

Supplementary Table E3. Full set of SKAT-O gene-based tests.

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
RBBP8NL*	20	4	3.00E-01	5	3.00E-01	3	1.38E-03	4	1.38E-03	2	1.48E-04	3	1.48E-04
TRIM15*	6	3	4.35E-02	3	4.35E-02	2	3.03E-04	2	3.03E-04	3	1.08E-01	3	1.08E-01
CLEC7A*	12	2	1.38E-01	3	3.05E-02	2	5.37E-01	3	1.58E-01	1	3.20E-02	2	3.40E-04
SIDT2*	11	5	7.04E-01	5	7.04E-01	4	5.84E-04	4	5.84E-04	3	3.49E-04	3	3.49E-04
FRMD3*	9	2	2.40E-01	2	2.40E-01	2	3.39E-03	2	3.39E-03	1	4.75E-04	1	4.75E-04
TPSG1*	16	2	4.36E-03	3	1.22E-02	2	1.01E-01	3	1.29E-01	2	6.58E-04	3	2.48E-03
GSTZ1*	14	1	7.41E-01	3	1.79E-01	1	4.53E-01	3	6.84E-02			2	7.37E-04
SP110*	2	2	7.02E-01	2	7.02E-01	3	8.50E-04	3	8.50E-04	4	4.33E-03	4	4.33E-03
LARS	5	2	1.30E-01	2	1.30E-01	3	1.76E-02	3	1.76E-02	2	9.98E-04	2	9.98E-04
OR1E1	17	1	6.93E-02	1	6.93E-02	1	1.03E-03	1	1.03E-03	1	2.40E-02	1	2.40E-02
OR51G1	11	2	5.54E-01	4	6.29E-01	2	1.50E-03	4	6.77E-03	2	1.22E-03	4	4.95E-03
TMEM190	19	3	1.62E-01	3	1.62E-01	3	3.68E-02	3	3.68E-02	2	1.22E-03	2	1.22E-03
ZBED8	5	2	1.46E-01	2	1.46E-01	3	1.93E-02	3	1.93E-02	2	1.34E-03	2	1.34E-03
GNRHR	4	2	1.57E-02	2	1.57E-02	1	1.39E-03	1	1.39E-03	2	4.15E-02	2	4.15E-02
IGDCC4	15	4	1.20E-01	5	1.25E-01	4	1.47E-03	5	1.47E-03	2	3.17E-02	3	3.17E-02
GTSF1L	20	1	5.62E-03	1	5.62E-03	1	1.41E-01	1	1.41E-01	1	1.48E-03	1	1.48E-03
C7orf57	7	1	8.03E-02	2	8.02E-02	1	1.52E-03	2	1.52E-03	1	2.80E-02	2	2.79E-02
DTL	1					2	1.79E-03	2	1.79E-03	2	4.53E-03	2	4.53E-03
ATXN1	6					1	1.84E-03	1	1.84E-03	1	5.11E-03	1	5.11E-03
SLC26A7	8	3	6.96E-03	3	6.96E-03	2	1.88E-03	2	1.88E-03	5	1.00E-01	5	1.00E-01
TCN1	11	2	4.52E-01	2	4.52E-01	2	2.04E-03	2	2.04E-03	1	2.59E-02	1	2.59E-02
FOXM1	12	4	2.99E-01	4	2.99E-01	4	3.56E-03	4	3.56E-03	2	2.05E-03	2	2.05E-03
SERPINB7	18					2	2.07E-03	2	2.07E-03	2	4.69E-03	2	4.69E-03
GDPD3	16					2	2.09E-03	2	2.09E-03	2	5.02E-03	2	5.02E-03
TGM5	15	4	2.04E-02	4	2.04E-02	4	2.12E-03	4	2.12E-03	4	1.62E-01	4	1.62E-01
PKD2L1	10	6	5.80E-01	6	5.80E-01	4	4.71E-03	4	4.71E-03	3	2.16E-03	3	2.16E-03
FAM81B	5	5	4.77E-02	5	4.77E-02	5	2.17E-03	5	2.17E-03	2	7.06E-02	2	7.06E-02
LRCH3	3	3	5.91E-03	3	5.91E-03	2	2.36E-03	2	2.36E-03	5	3.58E-01	5	3.58E-01
C6orf229	6	1	1.82E-02	1	1.82E-02	1	1.30E-01	1	1.30E-01	1	2.43E-03	1	2.43E-03
MED7	5					2	2.49E-03	2	2.49E-03	2	5.41E-03	2	5.41E-03
ACAP1	17	1	8.83E-01	1	8.83E-01	1	2.74E-03	1	2.74E-03	1	5.58E-03	1	5.58E-03
ARHGAP32	11					2	2.79E-03	2	2.79E-03	2	6.60E-03	2	6.60E-03
RPAP1	15	4	3.38E-01	4	3.38E-01	3	2.83E-03	3	2.83E-03	4	2.86E-02	4	2.86E-02
GEMIN4	17	7	2.72E-01	9	2.72E-01	4	2.84E-03	6	2.84E-03	4	2.02E-02	6	2.02E-02
TRAPPC12	2	5	5.25E-03	6	5.25E-03	3	3.03E-03	4	3.03E-03	3	2.04E-01	4	2.04E-01
C1orf216	1	2	4.13E-01	2	4.13E-01	2	3.06E-03	2	3.06E-03	1	2.94E-02	1	2.94E-02
PODXL2	3					2	3.11E-03	2	3.11E-03	2	6.31E-03	2	6.31E-03
KRT35	17	2	3.11E-01	3	3.11E-01	3	5.65E-02	3	5.65E-02	2	3.13E-03	3	3.13E-03
DSG4	18	3	1.82E-01	3	1.82E-01	3	2.48E-02	3	2.48E-02	1	3.18E-03	1	3.18E-03
UMOD	16	2	9.73E-02	2	9.73E-02	2	6.94E-02	2	6.94E-02	1	3.20E-03	1	3.20E-03
FNDC3A	13	1	8.24E-02	2	1.66E-01			1	3.40E-03	1	6.59E-01	2	2.55E-01
PECR	2	2	5.81E-01	2	5.81E-01	2	1.17E-02	2	1.17E-02	1	3.45E-03	1	3.45E-03
DHRS7	14	3	6.31E-01	3	6.31E-01	3	3.54E-03	3	3.54E-03	2	9.14E-03	2	9.14E-03
PER1	17	6	4.31E-01	6	4.31E-01	4	2.16E-02	4	2.16E-02	3	3.60E-03	3	3.60E-03
EPYC	12	4	2.46E-01	4	2.46E-01	5	1.05E-02	5	1.05E-02	3	3.69E-03	3	3.69E-03
CLASRP	19	2	1.39E-01	2	1.39E-01	2	4.75E-02	2	4.75E-02	1	3.74E-03	1	3.74E-03
MDM1	12	3	8.17E-01	3	8.17E-01	5	3.79E-03	5	3.79E-03	3	6.78E-03	3	6.78E-03

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
KRT84	12	5	3.00E-02	5	3.00E-02	5	2.85E-01	5	2.85E-01	3	4.21E-03	3	4.21E-03
CUBN	10	14	1.75E-01	14	1.75E-01	10	4.26E-03	10	4.26E-03	10	3.33E-01	10	3.33E-01
CEACAM6	19	4	2.06E-01	4	2.06E-01	4	4.29E-03	4	4.29E-03	2	8.74E-02	2	8.74E-02
GRXCR2	5	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.36E-03	1	4.36E-03	1	4.81E-03	1	4.81E-03
C1orf210	1	1	7.53E-01	1	7.53E-01	2	8.49E-03	2	8.49E-03	2	4.37E-03	2	4.37E-03
TNFRSF11B	8	1	6.78E-01	1	6.78E-01	1	4.39E-03	1	4.39E-03	1	1.67E-02	1	1.67E-02
SLC6A15	12	1	2.34E-01	1	2.34E-01	1	2.61E-02	1	2.61E-02	1	4.41E-03	1	4.41E-03
C6orf222	6	5	1.62E-02	6	1.62E-02	6	1.93E-01	7	1.93E-01	2	4.56E-03	3	4.56E-03
HNRNPUL2	11	1	7.45E-01	1	7.45E-01	3	7.31E-03	3	7.31E-03	2	4.59E-03	2	4.59E-03
EP400	12	5	6.90E-01	5	6.90E-01	4	4.66E-03	4	4.66E-03	5	1.46E-02	5	1.46E-02
RSL1D1	16	2	9.63E-03	2	9.63E-03	2	4.26E-01	2	4.26E-01	1	4.66E-03	1	4.66E-03
MRPL38	17	2	7.01E-01	2	7.01E-01	2	1.27E-02	2	1.27E-02	2	4.79E-03	2	4.79E-03
FDFT1	8	1	7.50E-01	1	7.50E-01	3	7.19E-03	3	7.19E-03	2	4.84E-03	2	4.84E-03
PKP2	12	3	6.72E-03	3	6.72E-03	3	2.67E-01	3	2.67E-01	2	4.96E-03	2	4.96E-03
TCEANC2	1	1	4.14E-01	1	4.14E-01	1	1.57E-02	1	1.57E-02	1	4.98E-03	1	4.98E-03
ADGRE1	19	4	2.38E-02	4	2.38E-02	5	2.32E-01	5	2.32E-01	2	4.99E-03	2	4.99E-03
NSG1	4	1	1.11E-01	1	1.11E-01	1	5.93E-02	1	5.93E-02	1	5.05E-03	1	5.05E-03
LARS2	3	2	1.45E-01	2	1.45E-01	3	8.91E-02	3	8.91E-02	2	5.11E-03	2	5.11E-03
DPH6	15	6	6.79E-02	6	6.79E-02	7	2.24E-01	7	2.24E-01	2	5.12E-03	2	5.12E-03
QPCTL	19	4	2.25E-01	4	2.25E-01	3	1.26E-02	3	1.26E-02	3	5.14E-03	3	5.14E-03
CYP7A1	8	4	1.38E-01	4	1.38E-01	3	5.15E-03	3	5.15E-03	3	7.65E-02	3	7.65E-02
FANCG	9	1	6.93E-01	1	6.93E-01	3	6.58E-03	3	6.58E-03	2	5.16E-03	2	5.16E-03
SRGAP1	12	1	7.58E-01	1	7.58E-01	2	9.07E-03	2	9.07E-03	2	5.17E-03	2	5.17E-03
UROC1	3	4	8.06E-01	4	8.06E-01	4	5.21E-03	4	5.21E-03	2	1.14E-02	2	1.14E-02
SH2D2A	1	2	3.04E-01	2	3.04E-01	2	3.63E-02	2	3.63E-02	1	5.28E-03	1	5.28E-03
SDCCAG8	1	5	7.46E-01	5	7.46E-01	5	5.37E-03	5	5.37E-03	2	8.53E-03	2	8.53E-03
NLRP9	19	2	7.17E-04	2	7.17E-04	1	5.41E-03	1	5.41E-03	2	7.14E-01	2	7.14E-01
MEFV	16	1	2.44E-01	1	2.44E-01	2	1.13E-02	2	1.13E-02	2	5.45E-03	2	5.45E-03
IFT88	13	3	3.05E-01	3	3.05E-01	5	3.61E-02	5	3.61E-02	2	5.49E-03	2	5.49E-03
SURF6	9	3	7.76E-02	4	7.76E-02	1	5.79E-03	2	5.79E-03	3	1.61E-01	4	1.61E-01
ZMIZ1	10	4	1.63E-01	4	1.63E-01	4	1.88E-02	4	1.88E-02	1	5.80E-03	1	5.80E-03
PHC2	1	1	7.56E-01	1	7.56E-01	3	1.01E-02	3	1.01E-02	2	5.86E-03	2	5.86E-03
PIGO	9	3	1.76E-01	3	1.76E-01	3	1.05E-01	3	1.05E-01	1	5.98E-03	1	5.98E-03
NUP210	3	7	5.59E-01	7	5.59E-01	9	2.00E-02	9	2.00E-02	5	6.07E-03	5	6.07E-03
PHLDB3	19	1	7.16E-01	2	1.00E+00	3	7.34E-03	4	6.80E-03	2	6.23E-03	3	1.24E-02
HEPACAM2	7	2	2.25E-01	2	2.25E-01	2	4.71E-02	2	4.71E-02	1	6.28E-03	1	6.28E-03
TSSK1B	5	1	6.95E-02	1	6.95E-02	1	6.30E-03	1	6.30E-03	1	1.40E-01	1	1.40E-01
DYTN	2	3	6.00E-02	4	6.74E-02	5	1.26E-01	6	1.29E-01	2	6.34E-03	3	8.46E-03
FBXO34	14	1	2.69E-02	1	2.69E-02	1	2.53E-01	1	2.53E-01	1	6.40E-03	1	6.40E-03
PITPNM2	12	1	7.58E-01	1	7.58E-01	3	1.05E-02	3	1.05E-02	2	6.58E-03	2	6.58E-03
CHURC1	14	2	3.14E-01	2	3.14E-01	2	3.45E-02	2	3.45E-02	1	6.92E-03	1	6.92E-03
CHURC1-FNTB	14	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	1.84E-02	1	1.84E-02	1	6.92E-03	1	6.92E-03
PTPDC1	9	3	2.31E-01	3	2.31E-01	4	1.90E-02	4	1.90E-02	3	6.99E-03	3	6.99E-03
PNPLA7	9	12	8.35E-02	12	8.35E-02	14	1.38E-01	14	1.38E-01	6	7.01E-03	6	7.01E-03
EPX	17	10	5.43E-01	10	5.43E-01	9	2.49E-02	9	2.49E-02	7	7.07E-03	7	7.07E-03
BRE	2	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	7.16E-03	1	7.16E-03	1	3.25E-02	1	3.25E-02
ZNF142	2	8	1.19E-01	8	1.19E-01	8	1.06E-01	8	1.06E-01	5	7.32E-03	5	7.32E-03
SFXN5	2	4	2.44E-01	4	2.44E-01	3	9.60E-02	3	9.60E-02	2	7.32E-03	2	7.32E-03

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
EVA1B	1	2	7.00E-01	2	7.00E-01	3	7.61E-03	3	7.61E-03	2	1.62E-02	2	1.62E-02
MANEA	6	2	8.11E-02	3	1.31E-01	2	7.74E-03	3	9.73E-03	1	5.62E-02	2	7.87E-02
MPHOSPH8	13	3	6.51E-02	3	6.51E-02	3	7.91E-03	3	7.91E-03	1	1.27E-01	1	1.27E-01
DBX2	12	2	3.28E-01	2	3.28E-01	3	8.06E-03	3	8.06E-03	2	2.80E-02	2	2.80E-02
FCN2	9	2	1.62E-01	2	1.62E-01	1	4.36E-02	1	4.36E-02	2	8.16E-03	2	8.16E-03
ADH7	4	2	5.81E-01	3	6.41E-01	2	6.14E-01	3	4.50E-01			1	8.17E-03
ZNF646	16	5	1.44E-01	5	1.44E-01	5	6.55E-02	5	6.55E-02	3	8.20E-03	3	8.20E-03
GMPS	3	1	3.31E-01	1	3.31E-01	1	8.97E-03	1	8.97E-03	1	6.05E-02	1	6.05E-02
KCNQ3	8	1	6.83E-01	1	6.83E-01	2	8.99E-03	2	8.99E-03	2	3.35E-02	2	3.35E-02
NOP14	4	5	8.33E-01	5	8.33E-01	4	3.19E-02	4	3.19E-02	2	9.07E-03	2	9.07E-03
TMPRSS11E	4	2	5.77E-01	3	5.80E-01	2	5.89E-01	3	6.24E-01			1	9.15E-03
MCOLN2	1	4	3.45E-01	4	3.45E-01	4	1.09E-01	4	1.09E-01	2	9.22E-03	2	9.22E-03
FBXL6	8	4	7.90E-01	5	5.79E-01	4	2.63E-02	5	2.61E-02	2	9.49E-03	3	1.62E-02
PLK4	4	7	4.63E-01	7	4.63E-01	6	2.06E-02	6	2.06E-02	3	9.53E-03	3	9.53E-03
ATG7	3	2	3.84E-01	2	3.84E-01	2	9.63E-03	2	9.63E-03	3	1.95E-02	3	1.95E-02
CCDC157	22	2	3.35E-01	2	3.35E-01	3	9.87E-03	3	9.87E-03	2	3.49E-02	2	3.49E-02
PCDHGC3	5	2	4.66E-01	2	4.66E-01	3	9.88E-03	3	9.88E-03	2	4.41E-02	2	4.41E-02
SRRM1	1	8	1.53E-02	8	1.53E-02	8	4.98E-01	8	4.98E-01	2	1.02E-02	2	1.02E-02
ST6GALNAC1	17	1	6.94E-02	1	6.94E-02	1	1.04E-02	1	1.04E-02	2	1.02E-01	2	1.02E-01
B9D1	17					1	1.04E-02	1	1.04E-02	1	2.02E-02	1	2.02E-02
CIB2	15					1	1.04E-02	1	1.04E-02	1	2.02E-02	1	2.02E-02
DDR GK1	20					1	1.04E-02	1	1.04E-02	1	2.02E-02	1	2.02E-02
RPL15	3	1	7.01E-02	1	7.01E-02	1	1.04E-02	1	1.04E-02	1	1.36E-01	1	1.36E-01
ENKD1	16	4	6.34E-01	4	6.34E-01	3	2.52E-02	3	2.52E-02	2	1.06E-02	2	1.06E-02
GCNT1	9	3	3.33E-01	3	3.33E-01	4	6.51E-02	4	6.51E-02	3	1.07E-02	3	1.07E-02
LIPK	10	7	1.56E-01	7	1.56E-01	7	1.08E-02	7	1.08E-02	1	7.68E-02	1	7.68E-02
ZNF615	19	2	8.42E-01	2	8.42E-01	2	1.08E-02	2	1.08E-02	2	2.38E-02	2	2.38E-02
CD93	20	1	9.11E-02	1	9.11E-02	1	1.08E-02	1	1.08E-02	1	1.16E-01	1	1.16E-01
PPM1K	4	2	1.85E-02	2	1.85E-02	1	1.08E-02	1	1.08E-02	3	2.13E-01	3	2.13E-01
CATSPER4	1	2	1.60E-02	2	1.60E-02	1	1.08E-02	1	1.08E-02	3	2.35E-01	3	2.35E-01
PALM2	9	1	2.05E-02	1	2.05E-02	1	1.08E-02	1	1.08E-02	1	2.10E-01	1	2.10E-01
PHACTR2	6					1	1.08E-02	1	1.08E-02	1	1.88E-02	1	1.88E-02
QTRTD1	3					1	1.08E-02	1	1.08E-02	1	1.88E-02	1	1.88E-02
RNF167	17					1	1.08E-02	1	1.08E-02	1	1.88E-02	1	1.88E-02
SPNS2	17	1	8.09E-02	1	8.09E-02	1	1.08E-02	1	1.08E-02	2	9.51E-02	2	9.51E-02
SYNCRIP	6					1	1.08E-02	1	1.08E-02	1	1.88E-02	1	1.88E-02
ZNF155	19					1	1.08E-02	1	1.08E-02	1	1.88E-02	1	1.88E-02
MYBBP1A	17	11	8.82E-02	11	8.82E-02	10	1.84E-01	10	1.84E-01	5	1.09E-02	5	1.09E-02
PIK3CG	7			1	5.37E-01	1	1.80E-02	2	1.10E-02	1	3.07E-02	2	2.82E-02
CALML5	10	1	7.04E-02	1	7.04E-02	1	1.12E-02	1	1.12E-02	1	1.22E-01	1	1.22E-01
DHDDS	1					1	1.12E-02	1	1.12E-02	1	2.09E-02	1	2.09E-02
EAPP	14					1	1.12E-02	1	1.12E-02	1	2.09E-02	1	2.09E-02
SMUG1	12					1	1.12E-02	1	1.12E-02	1	2.09E-02	1	2.09E-02
ADGRB1	8	1	7.19E-02	1	7.19E-02	1	1.17E-02	1	1.17E-02	2	1.04E-01	2	1.04E-01
ATG16L2	11	1	7.82E-02	1	7.82E-02	1	1.17E-02	1	1.17E-02	2	1.03E-01	2	1.03E-01
C5orf49	5			1	3.85E-01	1	1.17E-02	2	1.18E-02	1	2.20E-02	2	2.22E-02
IFI16	1					1	1.17E-02	1	1.17E-02	1	2.20E-02	1	2.20E-02
METTL21A	2	1	7.64E-02	1	7.64E-02	1	1.17E-02	1	1.17E-02	2	1.03E-01	2	1.03E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
NKX2-4	20					1	1.17E-02	1	1.17E-02	1	2.20E-02	1	2.20E-02
OR2T1	1					1	1.17E-02	1	1.17E-02	1	2.20E-02	1	2.20E-02
OR2T8	1					1	1.17E-02	1	1.17E-02	1	2.20E-02	1	2.20E-02
RB1	13	1	8.44E-02	1	8.44E-02	1	1.17E-02	1	1.17E-02	2	1.03E-01	2	1.03E-01
SAMD5	6					1	1.17E-02	1	1.17E-02	1	2.20E-02	1	2.20E-02
TAX1BP1	7					1	1.17E-02	1	1.17E-02	1	2.20E-02	1	2.20E-02
FMO1	1					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.21E-02	1	2.21E-02
INTS5	11					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.21E-02	1	2.21E-02
ITGB1BP1	2					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.21E-02	1	2.21E-02
PEX26	22	1	8.08E-02	1	8.08E-02	1	1.18E-02	1	1.18E-02	2	1.08E-01	2	1.08E-01
TLR6	4					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.21E-02	1	2.21E-02
TRAT1	3					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.21E-02	1	2.21E-02
UNC5D	8					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.21E-02	1	2.21E-02
PRR25	16					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.35E-02	1	2.35E-02
ADO	10	1	7.42E-02	1	7.42E-02	1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	1.70E-01	1	1.70E-01
ANTXR2	4	1	6.93E-02	1	6.93E-02	1	1.18E-02	1	1.18E-02	2	1.26E-01	2	1.26E-01
BEST3	12			1	1.40E-01	1	1.18E-02	2	4.86E-02	1	2.35E-02	2	7.53E-02
CUEDC2	10					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.35E-02	1	2.35E-02
FAM50B	6					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.35E-02	1	2.35E-02
HAUS2	15					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.35E-02	1	2.35E-02
OR5K4	3					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.35E-02	1	2.35E-02
SMARCD2	17					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.35E-02	1	2.35E-02
TEX38	1					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.35E-02	1	2.35E-02
ADAM33	20	1	7.45E-02	1	7.45E-02	1	1.18E-02	1	1.18E-02	2	1.19E-01	2	1.19E-01
OR14I1	1			1	5.21E-01	1	1.18E-02	2	1.83E-02	1	2.36E-02	2	3.91E-02
TICAM2	5					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.36E-02	1	2.36E-02
TMED7-TICAM	5					1	1.18E-02	1	1.18E-02	1	2.36E-02	1	2.36E-02
TPCN1	12	1	7.40E-02	1	7.40E-02	1	1.18E-02	1	1.18E-02	2	1.18E-01	2	1.18E-01
CYC1	8	1	8.37E-02	1	8.37E-02	1	1.19E-02	1	1.19E-02	2	1.17E-01	2	1.17E-01
KIAA1279	10	2	1.89E-02	2	1.89E-02	1	1.19E-02	1	1.19E-02	3	2.69E-01	3	2.69E-01
CNPY3	6					1	1.19E-02	1	1.19E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
AGO4	1					1	1.19E-02	1	1.19E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
C19orf25	19					1	1.19E-02	1	1.19E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
CLCN3	4					1	1.19E-02	1	1.19E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
GALNT1	18					1	1.19E-02	1	1.19E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
OSR1	2					1	1.19E-02	1	1.19E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
WNT11	11	2	1.77E-02	2	1.77E-02	1	1.19E-02	1	1.19E-02	2	3.42E-01	2	3.42E-01
AP4E1	15	3	8.60E-03	3	8.60E-03	1	1.20E-02	1	1.20E-02	4	4.27E-01	4	4.27E-01
ALG14	1	1	7.33E-02	1	7.33E-02	1	1.20E-02	1	1.20E-02	2	1.11E-01	2	1.11E-01
CYP4F22	19					1	1.20E-02	1	1.20E-02	1	2.39E-02	1	2.39E-02
DIAPH1	5					1	1.20E-02	1	1.20E-02	1	2.39E-02	1	2.39E-02
ZCCHC17	1					1	1.20E-02	1	1.20E-02	1	2.39E-02	1	2.39E-02
HIST1H4L	6					1	1.20E-02	1	1.20E-02	1	2.49E-02	1	2.49E-02
RAMP2	17	1	8.13E-02	1	8.13E-02	1	1.20E-02	1	1.20E-02	2	1.18E-01	2	1.18E-01
ZNF726	19	1	5.95E-03	1	5.95E-03	1	1.23E-02	1	1.23E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ADCY1	7					1	1.23E-02	1	1.23E-02	1	2.67E-02	1	2.67E-02
RBM45	2					1	1.23E-02	1	1.23E-02	1	2.67E-02	1	2.67E-02
RPRD2	1	1	6.65E-02	1	6.65E-02	1	1.23E-02	1	1.23E-02	2	1.34E-01	2	1.34E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CDH13	16					1	1.24E-02	1	1.24E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
ARHGAP19	10	1	7.42E-02	1	7.42E-02	1	1.24E-02	1	1.24E-02	2	1.20E-01	2	1.20E-01
BID	22					1	1.24E-02	1	1.24E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
BRSK2	11	1	7.82E-02	1	7.82E-02	1	1.24E-02	1	1.24E-02	2	1.17E-01	2	1.17E-01
KRTAP3-1	17					1	1.24E-02	1	1.24E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
REC114	15	1	8.56E-02	1	8.56E-02	1	1.24E-02	1	1.24E-02	1	9.84E-02	1	9.84E-02
SLC44A3	1					1	1.24E-02	1	1.24E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
SPINK14	5					1	1.24E-02	1	1.24E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
PTGER2	14	2	1.52E-02	2	1.52E-02	2	1.26E-02	2	1.26E-02	3	3.85E-01	3	3.85E-01
HDAC2	6					1	1.28E-02	1	1.28E-02	1	2.46E-02	1	2.46E-02
MBP	18					1	1.28E-02	1	1.28E-02	1	2.46E-02	1	2.46E-02
PHF11	13	1	7.90E-02	1	7.90E-02	1	1.28E-02	1	1.28E-02	2	1.11E-01	2	1.11E-01
RGS7	1					1	1.28E-02	1	1.28E-02	1	2.46E-02	1	2.46E-02
TOMM34	20					1	1.28E-02	1	1.28E-02	1	2.46E-02	1	2.46E-02
ZEB2	2					1	1.28E-02	1	1.28E-02	1	2.46E-02	1	2.46E-02
ZNF34	8					1	1.28E-02	1	1.28E-02	1	2.46E-02	1	2.46E-02
PARP14	3	3	5.66E-02	4	1.06E-01	4	3.05E-02	5	1.28E-02	3	1.01E-01	4	5.68E-02
DCP1B	12	4	1.35E-01	4	1.35E-01	4	1.32E-02	4	1.32E-02	1	1.02E-01	1	1.02E-01
CCNH	5			1	4.02E-01	1	1.35E-02	2	1.33E-02	1	2.27E-02	2	2.14E-02
VWA8	13	12	3.38E-02	13	3.38E-02	10	8.20E-02	11	8.20E-02	9	1.34E-02	10	1.34E-02
ST3GAL5	2					1	1.34E-02	1	1.34E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
HPGDS	4	2	2.25E-02	2	2.25E-02	1	1.34E-02	1	1.34E-02	3	2.26E-01	3	2.26E-01
LRRC57	15					1	1.34E-02	1	1.34E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
ZFR	5					1	1.34E-02	1	1.34E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
COMT	22					1	1.34E-02	1	1.34E-02	1	2.83E-02	1	2.83E-02
PCDHB7	5	2	1.60E-02	2	1.60E-02	1	1.34E-02	1	1.34E-02	2	3.68E-01	2	3.68E-01
RFXANK	19	1	8.54E-02	1	8.54E-02	1	1.34E-02	1	1.34E-02	2	1.34E-01	2	1.34E-01
VDAC3	8	1	7.19E-02	1	7.19E-02	1	1.34E-02	1	1.34E-02	2	1.35E-01	2	1.35E-01
ARGLU1	13					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.27E-02	1	2.27E-02
EFEMP2	11					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.27E-02	1	2.27E-02
KLHDC10	7					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.27E-02	1	2.27E-02
MAN2A1	5					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.27E-02	1	2.27E-02
OPN3	1	1	7.96E-02	1	7.96E-02	1	1.35E-02	1	1.35E-02	2	1.10E-01	2	1.10E-01
PRKAR2A	3	1	6.54E-02	1	6.54E-02	1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	1.21E-01	1	1.21E-01
BRI3	7					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.27E-02	1	2.27E-02
SLC24A1	15	1	7.52E-02	2	1.16E-02	1	1.46E-02	2	1.35E-02	2	1.46E-01	3	1.47E-01
AFG3L2	18					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
NUTM1	15	1	1.00E-01	3	7.59E-01	1	1.35E-02	3	8.85E-02	2	1.17E-01	4	1.89E-01
SLC5A8	12					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
C15orf43	15					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.53E-02	1	2.53E-02
ACTR1B	2			1	3.40E-01	1	1.35E-02	2	6.26E-02	1	2.53E-02	2	5.43E-02
CACNG4	17					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.53E-02	1	2.53E-02
EOMES	3					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.53E-02	1	2.53E-02
EXTL2	1					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.53E-02	1	2.53E-02
KLRG2	7					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.53E-02	1	2.53E-02
STX16	20					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.53E-02	1	2.53E-02
ZW10	11					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.53E-02	1	2.53E-02
ZNF688	16	1	8.73E-02	1	8.73E-02	1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	1.71E-01	1	1.71E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ANKRD54	22					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.83E-02	1	2.83E-02
CPN2	3					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.83E-02	1	2.83E-02
KIF5A	12	1	6.56E-02	1	6.56E-02	1	1.35E-02	1	1.35E-02	2	1.42E-01	2	1.42E-01
NTSR2	2	1	6.97E-02	1	6.97E-02	1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	1.92E-01	1	1.92E-01
SARDH	9					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.83E-02	1	2.83E-02
SLC12A2	5					1	1.35E-02	1	1.35E-02	1	2.83E-02	1	2.83E-02
SLC39A6	18	1	6.45E-02	1	6.45E-02	1	1.35E-02	1	1.35E-02	2	1.42E-01	2	1.42E-01
METTL20	12	1	5.17E-01	1	5.17E-01	1	1.38E-02	1	1.38E-02	1	7.34E-02	1	7.34E-02
ADGRG1	16	2	3.35E-02	2	3.35E-02	2	1.41E-02	2	1.41E-02	1	2.23E-01	1	2.23E-01
IREB2	15	1	8.85E-01	1	8.85E-01	1	1.42E-02	1	1.42E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
LRRC17	7	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.42E-02	3	1.56E-02	1	3.16E-02	2	3.68E-02
GALNT3	2	1	6.27E-02	1	6.27E-02	1	1.43E-02	1	1.43E-02	1	1.50E-01	1	1.50E-01
KIF4B	5			1	5.83E-01	1	1.43E-02	2	1.48E-02	1	2.62E-02	2	2.68E-02
DEF8	16					1	1.43E-02	1	1.43E-02	1	2.71E-02	1	2.71E-02
NLRC4	2	2	6.85E-03	2	6.85E-03	1	1.43E-02	1	1.43E-02	3	2.94E-01	3	2.94E-01
FCRL6	1			2	5.73E-01	1	1.43E-02	3	8.68E-02	1	2.71E-02	3	1.89E-01
GSDMD	8					1	1.43E-02	1	1.43E-02	1	2.71E-02	1	2.71E-02
LOC653602	2					1	1.43E-02	1	1.43E-02	1	2.71E-02	1	2.71E-02
B3GLCT	13					1	1.43E-02	1	1.43E-02	1	3.02E-02	1	3.02E-02
KLHL26	19					1	1.43E-02	1	1.43E-02	1	3.02E-02	1	3.02E-02
PCF11	11					1	1.43E-02	1	1.43E-02	1	3.02E-02	1	3.02E-02
SDHB	1					1	1.43E-02	1	1.43E-02	1	3.02E-02	1	3.02E-02
TCP1	6					1	1.43E-02	1	1.43E-02	1	3.02E-02	1	3.02E-02
SUN1	7	4	9.86E-03	4	9.86E-03	1	1.44E-02	1	1.44E-02	4	3.75E-01	4	3.75E-01
ZNF577	19	5	1.10E-01	5	1.10E-01	2	1.52E-01	2	1.52E-01	5	1.46E-02	5	1.46E-02
NTAN1	16					1	1.46E-02	1	1.46E-02	1	2.90E-02	1	2.90E-02
UTS2R	17	1	8.60E-02	1	8.60E-02	1	1.46E-02	1	1.46E-02	2	1.39E-01	2	1.39E-01
NOLC1	10	3	7.89E-03	3	7.89E-03	1	1.47E-02	1	1.47E-02	3	6.17E-01	3	6.17E-01
CNTROB	17	2	1.63E-02	2	1.63E-02	1	1.47E-02	1	1.47E-02	3	2.95E-01	3	2.95E-01
EEF2K	16	2	5.39E-01	3	8.05E-01	2	4.58E-02	3	5.23E-02	1	1.48E-02	2	1.63E-02
NCKAP5	2	3	3.17E-01	5	1.93E-01	4	2.38E-01	6	2.39E-01	1	2.77E-02	3	1.48E-02
PDCD2	6					1	1.49E-02	1	1.49E-02	1	3.00E-02	1	3.00E-02
FLOT2	17	2	1.88E-02	2	1.88E-02	1	1.49E-02	1	1.49E-02	3	3.16E-01	3	3.16E-01
CD74	5	2	1.96E-02	2	1.96E-02	1	1.49E-02	1	1.49E-02	3	3.26E-01	3	3.26E-01
CDH6	5					1	1.49E-02	1	1.49E-02	1	3.00E-02	1	3.00E-02
DMTF1	7					1	1.49E-02	1	1.49E-02	1	3.00E-02	1	3.00E-02
FAM198B	4	1	6.43E-02	1	6.43E-02	1	1.49E-02	1	1.49E-02	1	2.30E-01	1	2.30E-01
GLT6D1	9	2	5.04E-02	3	5.91E-02	2	1.09E-01	3	1.15E-01	2	1.50E-02	3	1.52E-02
ASPSCR1	17	1	6.83E-02	1	6.83E-02	1	1.51E-02	1	1.51E-02	2	1.53E-01	2	1.53E-01
BRINP3	1					1	1.51E-02	1	1.51E-02	1	2.56E-02	1	2.56E-02
CCRL2	3					1	1.51E-02	1	1.51E-02	1	2.56E-02	1	2.56E-02
CETN3	5	1	1.08E-01	1	1.08E-01	1	1.51E-02	1	1.51E-02	1	1.93E-01	1	1.93E-01
FYN	6					1	1.51E-02	1	1.51E-02	1	2.56E-02	1	2.56E-02
KLHL32	6					1	1.51E-02	1	1.51E-02	1	2.56E-02	1	2.56E-02
LOC100134391	17					1	1.51E-02	1	1.51E-02	1	2.56E-02	1	2.56E-02
UBE2D3	4					1	1.51E-02	1	1.51E-02	1	2.56E-02	1	2.56E-02
ZG16B	16	1	7.46E-02	1	7.46E-02	1	1.51E-02	1	1.51E-02	2	1.53E-01	2	1.53E-01
MMP9	20	4	1.83E-01	4	1.83E-01	2	1.51E-02	2	1.51E-02	4	1.65E-01	4	1.65E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CARD11	7					1	1.53E-02	1	1.53E-02	1	2.77E-02	1	2.77E-02
ZNF226	19	4	7.48E-03	4	7.48E-03	1	1.53E-02	1	1.53E-02	4	6.36E-01	4	6.36E-01
KCTD13	16					1	1.53E-02	1	1.53E-02	1	2.77E-02	1	2.77E-02
CCT8	21	1	7.05E-02	1	7.05E-02	1	1.53E-02	1	1.53E-02	2	1.25E-01	2	1.25E-01
CDK19	6	1	1.10E-01	1	1.10E-01	1	1.53E-02	1	1.53E-02	2	1.27E-01	2	1.27E-01
OXNAD1	3	1	7.71E-02	1	7.71E-02	1	1.53E-02	1	1.53E-02	2	1.28E-01	2	1.28E-01
ERG	21					1	1.54E-02	1	1.54E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
ANKRD52	12					1	1.54E-02	1	1.54E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
LRIT1	10					1	1.54E-02	1	1.54E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
MYCBP2	13	1	6.51E-02	1	6.51E-02	1	1.54E-02	1	1.54E-02	2	1.22E-01	2	1.22E-01
NOD1	7					1	1.54E-02	1	1.54E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
NT5C1A	1	2	2.12E-02	2	2.12E-02	1	1.54E-02	1	1.54E-02	2	3.91E-01	2	3.91E-01
PRSS33	16					1	1.54E-02	1	1.54E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
RFX5	1					1	1.54E-02	1	1.54E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
ZNF662	3	1	8.49E-02	1	8.49E-02	1	1.54E-02	1	1.54E-02	2	1.29E-01	2	1.29E-01
GPR151	5	2	7.92E-01	3	5.24E-01	2	1.54E-02	3	1.82E-02	2	4.88E-02	3	4.94E-02
OR5AN1	11			1	7.57E-01			1	1.54E-02			1	1.60E-02
ING1	13	2	1.33E-02	2	1.33E-02	1	1.55E-02	1	1.55E-02	2	3.89E-01	2	3.89E-01
ITGB8	7					1	1.55E-02	1	1.55E-02	1	2.66E-02	1	2.66E-02
KATNAL2	18	1	8.94E-02	1	8.94E-02	1	1.55E-02	1	1.55E-02	2	1.30E-01	2	1.30E-01
NOL4	18	1	8.07E-02	1	8.07E-02	1	1.55E-02	1	1.55E-02	2	1.32E-01	2	1.32E-01
P2RX7	12					1	1.55E-02	1	1.55E-02	1	2.66E-02	1	2.66E-02
ZCCHC14	16			1	5.73E-01	1	1.55E-02	2	1.56E-02	1	2.66E-02	2	2.67E-02
ESPN	1	1	9.12E-01	1	9.12E-01	1	1.55E-02	1	1.55E-02	1	2.57E-02	1	2.57E-02
OR7A17	19	2	8.47E-01	2	8.47E-01	3	2.45E-02	3	2.45E-02	2	1.55E-02	2	1.55E-02
C3orf18	3	1	7.39E-01	2	1.00E+00	1	4.33E-01	2	2.94E-01			1	1.57E-02
ARID1B	6	1	7.20E-02	1	7.20E-02	1	1.58E-02	1	1.58E-02	2	1.45E-01	2	1.45E-01
DALRD3	3					1	1.58E-02	1	1.58E-02	1	2.90E-02	1	2.90E-02
GPBAR1	2	1	7.82E-02	1	7.82E-02	1	1.58E-02	1	1.58E-02	2	1.46E-01	2	1.46E-01
OARD1	6	1	7.17E-02	1	7.17E-02	1	1.58E-02	1	1.58E-02	2	1.46E-01	2	1.46E-01
ZNF79	9	1	7.53E-02	1	7.53E-02	1	1.58E-02	1	1.58E-02	2	1.48E-01	2	1.48E-01
A1BG	19	3	7.25E-01	3	7.25E-01	2	2.95E-02	2	2.95E-02	2	1.59E-02	2	1.59E-02
SLC30A3	2	2	1.53E-02	2	1.53E-02	1	1.59E-02	1	1.59E-02	2	4.19E-01	2	4.19E-01
ACTN4	19	1	7.81E-02	1	7.81E-02	1	1.59E-02	1	1.59E-02	2	1.89E-01	2	1.89E-01
LGALS1	22	1	8.30E-02	1	8.30E-02	1	1.59E-02	1	1.59E-02	1	1.99E-01	1	1.99E-01
NPTN	15	1	6.77E-02	1	6.77E-02	1	1.59E-02	1	1.59E-02	2	1.83E-01	2	1.83E-01
OR5I1	11			2	1.66E-01	1	1.59E-02	3	2.43E-01	1	2.71E-02	3	4.05E-01
TXNDC9	2					1	1.59E-02	1	1.59E-02	1	2.71E-02	1	2.71E-02
ZFP82	19	1	8.07E-02	1	8.07E-02	1	1.59E-02	1	1.59E-02	2	1.87E-01	2	1.87E-01
ATP5G2	12					1	1.61E-02	1	1.61E-02	1	2.94E-02	1	2.94E-02
D2HGDH	2	1	5.93E-02	1	5.93E-02	1	1.61E-02	1	1.61E-02	2	1.50E-01	2	1.50E-01
AIPL1	17					1	1.61E-02	1	1.61E-02	1	2.94E-02	1	2.94E-02
OR14C36	1			1	7.12E-01	1	1.61E-02	2	1.61E-02	1	2.96E-02	2	2.96E-02
AADAT	4					1	1.61E-02	1	1.61E-02	1	2.96E-02	1	2.96E-02
DNTTIP2	1					1	1.61E-02	1	1.61E-02	1	2.96E-02	1	2.96E-02
MRPL36	5					1	1.61E-02	1	1.61E-02	1	2.96E-02	1	2.96E-02
RBMXL2	11					1	1.61E-02	1	1.61E-02	1	2.96E-02	1	2.96E-02
VGLL4	3	1	7.80E-02	1	7.80E-02	1	1.61E-02	1	1.61E-02	2	1.66E-01	2	1.66E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ZBED4	22	1	5.93E-02	1	5.93E-02	1	1.61E-02	1	1.61E-02	2	1.58E-01	2	1.58E-01
OR5K2	3			1	2.08E-01			1	5.71E-02			1	1.62E-02
C11orf88	11					1	1.62E-02	1	1.62E-02	1	2.91E-02	1	2.91E-02
CLDN9	16					1	1.62E-02	1	1.62E-02	1	2.91E-02	1	2.91E-02
FERMT2	14					1	1.62E-02	1	1.62E-02	1	2.91E-02	1	2.91E-02
PRR5L	11					1	1.62E-02	1	1.62E-02	1	2.91E-02	1	2.91E-02
ZNF304	19	1	8.32E-02	1	8.32E-02	1	1.62E-02	1	1.62E-02	2	1.81E-01	2	1.81E-01
CLUH	17	1	6.01E-02	1	6.01E-02	1	1.66E-02	1	1.66E-02	2	1.75E-01	2	1.75E-01
FAM193B	5					1	1.66E-02	1	1.66E-02	1	2.95E-02	1	2.95E-02
PATE4	11					1	1.66E-02	1	1.66E-02	1	2.95E-02	1	2.95E-02
PRKD2	19					1	1.66E-02	1	1.66E-02	1	2.95E-02	1	2.95E-02
TBC1D10C	11	1	6.93E-02	1	6.93E-02	1	1.66E-02	1	1.66E-02	1	1.88E-01	1	1.88E-01
TEAD2	19	1	7.40E-02	1	7.40E-02	1	1.66E-02	1	1.66E-02	2	1.76E-01	2	1.76E-01
TMEM168	7					1	1.66E-02	1	1.66E-02	1	2.95E-02	1	2.95E-02
MYLK2	20	1	3.49E-01	1	3.49E-01	1	1.66E-02	1	1.66E-02	1	9.14E-02	1	9.14E-02
CSNK1E	22					1	1.67E-02	1	1.67E-02	1	3.14E-02	1	3.14E-02
CWF19L1	10					1	1.67E-02	1	1.67E-02	1	3.14E-02	1	3.14E-02
DDX25	11	1	6.94E-02	1	6.94E-02	1	1.67E-02	1	1.67E-02	2	1.74E-01	2	1.74E-01
LOC400927-CS	22					1	1.67E-02	1	1.67E-02	1	3.14E-02	1	3.14E-02
OR5D16	11			1	4.81E-01	1	1.67E-02	2	4.55E-02	1	3.14E-02	2	8.70E-02
KIAA2012	2	3	2.50E-01	4	1.70E-01	2	2.49E-02	3	1.67E-02	2	1.61E-01	3	1.55E-01
LAMA1	18	16	5.96E-03	16	5.96E-03	16	2.92E-01	16	2.92E-01	8	1.67E-02	8	1.67E-02
LSR	19	4	2.13E-01	4	2.13E-01	2	1.99E-02	2	1.99E-02	4	1.68E-02	4	1.68E-02
KIAA0430	16	7	5.39E-01	7	5.39E-01	5	3.22E-02	5	3.22E-02	5	1.68E-02	5	1.68E-02
PMF1	1	3	6.06E-01	3	6.06E-01	2	6.63E-02	2	6.63E-02	3	1.68E-02	3	1.68E-02
PMF1-BGLAP	1	3	6.06E-01	3	6.06E-01	2	6.63E-02	2	6.63E-02	3	1.68E-02	3	1.68E-02
USP20	9	3	3.13E-01	3	3.13E-01	4	8.88E-02	4	8.88E-02	3	1.70E-02	3	1.70E-02
KCNIP2	10	1	6.33E-03	1	6.33E-03	1	1.71E-02	1	1.71E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CSPG5	3					1	1.71E-02	1	1.71E-02	1	3.07E-02	1	3.07E-02
ECD	10			1	1.53E-01	1	1.71E-02	2	5.90E-02	1	3.07E-02	2	3.19E-01
ELANE	19					1	1.71E-02	1	1.71E-02	1	3.07E-02	1	3.07E-02
GALNT13	2	1	7.20E-02	1	7.20E-02	1	1.71E-02	1	1.71E-02	2	1.62E-01	2	1.62E-01
MRPL1	4					1	1.71E-02	1	1.71E-02	1	3.07E-02	1	3.07E-02
RAPH1	2	1	7.75E-02	1	7.75E-02	1	1.71E-02	1	1.71E-02	1	1.78E-01	1	1.78E-01
RPL4	15					1	1.71E-02	1	1.71E-02	1	3.07E-02	1	3.07E-02
SERPINF2	17					1	1.71E-02	1	1.71E-02	1	3.07E-02	1	3.07E-02
ADAM18	8	4	1.02E-01	4	1.02E-01	4	6.01E-02	4	6.01E-02	1	1.71E-02	1	1.71E-02
OSMR	5	6	8.80E-01	6	8.80E-01	3	3.34E-01	3	3.34E-01	4	1.72E-02	4	1.72E-02
ACACA	17					1	1.73E-02	1	1.73E-02	1	3.10E-02	1	3.10E-02
CDH26	20					1	1.73E-02	1	1.73E-02	1	3.10E-02	1	3.10E-02
DMBX1	1					1	1.73E-02	1	1.73E-02	1	3.10E-02	1	3.10E-02
PDE6D	2	1	6.93E-02	1	6.93E-02	1	1.73E-02	1	1.73E-02	2	1.65E-01	2	1.65E-01
POLR2G	11					1	1.73E-02	1	1.73E-02	1	3.10E-02	1	3.10E-02
PPP1R35	7	1	6.68E-02	1	6.68E-02	1	1.73E-02	1	1.73E-02	2	1.60E-01	2	1.60E-01
WAPL	10	1	1.15E-01	1	1.15E-01	1	1.73E-02	1	1.73E-02	2	1.55E-01	2	1.55E-01
SLC9A3R1	17	3	3.26E-01	3	3.26E-01	3	1.74E-02	3	1.74E-02	1	2.98E-02	1	2.98E-02
BRD8	5	2	9.49E-03	3	9.59E-03	1	1.77E-02	2	1.80E-02	3	3.30E-01	4	3.27E-01
ATF7IP	12	2	1.74E-02	2	1.74E-02	1	1.77E-02	1	1.77E-02	3	3.66E-01	3	3.66E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
STX19	3	1	8.08E-02	1	8.08E-02	1	1.77E-02	1	1.77E-02	2	1.75E-01	2	1.75E-01
CTNNBL1	20	1	8.19E-02	1	8.19E-02	1	1.77E-02	1	1.77E-02	2	1.74E-01	2	1.74E-01
DYNLRB1	20					1	1.77E-02	1	1.77E-02	1	2.77E-02	1	2.77E-02
FGA	4					1	1.77E-02	1	1.77E-02	1	2.77E-02	1	2.77E-02
NDUFA8	9					1	1.77E-02	1	1.77E-02	1	2.77E-02	1	2.77E-02
TRPC1	3					1	1.77E-02	1	1.77E-02	1	2.77E-02	1	2.77E-02
ANXA6	5	4	4.84E-01	4	4.84E-01	4	7.45E-02	4	7.45E-02	3	1.78E-02	3	1.78E-02
ZNF841	19	2	9.81E-03	2	9.81E-03	1	1.80E-02	1	1.80E-02	3	2.04E-01	3	2.04E-01
BRF1	14	2	1.77E-02	2	1.77E-02	1	1.80E-02	1	1.80E-02	3	3.56E-01	3	3.56E-01
CCDC115	2					1	1.80E-02	1	1.80E-02	1	3.07E-02	1	3.07E-02
MFAP4	17	1	1.95E-02	1	1.95E-02	1	1.80E-02	1	1.80E-02	2	2.06E-01	2	2.06E-01
WDR4	21	1	8.67E-02	1	8.67E-02	1	1.80E-02	1	1.80E-02	2	1.67E-01	2	1.67E-01
C1orf53	1	1	6.43E-02	1	6.43E-02	1	1.82E-02	1	1.82E-02	1	2.70E-01	1	2.70E-01
LCN12	9					1	1.82E-02	1	1.82E-02	1	2.77E-02	1	2.77E-02
PDYN	20	1	5.93E-02	1	5.93E-02	1	1.82E-02	1	1.82E-02	2	1.61E-01	2	1.61E-01
VSTM4	10	2	1.53E-02	2	1.53E-02	1	1.83E-02	1	1.83E-02	2	4.09E-01	2	4.09E-01
CFH	1					1	1.83E-02	1	1.83E-02	1	3.20E-02	1	3.20E-02
ENTPD8	9	1	7.42E-02	1	7.42E-02	1	1.83E-02	1	1.83E-02	2	1.87E-01	2	1.87E-01
PRSS36	16					1	1.83E-02	1	1.83E-02	1	3.20E-02	1	3.20E-02
PSPH	7					1	1.83E-02	1	1.83E-02	1	3.20E-02	1	3.20E-02
NKX2-8	14					1	1.86E-02	1	1.86E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
RNF121	11	1	7.68E-02	1	7.68E-02	1	1.86E-02	1	1.86E-02	1	1.81E-01	1	1.81E-01
12-Sep	16	1	8.68E-02	1	8.68E-02	1	1.86E-02	1	1.86E-02	2	1.79E-01	2	1.79E-01
ARHGEF18	19	4	7.72E-01	4	7.72E-01	5	1.86E-02	5	1.86E-02	3	2.05E-02	3	2.05E-02
PLG	6	5	2.52E-01	5	2.52E-01	5	1.43E-01	5	1.43E-01	3	1.87E-02	3	1.87E-02
ZIM3	19	1	2.85E-01	1	2.85E-01	1	1.87E-02	1	1.87E-02	1	1.01E-01	1	1.01E-01
FAM180A	7	2	4.60E-01	2	4.60E-01	2	4.62E-02	2	4.62E-02	1	1.88E-02	1	1.88E-02
EMSY	11	6	9.21E-02	6	9.21E-02	7	4.08E-01	7	4.08E-01	1	1.88E-02	1	1.88E-02
GPBP1	5	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	1.06E-01	2	1.06E-01	1	1.88E-02	1	1.88E-02
LOC101929726	6	1	3.93E-01	1	3.93E-01	1	7.26E-02	1	7.26E-02	1	1.88E-02	1	1.88E-02
PSD2	5	1	3.98E-01	1	3.98E-01	1	6.58E-02	1	6.58E-02	1	1.88E-02	1	1.88E-02
WDR11	10	4	9.70E-02	4	9.70E-02	5	2.75E-01	5	2.75E-01	1	1.88E-02	1	1.88E-02
ZNF227	19	2	3.08E-01	2	3.08E-01	3	1.58E-01	3	1.58E-01	1	1.88E-02	1	1.88E-02
SIGIRR	11	1	2.11E-01	1	2.11E-01	2	1.89E-02	2	1.89E-02	2	1.18E-01	2	1.18E-01
APOA5	11	1	7.53E-01	2	8.23E-01	2	5.73E-02	3	2.30E-02	1	2.49E-02	2	1.90E-02
LIPA	10					1	1.91E-02	1	1.91E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
MBOAT7	19					1	1.91E-02	1	1.91E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
SF1	11	2	1.81E-02	2	1.81E-02	1	1.91E-02	1	1.91E-02	3	4.23E-01	3	4.23E-01
DEFA5	8					1	1.91E-02	1	1.91E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
ELMOD2	4					1	1.91E-02	1	1.91E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
KIAA1211L	2	2	2.08E-02	2	2.08E-02	1	1.91E-02	1	1.91E-02	2	4.44E-01	2	4.44E-01
ACTRT3	3	1	5.36E-02	1	5.36E-02	1	1.91E-02	1	1.91E-02	1	2.20E-01	1	2.20E-01
MYOF	10	14	3.37E-01	16	4.26E-01	14	1.62E-01	16	4.79E-02	5	3.81E-02	7	1.92E-02
THBS4	5	3	8.26E-01	3	8.26E-01	2	1.97E-02	2	1.97E-02	2	3.67E-02	2	3.67E-02
DAP	5	1	6.93E-02	2	5.06E-01			1	1.99E-02	1	6.53E-01	2	9.71E-02
NWD2	4	3	7.08E-01	4	7.08E-01	3	2.19E-02	4	2.19E-02	3	2.01E-02	4	2.01E-02
PRKCQ	10	4	7.95E-01	4	7.95E-01	4	3.67E-02	4	3.67E-02	3	2.01E-02	3	2.01E-02
CTAGE5	14	1	7.61E-01	1	7.61E-01	2	5.92E-02	2	5.92E-02	1	2.02E-02	1	2.02E-02

