

Supplementary Table 3. P value adjustment for qPCR on 5dpf zebrafish larvae: Tukey method for multiple comparisons within groups with *emmeans* R package (R Core Team, 2017).

Gene: <i>ankk1</i> (larvae)					
Contrast	Estimate	SE	Df	t.ratio	p.value
WT - HOM	6.926	1.85	110	3.737	0.0009
WT - HET	4.919	1.75	110	2.816	0.0158
HOM -HET	-2.007	1.85	110	-1.083	0.5267
Gene: <i>dat</i> (larvae)					
Contrast	Estimate	SE	Df	t.ratio	p.value
WT - HOM	0.611	1.85	110	0.330	0.9417
WT - HET	-1.427	1.75	110	-0.817	0.6935
HOM -HET	-2.038	1.85	110	-1.100	0.5163
Gene: <i>dbh</i> (larvae)					
Contrast	Estimate	SE	Df	t.ratio	p.value
WT - HOM	-0.682	1.85	110	-0.368	0.9281
WT - HET	-0.903	1.75	110	-0.517	0.8633
HOM -HET	-0.221	1.85	110	-0.119	0.9922
Gene: <i>drd1</i> (larvae)					
Contrast	Estimate	SE	Df	t.ratio	p.value
WT - HOM	0.341	1.85	110	0.184	0.9815
WT - HET	-6.200	1.75	110	-3.548	0.0016
HOM -HET	-6.541	1.85	110	-3.530	0.0018
Gene: <i>drd2a</i> (larvae)					
Contrast	Estimate	SE	Df	t.ratio	p.value
WT - HOM	0.921	1.85	110	0.497	0.8729
WT - HET	-0.523	1.75	110	-0.299	0.9519
HOM -HET	-1.444	1.85	110	-0.779	0.7166
Gene: <i>drd2b</i> (larvae)					
Contrast	Estimate	SE	Df	t.ratio	p.value
WT - HOM	-5.355	1.85	110	-2.890	0.0128
WT - HET	0.216	1.75	110	0.149	0.9878
HOM -HET	5.615	1.85	110	3.030	0.0085
Gene: <i>drd3</i> (larvae)					
Contrast	Estimate	SE	Df	t.ratio	p.value
WT - HOM	3.205	1.85	110	1.730	0.1988
WT - HET	-0.379	1.75	110	-0.217	0.9744
HOM -HET	-3.585	1.85	110	-1.934	0.1339
Gene: <i>drd4a</i> (larvae)					
Contrast	Estimate	SE	Df	t.ratio	p.value
WT - HOM	0.545	1.85	110	0.294	0.9534
WT - HET	-1.682	1.75	110	-0.963	0.6018
HOM -HET	-2.227	1.85	110	-1.202	0.4546
Gene: <i>drd4b</i> (larvae)					
Contrast	Estimate	SE	Df	t.ratio	p.value
WT - HOM	5.627	1.85	110	3.037	0.0083
WT - HET	1.410	1.75	110	0.807	0.6994
HOM -HET	-4.217	1.85	110	-2.276	0.0635
Gene: <i>drd5</i> (larvae)					
Contrast	Estimate	SE	Df	t.ratio	p.value
WT - HOM	4.781	1.85	110	2.580	0.0299
WT - HET	2.098	1.75	110	1.201	0.4552
HOM -HET	-2.683	1.85	110	-1.448	0.3202
Gene: <i>drd2a</i> (adult)					
Contrast	Estimate	SE	Df	t.ratio	p.value
WT - HOM	-1.928	1.88	30	-1.027	0.5657

WT - HET	-1.141	1.88	30	-0.608	0.8170
HOM -HET	0.788	1.88	30	0.420	0.9078
Gene: <i>drd2b</i> (adult)					
Contrast	Estimate	SE	Df	t.ratio	p.value
WT - HOM	-8.232	1.88	30	-4.386	0.0004
WT - HET	-4.127	1.88	30	-2.199	0.0877
HOM -HET	4.104	1.88	30	2.187	0.0899