

**Table S1. qPCR primers**

<b>GENE</b>	<b>FORWARD PRIMER</b>	<b>REVERSE PRIMER</b>
<i>rpl13a</i>	AGAGAAAGCGCATGGTTGTCC	GCCTGGTACTTCCAGCCAACTT
<i>vmat2</i>	TGCCTATTATCCCAAGTTACCTGT	TGAGGGCTCACAAAAGTAGGA
<i>hdc</i>	TTCATGCGTCCTCTCCTGC	CCCCAGGCATGATGATGTTC
<i>th1</i>	GACGGAAGATGATCGGAGACA	CCGCCATGTTCCGATTTCT
<i>neurod1</i>	ACACACCCTAGAGTTCCGAC	GTCCACGTCTCGTTCGTCTT
<i>apoeb</i>	AACGCCTGAACAAGGACACA	GTATGGCTGGAAACGGTCCT
<i>mao</i>	TGGTGGAGGTCAGGACGGTGA	GCTGGTTCCTCAGAGGCGGC
<i>notch1a</i>	AGAGCCGGATTCAGCGGTC	TTACAGGGACGTGGAGAACAAG
<i>mecp2</i>	ACGTCTACCTTATCAACCCAGA	CCTTCCACGTCCAGAGGG
<i>shank3b</i>	GGTTTTATTAGGGTTGTGAGGCCG	CCCAGGAGAGGTCCGAATACTGTC
<i>gfap</i>	GAAGCAGGAGGCCAATGACTATC	GGACTCATTAGACCCACGGAGAG
<i>serta</i>	ACAACCGATGGAACACTCCC	CAACACCTGCCGGACATAAA
<i>hrh3</i>	CGCCACCGTCCTTGGGAACG	GGGGATGCAAAAACCCGCCGA