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ARHGAP20	11	3	3.40E-01	3	3.40E-01	3	1.71E-01	3	1.71E-01	1	2.02E-02	1	2.02E-02
BTBD7	14	2	1.03E-01	2	1.03E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01	1	2.02E-02	1	2.02E-02
GPN3	12	1	7.52E-01	1	7.52E-01	2	5.96E-02	2	5.96E-02	1	2.02E-02	1	2.02E-02
MMP15	16	2	5.71E-01	2	5.71E-01	3	1.14E-01	3	1.14E-01	1	2.02E-02	1	2.02E-02
MRPL2	6	2	3.31E-01	2	3.31E-01	2	1.44E-01	2	1.44E-01	1	2.02E-02	1	2.02E-02
ZNF831	20	2	1.29E-01	2	1.29E-01	3	1.79E-01	3	1.79E-01	1	2.02E-02	1	2.02E-02
SORBS2	4	4	1.04E-03	4	1.04E-03	1	2.03E-02	1	2.03E-02	4	1.00E+00	4	1.00E+00
EGFL7	9	3	5.38E-03	3	5.38E-03	1	2.03E-02	1	2.03E-02	3	5.47E-01	3	5.47E-01
MASP1	3	3	6.46E-03	3	6.46E-03	1	2.03E-02	1	2.03E-02	4	3.66E-01	4	3.66E-01
C2orf78	2	2	1.92E-02	2	1.92E-02	1	2.03E-02	1	2.03E-02	3	3.76E-01	3	3.76E-01
CREB3L4	1					1	2.03E-02	1	2.03E-02	1	3.13E-02	1	3.13E-02
LARP7	4					1	2.03E-02	1	2.03E-02	1	3.13E-02	1	3.13E-02
OVOL1	11					1	2.03E-02	1	2.03E-02	1	3.13E-02	1	3.13E-02
SH2D4B	10					1	2.03E-02	1	2.03E-02	1	3.13E-02	1	3.13E-02
TRAM1	8					1	2.04E-02	1	2.04E-02	1	3.02E-02	1	3.02E-02
KLF15	3					1	2.04E-02	1	2.04E-02	1	3.02E-02	1	3.02E-02
ZPR1	11	1	4.53E-01	1	4.53E-01	1	2.04E-02	1	2.04E-02	1	9.09E-02	1	9.09E-02
CNDP1	18	2	2.13E-03	2	2.13E-03	1	2.06E-02	1	2.06E-02	3	2.91E-01	3	2.91E-01
CEBPA	19					1	2.06E-02	1	2.06E-02	1	2.66E-02	1	2.66E-02
SLC39A8	4					1	2.06E-02	1	2.06E-02	1	2.66E-02	1	2.66E-02
TCFL5	20	1	4.44E-01	1	4.44E-01	2	2.08E-02	2	2.08E-02	2	8.52E-02	2	8.52E-02
CCDC109B	4	5	4.55E-01	5	4.55E-01	4	2.09E-02	4	2.09E-02	4	3.54E-02	4	3.54E-02
MYRFL	12	1	1.38E-01	1	1.38E-01	1	1.22E-01	1	1.22E-01	1	2.09E-02	1	2.09E-02
UCN	2	1	2.18E-01	1	2.18E-01	1	1.08E-01	1	1.08E-01	1	2.09E-02	1	2.09E-02
CRTAP	3	6	1.60E-01	6	1.60E-01	6	1.47E-01	6	1.47E-01	2	2.09E-02	2	2.09E-02
GAL3ST1	22	2	1.89E-02	2	1.89E-02	1	2.11E-02	1	2.11E-02	2	5.00E-01	2	5.00E-01
BAALC	8					1	2.11E-02	1	2.11E-02	1	2.80E-02	1	2.80E-02
KIF25	6	1	7.13E-02	1	7.13E-02	1	2.11E-02	1	2.11E-02	2	2.26E-01	2	2.26E-01
NTPCR	1					1	2.11E-02	1	2.11E-02	1	2.80E-02	1	2.80E-02
PLCG1	20					1	2.11E-02	1	2.11E-02	1	2.80E-02	1	2.80E-02
TAF6L	11					1	2.11E-02	1	2.11E-02	1	2.80E-02	1	2.80E-02
ZNF639	3					1	2.11E-02	1	2.11E-02	1	2.80E-02	1	2.80E-02
UMODL1	21	7	8.05E-01	8	8.19E-01	6	2.15E-02	7	2.28E-02	5	1.12E-01	6	1.21E-01
KRT12	17	3	5.79E-01	3	5.79E-01	5	2.17E-02	5	2.17E-02	4	7.78E-02	4	7.78E-02
CCDC191	3	7	5.11E-02	7	5.11E-02	6	5.18E-01	6	5.18E-01	3	2.20E-02	3	2.20E-02
ABHD4	14	1	7.65E-01	1	7.65E-01	2	6.08E-02	2	6.08E-02	1	2.20E-02	1	2.20E-02
DRD1	5	1	2.30E-01	1	2.30E-01	1	1.36E-01	1	1.36E-01	1	2.20E-02	1	2.20E-02
HHLA2	3	1	4.03E-01	1	4.03E-01	2	1.07E-01	2	1.07E-01	1	2.20E-02	1	2.20E-02
JPH1	8	1	4.06E-01	1	4.06E-01	1	8.70E-02	1	8.70E-02	1	2.20E-02	1	2.20E-02
KDEL2	7	1	7.55E-01	1	7.55E-01	2	6.05E-02	2	6.05E-02	1	2.20E-02	1	2.20E-02
KDM4C	9	1	7.48E-01	1	7.48E-01	2	5.86E-02	2	5.86E-02	1	2.20E-02	1	2.20E-02
NAP1L4	11	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.03E-02	1	4.03E-02	1	2.20E-02	1	2.20E-02
SLCO4C1	5	2	5.58E-01	2	5.58E-01	3	1.11E-01	3	1.11E-01	1	2.20E-02	1	2.20E-02
WDR83	19	1	7.36E-01	1	7.36E-01	2	5.46E-02	2	5.46E-02	1	2.20E-02	1	2.20E-02
APPL1	3	1	7.39E-01	1	7.39E-01	2	6.02E-02	2	6.02E-02	1	2.21E-02	1	2.21E-02
ABAT	16	2	5.80E-01	2	5.80E-01	3	1.17E-01	3	1.17E-01	1	2.21E-02	1	2.21E-02
ATP2B2	3	4	2.19E-01	4	2.19E-01	5	2.79E-01	5	2.79E-01	1	2.21E-02	1	2.21E-02
LCN8	9	1	7.43E-01	1	7.43E-01	2	5.79E-02	2	5.79E-02	1	2.21E-02	1	2.21E-02

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MEGF6	1	6	8.77E-02	7	1.33E-01	6	4.32E-01	7	2.90E-01	1	2.21E-02	2	9.73E-02
MMP14	14	1	7.34E-01	1	7.34E-01	2	5.45E-02	2	5.45E-02	1	2.21E-02	1	2.21E-02
NT5C3B	17	3	8.76E-02	4	8.80E-02	3	3.97E-01	4	3.97E-01	1	2.27E-02	2	2.23E-02
TMCO2	1	1	1.41E-01	1	1.41E-01	1	2.24E-02	1	2.24E-02	1	1.83E-01	1	1.83E-01
TNFRSF4	1	1	4.36E-01	1	4.36E-01	1	5.82E-02	1	5.82E-02	1	2.26E-02	1	2.26E-02
C3	19	3	1.45E-01	3	1.45E-01	3	4.17E-01	3	4.17E-01	1	2.27E-02	1	2.27E-02
ATR	3	2	5.51E-01	2	5.51E-01	3	1.14E-01	3	1.14E-01	1	2.27E-02	1	2.27E-02
AK3	9	1	7.38E-01	1	7.38E-01	1	4.67E-02	1	4.67E-02	1	2.27E-02	1	2.27E-02
ATP2B4	1	2	2.93E-01	2	2.93E-01	3	1.49E-01	3	1.49E-01	1	2.27E-02	1	2.27E-02
DISP2	15	2	5.79E-01	2	5.79E-01	3	1.13E-01	3	1.13E-01	1	2.27E-02	1	2.27E-02
EXTL1	1	3	1.64E-01	3	1.64E-01	4	2.27E-01	4	2.27E-01	1	2.27E-02	1	2.27E-02
GCOM1	15	1	6.81E-01	1	6.81E-01	2	5.08E-02	2	5.08E-02	1	2.27E-02	1	2.27E-02
MYZAP	15	1	6.81E-01	1	6.81E-01	2	5.08E-02	2	5.08E-02	1	2.27E-02	1	2.27E-02
NAA50	3	1	7.61E-01	1	7.61E-01	2	6.56E-02	2	6.56E-02	1	2.27E-02	1	2.27E-02
PLPP7	9	2	8.53E-02	2	8.53E-02	2	6.37E-01	2	6.37E-01	1	2.27E-02	1	2.27E-02
RANBP2	2	1	7.49E-01	1	7.49E-01	2	6.17E-02	2	6.17E-02	1	2.27E-02	1	2.27E-02
SCGN	6	1	7.54E-01	1	7.54E-01	2	6.80E-02	2	6.80E-02	1	2.27E-02	1	2.27E-02
MYO5B	18	4	2.06E-01	5	3.53E-01	4	1.00E-01	5	1.01E-01	1	2.30E-02	2	2.36E-02
TP53BP1	15	7	9.37E-02	7	9.37E-02	8	2.11E-01	8	2.11E-01	3	2.30E-02	3	2.30E-02
PYGL	14	9	3.31E-01	9	3.31E-01	10	1.24E-01	10	1.24E-01	6	2.31E-02	6	2.31E-02
SMPDL3A	6			1	8.22E-01			1	2.57E-02			1	2.32E-02
OR10H3	19	2	5.43E-01	4	5.28E-01	1	2.35E-02	3	5.11E-02	2	1.40E-01	4	1.80E-01
HCN3	1	4	1.52E-01	4	1.52E-01	4	3.28E-01	4	3.28E-01	1	2.35E-02	1	2.35E-02
MORC1	3	2	5.53E-01	2	5.53E-01	2	1.25E-01	2	1.25E-01	1	2.35E-02	1	2.35E-02
MYO1G	7	4	2.28E-01	4	2.28E-01	5	2.50E-01	5	2.50E-01	1	2.35E-02	1	2.35E-02
PAPD4	5	1	7.63E-01	1	7.63E-01	2	6.15E-02	2	6.15E-02	1	2.35E-02	1	2.35E-02
TYMP	22	2	5.57E-01	2	5.57E-01	3	1.22E-01	3	1.22E-01	1	2.35E-02	1	2.35E-02
ZNF484	9	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	5.37E-02	1	5.37E-02	1	2.35E-02	1	2.35E-02
BCL6	3	1	7.55E-01	1	7.55E-01	2	6.26E-02	2	6.26E-02	1	2.36E-02	1	2.36E-02
DISP1	1	3	3.36E-01	3	3.36E-01	4	1.88E-01	4	1.88E-01	1	2.36E-02	1	2.36E-02
FAM3B	21	1	4.13E-01	1	4.13E-01	1	7.78E-02	1	7.78E-02	1	2.36E-02	1	2.36E-02
ODF1	8	2	5.72E-01	2	5.72E-01	3	1.15E-01	3	1.15E-01	1	2.36E-02	1	2.36E-02
RNF20	9	1	7.61E-01	1	7.61E-01	2	6.07E-02	2	6.07E-02	1	2.36E-02	1	2.36E-02
CFAP53	18	4	6.33E-01	4	6.33E-01	4	3.58E-02	4	3.58E-02	3	2.37E-02	3	2.37E-02
ACSM4	12	4	8.53E-01	5	5.30E-01	3	7.86E-01	4	6.15E-02	2	6.19E-01	3	2.38E-02
FHOD3	18	7	5.35E-01	7	5.35E-01	5	2.39E-02	5	2.39E-02	5	1.75E-01	5	1.75E-01
ANGPTL7	1	1	2.84E-02	1	2.84E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.39E-02	1	2.39E-02
CEACAM1	19	1	7.49E-01	1	7.49E-01	2	5.83E-02	2	5.83E-02	1	2.39E-02	1	2.39E-02
DUSP5	10	2	1.34E-01	2	1.34E-01	2	3.43E-01	2	3.43E-01	1	2.39E-02	1	2.39E-02
FAM83F	22	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.17E-02	1	5.17E-02	1	2.39E-02	1	2.39E-02
SMC4	3	1	7.54E-01	1	7.54E-01	2	6.16E-02	2	6.16E-02	1	2.39E-02	1	2.39E-02
TXK	4	1	7.45E-01	1	7.45E-01	2	5.86E-02	2	5.86E-02	1	2.39E-02	1	2.39E-02
CHP2	16	1	7.23E-02	1	7.23E-02	1	2.39E-02	1	2.39E-02	1	2.87E-01	1	2.87E-01
DNHD1	11	18	7.75E-01	18	7.75E-01	13	9.15E-02	13	9.15E-02	9	2.42E-02	9	2.42E-02
OR2T4	1	1	7.61E-01	2	8.18E-01	2	7.35E-02	3	7.30E-02	1	2.76E-02	2	2.42E-02
ACTR6	12	3	3.33E-01	3	3.33E-01	4	1.80E-01	4	1.80E-01	1	2.46E-02	1	2.46E-02
ATF3	1	1	7.45E-01	1	7.45E-01	2	6.21E-02	2	6.21E-02	1	2.46E-02	1	2.46E-02
C2orf80	2	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	1.49E-01	2	1.49E-01	1	2.46E-02	1	2.46E-02

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
GRIK2	6	2	2.96E-01	2	2.96E-01	3	1.58E-01	3	1.58E-01	1	2.46E-02	1	2.46E-02
PBRM1	3	2	5.80E-01	2	5.80E-01	3	1.16E-01	3	1.16E-01	1	2.46E-02	1	2.46E-02
PCDHB12	5	2	5.76E-01	2	5.76E-01	3	1.16E-01	3	1.16E-01	1	2.46E-02	1	2.46E-02
STAT2	12	3	3.35E-01	3	3.35E-01	3	2.19E-01	3	2.19E-01	1	2.46E-02	1	2.46E-02
FBXO40	3	6	4.44E-01	6	4.44E-01	6	1.46E-01	6	1.46E-01	3	2.47E-02	3	2.47E-02
SDAD1	4	4	3.70E-01	4	3.70E-01	5	2.49E-02	5	2.49E-02	2	2.61E-02	2	2.61E-02
ADAP1	7	3	1.08E-01	3	1.08E-01	3	2.42E-01	3	2.42E-01	1	2.49E-02	1	2.49E-02
BBS2	16	2	5.85E-01	2	5.85E-01	3	1.10E-01	3	1.10E-01	1	2.49E-02	1	2.49E-02
PDE1B	12	1	7.56E-01	1	7.56E-01	2	6.14E-02	2	6.14E-02	1	2.49E-02	1	2.49E-02
PTPMT1	11	2	7.49E-02	3	1.73E-01	2	1.00E+00	3	7.01E-01	1	2.49E-02	2	1.12E-01
TMEM80	11	1	2.27E-01	1	2.27E-01	2	1.11E-01	2	1.11E-01	1	2.49E-02	1	2.49E-02
UBR2	6	2	5.59E-01	2	5.59E-01	3	1.08E-01	3	1.08E-01	1	2.49E-02	1	2.49E-02
PLCD1	3	4	5.37E-01	4	5.37E-01	5	2.50E-02	5	2.50E-02	6	4.50E-02	6	4.50E-02
CD226	18	1	7.53E-01	1	7.53E-01	2	8.50E-02	2	8.50E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
C6orf1	6	1	8.20E-02	1	8.20E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.50E-02	1	2.50E-02
HOXA4	7	1	7.42E-01	1	7.42E-01	2	8.23E-02	2	8.23E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
INO80E	16	2	3.23E-01	2	3.23E-01	2	2.79E-01	2	2.79E-01	1	2.50E-02	1	2.50E-02
SPDEF	6	1	7.49E-01	1	7.49E-01	2	8.88E-02	2	8.88E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
TALDO1	11	2	3.19E-01	2	3.19E-01	2	2.31E-01	2	2.31E-01	1	2.50E-02	1	2.50E-02
BACH1	21	2	3.19E-01	2	3.19E-01	3	1.44E-01	3	1.44E-01	1	2.50E-02	1	2.50E-02
DCBLD1	6	1	7.58E-01	1	7.58E-01	2	6.09E-02	2	6.09E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
GTF3C4	9	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	1.37E-01	2	1.37E-01	1	2.50E-02	1	2.50E-02
NIPAL1	4	1	1.03E-01	1	1.03E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.50E-02	1	2.50E-02
SLC25A38	3	1	7.46E-01	1	7.46E-01	2	6.19E-02	2	6.19E-02	1	2.50E-02	1	2.50E-02
SRR	17	2	5.60E-01	2	5.60E-01	2	1.11E-01	2	1.11E-01	1	2.50E-02	1	2.50E-02
MEGF8	19	8	5.75E-01	8	5.75E-01	7	4.57E-02	7	4.57E-02	5	2.51E-02	5	2.51E-02
CSNK1G3	5	1	7.50E-01	1	7.50E-01	2	6.87E-02	2	6.87E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
FTSJ2	7	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.93E-02	1	5.93E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
GRHPR	9	2	5.75E-01	2	5.75E-01	3	1.35E-01	3	1.35E-01	1	2.52E-02	1	2.52E-02
RTEL1	20	4	1.55E-01	4	1.55E-01	5	2.95E-01	5	2.95E-01	1	2.52E-02	1	2.52E-02
SLC25A25	9	1	1.58E-01	1	1.58E-01	2	1.11E-01	2	1.11E-01	1	2.52E-02	1	2.52E-02
SLC25A3	12	1	7.64E-01	1	7.64E-01	2	6.87E-02	2	6.87E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
1-Sep	16	1	6.01E-02	1	6.01E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.52E-02	1	2.52E-02
LMTK2	7	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.74E-02	1	5.74E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
BAIAP2	17	1	7.58E-01	1	7.58E-01	2	6.35E-02	2	6.35E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
DSC2	18	2	5.75E-01	2	5.75E-01	3	1.14E-01	3	1.14E-01	1	2.52E-02	1	2.52E-02
FOXN4	12	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	1.51E-01	2	1.51E-01	1	2.52E-02	1	2.52E-02
MCM7	7	2	5.63E-01	2	5.63E-01	2	1.63E-01	2	1.63E-01	1	2.52E-02	1	2.52E-02
SUPT3H	6	1	7.61E-01	1	7.61E-01	2	6.08E-02	2	6.08E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
TDG	12	1	7.49E-01	1	7.49E-01	2	5.94E-02	2	5.94E-02	1	2.52E-02	1	2.52E-02
FDPS	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.87E-02	2	3.87E-02	2	2.53E-02	2	2.53E-02
ABCC2	10	6	8.68E-03	6	8.68E-03	7	2.53E-02	7	2.53E-02	5	1.49E-01	5	1.49E-01
FBXO4	5	2	1.74E-01	2	1.74E-01	1	2.53E-02	1	2.53E-02	2	1.72E-01	2	1.72E-01
BUB1	2	2	5.63E-01	2	5.63E-01	3	1.18E-01	3	1.18E-01	1	2.53E-02	1	2.53E-02
CBLN3	14	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.85E-02	1	5.85E-02	1	2.53E-02	1	2.53E-02
OR1L3	9	2	3.14E-01	2	3.14E-01	2	2.25E-01	2	2.25E-01	1	2.53E-02	1	2.53E-02
TP53TG5	20	2	5.54E-01	2	5.54E-01	3	1.24E-01	3	1.24E-01	1	2.53E-02	1	2.53E-02
UTP23	8	1	6.10E-02	2	1.74E-01			1	6.34E-02	1	6.69E-01	2	2.54E-02

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MTUS1	8	13	5.72E-01	13	5.72E-01	13	4.97E-02	13	4.97E-02	5	2.55E-02	5	2.55E-02
KRT39	17	2	6.10E-01	2	6.10E-01	2	2.55E-02	2	2.55E-02	3	1.27E-01	3	1.27E-01
SH3PXD2A	10	5	3.56E-01	5	3.56E-01	5	1.01E-01	5	1.01E-01	2	2.55E-02	2	2.55E-02
B4GALNT1	12	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	6.64E-02	1	6.64E-02	1	2.56E-02	1	2.56E-02
C22orf23	22	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	6.52E-02	1	6.52E-02	1	2.56E-02	1	2.56E-02
DCAF4L2	8	1	4.09E-01	1	4.09E-01	1	1.10E-01	1	1.10E-01	1	2.56E-02	1	2.56E-02
HCRTR1	1	1	7.58E-01	1	7.58E-01	2	7.30E-02	2	7.30E-02	1	2.56E-02	1	2.56E-02
L3MBTL1	20	5	1.02E-01	5	1.02E-01	5	6.51E-01	5	6.51E-01	1	2.56E-02	1	2.56E-02
MTFR1L	1	1	7.38E-01	1	7.38E-01	2	7.67E-02	2	7.67E-02	1	2.56E-02	1	2.56E-02
SRPK1	6	1	7.35E-01	1	7.35E-01	2	7.48E-02	2	7.48E-02	1	2.56E-02	1	2.56E-02
TMEM45B	11	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.84E-02	1	5.84E-02	1	2.56E-02	1	2.56E-02
WNK1	12	9	2.69E-01	9	2.69E-01	10	1.87E-01	10	1.87E-01	3	2.56E-02	3	2.56E-02
C2orf71	2	5	7.83E-01	5	7.83E-01	4	2.57E-02	4	2.57E-02	4	8.29E-02	4	8.29E-02
ERICH3	1	1	7.55E-02	2	7.55E-02			1	2.58E-02	1	6.12E-01	2	6.12E-01
CDNF	10	1	4.23E-01	1	4.23E-01	1	2.99E-02	1	2.99E-02	1	2.60E-02	1	2.60E-02
FGG	4	2	7.19E-01	2	7.19E-01	3	5.85E-02	3	5.85E-02	2	2.60E-02	2	2.60E-02
CEP68	2	2	7.02E-01	2	7.02E-01	2	4.61E-02	2	4.61E-02	1	2.61E-02	1	2.61E-02
SUGP1	19			1	7.66E-01			1	4.79E-02			1	2.62E-02
L3MBTL4	18	1	7.52E-01	1	7.52E-01	2	7.47E-02	2	7.47E-02	1	2.62E-02	1	2.62E-02
DDO	6	2	7.60E-02	2	7.60E-02	3	1.78E-01	3	1.78E-01	1	2.62E-02	1	2.62E-02
JUP	17	3	3.56E-01	4	1.00E+00	4	1.37E-01	5	2.87E-01	1	2.62E-02	2	1.88E-01
MRO	18	1	4.09E-01	1	4.09E-01	2	1.07E-01	2	1.07E-01	1	2.62E-02	1	2.62E-02
NCAPH2	22	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	1.61E-01	2	1.61E-01	1	2.62E-02	1	2.62E-02
PIWIL1	12	1	7.61E-01	1	7.61E-01	2	7.08E-02	2	7.08E-02	1	2.62E-02	1	2.62E-02
RAD51D	17	2	5.72E-01	2	5.72E-01	3	1.30E-01	3	1.30E-01	1	2.62E-02	1	2.62E-02
SMPD2	6	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	1.60E-01	2	1.60E-01	1	2.62E-02	1	2.62E-02
USF2	19	1	7.55E-01	1	7.55E-01	2	6.55E-02	2	6.55E-02	1	2.62E-02	1	2.62E-02
YBX3	12	2	3.12E-01	2	3.12E-01	2	2.27E-01	2	2.27E-01	1	2.62E-02	1	2.62E-02
OR6C74	12	3	4.27E-02	4	4.27E-02	3	2.44E-01	4	2.44E-01	3	2.62E-02	4	2.62E-02
ACO1	9	7	2.60E-01	7	2.60E-01	4	2.63E-02	4	2.63E-02	5	1.36E-01	5	1.36E-01
CD79A	19	2	6.82E-01	2	6.82E-01	1	2.65E-02	1	2.65E-02	2	4.86E-02	2	4.86E-02
S1PR3	9	2	6.06E-01	2	6.06E-01	2	7.96E-02	2	7.96E-02	2	2.65E-02	2	2.65E-02
PBK	8	3	3.40E-01	3	3.40E-01	4	2.23E-01	4	2.23E-01	1	2.66E-02	1	2.66E-02
DVL3	3	2	5.70E-01	2	5.70E-01	3	1.39E-01	3	1.39E-01	1	2.66E-02	1	2.66E-02
FGFR4	5	6	8.11E-02	6	8.11E-02	7	4.83E-01	7	4.83E-01	1	2.66E-02	1	2.66E-02
GATA6	18	1	1.45E-01	1	1.45E-01	1	2.33E-01	1	2.33E-01	1	2.66E-02	1	2.66E-02
GRK5	10	1	7.26E-01	1	7.26E-01	2	6.48E-02	2	6.48E-02	1	2.66E-02	1	2.66E-02
MAP1S	19	3	1.31E-01	4	1.30E-01	3	2.81E-01	4	2.82E-01	1	2.66E-02	2	2.76E-02
NIPAL2	8	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	1.80E-01	2	1.80E-01	1	2.66E-02	1	2.66E-02
QARS	3	2	1.43E-01	2	1.43E-01	3	1.91E-01	3	1.91E-01	1	2.66E-02	1	2.66E-02
SHC2	19	4	1.15E-01	4	1.15E-01	5	3.19E-01	5	3.19E-01	1	2.66E-02	1	2.66E-02
TAF2	8	1	7.46E-01	1	7.46E-01	2	7.45E-02	2	7.45E-02	1	2.66E-02	1	2.66E-02
TGM3	20	4	1.58E-01	4	1.58E-01	4	3.83E-01	4	3.83E-01	1	2.66E-02	1	2.66E-02
PROB1	5	2	5.74E-01	3	5.65E-01	3	1.17E-01	4	1.17E-01	1	2.83E-02	2	2.66E-02
CALY	10	1	2.40E-01	1	2.40E-01	1	1.89E-01	1	1.89E-01	1	2.66E-02	1	2.66E-02
CACNB4	2	2	3.21E-01	2	3.21E-01	2	2.25E-01	2	2.25E-01	1	2.67E-02	1	2.67E-02
MCM5	22	3	3.29E-01	3	3.29E-01	4	2.04E-01	4	2.04E-01	1	2.67E-02	1	2.67E-02
NME6	3	1	7.44E-01	1	7.44E-01	2	6.10E-02	2	6.10E-02	1	2.67E-02	1	2.67E-02

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PKN1	19	1	7.44E-01	1	7.44E-01	2	5.87E-02	2	5.87E-02	1	2.67E-02	1	2.67E-02
SPEM1	17	1	1.61E-01	1	1.61E-01	1	1.88E-01	1	1.88E-01	1	2.67E-02	1	2.67E-02
TNFRSF21	6	2	5.74E-01	2	5.74E-01	3	1.16E-01	3	1.16E-01	1	2.67E-02	1	2.67E-02
TRMT44	4	4	1.47E-01	4	1.47E-01	4	3.56E-01	4	3.56E-01	1	2.67E-02	1	2.67E-02
UBASH3A	21	2	3.35E-01	3	7.04E-01	3	1.63E-01	4	9.17E-02	1	2.67E-02	2	6.54E-02
PLBD1	12	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	2.69E-02	3	2.69E-02	1	4.85E-02	2	4.85E-02
CAMSAP2	1	6	7.16E-01	6	7.16E-01	3	2.70E-02	3	2.70E-02	4	3.02E-02	4	3.02E-02
PROM2	2	2	7.30E-02	2	7.30E-02	2	2.70E-02	2	2.70E-02	3	4.28E-01	3	4.28E-01
LMOD2	7	5	8.57E-02	5	8.57E-02	5	5.34E-01	5	5.34E-01	1	2.70E-02	1	2.70E-02
MEIS3	19	3	1.92E-01	3	1.92E-01	4	2.39E-01	4	2.39E-01	1	2.70E-02	1	2.70E-02
NREP	5	1	2.37E-01	1	2.37E-01	1	1.61E-01	1	1.61E-01	1	2.70E-02	1	2.70E-02
SRF	6	2	9.62E-02	2	9.62E-02	3	1.60E-01	3	1.60E-01	1	2.70E-02	1	2.70E-02
ACOX1	17	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	1.67E-01	2	1.67E-01	1	2.71E-02	1	2.71E-02
ADCY6	12	3	1.53E-01	3	1.53E-01	4	2.29E-01	4	2.29E-01	1	2.71E-02	1	2.71E-02
ADGRG3	16	3	1.56E-01	3	1.56E-01	3	2.88E-01	3	2.88E-01	1	2.71E-02	1	2.71E-02
ADH5	4	2	3.20E-01	2	3.20E-01	2	1.70E-01	2	1.70E-01	1	2.71E-02	1	2.71E-02
BCL2L12	19	1	4.14E-01	1	4.14E-01	1	1.04E-01	1	1.04E-01	1	2.71E-02	1	2.71E-02
RALYL	8	1	7.44E-01	1	7.44E-01	2	6.63E-02	2	6.63E-02	1	2.71E-02	1	2.71E-02
TRMT5	14	2	5.47E-01	2	5.47E-01	3	1.12E-01	3	1.12E-01	1	2.71E-02	1	2.71E-02
KANSL1	17	1	7.58E-01	1	7.58E-01	2	7.60E-02	2	7.60E-02	1	2.71E-02	1	2.71E-02
ARHGAP5	14	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	1.29E-01	2	1.29E-01	1	2.71E-02	1	2.71E-02
HIST1H1T	6	2	5.57E-01	3	6.40E-01	3	1.37E-01	4	1.96E-01	1	2.71E-02	2	9.54E-02
RBSN	3	2	6.82E-01	2	6.82E-01	2	2.73E-02	2	2.73E-02	3	3.95E-02	3	3.95E-02
ZBTB11	3	2	5.68E-01	2	5.68E-01	3	1.16E-01	3	1.16E-01	1	2.76E-02	1	2.76E-02
ANKS1A	6	2	5.59E-01	2	5.59E-01	3	1.30E-01	3	1.30E-01	1	2.76E-02	1	2.76E-02
CLIP1	12	1	4.13E-01	2	1.39E-01	1	1.11E-01	2	2.54E-01	1	2.76E-02	2	4.55E-02
FOXD2	1	1	1.59E-01	1	1.59E-01	1	2.27E-01	1	2.27E-01	1	2.76E-02	1	2.76E-02
LOXL4	10	6	1.81E-01	7	1.81E-01	6	5.09E-01	7	5.09E-01	1	2.76E-02	2	2.76E-02
MME	3	3	3.32E-01	3	3.32E-01	4	2.06E-01	4	2.06E-01	1	2.76E-02	1	2.76E-02
RBBP6	16	4	9.55E-02	4	9.55E-02	4	3.96E-01	4	3.96E-01	1	2.76E-02	1	2.76E-02
SEC23IP	10	3	1.96E-01	3	1.96E-01	4	2.18E-01	4	2.18E-01	1	2.76E-02	1	2.76E-02
VGLL3	3	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.71E-02	1	4.71E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
DMRTC2	19	3	2.05E-01	3	2.05E-01	3	3.85E-01	3	3.85E-01	1	2.76E-02	1	2.76E-02
FTCD	21	1	7.49E-01	1	7.49E-01	2	6.83E-02	2	6.83E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
OR52E4	11	1	7.48E-01	1	7.48E-01	2	7.00E-02	2	7.00E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
PAMR1	11	2	5.84E-01	2	5.84E-01	3	1.31E-01	3	1.31E-01	1	2.76E-02	1	2.76E-02
SPATS2L	2	1	2.37E-01	1	2.37E-01	1	1.60E-01	1	1.60E-01	1	2.76E-02	1	2.76E-02
UBAP2	9	3	2.07E-01	3	2.07E-01	4	2.35E-01	4	2.35E-01	1	2.76E-02	1	2.76E-02
CDC16	13	1	7.52E-01	1	7.52E-01	2	8.53E-02	2	8.53E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
F12	5	1	7.61E-01	1	7.61E-01	2	8.71E-02	2	8.71E-02	1	2.76E-02	1	2.76E-02
MLPH	2	2	1.37E-01	2	1.37E-01	3	2.17E-01	3	2.17E-01	1	2.76E-02	1	2.76E-02
SLC15A2	3	3	3.31E-01	4	3.31E-01	4	2.46E-01	5	2.46E-01	1	2.76E-02	2	2.76E-02
TAS1R2	1	3	3.79E-01	3	3.79E-01	4	2.45E-01	4	2.45E-01	1	2.76E-02	1	2.76E-02
TNFAIP8L2-SCI	1	1	4.06E-01	1	4.06E-01	1	1.33E-01	1	1.33E-01	1	2.77E-02	1	2.77E-02
AFP	4	1	7.61E-01	1	7.61E-01	2	8.55E-02	2	8.55E-02	1	2.77E-02	1	2.77E-02
PCDHGA12	5	1	4.07E-01	1	4.07E-01	1	1.21E-01	1	1.21E-01	1	2.77E-02	1	2.77E-02
PEMT	17	2	1.97E-01	2	1.97E-01	2	3.41E-01	2	3.41E-01	1	2.77E-02	1	2.77E-02
CRACR2B	11	2	5.72E-01	2	5.72E-01	3	1.38E-01	3	1.38E-01	1	2.77E-02	1	2.77E-02

