

A Gallucci - Shared microbial community changes in Rett Syndrome (Supplement)

Supplemental Table 1

Age	OTU	RTT Mean	WT Mean	FDR p-value
p21	n.s	n.s	n.s	n.s
p35	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
p49	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
p77	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
p105	p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Turicibacterales; f_Turicibacteraceae;g_Turicibacter p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia; o_Bacteroidales;f_Bacteroidaceae; g_Bacteroides;s_ovatus k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli; o_Lactobillales;f_Lactobillaceae; g_Lactobillus;s_ruminis k_Bacteria;p_Verrucomicrobia; c_Verrucomicrobiae;o_Verrucomicrobiales; f_Verrucomicrobiaceae;g_Akkermansia; s_muciniphila p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales; f_[Mogibacteriaceae]	0.000001 0.000506	0.000128 0.000068	0.034 0.034
	p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia; o_Bacteroidales;f_Bacteroidaceae; g_Bacteroides;s_uniformis p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria; o_Desulfovibrionales;f_Desulfovibrionaceae; g_Desulfovibrio p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales; f_Lachnospiraceae;g_Blautia p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales; f_Ruminococcaceae;g_Oscillospira p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Lactobillales; f_Lactobillaceae;g_Pediococcus	0.000587 0.002976	0.003411 0.000874	0.034 0.034
	p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia; o_Bacteroidales;f_[Odoribacteraceae]; g_Odoribacter p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia; o_Bacteroidales;f_Bacteroidaceae; g_Bacteroides f_Ruminococcaceae	0.000311 0.066382	0.001384 0.005045	0.044 0.044
	p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales	0.123888	0.292810	0.044

133	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
196	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
548	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.

Supplemental Table 1 depicts OTUs significantly altered in RTT rats compared to WT across developmental timepoints (Bootstrap Mann-Whitney U test, FDR adjusted). Bold taxonomies depict bacteria that were also found to be altered in the same direction in published work on the microbiome in human RTT patients.

Table S2

Citation	Behavior	p21	p35	p49	p77	p105	p133	p177	p196	p270	p360	p450	p548
Current Study, 2020	Beta Div (Bray Curtis)	-	n.s.	0.01	0.02	0	0	0	0	-	-	-	-
Bhattacherjee et al., 2017	Rotor Rod time	-	0	0	0	0	0	-	-	-	-	-	-
Bhattacherjee et al., 2017	Somatic Sensitivity Force	-	n.s.	0	0	0	0	-	-	-	-	-	-
Bhattacherjee et al., 2017	Somatic Sensitivity	-	n.s.	0	0	0	0	-	-	-	-	-	-
Bhattacherjee et al., 2017	Temperature	-	n.s.	n.s.	0	0	0	-	-	-	-	-	-
Bhattacherjee et al., 2017	Weight	-	n.s.	n.s.	0	0	0	-	-	-	-	-	-
Veeraragavan et al., 2016	Seed opening skill loss	-	n.s.	n.s.	0	-	-	-	-	-	-	-	-
Patterson et al., 2016	Catwalk RH Swing speed	0.01	-	n.s.	-	-	-	0.05	-	0.01	n.s.	-	n.s.
Patterson et al., 2016	Body Weight	n.s.	-	-	0.05	-	-	0	0	0	n.s.	0.05	0.05
Patterson et al., 2016	Brain Weight	0.05	-	-	0.01	-	-	-	-	-	0.01	0.01	0.01
Patterson et al., 2016	Symptom Score	0.05	-	-	-	-	-	0	-	0.01	-	-	-
Patterson et al., 2016	Open field Distance Traveled	n.s.	-	n.s.	n.s.	-	-	n.s.	-	n.s.	0.05	n.s.	-
Patterson et al., 2016	Open field Average velocity	n.s.	-	n.s.	n.s.	-	-	n.s.	-	n.s.	0.05	n.s.	-
Patterson et al., 2016	Open Field Percent Time spent highly mobile	n.s.	-	n.s.	n.s.	-	-	0.05	-	n.s.	0.05	n.s.	-
Patterson et al., 2016	Rotor Rod latency to fall	n.s.	-	n.s.	-	-	-	-	-	0.01	-	-	-
Patterson et al., 2016	Catwalk crossing speed	n.s.	-	n.s.	-	-	-	0.01	-	0.01	n.s.	-	n.s.
Patterson et al., 2016	Catwalk number of steps	n.s.	-	n.s.	-	-	-	0.05	-	0.01	n.s.	-	n.s.
Patterson et al., 2016	Catwalk 3-paw support	0.05	-	n.s.	-	-	-	n.s.	-	n.s.	0.05	-	0
Patterson et al., 2016	Catwalk Base of Support	n.s.	-	n.s.	-	-	-	0.01	-	0.01	0.01	-	0
Patterson et al., 2016	Catwalk RF stride length	n.s.	-	n.s.	-	-	-	0.01	-	0.01	n.s.	-	0.05
Patterson et al., 2016	Catwalk RF swing speed	n.s.	-	n.s.	-	-	-	0.05	-	0.01	n.s.	-	n.s.
Patterson et al., 2016	Catwalk RH Stride length	n.s.	-	n.s.	-	-	-	0.05	-	0.01	n.s.	-	0.01

Table S2 depicts p-values over time in previously published works on female RTT rats. “-“ represents no data for the corresponding timepoint.