_PRODUCTION;REACTOME_

REACTOME_PIP3_ACTIVATES_AKT_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR;REACTOM
REACTOME_PIP3_ACTIVATES_AKT_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR;REACTOM

'CR;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_GPVI_MEDIATED_ACTIVATION_CASCADE

'CR;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_GPVI_MEDIATED_ACTIVATION_CASCADE
'CR;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_GPVI_MEDIATED_ACTIVATION_CASCADE

\CTOME_TIE2_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_SIGNALING_BY_PI
F_PIP2_HYDROLYSIS;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_PLATELET_CALCIU

GNALING_AND_AGGREGATION;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR

VATED_FGFR;REACTOME_MAP_KINASE_ACTIVATION_IN_TLR_CASCADE;REACTOME_L1CAM

OTCH;REACTOME_HEMOSTASIS;REACTOME_INNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_IMMUN

NUCLEOTIDE_BINDING_DOMAIN_LEUCINE_RICH_REPEAT_CONTAINING_RECEPTOR_NLR_SI

_MEDIATED_INDUCTION_OF_NFKB_AND_MAP_KINASES_UPON_TLR7_8_OR_9_ACTIVATION;F

MUNE_SYSTEM;REACTOME_ADAPTIVE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALIN

EACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

OME_GPCR_DOWNSTREAM_SIGNALING;REACTOME_G_BETA_GAMMA_SIGNALLING_THROU

IE_AXON_GUIDANCE;REACTOME_NCAM_SIGNALING_FOR_NEURITE_OUT_GROWTH;REACT

CTOME_PI3K_AKT_ACTIVATION;REACTOME_TCR_SIGNALING;REACTOME_DOWNSTREAM_T

F_PIP2_HYDROLYSIS;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_PLATELET_CALCI(

ГOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_G_ALPHA_Z_SIGNALLING_EVENTS;RE

CTOME_AUTODEGRADATION_OF_THE_E3_UBIQUITIN_LIGASE_COP1;REACTOME_METABOL

CTOME_AUTODEGRADATION_OF_THE_E3_UBIQUITIN_LIGASE_COP1;REACTOME_METABOL

_IMMUNE_SYSTEM

ˉEM;REACTOME_TOLL_RECEPTOR_CASCADES;REACTOME_AMYLOIDS

ME_PIP3_ACTIVATES_AKT_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_FGFR;REACTOME_INTRI

EGULATION_OF_INSULIN_SECRETION;REACTOME_INHIBITION_OF_INSULIN_SECRETION_BY

GNALING_BY_GPCR;REACTOME_INTEGRIN_ALPHAIIB_BETA3_SIGNALING;REACTOME_SIGNA

MEDIATED_INDUCTION_OF_IFN_ALPHA_BETA_PATHWAYS;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_
MEDIATED_INDUCTION_OF_IFN_ALPHA_BETA_PATHWAYS;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_
MEDIATED_INDUCTION_OF_IFN_ALPHA_BETA_PATHWAYS;REACTOME_TRANSCRIPTIONAL_
TOME_G_ALPHA_S_SIGNALLING_EVENTS;REACTOME_G_ALPHA_Z_SIGNALLING_EVENTS;RE

EACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

EACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

AL_MESSENGER_RNA_SYNTHESIS;REACTOME_LATE_PHASE_OF_HIV_LIFE_CYCLE

_IMMUNE_SYSTEM

A_VIRAL_RNA_TRANSCRIPTION_AND_REPLICATION;REACTOME_HIV_INFECTION;REACTOME

l_SIGNALING_OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_C_MEDIATED_CASCADE

_SIGNALING_OF_ACTIVATED_FGFR;REACTOME_PHOSPHOLIPASE_C_MEDIATED_CASCADE;

NNATE_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_ACTIVATED_TLR4_SIGNALLING;REACTOME_IMMUNE

'CR;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_GPVI_MEDIATED_ACTIVATION_CASCADI

GNALING_BY_GPCR;REACTOME_INTEGRIN_ALPHAIIB_BETA3_SIGNALING;REACTOME_SIGNA

IUNE_SYSTEM;REACTOME_TOLL_RECEPTOR_CASCADES;REACTOME_NOD1_2_SIGNALING_

MUNE_SYSTEM;REACTOME_TOLL_RECEPTOR_CASCADES;REACTOME_NOD1_2_SIGNALING_

ON;REACTOME_TRAF6_MEDIATED_INDUCTION_OF_NFKB_AND_MAP_KINASES_UPON_TLR7

ACTOME_TIE2_SIGNALING;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_SIGNALING_BY_PI

EACTOME_IMMUNE_SYSTEM;REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM

XPRESSION_IN_BETA_CELLS;REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR;REACTOME_SIGNALING_B`

PCR;REACTOME_SIGNALING_BY_PDGF;REACTOME_GPVI_MEDIATED_ACTIVATION_CASCADE

IUNE_SYSTEM;REACTOME_TOLL_RECEPTOR_CASCADES;REACTOME_NOD1_2_SIGNALING_

F_PIP2_HYDROLYSIS;REACTOME_PLATELET_HOMEOSTASIS;REACTOME_PLATELET_CALCI

IE_PLATELET_SE

'_8

HEMOSTASIS;REACTOME_SIG

IE_PI3K_CA
IE_PI3K_CA

Ξ;REACT

Ξ;REACT
Ξ;REACT

DGF;REAC
JM_HOMEOSTASIS;R

1_INTERACTIO

IE_SYSTEM

GNALING_PATHW

REACTOME_NFKB_AND_MAP_

G_IN_IMMUNE_S

GH_PI3KGAMMA;REAC

OME_ACTIVATION_

CR_SIGNA

EACTOME_ACTIVATION_OF_

ISM_OF_MRNA;REACTOME_METABO

ISM_OF_MRNA;REACTOME_METABO

NSIC_PATHWAY

_ADRENALINE_NORADR

.LING_BY_PDG

REGULATION_OF_WHITE
REGULATION_OF_WHITE
REGULATION_OF_WHITE
EACTOME_DOWNSTREAM_SIG

E_HIV_LI

;REACTOME_MITOTIC_G2_G

;REACTOME_ROLE_OF_SE

_SYSTEM;RE

Ξ;REACT

LING_BY_PDG

-

_8

DGF;REAC

ʏ_PDGF;REACTOME_

Ξ;REACT

JM_HOMEOSTASIS;R