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CYP2U1	4	1	7.36E-01	1	7.36E-01	2	7.04E-02	2	7.04E-02	1	2.77E-02	1	2.77E-02
HPS6	10	3	1.97E-01	3	1.97E-01	3	3.83E-01	3	3.83E-01	1	2.77E-02	1	2.77E-02
NOP2	12	3	3.31E-01	3	3.31E-01	4	2.17E-01	4	2.17E-01	1	2.77E-02	1	2.77E-02
PRLR	5	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	8.41E-02	1	8.41E-02	1	2.77E-02	1	2.77E-02
RRP1	21	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	9.59E-02	1	9.59E-02	1	2.77E-02	1	2.77E-02
CD48	1	1	7.45E-01	2	6.14E-01	1	4.68E-01	2	4.65E-01			1	2.77E-02
CEP44	4	2	5.76E-01	2	5.76E-01	3	1.71E-01	3	1.71E-01	1	2.77E-02	1	2.77E-02
FANCD2	3	1	7.54E-01	1	7.54E-01	2	8.74E-02	2	8.74E-02	1	2.77E-02	1	2.77E-02
LNx2	13	1	4.09E-01	1	4.09E-01	1	1.19E-01	1	1.19E-01	1	2.77E-02	1	2.77E-02
PMM2	16	3	8.70E-02	3	8.70E-02	3	7.44E-01	3	7.44E-01	1	2.77E-02	1	2.77E-02
SLAMF9	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	2	8.14E-02	2	8.14E-02	1	2.77E-02	1	2.77E-02
CLSTN1	1	3	1.10E-01	3	1.10E-01	3	4.93E-01	3	4.93E-01	1	2.79E-02	1	2.79E-02
COPA	1	2	5.81E-01	2	5.81E-01	3	1.56E-01	3	1.56E-01	1	2.79E-02	1	2.79E-02
CFI	4	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	1.83E-01	2	1.83E-01	1	2.80E-02	1	2.80E-02
CLDN14	21	3	2.05E-01	3	2.05E-01	3	3.03E-01	3	3.03E-01	1	2.80E-02	1	2.80E-02
MFGE8	15	2	1.06E-01	2	1.06E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01	1	2.80E-02	1	2.80E-02
NR1H4	12	1	8.31E-02	1	8.31E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.80E-02	1	2.80E-02
SMAP2	1	1	4.15E-01	1	4.15E-01	1	8.73E-02	1	8.73E-02	1	2.80E-02	1	2.80E-02
SYVN1	11	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	7.29E-02	1	7.29E-02	1	2.80E-02	1	2.80E-02
ZNF169	9	3	2.24E-01	5	9.56E-02	3	3.83E-01	5	3.34E-01	1	2.80E-02	3	6.21E-02
KLHL17	1	2	5.87E-01	2	5.87E-01	2	1.41E-01	2	1.41E-01	1	2.82E-02	1	2.82E-02
PODN	1	3	4.22E-03	3	4.22E-03	2	2.82E-02	2	2.82E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SIN3B	19	1	7.51E-01	1	7.51E-01	2	6.49E-02	2	6.49E-02	1	2.83E-02	1	2.83E-02
TXNRD2	22	1	2.41E-01	1	2.41E-01	2	1.22E-01	2	1.22E-01	1	2.83E-02	1	2.83E-02
CYP2R1	11	2	5.78E-01	2	5.78E-01	3	1.19E-01	3	1.19E-01	1	2.83E-02	1	2.83E-02
EXD2	14	1	7.38E-01	1	7.38E-01	2	6.79E-02	2	6.79E-02	1	2.83E-02	1	2.83E-02
EXOSC9	4	1	7.53E-01	1	7.53E-01	2	6.43E-02	2	6.43E-02	1	2.83E-02	1	2.83E-02
MFHAS1	8	2	3.27E-01	2	3.27E-01	3	1.56E-01	3	1.56E-01	1	2.83E-02	1	2.83E-02
MTX3	5	1	7.39E-01	1	7.39E-01	2	5.97E-02	2	5.97E-02	1	2.83E-02	1	2.83E-02
OR7E24	19	2	2.83E-01	2	2.83E-01	3	1.76E-01	3	1.76E-01	1	2.83E-02	1	2.83E-02
TLR10	4	3	3.44E-01	3	3.44E-01	3	2.39E-01	3	2.39E-01	1	2.83E-02	1	2.83E-02
ARL13B	3	2	7.03E-01	2	7.03E-01	3	5.00E-02	3	5.00E-02	2	2.83E-02	2	2.83E-02
RBM11	21	2	8.86E-02	2	8.86E-02	3	1.50E-01	3	1.50E-01	2	2.83E-02	2	2.83E-02
C2orf54	2	1	7.51E-01	1	7.51E-01	2	6.27E-02	2	6.27E-02	1	2.83E-02	1	2.83E-02
GPATCH11	2	1	7.57E-01	1	7.57E-01	2	6.43E-02	2	6.43E-02	1	2.83E-02	1	2.83E-02
GPN2	1	1	7.47E-01	1	7.47E-01	2	6.17E-02	2	6.17E-02	1	2.83E-02	1	2.83E-02
SPINK13	5	1	7.42E-01	1	7.42E-01	2	6.26E-02	2	6.26E-02	1	2.83E-02	1	2.83E-02
SRGAP3	3	1	3.97E-01	1	3.97E-01	2	1.14E-01	2	1.14E-01	1	2.83E-02	1	2.83E-02
IL17RA	22	4	3.40E-01	4	3.40E-01	3	1.81E-01	3	1.81E-01	3	2.84E-02	3	2.84E-02
ARHGEF25	12	1	2.16E-01	1	2.16E-01	2	6.59E-02	2	6.59E-02	2	2.86E-02	2	2.86E-02
NPC1L1	7	4	3.46E-01	4	3.46E-01	4	1.30E-01	4	1.30E-01	3	2.87E-02	3	2.87E-02
PAPOLB	7	1	7.75E-01	1	7.75E-01	1	2.87E-02	1	2.87E-02	1	5.43E-02	1	5.43E-02
IL17F	6			2	5.30E-01			2	2.87E-02			2	1.45E-01
OR4C16	11	2	5.74E-01	3	5.67E-01	2	1.76E-01	3	1.76E-01	1	2.90E-02	2	2.88E-02
MTMR3	22	1	7.52E-01	1	7.52E-01	2	7.08E-02	2	7.08E-02	1	2.90E-02	1	2.90E-02
KCNQ2	20	1	7.52E-01	1	7.52E-01	2	7.26E-02	2	7.26E-02	1	2.90E-02	1	2.90E-02
ARHGAP26	5	2	5.71E-01	2	5.71E-01	3	1.22E-01	3	1.22E-01	1	2.90E-02	1	2.90E-02
GFRAL	6	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	1.51E-01	2	1.51E-01	1	2.90E-02	1	2.90E-02

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
GSG1L	16	1	4.12E-01	1	4.12E-01	1	7.92E-02	1	7.92E-02	1	2.90E-02	1	2.90E-02
IFNE	9	1	2.09E-01	1	2.09E-01	1	2.16E-01	1	2.16E-01	1	2.90E-02	1	2.90E-02
RRM1	11	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	7.30E-02	1	7.30E-02	1	2.90E-02	1	2.90E-02
SLC6A19	5	1	7.48E-01	1	7.48E-01	2	6.76E-02	2	6.76E-02	1	2.90E-02	1	2.90E-02
VSIG2	11	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	1.52E-01	2	1.52E-01	1	2.90E-02	1	2.90E-02
CRY2	11	1	7.45E-01	1	7.45E-01	2	7.46E-02	2	7.46E-02	1	2.90E-02	1	2.90E-02
AUNIP	1	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	6.49E-02	1	6.49E-02	1	2.90E-02	1	2.90E-02
KIAA1958	9	1	7.60E-01	1	7.60E-01	2	7.25E-02	2	7.25E-02	1	2.90E-02	1	2.90E-02
KIF14	1	3	1.55E-01	3	1.55E-01	4	2.36E-01	4	2.36E-01	1	2.90E-02	1	2.90E-02
KNOP1	16	1	1.15E-01	1	1.15E-01	1	3.71E-01	1	3.71E-01	1	2.90E-02	1	2.90E-02
ODF2L	1	2	5.87E-01	2	5.87E-01	3	1.26E-01	3	1.26E-01	1	2.90E-02	1	2.90E-02
OR5AS1	11	1	7.56E-01	1	7.56E-01	2	7.75E-02	2	7.75E-02	1	2.90E-02	1	2.90E-02
PRDM13	6	2	3.20E-01	2	3.20E-01	3	1.79E-01	3	1.79E-01	1	2.90E-02	1	2.90E-02
SLC16A8	22	2	1.42E-01	2	1.42E-01	2	1.79E-01	2	1.79E-01	1	2.90E-02	1	2.90E-02
SOS2	14	2	5.67E-01	2	5.67E-01	3	1.48E-01	3	1.48E-01	1	2.90E-02	1	2.90E-02
ZAK	2	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	1.70E-01	2	1.70E-01	1	2.90E-02	1	2.90E-02
ATRNL1	10	4	2.46E-01	4	2.46E-01	5	2.94E-01	5	2.94E-01	1	2.91E-02	1	2.91E-02
ERBB4	2	1	7.57E-01	1	7.57E-01	2	7.70E-02	2	7.70E-02	1	2.91E-02	1	2.91E-02
LIN9	1	1	7.56E-01	1	7.56E-01	2	7.72E-02	2	7.72E-02	1	2.91E-02	1	2.91E-02
LMAN2	5	2	5.77E-01	2	5.77E-01	3	1.28E-01	3	1.28E-01	1	2.91E-02	1	2.91E-02
NAT6	3	2	5.58E-02	2	5.58E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	2.91E-02	1	2.91E-02
RABEP1	17	2	5.65E-01	2	5.65E-01	3	1.44E-01	3	1.44E-01	1	2.91E-02	1	2.91E-02
SFT2D2	1	1	4.14E-01	1	4.14E-01	1	9.93E-02	1	9.93E-02	1	2.91E-02	1	2.91E-02
STBD1	4	2	5.72E-01	2	5.72E-01	3	1.39E-01	3	1.39E-01	1	2.91E-02	1	2.91E-02
GALNT2	1	2	5.69E-01	2	5.69E-01	3	1.43E-01	3	1.43E-01	1	2.94E-02	1	2.94E-02
LYAR	4	1	4.13E-01	1	4.13E-01	1	1.10E-01	1	1.10E-01	1	2.94E-02	1	2.94E-02
SNRNP35	12	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	6.01E-02	1	6.01E-02	1	2.94E-02	1	2.94E-02
CRMP1	4	2	5.57E-01	2	5.57E-01	3	1.54E-01	3	1.54E-01	1	2.95E-02	1	2.95E-02
HELQ	4	1	7.64E-01	1	7.64E-01	2	7.78E-02	2	7.78E-02	1	2.95E-02	1	2.95E-02
PHF2	9	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	7.25E-02	1	7.25E-02	1	2.95E-02	1	2.95E-02
PRODH2	19	1	7.51E-01	1	7.51E-01	2	7.86E-02	2	7.86E-02	1	2.95E-02	1	2.95E-02
REEP5	5	3	3.27E-01	3	3.27E-01	4	2.61E-01	4	2.61E-01	1	2.95E-02	1	2.95E-02
ZYG11A	1	4	1.25E-01	4	1.25E-01	4	5.47E-01	4	5.47E-01	1	2.95E-02	1	2.95E-02
CWC22	2	1	7.50E-01	1	7.50E-01	2	7.38E-02	2	7.38E-02	1	2.96E-02	1	2.96E-02
DBI	2	1	3.81E-01	1	3.81E-01	1	7.87E-02	1	7.87E-02	1	2.96E-02	1	2.96E-02
IRX6	16	2	5.60E-01	2	5.60E-01	3	1.59E-01	3	1.59E-01	1	2.96E-02	1	2.96E-02
ZNF689	16	1	7.52E-01	1	7.52E-01	2	7.85E-02	2	7.85E-02	1	2.96E-02	1	2.96E-02
TCOF1	5	6	7.72E-01	6	7.72E-01	5	2.98E-02	5	2.98E-02	4	3.26E-02	4	3.26E-02
BPHL	6	3	4.15E-01	3	4.15E-01	3	2.99E-02	3	2.99E-02	2	1.42E-01	2	1.42E-01
TRIM63	1	2	6.46E-01	2	6.46E-01	3	3.00E-02	3	3.00E-02	3	6.06E-02	3	6.06E-02
CHD3	17	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	1.28E-01	2	1.28E-01	1	3.00E-02	1	3.00E-02
PSMG1	21	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.94E-02	1	5.94E-02	1	3.00E-02	1	3.00E-02
TOB1	17	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	6.07E-02	1	6.07E-02	1	3.00E-02	1	3.00E-02
CARD14	17	6	4.90E-01	6	4.90E-01	6	1.19E-01	6	1.19E-01	2	3.01E-02	2	3.01E-02
CSF3R	1	3	4.17E-01	3	4.17E-01	3	3.01E-02	3	3.01E-02	3	1.13E-01	3	1.13E-01
SERPINB12	18	3	3.28E-01	3	3.28E-01	3	2.67E-01	3	2.67E-01	1	3.02E-02	1	3.02E-02
CTBS	1	3	3.32E-01	3	3.32E-01	4	1.69E-01	4	1.69E-01	1	3.02E-02	1	3.02E-02
TCAIM	3	2	5.71E-01	2	5.71E-01	3	1.18E-01	3	1.18E-01	1	3.02E-02	1	3.02E-02

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ICA1L	2	2	5.87E-01	2	5.87E-01	2	1.83E-01	2	1.83E-01	1	3.02E-02	1	3.02E-02
CD1B	1	2	3.25E-01	2	3.25E-01	2	2.03E-01	2	2.03E-01	1	3.02E-02	1	3.02E-02
FAM13C	10	3	3.33E-01	3	3.33E-01	4	2.38E-01	4	2.38E-01	1	3.02E-02	1	3.02E-02
KDF1	1	2	5.86E-01	2	5.86E-01	3	1.47E-01	3	1.47E-01	1	3.02E-02	1	3.02E-02
MERTK	2	1	7.57E-01	1	7.57E-01	2	9.38E-02	2	9.38E-02	1	3.02E-02	1	3.02E-02
POLR1C	6	1	7.19E-01	1	7.19E-01	2	8.32E-02	2	8.32E-02	1	3.02E-02	1	3.02E-02
PPP1R14A	19	2	7.51E-02	2	7.51E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	3.02E-02	1	3.02E-02
CCDC90B	11	3	2.96E-01	3	2.96E-01	4	3.06E-02	4	3.06E-02	4	2.99E-01	4	2.99E-01
SLITRK6	13	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	1.52E-01	2	1.52E-01	1	3.07E-02	1	3.07E-02
XKR4	8	1	7.41E-01	1	7.41E-01	2	7.06E-02	2	7.06E-02	1	3.07E-02	1	3.07E-02
ZC3H8	2	1	7.53E-01	1	7.53E-01	2	7.41E-02	2	7.41E-02	1	3.07E-02	1	3.07E-02
ANKRD6	6	4	1.56E-01	4	1.56E-01	4	4.50E-01	4	4.50E-01	1	3.07E-02	1	3.07E-02
ATF2	2	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	1.57E-01	2	1.57E-01	1	3.07E-02	1	3.07E-02
BBS7	4	3	3.42E-01	3	3.42E-01	3	2.71E-01	3	2.71E-01	1	3.07E-02	1	3.07E-02
BNC2	9	2	5.58E-01	2	5.58E-01	2	1.58E-01	2	1.58E-01	1	3.07E-02	1	3.07E-02
CCNDBP1	15	2	1.04E-01	2	1.04E-01	3	1.62E-01	3	1.62E-01	1	3.07E-02	1	3.07E-02
NICN1	3	1	7.57E-01	1	7.57E-01	2	8.03E-02	2	8.03E-02	1	3.07E-02	1	3.07E-02
PDZK1IP1	1	1	7.53E-01	1	7.53E-01	2	8.01E-02	2	8.01E-02	1	3.07E-02	1	3.07E-02
UBAC1	9	2	2.07E-01	2	2.07E-01	2	3.31E-01	2	3.31E-01	1	3.07E-02	1	3.07E-02
AGBL1	15	12	1.99E-01	12	1.99E-01	11	3.07E-02	11	3.07E-02	4	3.75E-01	4	3.75E-01
CCDC152	5	2	4.57E-01	2	4.57E-01	1	3.09E-02	1	3.09E-02	2	1.54E-01	2	1.54E-01
ZSCAN1	19	1	2.40E-01	1	2.40E-01	1	1.34E-01	1	1.34E-01	1	3.10E-02	1	3.10E-02
DGKQ	4	4	1.84E-01	5	3.67E-01	5	3.62E-01	6	3.57E-01	1	3.13E-02	2	3.67E-02
FAM173A	16	1	7.58E-01	1	7.58E-01	2	9.02E-02	2	9.02E-02	1	3.13E-02	1	3.13E-02
DLX4	17	1	8.67E-02	1	8.67E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.13E-02	1	3.13E-02
GLP2R	17	1	7.57E-01	1	7.57E-01	2	8.48E-02	2	8.48E-02	1	3.13E-02	1	3.13E-02
HEATR3	16	2	5.72E-01	2	5.72E-01	3	1.84E-01	3	1.84E-01	1	3.13E-02	1	3.13E-02
KCNS3	2	1	7.60E-01	1	7.60E-01	2	9.17E-02	2	9.17E-02	1	3.13E-02	1	3.13E-02
KLHL8	4	1	3.93E-01	1	3.93E-01	1	1.30E-01	1	1.30E-01	1	3.13E-02	1	3.13E-02
SYNE4	19	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	2.08E-01	2	2.08E-01	1	3.13E-02	1	3.13E-02
FES	15	1	7.37E-01	1	7.37E-01	2	6.40E-02	2	6.40E-02	1	3.14E-02	1	3.14E-02
KRT27	17	2	5.62E-01	2	5.62E-01	3	1.47E-01	3	1.47E-01	1	3.14E-02	1	3.14E-02
CWC27	5	1	4.21E-01	1	4.21E-01	1	7.63E-02	1	7.63E-02	1	3.16E-02	1	3.16E-02
MIPOL1	14	3	2.29E-01	3	2.29E-01	4	2.35E-01	4	2.35E-01	1	3.20E-02	1	3.20E-02
CECR1	22	2	5.66E-01	2	5.66E-01	3	1.54E-01	3	1.54E-01	1	3.20E-02	1	3.20E-02
AP5M1	14	1	7.59E-01	1	7.59E-01	2	8.62E-02	2	8.62E-02	1	3.20E-02	1	3.20E-02
ELAC2	17	2	3.49E-01	2	3.49E-01	2	2.10E-01	2	2.10E-01	1	3.20E-02	1	3.20E-02
GJB6	13	2	6.91E-01	2	6.91E-01	2	3.20E-02	2	3.20E-02	1	6.58E-02	1	6.58E-02
ELN	7	2	5.81E-01	3	5.44E-01	2	6.09E-01	3	2.28E-01			1	3.25E-02
RAG1	11	4	4.04E-01	4	4.04E-01	4	4.15E-02	4	4.15E-02	4	3.27E-02	4	3.27E-02
WNT10A	2	6	5.21E-01	6	5.21E-01	7	1.29E-01	7	1.29E-01	4	3.30E-02	4	3.30E-02
HPSE	4	4	1.64E-01	4	1.64E-01	4	1.03E-01	4	1.03E-01	2	3.34E-02	2	3.34E-02
ANKRD11	16	10	8.83E-01	10	8.83E-01	8	5.14E-02	8	5.14E-02	6	3.42E-02	6	3.42E-02
2-Mar	1	1	7.96E-01	1	7.96E-01	1	3.48E-02	1	3.48E-02	1	1.12E-01	1	1.12E-01
RHCG	15			1	6.28E-02			1	1.50E-01			1	3.52E-02
TNFSF9	19	2	4.57E-01	2	4.57E-01	1	3.53E-02	1	3.53E-02	2	1.28E-01	2	1.28E-01
EGFL8	6	2	2.46E-01	2	2.46E-01	2	3.53E-02	2	3.53E-02	1	1.17E-01	1	1.17E-01
ZNF234	19	5	5.61E-01	5	5.61E-01	5	1.00E-01	5	1.00E-01	3	3.54E-02	3	3.54E-02

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ABCC11	16	8	3.87E-01	11	4.26E-01	7	1.68E-01	10	4.28E-02	5	1.79E-01	8	3.54E-02
OR5111	11	2	2.07E-02	2	2.07E-02	2	3.98E-01	2	3.98E-01	2	3.58E-02	2	3.58E-02
ZNF845	19	5	2.54E-01	5	2.54E-01	4	3.60E-02	4	3.60E-02	3	2.37E-01	3	2.37E-01
FN3KRP	17	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	3.60E-02	3	3.60E-02	3	4.03E-02	3	4.03E-02
ACSM3	16	7	6.21E-01	7	6.21E-01	5	3.61E-02	5	3.61E-02	4	5.02E-02	4	5.02E-02
ZFHX3	16	7	8.52E-01	7	8.52E-01	5	3.64E-02	5	3.64E-02	4	7.07E-02	4	7.07E-02
FANK1	10	3	2.63E-01	3	2.63E-01	2	3.65E-02	2	3.65E-02	3	3.09E-01	3	3.09E-01
TRABD2A	2	2	3.86E-01	3	3.96E-01	2	7.18E-02	3	3.66E-02	2	1.34E-01	3	1.57E-01
SPICE1	3	3	8.71E-01	3	8.71E-01	5	8.43E-02	5	8.43E-02	3	3.67E-02	3	3.67E-02
MYOG	1	2	6.45E-01	2	6.45E-01	2	3.68E-02	2	3.68E-02	1	1.00E-01	1	1.00E-01
CCDC151	19	2	3.71E-01	2	3.71E-01	3	1.05E-01	3	1.05E-01	2	3.68E-02	2	3.68E-02
NDOR1	9	9	3.10E-01	9	3.10E-01	7	3.70E-02	7	3.70E-02	5	3.81E-01	5	3.81E-01
MRPS9	2	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	4.43E-02	3	4.43E-02	2	3.70E-02	2	3.70E-02
POLQ	3	6	4.58E-01	7	3.49E-01	4	2.67E-01	5	9.38E-02	3	1.36E-01	4	3.73E-02
KRT77	12	2	1.00E+00	4	1.00E+00	2	3.83E-02	4	3.83E-02	2	3.89E-02	4	3.89E-02
ZNF732	4	7	3.48E-02	7	3.48E-02	6	3.83E-02	6	3.83E-02	5	4.85E-01	5	4.85E-01
PZP	12	7	1.93E-01	9	1.78E-01	8	1.86E-01	10	1.86E-01	4	3.96E-02	6	3.84E-02
MS4A12	11			1	1.47E-02			1	3.84E-02			1	4.81E-01
DPP10	2	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.85E-02	1	3.85E-02	1	6.93E-02	1	6.93E-02
VCAN	5	7	7.90E-02	9	1.15E-01	5	3.89E-02	7	5.00E-02	7	3.60E-01	9	3.94E-01
TEX19	17	1	5.88E-01	1	5.88E-01	1	3.95E-02	1	3.95E-02	1	3.91E-02	1	3.91E-02
ASB18	2	1	1.80E-01	2	2.06E-01	1	1.00E+00	2	3.78E-01			1	3.91E-02
CCDC81	11	3	3.52E-02	3	3.52E-02	4	3.58E-01	4	3.58E-01	2	3.91E-02	2	3.91E-02
SLC8A3	14	4	8.15E-01	4	8.15E-01	5	4.02E-02	5	4.02E-02	2	3.93E-02	2	3.93E-02
SLC22A14	3	4	1.64E-01	4	1.64E-01	2	3.96E-02	2	3.96E-02	3	2.30E-01	3	2.30E-01
MYO5A	15	1	8.32E-02	2	8.52E-02			1	3.98E-02	1	6.34E-01	2	6.79E-01
CIAPIN1	16	1	6.57E-01	1	6.57E-01	1	5.31E-02	1	5.31E-02	1	3.98E-02	1	3.98E-02
PKP3	11	10	2.73E-01	10	2.73E-01	9	4.00E-02	9	4.00E-02	8	4.26E-02	8	4.26E-02
MRPL57	13	2	6.38E-01	2	6.38E-01	2	1.19E-01	2	1.19E-01	2	4.10E-02	2	4.10E-02
FBF1	17	8	4.71E-01	8	4.71E-01	6	4.13E-02	6	4.13E-02	4	1.05E-01	4	1.05E-01
ADAMTS4	1	3	2.89E-01	3	2.89E-01	3	1.62E-01	3	1.62E-01	2	4.27E-02	2	4.27E-02
MSH6	2	4	7.76E-01	4	7.76E-01	5	7.80E-02	5	7.80E-02	2	4.30E-02	2	4.30E-02
CEP162	6	7	5.71E-01	7	5.71E-01	7	1.18E-01	7	1.18E-01	6	4.30E-02	6	4.30E-02
DNAAF5	7	3	6.92E-01	3	6.92E-01	4	7.69E-02	4	7.69E-02	2	4.31E-02	2	4.31E-02
OR6B1	7	1	6.91E-01	1	6.91E-01	1	4.32E-02	1	4.32E-02	1	1.52E-01	1	1.52E-01
CACHD1	1	6	4.53E-01	6	4.53E-01	7	9.73E-02	7	9.73E-02	2	4.32E-02	2	4.32E-02
UBR3	2	4	4.74E-01	4	4.74E-01	3	4.33E-02	3	4.33E-02	2	2.15E-01	2	2.15E-01
RD3	1	3	4.08E-01	3	4.08E-01	2	1.20E-01	2	1.20E-01	2	4.37E-02	2	4.37E-02
ZNF680	7	2	7.33E-01	2	7.33E-01	3	4.38E-02	3	4.38E-02	2	8.45E-02	2	8.45E-02
MYH7	14	7	1.00E+00	7	1.00E+00	9	4.42E-02	9	4.42E-02	5	4.75E-02	5	4.75E-02
SCIN	7	6	3.65E-01	6	3.65E-01	5	1.31E-01	5	1.31E-01	4	4.45E-02	4	4.45E-02
CD300LF	17	4	4.65E-01	4	4.65E-01	4	1.67E-01	4	1.67E-01	2	4.45E-02	2	4.45E-02
KDM1A	1	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	1.06E-01	1	1.06E-01	1	4.50E-02	1	4.50E-02
SFMBT2	10	4	7.72E-01	4	7.72E-01	5	6.24E-02	5	6.24E-02	2	4.50E-02	2	4.50E-02
THEG	19	2	6.84E-02	3	1.78E-02	2	3.30E-01	3	4.81E-01	2	4.60E-02	3	2.63E-01
WDR46	6	2	2.56E-02	3	3.90E-02			1	4.61E-02	2	6.37E-01	3	8.66E-01
JMY	5	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	5.47E-02	4	5.47E-02	2	4.62E-02	2	4.62E-02
SLC2A9	4	2	5.62E-01	3	5.63E-01	2	1.10E-01	3	1.15E-01	1	4.71E-02	2	4.75E-02

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ZDHHC4	7	1	7.03E-01	1	7.03E-01	1	4.73E-02	1	4.73E-02	1	5.74E-02	1	5.74E-02
ARMC10	7	1	1.76E-01	1	1.76E-01	1	4.79E-02	1	4.79E-02	1	2.93E-01	1	2.93E-01
TTC4	1	3	1.28E-01	3	1.28E-01	1	4.80E-02	1	4.80E-02	3	2.93E-01	3	2.93E-01
BCL11A	2	1	7.25E-01	1	7.25E-01	1	4.81E-02	1	4.81E-02	1	1.24E-01	1	1.24E-01
TBC1D5	3	4	6.75E-01	4	6.75E-01	3	7.67E-02	3	7.67E-02	3	4.82E-02	3	4.82E-02
APPL2	12	5	5.47E-01	5	5.47E-01	4	4.82E-02	4	4.82E-02	4	2.41E-01	4	2.41E-01
HEG1	3	5	2.43E-01	5	2.43E-01	3	4.84E-02	3	4.84E-02	5	1.35E-01	5	1.35E-01
S100Z	5			1	9.31E-02			1	1.45E-01			1	4.88E-02
SOX4	6	3	1.04E-02	3	1.04E-02	3	1.79E-01	3	1.79E-01	2	4.91E-02	2	4.91E-02
PPARGC1B	5	6	3.53E-01	6	3.53E-01	5	2.11E-01	5	2.11E-01	4	4.95E-02	4	4.95E-02
SH2D5	1	3	4.44E-01	3	4.44E-01	1	5.00E-02	1	5.00E-02	3	6.95E-02	3	6.95E-02
SAMD7	3	1	7.50E-01	2	5.71E-02	1	4.80E-01	2	4.45E-01			1	5.01E-02
NUP93	16	2	4.45E-01	2	4.45E-01	1	5.04E-02	1	5.04E-02	2	1.03E-01	2	1.03E-01
ADPRH	3	4	5.82E-01	4	5.82E-01	3	1.20E-01	3	1.20E-01	2	5.05E-02	2	5.05E-02
SPINT1	15	4	6.89E-01	4	6.89E-01	3	5.05E-02	3	5.05E-02	3	1.77E-01	3	1.77E-01
TMEM207	3			1	2.57E-01			1	1.37E-01			1	5.05E-02
FLYWCH1	16	3	6.73E-01	3	6.73E-01	3	5.07E-02	3	5.07E-02	3	1.19E-01	3	1.19E-01
GDF9	5	4	1.72E-01	4	1.72E-01	4	5.07E-02	4	5.07E-02	3	1.54E-01	3	1.54E-01
CLK4	5	2	1.68E-02	2	1.68E-02	1	5.08E-02	1	5.08E-02	2	8.08E-01	2	8.08E-01
CCDC85A	2			2	6.21E-01			2	7.26E-02			2	5.10E-02
MEX3D	19	2	5.76E-02	2	5.76E-02	3	5.12E-02	3	5.12E-02	3	5.34E-01	3	5.34E-01
ESR1	6	3	4.24E-01	3	4.24E-01	2	5.14E-02	2	5.14E-02	3	1.81E-01	3	1.81E-01
PLEKHA4	19	6	7.45E-01	6	7.45E-01	5	5.15E-02	5	5.15E-02	6	6.84E-02	6	6.84E-02
KIF2B	17	2	5.49E-01	2	5.49E-01	4	5.19E-02	4	5.19E-02	3	1.13E-01	3	1.13E-01
C2CD4B	15	2	6.78E-02	3	6.75E-02	2	5.21E-02	3	5.98E-02	2	1.70E-01	3	2.09E-01
ABHD12B	14	2	6.03E-01	2	6.03E-01	2	1.04E-01	2	1.04E-01	1	5.25E-02	1	5.25E-02
ARRDC1	9	3	5.89E-01	4	5.93E-01	2	8.57E-02	3	9.10E-02	2	5.25E-02	3	6.41E-02
FIGNL1	7	4	2.30E-01	4	2.30E-01	4	3.83E-01	4	3.83E-01	1	5.26E-02	1	5.26E-02
GAB2	11	2	2.23E-01	2	2.23E-01	3	5.27E-02	3	5.27E-02	2	1.76E-01	2	1.76E-01
TENM3	4	5	9.10E-01	5	9.10E-01	6	8.19E-02	6	8.19E-02	4	5.36E-02	4	5.36E-02
ANO8	19	2	2.34E-01	2	2.34E-01	2	5.38E-02	2	5.38E-02	2	1.05E-01	2	1.05E-01
DNAH14	1	18	8.85E-01	18	8.85E-01	16	5.40E-02	16	5.40E-02	9	1.12E-01	9	1.12E-01
FAM83H	8	7	8.19E-03	9	1.86E-02	3	5.43E-02	5	6.85E-02	5	8.83E-01	7	8.48E-01
UBE3D	6	1	2.10E-01	1	2.10E-01	1	5.43E-02	1	5.43E-02	1	3.10E-01	1	3.10E-01
GP2	16	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	5.46E-02	3	5.46E-02	1	5.45E-02	1	5.45E-02
TAS2R50	12	1	7.26E-01	1	7.26E-01	2	5.46E-02	2	5.46E-02	2	1.20E-01	2	1.20E-01
PLCD4	2	3	3.96E-01	3	3.96E-01	3	2.22E-01	3	2.22E-01	2	5.47E-02	2	5.47E-02
SLC26A1	4	9	3.15E-01	9	3.15E-01	9	1.33E-01	9	1.33E-01	3	5.52E-02	3	5.52E-02
SOX8	16	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.52E-02	2	5.52E-02	1	6.61E-02	1	6.61E-02
CD5	11	1	5.57E-02	2	5.57E-02	1	5.55E-02	2	5.54E-02	1	1.00E+00	2	1.00E+00
ZNF675	19	2	3.92E-01	2	3.92E-01	2	5.55E-02	2	5.55E-02	2	1.18E-01	2	1.18E-01
ITLN2	1	1	7.76E-01	1	7.76E-01	1	5.56E-02	1	5.56E-02	1	9.85E-02	1	9.85E-02
PEX13	2	1	7.01E-01	1	7.01E-01	1	5.60E-02	1	5.60E-02	1	2.50E-01	1	2.50E-01
GTF2E1	3	3	1.73E-01	3	1.73E-01	3	5.61E-02	3	5.61E-02	2	3.47E-01	2	3.47E-01
RSC1A1	1	2	7.16E-02	2	7.16E-02	2	5.65E-02	2	5.65E-02	3	2.71E-01	3	2.71E-01
TMPO	12	2	4.88E-01	2	4.88E-01	1	5.66E-02	1	5.66E-02	2	1.08E-01	2	1.08E-01
RUSC2	9	7	7.35E-01	7	7.35E-01	7	7.60E-02	7	7.60E-02	4	5.68E-02	4	5.68E-02
SORBS1	10	9	2.74E-01	9	2.74E-01	8	2.39E-01	8	2.39E-01	4	5.68E-02	4	5.68E-02

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
OR5D14	11	2	4.45E-01	2	4.45E-01	1	5.68E-02	1	5.68E-02	2	1.65E-01	2	1.65E-01
MAP4K5	14	4	3.74E-01	4	3.74E-01	2	7.77E-02	2	7.77E-02	4	5.71E-02	4	5.71E-02
BCL2L14	12	2	6.01E-01	2	6.01E-01	2	5.72E-02	2	5.72E-02	2	7.51E-02	2	7.51E-02
OR51B2	11			1	4.69E-01			1	5.73E-02			1	1.42E-01
MCM3	6	4	1.33E-01	4	1.33E-01	3	4.68E-01	3	4.68E-01	2	5.74E-02	2	5.74E-02
UBE2T	1	1	7.11E-01	1	7.11E-01	1	5.74E-02	1	5.74E-02	1	1.64E-01	1	1.64E-01
BCO1	16	4	7.20E-01	4	7.20E-01	3	5.75E-02	3	5.75E-02	4	8.98E-02	4	8.98E-02
NLE1	17	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	5.76E-02	4	5.76E-02	3	8.70E-02	3	8.70E-02
TMEM19	12	3	2.32E-01	3	2.32E-01	2	5.76E-02	2	5.76E-02	2	3.54E-01	2	3.54E-01
OR52N2	11	2	4.36E-01	3	4.36E-01	2	1.98E-01	3	1.98E-01	1	5.76E-02	2	5.77E-02
SP100	2	3	1.32E-01	3	1.32E-01	1	5.79E-02	1	5.79E-02	3	2.67E-01	3	2.67E-01
KDM1B	6	1	2.44E-01	1	2.44E-01	1	5.81E-02	1	5.81E-02	1	2.11E-01	1	2.11E-01
GEMIN5	5	6	6.11E-01	6	6.11E-01	4	5.81E-02	4	5.81E-02	6	1.13E-01	6	1.13E-01
AAR2	20	2	4.69E-01	2	4.69E-01	2	5.82E-02	2	5.82E-02	1	8.13E-02	1	8.13E-02
RTBDN	19	1	8.25E-01	1	8.25E-01	1	5.82E-02	1	5.82E-02	1	9.69E-02	1	9.69E-02
ODF4	17			1	8.26E-01			1	5.83E-02			1	9.78E-02
OC90	8	3	1.64E-01	3	1.64E-01	2	5.83E-02	2	5.83E-02	3	4.65E-01	3	4.65E-01
PADI4	1	8	5.63E-01	8	5.63E-01	8	6.08E-02	8	6.08E-02	4	5.83E-02	4	5.83E-02
ZNF461	19	2	4.35E-01	2	4.35E-01	2	5.84E-02	2	5.84E-02	2	1.38E-01	2	1.38E-01
DFNA5	7			1	2.67E-01			1	1.45E-01			1	5.84E-02
TAF1B	2	2	1.55E-02	3	2.70E-02			1	5.87E-02	2	6.43E-01	3	3.07E-01
NT5M	17	2	2.48E-02	2	2.48E-02	1	5.89E-02	1	5.89E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00
MSRB2	10	1	6.96E-01	1	6.96E-01	2	5.89E-02	2	5.89E-02	2	1.17E-01	2	1.17E-01
HIST1H1B	6	1	1.89E-01	1	1.89E-01	1	5.90E-02	1	5.90E-02	1	4.04E-01	1	4.04E-01
TK2	16	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	2.19E-01	1	2.19E-01	1	5.90E-02	1	5.90E-02
CFDP1	16	2	6.26E-02	2	6.26E-02	1	5.90E-02	1	5.90E-02	2	7.71E-01	2	7.71E-01
CD22	19	4	1.25E-01	4	1.25E-01	3	6.24E-01	3	6.24E-01	2	5.92E-02	2	5.92E-02
OSGIN1	16	4	5.19E-01	4	5.19E-01	4	5.92E-02	4	5.92E-02	3	1.21E-01	3	1.21E-01
ZBTB42	14	1	7.53E-01	2	2.10E-01	1	5.66E-01	2	4.01E-01			1	5.93E-02
CYP8B1	3	4	3.16E-01	4	3.16E-01	3	5.93E-02	3	5.93E-02	4	8.09E-02	4	8.09E-02
LRR1	14	1	7.07E-01	1	7.07E-01	2	5.94E-02	2	5.94E-02	2	9.31E-02	2	9.31E-02
SNAPC4	9	8	8.80E-01	8	8.80E-01	8	1.23E-01	8	1.23E-01	4	5.97E-02	4	5.97E-02
TTF2	1	8	5.25E-01	8	5.25E-01	4	8.77E-02	4	8.77E-02	7	5.98E-02	7	5.98E-02
OR2A5	7			1	3.04E-01			1	1.24E-01			1	5.98E-02
ANKRD26	10	8	3.12E-01	8	3.12E-01	5	5.99E-02	5	5.99E-02	6	1.12E-01	6	1.12E-01
CLSTN2	3	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	8.32E-02	2	8.32E-02	1	5.99E-02	1	5.99E-02
MDP1	14	2	8.70E-01	2	8.70E-01	1	6.00E-02	1	6.00E-02	2	1.54E-01	2	1.54E-01
NEDD8-MDP1	14	2	8.70E-01	2	8.70E-01	1	6.00E-02	1	6.00E-02	2	1.54E-01	2	1.54E-01
WDR3	1	4	4.16E-02	4	4.16E-02	2	6.01E-02	2	6.01E-02	4	3.77E-01	4	3.77E-01
CYP27A1	2	5	7.77E-01	5	7.77E-01	6	1.15E-01	6	1.15E-01	3	6.01E-02	3	6.01E-02
RIN1	11	5	8.52E-01	6	6.53E-01	4	7.05E-02	5	9.97E-02	2	6.01E-02	3	6.61E-02
MTBP	8	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	6.01E-02	1	6.01E-02	1	1.49E-01	1	1.49E-01
ADH1A	4	2	3.66E-01	2	3.66E-01	2	6.01E-02	2	6.01E-02	2	1.57E-01	2	1.57E-01
OR6C68	12	3	7.28E-03	4	7.34E-03	2	6.02E-02	3	6.02E-02	4	3.16E-01	5	3.16E-01
PIP5K1C	19	1	7.34E-01	1	7.34E-01	1	6.02E-02	1	6.02E-02	1	1.58E-01	1	1.58E-01
TECRL	4	1	7.06E-02	1	7.06E-02	1	6.04E-02	1	6.04E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ZBTB25	14	2	3.95E-01	2	3.95E-01	2	6.05E-02	2	6.05E-02	1	1.67E-01	1	1.67E-01
ADSS	1	2	5.05E-01	2	5.05E-01	1	6.06E-02	1	6.06E-02	2	1.64E-01	2	1.64E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ACKR1	1	1	1.91E-01	1	1.91E-01	1	6.07E-02	1	6.07E-02	1	3.87E-01	1	3.87E-01
RPGRI11	16	3	1.50E-01	3	1.50E-01	2	6.08E-02	2	6.08E-02	3	3.81E-01	3	3.81E-01
RPS6KA5	14	2	3.20E-02	2	3.20E-02	2	6.09E-02	2	6.09E-02	1	3.62E-01	1	3.62E-01
ANO6	12	3	9.71E-02	3	9.71E-02	2	6.10E-02	2	6.10E-02	3	2.00E-01	3	2.00E-01
OR2M4	1	1	8.10E-01	1	8.10E-01	1	6.10E-02	1	6.10E-02	1	1.08E-01	1	1.08E-01
BMS1	10	1	2.39E-03	1	2.39E-03	1	6.11E-02	1	6.11E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ELMOD3	2	3	1.66E-01	3	1.66E-01	2	6.11E-02	2	6.11E-02	3	2.52E-01	3	2.52E-01
DCANP1	5			1	8.07E-01			1	6.12E-02			1	1.05E-01
KCNT1	9	4	8.29E-01	4	8.29E-01	4	6.13E-02	4	6.13E-02	2	7.02E-02	2	7.02E-02
IFT52	20	2	2.88E-01	2	2.88E-01	2	6.13E-02	2	6.13E-02	3	3.08E-01	3	3.08E-01
SETBP1	18	1	7.12E-01	1	7.12E-01	2	6.13E-02	2	6.13E-02	2	1.01E-01	2	1.01E-01
SPP1	4	2	3.65E-01	2	3.65E-01	2	6.14E-02	2	6.14E-02	1	1.31E-01	1	1.31E-01
LDAH	2	2	3.28E-01	2	3.28E-01	2	6.15E-02	2	6.15E-02	2	1.24E-01	2	1.24E-01
KRT24	17	2	3.51E-01	2	3.51E-01	2	6.17E-02	2	6.17E-02	2	1.29E-01	2	1.29E-01
KIAA0922	4	4	7.17E-01	4	7.17E-01	4	6.18E-02	4	6.18E-02	3	7.12E-02	3	7.12E-02
COL1A2	7	5	5.01E-03	5	5.01E-03	2	6.20E-02	2	6.20E-02	5	5.51E-01	5	5.51E-01
SIGLEC9	19	3	9.33E-02	3	9.33E-02	2	6.22E-02	2	6.22E-02	3	2.51E-01	3	2.51E-01
MYO6	6	5	6.26E-01	5	6.26E-01	5	2.07E-01	5	2.07E-01	6	6.23E-02	6	6.23E-02
CDCA7	2	1	7.13E-01	1	7.13E-01	2	6.23E-02	2	6.23E-02	2	1.19E-01	2	1.19E-01
INO80	15	2	2.57E-01	2	2.57E-01	2	6.24E-02	2	6.24E-02	3	2.70E-01	3	2.70E-01
PLXNA1	3	2	4.15E-01	2	4.15E-01	2	6.25E-02	2	6.25E-02	2	1.28E-01	2	1.28E-01
CDC25B	20	2	4.68E-01	2	4.68E-01	2	6.25E-02	2	6.25E-02	2	1.07E-01	2	1.07E-01
GPR146	7	4	5.37E-02	4	5.37E-02	2	6.26E-02	2	6.26E-02	3	5.42E-01	3	5.42E-01
WT1	11	1	7.19E-01	1	7.19E-01	1	6.27E-02	1	6.27E-02	1	1.91E-01	1	1.91E-01
VPS13B	8	7	2.70E-01	8	2.69E-01	7	2.13E-01	8	2.17E-01	5	6.28E-02	6	6.45E-02
PML	15	2	4.17E-01	2	4.17E-01	2	6.28E-02	2	6.28E-02	1	1.92E-01	1	1.92E-01
PHLPP1	18	6	4.55E-01	6	4.55E-01	5	1.25E-01	5	1.25E-01	2	6.29E-02	2	6.29E-02
TRANK1	3	7	8.20E-01	7	8.20E-01	7	6.29E-02	7	6.29E-02	5	1.19E-01	5	1.19E-01
SGK494	17	4	1.59E-01	4	1.59E-01	3	6.30E-02	3	6.30E-02	3	4.21E-01	3	4.21E-01
DNMBP	10	2	5.81E-01	2	5.81E-01	3	6.30E-02	3	6.30E-02	4	6.86E-02	4	6.86E-02
CPAMD8	19	3	2.05E-02	3	2.05E-02	3	2.35E-01	3	2.35E-01	1	6.31E-02	1	6.31E-02
MICU3	8	2	3.65E-01	2	3.65E-01	2	6.34E-02	2	6.34E-02	2	1.06E-01	2	1.06E-01
LRP10	14	1	6.72E-01	1	6.72E-01	2	6.35E-02	2	6.35E-02	2	1.32E-01	2	1.32E-01
GAS6	13	2	4.11E-01	2	4.11E-01	2	6.36E-02	2	6.36E-02	2	1.15E-01	2	1.15E-01
CRYGN	7	1	6.50E-01	1	6.50E-01	2	6.36E-02	2	6.36E-02	2	1.13E-01	2	1.13E-01
CYB5RL	1	2	2.33E-01	2	2.33E-01	1	1.80E-01	1	1.80E-01	2	6.37E-02	2	6.37E-02
GPSM1	9	2	3.84E-01	3	3.37E-01	2	8.48E-02	3	6.39E-02	2	1.86E-01	3	1.86E-01
DNAH11	7	31	6.46E-01	31	6.46E-01	23	6.42E-02	23	6.42E-02	17	8.05E-02	17	8.05E-02
IFIT2	10	2	4.14E-01	2	4.14E-01	2	6.43E-02	2	6.43E-02	1	1.63E-01	1	1.63E-01
ASZ1	7	2	3.89E-01	2	3.89E-01	2	6.46E-02	2	6.46E-02	2	1.19E-01	2	1.19E-01
ABHD1	2	2	4.26E-01	2	4.26E-01	2	6.47E-02	2	6.47E-02	2	1.18E-01	2	1.18E-01
PARM1	4	2	4.29E-01	2	4.29E-01	1	6.50E-02	1	6.50E-02	2	1.47E-01	2	1.47E-01
PCDHGB7	5	3	1.04E-01	3	1.04E-01	2	6.50E-02	2	6.50E-02	3	2.67E-01	3	2.67E-01
NBEAL1	2	5	1.14E-02	5	1.14E-02	2	6.50E-02	2	6.50E-02	5	5.28E-01	5	5.28E-01
ERI2	16	1	2.12E-01	2	5.58E-02	1	6.52E-02	2	7.75E-02	1	3.72E-01	2	6.67E-01
SPATA16	3	1	8.71E-01	1	8.71E-01	2	6.53E-02	2	6.53E-02	2	9.28E-02	2	9.28E-02
MCPH1	8	7	1.61E-01	8	1.66E-01	5	5.19E-01	6	5.20E-01	3	6.54E-02	4	6.54E-02
NFATC2IP	16	2	6.64E-01	2	6.64E-01	1	6.54E-02	1	6.54E-02	2	1.54E-01	2	1.54E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
OR5P3	11	2	2.52E-02	2	2.52E-02	2	6.55E-02	2	6.55E-02	2	1.70E-01	2	1.70E-01
CPA6	8	5	5.92E-02	6	5.22E-02	2	8.87E-02	3	6.57E-02	5	7.05E-01	6	7.57E-01
LIMA1	12	2	4.39E-01	2	4.39E-01	2	6.57E-02	2	6.57E-02	2	1.51E-01	2	1.51E-01
APOL6	22	2	3.38E-01	2	3.38E-01	2	6.59E-02	2	6.59E-02	1	1.34E-01	1	1.34E-01
FAM98B	15	1	7.16E-01	1	7.16E-01	2	6.59E-02	2	6.59E-02	2	1.32E-01	2	1.32E-01
EPHX2	8	2	8.71E-01	3	1.00E+00	2	6.90E-02	3	6.61E-02	1	1.19E-01	2	1.33E-01
PSKH1	16	1	7.11E-01	1	7.11E-01	2	6.62E-02	2	6.62E-02	2	1.32E-01	2	1.32E-01
FMNL2	2	2	2.53E-01	2	2.53E-01	1	6.64E-02	1	6.64E-02	2	4.28E-01	2	4.28E-01
NXPE4	11	2	4.16E-01	2	4.16E-01	2	6.64E-02	2	6.64E-02	2	1.24E-01	2	1.24E-01
FAM126A	7	2	1.45E-02	2	1.45E-02	1	6.64E-02	1	6.64E-02	2	4.01E-01	2	4.01E-01
ACAT2	6	2	3.46E-01	3	3.46E-01	2	6.65E-02	3	6.65E-02	2	1.27E-01	3	1.27E-01
PRND	20	2	1.44E-02	2	1.44E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	6.65E-02	2	6.65E-02
BMPR2	2	3	1.07E-01	3	1.07E-01	2	6.67E-02	2	6.67E-02	3	2.43E-01	3	2.43E-01
CCDC178	18	3	2.77E-01	3	2.77E-01	3	6.67E-02	3	6.67E-02	1	1.14E-01	1	1.14E-01
RNASE4	14	1	2.29E-01	2	2.80E-01	1	6.68E-02	2	7.67E-02	1	4.15E-01	2	5.02E-01
LAMA3	18	12	2.26E-01	13	4.50E-01	10	7.87E-01	11	2.22E-01	3	3.62E-01	4	6.68E-02
SPERT	13	3	1.53E-02	4	1.69E-02	4	5.10E-01	5	4.91E-01	3	6.68E-02	4	2.10E-01
ATP6V1B1	2	2	6.50E-02	2	6.50E-02	1	6.69E-02	1	6.69E-02	2	7.28E-01	2	7.28E-01
GUCY1A2	11	2	4.88E-01	2	4.88E-01	2	6.74E-02	2	6.74E-02	2	1.25E-01	2	1.25E-01
MOXD1	6	2	3.55E-01	2	3.55E-01	2	6.74E-02	2	6.74E-02	2	1.41E-01	2	1.41E-01
KLHDC2	14	2	3.16E-02	2	3.16E-02	1	6.74E-02	1	6.74E-02	2	1.88E-01	2	1.88E-01
LRRN1	3	2	4.50E-01	2	4.50E-01	2	6.75E-02	2	6.75E-02	1	1.92E-01	1	1.92E-01
OR10X1	1	5	2.69E-01	7	2.80E-01	5	2.34E-01	7	2.49E-01	4	6.76E-02	6	9.92E-02
PDCD4	10	1	2.07E-01	1	2.07E-01	1	6.77E-02	1	6.77E-02	1	3.91E-01	1	3.91E-01
ZNF530	19	3	3.25E-01	3	3.25E-01	3	6.78E-02	3	6.78E-02	2	3.10E-01	2	3.10E-01
LAMC2	1	5	7.66E-01	6	5.56E-01	5	6.79E-02	6	7.75E-02	3	1.59E-01	4	2.04E-01
PDGFRA	4	2	6.15E-02	2	6.15E-02	2	1.99E-01	2	1.99E-01	1	6.82E-02	1	6.82E-02
SLC17A8	12	2	3.55E-01	2	3.55E-01	2	6.83E-02	2	6.83E-02	2	1.27E-01	2	1.27E-01
MRPL28	16	2	4.08E-01	2	4.08E-01	2	6.86E-02	2	6.86E-02	2	1.33E-01	2	1.33E-01
AXL	19	7	3.96E-01	7	3.96E-01	7	6.87E-02	7	6.87E-02	5	3.27E-01	5	3.27E-01
NAT1	8	4	6.67E-01	4	6.67E-01	4	6.89E-02	4	6.89E-02	3	7.59E-02	3	7.59E-02
EPG5	18	5	2.50E-01	5	2.50E-01	3	6.90E-02	3	6.90E-02	3	1.10E-01	3	1.10E-01
SCN9A	2	9	5.37E-01	9	5.37E-01	8	6.91E-02	8	6.91E-02	7	2.66E-01	7	2.66E-01
VWA7	6	3	3.67E-01	3	3.67E-01	2	2.19E-01	2	2.19E-01	3	6.93E-02	3	6.93E-02
FBXO44	1	2	3.23E-01	2	3.23E-01	1	6.95E-02	1	6.95E-02	2	1.56E-01	2	1.56E-01
TNFAIP3	6	1	7.81E-01	1	7.81E-01	1	6.95E-02	1	6.95E-02	1	1.86E-01	1	1.86E-01
TNS3	7	8	6.24E-01	8	6.24E-01	8	1.08E-01	8	1.08E-01	4	6.95E-02	4	6.95E-02
TNFRSF18	1	2	2.32E-01	2	2.32E-01	2	6.96E-02	2	6.96E-02	3	2.98E-01	3	2.98E-01
DLEC1	3	12	3.47E-01	12	3.47E-01	11	2.13E-01	11	2.13E-01	3	6.96E-02	3	6.96E-02
OLFML2B	1	3	1.16E-01	3	1.16E-01	2	6.96E-02	2	6.96E-02	3	3.28E-01	3	3.28E-01
TNIK	3	4	3.17E-01	4	3.17E-01	4	3.45E-01	4	3.45E-01	2	6.99E-02	2	6.99E-02
LMF2	22	7	7.82E-02	7	7.82E-02	7	2.20E-01	7	2.20E-01	3	7.01E-02	3	7.01E-02
TMEM223	11	1	4.22E-01	1	4.22E-01	1	7.01E-02	1	7.01E-02	1	1.04E-01	1	1.04E-01
LAMA4	6	11	7.33E-01	12	8.38E-01	9	1.18E-01	10	7.03E-02	6	1.78E-01	7	8.71E-02
RNF151	16	2	4.14E-01	2	4.14E-01	1	9.18E-02	1	9.18E-02	2	7.04E-02	2	7.04E-02
ABHD3	18	2	3.35E-01	2	3.35E-01	1	7.05E-02	1	7.05E-02	2	1.78E-01	2	1.78E-01
EML6	2	6	1.97E-01	6	1.97E-01	8	7.06E-02	8	7.06E-02	3	7.81E-02	3	7.81E-02
TRIM40	6	4	1.25E-01	4	1.25E-01	4	2.18E-01	4	2.18E-01	2	7.07E-02	2	7.07E-02

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TLL2	10	6	3.50E-01	6	3.50E-01	7	2.91E-01	7	2.91E-01	4	7.07E-02	4	7.07E-02
OR4D9	11	2	5.21E-01	2	5.21E-01	1	9.97E-02	1	9.97E-02	2	7.07E-02	2	7.07E-02
COL9A3	20	6	2.11E-01	7	4.37E-01	5	5.20E-01	6	1.62E-01	3	2.77E-01	4	7.08E-02
DGKD	2	4	3.04E-01	4	3.04E-01	5	7.09E-02	5	7.09E-02	3	1.76E-01	3	1.76E-01
SLC13A1	7	4	3.19E-03	4	3.19E-03	2	7.11E-02	2	7.11E-02	3	7.34E-01	3	7.34E-01
DDX56	7	2	7.02E-01	2	7.02E-01	1	7.14E-02	1	7.14E-02	2	3.97E-01	2	3.97E-01
TLR4	9	7	7.98E-01	7	7.98E-01	5	7.15E-02	5	7.15E-02	4	8.99E-02	4	8.99E-02
TPST2	22	1	8.15E-01	1	8.15E-01	1	7.17E-02	1	7.17E-02	1	8.33E-02	1	8.33E-02
FDXR	17	2	2.95E-01	2	2.95E-01	1	7.18E-02	1	7.18E-02	2	4.38E-01	2	4.38E-01
ABCC3	17	11	1.67E-01	12	2.85E-01	7	1.01E-01	8	7.23E-02	7	9.00E-02	8	8.63E-02
ARID4A	14	2	4.00E-01	2	4.00E-01	2	7.23E-02	2	7.23E-02	2	1.30E-01	2	1.30E-01
ZBED6CL	7	2	5.54E-02	2	5.54E-02	2	7.23E-02	2	7.23E-02	2	3.12E-01	2	3.12E-01
C6orf201	6	1	7.11E-01	2	1.00E+00	2	7.24E-02	3	1.94E-01	2	1.33E-01	3	3.59E-01
PHF20L1	8	4	7.96E-01	4	7.96E-01	4	8.87E-02	4	8.87E-02	1	7.25E-02	1	7.25E-02
L3HYPDH	14	2	2.64E-01	2	2.64E-01	2	1.53E-01	2	1.53E-01	2	7.26E-02	2	7.26E-02
EXO5	1	1	7.50E-02	2	9.71E-02			1	2.76E-01	1	6.28E-01	2	7.29E-02
SSPO	7	3	3.12E-01	4	3.14E-01	3	8.15E-02	4	7.31E-02	3	1.42E-01	4	1.17E-01
RGS11	16	6	9.06E-01	7	7.31E-01	5	1.15E-01	6	1.13E-01	6	8.06E-02	7	7.33E-02
TSC22D2	3	6	7.10E-01	6	7.10E-01	4	7.35E-02	4	7.35E-02	4	2.02E-01	4	2.02E-01
CCP110	16	2	8.28E-01	3	8.31E-01	3	8.05E-02	4	7.94E-02	2	7.52E-02	3	7.36E-02
NKX2-3	10	1	6.74E-01	1	6.74E-01	1	7.36E-02	1	7.36E-02	1	1.99E-01	1	1.99E-01
DRD2	11	1	4.33E-01	1	4.33E-01	1	1.72E-01	1	1.72E-01	1	7.36E-02	1	7.36E-02
TRPM1	15	13	6.45E-01	14	1.76E-01	10	2.21E-01	11	2.17E-01	10	1.39E-01	11	7.37E-02
TNFRSF25	1	2	5.03E-01	2	5.03E-01	2	7.38E-02	2	7.38E-02	2	1.44E-01	2	1.44E-01
NUP98	11	4	2.17E-02	4	2.17E-02	2	7.41E-02	2	7.41E-02	5	5.90E-01	5	5.90E-01
CYP1A1	15	2	4.68E-01	2	4.68E-01	2	7.42E-02	2	7.42E-02	1	1.91E-01	1	1.91E-01
SLC7A4	22	5	3.88E-01	5	3.88E-01	5	1.93E-01	5	1.93E-01	3	7.43E-02	3	7.43E-02
CIAO1	2	2	2.02E-01	2	2.02E-01	1	7.44E-02	1	7.44E-02	2	4.39E-01	2	4.39E-01
IPCEF1	6			1	8.17E-01			1	7.48E-02			1	1.14E-01
ZFHX2	14	3	1.72E-01	3	1.72E-01	2	7.50E-02	2	7.50E-02	3	3.48E-01	3	3.48E-01
CRIM1	2	1	7.27E-01	1	7.27E-01	2	7.52E-02	2	7.52E-02	2	1.46E-01	2	1.46E-01
CCDC114	19	2	8.07E-01	2	8.07E-01	2	7.52E-02	2	7.52E-02	1	1.67E-01	1	1.67E-01
EME2	16	3	4.05E-01	3	4.05E-01	2	2.15E-01	2	2.15E-01	2	7.53E-02	2	7.53E-02
IFNA5	9	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.54E-02	2	7.54E-02	1	7.84E-02	1	7.84E-02
KLK4	19	2	2.23E-01	2	2.23E-01	1	7.54E-02	1	7.54E-02	2	5.05E-01	2	5.05E-01
ARHGDI3	16	2	2.89E-01	2	2.89E-01	2	7.54E-02	2	7.54E-02	2	3.95E-01	2	3.95E-01
NPTXR	22	2	5.11E-01	2	5.11E-01	3	7.54E-02	3	7.54E-02	2	1.27E-01	2	1.27E-01
HDAC10	22	2	7.31E-01	2	7.31E-01	2	7.55E-02	2	7.55E-02	3	2.66E-01	3	2.66E-01
ANO9	11	7	4.10E-01	7	4.10E-01	6	1.63E-01	6	1.63E-01	4	7.55E-02	4	7.55E-02
RGR	10	1	6.82E-01	1	6.82E-01	1	7.56E-02	1	7.56E-02	1	2.12E-01	1	2.12E-01
OGFOD2	12	2	4.25E-01	2	4.25E-01	2	7.56E-02	2	7.56E-02	2	1.55E-01	2	1.55E-01
ATP10D	4	3	1.22E-01	4	2.42E-01	2	7.58E-02	3	1.31E-01	3	3.28E-01	4	3.96E-01
OLFML3	1	2	5.10E-01	2	5.10E-01	2	7.60E-02	2	7.60E-02	2	1.41E-01	2	1.41E-01
MRFAP1L1	4	1	8.64E-01	1	8.64E-01	1	7.60E-02	1	7.60E-02	1	1.49E-01	1	1.49E-01
KIAA0556	16	5	6.96E-01	5	6.96E-01	5	1.87E-01	5	1.87E-01	5	7.62E-02	5	7.62E-02
AMBP	9	2	4.59E-01	2	4.59E-01	2	7.64E-02	2	7.64E-02	2	1.64E-01	2	1.64E-01
SCPEP1	17	2	3.64E-01	2	3.64E-01	2	7.66E-02	2	7.66E-02	2	1.52E-01	2	1.52E-01
CLYBL	13	2	1.16E-01	2	1.16E-01	1	7.69E-02	1	7.69E-02	2	1.75E-01	2	1.75E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
GIMAP2	7	3	1.44E-02	3	1.44E-02	1	1.14E-01	1	1.14E-01	3	7.69E-02	3	7.69E-02
BAAT	9	2	3.02E-02	2	3.02E-02	2	7.69E-02	2	7.69E-02	1	3.22E-01	1	3.22E-01
TRIM65	17	6	2.36E-01	6	2.36E-01	4	7.71E-02	4	7.71E-02	4	3.81E-01	4	3.81E-01
CCDC154	16	3	1.11E-01	3	1.11E-01	2	7.73E-02	2	7.73E-02	3	3.10E-01	3	3.10E-01
RSAD1	17	2	4.15E-01	2	4.15E-01	2	7.75E-02	2	7.75E-02	2	1.46E-01	2	1.46E-01
OR2W3	1	3	1.35E-02	4	1.35E-02	3	7.75E-02	4	7.76E-02	1	1.00E+00	2	1.00E+00
OXGR1	13	2	3.82E-01	2	3.82E-01	2	7.78E-02	2	7.78E-02	1	2.01E-01	1	2.01E-01
CCDC173	2	3	9.25E-02	3	9.25E-02	2	7.80E-02	2	7.80E-02	3	3.45E-01	3	3.45E-01
NFKBIZ	3	2	4.14E-01	2	4.14E-01	2	7.80E-02	2	7.80E-02	1	2.14E-01	1	2.14E-01
FSHR	2	3	1.17E-01	3	1.17E-01	2	7.82E-02	2	7.82E-02	3	3.64E-01	3	3.64E-01
CDO1	5	2	2.50E-01	2	2.50E-01	1	7.83E-02	1	7.83E-02	2	4.30E-01	2	4.30E-01
NCAPG2	7	4	6.17E-01	4	6.17E-01	4	1.03E-01	4	1.03E-01	4	7.84E-02	4	7.84E-02
MED13	17	2	4.25E-01	2	4.25E-01	2	7.84E-02	2	7.84E-02	2	1.75E-01	2	1.75E-01
NOS3	7	3	1.92E-02	3	1.92E-02	2	7.88E-02	2	7.88E-02	2	4.54E-01	2	4.54E-01
MYO9A	15	8	2.22E-01	8	2.22E-01	8	2.13E-01	8	2.13E-01	5	7.89E-02	5	7.89E-02
SYNJ1	21	2	7.16E-01	2	7.16E-01	2	1.35E-01	2	1.35E-01	1	7.97E-02	1	7.97E-02
GAA	17	3	1.22E-01	3	1.22E-01	1	7.99E-02	1	7.99E-02	3	4.17E-01	3	4.17E-01
C12orf10	12	2	4.15E-01	2	4.15E-01	2	8.00E-02	2	8.00E-02	1	2.26E-01	1	2.26E-01
COQ9	16	2	4.34E-02	2	4.34E-02	1	8.04E-02	1	8.04E-02	2	4.04E-01	2	4.04E-01
R3HCC1	8	2	1.55E-01	2	1.55E-01	2	3.94E-01	2	3.94E-01	2	8.04E-02	2	8.04E-02
SLC9C2	1	2	4.20E-01	2	4.20E-01	2	8.06E-02	2	8.06E-02	2	1.72E-01	2	1.72E-01
OGDH	7	3	6.40E-01	3	6.40E-01	2	8.08E-02	2	8.08E-02	2	2.34E-01	2	2.34E-01
WFIKK2	17	2	2.91E-02	2	2.91E-02	1	1.16E-01	1	1.16E-01	2	8.09E-02	2	8.09E-02
MAML1	5	3	7.60E-01	4	1.00E+00	3	8.10E-02	4	1.25E-01	2	1.30E-01	3	1.67E-01
ASPN	9	2	1.18E-01	2	1.18E-01	2	8.10E-02	2	8.10E-02	1	5.04E-01	1	5.04E-01
OR2M5	1	2	2.95E-01	2	2.95E-01	1	8.71E-02	1	8.71E-02	2	8.13E-02	2	8.13E-02
OR5A1	11			1	7.98E-01			1	8.14E-02			1	8.67E-02
CELSR2	1	15	1.92E-02	15	1.92E-02	10	8.17E-02	10	8.17E-02	12	6.34E-01	12	6.34E-01
CLCN2	3	5	5.75E-01	5	5.75E-01	5	1.15E-01	5	1.15E-01	3	8.17E-02	3	8.17E-02
KITLG	12	1	5.66E-01	1	5.66E-01	1	1.26E-01	1	1.26E-01	1	8.18E-02	1	8.18E-02
AHNAK	11	16	4.03E-01	16	4.03E-01	11	1.58E-01	11	1.58E-01	9	8.19E-02	9	8.19E-02
ACSF3	16	4	2.35E-01	4	2.35E-01	1	8.21E-02	1	8.21E-02	4	4.66E-01	4	4.66E-01
ZNF835	19			1	7.19E-01			1	1.34E-01			1	8.23E-02
RBL1	20	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	1.03E-01	5	1.03E-01	3	8.25E-02	3	8.25E-02
CCER1	12	2	5.16E-01	2	5.16E-01	2	8.26E-02	2	8.26E-02	2	1.85E-01	2	1.85E-01
NRXN1	2	2	4.47E-01	2	4.47E-01	2	8.28E-02	2	8.28E-02	2	1.87E-01	2	1.87E-01
FGFRL1	4	1	4.56E-01	1	4.56E-01	2	1.04E-01	2	1.04E-01	2	8.29E-02	2	8.29E-02
EPB41L1	20	4	4.84E-01	4	4.84E-01	4	2.04E-01	4	2.04E-01	2	8.30E-02	2	8.30E-02
WDR60	7	5	8.13E-01	5	8.13E-01	6	1.67E-01	6	1.67E-01	2	8.30E-02	2	8.30E-02
TRIP12	2	2	9.29E-01	2	9.29E-01	3	8.33E-02	3	8.33E-02	3	8.30E-02	3	8.30E-02
TBC1D1	4	2	4.10E-01	3	5.10E-01	2	8.32E-02	3	8.94E-02	2	1.78E-01	3	1.87E-01
TBC1D30	12	3	8.24E-01	3	8.24E-01	2	9.80E-02	2	9.80E-02	3	8.34E-02	3	8.34E-02
EVC	4	2	4.51E-01	2	4.51E-01	2	2.12E-01	2	2.12E-01	2	8.35E-02	2	8.35E-02
MCM8	20	3	7.24E-01	3	7.24E-01	3	8.35E-02	3	8.35E-02	3	1.31E-01	3	1.31E-01
CFAP44	3	7	1.07E-01	7	1.07E-01	3	8.38E-02	3	8.38E-02	6	4.87E-01	6	4.87E-01
FAN1	15	4	3.19E-01	4	3.19E-01	3	8.39E-02	3	8.39E-02	3	2.26E-01	3	2.26E-01
ZNF550	19	4	1.09E-01	4	1.09E-01	3	8.40E-02	3	8.40E-02	4	2.13E-01	4	2.13E-01
OR51I2	11	4	2.00E-01	5	2.01E-01	3	8.47E-02	4	8.49E-02	2	5.00E-01	3	4.98E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
NUP58	13	3	3.06E-01	3	3.06E-01	1	8.47E-02	1	8.47E-02	3	3.18E-01	3	3.18E-01
NEMF	14	2	4.75E-01	2	4.75E-01	2	8.47E-02	2	8.47E-02	2	1.83E-01	2	1.83E-01
EXTL3	8	2	3.56E-01	2	3.56E-01	2	8.49E-02	2	8.49E-02	2	1.83E-01	2	1.83E-01
TCN2	22	2	7.01E-01	2	7.01E-01	1	1.32E-01	1	1.32E-01	2	8.51E-02	2	8.51E-02
UBXN10	1	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	8.53E-02	1	8.53E-02	1	2.75E-01	1	2.75E-01
FBXL8	16	1	2.49E-01	1	2.49E-01	2	8.55E-02	2	8.55E-02	2	2.09E-01	2	2.09E-01
MET	7	5	4.03E-03	5	4.03E-03	3	8.57E-02	3	8.57E-02	4	1.00E+00	4	1.00E+00
PLEKHG1	6	7	1.00E+00	7	1.00E+00	6	8.57E-02	6	8.57E-02	3	9.07E-02	3	9.07E-02
LRCH4	7	2	3.83E-01	2	3.83E-01	2	8.58E-02	2	8.58E-02	2	1.77E-01	2	1.77E-01
PRSS55	8	2	4.10E-01	3	4.50E-01	2	8.59E-02	3	1.41E-01	2	1.64E-01	3	1.44E-01
FERMT1	20			1	6.97E-01			1	8.69E-02			1	2.21E-01
SYNPO2	4	2	2.14E-01	3	4.41E-01	2	9.66E-02	3	8.71E-02	3	2.57E-01	4	2.37E-01
COG8	16	2	3.42E-01	2	3.42E-01	2	8.73E-02	2	8.73E-02	2	1.57E-01	2	1.57E-01
RNF157	17	2	1.93E-01	3	2.89E-01	2	1.00E+00	3	3.40E-01	1	1.78E-01	2	8.75E-02
SPATA17	1	1	5.58E-02	1	5.58E-02	2	8.75E-02	2	8.75E-02	2	3.32E-01	2	3.32E-01
SPSB3	16	2	4.28E-01	2	4.28E-01	2	1.70E-01	2	1.70E-01	2	8.76E-02	2	8.76E-02
BPIFB1	20	2	5.22E-01	2	5.22E-01	2	8.76E-02	2	8.76E-02	2	1.06E-01	2	1.06E-01
UHRF1BP1	6	2	6.24E-01	2	6.24E-01	2	8.76E-02	2	8.76E-02	2	1.62E-01	2	1.62E-01
FAT2	5	21	8.61E-01	22	8.60E-01	18	8.84E-02	19	8.77E-02	11	1.09E-01	12	1.08E-01
ABCA9	17	8	7.30E-01	9	7.30E-01	7	8.77E-02	8	8.77E-02	6	9.99E-02	7	9.99E-02
RHOD	11	1	1.93E-01	1	1.93E-01	1	8.78E-02	1	8.78E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00
GOLGB1	3	7	6.80E-01	7	6.80E-01	7	1.68E-01	7	1.68E-01	4	8.78E-02	4	8.78E-02
PTPRK	6	2	2.77E-02	2	2.77E-02	2	8.79E-02	2	8.79E-02	2	2.02E-01	2	2.02E-01
TEX33	22	2	5.86E-01	3	8.54E-01	2	6.04E-01	3	2.13E-01			1	8.83E-02
MYO10	5	8	1.10E-01	8	1.10E-01	7	2.28E-01	7	2.28E-01	6	8.85E-02	6	8.85E-02
MYH4	17	12	5.69E-01	14	5.69E-01	9	8.85E-02	11	8.85E-02	9	1.73E-01	11	1.73E-01
ATG2B	14	3	9.72E-02	3	9.72E-02	2	8.86E-02	2	8.86E-02	3	3.42E-01	3	3.42E-01
SLC28A1	15	2	8.21E-01	2	8.21E-01	3	1.05E-01	3	1.05E-01	2	8.87E-02	2	8.87E-02
CNTNAP4	16	4	1.89E-01	4	1.89E-01	4	2.09E-01	4	2.09E-01	1	8.89E-02	1	8.89E-02
COL18A1	21	8	3.27E-01	9	3.27E-01	8	8.90E-02	9	8.89E-02	7	2.97E-01	8	2.97E-01
EXO1	1	4	1.94E-01	4	1.94E-01	4	1.86E-01	4	1.86E-01	3	8.89E-02	3	8.89E-02
CACNA1S	1	5	4.43E-01	6	3.29E-01	5	2.93E-01	6	2.98E-01	2	8.91E-02	3	1.01E-01
SOX30	5	2	2.28E-02	2	2.28E-02	2	8.95E-02	2	8.95E-02	2	4.68E-01	2	4.68E-01
HSPB9	17			1	2.69E-01			1	1.72E-01			1	8.96E-02
PLEKHG4B	5	7	2.82E-01	8	2.82E-01	6	1.09E-01	7	1.09E-01	4	8.99E-02	5	8.99E-02
GIF	11	1	7.48E-02	1	7.48E-02	2	2.88E-01	2	2.88E-01	2	8.99E-02	2	8.99E-02
ST6GAL2	2	3	2.70E-01	3	2.70E-01	3	3.15E-01	3	3.15E-01	2	9.00E-02	2	9.00E-02
OR10V1	11	2	1.56E-01	2	1.56E-01	2	9.02E-02	2	9.02E-02	2	1.74E-01	2	1.74E-01
CARD8	19	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.62E-01	2	1.62E-01	1	9.04E-02	1	9.04E-02
CACNA2D3	3	2	1.66E-01	2	1.66E-01	2	3.01E-01	2	3.01E-01	1	9.06E-02	1	9.06E-02
IL36B	2	2	3.39E-01	2	3.39E-01	2	9.09E-02	2	9.09E-02	2	9.98E-02	2	9.98E-02
ANKRD2	10	4	3.41E-01	4	3.41E-01	3	3.59E-01	3	3.59E-01	3	9.09E-02	3	9.09E-02
MFSD6L	17	4	8.80E-01	5	8.80E-01	3	9.12E-02	4	9.10E-02	3	1.11E-01	4	1.10E-01
PLAUR	19			1	8.77E-01			1	9.10E-02			1	1.00E-01
TTL12	22	3	7.12E-01	5	4.50E-02	2	5.92E-01	3	3.81E-01	1	6.13E-01	3	9.11E-02
C1orf105	1	1	8.95E-01	1	8.95E-01	1	9.12E-02	1	9.12E-02	1	1.28E-01	1	1.28E-01
MTHFS	15	2	4.30E-01	2	4.30E-01	2	9.14E-02	2	9.14E-02	2	2.18E-01	2	2.18E-01
TMEM214	2	1	6.84E-01	2	6.83E-01	2	9.15E-02	3	9.15E-02	2	1.76E-01	3	1.76E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CIDEC	3	3	5.82E-01	3	5.82E-01	3	2.17E-01	3	2.17E-01	1	9.17E-02	1	9.17E-02
GAB4	22	2	4.59E-01	3	4.59E-01	1	9.18E-02	2	9.18E-02	2	2.44E-01	3	2.44E-01
HFE	6	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	9.18E-02	5	9.18E-02	4	1.14E-01	4	1.14E-01
ZSWIM1	20	1	5.35E-01	1	5.35E-01	1	9.19E-02	1	9.19E-02	1	2.54E-01	1	2.54E-01
ETFB	19	3	7.88E-02	4	7.88E-02	2	9.20E-02	3	9.20E-02	4	4.87E-01	5	4.87E-01
SIGLEC15	18	1	9.81E-01	1	9.81E-01	1	9.20E-02	1	9.20E-02	1	2.00E-01	1	2.00E-01
CDC42EP1	22	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.36E-01	2	1.36E-01	1	9.22E-02	1	9.22E-02
N4BP2	4	3	7.25E-02	3	7.25E-02	4	4.36E-01	4	4.36E-01	4	9.23E-02	4	9.23E-02
MICU1	10	2	3.21E-01	2	3.21E-01	1	9.25E-02	1	9.25E-02	2	1.24E-01	2	1.24E-01
FILIP1	6	3	5.85E-01	3	5.85E-01	3	9.49E-02	3	9.49E-02	1	9.26E-02	1	9.26E-02
MTHFR	1	1	7.46E-01	2	7.47E-01	1	4.61E-01	2	4.62E-01			1	9.26E-02
RUBCN	3	13	4.23E-02	13	4.23E-02	9	9.30E-02	9	9.30E-02	9	6.46E-01	9	6.46E-01
FAM186B	12	3	4.20E-01	3	4.20E-01	2	9.31E-02	2	9.31E-02	3	1.90E-01	3	1.90E-01
ATAD3C	1	5	3.25E-01	6	3.38E-01	6	9.74E-02	7	9.31E-02	5	2.73E-01	6	2.67E-01
PUSL1	1	1	8.64E-01	1	8.64E-01	2	9.33E-02	2	9.33E-02	2	1.11E-01	2	1.11E-01
IGSF5	21	3	8.95E-02	3	8.95E-02	3	9.34E-02	3	9.34E-02	1	4.39E-01	1	4.39E-01
APOE	19			1	8.16E-03			1	5.15E-01			1	9.34E-02
CAPN14	2	5	7.04E-01	5	7.04E-01	6	9.38E-02	6	9.38E-02	3	1.29E-01	3	1.29E-01
ARHGEF17	11	6	1.25E-02	6	1.25E-02	4	9.39E-02	4	9.39E-02	5	4.19E-01	5	4.19E-01
C11orf65	11	2	8.26E-02	2	8.26E-02	2	9.40E-02	2	9.40E-02	2	3.22E-01	2	3.22E-01
OR51B5	11	6	1.84E-01	7	1.84E-01	5	9.42E-02	6	9.42E-02	5	1.11E-01	6	1.11E-01
PFAS	17	7	1.00E+00	7	1.00E+00	7	9.42E-02	7	9.42E-02	5	2.87E-01	5	2.87E-01
ITIH3	3	7	2.37E-01	7	2.37E-01	3	1.21E-01	3	1.21E-01	6	9.44E-02	6	9.44E-02
PLCH2	1	11	6.79E-01	11	6.79E-01	9	1.90E-01	9	1.90E-01	6	9.45E-02	6	9.45E-02
URB2	1	5	2.60E-02	5	2.60E-02	3	9.47E-02	3	9.47E-02	5	1.71E-01	5	1.71E-01
TAS2R8	12	3	6.13E-01	3	6.13E-01	3	1.43E-01	3	1.43E-01	2	9.47E-02	2	9.47E-02
BUB1B	15	2	4.55E-01	2	4.55E-01	2	9.48E-02	2	9.48E-02	2	1.92E-01	2	1.92E-01
ANKS4B	16	2	6.15E-01	2	6.15E-01	2	1.56E-01	2	1.56E-01	1	9.48E-02	1	9.48E-02
MAGEF1	3			1	1.64E-01			1	9.49E-02			1	3.48E-01
ERMP1	9	4	3.37E-02	4	3.37E-02	2	9.54E-02	2	9.54E-02	3	6.94E-01	3	6.94E-01
RXFP2	13	1	8.75E-01	1	8.75E-01	1	9.54E-02	1	9.54E-02	1	2.13E-01	1	2.13E-01
RECK	9	2	3.01E-01	2	3.01E-01	2	1.05E-01	2	1.05E-01	2	9.54E-02	2	9.54E-02
HHIPL1	14	3	1.39E-01	3	1.39E-01	2	9.54E-02	2	9.54E-02	2	4.69E-01	2	4.69E-01
ADGRF3	2	9	1.79E-01	9	1.79E-01	8	2.98E-01	8	2.98E-01	6	9.59E-02	6	9.59E-02
CSF2RB	22	1	1.48E-01	1	1.48E-01	1	9.59E-02	1	9.59E-02	1	5.05E-01	1	5.05E-01
ANK2	4	12	3.90E-03	12	3.90E-03	6	9.60E-02	6	9.60E-02	8	1.00E+00	8	1.00E+00
KIAA1107	1	5	4.07E-01	5	4.07E-01	4	5.38E-01	4	5.38E-01	2	9.60E-02	2	9.60E-02
PLA2G7	6	1	8.94E-01	1	8.94E-01	2	1.01E-01	2	1.01E-01	2	9.60E-02	2	9.60E-02
EIF4ENIF1	22	9	5.31E-01	9	5.31E-01	8	2.17E-01	8	2.17E-01	2	9.61E-02	2	9.61E-02
TMEM202	15	2	1.63E-01	2	1.63E-01	2	7.66E-01	2	7.66E-01	2	9.61E-02	2	9.61E-02
MEDAG	13			1	1.99E-01			1	2.41E-01			1	9.63E-02
ZNF700	19	4	9.01E-01	5	9.11E-01	3	6.70E-01	4	1.90E-01	2	4.35E-01	3	9.66E-02
TRAF3IP2	6	4	3.27E-01	5	2.70E-01	3	1.98E-01	4	9.66E-02	3	1.58E-01	4	1.00E-01
PLD2	17	4	2.98E-01	4	2.98E-01	4	1.82E-01	4	1.82E-01	2	9.67E-02	2	9.67E-02
ZFP91	11	2	4.33E-01	2	4.33E-01	2	9.70E-02	2	9.70E-02	3	2.64E-01	3	2.64E-01
MOB3C	1	1	5.93E-02	2	5.93E-02			1	9.70E-02	1	5.69E-01	2	5.69E-01
TAS2R3	7	2	6.34E-01	2	6.34E-01	2	9.71E-02	2	9.71E-02	3	2.39E-01	3	2.39E-01
RIMS3	1	1	9.50E-01	1	9.50E-01	1	9.72E-02	1	9.72E-02	1	1.35E-01	1	1.35E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
COL4A3	2	9	2.22E-01	11	2.22E-01	8	5.55E-01	10	5.55E-01	6	9.72E-02	8	9.72E-02
DENND1C	19	2	4.23E-01	2	4.23E-01	1	9.72E-02	1	9.72E-02	2	9.80E-02	2	9.80E-02
ZNF317	19	3	7.10E-01	3	7.10E-01	4	1.50E-01	4	1.50E-01	3	9.74E-02	3	9.74E-02
TMEM63B	6	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.07E-01	3	1.07E-01	2	9.74E-02	2	9.74E-02
SLC45A4	8	2	4.83E-01	2	4.83E-01	2	9.80E-02	2	9.80E-02	2	2.14E-01	2	2.14E-01
TMED8	14	1	8.93E-01	1	8.93E-01	1	9.81E-02	1	9.81E-02	1	1.70E-01	1	1.70E-01
HIVEP1	6	10	6.21E-01	11	6.21E-01	10	1.90E-01	11	1.90E-01	5	9.83E-02	6	9.84E-02
CPA4	7	5	3.52E-01	5	3.52E-01	3	9.84E-02	3	9.84E-02	4	5.22E-01	4	5.22E-01
COBLL1	2	1	1.06E-01	1	1.06E-01	1	9.84E-02	1	9.84E-02	1	5.73E-01	1	5.73E-01
BCL2A1	15			1	5.70E-01			1	1.84E-01			1	9.84E-02
ADGRF2	6	2	1.82E-01	3	1.94E-01	3	9.97E-02	4	9.86E-02	3	5.76E-01	4	5.76E-01
OAS3	12	8	7.29E-01	8	7.29E-01	8	9.86E-02	8	9.86E-02	5	1.43E-01	5	1.43E-01
SLFN12	17	2	3.51E-01	2	3.51E-01	2	9.89E-02	2	9.89E-02	1	1.48E-01	1	1.48E-01
ZNF684	1	1	4.37E-01	1	4.37E-01	1	9.89E-02	1	9.89E-02	1	2.58E-01	1	2.58E-01
RTP1	3	1	1.66E-01	1	1.66E-01	1	1.69E-01	1	1.69E-01	1	9.90E-02	1	9.90E-02
ZNF474	5			1	3.08E-01			1	9.91E-02			1	3.46E-01
ATP8B3	19	10	8.84E-01	10	8.84E-01	8	1.04E-01	8	1.04E-01	5	9.91E-02	5	9.91E-02
CPT1B	22	2	1.91E-01	2	1.91E-01	3	1.97E-01	3	1.97E-01	3	9.92E-02	3	9.92E-02
MRPL22	5	1	7.08E-02	1	7.08E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	9.93E-02	1	9.93E-02
CGN	1	9	5.48E-01	10	5.29E-01	7	1.57E-01	8	1.12E-01	6	1.05E-01	7	9.93E-02
ENPP7	17	1	4.79E-01	1	4.79E-01	1	9.94E-02	1	9.94E-02	1	3.53E-01	1	3.53E-01
C2orf83	2			1	1.49E-01			1	3.40E-01			1	9.94E-02
OPALIN	10	1	9.82E-02	1	9.82E-02	1	9.96E-02	1	9.96E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00
XKR9	8	4	1.53E-01	4	1.53E-01	4	3.68E-01	4	3.68E-01	3	9.97E-02	3	9.97E-02
HIPK3	11	4	5.05E-01	4	5.05E-01	4	1.98E-01	4	1.98E-01	2	9.99E-02	2	9.99E-02
CYP4B1	1	3	1.98E-01	5	2.08E-01	2	2.63E-01	4	2.58E-01	2	9.99E-02	4	1.10E-01
EFTUD1	15	2	2.63E-01	3	8.37E-02	2	3.17E-01	3	9.99E-02	1	2.10E-01	2	2.85E-01
TAS2R46	12			1	1.00E+00			1	1.00E-01			1	1.33E-01
GLTSCR2	19	2	3.95E-01	2	3.95E-01	3	1.00E-01	3	1.00E-01	2	2.23E-01	2	2.23E-01
IZUMO4	19	4	3.42E-03	4	3.42E-03	4	1.00E-01	4	1.00E-01	2	3.42E-01	2	3.42E-01
RCBTB2	13	4	8.08E-01	4	8.08E-01	3	2.21E-01	3	2.21E-01	2	1.01E-01	2	1.01E-01
PKM	15	4	3.85E-01	4	3.85E-01	2	1.01E-01	2	1.01E-01	3	2.53E-01	3	2.53E-01
NAIF1	9	3	8.96E-01	3	8.96E-01	3	2.34E-01	3	2.34E-01	2	1.01E-01	2	1.01E-01
PCM1	8	13	7.89E-01	13	7.89E-01	11	1.01E-01	11	1.01E-01	4	2.21E-01	4	2.21E-01
POLD1	19	3	7.41E-01	3	7.41E-01	2	1.15E-01	2	1.15E-01	2	1.01E-01	2	1.01E-01
DNAH3	16	31	6.66E-01	35	5.81E-01	23	2.70E-01	27	1.38E-01	22	2.07E-01	26	1.01E-01
CENPT	16	2	4.32E-01	2	4.32E-01	2	3.65E-01	2	3.65E-01	2	1.02E-01	2	1.02E-01
TEP1	14	11	1.00E+00	12	8.81E-01	9	1.67E-01	10	1.13E-01	6	2.09E-01	7	1.02E-01
ZCWPW1	7	2	5.98E-02	2	5.98E-02	1	1.02E-01	1	1.02E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
PCTP	17	2	3.70E-01	2	3.70E-01	2	4.37E-01	2	4.37E-01	1	1.02E-01	1	1.02E-01
UCP3	11	2	5.43E-01	2	5.43E-01	3	1.63E-01	3	1.63E-01	2	1.02E-01	2	1.02E-01
MOK	14	7	7.71E-01	7	7.71E-01	4	1.02E-01	4	1.02E-01	5	2.62E-01	5	2.62E-01
ZNF772	19	1	5.24E-01	1	5.24E-01	1	1.66E-01	1	1.66E-01	1	1.02E-01	1	1.02E-01
ATP2A3	17	4	5.26E-01	4	5.26E-01	3	3.22E-01	3	3.22E-01	2	1.02E-01	2	1.02E-01
CDHR2	5	6	4.45E-01	8	5.62E-01	4	2.31E-01	6	2.83E-01	4	1.02E-01	6	1.31E-01
TTC33	5	2	1.62E-01	2	1.62E-01	2	1.16E-01	2	1.16E-01	2	1.02E-01	2	1.02E-01
LRRCC1	8	8	2.36E-01	8	2.36E-01	6	1.03E-01	6	1.03E-01	6	7.31E-01	6	7.31E-01
TLR2	4	4	3.16E-01	4	3.16E-01	4	1.03E-01	4	1.03E-01	4	1.48E-01	4	1.48E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SDHAF4	6	1	1.80E-01	1	1.80E-01	1	3.80E-01	1	3.80E-01	1	1.03E-01	1	1.03E-01
PRELID2	5	1	9.05E-01	1	9.05E-01	2	1.03E-01	2	1.03E-01	2	1.39E-01	2	1.39E-01
SNCG	10	1	9.13E-01	1	9.13E-01	1	1.03E-01	1	1.03E-01	1	1.55E-01	1	1.55E-01
DKK2	4	1	3.17E-01	1	3.17E-01	1	3.20E-01	1	3.20E-01	1	1.03E-01	1	1.03E-01
GTF2F1	19	3	6.29E-01	3	6.29E-01	3	1.28E-01	3	1.28E-01	2	1.03E-01	2	1.03E-01
C4orf33	4	1	7.60E-01	2	1.00E+00	1	5.05E-01	2	5.69E-01			1	1.04E-01
PDILT	16	8	1.59E-01	8	1.59E-01	7	3.13E-01	7	3.13E-01	4	1.04E-01	4	1.04E-01
PRAP1	10	1	1.76E-01	1	1.76E-01	1	1.04E-01	1	1.04E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01
CNTF	11	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.49E-01	3	1.49E-01	2	1.05E-01	2	1.05E-01
ASNSD1	2	3	5.85E-01	3	5.85E-01	3	1.05E-01	3	1.05E-01	2	1.25E-01	2	1.25E-01
HELZ2	20	14	1.25E-01	15	1.16E-01	10	1.05E-01	11	1.05E-01	10	2.29E-01	11	2.29E-01
C6orf223	6	3	1.53E-01	3	1.53E-01	3	1.05E-01	3	1.05E-01	2	4.18E-01	2	4.18E-01
SYTL3	6	4	5.96E-01	4	5.96E-01	5	2.89E-01	5	2.89E-01	2	1.05E-01	2	1.05E-01
NCAPD2	12	5	5.71E-01	5	5.71E-01	5	2.83E-01	5	2.83E-01	2	1.05E-01	2	1.05E-01
ABHD14A-ACY	3	4	3.45E-01	4	3.45E-01	2	1.05E-01	2	1.05E-01	4	7.44E-01	4	7.44E-01
ACY1	3	3	4.83E-01	3	4.83E-01	2	1.05E-01	2	1.05E-01	3	6.16E-01	3	6.16E-01
DNAI2	17	3	7.09E-01	3	7.09E-01	2	1.84E-01	2	1.84E-01	2	1.06E-01	2	1.06E-01
N4BP3	5	4	7.74E-01	4	7.74E-01	4	1.47E-01	4	1.47E-01	2	1.06E-01	2	1.06E-01
CSAD	12	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	1.06E-01	4	1.06E-01	2	1.31E-01	2	1.31E-01
C1orf50	1	2	7.61E-01	2	7.61E-01	1	1.06E-01	1	1.06E-01	2	1.99E-01	2	1.99E-01
DPF3	14	2	6.57E-02	2	6.57E-02	2	1.06E-01	2	1.06E-01	1	2.92E-01	1	2.92E-01
UNC45B	17	7	3.20E-01	8	3.00E-01	6	2.35E-01	7	2.42E-01	5	1.07E-01	6	1.63E-01
ARHGEF40	14	4	2.50E-01	5	2.51E-01	3	5.04E-01	4	5.09E-01	2	1.07E-01	3	1.08E-01
DMKN	19	4	6.74E-02	4	6.74E-02	3	1.07E-01	3	1.07E-01	4	9.05E-01	4	9.05E-01
USP31	16	5	5.99E-01	7	3.60E-01	4	4.60E-01	6	1.07E-01	2	2.15E-01	4	1.15E-01
SEZ6L	22	2	8.26E-01	2	8.26E-01	2	1.07E-01	2	1.07E-01	1	1.14E-01	1	1.14E-01
SPTAN1	9	4	8.34E-01	4	8.34E-01	4	1.77E-01	4	1.77E-01	2	1.07E-01	2	1.07E-01
ZNF48	16	2	6.25E-01	2	6.25E-01	1	1.07E-01	1	1.07E-01	2	4.74E-01	2	4.74E-01
CASP5	11	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.77E-01	2	1.77E-01	1	1.07E-01	1	1.07E-01
ESAM	11	2	2.41E-01	3	2.08E-01	1	1.65E-01	2	2.31E-01	2	1.07E-01	3	1.64E-01
METTL21B	12	1	9.69E-01	1	9.69E-01	1	1.07E-01	1	1.07E-01	1	1.57E-01	1	1.57E-01
ACSS1	20	2	2.27E-01	2	2.27E-01	2	1.07E-01	2	1.07E-01	3	3.10E-01	3	3.10E-01
OR5A2	11	1	7.35E-01	2	7.41E-01	1	5.06E-01	2	5.07E-01			1	1.07E-01
RPL3L	16	8	5.67E-01	8	5.67E-01	8	1.08E-01	8	1.08E-01	6	2.93E-01	6	2.93E-01
CETP	16	3	7.14E-01	4	8.29E-01	2	6.13E-01	3	1.31E-01	1	6.05E-01	2	1.08E-01
PDGFRB	5	5	5.93E-01	5	5.93E-01	5	2.93E-01	5	2.93E-01	2	1.08E-01	2	1.08E-01
NMRK2	19	1	9.44E-01	1	9.44E-01	1	1.08E-01	1	1.08E-01	1	2.02E-01	1	2.02E-01
CRYBA4	22	1	3.82E-01	1	3.82E-01	1	1.08E-01	1	1.08E-01	1	3.28E-01	1	3.28E-01
ZNF804B	7	4	5.20E-02	4	5.20E-02	2	1.08E-01	2	1.08E-01	4	3.87E-01	4	3.87E-01
C8orf86	8	2	6.07E-01	2	6.07E-01	3	1.08E-01	3	1.08E-01	3	1.09E-01	3	1.09E-01
ZNF415	19	2	8.11E-01	2	8.11E-01	2	1.44E-01	2	1.44E-01	1	1.08E-01	1	1.08E-01
PACS2	14	2	6.56E-01	2	6.56E-01	1	1.08E-01	1	1.08E-01	2	3.88E-01	2	3.88E-01
TRPM6	9	10	7.16E-01	10	7.16E-01	9	1.08E-01	9	1.08E-01	5	2.09E-01	5	2.09E-01
CHRNA3	15	3	3.90E-01	3	3.90E-01	3	2.41E-01	3	2.41E-01	1	1.08E-01	1	1.08E-01
C2orf16	2	9	8.14E-04	10	8.14E-04	9	2.24E-01	10	2.24E-01	3	1.08E-01	4	1.09E-01
HYAL4	7	3	1.01E-01	3	1.01E-01	2	1.09E-01	2	1.09E-01	3	7.13E-01	3	7.13E-01
HSD3B7	16	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.09E-01	3	1.09E-01	2	1.40E-01	2	1.40E-01
SDR39U1	14	4	3.92E-01	4	3.92E-01	4	1.09E-01	4	1.09E-01	3	2.07E-01	3	2.07E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SLIT2	4	3	5.63E-01	3	5.63E-01	3	1.66E-01	3	1.66E-01	2	1.09E-01	2	1.09E-01
IGFLR1	19	2	7.47E-01	2	7.47E-01	2	1.42E-01	2	1.42E-01	2	1.09E-01	2	1.09E-01
IL12B	5	1	4.65E-01	1	4.65E-01	2	1.14E-01	2	1.14E-01	2	1.09E-01	2	1.09E-01
RIOK3	18	2	8.16E-02	2	8.16E-02	2	1.09E-01	2	1.09E-01	3	2.51E-01	3	2.51E-01
MUM1	19	1	1.35E-01	1	1.35E-01	1	1.75E-01	1	1.75E-01	1	1.09E-01	1	1.09E-01
PLIN5	19	3	2.63E-01	4	2.63E-01	4	1.09E-01	5	1.10E-01	2	1.92E-01	3	1.94E-01
ANKRD22	10	1	9.22E-01	1	9.22E-01	1	1.10E-01	1	1.10E-01	1	1.49E-01	1	1.49E-01
LRRK1	15	6	3.58E-01	6	3.58E-01	3	1.10E-01	3	1.10E-01	4	4.15E-01	4	4.15E-01
ATF6B	6	3	5.25E-01	3	5.25E-01	3	1.10E-01	3	1.10E-01	2	2.56E-01	2	2.56E-01
STEAP3	2	2	3.53E-01	2	3.53E-01	2	1.10E-01	2	1.10E-01	2	1.75E-01	2	1.75E-01
SNAPC2	19	1	7.54E-01	2	7.54E-01	1	4.66E-01	2	4.66E-01			1	1.10E-01
CHD6	20	1	5.10E-01	1	5.10E-01	2	1.10E-01	2	1.10E-01	2	1.51E-01	2	1.51E-01
ATRN	20	1	7.49E-02	1	7.49E-02	1	1.41E-01	1	1.41E-01	1	1.10E-01	1	1.10E-01
CREB3	9	6	7.56E-01	6	7.56E-01	6	1.95E-01	6	1.95E-01	3	1.10E-01	3	1.10E-01
TRIM7	5	1	8.05E-01	1	8.05E-01	2	1.10E-01	2	1.10E-01	2	1.71E-01	2	1.71E-01
C15orf40	15	2	3.17E-01	2	3.17E-01	2	1.65E-01	2	1.65E-01	1	1.11E-01	1	1.11E-01
ACAN	15	4	2.43E-01	4	2.43E-01	5	1.64E-01	5	1.64E-01	3	1.11E-01	3	1.11E-01
PRSS23	11	3	8.21E-01	3	8.21E-01	2	1.45E-01	2	1.45E-01	2	1.11E-01	2	1.11E-01
UGT1A6	2	3	5.96E-01	3	5.96E-01	3	1.22E-01	3	1.22E-01	2	1.11E-01	2	1.11E-01
LRRC15	3	1	7.50E-01	2	7.14E-01	1	4.47E-01	2	4.54E-01			1	1.11E-01
PDE8A	15	4	4.96E-01	4	4.96E-01	3	1.11E-01	3	1.11E-01	3	1.26E-01	3	1.26E-01
KCNMB3	3			1	4.99E-01			1	1.11E-01			1	2.60E-01
CDSN	6	4	1.35E-01	4	1.35E-01	4	2.83E-01	4	2.83E-01	4	1.11E-01	4	1.11E-01
TAAR2	6	2	3.94E-01	2	3.94E-01	1	1.19E-01	1	1.19E-01	2	1.11E-01	2	1.11E-01
INSL3	19	1	5.18E-01	1	5.18E-01	1	1.11E-01	1	1.11E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01
CIZ1	9	3	7.81E-01	3	7.81E-01	3	1.11E-01	3	1.11E-01	2	1.19E-01	2	1.19E-01
LCA5L	21	4	7.18E-01	4	7.18E-01	3	1.12E-01	3	1.12E-01	2	2.04E-01	2	2.04E-01
SVOPL	7	7	6.85E-01	7	6.85E-01	6	2.07E-01	6	2.07E-01	5	1.12E-01	5	1.12E-01
AXIN2	17	4	8.19E-01	4	8.19E-01	5	2.74E-01	5	2.74E-01	2	1.12E-01	2	1.12E-01
TRIM6-TRIM34	11	3	3.06E-01	3	3.06E-01	3	1.58E-01	3	1.58E-01	2	1.12E-01	2	1.12E-01
ASIC4	2	2	6.18E-02	2	6.18E-02	1	1.12E-01	1	1.12E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
PDGFB	22	2	7.23E-01	2	7.23E-01	1	1.12E-01	1	1.12E-01	2	2.53E-01	2	2.53E-01
MBD4	3	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.23E-01	1	1.23E-01	1	1.12E-01	1	1.12E-01
TBC1D32	6	6	5.70E-01	6	5.70E-01	4	1.12E-01	4	1.12E-01	5	3.18E-01	5	3.18E-01
ST8SIA6	10	2	3.44E-01	2	3.44E-01	3	1.53E-01	3	1.53E-01	2	1.12E-01	2	1.12E-01
KRT33B	17	3	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.60E-01	4	1.14E-01	2	1.47E-01	3	1.12E-01
DONSON	21	5	7.74E-01	5	7.74E-01	5	1.13E-01	5	1.13E-01	5	2.12E-01	5	2.12E-01
INSR	19	2	4.46E-01	2	4.46E-01	2	3.52E-01	2	3.52E-01	1	1.13E-01	1	1.13E-01
TRIM46	1	2	7.85E-01	2	7.85E-01	2	1.27E-01	2	1.27E-01	1	1.13E-01	1	1.13E-01
POU4F2	4	2	3.82E-01	2	3.82E-01	2	1.40E-01	2	1.40E-01	1	1.13E-01	1	1.13E-01
SMTNL2	17	1	8.44E-01	1	8.44E-01	2	1.13E-01	2	1.13E-01	2	1.64E-01	2	1.64E-01
APMAP	20	4	7.16E-01	4	7.16E-01	3	1.13E-01	3	1.13E-01	2	1.86E-01	2	1.86E-01
8-Sep	5	1	4.89E-01	1	4.89E-01	2	1.13E-01	2	1.13E-01	2	1.89E-01	2	1.89E-01
FANCI	15	6	5.46E-01	7	3.48E-01	3	1.14E-01	4	1.51E-01	4	2.62E-01	5	3.82E-01
EGF	4	2	5.95E-01	2	5.95E-01	1	1.14E-01	1	1.14E-01	2	3.32E-01	2	3.32E-01
RIMS2	8	7	1.78E-01	7	1.78E-01	5	5.17E-01	5	5.17E-01	5	1.14E-01	5	1.14E-01
LCP2	5	1	5.89E-01	1	5.89E-01	1	1.29E-01	1	1.29E-01	1	1.14E-01	1	1.14E-01
MMP21	10	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.41E-01	2	1.41E-01	1	1.14E-01	1	1.14E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PLGRKT	9	1	7.96E-01	1	7.96E-01	1	1.14E-01	1	1.14E-01	1	1.33E-01	1	1.33E-01
DDX51	12	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	1.63E-01	4	1.63E-01	2	1.15E-01	2	1.15E-01
SHPRH	6	6	2.75E-01	6	2.75E-01	3	1.15E-01	3	1.15E-01	5	4.93E-01	5	4.93E-01
PFKFB2	1	1	8.83E-01	1	8.83E-01	1	1.15E-01	1	1.15E-01	1	2.13E-01	1	2.13E-01
DVL1	1	2	3.72E-01	2	3.72E-01	2	1.15E-01	2	1.15E-01	2	1.30E-01	2	1.30E-01
ILDR1	3	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.16E-01	3	1.16E-01	2	1.15E-01	2	1.15E-01
ZNF467	7	3	6.90E-01	3	6.90E-01	3	1.15E-01	3	1.15E-01	2	1.24E-01	2	1.24E-01
PCNXL2	1	6	6.39E-01	6	6.39E-01	5	1.15E-01	5	1.15E-01	4	2.01E-01	4	2.01E-01
METTL21C	13	1	7.26E-01	1	7.26E-01	1	1.15E-01	1	1.15E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01
DNASE1	16	7	1.00E+00	7	1.00E+00	5	1.16E-01	5	1.16E-01	5	1.30E-01	5	1.30E-01
ARL11	13	4	3.45E-01	4	3.45E-01	3	2.46E-01	3	2.46E-01	3	1.16E-01	3	1.16E-01
CCNT1	12	6	4.30E-02	6	4.30E-02	2	1.16E-01	2	1.16E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00
CASC3	17	3	3.09E-01	3	3.09E-01	2	1.16E-01	2	1.16E-01	3	4.52E-01	3	4.52E-01
NDUFAF2	5	1	8.97E-01	1	8.97E-01	1	1.16E-01	1	1.16E-01	1	1.48E-01	1	1.48E-01
TSKU	11	1	5.05E-01	1	5.05E-01	2	1.16E-01	2	1.16E-01	2	1.84E-01	2	1.84E-01
ARAP3	5	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.38E-01	2	1.38E-01	1	1.16E-01	1	1.16E-01
AHCY	20	2	7.57E-01	2	7.57E-01	1	1.16E-01	1	1.16E-01	2	2.40E-01	2	2.40E-01
ADPRHL2	1	2	9.31E-01	2	9.31E-01	3	1.18E-01	3	1.18E-01	2	1.16E-01	2	1.16E-01
CACNA1I	22	3	4.54E-02	3	4.54E-02	3	1.17E-01	3	1.17E-01	1	2.83E-01	1	2.83E-01
SYNC	1	3	3.37E-01	3	3.37E-01	3	1.17E-01	3	1.17E-01	2	5.62E-01	2	5.62E-01
CNOT10	3	1	6.45E-01	1	6.45E-01	1	1.17E-01	1	1.17E-01	1	2.68E-01	1	2.68E-01
C9orf84	9	3	4.15E-01	3	4.15E-01	4	2.46E-01	4	2.46E-01	2	1.17E-01	2	1.17E-01
MFSD3	8	2	3.65E-01	2	3.65E-01	2	1.17E-01	2	1.17E-01	2	1.84E-01	2	1.84E-01
SIGLEC1	20	14	2.04E-01	15	2.44E-01	11	4.63E-01	12	2.78E-01	6	1.38E-01	7	1.17E-01
CTNNA3	10	4	2.52E-01	4	2.52E-01	3	1.17E-01	3	1.17E-01	3	2.49E-01	3	2.49E-01
AKR1E2	10	2	1.00E+00	4	7.86E-01	2	1.58E-01	4	2.41E-01	1	1.17E-01	3	2.10E-01
PFKL	21	3	4.72E-01	3	4.72E-01	3	1.17E-01	3	1.17E-01	3	1.40E-01	3	1.40E-01
DYSF	2	12	6.25E-01	12	6.25E-01	10	2.29E-01	10	2.29E-01	10	1.17E-01	10	1.17E-01
GFM2	5	6	4.76E-01	6	4.76E-01	6	1.64E-01	6	1.64E-01	1	1.17E-01	1	1.17E-01
FLNB	3	15	3.12E-01	15	3.12E-01	13	7.12E-01	13	7.12E-01	7	1.17E-01	7	1.17E-01
CAPN3	15	3	6.55E-01	3	6.55E-01	3	1.22E-01	3	1.22E-01	2	1.18E-01	2	1.18E-01
BRINP2	1	4	2.72E-01	4	2.72E-01	3	1.18E-01	3	1.18E-01	3	2.73E-01	3	2.73E-01
PEX6	6	3	3.85E-01	4	3.54E-01	2	2.42E-01	3	1.18E-01	3	1.00E+00	4	4.14E-01
HAP1	17	3	2.24E-01	4	2.24E-01	2	3.25E-01	3	3.25E-01	2	1.18E-01	3	1.18E-01
PCDHGC5	5	3	6.68E-01	3	6.68E-01	3	1.25E-01	3	1.25E-01	2	1.18E-01	2	1.18E-01
TXNDC16	14	4	1.03E-01	4	1.03E-01	4	1.19E-01	4	1.19E-01	3	3.99E-01	3	3.99E-01
PIK3R3	1	1	7.68E-01	1	7.68E-01	2	1.19E-01	2	1.19E-01	2	2.17E-01	2	2.17E-01
TNXB	6	14	3.12E-01	14	3.12E-01	10	2.21E-01	10	2.21E-01	11	1.19E-01	11	1.19E-01
IFT140	16	9	7.43E-01	9	7.43E-01	8	1.19E-01	8	1.19E-01	4	2.32E-01	4	2.32E-01
ISLR	15	2	7.05E-01	2	7.05E-01	2	2.12E-01	2	2.12E-01	1	1.19E-01	1	1.19E-01
ZNF83	19	4	8.36E-01	4	8.36E-01	4	2.19E-01	4	2.19E-01	2	1.19E-01	2	1.19E-01
HTRA2	2	1	1.91E-01	1	1.91E-01	1	1.19E-01	1	1.19E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ST5	11	4	7.49E-01	5	7.49E-01	4	1.80E-01	5	1.80E-01	2	1.19E-01	3	1.19E-01
NADK2	5	2	9.23E-01	2	9.23E-01	3	1.19E-01	3	1.19E-01	2	1.28E-01	2	1.28E-01
DNAH9	17	21	1.00E+00	22	1.00E+00	20	1.24E-01	21	1.27E-01	11	1.23E-01	12	1.19E-01
KAT6A	8	3	4.74E-01	3	4.74E-01	3	1.49E-01	3	1.49E-01	2	1.19E-01	2	1.19E-01
UGT2A2	4	7	8.40E-01	8	6.45E-01	6	1.52E-01	7	1.57E-01	4	1.63E-01	5	1.20E-01
BUD13	11	2	1.15E-01	2	1.15E-01	2	2.21E-01	2	2.21E-01	2	1.20E-01	2	1.20E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
GJD4	10	2	8.59E-01	2	8.59E-01	2	1.32E-01	2	1.32E-01	1	1.20E-01	1	1.20E-01
MGAM	7	5	2.81E-01	5	2.81E-01	5	2.36E-01	5	2.36E-01	2	1.20E-01	2	1.20E-01
RAD52	12	4	3.75E-01	4	3.75E-01	4	1.20E-01	4	1.20E-01	4	2.12E-01	4	2.12E-01
POMC	2	2	9.72E-02	2	9.72E-02	3	3.63E-01	3	3.63E-01	3	1.20E-01	3	1.20E-01
EDEM3	1	2	4.79E-01	2	4.79E-01	2	1.20E-01	2	1.20E-01	1	1.77E-01	1	1.77E-01
PDIA2	16	2	4.11E-01	3	4.06E-01	3	1.20E-01	4	1.22E-01	2	1.42E-01	3	1.46E-01
TECPR1	7	3	3.15E-01	3	3.15E-01	2	1.20E-01	2	1.20E-01	4	3.94E-01	4	3.94E-01
JMJD4	1	2	8.76E-01	2	8.76E-01	2	1.21E-01	2	1.21E-01	2	2.06E-01	2	2.06E-01
AP1S3	2	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.44E-01	2	1.44E-01	2	1.21E-01	2	1.21E-01
RTN4	2	8	1.00E+00	8	1.00E+00	7	1.41E-01	7	1.41E-01	5	1.21E-01	5	1.21E-01
MYO3A	10	7	1.10E-01	8	2.78E-02	5	3.10E-01	6	2.30E-01	6	2.27E-01	7	1.21E-01
KIF26B	1	10	2.36E-03	10	2.36E-03	10	7.36E-01	10	7.36E-01	4	1.21E-01	4	1.21E-01
UVRAG	11	3	6.72E-01	3	6.72E-01	3	1.21E-01	3	1.21E-01	2	1.42E-01	2	1.42E-01
SPPL2C	17	3	6.23E-01	3	6.23E-01	3	1.21E-01	3	1.21E-01	3	2.97E-01	3	2.97E-01
PTX4	16	2	5.80E-01	3	3.93E-01	2	6.22E-01	3	4.07E-01			1	1.21E-01
TRAF3IP3	1	1	1.95E-01	1	1.95E-01	1	1.21E-01	1	1.21E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TMEM132A	11	4	2.59E-01	4	2.59E-01	3	4.70E-01	3	4.70E-01	2	1.21E-01	2	1.21E-01
GOT2	16	1	7.96E-01	1	7.96E-01	1	1.22E-01	1	1.22E-01	1	1.21E-01	1	1.21E-01
TNFRSF13C	22	1	9.63E-01	1	9.63E-01	1	1.35E-01	1	1.35E-01	1	1.22E-01	1	1.22E-01
PARK2	6	3	2.94E-01	3	2.94E-01	3	1.68E-01	3	1.68E-01	2	1.22E-01	2	1.22E-01
ANKRD33	12	2	6.40E-01	2	6.40E-01	2	1.22E-01	2	1.22E-01	3	3.40E-01	3	3.40E-01
HTT	4	6	2.47E-01	7	5.21E-01	6	6.87E-01	7	8.71E-01	2	1.22E-01	3	3.44E-01
ARHGAP30	1	4	4.68E-01	4	4.68E-01	5	1.82E-01	5	1.82E-01	2	1.22E-01	2	1.22E-01
OR10J1	1	2	5.33E-01	4	5.35E-01	2	1.22E-01	4	1.23E-01	2	3.81E-01	4	3.83E-01
ARSI	5	3	7.17E-01	3	7.17E-01	3	1.23E-01	3	1.23E-01	1	1.77E-01	1	1.77E-01
UBXN11	1	4	2.64E-01	4	2.64E-01	4	3.60E-01	4	3.60E-01	2	1.23E-01	2	1.23E-01
MADD	11	5	1.22E-01	6	3.34E-01	3	1.23E-01	4	1.43E-01	4	4.95E-01	5	5.95E-01
NOS1	12	5	7.92E-01	5	7.92E-01	5	2.82E-01	5	2.82E-01	2	1.23E-01	2	1.23E-01
ASB16	17	3	3.90E-01	3	3.90E-01	4	1.23E-01	4	1.23E-01	2	2.93E-01	2	2.93E-01
DYRK4	12	2	7.14E-01	2	7.14E-01	2	1.23E-01	2	1.23E-01	3	3.05E-01	3	3.05E-01
ALOX15	17	3	2.67E-01	3	2.67E-01	3	1.24E-01	3	1.24E-01	2	1.91E-01	2	1.91E-01
TARM1	19	2	3.01E-01	3	6.32E-01	1	1.24E-01	2	1.33E-01	2	1.38E-01	3	1.38E-01
FAF1	1	1	1.41E-01	1	1.41E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.24E-01	1	1.24E-01
PTPRN2	7	4	1.48E-03	4	1.48E-03	2	1.24E-01	2	1.24E-01	5	4.06E-01	5	4.06E-01
GAPVD1	9	1	9.14E-01	1	9.14E-01	2	1.24E-01	2	1.24E-01	2	1.74E-01	2	1.74E-01
ENPP1	6	7	6.73E-01	7	6.73E-01	6	1.24E-01	6	1.24E-01	2	3.46E-01	2	3.46E-01
SORBS3	8	7	2.60E-01	7	2.60E-01	7	4.08E-01	7	4.08E-01	2	1.24E-01	2	1.24E-01
NPHS1	19	1	7.65E-01	1	7.65E-01	1	1.25E-01	1	1.25E-01	1	1.92E-01	1	1.92E-01
UTP20	12	18	5.16E-01	19	5.16E-01	18	1.53E-01	19	1.50E-01	11	1.28E-01	12	1.25E-01
ZSCAN18	19	3	2.98E-01	3	2.98E-01	3	1.73E-01	3	1.73E-01	2	1.25E-01	2	1.25E-01
MBD5	2	4	6.69E-01	4	6.69E-01	3	2.71E-01	3	2.71E-01	2	1.25E-01	2	1.25E-01
CIT	12	3	6.71E-01	3	6.71E-01	3	1.25E-01	3	1.25E-01	3	2.55E-01	3	2.55E-01
RASSF6	4	5	2.71E-01	5	2.71E-01	4	6.55E-01	4	6.55E-01	2	1.25E-01	2	1.25E-01
DUPD1	10	1	7.61E-01	2	8.74E-01	1	5.06E-01	2	1.83E-01			1	1.25E-01
EDDM3A	14	1	8.23E-01	2	1.00E+00	1	3.03E-01	2	1.25E-01	1	3.34E-01	2	1.44E-01
HLA-DMA	6	3	1.38E-01	3	1.38E-01	3	3.11E-01	3	3.11E-01	3	1.25E-01	3	1.25E-01
WDR87	19	7	6.30E-01	7	6.30E-01	9	2.19E-01	9	2.19E-01	4	1.25E-01	4	1.25E-01
BAZ2B	2	8	6.47E-01	8	6.47E-01	7	1.25E-01	7	1.25E-01	6	1.63E-01	6	1.63E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MYH15	3	5	3.43E-01	7	3.43E-01	5	1.26E-01	7	1.26E-01	6	2.44E-01	8	2.44E-01
ANKRD45	1	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.26E-01	1	1.26E-01	1	2.34E-01	1	2.34E-01
C19orf57	19	2	8.01E-02	2	8.01E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.26E-01	1	1.26E-01
C21orf58	21	1	8.48E-01	2	1.00E+00	2	1.26E-01	3	1.26E-01	2	1.86E-01	3	1.86E-01
TARSL2	15	2	3.19E-01	2	3.19E-01	3	1.26E-01	3	1.26E-01	2	1.77E-01	2	1.77E-01
HPS3	3	5	7.83E-01	5	7.83E-01	4	3.06E-01	4	3.06E-01	2	1.26E-01	2	1.26E-01
FPGS	9	4	2.49E-02	4	2.49E-02	4	1.51E-01	4	1.51E-01	2	1.27E-01	2	1.27E-01
RALGAPA2	20	6	5.93E-01	6	5.93E-01	6	3.39E-01	6	3.39E-01	2	1.27E-01	2	1.27E-01
FGL1	8	7	1.97E-01	7	1.97E-01	8	1.27E-01	8	1.27E-01	4	1.97E-01	4	1.97E-01
CDH19	18	4	8.50E-01	4	8.50E-01	4	2.15E-01	4	2.15E-01	1	1.27E-01	1	1.27E-01
DTNA	18	4	8.35E-02	4	8.35E-02	2	1.27E-01	2	1.27E-01	4	4.22E-01	4	4.22E-01
FZD6	8	3	4.01E-01	3	4.01E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.27E-01	1	1.27E-01
ZNF398	7	2	9.24E-01	2	9.24E-01	2	1.28E-01	2	1.28E-01	1	1.75E-01	1	1.75E-01
RSRP1	1	4	3.33E-01	4	3.33E-01	4	1.28E-01	4	1.28E-01	3	1.56E-01	3	1.56E-01
MTO1	6	3	9.08E-01	3	9.08E-01	4	1.94E-01	4	1.94E-01	2	1.28E-01	2	1.28E-01
ZNF347	19	6	3.53E-01	6	3.53E-01	6	3.81E-01	6	3.81E-01	2	1.28E-01	2	1.28E-01
FBN1	15	3	6.63E-01	3	6.63E-01	3	1.45E-01	3	1.45E-01	2	1.28E-01	2	1.28E-01
SEMA6C	1	3	4.76E-01	3	4.76E-01	3	1.65E-01	3	1.65E-01	2	1.28E-01	2	1.28E-01
KRTAP3-2	17	1	8.06E-01	2	1.00E+00	2	1.28E-01	3	1.28E-01	2	1.74E-01	3	1.74E-01
ADRA1A	8	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.28E-01	2	1.28E-01	1	1.33E-01	1	1.33E-01
CDC42BPA	1	5	1.38E-01	5	1.38E-01	3	1.28E-01	3	1.28E-01	4	4.03E-01	4	4.03E-01
GAMT	19	1	4.00E-01	1	4.00E-01	2	1.28E-01	2	1.28E-01	2	1.97E-01	2	1.97E-01
HOMER2	15	1	3.61E-01	1	3.61E-01	2	1.28E-01	2	1.28E-01	2	1.59E-01	2	1.59E-01
RALGAPA1	14	3	8.42E-01	3	8.42E-01	3	1.28E-01	3	1.28E-01	1	2.23E-01	1	2.23E-01
FAF2	5	4	2.67E-01	4	2.67E-01	3	1.29E-01	3	1.29E-01	2	3.70E-01	2	3.70E-01
PCDHGA5	5	3	1.38E-01	3	1.38E-01	2	1.29E-01	2	1.29E-01	2	4.26E-01	2	4.26E-01
ADGRL4	1	4	7.77E-01	5	7.78E-01	5	3.09E-01	6	3.09E-01	2	1.29E-01	3	1.29E-01
NECAB3	20	1	7.74E-01	1	7.74E-01	1	1.29E-01	1	1.29E-01	1	1.76E-01	1	1.76E-01
MAPT	17	4	5.60E-02	6	6.03E-02	4	1.39E-01	6	1.29E-01	2	3.23E-01	4	3.07E-01
MRC2	17	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	2.03E-01	4	2.03E-01	2	1.29E-01	2	1.29E-01
TREM2	6	3	6.78E-01	3	6.78E-01	3	1.29E-01	3	1.29E-01	3	3.72E-01	3	3.72E-01
ZSCAN10	16	1	5.39E-01	1	5.39E-01	1	2.61E-01	1	2.61E-01	1	1.29E-01	1	1.29E-01
HSP90B1	12	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.77E-01	1	1.77E-01	1	1.29E-01	1	1.29E-01
ZNF221	19	2	1.47E-01	2	1.47E-01	3	1.29E-01	3	1.29E-01	3	3.36E-01	3	3.36E-01
LRRN2	1	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	1.85E-01	1	1.85E-01	1	1.29E-01	1	1.29E-01
SPPL2A	15	3	5.72E-02	3	5.72E-02	2	1.30E-01	2	1.30E-01	3	4.20E-01	3	4.20E-01
KRT79	12	5	4.98E-01	6	5.01E-01	4	3.63E-01	5	3.63E-01	2	1.30E-01	3	1.30E-01
DRD4	11	3	6.87E-01	3	6.87E-01	3	1.30E-01	3	1.30E-01	2	1.33E-01	2	1.33E-01
ICAM1	19	4	5.08E-01	5	2.14E-01	3	3.20E-01	4	3.22E-01	2	1.30E-01	3	2.42E-01
STEAP4	7	1	7.83E-01	2	8.03E-01	2	1.30E-01	3	1.32E-01	2	2.60E-01	3	2.64E-01
INA	10	1	3.93E-01	1	3.93E-01	1	1.30E-01	1	1.30E-01	1	2.07E-01	1	2.07E-01
LPO	17	4	8.16E-01	4	8.16E-01	3	2.38E-01	3	2.38E-01	2	1.30E-01	2	1.30E-01
TGIF1	18	1	7.43E-01	2	1.22E-01	1	1.37E-01	2	1.88E-01	1	2.42E-01	2	1.30E-01
UBN2	7	4	7.66E-01	4	7.66E-01	5	2.92E-01	5	2.92E-01	2	1.30E-01	2	1.30E-01
DNASE2B	1	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	2.82E-01	3	2.82E-01	2	1.30E-01	2	1.30E-01
PRTG	15	5	1.07E-01	5	1.07E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.30E-01	2	1.30E-01
GGA2	16	5	7.28E-01	5	7.28E-01	4	3.00E-01	4	3.00E-01	2	1.31E-01	2	1.31E-01
TRIM34	11	2	4.76E-01	2	4.76E-01	2	1.31E-01	2	1.31E-01	1	1.44E-01	1	1.44E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TNK2	3	10	1.00E+00	10	1.00E+00	8	1.57E-01	8	1.57E-01	4	1.31E-01	4	1.31E-01
TRPV3	17	5	3.11E-01	5	3.11E-01	6	3.63E-01	6	3.63E-01	2	1.31E-01	2	1.31E-01
FAM169A	5	1	1.05E-01	1	1.05E-01	1	1.31E-01	1	1.31E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
PTPRT	20	3	1.12E-04	3	1.12E-04	2	6.06E-01	2	6.06E-01	1	1.31E-01	1	1.31E-01
NTN3	16	3	7.49E-01	3	7.49E-01	4	2.31E-01	4	2.31E-01	2	1.31E-01	2	1.31E-01
MBTPS1	16	4	7.72E-01	4	7.72E-01	5	2.75E-01	5	2.75E-01	2	1.32E-01	2	1.32E-01
FAM151A	1	1	1.87E-01	1	1.87E-01	1	1.84E-01	1	1.84E-01	1	1.32E-01	1	1.32E-01
CLPX	15	3	5.69E-01	3	5.69E-01	3	3.22E-01	3	3.22E-01	2	1.32E-01	2	1.32E-01
PPEF2	4	5	7.77E-01	5	7.77E-01	5	2.77E-01	5	2.77E-01	2	1.32E-01	2	1.32E-01
SLC12A4	16	10	6.81E-01	10	6.81E-01	9	3.24E-01	9	3.24E-01	4	1.32E-01	4	1.32E-01
TRIM31	6	3	6.69E-01	3	6.69E-01	3	2.97E-01	3	2.97E-01	1	1.32E-01	1	1.32E-01
ZEB1	10	1	4.37E-01	1	4.37E-01	2	1.32E-01	2	1.32E-01	2	1.58E-01	2	1.58E-01
MYL5	4	3	5.28E-01	3	5.28E-01	2	1.32E-01	2	1.32E-01	3	2.39E-01	3	2.39E-01
TEX40	11	2	4.37E-01	2	4.37E-01	2	1.32E-01	2	1.32E-01	1	1.68E-01	1	1.68E-01
TRPM5	11	5	3.00E-01	5	3.00E-01	4	5.39E-01	4	5.39E-01	2	1.32E-01	2	1.32E-01
TRIM10	6	4	7.40E-01	4	7.40E-01	4	1.55E-01	4	1.55E-01	1	1.32E-01	1	1.32E-01
MED12L	3	2	8.18E-01	2	8.18E-01	2	1.32E-01	2	1.32E-01	3	2.54E-01	3	2.54E-01
PLA2G2D	1	1	5.71E-01	1	5.71E-01	1	1.87E-01	1	1.87E-01	1	1.33E-01	1	1.33E-01
SCNN1A	12	2	2.64E-01	2	2.64E-01	2	1.33E-01	2	1.33E-01	1	2.15E-01	1	2.15E-01
STX11	6	2	1.88E-01	2	1.88E-01	2	1.33E-01	2	1.33E-01	2	6.92E-01	2	6.92E-01
GLDN	15	5	4.31E-01	5	4.31E-01	5	5.05E-01	5	5.05E-01	2	1.33E-01	2	1.33E-01
SCNM1	1	2	6.22E-02	2	6.22E-02	1	1.33E-01	1	1.33E-01	2	1.86E-01	2	1.86E-01
GYS2	12	4	6.44E-01	4	6.44E-01	4	2.23E-01	4	2.23E-01	2	1.33E-01	2	1.33E-01
OR11H4	14	4	1.99E-01	4	1.99E-01	4	5.98E-01	4	5.98E-01	2	1.33E-01	2	1.33E-01
RNF135	17	1	7.18E-01	1	7.18E-01	1	1.61E-01	1	1.61E-01	1	1.33E-01	1	1.33E-01
GATA5	20	2	1.69E-01	2	1.69E-01	2	2.74E-01	2	2.74E-01	2	1.33E-01	2	1.33E-01
SLC22A18	11	4	5.95E-01	4	5.95E-01	3	3.30E-01	3	3.30E-01	4	1.33E-01	4	1.33E-01
CCDC14	3	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	2.15E-01	3	2.15E-01	1	1.33E-01	1	1.33E-01
TMEM8B	9	3	6.18E-01	3	6.18E-01	2	1.33E-01	2	1.33E-01	2	4.46E-01	2	4.46E-01
ZIC4	3	2	4.47E-01	2	4.47E-01	2	1.34E-01	2	1.34E-01	2	2.61E-01	2	2.61E-01
SPATA31E1	9	4	6.29E-01	4	6.29E-01	3	3.50E-01	3	3.50E-01	2	1.34E-01	2	1.34E-01
DLL3	19	4	2.58E-01	5	4.62E-01	2	1.34E-01	3	2.37E-01	3	4.62E-01	4	4.16E-01
HIP1R	12	10	1.95E-01	10	1.95E-01	7	4.72E-01	7	4.72E-01	5	1.34E-01	5	1.34E-01
MFS10	4	3	7.53E-01	3	7.53E-01	3	1.34E-01	3	1.34E-01	1	1.46E-01	1	1.46E-01
OR7C2	19	2	1.73E-01	2	1.73E-01	2	3.07E-01	2	3.07E-01	1	1.35E-01	1	1.35E-01
7-Mar	2	3	7.77E-01	3	7.77E-01	3	1.35E-01	3	1.35E-01	2	1.89E-01	2	1.89E-01
CHRDL2	11	1	1.55E-02	1	1.55E-02	1	1.35E-01	1	1.35E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01
ANKMY1	2	5	6.94E-01	5	6.94E-01	5	1.35E-01	5	1.35E-01	5	1.37E-01	5	1.37E-01
RBFA	18	2	6.85E-01	2	6.85E-01	2	2.01E-01	2	2.01E-01	1	1.35E-01	1	1.35E-01
EHMT1	9	5	7.04E-01	5	7.04E-01	6	1.36E-01	6	1.36E-01	3	1.76E-01	3	1.76E-01
OR52J3	11	3	9.26E-01	5	1.00E+00	3	2.50E-01	5	2.57E-01	2	1.36E-01	4	1.41E-01
TOX3	16	2	4.20E-01	2	4.20E-01	1	1.36E-01	1	1.36E-01	2	6.54E-01	2	6.54E-01
VNN3	6			1	3.12E-01			1	1.36E-01			1	3.58E-01
DNAH17	17	4	4.54E-01	4	4.54E-01	2	1.36E-01	2	1.36E-01	3	1.38E-01	3	1.38E-01
TRAPP11	4	3	5.77E-01	4	6.63E-01	3	1.36E-01	4	1.45E-01	2	1.42E-01	3	1.53E-01
LAMC3	9	9	2.56E-01	10	4.14E-01	5	2.26E-01	6	4.08E-01	6	1.36E-01	7	2.49E-01
TRIM67	1	4	1.15E-01	4	1.15E-01	2	1.36E-01	2	1.36E-01	3	8.94E-01	3	8.94E-01
SHMT2	12	3	6.37E-01	3	6.37E-01	3	1.36E-01	3	1.36E-01	2	1.40E-01	2	1.40E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
RARRES1	3	2	8.99E-02	2	8.99E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.36E-01	1	1.36E-01
AK8	9	3	8.65E-01	3	8.65E-01	3	1.37E-01	3	1.37E-01	3	2.40E-01	3	2.40E-01
APOBEC2	6	2	6.47E-02	2	6.47E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.37E-01	1	1.37E-01
PON1	7	1	7.17E-02	2	7.17E-02			1	1.37E-01	1	6.01E-01	2	6.01E-01
PIWIL3	22	11	7.13E-01	11	7.13E-01	11	1.75E-01	11	1.75E-01	4	1.37E-01	4	1.37E-01
C19orf71	19	3	6.60E-04	3	6.60E-04	3	2.17E-01	3	2.17E-01	4	1.37E-01	4	1.37E-01
VPS53	17	3	3.30E-01	4	4.70E-01	3	7.95E-01	4	3.16E-01			1	1.37E-01
ENTPD2	9	2	7.35E-01	2	7.35E-01	1	1.37E-01	1	1.37E-01	2	1.84E-01	2	1.84E-01
TRPM2	21	7	5.28E-01	7	5.28E-01	8	1.37E-01	8	1.37E-01	4	1.99E-01	4	1.99E-01
ECI1	16	1	2.68E-01	1	2.68E-01	1	1.37E-01	1	1.37E-01	1	1.95E-01	1	1.95E-01
ZNF543	19	5	7.64E-01	5	7.64E-01	5	2.03E-01	5	2.03E-01	3	1.38E-01	3	1.38E-01
APOD	3	2	4.03E-01	2	4.03E-01	2	2.05E-01	2	2.05E-01	1	1.38E-01	1	1.38E-01
OSBPL5	11	4	3.28E-01	4	3.28E-01	2	1.38E-01	2	1.38E-01	3	3.69E-01	3	3.69E-01
KMT2C	7	13	4.35E-02	13	4.35E-02	7	3.54E-01	7	3.54E-01	7	1.38E-01	7	1.38E-01
BRWD1	21	4	2.78E-01	5	2.78E-01	3	1.38E-01	4	1.38E-01	3	3.46E-01	4	3.46E-01
P2RX5	17	6	9.05E-02	6	9.05E-02	4	2.18E-01	4	2.18E-01	4	1.38E-01	4	1.38E-01
GRID1	10	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.38E-01	2	1.38E-01	2	1.53E-01	2	1.53E-01
UGT2A3	4	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	1.38E-01	1	1.38E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01
TUT1	11	3	8.03E-01	3	8.03E-01	2	1.48E-01	2	1.48E-01	2	1.39E-01	2	1.39E-01
GKN2	2	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.39E-01	1	1.39E-01	1	1.64E-01	1	1.64E-01
BARD1	2	3	7.25E-02	3	7.25E-02	4	1.96E-01	4	1.96E-01	2	1.39E-01	2	1.39E-01
TET2	4	9	3.47E-01	9	3.47E-01	8	2.62E-01	8	2.62E-01	4	1.39E-01	4	1.39E-01
TAAR6	6	5	3.18E-01	5	3.18E-01	3	1.39E-01	3	1.39E-01	5	4.67E-01	5	4.67E-01
HK2	2	5	1.19E-02	5	1.19E-02	1	1.40E-01	1	1.40E-01	5	6.84E-01	5	6.84E-01
NDC80	18	3	7.14E-01	3	7.14E-01	3	1.40E-01	3	1.40E-01	1	2.02E-01	1	2.02E-01
NR4A1	12	3	8.94E-01	3	8.94E-01	4	1.40E-01	4	1.40E-01	3	1.94E-01	3	1.94E-01
ZNRF1	16	1	5.79E-01	1	5.79E-01	1	1.59E-01	1	1.59E-01	1	1.40E-01	1	1.40E-01
STAP2	19	1	5.81E-01	1	5.81E-01	1	1.62E-01	1	1.62E-01	1	1.40E-01	1	1.40E-01
OR13A1	10	1	8.62E-01	1	8.62E-01	1	1.40E-01	1	1.40E-01	1	1.78E-01	1	1.78E-01
ANKRD24	19	4	4.15E-01	5	5.75E-01	4	1.40E-01	5	1.84E-01	4	1.43E-01	5	1.87E-01
SFSWAP	12	2	1.58E-02	2	1.58E-02	2	1.40E-01	2	1.40E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
ANO10	3	5	1.18E-02	5	1.18E-02	2	2.91E-01	2	2.91E-01	4	1.40E-01	4	1.40E-01
NRG1	8	4	7.50E-01	4	7.50E-01	4	3.50E-01	4	3.50E-01	2	1.40E-01	2	1.40E-01
HEBP1	12	3	7.37E-01	3	7.37E-01	2	1.40E-01	2	1.40E-01	2	2.81E-01	2	2.81E-01
F2RL1	5	3	4.61E-01	3	4.61E-01	2	1.72E-01	2	1.72E-01	2	1.40E-01	2	1.40E-01
DDIT3	12	1	8.44E-01	1	8.44E-01	1	1.40E-01	1	1.40E-01	1	2.53E-01	1	2.53E-01
ANXA9	1			1	1.73E-01			1	3.91E-01			1	1.41E-01
SEZ6	17	4	6.74E-02	4	6.74E-02	4	1.41E-01	4	1.41E-01	2	3.25E-01	2	3.25E-01
UNC13B	9	13	1.89E-01	13	1.89E-01	9	1.41E-01	9	1.41E-01	6	3.88E-01	6	3.88E-01
SZT2	1	10	1.95E-01	10	1.95E-01	7	1.41E-01	7	1.41E-01	7	5.17E-01	7	5.17E-01
FLNC	7	10	8.65E-01	10	8.65E-01	8	3.74E-01	8	3.74E-01	6	1.41E-01	6	1.41E-01
LRRIQ3	1	3	6.32E-01	3	6.32E-01	3	1.41E-01	3	1.41E-01	2	1.48E-01	2	1.48E-01
KLHL35	11	2	1.74E-01	2	1.74E-01	1	2.56E-01	1	2.56E-01	2	1.41E-01	2	1.41E-01
AXDND1	1	2	3.33E-01	2	3.33E-01	2	1.41E-01	2	1.41E-01	3	2.72E-01	3	2.72E-01
CCDC67	11	1	6.73E-01	1	6.73E-01	1	1.88E-01	1	1.88E-01	1	1.41E-01	1	1.41E-01
TTL2	6	3	3.18E-01	3	3.18E-01	2	3.83E-01	2	3.83E-01	2	1.42E-01	2	1.42E-01
CDH15	16	4	3.60E-01	5	2.62E-01	2	1.42E-01	3	1.56E-01	3	2.54E-01	4	4.34E-01
MAS1	6	4	2.67E-01	4	2.67E-01	4	5.16E-01	4	5.16E-01	3	1.42E-01	3	1.42E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MMACHC	1	3	7.40E-01	3	7.40E-01	3	2.61E-01	3	2.61E-01	1	1.42E-01	1	1.42E-01
ZNF430	19	3	9.87E-02	3	9.87E-02	3	4.31E-01	3	4.31E-01	2	1.42E-01	2	1.42E-01
NTSR1	20	6	5.19E-01	6	5.19E-01	4	1.42E-01	4	1.42E-01	4	2.31E-01	4	2.31E-01
SGSM1	22	1	5.76E-01	1	5.76E-01	1	1.42E-01	1	1.42E-01	1	2.45E-01	1	2.45E-01
OR10Z1	1	1	1.55E-01	2	1.55E-01	1	3.71E-01	2	3.60E-01			1	1.42E-01
FUCA2	6	1	7.92E-02	2	7.95E-02			1	1.42E-01	1	6.26E-01	2	6.29E-01
ACTL8	1	3	6.96E-01	3	6.96E-01	2	1.42E-01	2	1.42E-01	2	3.87E-01	2	3.87E-01
TMEM222	1	3	7.35E-01	3	7.35E-01	3	1.90E-01	3	1.90E-01	1	1.42E-01	1	1.42E-01
ZNF90	19	3	5.90E-01	4	6.84E-01	3	1.42E-01	4	1.55E-01	2	1.77E-01	3	2.09E-01
UBE4B	1	2	7.33E-01	2	7.33E-01	1	1.69E-01	1	1.69E-01	2	1.42E-01	2	1.42E-01
TGS1	8	1	5.20E-01	1	5.20E-01	1	1.43E-01	1	1.43E-01	1	1.64E-01	1	1.64E-01
ZSWIM2	2	5	1.60E-01	5	1.60E-01	3	1.43E-01	3	1.43E-01	4	5.74E-01	4	5.74E-01
PUS3	11	3	7.64E-02	3	7.64E-02	3	5.74E-01	3	5.74E-01	2	1.43E-01	2	1.43E-01
SLIT1	10	3	3.23E-01	3	3.23E-01	3	1.99E-01	3	1.99E-01	2	1.43E-01	2	1.43E-01
PTDSS2	11	1	3.31E-01	1	3.31E-01	1	1.43E-01	1	1.43E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
UBD	6			1	5.61E-01			1	2.16E-01			1	1.43E-01
ZNF394	7	1	7.98E-01	1	7.98E-01	1	1.93E-01	1	1.93E-01	1	1.43E-01	1	1.43E-01
FTMT	5	1	3.08E-01	1	3.08E-01	1	1.43E-01	1	1.43E-01	1	2.61E-01	1	2.61E-01
NAA38	17	1	4.17E-01	1	4.17E-01	1	1.65E-01	1	1.65E-01	1	1.44E-01	1	1.44E-01
PLEKHG7	12	5	9.64E-02	5	9.64E-02	3	2.33E-01	3	2.33E-01	3	1.44E-01	3	1.44E-01
MROH9	1	3	1.12E-01	3	1.12E-01	3	2.94E-01	3	2.94E-01	2	1.44E-01	2	1.44E-01
SHISA6	17	2	9.17E-01	2	9.17E-01	2	1.74E-01	2	1.74E-01	1	1.44E-01	1	1.44E-01
OTOP2	17	3	1.48E-01	3	1.48E-01	3	2.33E-01	3	2.33E-01	2	1.44E-01	2	1.44E-01
IFT80	3	2	9.77E-03	2	9.77E-03	2	4.63E-01	2	4.63E-01	1	1.44E-01	1	1.44E-01
JAG2	14	4	3.58E-01	4	3.58E-01	2	2.31E-01	2	2.31E-01	3	1.44E-01	3	1.44E-01
MPEG1	11	4	3.97E-01	4	3.97E-01	4	1.44E-01	4	1.44E-01	4	3.91E-01	4	3.91E-01
OR4L1	14	1	6.33E-01	3	6.35E-01	1	1.92E-01	3	1.66E-01	1	3.54E-01	3	1.44E-01
TMEM14B	6	1	1.26E-01	1	1.26E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.44E-01	1	1.44E-01
SLC12A8	3	5	1.35E-01	5	1.35E-01	4	1.44E-01	4	1.44E-01	2	6.99E-01	2	6.99E-01
IDI2	10	1	3.02E-01	2	3.57E-01	1	1.00E+00	2	3.67E-01	1	3.98E-01	2	1.45E-01
CCDC82	11	4	3.14E-01	4	3.14E-01	3	1.45E-01	3	1.45E-01	3	3.09E-01	3	3.09E-01
DNAJC13	3	8	1.00E+00	8	1.00E+00	7	1.45E-01	7	1.45E-01	6	2.14E-01	6	2.14E-01
IL17RD	3	5	6.78E-01	5	6.78E-01	4	1.76E-01	4	1.76E-01	3	1.45E-01	3	1.45E-01
ONECUT1	15	2	8.72E-01	2	8.72E-01	2	1.45E-01	2	1.45E-01	2	1.59E-01	2	1.59E-01
MIER2	19	3	6.67E-01	3	6.67E-01	2	1.45E-01	2	1.45E-01	3	2.90E-01	3	2.90E-01
ARHGEF15	17	4	4.33E-01	4	4.33E-01	3	1.45E-01	3	1.45E-01	4	2.67E-01	4	2.67E-01
NDUFV3	21	3	7.67E-01	4	4.53E-01	2	2.90E-01	3	1.45E-01	3	3.04E-01	4	2.20E-01
RIN3	14	3	2.24E-01	3	2.24E-01	2	1.45E-01	2	1.45E-01	4	2.92E-01	4	2.92E-01
MAN2B2	4	13	2.12E-01	14	1.85E-01	11	1.90E-01	12	1.45E-01	5	3.09E-01	6	2.59E-01
YJEFN3	19	2	9.22E-01	2	9.22E-01	2	1.45E-01	2	1.45E-01	2	1.73E-01	2	1.73E-01
POMGNT1	1	3	3.14E-01	3	3.14E-01	3	1.45E-01	3	1.45E-01	3	1.86E-01	3	1.86E-01
GPR25	1	1	6.33E-01	1	6.33E-01	1	1.45E-01	1	1.45E-01	1	2.30E-01	1	2.30E-01
GYS1	19	4	8.71E-01	4	8.71E-01	4	2.30E-01	4	2.30E-01	2	1.46E-01	2	1.46E-01
NLRP12	19	8	9.16E-01	8	9.16E-01	6	2.25E-01	6	2.25E-01	6	1.46E-01	6	1.46E-01
NDUFV1	11	4	6.25E-01	4	6.25E-01	3	3.05E-01	3	3.05E-01	2	1.46E-01	2	1.46E-01
OR5H2	3	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	1.83E-01	4	1.83E-01	2	1.46E-01	2	1.46E-01
GNAT3	7	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.46E-01	3	1.46E-01	3	1.47E-01	3	1.47E-01
CHDH	3	4	3.50E-01	4	3.50E-01	2	1.46E-01	2	1.46E-01	3	2.64E-01	3	2.64E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SERPINA10	14	5	4.27E-01	5	4.27E-01	4	5.27E-01	4	5.27E-01	3	1.46E-01	3	1.46E-01
SPTBN4	19	5	6.29E-01	5	6.29E-01	5	3.20E-01	5	3.20E-01	2	1.46E-01	2	1.46E-01
ABHD14B	3	3	5.89E-01	3	5.89E-01	3	1.47E-01	3	1.47E-01	2	1.63E-01	2	1.63E-01
CCDC158	4	7	1.00E+00	7	1.00E+00	6	1.47E-01	6	1.47E-01	4	2.09E-01	4	2.09E-01
RNF103	2	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	1.95E-01	2	1.95E-01	2	1.47E-01	2	1.47E-01
RNF25	2	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	2.03E-01	1	2.03E-01	1	1.47E-01	1	1.47E-01
SPINT3	20	1	7.70E-01	1	7.70E-01	1	1.47E-01	1	1.47E-01	1	2.01E-01	1	2.01E-01
AGRN	1	11	4.03E-01	11	4.03E-01	8	1.63E-01	8	1.63E-01	7	1.47E-01	7	1.47E-01
ZNF268	12	5	8.37E-01	5	8.37E-01	4	1.72E-01	4	1.72E-01	3	1.47E-01	3	1.47E-01
MRPL16	11	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	4.12E-01	2	4.12E-01	1	1.48E-01	1	1.48E-01
CLEC16A	16	4	6.75E-01	4	6.75E-01	2	1.48E-01	2	1.48E-01	3	2.56E-01	3	2.56E-01
REXO1	19	5	3.78E-01	5	3.78E-01	5	6.91E-01	5	6.91E-01	2	1.48E-01	2	1.48E-01
EBNA1BP2	1	2	8.78E-02	2	8.78E-02	2	1.48E-01	2	1.48E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
PAK1IP1	6	1	9.78E-02	1	9.78E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.48E-01	1	1.48E-01
CCDC65	12	2	3.41E-01	4	8.10E-01	1	5.05E-01	3	1.48E-01	1	6.09E-01	3	1.78E-01
LKAAEAR1	20			1	1.01E-01			1	1.48E-01			1	5.88E-01
APOBEC1	12	3	1.76E-01	3	1.76E-01	2	1.48E-01	2	1.48E-01	3	5.08E-01	3	5.08E-01
HOOK2	19	1	4.54E-01	1	4.54E-01	1	1.48E-01	1	1.48E-01	1	2.38E-01	1	2.38E-01
COL14A1	8	9	4.48E-01	9	4.48E-01	8	2.44E-01	8	2.44E-01	4	1.49E-01	4	1.49E-01
HMCN1	1	25	6.00E-01	26	6.00E-01	19	1.49E-01	20	1.49E-01	8	2.49E-01	9	2.49E-01
CCDC33	15			1	6.76E-01			1	1.87E-01			1	1.49E-01
MAP2	2	5	5.98E-01	5	5.98E-01	5	1.90E-01	5	1.90E-01	3	1.49E-01	3	1.49E-01
TSSK4	14	3	9.23E-01	3	9.23E-01	3	2.61E-01	3	2.61E-01	2	1.49E-01	2	1.49E-01
BTBD17	17	2	5.67E-01	3	5.03E-01	2	6.49E-01	3	5.37E-01			1	1.49E-01
FSD1L	9	1	1.06E-01	1	1.06E-01	1	1.49E-01	1	1.49E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01
FCHO1	19	3	5.27E-01	3	5.27E-01	3	1.49E-01	3	1.49E-01	3	2.60E-01	3	2.60E-01
ZNF107	7	3	1.48E-01	3	1.48E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.50E-01	1	1.50E-01
ETV2	19			1	1.00E+00			1	1.50E-01			1	2.17E-01
GPR137B	1	1	8.86E-01	1	8.86E-01	1	1.50E-01	1	1.50E-01	1	1.95E-01	1	1.95E-01
KIF26A	14	15	1.00E+00	15	1.00E+00	12	3.03E-01	12	3.03E-01	10	1.50E-01	10	1.50E-01
ZC3H12D	6	1	8.28E-02	1	8.28E-02	1	1.50E-01	1	1.50E-01	1	5.46E-01	1	5.46E-01
APOBEC4	1	1	1.16E-01	1	1.16E-01	1	1.50E-01	1	1.50E-01	1	7.04E-01	1	7.04E-01
CHERP	19	2	6.81E-02	2	6.81E-02	2	1.50E-01	2	1.50E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
LIPJ	10	2	7.41E-01	2	7.41E-01	1	1.50E-01	1	1.50E-01	2	3.79E-01	2	3.79E-01
AFF1	4	2	3.28E-01	2	3.28E-01	2	1.50E-01	2	1.50E-01	1	3.40E-01	1	3.40E-01
CAPN11	6	2	7.60E-01	2	7.60E-01	2	3.08E-01	2	3.08E-01	1	1.51E-01	1	1.51E-01
PLIN4	19	5	7.19E-01	5	7.19E-01	4	2.31E-01	4	2.31E-01	1	1.51E-01	1	1.51E-01
FAM162B	6	1	3.73E-01	1	3.73E-01	1	3.03E-01	1	3.03E-01	1	1.51E-01	1	1.51E-01
SPG11	15	8	2.63E-01	8	2.63E-01	8	1.51E-01	8	1.51E-01	6	1.77E-01	6	1.77E-01
PIF1	15	5	2.91E-01	5	2.91E-01	4	4.26E-01	4	4.26E-01	4	1.51E-01	4	1.51E-01
TRIM26	6	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.69E-01	2	1.69E-01	1	1.51E-01	1	1.51E-01
DMBT1	10	15	1.07E-01	15	1.07E-01	11	3.05E-01	11	3.05E-01	8	1.51E-01	8	1.51E-01
DOCK5	8	7	1.80E-02	7	1.80E-02	6	4.61E-01	6	4.61E-01	3	1.51E-01	3	1.51E-01
TAS2R39	7	2	7.51E-01	2	7.51E-01	3	1.63E-01	3	1.63E-01	2	1.51E-01	2	1.51E-01
PGAM2	7	1	7.86E-01	1	7.86E-01	1	1.51E-01	1	1.51E-01	1	1.95E-01	1	1.95E-01
PROSER2	10	8	8.03E-02	9	8.32E-02	6	2.05E-01	7	1.51E-01	6	3.83E-01	7	3.40E-01
C2orf57	2	2	6.02E-01	2	6.02E-01	2	3.78E-01	2	3.78E-01	1	1.52E-01	1	1.52E-01
DCSTAMP	8	1	9.04E-01	1	9.04E-01	2	1.52E-01	2	1.52E-01	2	2.08E-01	2	2.08E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
FTO	16	3	6.89E-01	3	6.89E-01	3	1.52E-01	3	1.52E-01	1	2.11E-01	1	2.11E-01
OCA2	15	7	3.11E-01	7	3.11E-01	6	2.31E-01	6	2.31E-01	4	1.52E-01	4	1.52E-01
CIB4	2	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.52E-01	1	1.52E-01	1	1.55E-01	1	1.55E-01
UGGT2	13	9	2.36E-02	9	2.36E-02	10	1.52E-01	10	1.52E-01	5	6.90E-01	5	6.90E-01
OR5AP2	11	1	2.35E-01	1	2.35E-01	1	1.52E-01	1	1.52E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
GPR17	2	4	6.99E-01	4	6.99E-01	4	1.52E-01	4	1.52E-01	3	2.45E-01	3	2.45E-01
CECR2	22	4	3.44E-02	6	3.89E-02	4	3.13E-01	6	2.21E-01	2	1.52E-01	4	1.52E-01
PGLS	19	4	1.65E-01	4	1.65E-01	4	7.14E-01	4	7.14E-01	1	1.52E-01	1	1.52E-01
RNF125	18	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.53E-01	1	1.53E-01
ZNF428	19	1	7.06E-01	1	7.06E-01	1	1.53E-01	1	1.53E-01	1	1.79E-01	1	1.79E-01
EYS	6	5	5.30E-02	5	5.30E-02	3	1.53E-01	3	1.53E-01	5	3.38E-01	5	3.38E-01
ABHD5	3	1	1.58E-01	1	1.58E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.53E-01	1	1.53E-01
TNFRSF13B	17	3	7.04E-01	3	7.04E-01	3	2.12E-01	3	2.12E-01	2	1.54E-01	2	1.54E-01
SEMG2	20	7	4.42E-01	7	4.42E-01	5	2.59E-01	5	2.59E-01	4	1.54E-01	4	1.54E-01
THUMPD3	3	4	4.95E-01	4	4.95E-01	5	3.40E-01	5	3.40E-01	2	1.54E-01	2	1.54E-01
SLC26A8	6	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	2.00E-01	4	2.00E-01	2	1.54E-01	2	1.54E-01
NUDT8	11	2	9.15E-01	2	9.15E-01	2	1.54E-01	2	1.54E-01	1	2.13E-01	1	2.13E-01
NTRK1	1	4	1.35E-01	4	1.35E-01	4	3.21E-01	4	3.21E-01	2	1.54E-01	2	1.54E-01
CASC4	15	2	8.71E-01	2	8.71E-01	3	1.54E-01	3	1.54E-01	3	3.38E-01	3	3.38E-01
EVC2	4	11	1.49E-01	11	1.49E-01	11	6.60E-01	11	6.60E-01	4	1.55E-01	4	1.55E-01
BOLA1	1	2	7.46E-01	2	7.46E-01	2	1.65E-01	2	1.65E-01	2	1.55E-01	2	1.55E-01
ANKHD1	5	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	1.70E-01	1	1.70E-01	1	1.55E-01	1	1.55E-01
ANKHD1-EIF4E	5	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	1.70E-01	1	1.70E-01	1	1.55E-01	1	1.55E-01
TAS1R3	1	9	1.16E-01	9	1.16E-01	10	6.52E-01	10	6.52E-01	2	1.55E-01	2	1.55E-01
MRPS18B	6	3	9.76E-02	3	9.76E-02	2	1.55E-01	2	1.55E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
VAV2	9	2	2.01E-01	2	2.01E-01	1	1.82E-01	1	1.82E-01	2	1.55E-01	2	1.55E-01
FKTN	9	2	2.15E-01	2	2.15E-01	2	1.55E-01	2	1.55E-01	1	3.24E-01	1	3.24E-01
TSPAN16	19	2	1.57E-01	2	1.57E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.55E-01	1	1.55E-01
HK3	5	13	5.00E-01	13	5.00E-01	11	1.55E-01	11	1.55E-01	7	1.58E-01	7	1.58E-01
ATG3	3	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	1.56E-01	1	1.56E-01	1	3.40E-01	1	3.40E-01
CAD	2	3	1.92E-03	3	1.92E-03	3	4.30E-01	3	4.30E-01	1	1.56E-01	1	1.56E-01
AFAP1L2	10	4	2.11E-01	4	2.11E-01	4	1.56E-01	4	1.56E-01	3	2.26E-01	3	2.26E-01
MYH7B	20	17	2.16E-01	18	2.16E-01	15	1.56E-01	16	1.56E-01	13	1.73E-01	14	1.73E-01
ABCA8	17	8	8.75E-01	8	8.75E-01	8	1.56E-01	8	1.56E-01	5	3.32E-01	5	3.32E-01
DOCK2	5	2	3.15E-01	2	3.15E-01	3	1.56E-01	3	1.56E-01	2	2.10E-01	2	2.10E-01
PACRGL	4	2	8.18E-01	2	8.18E-01	2	1.56E-01	2	1.56E-01	2	2.67E-01	2	2.67E-01
GORASP1	3	4	1.95E-01	4	1.95E-01	3	1.56E-01	3	1.56E-01	4	6.04E-01	4	6.04E-01
ENTPD3	3	3	6.46E-01	3	6.46E-01	3	1.57E-01	3	1.57E-01	2	1.59E-01	2	1.59E-01
NPHP4	1	18	9.09E-01	18	9.09E-01	13	1.57E-01	13	1.57E-01	10	1.76E-01	10	1.76E-01
CLDN20	6	2	7.81E-01	2	7.81E-01	2	1.66E-01	2	1.66E-01	2	1.57E-01	2	1.57E-01
AGR3	7	1	5.70E-01	1	5.70E-01	1	2.05E-01	1	2.05E-01	1	1.57E-01	1	1.57E-01
KAZALD1	10	3	4.43E-01	3	4.43E-01	3	1.57E-01	3	1.57E-01	1	3.60E-01	1	3.60E-01
PLXNB1	3	5	2.55E-01	5	2.55E-01	8	3.99E-01	8	3.99E-01	4	1.57E-01	4	1.57E-01
ANKZF1	2	2	8.54E-01	2	8.54E-01	3	1.57E-01	3	1.57E-01	3	2.15E-01	3	2.15E-01
RFX6	6	2	2.61E-01	2	2.61E-01	3	1.88E-01	3	1.88E-01	2	1.57E-01	2	1.57E-01
LECT2	5	1	6.20E-01	1	6.20E-01	1	1.58E-01	1	1.58E-01	1	1.63E-01	1	1.63E-01
BPI	20	7	5.67E-01	7	5.67E-01	4	1.84E-01	4	1.84E-01	4	1.58E-01	4	1.58E-01
FSTL4	5	4	6.80E-02	5	5.06E-02	3	6.71E-01	4	8.66E-01	1	4.45E-01	2	1.58E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PCDHGA10	5	2	5.46E-01	2	5.46E-01	2	1.89E-01	2	1.89E-01	2	1.58E-01	2	1.58E-01
KANK3	19	3	8.25E-02	3	8.25E-02	3	1.58E-01	3	1.58E-01	2	2.25E-01	2	2.25E-01
CDK7	5	3	3.30E-01	3	3.30E-01	2	1.58E-01	2	1.58E-01	2	7.01E-01	2	7.01E-01
KDM6B	17	5	5.66E-01	5	5.66E-01	4	1.58E-01	4	1.58E-01	3	2.23E-01	3	2.23E-01
EGFLAM	5	3	8.52E-01	4	6.88E-01	2	4.19E-01	3	3.74E-01	3	3.57E-01	4	1.58E-01
HYKK	15	2	2.25E-01	2	2.25E-01	2	1.58E-01	2	1.58E-01	1	1.74E-01	1	1.74E-01
AMZ1	7	8	6.61E-01	8	6.61E-01	7	1.87E-01	7	1.87E-01	4	1.58E-01	4	1.58E-01
BRIP1	17	6	7.76E-01	6	7.76E-01	6	1.90E-01	6	1.90E-01	2	1.58E-01	2	1.58E-01
ZMYND10	3	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.84E-01	2	1.84E-01	2	1.59E-01	2	1.59E-01
OASL	12	2	9.67E-02	2	9.67E-02	3	1.59E-01	3	1.59E-01	2	1.64E-01	2	1.64E-01
TTC31	2	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.61E-01	2	2.61E-01	1	1.59E-01	1	1.59E-01
PNLIPRP3	10	3	4.66E-02	3	4.66E-02	4	1.59E-01	4	1.59E-01	2	2.22E-01	2	2.22E-01
ETV4	17	6	5.10E-01	6	5.10E-01	3	1.82E-01	3	1.82E-01	4	1.59E-01	4	1.59E-01
DOCK6	19	13	1.00E+00	15	4.60E-01	11	3.07E-01	13	1.59E-01	5	3.11E-01	7	3.30E-01
FITM2	20	3	7.37E-01	3	7.37E-01	3	1.60E-01	3	1.60E-01	2	1.59E-01	2	1.59E-01
GGT7	20	3	4.88E-01	3	4.88E-01	3	1.59E-01	3	1.59E-01	3	2.62E-01	3	2.62E-01
ZNF778	16	3	7.67E-01	3	7.67E-01	2	1.66E-01	2	1.66E-01	3	1.60E-01	3	1.60E-01
ZNF57	19	3	3.07E-02	3	3.07E-02	3	1.60E-01	3	1.60E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
UNC45A	15	5	3.84E-02	5	3.84E-02	5	5.01E-01	5	5.01E-01	1	1.60E-01	1	1.60E-01
MAPK13	6	4	7.38E-02	4	7.38E-02	3	1.60E-01	3	1.60E-01	3	4.59E-01	3	4.59E-01
SGK1	6	1	2.94E-02	1	2.94E-02	1	5.00E-01	1	5.00E-01	1	1.60E-01	1	1.60E-01
PLPPR4	1	2	8.33E-03	2	8.33E-03	1	2.57E-01	1	2.57E-01	2	1.61E-01	2	1.61E-01
FBXO36	2	3	8.28E-02	4	8.28E-02	3	5.36E-01	4	5.36E-01	2	1.61E-01	3	1.61E-01
PCDHGA6	5	4	3.46E-01	4	3.46E-01	3	1.61E-01	3	1.61E-01	3	2.58E-01	3	2.58E-01
ATP2C2	16	10	4.63E-01	10	4.63E-01	8	2.04E-01	8	2.04E-01	5	1.61E-01	5	1.61E-01
SPAG1	8	2	3.75E-01	2	3.75E-01	2	6.00E-01	2	6.00E-01	1	1.61E-01	1	1.61E-01
SGSM2	17	4	6.09E-01	4	6.09E-01	4	4.28E-01	4	4.28E-01	2	1.61E-01	2	1.61E-01
SYNGR3	16	1	3.02E-01	1	3.02E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.61E-01	1	1.61E-01
MYO18B	22	14	2.27E-01	17	5.84E-01	14	5.38E-01	17	6.42E-01	6	1.69E-01	9	1.62E-01
GCAT	22	6	5.50E-01	6	5.50E-01	5	1.62E-01	5	1.62E-01	3	1.87E-01	3	1.87E-01
AIRE	21	5	4.94E-01	5	4.94E-01	5	1.69E-01	5	1.69E-01	2	1.62E-01	2	1.62E-01
TRIM5	11	5	2.32E-02	5	2.32E-02	3	1.62E-01	3	1.62E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
OR10G3	14	1	7.43E-01	2	3.84E-01	1	5.60E-01	2	1.62E-01			1	1.67E-01
CHRNA10	11	4	2.52E-01	4	2.52E-01	3	3.41E-01	3	3.41E-01	2	1.62E-01	2	1.62E-01
NPAP1	15	6	1.96E-01	7	3.60E-01	6	1.95E-01	7	2.20E-01	2	1.63E-01	3	1.88E-01
HLA-DOB	6	3	5.25E-01	3	5.25E-01	3	1.63E-01	3	1.63E-01	1	2.09E-01	1	2.09E-01
QRICH2	17	8	4.77E-01	8	4.77E-01	7	2.16E-01	7	2.16E-01	4	1.63E-01	4	1.63E-01
SLC35F5	2	1	4.21E-01	1	4.21E-01	1	3.36E-01	1	3.36E-01	1	1.63E-01	1	1.63E-01
OR13F1	9	3	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.63E-01	4	1.63E-01	2	2.34E-01	3	2.34E-01
ZNF816	19	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	1.64E-01	4	1.64E-01	3	1.80E-01	3	1.80E-01
FAM71F1	7	1	8.44E-02	2	8.50E-02			1	1.64E-01	1	6.55E-01	2	6.64E-01
C19orf18	19	1	2.18E-01	1	2.18E-01	1	3.39E-01	1	3.39E-01	1	1.64E-01	1	1.64E-01
MUC6	11	18	2.11E-01	19	1.68E-01	14	3.61E-01	15	3.68E-01	10	1.80E-01	11	1.64E-01
CDC25C	5	3	3.48E-01	3	3.48E-01	3	1.64E-01	3	1.64E-01	3	3.03E-01	3	3.03E-01
SPATA2	20	4	5.90E-01	4	5.90E-01	4	4.48E-01	4	4.48E-01	2	1.64E-01	2	1.64E-01
SYTL2	11	8	1.68E-01	8	1.68E-01	7	8.18E-01	7	8.18E-01	5	1.64E-01	5	1.64E-01
DMP1	4			1	7.98E-01			1	1.65E-01			1	1.64E-01
TMEM8A	16	3	6.86E-01	3	6.86E-01	4	2.89E-01	4	2.89E-01	2	1.64E-01	2	1.64E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PLD1	3	4	2.14E-02	4	2.14E-02	3	2.67E-01	3	2.67E-01	2	1.64E-01	2	1.64E-01
SLC25A41	19	3	5.14E-01	4	6.27E-01	3	2.55E-01	4	2.75E-01	2	1.64E-01	3	2.03E-01
GAREM2	2	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.70E-01	2	1.70E-01	2	1.65E-01	2	1.65E-01
BHMT	5	2	2.65E-01	2	2.65E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.65E-01	1	1.65E-01
CMYA5	5	11	1.45E-01	15	1.47E-01	9	1.65E-01	13	1.70E-01	8	2.50E-01	12	2.92E-01
TPCN2	11	2	6.60E-01	3	7.86E-01	3	1.65E-01	4	1.71E-01	2	1.84E-01	3	1.90E-01
LIMK2	22	7	2.96E-01	7	2.96E-01	7	4.89E-01	7	4.89E-01	4	1.65E-01	4	1.65E-01
DKK1	10	1	2.58E-01	1	2.58E-01	1	1.65E-01	1	1.65E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
MSH3	5	3	4.90E-01	3	4.90E-01	3	1.65E-01	3	1.65E-01	3	2.98E-01	3	2.98E-01
PALM3	19	2	5.13E-03	2	5.13E-03	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.65E-01	2	1.65E-01
ATG4C	1	3	5.23E-01	3	5.23E-01	3	1.66E-01	3	1.66E-01	3	2.81E-01	3	2.81E-01
SAMD11	1	5	7.31E-01	5	7.31E-01	4	1.66E-01	4	1.66E-01	4	2.90E-01	4	2.90E-01
TRAP1	16	8	1.00E+00	9	1.00E+00	8	1.68E-01	9	1.66E-01	5	2.12E-01	6	2.03E-01
SEC16B	1	8	4.03E-01	9	4.03E-01	9	2.93E-01	10	2.93E-01	5	1.66E-01	6	1.66E-01
RBM46	4	3	8.73E-01	3	8.73E-01	2	1.66E-01	2	1.66E-01	2	3.00E-01	2	3.00E-01
LIPE	19	4	4.15E-01	4	4.15E-01	4	4.84E-01	4	4.84E-01	3	1.66E-01	3	1.66E-01
APTX	9	2	9.29E-01	2	9.29E-01	2	1.66E-01	2	1.66E-01	1	2.12E-01	1	2.12E-01
TMPRSS9	19	12	7.22E-02	12	7.22E-02	8	3.59E-01	8	3.59E-01	6	1.66E-01	6	1.66E-01
SCUBE1	22	3	4.88E-01	3	4.88E-01	3	1.83E-01	3	1.83E-01	2	1.66E-01	2	1.66E-01
AIM1	6	11	4.79E-01	12	1.53E-03	8	4.95E-01	9	5.62E-01	4	6.28E-01	5	1.66E-01
TNRC18	7	6	1.05E-01	6	1.05E-01	6	5.08E-01	6	5.08E-01	4	1.67E-01	4	1.67E-01
DCLK3	3	3	2.27E-01	3	2.27E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.67E-01	1	1.67E-01
DHX58	17	8	1.00E+00	8	1.00E+00	7	1.67E-01	7	1.67E-01	5	2.63E-01	5	2.63E-01
IRS1	2	3	5.27E-01	3	5.27E-01	1	1.67E-01	1	1.67E-01	3	5.54E-01	3	5.54E-01
GLTSCR1L	6	3	6.72E-01	3	6.72E-01	3	1.67E-01	3	1.67E-01	3	3.64E-01	3	3.64E-01
TLE2	19	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.67E-01	3	1.67E-01	3	2.99E-01	3	2.99E-01
RNF133	7	1	7.71E-02	1	7.71E-02	1	3.62E-01	1	3.62E-01	1	1.67E-01	1	1.67E-01
KRTAP1-1	17	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01	1	1.67E-01	1	1.67E-01
SHTN1	10	2	4.16E-01	2	4.16E-01	3	1.88E-01	3	1.88E-01	2	1.67E-01	2	1.67E-01
TP53I13	17	2	2.23E-01	2	2.23E-01	2	2.68E-01	2	2.68E-01	1	1.67E-01	1	1.67E-01
PCDHB11	5	1	6.91E-01	1	6.91E-01	1	1.67E-01	1	1.67E-01	1	2.16E-01	1	2.16E-01
BMPER	7	3	1.81E-01	3	1.81E-01	2	3.14E-01	2	3.14E-01	2	1.68E-01	2	1.68E-01
NPHP1	2	2	3.34E-01	2	3.34E-01	2	1.68E-01	2	1.68E-01	2	5.89E-01	2	5.89E-01
RP1	8	4	5.89E-02	5	5.89E-02	2	2.87E-01	3	2.87E-01	4	1.68E-01	5	1.68E-01
TAAR5	6	2	6.10E-01	2	6.10E-01	2	1.96E-01	2	1.96E-01	1	1.68E-01	1	1.68E-01
EBLN2	3	2	8.45E-01	2	8.45E-01	1	1.68E-01	1	1.68E-01	2	2.74E-01	2	2.74E-01
KCNB1	20	2	7.15E-01	2	7.15E-01	2	2.54E-01	2	2.54E-01	1	1.68E-01	1	1.68E-01
TMEM41A	3	3	3.06E-04	3	3.06E-04	2	1.68E-01	2	1.68E-01	3	3.85E-01	3	3.85E-01
MS4A13	11	2	3.03E-01	3	3.14E-01	2	1.68E-01	3	1.73E-01	1	3.79E-01	2	4.08E-01
SGOL2	2	4	2.52E-01	4	2.52E-01	4	6.39E-01	4	6.39E-01	3	1.68E-01	3	1.68E-01
ZNF469	16	15	2.56E-01	15	2.56E-01	14	1.68E-01	14	1.68E-01	5	3.41E-01	5	3.41E-01
TGFBR3	1	3	5.07E-01	3	5.07E-01	3	1.68E-01	3	1.68E-01	2	4.05E-01	2	4.05E-01
FBRSL1	12	6	2.26E-01	6	2.26E-01	5	1.68E-01	5	1.68E-01	2	2.60E-01	2	2.60E-01
CRTAM	11	3	4.79E-01	3	4.79E-01	3	1.84E-01	3	1.84E-01	2	1.68E-01	2	1.68E-01
FANCM	14	10	6.52E-01	10	6.52E-01	9	2.40E-01	9	2.40E-01	6	1.68E-01	6	1.68E-01
DVL2	17	5	2.86E-01	5	2.86E-01	2	1.69E-01	2	1.69E-01	4	5.13E-01	4	5.13E-01
WISP1	8	1	7.59E-01	2	7.59E-01	1	5.05E-01	2	5.05E-01	1	1.69E-01	1	1.69E-01
PKHD1	6	20	6.49E-02	20	6.49E-02	15	3.73E-01	15	3.73E-01	8	1.69E-01	8	1.69E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
C14orf80	14	4	4.64E-01	4	4.64E-01	3	1.69E-01	3	1.69E-01	4	3.96E-01	4	3.96E-01
BCKDHA	19	2	5.10E-02	2	5.10E-02	2	1.69E-01	2	1.69E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01
KMT2E	7	4	5.21E-01	5	1.00E+00	5	3.50E-01	6	4.12E-01	2	1.69E-01	3	2.36E-01
ESYT1	12	8	6.51E-01	8	6.51E-01	5	3.21E-01	5	3.21E-01	5	1.69E-01	5	1.69E-01
C9	5	9	1.17E-01	9	1.17E-01	9	1.69E-01	9	1.69E-01	4	2.56E-01	4	2.56E-01
PSMB9	6	5	4.67E-01	5	4.67E-01	4	1.69E-01	4	1.69E-01	4	3.01E-01	4	3.01E-01
PAQR7	1	3	1.15E-01	3	1.15E-01	3	3.20E-01	3	3.20E-01	2	1.69E-01	2	1.69E-01
LDLRAD4	18	1	7.25E-02	1	7.25E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.69E-01	1	1.69E-01
G6PC	17	4	3.03E-01	4	3.03E-01	3	1.70E-01	3	1.70E-01	4	5.38E-01	4	5.38E-01
OR1K1	9	3	1.50E-01	3	1.50E-01	3	1.70E-01	3	1.70E-01	3	2.06E-01	3	2.06E-01
FOS	14	1	2.29E-01	1	2.29E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.70E-01	1	1.70E-01
UNC13C	15	12	4.06E-01	12	4.06E-01	10	1.70E-01	10	1.70E-01	5	2.62E-01	5	2.62E-01
PELI2	14	2	4.75E-01	2	4.75E-01	2	2.51E-01	2	2.51E-01	1	1.70E-01	1	1.70E-01
KANSL3	2	2	8.74E-01	2	8.74E-01	3	1.84E-01	3	1.84E-01	2	1.70E-01	2	1.70E-01
CPZ	4	7	1.65E-01	7	1.65E-01	7	1.70E-01	7	1.70E-01	5	1.84E-01	5	1.84E-01
GGT6	17	1	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.70E-01	2	1.70E-01	1	2.04E-01	2	2.04E-01
MRPL10	17	1	5.67E-01	1	5.67E-01	1	1.70E-01	1	1.70E-01	1	2.56E-01	1	2.56E-01
GSAP	7	1	7.09E-01	1	7.09E-01	1	1.96E-01	1	1.96E-01	1	1.71E-01	1	1.71E-01
SH3RF1	4	2	7.39E-01	2	7.39E-01	2	2.96E-01	2	2.96E-01	1	1.71E-01	1	1.71E-01
NELL1	11	6	3.50E-01	6	3.50E-01	7	4.06E-01	7	4.06E-01	2	1.71E-01	2	1.71E-01
HEATR6	17	3	5.86E-02	3	5.86E-02	3	1.71E-01	3	1.71E-01	2	2.09E-01	2	2.09E-01
RBL2	16	2	3.07E-01	2	3.07E-01	1	2.08E-01	1	2.08E-01	2	1.71E-01	2	1.71E-01
OR4B1	11	2	8.70E-01	3	8.62E-01	2	7.64E-01	3	1.72E-01	2	6.45E-01	3	4.01E-01
VPS13A	9	6	5.54E-01	6	5.54E-01	5	4.79E-01	5	4.79E-01	2	1.72E-01	2	1.72E-01
SLC5A3	21	2	9.80E-02	2	9.80E-02	2	1.72E-01	2	1.72E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CHST5	16	1	4.09E-01	2	4.29E-01	1	4.44E-01	2	4.01E-01			1	1.72E-01
DDX10	11	3	5.70E-02	3	5.70E-02	2	1.72E-01	2	1.72E-01	2	1.81E-01	2	1.81E-01
DDX54	12	5	7.04E-01	5	7.04E-01	5	3.34E-01	5	3.34E-01	1	1.72E-01	1	1.72E-01
ALDH1B1	9	4	4.92E-02	5	4.07E-02	3	3.57E-01	4	3.34E-01	3	1.88E-01	4	1.72E-01
DHX34	19	11	7.67E-01	12	7.62E-01	6	1.77E-01	7	1.80E-01	7	1.72E-01	8	2.05E-01
ERBB2	17	3	5.02E-01	3	5.02E-01	3	1.72E-01	3	1.72E-01	2	2.57E-01	2	2.57E-01
TMEM132D	12	3	2.66E-01	3	2.66E-01	1	1.73E-01	1	1.73E-01	3	3.12E-01	3	3.12E-01
RIMKLA	1	1	5.05E-01	1	5.05E-01	1	1.84E-01	1	1.84E-01	1	1.73E-01	1	1.73E-01
EPHA6	3	3	6.51E-01	3	6.51E-01	2	1.73E-01	2	1.73E-01	2	1.83E-01	2	1.83E-01
CEP295	11	4	5.45E-01	4	5.45E-01	4	2.57E-01	4	2.57E-01	2	1.73E-01	2	1.73E-01
SEZ6L2	16	3	6.94E-01	3	6.94E-01	3	1.73E-01	3	1.73E-01	2	2.44E-01	2	2.44E-01
FAM186A	12	6	8.32E-01	7	8.43E-01	6	1.76E-01	7	1.81E-01	2	1.73E-01	3	1.74E-01
IGSF9	1	4	7.09E-01	5	8.28E-01	2	3.88E-01	3	1.73E-01	3	3.91E-01	4	2.76E-01
EPN2	17	1	2.88E-01	1	2.88E-01	1	1.73E-01	1	1.73E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
FRS3	6	2	2.27E-01	2	2.27E-01	2	1.73E-01	2	1.73E-01	1	2.05E-01	1	2.05E-01
TRIM58	1	5	1.28E-01	5	1.28E-01	4	1.73E-01	4	1.73E-01	3	4.74E-01	3	4.74E-01
DIS3L	15	3	9.61E-02	3	9.61E-02	3	1.74E-01	3	1.74E-01	3	3.94E-01	3	3.94E-01
C17orf62	17	2	4.00E-01	2	4.00E-01	2	1.74E-01	2	1.74E-01	1	3.57E-01	1	3.57E-01
CUL9	6	6	1.00E+00	6	1.00E+00	6	1.74E-01	6	1.74E-01	5	2.64E-01	5	2.64E-01
CDHR4	3	4	4.33E-01	4	4.33E-01	5	3.53E-01	5	3.53E-01	2	1.74E-01	2	1.74E-01
SLCO1B7	12	5	2.89E-01	7	2.90E-01	5	3.37E-01	7	3.36E-01	1	1.74E-01	3	1.80E-01
UTRN	6	10	8.84E-01	10	8.84E-01	12	1.74E-01	12	1.74E-01	7	1.75E-01	7	1.75E-01
C15orf39	15	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	1.99E-01	5	1.99E-01	3	1.74E-01	3	1.74E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
KIF17	1	8	2.81E-01	8	2.81E-01	7	1.74E-01	7	1.74E-01	4	2.49E-01	4	2.49E-01
ZC3H3	8	8	6.36E-01	8	6.36E-01	7	4.17E-01	7	4.17E-01	7	1.74E-01	7	1.74E-01
CDH24	14	3	4.79E-01	3	4.79E-01	3	2.73E-01	3	2.73E-01	1	1.75E-01	1	1.75E-01
OR2L3	1			1	7.08E-01			1	1.75E-01			1	2.59E-01
MCM4	8	3	7.69E-01	3	7.69E-01	3	3.15E-01	3	3.15E-01	2	1.75E-01	2	1.75E-01
ZACN	17	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	2.12E-01	3	1.75E-01	1	2.07E-01	2	1.88E-01
ALDOB	9	3	6.83E-01	3	6.83E-01	2	1.75E-01	2	1.75E-01	3	2.91E-01	3	2.91E-01
DAPL1	2	2	7.09E-01	2	7.09E-01	2	2.99E-01	2	2.99E-01	1	1.75E-01	1	1.75E-01
SLC44A2	19	2	2.03E-01	2	2.03E-01	1	1.75E-01	1	1.75E-01	2	4.66E-01	2	4.66E-01
DEFA4	8	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.75E-01	1	1.75E-01	1	2.22E-01	1	2.22E-01
ALDH16A1	19	8	1.17E-01	8	1.17E-01	3	1.75E-01	3	1.75E-01	7	9.13E-01	7	9.13E-01
DIS3	13	5	1.61E-01	5	1.61E-01	4	1.75E-01	4	1.75E-01	4	5.94E-01	4	5.94E-01
ZDHHC5	11	4	8.63E-03	4	8.63E-03	3	1.75E-01	3	1.75E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
KIAA1614	1	5	2.41E-01	6	5.58E-01	5	6.12E-01	6	3.40E-01	5	2.23E-01	6	1.75E-01
CSMD3	8	12	3.88E-01	12	3.88E-01	8	1.75E-01	8	1.75E-01	9	4.82E-01	9	4.82E-01
NLRP3	1	3	5.11E-01	3	5.11E-01	3	1.85E-01	3	1.85E-01	2	1.75E-01	2	1.75E-01
FBXO15	18			1	1.33E-01			1	4.35E-01			1	1.75E-01
ARHGAP17	16	2	5.26E-01	2	5.26E-01	1	1.76E-01	1	1.76E-01	2	3.67E-01	2	3.67E-01
ALOX15B	17	6	4.55E-01	6	4.55E-01	5	1.76E-01	5	1.76E-01	3	2.30E-01	3	2.30E-01
PIKFYVE	2	4	8.66E-02	4	8.66E-02	3	1.76E-01	3	1.76E-01	4	4.96E-01	4	4.96E-01
MCF2L2	3	5	6.02E-01	5	6.02E-01	4	1.76E-01	4	1.76E-01	5	2.90E-01	5	2.90E-01
ACOX2	3	4	3.23E-01	4	3.23E-01	3	1.77E-01	3	1.77E-01	3	3.92E-01	3	3.92E-01
KPNA7	7	8	4.98E-01	8	4.98E-01	7	1.77E-01	7	1.77E-01	6	2.18E-01	6	2.18E-01
ST20-MTHFS	15	3	6.96E-01	3	6.96E-01	3	1.77E-01	3	1.77E-01	2	2.18E-01	2	2.18E-01
IMMP1L	11	1	4.94E-01	1	4.94E-01	1	2.15E-01	1	2.15E-01	1	1.77E-01	1	1.77E-01
STEAP2	7	4	5.05E-01	4	5.05E-01	5	3.17E-01	5	3.17E-01	2	1.77E-01	2	1.77E-01
ZMYND15	17	3	1.51E-01	3	1.51E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.77E-01	2	1.77E-01
SENP6	6	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	2.32E-01	3	2.32E-01	2	1.77E-01	2	1.77E-01
HMGXB3	5	2	7.66E-01	2	7.66E-01	2	1.77E-01	2	1.77E-01	1	2.49E-01	1	2.49E-01
CCSER1	4	5	1.64E-02	5	1.64E-02	5	2.31E-01	5	2.31E-01	2	1.78E-01	2	1.78E-01
ZNF774	15	2	9.18E-01	2	9.18E-01	2	1.78E-01	2	1.78E-01	1	2.21E-01	1	2.21E-01
C11orf49	11	3	7.25E-01	3	7.25E-01	3	1.78E-01	3	1.78E-01	3	2.34E-01	3	2.34E-01
GRID2IP	7	5	1.70E-01	6	1.13E-01	5	7.48E-01	6	7.60E-01	1	1.78E-01	2	2.11E-01
ADGRL2	1	4	6.35E-01	4	6.35E-01	4	2.51E-01	4	2.51E-01	2	1.78E-01	2	1.78E-01
B4GALNT2	17	4	5.36E-01	5	4.99E-01	4	3.96E-01	5	3.28E-01	2	2.26E-01	3	1.78E-01
CDK18	1	3	7.05E-01	3	7.05E-01	3	1.78E-01	3	1.78E-01	3	3.02E-01	3	3.02E-01
DGUOK	2	1	4.33E-01	1	4.33E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01	1	1.78E-01	1	1.78E-01
IDI1	10	1	7.69E-01	1	7.69E-01	1	1.78E-01	1	1.78E-01	1	1.88E-01	1	1.88E-01
LRPPRC	2	4	3.10E-01	4	3.10E-01	3	1.78E-01	3	1.78E-01	3	4.25E-01	3	4.25E-01
POLH	6	1	3.14E-01	1	3.14E-01	1	1.78E-01	1	1.78E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
C1orf159	1	3	5.05E-01	3	5.05E-01	2	2.29E-01	2	2.29E-01	2	1.78E-01	2	1.78E-01
GLB1	3	1	3.02E-02	1	3.02E-02	1	1.78E-01	1	1.78E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
FAM193A	4	4	7.45E-01	4	7.45E-01	4	1.78E-01	4	1.78E-01	3	3.70E-01	3	3.70E-01
CORO1B	11	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.79E-01	2	2.79E-01	1	1.79E-01	1	1.79E-01
CCDC28B	1	2	2.68E-01	2	2.68E-01	2	1.79E-01	2	1.79E-01	1	3.86E-01	1	3.86E-01
ALLC	2	3	3.58E-01	3	3.58E-01	3	1.79E-01	3	1.79E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
MYO3B	2	6	6.30E-01	6	6.30E-01	5	1.79E-01	5	1.79E-01	3	2.01E-01	3	2.01E-01
ATXN7	3	3	3.72E-01	3	3.72E-01	4	2.43E-01	4	2.43E-01	2	1.79E-01	2	1.79E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PIP5KL1	9	3	7.19E-01	3	7.19E-01	2	1.80E-01	2	1.80E-01	2	3.93E-01	2	3.93E-01
MPHOSPH10	2	2	8.59E-01	2	8.59E-01	2	1.80E-01	2	1.80E-01	2	2.46E-01	2	2.46E-01
GRIN2C	17	1	3.81E-01	1	3.81E-01	1	1.80E-01	1	1.80E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
FSTL5	4	10	8.19E-01	11	2.44E-01	7	3.26E-01	8	1.80E-01	4	4.06E-01	5	1.94E-01
POLM	7	1	9.61E-02	1	9.61E-02	1	3.56E-01	1	3.56E-01	1	1.80E-01	1	1.80E-01
TRAF3IP1	2	3	8.28E-01	3	8.28E-01	3	1.80E-01	3	1.80E-01	3	2.89E-01	3	2.89E-01
OR6N1	1	2	2.68E-01	2	2.68E-01	1	1.81E-01	1	1.81E-01	2	3.50E-01	2	3.50E-01
SCN7A	2	8	1.28E-01	8	1.28E-01	8	8.50E-01	8	8.50E-01	3	1.81E-01	3	1.81E-01
USP42	7	5	5.48E-01	5	5.48E-01	4	1.81E-01	4	1.81E-01	3	2.75E-01	3	2.75E-01
CYP3A43	7	6	2.19E-01	6	2.19E-01	5	4.64E-01	5	4.64E-01	2	1.81E-01	2	1.81E-01
ARL5C	17			1	7.58E-01			1	1.81E-01			1	2.13E-01
MTG1	10	4	7.57E-01	4	7.57E-01	4	3.77E-01	4	3.77E-01	1	1.82E-01	1	1.82E-01
ZNF205	16	3	3.64E-01	3	3.64E-01	2	1.82E-01	2	1.82E-01	2	4.82E-01	2	4.82E-01
SREBF1	17	1	4.34E-01	1	4.34E-01	1	2.96E-01	1	2.96E-01	1	1.82E-01	1	1.82E-01
WRNIP1	6	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.82E-01	3	1.82E-01	2	1.94E-01	2	1.94E-01
NVL	1	1	3.73E-01	1	3.73E-01	1	1.82E-01	1	1.82E-01	1	3.30E-01	1	3.30E-01
TNN	1	5	4.93E-01	5	4.93E-01	4	1.82E-01	4	1.82E-01	3	2.87E-01	3	2.87E-01
KCNE2	21	4	4.77E-01	4	4.77E-01	4	3.12E-01	4	3.12E-01	1	1.82E-01	1	1.82E-01
OR10P1	12	3	6.07E-02	3	6.07E-02	2	1.82E-01	2	1.82E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
ACVRL1	12	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.82E-01	3	1.82E-01	3	3.35E-01	3	3.35E-01
ZNF610	19	6	2.32E-01	6	2.32E-01	6	2.38E-01	6	2.38E-01	2	1.82E-01	2	1.82E-01
HABP2	10	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	2.21E-01	4	2.21E-01	3	1.83E-01	3	1.83E-01
SYNJ2	6	7	2.17E-01	7	2.17E-01	8	3.26E-01	8	3.26E-01	5	1.83E-01	5	1.83E-01
DSG1	18	3	4.86E-01	4	5.10E-01	4	1.84E-01	5	1.83E-01	3	2.68E-01	4	2.67E-01
GHRL	3	1	2.18E-01	1	2.18E-01	1	3.56E-01	1	3.56E-01	1	1.83E-01	1	1.83E-01
AIFM2	10	4	2.40E-01	4	2.40E-01	4	3.08E-01	4	3.08E-01	3	1.83E-01	3	1.83E-01
OLAH	10	1	8.05E-01	1	8.05E-01	1	1.83E-01	1	1.83E-01	1	2.04E-01	1	2.04E-01
FARP2	2	7	4.49E-01	8	4.70E-01	6	3.20E-01	7	3.31E-01	3	1.83E-01	4	2.14E-01
EPHA10	1	5	5.64E-01	6	7.09E-01	5	2.37E-01	6	1.83E-01	2	3.77E-01	3	2.46E-01
TRIM42	3	2	2.94E-01	2	2.94E-01	2	3.96E-01	2	3.96E-01	1	1.83E-01	1	1.83E-01
SLC39A12	10	4	8.82E-01	4	8.82E-01	3	1.84E-01	3	1.84E-01	3	2.02E-01	3	2.02E-01
BECN2	1	2	5.94E-01	2	5.94E-01	2	2.09E-01	2	2.09E-01	1	1.84E-01	1	1.84E-01
KDR	4	5	8.57E-01	5	8.57E-01	4	1.84E-01	4	1.84E-01	2	2.11E-01	2	2.11E-01
MC1R	16	7	2.23E-01	9	3.93E-01	7	4.40E-01	9	5.05E-01	5	1.84E-01	7	2.11E-01
GPA33	1	2	3.36E-01	2	3.36E-01	2	1.84E-01	2	1.84E-01	1	2.28E-01	1	2.28E-01
MTRR	5	5	4.38E-01	5	4.38E-01	5	1.84E-01	5	1.84E-01	3	3.09E-01	3	3.09E-01
DYM	18	2	7.55E-02	2	7.55E-02	2	1.84E-01	2	1.84E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
NOP9	14	3	9.75E-02	3	9.75E-02	3	1.84E-01	3	1.84E-01	4	4.61E-01	4	4.61E-01
PARD6B	20	3	7.67E-01	3	7.67E-01	3	3.13E-01	3	3.13E-01	1	1.84E-01	1	1.84E-01
NOTCH4	6	5	6.26E-01	5	6.26E-01	5	1.85E-01	5	1.85E-01	3	3.18E-01	3	3.18E-01
C2CD4C	19	1	1.50E-02	1	1.50E-02	1	1.85E-01	1	1.85E-01				
THSD7B	2	7	8.34E-01	7	8.34E-01	6	2.00E-01	6	2.00E-01	3	1.85E-01	3	1.85E-01
SLC45A2	5	1	7.51E-01	2	1.16E-01	1	4.61E-01	2	1.85E-01			1	5.18E-01
ZNF223	19	2	8.33E-01	2	8.33E-01	3	1.85E-01	3	1.85E-01	3	2.66E-01	3	2.66E-01
DRC3	17	5	1.00E+00	6	1.00E+00	5	1.85E-01	6	1.85E-01	3	2.51E-01	4	2.51E-01
URAD	13			1	8.03E-01			1	1.85E-01			1	1.87E-01
CRB2	9	5	2.78E-01	5	2.78E-01	4	6.03E-01	4	6.03E-01	3	1.85E-01	3	1.85E-01
CDKL1	14	4	3.42E-01	4	3.42E-01	3	1.85E-01	3	1.85E-01	3	3.91E-01	3	3.91E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
KCNC2	12	1	2.99E-01	1	2.99E-01	1	1.85E-01	1	1.85E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01
LURAP1L	9	4	7.86E-01	4	7.86E-01	3	2.60E-01	3	2.60E-01	2	1.85E-01	2	1.85E-01
ITGAM	16	3	4.39E-01	3	4.39E-01	2	2.78E-01	2	2.78E-01	2	1.85E-01	2	1.85E-01
NAALAD2	11	2	5.57E-01	2	5.57E-01	2	4.29E-01	2	4.29E-01	1	1.85E-01	1	1.85E-01
FAM65A	16	3	7.91E-01	3	7.91E-01	2	1.85E-01	2	1.85E-01	3	2.55E-01	3	2.55E-01
BMP3	4	4	2.47E-01	4	2.47E-01	2	1.86E-01	2	1.86E-01	3	6.23E-01	3	6.23E-01
MYO16	13	5	7.84E-03	5	7.84E-03	1	1.92E-01	1	1.92E-01	5	1.86E-01	5	1.86E-01
ODF3L2	19	2	8.77E-01	2	8.77E-01	2	2.78E-01	2	2.78E-01	1	1.86E-01	1	1.86E-01
MCM10	10	5	2.22E-01	6	2.22E-01	3	1.86E-01	4	1.87E-01	4	2.92E-01	5	2.88E-01
CAPN2	1	6	2.79E-03	6	2.79E-03	4	1.86E-01	4	1.86E-01	4	5.31E-01	4	5.31E-01
VNN2	6	3	3.91E-01	3	3.91E-01	3	2.71E-01	3	2.71E-01	1	1.87E-01	1	1.87E-01
NAALADL2	3	5	7.54E-01	6	7.63E-01	5	3.07E-01	6	3.07E-01	2	1.87E-01	3	1.87E-01
SIAE	11	4	3.42E-01	4	3.42E-01	2	1.87E-01	2	1.87E-01	3	3.85E-01	3	3.85E-01
TEAD4	12	1	8.66E-02	1	8.66E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.87E-01	1	1.87E-01
MYEOV2	2	2	8.85E-01	2	8.85E-01	1	1.87E-01	1	1.87E-01	2	2.89E-01	2	2.89E-01
SAMD10	20	2	6.46E-01	2	6.46E-01	1	1.87E-01	1	1.87E-01	2	3.03E-01	2	3.03E-01
WDR78	1	4	9.99E-02	4	9.99E-02	4	2.01E-01	4	2.01E-01	2	1.87E-01	2	1.87E-01
GMEB1	1	1	9.34E-02	1	9.34E-02	1	1.87E-01	1	1.87E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
SYNE1	6	41	4.07E-01	42	4.12E-01	36	2.86E-01	37	2.87E-01	19	1.87E-01	20	1.89E-01
IL17RB	3	2	4.63E-01	3	2.31E-01	1	2.75E-01	2	1.87E-01	2	2.63E-01	3	4.50E-01
CLSTN3	12	6	8.92E-03	6	8.92E-03	3	7.14E-01	3	7.14E-01	5	1.88E-01	5	1.88E-01
PPP1R3A	7	5	4.24E-01	6	2.79E-01	5	3.59E-01	6	3.60E-01	3	1.88E-01	4	2.48E-01
TMPRSS3	21	5	4.38E-01	5	4.38E-01	5	1.88E-01	5	1.88E-01	2	4.58E-01	2	4.58E-01
PIP	7	1	6.04E-01	1	6.04E-01	1	1.88E-01	1	1.88E-01	1	3.39E-01	1	3.39E-01
SKIV2L2	5	2	8.91E-01	2	8.91E-01	2	2.62E-01	2	2.62E-01	1	1.88E-01	1	1.88E-01
SYCP2L	6	3	2.14E-03	3	2.14E-03	2	1.88E-01	2	1.88E-01	3	7.40E-01	3	7.40E-01
SKOR1	15	2	4.57E-01	2	4.57E-01	1	2.78E-01	1	2.78E-01	2	1.88E-01	2	1.88E-01
EHBP1L1	11	3	5.54E-01	3	5.54E-01	4	2.58E-01	4	2.58E-01	2	1.88E-01	2	1.88E-01
NAV1	1	7	5.58E-01	8	7.64E-01	4	4.29E-01	5	2.02E-01	4	4.00E-01	5	1.88E-01
SCTR	2	4	1.96E-01	4	1.96E-01	3	1.88E-01	3	1.88E-01	4	6.84E-01	4	6.84E-01
DDX4	5	1	4.05E-01	1	4.05E-01	1	2.70E-01	1	2.70E-01	1	1.89E-01	1	1.89E-01
GUCA1C	3	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	2.40E-01	3	2.40E-01	1	1.89E-01	1	1.89E-01
PLEKHG4	16	5	5.96E-01	5	5.96E-01	5	4.05E-01	5	4.05E-01	2	1.89E-01	2	1.89E-01
PEAR1	1	4	1.51E-01	4	1.51E-01	2	4.33E-01	2	4.33E-01	3	1.89E-01	3	1.89E-01
PRAM1	19	4	2.07E-01	5	2.08E-01	4	1.00E+00	5	1.00E+00	1	1.89E-01	2	1.89E-01
SUSD1	9	7	2.17E-01	7	2.17E-01	6	2.70E-01	6	2.70E-01	3	1.89E-01	3	1.89E-01
OCLN	5	1	4.43E-01	1	4.43E-01	1	2.02E-01	1	2.02E-01	1	1.89E-01	1	1.89E-01
TIRAP	11	2	2.01E-01	2	2.01E-01	2	1.89E-01	2	1.89E-01	1	2.72E-01	1	2.72E-01
ATAD2	8	2	6.73E-01	2	6.73E-01	1	1.90E-01	1	1.90E-01	2	3.66E-01	2	3.66E-01
MLLT4	6	4	8.11E-02	4	8.11E-02	4	4.83E-01	4	4.83E-01	1	1.90E-01	1	1.90E-01
EPHA1	7	3	7.40E-01	4	1.70E-02	3	2.56E-01	4	3.28E-01	1	1.90E-01	2	2.33E-01
BMP1	8	3	7.03E-02	3	7.03E-02	3	4.18E-01	3	4.18E-01	2	1.90E-01	2	1.90E-01
FER	5	4	6.76E-01	4	6.76E-01	4	1.90E-01	4	1.90E-01	2	3.85E-01	2	3.85E-01
OR5B3	11	1	2.06E-01	2	2.06E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.90E-01	2	1.90E-01
ZNF781	19			1	3.29E-01			1	3.13E-01			1	1.91E-01
MTMR11	1	3	3.17E-03	3	3.17E-03	3	6.49E-01	3	6.49E-01	2	1.91E-01	2	1.91E-01
EPB41L4A	5	5	5.14E-01	6	5.13E-01	5	2.26E-01	6	2.26E-01	4	1.91E-01	5	1.91E-01
SMIM24	19	1	5.23E-01	1	5.23E-01	1	2.11E-01	1	2.11E-01	1	1.91E-01	1	1.91E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PRSS8	16	1	2.07E-01	1	2.07E-01	1	2.90E-01	1	2.90E-01	1	1.91E-01	1	1.91E-01
DNMT3A	2	1	5.36E-03	1	5.36E-03	1	4.40E-01	1	4.40E-01	1	1.91E-01	1	1.91E-01
P3H1	1	4	5.26E-01	4	5.26E-01	3	2.77E-01	3	2.77E-01	3	1.91E-01	3	1.91E-01
CEP164	11	4	1.83E-02	4	1.83E-02	3	3.24E-01	3	3.24E-01	2	1.91E-01	2	1.91E-01
CHIA	1	1	7.57E-01	3	4.80E-01	1	5.35E-01	3	5.39E-01			2	1.91E-01
MYOCD	17	3	1.18E-01	3	1.18E-01	3	1.91E-01	3	1.91E-01	1	2.58E-01	1	2.58E-01
ZNF366	5	2	2.07E-01	2	2.07E-01	2	1.91E-01	2	1.91E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
FAM188B	7	2	3.07E-02	2	3.07E-02	2	7.07E-01	2	7.07E-01	1	1.91E-01	1	1.91E-01
FUT2	19	5	1.99E-01	6	1.99E-01	4	2.66E-01	5	2.66E-01	3	1.92E-01	4	1.92E-01
CRAMP1	16	3	1.69E-01	3	1.69E-01	1	1.92E-01	1	1.92E-01	3	3.86E-01	3	3.86E-01
NIF3L1	2	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.92E-01	2	1.92E-01	2	4.54E-01	2	4.54E-01
MYO5C	15	6	4.98E-01	6	4.98E-01	5	3.94E-01	5	3.94E-01	3	1.92E-01	3	1.92E-01
LRRC10	12	3	8.04E-01	3	8.04E-01	2	2.22E-01	2	2.22E-01	2	1.92E-01	2	1.92E-01
ADAMTSL5	19	3	6.36E-01	3	6.36E-01	3	1.92E-01	3	1.92E-01	2	3.01E-01	2	3.01E-01
RPS6KC1	1	3	2.02E-01	3	2.02E-01	1	1.92E-01	1	1.92E-01	3	3.74E-01	3	3.74E-01
COL24A1	1	7	2.85E-02	7	2.85E-02	6	1.92E-01	6	1.92E-01	2	4.29E-01	2	4.29E-01
ZNF599	19	5	1.32E-01	5	1.32E-01	5	2.35E-01	5	2.35E-01	2	1.92E-01	2	1.92E-01
DNAJC10	2	4	4.48E-01	4	4.48E-01	4	1.92E-01	4	1.92E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01
LGR4	11	9	2.26E-01	9	2.26E-01	7	3.53E-01	7	3.53E-01	6	1.92E-01	6	1.92E-01
TRPM4	19	8	5.18E-01	8	5.18E-01	7	1.93E-01	7	1.93E-01	4	2.66E-01	4	2.66E-01
ARMC9	2	4	3.80E-01	4	3.80E-01	3	1.93E-01	3	1.93E-01	3	3.32E-01	3	3.32E-01
OMP	11	1	7.49E-01	2	2.04E-01	1	4.87E-01	2	7.27E-01			1	1.93E-01
NCEH1	3	2	5.06E-01	2	5.06E-01	2	1.93E-01	2	1.93E-01	1	2.52E-01	1	2.52E-01
CFHR4	1	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.93E-01	3	1.93E-01	1	1.99E-01	1	1.99E-01
MYCT1	6	3	7.57E-01	3	7.57E-01	3	1.93E-01	3	1.93E-01	2	3.93E-01	2	3.93E-01
EIF2AK3	2	2	2.57E-01	2	2.57E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.94E-01	1	1.94E-01
PNRC1	6	3	3.91E-01	3	3.91E-01	2	2.54E-01	2	2.54E-01	2	1.94E-01	2	1.94E-01
LDHAL6A	11	2	8.96E-01	2	8.96E-01	2	2.70E-01	2	2.70E-01	1	1.94E-01	1	1.94E-01
CFAP97	4	2	3.37E-02	2	3.37E-02	2	5.66E-01	2	5.66E-01	1	1.94E-01	1	1.94E-01
ADIPOQ	3	4	3.15E-01	4	3.15E-01	3	1.94E-01	3	1.94E-01	4	3.83E-01	4	3.83E-01
KIFC2	8	2	7.88E-01	2	7.88E-01	1	1.94E-01	1	1.94E-01	2	2.43E-01	2	2.43E-01
CYBRD1	2	1	2.14E-01	1	2.14E-01	1	1.94E-01	1	1.94E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01
DBR1	3	4	3.29E-02	4	3.29E-02	3	1.94E-01	3	1.94E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
BDP1	5	6	4.49E-01	7	2.84E-01	4	3.86E-01	5	2.71E-01	4	3.28E-01	5	1.95E-01
ROBO3	11	8	4.50E-01	8	4.50E-01	7	1.95E-01	7	1.95E-01	3	3.62E-01	3	3.62E-01
ARGFX	3	1	1.77E-01	1	1.77E-01	1	3.23E-01	1	3.23E-01	1	1.95E-01	1	1.95E-01
IQGAP2	5	6	6.01E-01	6	6.01E-01	6	2.84E-01	6	2.84E-01	5	1.95E-01	5	1.95E-01
AKR7A3	1	1	3.03E-01	1	3.03E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.95E-01	1	1.95E-01
ABCA3	16	5	5.08E-01	5	5.08E-01	6	4.54E-01	6	4.54E-01	3	1.95E-01	3	1.95E-01
WASF3	13	3	1.40E-01	3	1.40E-01	3	1.95E-01	3	1.95E-01	1	2.87E-01	1	2.87E-01
C7orf34	7	2	7.23E-01	2	7.23E-01	1	1.95E-01	1	1.95E-01	2	5.48E-01	2	5.48E-01
TAS2R9	12	1	5.80E-01	1	5.80E-01	1	1.96E-01	1	1.96E-01	1	2.68E-01	1	2.68E-01
KATNB1	16	3	2.27E-01	3	2.27E-01	2	1.96E-01	2	1.96E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
MYO1C	17	9	7.57E-01	9	7.57E-01	10	2.81E-01	10	2.81E-01	5	1.96E-01	5	1.96E-01
CLK3	15			1	8.05E-01			1	1.96E-01			1	2.24E-01
TAPBPL	12	3	1.71E-01	3	1.71E-01	2	1.96E-01	2	1.96E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CLC	19	1	6.16E-01	1	6.16E-01	1	4.20E-01	1	4.20E-01	1	1.97E-01	1	1.97E-01
CDH23	10	7	6.82E-01	8	6.82E-01	8	5.00E-01	9	5.00E-01	2	1.97E-01	3	1.97E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ARRDC2	19	3	7.77E-01	3	7.77E-01	3	1.97E-01	3	1.97E-01	3	3.85E-01	3	3.85E-01
TSNARE1	8	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.45E-01	2	2.45E-01	1	1.97E-01	1	1.97E-01
RSPH1	21	1	8.28E-01	1	8.28E-01	1	1.97E-01	1	1.97E-01	1	2.89E-01	1	2.89E-01
NKAPL	6	2	7.19E-02	2	7.19E-02	1	4.39E-01	1	4.39E-01	2	1.97E-01	2	1.97E-01
COL5A2	2	8	4.99E-01	8	4.99E-01	4	1.97E-01	4	1.97E-01	6	2.61E-01	6	2.61E-01
DIEXF	1	4	2.24E-01	4	2.24E-01	2	1.97E-01	2	1.97E-01	3	2.76E-01	3	2.76E-01
DENND2C	1	7	2.11E-01	7	2.11E-01	6	3.09E-01	6	3.09E-01	3	1.97E-01	3	1.97E-01
CYB561D2	3	1	5.69E-01	1	5.69E-01	1	1.97E-01	1	1.97E-01	1	3.19E-01	1	3.19E-01
COL5A3	19	7	3.56E-01	8	3.56E-01	5	2.40E-01	6	2.42E-01	3	1.97E-01	4	1.98E-01
RIF1	2	6	2.44E-01	6	2.44E-01	4	1.98E-01	4	1.98E-01	3	4.83E-01	3	4.83E-01
CCDC107	9	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.98E-01	3	2.00E-01	1	2.21E-01	2	2.17E-01
RELT	11	3	7.22E-01	3	7.22E-01	3	2.74E-01	3	2.74E-01	2	1.98E-01	2	1.98E-01
GRAMD2	15	3	8.00E-01	3	8.00E-01	4	2.25E-01	4	2.25E-01	2	1.98E-01	2	1.98E-01
TLR1	4	3	6.71E-02	3	6.71E-02	3	4.19E-01	3	4.19E-01	1	1.98E-01	1	1.98E-01
ATP10A	15	11	7.80E-01	12	2.47E-01	10	1.98E-01	11	4.19E-01	4	2.44E-01	5	2.06E-01
ZNF493	19	2	1.59E-01	3	1.59E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.98E-01	2	1.98E-01
SLC15A3	11	5	5.35E-01	5	5.35E-01	4	1.98E-01	4	1.98E-01	2	4.55E-01	2	4.55E-01
C2orf74	2	1	7.56E-01	2	7.55E-01	1	5.07E-01	2	5.07E-01			1	1.98E-01
NSFL1C	20	3	3.87E-01	3	3.87E-01	3	1.99E-01	3	1.99E-01	1	3.53E-01	1	3.53E-01
ZNF541	19	7	3.93E-01	8	4.00E-01	5	2.04E-01	6	1.99E-01	3	3.48E-01	4	3.51E-01
C1orf204	1	2	6.28E-01	2	6.28E-01	2	3.10E-01	2	3.10E-01	1	1.99E-01	1	1.99E-01
AMDHD2	16	2	8.03E-01	2	8.03E-01	1	1.99E-01	1	1.99E-01	2	2.94E-01	2	2.94E-01
CEMP1	16	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.99E-01	1	1.99E-01	1	2.45E-01	1	2.45E-01
FIBCD1	9	3	1.07E-02	3	1.07E-02	2	4.95E-01	2	4.95E-01	2	1.99E-01	2	1.99E-01
COL16A1	1	3	8.41E-01	3	8.41E-01	3	1.99E-01	3	1.99E-01	3	3.02E-01	3	3.02E-01
NOTCH3	19	7	5.15E-01	7	5.15E-01	6	1.99E-01	6	1.99E-01	5	3.80E-01	5	3.80E-01
PCDHA1	5	7	8.18E-01	7	8.18E-01	6	1.99E-01	6	1.99E-01	4	3.15E-01	4	3.15E-01
RRP36	6	2	1.45E-01	2	1.45E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.99E-01	1	1.99E-01
WDR55	5	1	7.45E-01	3	3.44E-01	1	4.41E-01	3	6.44E-01			2	1.99E-01
STK11IP	2	8	3.61E-01	8	3.61E-01	7	5.48E-01	7	5.48E-01	4	1.99E-01	4	1.99E-01
PCNXL3	11	5	2.33E-01	6	2.33E-01	4	3.47E-01	5	3.47E-01	3	2.00E-01	4	2.00E-01
LAD1	1	2	7.22E-01	2	7.22E-01	2	2.00E-01	2	2.00E-01	2	2.07E-01	2	2.07E-01
OR5D13	11	1	4.91E-01	1	4.91E-01	1	2.00E-01	1	2.00E-01	1	2.71E-01	1	2.71E-01
TJP1	15	8	4.89E-02	8	4.89E-02	7	2.35E-01	7	2.35E-01	3	2.00E-01	3	2.00E-01
KLRF1	12			1	7.34E-01			1	2.00E-01			1	2.58E-01
MS4A5	11			1	2.11E-01			1	2.00E-01			1	5.20E-01
ADAMTSL1	9	4	3.56E-01	4	3.56E-01	2	2.00E-01	2	2.00E-01	3	2.79E-01	3	2.79E-01
PCDH12	5	4	2.81E-01	4	2.81E-01	3	2.31E-01	3	2.31E-01	3	2.00E-01	3	2.00E-01
PDGFRL	8	4	8.10E-01	4	8.10E-01	5	2.38E-01	5	2.38E-01	3	2.00E-01	3	2.00E-01
LGR6	1	4	8.56E-01	4	8.56E-01	4	2.01E-01	4	2.01E-01	3	3.09E-01	3	3.09E-01
OR13D1	9	3	2.05E-01	3	2.05E-01	2	2.01E-01	2	2.01E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
SNTA1	20	2	3.85E-01	2	3.85E-01	2	2.01E-01	2	2.01E-01	1	3.62E-01	1	3.62E-01
S100A3	1	1	2.83E-01	1	2.83E-01	1	2.44E-01	1	2.44E-01	1	2.01E-01	1	2.01E-01
LTN1	21	1	1.79E-01	2	1.86E-01	1	2.18E-01	2	2.01E-01	1	6.12E-01	2	6.18E-01
ABHD14A	3	1	8.07E-02	2	2.56E-02			1	2.01E-01	1	6.13E-01	2	1.00E+00
SYNGR4	19	2	5.69E-01	3	1.12E-01	2	6.25E-01	3	2.01E-01			1	4.94E-01
WWOX	16	3	8.46E-01	3	8.46E-01	3	2.96E-01	3	2.96E-01	1	2.01E-01	1	2.01E-01
ACAP3	1	2	7.32E-01	2	7.32E-01	1	2.01E-01	1	2.01E-01	2	3.18E-01	2	3.18E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
KIAA1147	7	2	5.31E-01	2	5.31E-01	3	2.01E-01	3	2.01E-01	3	3.03E-01	3	3.03E-01
HSD17B13	4	3	4.43E-01	4	3.11E-01	2	2.02E-01	3	3.22E-01	2	5.58E-01	3	6.26E-01
RYR1	19	25	7.77E-01	25	7.77E-01	16	2.26E-01	16	2.26E-01	13	2.02E-01	13	2.02E-01
NAT10	11	2	7.76E-01	2	7.76E-01	3	2.29E-01	3	2.29E-01	2	2.02E-01	2	2.02E-01
TSPAN8	12			1	8.06E-01			1	2.02E-01			1	2.42E-01
CHD1L	1	4	3.14E-01	5	3.88E-01	4	2.64E-01	5	2.02E-01	3	3.22E-01	4	3.41E-01
SLC25A47	14	3	4.24E-01	3	4.24E-01	3	2.75E-01	3	2.75E-01	3	2.03E-01	3	2.03E-01
POLE	12	9	6.94E-01	9	6.94E-01	9	3.78E-01	9	3.78E-01	3	2.03E-01	3	2.03E-01
NPBWR1	8	3	1.57E-01	4	1.77E-01	3	4.84E-01	4	3.40E-01			1	2.03E-01
WDR33	2	3	1.71E-01	3	1.71E-01	2	2.03E-01	2	2.03E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
B4GALT5	20	1	4.04E-01	1	4.04E-01	1	3.77E-01	1	3.77E-01	1	2.03E-01	1	2.03E-01
C12orf54	12	2	4.15E-01	3	4.13E-01	1	5.23E-01	2	3.23E-01	1	6.36E-01	2	2.03E-01
DOCK10	2	13	9.77E-02	13	9.77E-02	7	3.52E-01	7	3.52E-01	7	2.03E-01	7	2.03E-01
ANKRD27	19	7	1.00E+00	7	1.00E+00	7	2.76E-01	7	2.76E-01	3	2.03E-01	3	2.03E-01
PLIN1	15	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	2.03E-01	4	2.03E-01	4	2.14E-01	4	2.14E-01
ULBP3	6	2	1.80E-01	2	1.80E-01	2	2.03E-01	2	2.03E-01	1	2.35E-01	1	2.35E-01
CRISP3	6	2	7.00E-01	2	7.00E-01	2	2.04E-01	2	2.04E-01	1	3.05E-01	1	3.05E-01
CEBPE	14	1	3.43E-01	1	3.43E-01	1	2.04E-01	1	2.04E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
PLA2G15	16	4	5.11E-01	4	5.11E-01	4	2.04E-01	4	2.04E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
KLC4	6	3	8.16E-01	3	8.16E-01	3	2.04E-01	3	2.04E-01	3	3.57E-01	3	3.57E-01
FOXH1	8	2	7.00E-01	2	7.00E-01	2	2.07E-01	2	2.07E-01	2	2.04E-01	2	2.04E-01
RPGRIP1	14	5	6.79E-02	5	6.79E-02	4	2.04E-01	4	2.04E-01	3	3.77E-01	3	3.77E-01
SHF	15	4	7.58E-01	4	7.58E-01	4	3.21E-01	4	3.21E-01	1	2.04E-01	1	2.04E-01
SLC9A3R2	16	4	1.94E-01	4	1.94E-01	3	2.05E-01	3	2.05E-01	3	4.76E-01	3	4.76E-01
SLX4	16	4	2.53E-01	6	3.07E-01	4	2.45E-01	6	3.52E-01	2	2.05E-01	4	5.53E-01
CLASP2	3	3	2.93E-01	4	3.19E-01	1	2.28E-01	2	2.05E-01	3	2.17E-01	4	2.29E-01
PIK3C2G	12	8	6.19E-01	9	6.37E-01	9	2.15E-01	10	2.15E-01	6	2.05E-01	7	2.05E-01
SEC23B	20	7	8.04E-01	7	8.04E-01	5	2.05E-01	5	2.05E-01	3	2.85E-01	3	2.85E-01
ASB6	9	1	6.98E-01	1	6.98E-01	1	2.05E-01	1	2.05E-01	1	2.09E-01	1	2.09E-01
SFI1	22	11	1.00E+00	12	8.65E-01	10	3.04E-01	11	3.43E-01	6	2.05E-01	7	2.58E-01
LRRC32	11	2	7.28E-01	2	7.28E-01	2	2.05E-01	2	2.05E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01
FCRL1	1	3	6.64E-01	3	6.64E-01	3	2.05E-01	3	2.05E-01	1	3.03E-01	1	3.03E-01
ZC2HC1A	8	2	8.53E-01	2	8.53E-01	2	2.22E-01	2	2.22E-01	1	2.06E-01	1	2.06E-01
KAT6B	10	10	3.34E-01	10	3.34E-01	6	3.12E-01	6	3.12E-01	5	2.06E-01	5	2.06E-01
DACT2	6	4	3.40E-02	4	3.40E-02	4	3.62E-01	4	3.62E-01	1	2.06E-01	1	2.06E-01
ESPL1	12	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	2.11E-01	1	2.11E-01	1	2.06E-01	1	2.06E-01
UCP1	4	2	1.76E-01	2	1.76E-01	1	2.06E-01	1	2.06E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
MYO1A	12	5	5.40E-01	5	5.40E-01	4	2.06E-01	4	2.06E-01	3	3.45E-01	3	3.45E-01
LXN	3	1	4.10E-01	1	4.10E-01	1	4.06E-01	1	4.06E-01	1	2.06E-01	1	2.06E-01
FZD9	7	1	5.21E-01	1	5.21E-01	1	2.06E-01	1	2.06E-01	1	3.16E-01	1	3.16E-01
PUS7L	12	5	1.05E-01	5	1.05E-01	5	2.06E-01	5	2.06E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01
CROCC	1	9	3.05E-01	9	3.05E-01	9	7.82E-01	9	7.82E-01	2	2.07E-01	2	2.07E-01
RNF43	17	2	5.67E-01	5	3.66E-01	2	5.94E-01	5	7.18E-01			3	2.07E-01
NROB2	1			1	4.33E-01			1	2.07E-01			1	3.10E-01
BBS1	11	3	6.06E-01	3	6.06E-01	3	4.16E-01	3	4.16E-01	2	2.07E-01	2	2.07E-01
SGCZ	8	3	1.59E-01	3	1.59E-01	1	2.07E-01	1	2.07E-01	3	2.86E-01	3	2.86E-01
RREB1	6	9	1.00E+00	10	1.00E+00	8	2.07E-01	9	2.15E-01	7	2.20E-01	8	2.29E-01
TMCO5A	15	2	7.62E-03	2	7.62E-03	2	5.93E-01	2	5.93E-01	1	2.07E-01	1	2.07E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CD248	11	5	8.22E-01	5	8.22E-01	5	2.07E-01	5	2.07E-01	2	2.39E-01	2	2.39E-01
EXOC1	4	2	1.63E-01	2	1.63E-01	1	2.07E-01	1	2.07E-01	2	4.66E-01	2	4.66E-01
COL6A6	3	13	2.24E-01	14	2.24E-01	12	2.08E-01	13	2.08E-01	7	6.05E-01	8	6.32E-01
MAPKBP1	15	4	9.92E-02	4	9.92E-02	4	2.08E-01	4	2.08E-01	3	2.51E-01	3	2.51E-01
CDHR5	11	2	2.00E-01	2	2.00E-01	2	2.08E-01	2	2.08E-01	1	3.41E-01	1	3.41E-01
PRDM2	1	6	9.37E-02	6	9.37E-02	4	2.08E-01	4	2.08E-01	5	5.16E-01	5	5.16E-01
MCEMP1	19	1	4.15E-01	1	4.15E-01	1	2.39E-01	1	2.39E-01	1	2.09E-01	1	2.09E-01
NUP210L	1	4	8.91E-01	4	8.91E-01	4	2.09E-01	4	2.09E-01	3	3.11E-01	3	3.11E-01
MKKS	20	1	6.63E-01	1	6.63E-01	1	2.46E-01	1	2.46E-01	1	2.09E-01	1	2.09E-01
ASXL3	18	7	1.11E-01	7	1.11E-01	6	2.09E-01	6	2.09E-01	2	4.76E-01	2	4.76E-01
PRR3	6	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	2.09E-01	2	2.09E-01	2	6.72E-01	2	6.72E-01
MFSD9	2	5	3.78E-01	5	3.78E-01	5	3.37E-01	5	3.37E-01	2	2.09E-01	2	2.09E-01
PKD2L2	5	5	4.44E-01	5	4.44E-01	3	2.09E-01	3	2.09E-01	3	2.96E-01	3	2.96E-01
CTSF	11	4	2.02E-01	4	2.02E-01	3	2.10E-01	3	2.10E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
ZBTB20	3	1	2.71E-02	1	2.71E-02	1	2.10E-01	1	2.10E-01				
POMT1	9	2	4.99E-01	2	4.99E-01	3	2.10E-01	3	2.10E-01	3	3.99E-01	3	3.99E-01
CEP120	5	2	8.18E-04	3	8.18E-04	2	2.10E-01	3	2.10E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00
ZKSCAN2	16	4	7.46E-01	4	7.46E-01	4	3.21E-01	4	3.21E-01	1	2.10E-01	1	2.10E-01
CA9	9	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.10E-01	2	2.10E-01	1	2.81E-01	1	2.81E-01
ASPG	14	3	3.66E-01	3	3.66E-01	4	2.10E-01	4	2.10E-01	2	4.40E-01	2	4.40E-01
ADAM30	1	3	5.64E-01	3	5.64E-01	3	4.20E-01	3	4.20E-01	2	2.10E-01	2	2.10E-01
PPP6R1	19	2	5.29E-02	2	5.29E-02	2	2.11E-01	2	2.11E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01
PPAN-P2RY11	19	7	9.45E-02	7	9.45E-02	6	3.52E-01	6	3.52E-01	4	2.11E-01	4	2.11E-01
CHPF2	7	5	8.47E-01	5	8.47E-01	5	2.11E-01	5	2.11E-01	3	2.21E-01	3	2.21E-01
NACA2	17	1	7.14E-02	2	1.40E-01			1	2.11E-01	1	6.50E-01	2	7.43E-01
ERCC4	16	5	4.70E-02	6	7.56E-02	3	4.11E-01	4	5.23E-01	4	2.11E-01	5	2.48E-01
IL34	16			1	3.51E-01			1	2.11E-01			1	4.79E-01
PBX3	9	1	8.28E-01	1	8.28E-01	1	2.11E-01	1	2.11E-01	1	2.70E-01	1	2.70E-01
ADD3	10	3	7.66E-01	3	7.66E-01	3	3.34E-01	3	3.34E-01	1	2.12E-01	1	2.12E-01
A2M	12	3	9.01E-01	3	9.01E-01	4	2.24E-01	4	2.24E-01	3	2.12E-01	3	2.12E-01
ADAMTS14	10	11	2.85E-01	11	2.85E-01	8	3.01E-01	8	3.01E-01	7	2.12E-01	7	2.12E-01
HHAT	1	2	3.19E-02	4	3.29E-02	1	2.12E-01	3	2.26E-01	2	4.21E-01	4	5.36E-01
BBS10	12	2	3.59E-01	2	3.59E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	2.12E-01	1	2.12E-01
ARSJ	4	4	8.03E-01	4	8.03E-01	4	2.12E-01	4	2.12E-01	3	3.21E-01	3	3.21E-01
TNIP3	4	1	2.23E-01	1	2.23E-01	1	2.12E-01	1	2.12E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
HES3	1	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.12E-01	1	2.12E-01	1	2.53E-01	1	2.53E-01
CCR5	3	4	2.60E-02	4	2.60E-02	4	2.13E-01	4	2.13E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SCARF1	17	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	2.13E-01	3	2.13E-01	3	4.09E-01	3	4.09E-01
RUNX3	1			1	3.17E-02			1	9.14E-01			1	2.13E-01
AHI1	6	8	9.00E-02	8	9.00E-02	5	2.13E-01	5	2.13E-01	6	5.78E-01	6	5.78E-01
MAP4K2	11	2	7.87E-01	2	7.87E-01	3	2.37E-01	3	2.37E-01	2	2.13E-01	2	2.13E-01
NEK5	13	3	3.08E-01	4	2.64E-01	3	2.51E-01	4	2.13E-01	1	3.38E-01	2	3.54E-01
PLA2G2C	1			1	1.81E-01			1	4.74E-01			1	2.14E-01
MYH9	22	7	7.99E-02	7	7.99E-02	6	3.15E-01	6	3.15E-01	3	2.14E-01	3	2.14E-01
FAM81A	15	2	1.36E-01	2	1.36E-01	1	2.91E-01	1	2.91E-01	2	2.14E-01	2	2.14E-01
TJAP1	6	4	5.39E-01	4	5.39E-01	3	2.14E-01	3	2.14E-01	2	2.93E-01	2	2.93E-01
SIGLEC8	19	2	5.74E-01	3	5.83E-01	2	6.26E-01	3	6.49E-01			1	2.15E-01
PCNX	14	7	7.57E-02	7	7.57E-02	7	1.00E+00	7	1.00E+00	1	2.15E-01	1	2.15E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
IRAK3	12	6	2.83E-01	6	2.83E-01	4	2.15E-01	4	2.15E-01	4	4.79E-01	4	4.79E-01
DIAPH3	13	9	1.00E+00	9	1.00E+00	9	2.16E-01	9	2.16E-01	3	2.33E-01	3	2.33E-01
TGM4	3	2	5.96E-01	3	7.51E-01	3	3.14E-01	4	3.35E-01	2	2.16E-01	3	2.26E-01
EDC4	16	5	4.31E-01	5	4.31E-01	4	2.16E-01	4	2.16E-01	3	2.54E-01	3	2.54E-01
DMRTA1	9	3	6.33E-01	3	6.33E-01	2	2.16E-01	2	2.16E-01	3	4.21E-01	3	4.21E-01
ZNF596	8	4	7.30E-01	4	7.30E-01	4	2.16E-01	4	2.16E-01	3	2.93E-01	3	2.93E-01
CCSER2	10	6	6.42E-01	6	6.42E-01	4	2.16E-01	4	2.16E-01	4	2.28E-01	4	2.28E-01
TMPRSS7	3	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	2.16E-01	3	2.16E-01	4	2.36E-01	4	2.36E-01
OR3A1	17	1	1.00E+00	2	1.00E+00	1	2.16E-01	2	2.16E-01	1	3.46E-01	2	3.46E-01
FAM181B	11	1	9.27E-01	1	9.27E-01	1	2.16E-01	1	2.16E-01	1	3.15E-01	1	3.15E-01
NAIP	5	1	1.69E-01	1	1.69E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.16E-01	1	2.16E-01
DNASE1L2	16	2	2.06E-02	2	2.06E-02	2	4.84E-01	2	4.84E-01	2	2.16E-01	2	2.16E-01
KCNK18	10	1	2.92E-01	1	2.92E-01	1	2.59E-01	1	2.59E-01	1	2.16E-01	1	2.16E-01
ULK4	3	4	1.45E-01	4	1.45E-01	4	2.16E-01	4	2.16E-01	3	3.72E-01	3	3.72E-01
PPP1R32	11	4	8.22E-01	4	8.22E-01	3	2.97E-01	3	2.97E-01	2	2.17E-01	2	2.17E-01
LRRC31	3	5	1.58E-01	6	1.20E-01	5	4.11E-01	6	9.38E-01			1	2.17E-01
AGER	6	1	1.20E-01	1	1.20E-01	1	2.17E-01	1	2.17E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
FREM1	9	12	3.14E-01	14	2.68E-01	10	3.13E-01	12	2.17E-01	5	7.58E-01	7	5.29E-01
ALG6	1	3	4.17E-01	3	4.17E-01	3	5.36E-01	3	5.36E-01	1	2.17E-01	1	2.17E-01
ZFP14	19	1	7.92E-01	1	7.92E-01	1	2.17E-01	1	2.17E-01	1	3.22E-01	1	3.22E-01
ZNF212	7	2	1.62E-01	2	1.62E-01	2	2.17E-01	2	2.17E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01
TMEM144	4	2	1.21E-01	2	1.21E-01	2	2.17E-01	2	2.17E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01
SNX19	11	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.17E-01	1	2.17E-01	1	2.82E-01	1	2.82E-01
KANK1	9	9	3.37E-02	9	3.37E-02	6	2.18E-01	6	2.18E-01	5	6.33E-01	5	6.33E-01
ABCB4	7	3	6.46E-01	3	6.46E-01	1	2.18E-01	1	2.18E-01	3	2.87E-01	3	2.87E-01
ARL6IP6	2	1	4.10E-01	1	4.10E-01	1	2.18E-01	1	2.18E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
RGS22	8	5	5.96E-01	5	5.96E-01	5	3.52E-01	5	3.52E-01	2	2.18E-01	2	2.18E-01
SYT8	11	4	5.21E-01	5	5.27E-01	3	2.20E-01	4	2.18E-01	2	6.77E-01	3	6.00E-01
SIDT1	3	5	1.15E-01	5	1.15E-01	5	6.96E-01	5	6.96E-01	4	2.18E-01	4	2.18E-01
PTPN22	1	4	1.95E-01	4	1.95E-01	4	3.31E-01	4	3.31E-01	2	2.18E-01	2	2.18E-01
HPSE2	10	2	7.71E-02	2	7.71E-02	2	2.18E-01	2	2.18E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
GALNT11	7	3	6.15E-01	3	6.15E-01	2	2.18E-01	2	2.18E-01	2	3.76E-01	2	3.76E-01
SWT1	1	2	2.55E-02	2	2.55E-02	2	7.10E-01	2	7.10E-01	1	2.18E-01	1	2.18E-01
PDE6A	5	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	2.93E-01	3	2.93E-01	1	2.18E-01	1	2.18E-01
EXOSC8	13	1	4.72E-01	1	4.72E-01	1	2.19E-01	1	2.19E-01	1	3.24E-01	1	3.24E-01
SCN8A	12	3	8.74E-01	3	8.74E-01	2	2.19E-01	2	2.19E-01	2	3.17E-01	2	3.17E-01
PTPRU	1	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	2.19E-01	5	2.19E-01	2	2.98E-01	2	2.98E-01
PTCH2	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.32E-01	2	2.32E-01	1	2.19E-01	1	2.19E-01
SERPINA9	14	2	4.21E-01	2	4.21E-01	2	2.19E-01	2	2.19E-01	1	2.66E-01	1	2.66E-01
TMEM139	7	1	4.12E-01	1	4.12E-01	1	2.67E-01	1	2.67E-01	1	2.19E-01	1	2.19E-01
SACS	13	5	2.91E-01	5	2.91E-01	5	2.19E-01	5	2.19E-01	6	3.35E-01	6	3.35E-01
TTC28	22	11	5.08E-01	12	4.25E-01	7	3.42E-01	8	4.85E-01	7	2.19E-01	8	2.91E-01
TMF1	3	4	6.03E-01	5	5.39E-01	4	2.50E-01	5	2.52E-01	1	2.19E-01	2	2.45E-01
TCEB3	1	2	5.85E-01	3	2.86E-01	1	2.66E-01	2	4.23E-01	2	2.82E-01	3	2.19E-01
ASCC3	6	5	7.60E-01	6	1.00E+00	4	8.46E-01	5	2.21E-01	1	5.93E-01	2	2.19E-01
S1PR4	19	3	7.51E-02	3	7.51E-02	2	4.03E-01	2	4.03E-01	2	2.19E-01	2	2.19E-01
CALD1	7	2	5.32E-02	2	5.32E-02	2	2.20E-01	2	2.20E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01
RASEF	9	4	2.39E-01	4	2.39E-01	4	2.20E-01	4	2.20E-01	2	5.24E-01	2	5.24E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MYH1	17	13	5.34E-01	13	5.34E-01	7	2.78E-01	7	2.78E-01	8	2.20E-01	8	2.20E-01
GNAT2	1	3	1.99E-01	3	1.99E-01	2	3.63E-01	2	3.63E-01	2	2.20E-01	2	2.20E-01
VIT	2	4	4.01E-01	4	4.01E-01	5	3.97E-01	5	3.97E-01	2	2.20E-01	2	2.20E-01
DENND1A	9	2	7.94E-01	2	7.94E-01	1	2.20E-01	1	2.20E-01	2	2.39E-01	2	2.39E-01
NUP188	9	7	3.98E-01	7	3.98E-01	5	2.20E-01	5	2.20E-01	4	7.92E-01	4	7.92E-01
PGS1	17	2	7.93E-02	2	7.93E-02	2	6.59E-01	2	6.59E-01	1	2.20E-01	1	2.20E-01
MYOM3	1	4	7.54E-01	5	7.54E-01	3	2.20E-01	4	2.20E-01	3	5.83E-01	4	5.83E-01
DHX38	16	4	8.21E-01	4	8.21E-01	3	2.69E-01	3	2.69E-01	2	2.21E-01	2	2.21E-01
GBP6	1	6	3.50E-01	6	3.50E-01	5	2.21E-01	5	2.21E-01	4	5.00E-01	4	5.00E-01
CGRRF1	14	1	2.36E-01	1	2.36E-01	1	2.21E-01	1	2.21E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01
OR111	19	4	8.07E-01	6	8.36E-01	3	2.62E-01	5	2.76E-01	3	2.21E-01	5	2.54E-01
TPR	1	8	3.36E-01	8	3.36E-01	7	2.21E-01	7	2.21E-01	4	3.39E-01	4	3.39E-01
GSPT1	16			1	6.21E-01			1	2.21E-01			1	2.97E-01
LOXL3	2	3	6.00E-02	3	6.00E-02	2	2.21E-01	2	2.21E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
RSPH14	22	4	5.44E-01	5	6.04E-01	3	2.21E-01	4	2.21E-01	5	5.99E-01	6	6.04E-01
UGT2A1	4	9	7.32E-01	11	6.41E-01	8	2.51E-01	10	2.69E-01	5	3.04E-01	7	2.21E-01
P2RY11	19	5	7.28E-02	5	7.28E-02	4	4.07E-01	4	4.07E-01	3	2.21E-01	3	2.21E-01
ALX1	12	2	4.98E-04	2	4.98E-04	2	2.21E-01	2	2.21E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
CELA1	12	1	6.48E-02	1	6.48E-02	1	5.59E-01	1	5.59E-01	1	2.22E-01	1	2.22E-01
MYH11	16	10	1.60E-01	10	1.60E-01	6	3.45E-01	6	3.45E-01	7	2.22E-01	7	2.22E-01
C17orf77	17	1	7.21E-01	2	7.02E-01	1	2.22E-01	2	2.28E-01	1	4.39E-01	2	4.46E-01
PRR14L	22	8	1.00E+00	9	1.00E+00	8	2.33E-01	9	2.22E-01	4	3.60E-01	5	2.40E-01
MYO1H	12	9	1.32E-01	10	3.29E-01	9	3.40E-01	10	2.22E-01	1	6.12E-01	2	4.63E-01
CTC1	17	1	3.01E-01	1	3.01E-01	1	2.23E-01	1	2.23E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01
ZNF780A	19	4	5.74E-01	4	5.74E-01	2	2.23E-01	2	2.23E-01	3	2.83E-01	3	2.83E-01
CGNL1	15	6	2.50E-01	6	2.50E-01	4	2.23E-01	4	2.23E-01	5	5.22E-01	5	5.22E-01
VSIG10L	19	8	2.24E-02	8	2.24E-02	8	2.23E-01	8	2.23E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
CEP170B	14	12	3.26E-01	12	3.26E-01	11	7.51E-01	11	7.51E-01	3	2.23E-01	3	2.23E-01
C16orf46	16	3	5.57E-02	3	5.57E-02	2	2.23E-01	2	2.23E-01	2	3.27E-01	2	3.27E-01
SLC9C1	3	2	8.59E-01	2	8.59E-01	1	2.23E-01	1	2.23E-01	2	3.12E-01	2	3.12E-01
ST18	8	5	8.89E-02	5	8.89E-02	5	1.00E+00	5	1.00E+00	1	2.23E-01	1	2.23E-01
CAPS2	12	2	6.72E-01	3	6.72E-01	3	2.23E-01	4	2.23E-01	3	3.58E-01	4	3.58E-01
TCAP	17	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.36E-01	1	2.36E-01	1	2.23E-01	1	2.23E-01
SNX9	6	3	7.79E-01	3	7.79E-01	3	2.35E-01	3	2.35E-01	1	2.23E-01	1	2.23E-01
METTL12	11	1	6.30E-03	1	6.30E-03	1	5.52E-01	1	5.52E-01	1	2.24E-01	1	2.24E-01
ABCA7	19	11	6.16E-01	11	6.16E-01	8	2.33E-01	8	2.33E-01	6	2.24E-01	6	2.24E-01
BACH2	6	1	6.88E-01	1	6.88E-01	1	2.33E-01	1	2.33E-01	1	2.24E-01	1	2.24E-01
OR10G4	11	3	6.49E-01	3	6.49E-01	3	3.31E-01	3	3.31E-01	3	2.24E-01	3	2.24E-01
OR56B4	11	2	4.76E-01	2	4.76E-01	1	2.24E-01	1	2.24E-01	2	3.77E-01	2	3.77E-01
LINC00649	21			1	4.72E-01			1	3.84E-01			1	2.24E-01
TRIO	5	6	2.88E-01	6	2.88E-01	3	2.24E-01	3	2.24E-01	4	3.59E-01	4	3.59E-01
ACKR2	3	2	1.00E+00	3	8.35E-01	2	3.54E-01	3	3.91E-01	1	2.25E-01	2	4.55E-01
PABPN1L	16	1	6.71E-01	2	8.13E-01	1	5.07E-01	2	2.25E-01	1	5.98E-01	2	2.28E-01
ADAMTS15	11	4	7.16E-01	4	7.16E-01	4	2.25E-01	4	2.25E-01	2	4.53E-01	2	4.53E-01
SVEP1	9	8	8.21E-01	9	8.70E-01	7	2.87E-01	8	2.63E-01	2	2.68E-01	3	2.25E-01
IGFN1	1	6	1.53E-02	6	1.53E-02	4	3.72E-01	4	3.72E-01	3	2.25E-01	3	2.25E-01
BLK	8	6	2.33E-01	6	2.33E-01	4	3.15E-01	4	3.15E-01	3	2.25E-01	3	2.25E-01
DNAJC4	11	3	5.45E-01	3	5.45E-01	2	2.44E-01	2	2.44E-01	3	2.25E-01	3	2.25E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CRACR2A	12	4	1.72E-02	4	1.72E-02	4	2.25E-01	4	2.25E-01				
PLCG2	16			1	2.87E-01			1	2.25E-01			1	5.51E-01
HR	8	7	7.01E-01	7	7.01E-01	7	2.25E-01	7	2.25E-01	3	2.61E-01	3	2.61E-01
EXPH5	11	5	3.91E-02	7	5.54E-02	1	2.25E-01	3	2.37E-01	5	1.00E+00	7	1.00E+00
TCHHL1	1	4	3.42E-01	4	3.42E-01	2	3.81E-01	2	3.81E-01	3	2.26E-01	3	2.26E-01
COL20A1	20	6	4.10E-01	6	4.10E-01	6	2.78E-01	6	2.78E-01	4	2.26E-01	4	2.26E-01
PYCR1	8	2	7.51E-01	3	7.24E-01	2	2.47E-01	3	2.48E-01	2	2.26E-01	3	2.29E-01
NAPRT	8	2	6.25E-01	2	6.25E-01	2	2.26E-01	2	2.26E-01	1	2.90E-01	1	2.90E-01
ZNF30	19	4	3.60E-01	5	3.59E-01	3	2.83E-01	4	2.84E-01	3	2.26E-01	4	2.26E-01
CCDC180	9	10	4.04E-01	10	4.04E-01	6	4.56E-01	6	4.56E-01	7	2.26E-01	7	2.26E-01
DLK1	14	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.26E-01	2	2.26E-01	2	4.24E-01	2	4.24E-01
LMF1	16	3	4.09E-01	3	4.09E-01	3	2.26E-01	3	2.26E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
BLOC1S3	19	2	7.00E-02	2	7.00E-02	2	6.31E-01	2	6.31E-01	2	2.26E-01	2	2.26E-01
VSX1	20	2	6.47E-01	2	6.47E-01	2	2.43E-01	2	2.43E-01	2	2.26E-01	2	2.26E-01
WASF2	1	1	6.26E-01	1	6.26E-01	1	2.26E-01	1	2.26E-01	1	3.40E-01	1	3.40E-01
C10orf90	10	8	2.27E-01	8	2.27E-01	6	2.27E-01	6	2.27E-01	3	3.90E-01	3	3.90E-01
GLB1L	2	4	6.41E-01	4	6.41E-01	2	2.51E-01	2	2.51E-01	3	2.27E-01	3	2.27E-01
EME1	17	4	8.91E-01	4	8.91E-01	4	2.76E-01	4	2.76E-01	1	2.27E-01	1	2.27E-01
RAB25	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.27E-01	2	2.27E-01	2	2.56E-01	2	2.56E-01
SLFN1	1	2	5.34E-01	3	5.32E-01	2	4.27E-01	3	4.27E-01	1	2.28E-01	2	2.27E-01
IQCA1	2	8	4.20E-01	8	4.20E-01	8	2.27E-01	8	2.27E-01	3	3.10E-01	3	3.10E-01
GUCA2A	1	3	2.67E-01	3	2.67E-01	3	2.70E-01	3	2.70E-01	3	2.27E-01	3	2.27E-01
C14orf105	14	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.57E-01	2	2.57E-01	1	2.27E-01	1	2.27E-01
SETD1B	12	4	1.66E-01	4	1.66E-01	5	2.27E-01	5	2.27E-01	2	3.26E-01	2	3.26E-01
ITLN1	1	4	1.47E-01	4	1.47E-01	4	4.23E-01	4	4.23E-01	2	2.28E-01	2	2.28E-01
NCOA5	20	3	8.53E-01	3	8.53E-01	2	2.28E-01	2	2.28E-01	2	5.61E-01	2	5.61E-01
CINP	14	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.62E-01	2	2.62E-01	1	2.28E-01	1	2.28E-01
DXO	6	1	4.54E-01	1	4.54E-01	1	2.28E-01	1	2.28E-01	1	3.19E-01	1	3.19E-01
SLC43A1	11	4	6.08E-01	4	6.08E-01	3	3.74E-01	3	3.74E-01	2	2.28E-01	2	2.28E-01
HUS1B	6			1	6.84E-01			1	2.74E-01			1	2.28E-01
MSH5	6	3	2.27E-01	3	2.27E-01	2	3.90E-01	2	3.90E-01	3	2.28E-01	3	2.28E-01
PRR5	22	2	1.44E-01	2	1.44E-01	2	2.28E-01	2	2.28E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
LIG1	19	5	6.89E-02	5	6.89E-02	3	2.28E-01	3	2.28E-01	3	7.94E-01	3	7.94E-01
TCHP	12	5	4.75E-01	5	4.75E-01	4	2.28E-01	4	2.28E-01	3	3.48E-01	3	3.48E-01
FAM71F2	7	3	6.62E-02	4	7.29E-02	2	1.00E+00	3	4.58E-01	2	2.34E-01	3	2.28E-01
SAXO1	9	5	2.40E-02	5	2.40E-02	5	2.29E-01	5	2.29E-01	5	5.73E-01	5	5.73E-01
NOC2L	1	5	2.39E-01	5	2.39E-01	4	3.60E-01	4	3.60E-01	2	2.29E-01	2	2.29E-01
TPRN	9	4	1.52E-01	4	1.52E-01	4	3.91E-01	4	3.91E-01	2	2.29E-01	2	2.29E-01
SIX6	14	1	5.15E-01	1	5.15E-01	1	2.29E-01	1	2.29E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01
OR51F1	11	3	5.34E-01	4	5.40E-01	2	3.44E-01	3	3.48E-01	3	2.29E-01	4	2.32E-01
C1orf100	1	1	3.83E-01	1	3.83E-01	1	2.29E-01	1	2.29E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01
ASB3	2	3	2.40E-01	3	2.40E-01	2	2.29E-01	2	2.29E-01	2	7.69E-01	2	7.69E-01
GPR75-ASB3	2	3	2.40E-01	3	2.40E-01	2	2.29E-01	2	2.29E-01	2	7.69E-01	2	7.69E-01
STAU2	8	3	8.78E-01	3	8.78E-01	3	2.51E-01	3	2.51E-01	2	2.29E-01	2	2.29E-01
GJA10	6	2	7.04E-01	2	7.04E-01	2	3.37E-01	2	3.37E-01	1	2.30E-01	1	2.30E-01
ELSPBP1	19	3	1.09E-02	4	1.58E-02	3	3.28E-01	4	4.45E-01	3	2.30E-01	4	2.92E-01
NMUR2	5	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.30E-01	2	2.30E-01	2	3.23E-01	2	3.23E-01
GIGYF1	7	2	8.74E-01	2	8.74E-01	2	2.30E-01	2	2.30E-01	2	4.30E-01	2	4.30E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
HSPB2	11	2	4.96E-01	2	4.96E-01	2	3.89E-01	2	3.89E-01	1	2.30E-01	1	2.30E-01
STK32A	5	2	4.18E-01	2	4.18E-01	1	2.30E-01	1	2.30E-01	2	3.56E-01	2	3.56E-01
CAPS	19	2	5.48E-01	2	5.48E-01	2	2.72E-01	2	2.72E-01	2	2.30E-01	2	2.30E-01
KDELC2	11	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	2.90E-01	1	2.90E-01	1	2.30E-01	1	2.30E-01
WFDC5	20			1	5.09E-01			1	3.22E-01			1	2.31E-01
SLCO2B1	11	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	2.31E-01	3	2.31E-01	3	3.37E-01	3	3.37E-01
S1PR5	19	2	3.29E-01	2	3.29E-01	2	3.59E-01	2	3.59E-01	2	2.31E-01	2	2.31E-01
SECISBP2	9	2	5.58E-01	2	5.58E-01	2	3.53E-01	2	3.53E-01	1	2.31E-01	1	2.31E-01
COMP	19	4	4.49E-01	4	4.49E-01	3	5.79E-01	3	5.79E-01	2	2.31E-01	2	2.31E-01
SEMA6A	5	1	4.02E-01	1	4.02E-01	1	2.31E-01	1	2.31E-01	1	4.38E-01	1	4.38E-01
ZMYM6	1	5	6.64E-01	5	6.64E-01	5	2.31E-01	5	2.31E-01	4	5.07E-01	4	5.07E-01
INADL	1	9	4.30E-01	12	5.29E-01	10	4.22E-01	13	3.21E-01	6	3.32E-01	9	2.32E-01
CBFA2T3	16	8	9.82E-02	8	9.82E-02	6	2.32E-01	6	2.32E-01	3	4.84E-01	3	4.84E-01
MICAL1	6	8	2.91E-01	8	2.91E-01	6	2.32E-01	6	2.32E-01	3	6.94E-01	3	6.94E-01
SYCP1	1	4	6.46E-01	4	6.46E-01	4	2.51E-01	4	2.51E-01	3	2.32E-01	3	2.32E-01
SULT1C4	2	2	4.57E-01	2	4.57E-01	2	2.32E-01	2	2.32E-01	2	4.58E-01	2	4.58E-01
C1orf35	1	1	6.87E-01	1	6.87E-01	1	2.32E-01	1	2.32E-01	1	3.39E-01	1	3.39E-01
ZBP1	20	4	2.76E-01	4	2.76E-01	5	2.62E-01	5	2.62E-01	3	2.33E-01	3	2.33E-01
OR2Y1	5	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	2.38E-01	3	2.38E-01	2	2.33E-01	2	2.33E-01
IGHMBP2	11	3	6.53E-01	3	6.53E-01	4	2.33E-01	4	2.33E-01	3	3.42E-01	3	3.42E-01
TMEM2	9	4	6.46E-01	4	6.46E-01	4	2.33E-01	4	2.33E-01	3	2.71E-01	3	2.71E-01
PRSS50	3	1	2.41E-02	1	2.41E-02	1	4.35E-01	1	4.35E-01	1	2.33E-01	1	2.33E-01
MYADML2	17	4	5.79E-01	4	5.79E-01	4	5.45E-01	4	5.45E-01	2	2.33E-01	2	2.33E-01
MCCC2	5	5	5.55E-03	5	5.55E-03	2	6.09E-01	2	6.09E-01	4	2.33E-01	4	2.33E-01
OR10G8	11	1	6.61E-01	1	6.61E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.33E-01	1	2.33E-01
SLC37A1	21	2	2.03E-01	2	2.03E-01	2	4.15E-01	2	4.15E-01	1	2.33E-01	1	2.33E-01
OR2G2	1	1	7.28E-01	3	8.14E-01	1	4.34E-01	3	5.06E-01			2	2.33E-01
ESYT2	7	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	3.86E-01	5	3.86E-01	3	2.33E-01	3	2.33E-01
SLC22A11	11	4	1.22E-01	4	1.22E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	1	2.33E-01	1	2.33E-01
MRPS16	10	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.34E-01	1	2.34E-01	1	2.48E-01	1	2.48E-01
LGR5	12	7	4.13E-01	7	4.13E-01	6	2.34E-01	6	2.34E-01	3	3.86E-01	3	3.86E-01
CCDC136	7	9	2.48E-01	9	2.48E-01	5	2.34E-01	5	2.34E-01	9	6.26E-01	9	6.26E-01
SNUPN	15	3	4.14E-01	3	4.14E-01	3	2.34E-01	3	2.34E-01	2	6.75E-01	2	6.75E-01
CCDC42	17	3	1.17E-01	3	1.17E-01	3	2.34E-01	3	2.34E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
CCDC93	2	4	5.24E-01	5	2.40E-01	4	5.33E-01	5	1.00E+00	1	1.00E+00	2	2.34E-01
NADSYN1	11	7	5.10E-01	7	5.10E-01	5	7.15E-01	5	7.15E-01	4	2.34E-01	4	2.34E-01
KIAA0391	14	2	6.93E-01	2	6.93E-01	2	2.34E-01	2	2.34E-01	1	3.04E-01	1	3.04E-01
SEL1L	14	3	5.14E-01	3	5.14E-01	4	2.34E-01	4	2.34E-01	2	3.36E-01	2	3.36E-01
NGB	14	1	9.37E-01	1	9.37E-01	1	2.34E-01	1	2.34E-01	1	5.54E-01	1	5.54E-01
IL25	14	3	5.14E-01	3	5.14E-01	3	2.34E-01	3	2.34E-01	2	2.90E-01	2	2.90E-01
KNSTRN	15	1	6.59E-02	2	2.25E-02			1	2.34E-01	1	5.63E-01	2	5.54E-01
EIF4B	12	1	7.43E-01	2	7.17E-01	1	5.15E-01	2	3.44E-01			1	2.35E-01
PPP2R1B	11	5	3.75E-02	5	3.75E-02	4	3.83E-01	4	3.83E-01	2	2.35E-01	2	2.35E-01
ERCC2	19	9	6.83E-01	9	6.83E-01	8	4.09E-01	8	4.09E-01	3	2.35E-01	3	2.35E-01
FAT1	4	18	6.06E-01	18	6.06E-01	16	2.35E-01	16	2.35E-01	12	2.52E-01	12	2.52E-01
KCNH6	17	5	1.85E-01	5	1.85E-01	3	5.03E-01	3	5.03E-01	3	2.35E-01	3	2.35E-01
RELN	7	7	1.00E+00	7	1.00E+00	7	3.37E-01	7	3.37E-01	5	2.35E-01	5	2.35E-01
DEFB119	20	4	3.81E-01	4	3.81E-01	4	5.63E-01	4	5.63E-01	3	2.35E-01	3	2.35E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TPD52L3	9	3	1.83E-01	3	1.83E-01	3	2.53E-01	3	2.53E-01	2	2.35E-01	2	2.35E-01
OR56A5	11			1	4.48E-01			1	2.35E-01			1	3.88E-01
CRNKL1	20	1	6.84E-01	1	6.84E-01	1	2.55E-01	1	2.55E-01	1	2.36E-01	1	2.36E-01
TTI1	20	3	6.94E-01	3	6.94E-01	2	2.60E-01	2	2.60E-01	3	2.36E-01	3	2.36E-01
SPATA6	1	4	4.70E-01	5	4.70E-01	2	2.36E-01	3	2.36E-01	3	4.22E-01	4	4.22E-01
AP5Z1	7	7	3.52E-03	7	3.52E-03	7	2.36E-01	7	2.36E-01				
UACA	15	7	7.03E-01	7	7.03E-01	6	2.36E-01	6	2.36E-01	5	3.55E-01	5	3.55E-01
CCPG1	15	5	7.43E-01	5	7.43E-01	3	2.36E-01	3	2.36E-01	4	2.49E-01	4	2.49E-01
VWC2	7	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	2.36E-01	2	2.36E-01	2	5.11E-01	2	5.11E-01
EPN3	17	5	5.41E-01	5	5.41E-01	3	2.36E-01	3	2.36E-01	5	4.54E-01	5	4.54E-01
SLC10A2	13	8	1.00E+00	8	1.00E+00	6	2.36E-01	6	2.36E-01	4	2.92E-01	4	2.92E-01
MRPS5	2	1	9.17E-01	1	9.17E-01	1	2.36E-01	1	2.36E-01	1	3.42E-01	1	3.42E-01
TANGO2	22	2	6.42E-01	2	6.42E-01	2	3.10E-01	2	3.10E-01	1	2.37E-01	1	2.37E-01
HAPLN3	15	2	6.51E-01	3	6.51E-01	2	4.52E-01	3	4.52E-01	1	2.37E-01	2	2.37E-01
NQO1	16	3	6.12E-01	3	6.12E-01	3	3.98E-01	3	3.98E-01	2	2.37E-01	2	2.37E-01
ADAM32	8	5	2.49E-01	5	2.49E-01	4	2.37E-01	4	2.37E-01	3	4.36E-01	3	4.36E-01
HEXDC	17	3	2.83E-01	3	2.83E-01	2	4.11E-01	2	4.11E-01	2	2.37E-01	2	2.37E-01
C8orf34	8	1	4.08E-01	1	4.08E-01	2	2.37E-01	2	2.37E-01	2	3.22E-01	2	3.22E-01
GRIN3A	9	13	5.57E-02	13	5.57E-02	7	2.37E-01	7	2.37E-01	8	7.93E-01	8	7.93E-01
IER5	1	1	5.72E-01	1	5.72E-01	1	2.70E-01	1	2.70E-01	1	2.37E-01	1	2.37E-01
ITPRIPL2	16	2	7.74E-01	2	7.74E-01	1	2.37E-01	1	2.37E-01	2	3.50E-01	2	3.50E-01
LAMB3	1	13	6.01E-01	13	6.01E-01	13	2.87E-01	13	2.87E-01	7	2.37E-01	7	2.37E-01
PDE7A	8	4	1.40E-01	5	2.76E-01	4	9.02E-01	5	7.44E-01			1	2.37E-01
OR5M1	11	1	8.38E-01	1	8.38E-01	1	2.37E-01	1	2.37E-01	1	2.74E-01	1	2.74E-01
KIAA0930	22	1	1.72E-01	1	1.72E-01	1	2.37E-01	1	2.37E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
F5	1	6	2.23E-01	7	4.45E-01	6	1.00E+00	7	1.00E+00	3	2.38E-01	4	2.86E-01
PLEKHA6	1	4	6.97E-03	4	6.97E-03	3	6.30E-01	3	6.30E-01	2	2.38E-01	2	2.38E-01
HHIPL2	1	4	1.43E-01	4	1.43E-01	3	2.38E-01	3	2.38E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
TBX6	16	1	5.35E-01	1	5.35E-01	1	2.38E-01	1	2.38E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01
SPECC1L	22	6	8.87E-01	6	8.87E-01	5	2.46E-01	5	2.46E-01	3	2.38E-01	3	2.38E-01
RAG2	11	3	7.46E-01	3	7.46E-01	3	2.38E-01	3	2.38E-01	3	2.63E-01	3	2.63E-01
AAMDC	11			1	2.88E-01			1	2.38E-01			1	4.81E-01
TRIM4	7	2	3.35E-01	3	6.23E-01	1	5.78E-01	2	2.38E-01	1	6.11E-01	2	3.24E-01
EP300	22	8	6.71E-01	8	6.71E-01	7	2.38E-01	7	2.38E-01	5	4.20E-01	5	4.20E-01
PLCH1	3	5	3.99E-01	5	3.99E-01	4	2.38E-01	4	2.38E-01	3	2.98E-01	3	2.98E-01
USP29	19	2	6.60E-01	3	6.62E-01	2	3.95E-01	3	4.38E-01	1	2.38E-01	2	2.46E-01
ZNF638	2	6	3.60E-01	6	3.60E-01	6	2.38E-01	6	2.38E-01	3	8.08E-01	3	8.08E-01
ARHGAP24	4	2	7.48E-02	2	7.48E-02	2	2.38E-01	2	2.38E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
NEGR1	1	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	2.39E-01	2	2.39E-01	1	2.99E-01	1	2.99E-01
CCDC129	7	5	5.81E-01	5	5.81E-01	4	2.39E-01	4	2.39E-01	4	4.87E-01	4	4.87E-01
WDR47	1	3	7.13E-02	3	7.13E-02	2	4.20E-01	2	4.20E-01	2	2.39E-01	2	2.39E-01
ADAMDEC1	8	2	6.50E-01	2	6.50E-01	2	3.74E-01	2	3.74E-01	2	2.39E-01	2	2.39E-01
ZNF619	3	2	2.34E-02	2	2.34E-02	2	6.44E-01	2	6.44E-01	1	2.39E-01	1	2.39E-01
LIMS2	2	1	3.91E-01	1	3.91E-01	1	3.57E-01	1	3.57E-01	1	2.39E-01	1	2.39E-01
GCFC2	2	5	1.31E-01	5	1.31E-01	5	2.39E-01	5	2.39E-01	2	6.91E-01	2	6.91E-01
CLEC10A	17	3	7.25E-02	3	7.25E-02	1	2.40E-01	1	2.40E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
TRIM6	11	3	8.68E-01	3	8.68E-01	3	3.02E-01	3	3.02E-01	2	2.40E-01	2	2.40E-01
PHLDB1	11	13	4.49E-01	13	4.49E-01	10	3.84E-01	10	3.84E-01	6	2.40E-01	6	2.40E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
UNC13D	17	5	3.83E-01	5	3.83E-01	4	2.40E-01	4	2.40E-01	4	4.79E-01	4	4.79E-01
ATP6VOA2	12	3	7.42E-01	3	7.42E-01	4	3.53E-01	4	3.53E-01	2	2.40E-01	2	2.40E-01
MRI1	19	5	8.41E-01	5	8.41E-01	5	4.91E-01	5	4.91E-01	2	2.40E-01	2	2.40E-01
EPHA8	1	9	3.78E-01	9	3.78E-01	8	2.40E-01	8	2.40E-01	6	5.66E-01	6	5.66E-01
GMPR	6	2	4.06E-01	2	4.06E-01	2	4.85E-01	2	4.85E-01	1	2.40E-01	1	2.40E-01
FAM83A	8	2	5.38E-01	2	5.38E-01	2	2.40E-01	2	2.40E-01	2	2.96E-01	2	2.96E-01
ANKRD31	5	2	4.88E-01	2	4.88E-01	2	2.40E-01	2	2.40E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
DUSP23	1	1	6.77E-01	2	3.85E-01	1	5.09E-01	2	2.55E-01	1	6.57E-01	2	2.40E-01
RANBP17	5	7	1.82E-01	7	1.82E-01	4	2.40E-01	4	2.40E-01	6	6.84E-01	6	6.84E-01
MLNR	13	1	8.54E-01	1	8.54E-01	1	2.40E-01	1	2.40E-01	1	3.82E-01	1	3.82E-01
KIF16B	20	9	3.50E-01	9	3.50E-01	5	3.05E-01	5	3.05E-01	5	2.41E-01	5	2.41E-01
DFFA	1	1	1.94E-02	1	1.94E-02	1	5.06E-01	1	5.06E-01	1	2.41E-01	1	2.41E-01
POLI	18	4	4.64E-02	4	4.64E-02	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	2.41E-01	2	2.41E-01
SEC14L1	17	5	4.16E-01	5	4.16E-01	4	2.41E-01	4	2.41E-01	3	2.99E-01	3	2.99E-01
BANK1	4	3	4.48E-02	3	4.48E-02	4	2.41E-01	4	2.41E-01	2	2.59E-01	2	2.59E-01
LOC100132146	3	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.41E-01	1	2.41E-01	1	2.66E-01	1	2.66E-01
INTS7	1	2	6.77E-01	2	6.77E-01	2	2.41E-01	2	2.41E-01	1	2.58E-01	1	2.58E-01
ATP6AP1L	5	2	5.40E-01	2	5.40E-01	2	2.41E-01	2	2.41E-01	2	3.45E-01	2	3.45E-01
ABCF3	3	2	8.23E-02	2	8.23E-02	2	5.98E-01	2	5.98E-01	1	2.42E-01	1	2.42E-01
IRGC	19	6	8.58E-01	6	8.58E-01	5	2.42E-01	5	2.42E-01	3	5.15E-01	3	5.15E-01
FAM160B2	8	6	2.33E-01	6	2.33E-01	5	2.42E-01	5	2.42E-01	2	4.41E-01	2	4.41E-01
CAMKK2	12	1	7.59E-01	2	6.66E-01	1	5.54E-01	2	6.62E-01			1	2.42E-01
ENPP5	6	1	6.71E-01	2	1.00E+00	1	4.85E-01	2	2.42E-01	1	6.28E-01	2	2.93E-01
SNX17	2	1	3.14E-01	1	3.14E-01	1	2.42E-01	1	2.42E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01
MAST2	1	10	7.78E-01	10	7.78E-01	8	3.45E-01	8	3.45E-01	5	2.42E-01	5	2.42E-01
OR8B4	11	2	4.92E-01	4	4.92E-01	1	2.43E-01	3	2.45E-01	2	3.63E-01	4	3.66E-01
RBM47	4	1	4.64E-02	1	4.64E-02	1	2.43E-01	1	2.43E-01				
NEDD4	15	11	1.72E-02	11	1.72E-02	4	6.33E-01	4	6.33E-01	8	2.43E-01	8	2.43E-01
GRB7	17	5	5.42E-01	5	5.42E-01	5	2.43E-01	5	2.43E-01	2	3.35E-01	2	3.35E-01
ADARB2	10	2	1.32E-01	2	1.32E-01	2	2.43E-01	2	2.43E-01	3	3.91E-01	3	3.91E-01
NRAP	10	8	3.42E-01	11	2.46E-01	7	2.82E-01	10	2.43E-01	2	4.69E-01	5	4.17E-01
SNAI3	16	4	7.52E-01	4	7.52E-01	3	2.43E-01	3	2.43E-01	4	4.58E-01	4	4.58E-01
OBSL1	2	8	6.66E-01	8	6.66E-01	6	2.43E-01	6	2.43E-01	3	5.12E-01	3	5.12E-01
SPAG16	2	3	1.09E-02	3	1.09E-02	3	2.43E-01	3	2.43E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
DMXL1	5	6	4.94E-01	6	4.94E-01	6	3.33E-01	6	3.33E-01	3	2.44E-01	3	2.44E-01
AOC1	7	5	3.00E-01	5	3.00E-01	4	3.10E-01	4	3.10E-01	3	2.44E-01	3	2.44E-01
MMP20	11	4	5.29E-01	4	5.29E-01	4	3.31E-01	4	3.31E-01	2	2.44E-01	2	2.44E-01
NRG2	5	6	5.99E-01	6	5.99E-01	5	2.44E-01	5	2.44E-01	6	2.73E-01	6	2.73E-01
PDZRN4	12	4	8.86E-01	4	8.86E-01	4	3.82E-01	4	3.82E-01	3	2.44E-01	3	2.44E-01
GPR152	11	2	4.22E-01	2	4.22E-01	2	2.44E-01	2	2.44E-01	2	4.70E-01	2	4.70E-01
RTN4RL1	17	2	4.07E-01	2	4.07E-01	2	2.44E-01	2	2.44E-01	2	4.28E-01	2	4.28E-01
CAPRN2	12	5	1.47E-01	5	1.47E-01	4	2.44E-01	4	2.44E-01	2	4.80E-01	2	4.80E-01
RBM28	7	3	1.24E-01	3	1.24E-01	3	2.44E-01	3	2.44E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
NARF	17	3	4.89E-01	3	4.89E-01	2	2.44E-01	2	2.44E-01	2	4.72E-01	2	4.72E-01
OGG1	3	3	8.53E-01	3	8.53E-01	3	2.45E-01	3	2.45E-01	3	6.55E-01	3	6.55E-01
SCFD2	4	4	3.99E-01	4	3.99E-01	4	2.45E-01	4	2.45E-01	1	2.78E-01	1	2.78E-01
CDC42BPG	11	9	1.00E+00	9	1.00E+00	8	2.45E-01	8	2.45E-01	5	3.76E-01	5	3.76E-01
THADA	2	8	1.00E+00	8	1.00E+00	9	2.45E-01	9	2.45E-01	6	3.66E-01	6	3.66E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
FAM63A	1	2	7.53E-01	2	7.53E-01	2	2.45E-01	2	2.45E-01	2	4.06E-01	2	4.06E-01
C8orf44	8	1	3.63E-01	1	3.63E-01	1	2.93E-01	1	2.93E-01	1	2.45E-01	1	2.45E-01
OMD	9	3	9.59E-03	3	9.59E-03	2	6.79E-01	2	6.79E-01	2	2.45E-01	2	2.45E-01
FJX1	11	1	7.03E-01	1	7.03E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01	1	2.45E-01	1	2.45E-01
POLG	15	6	7.70E-01	6	7.70E-01	5	3.24E-01	5	3.24E-01	4	2.45E-01	4	2.45E-01
TTN	2	133	1.67E-01	137	1.86E-01	108	2.45E-01	112	2.52E-01	85	3.95E-01	89	3.99E-01
KIAA1804	1	2	3.20E-02	2	3.20E-02	2	2.45E-01	2	2.45E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CILP	15	8	3.24E-01	8	3.24E-01	6	2.45E-01	6	2.45E-01	4	4.35E-01	4	4.35E-01
BBS12	4	2	8.43E-01	2	8.43E-01	2	2.58E-01	2	2.58E-01	1	2.45E-01	1	2.45E-01
RRBP1	20	6	1.61E-01	6	1.61E-01	4	4.77E-01	4	4.77E-01	4	2.45E-01	4	2.45E-01
FNDC7	1	6	5.15E-01	6	5.15E-01	4	2.45E-01	4	2.45E-01	3	7.17E-01	3	7.17E-01
DENND3	8	6	1.71E-01	6	1.71E-01	4	3.55E-01	4	3.55E-01	4	2.45E-01	4	2.45E-01
ZNF44	19	1	4.54E-01	1	4.54E-01	1	2.45E-01	1	2.45E-01	1	3.21E-01	1	3.21E-01
LRP2	2	16	1.56E-01	17	1.56E-01	14	2.71E-01	15	2.71E-01	8	2.45E-01	9	2.45E-01
ZNF138	7	2	7.63E-01	2	7.63E-01	2	2.80E-01	2	2.80E-01	2	2.45E-01	2	2.45E-01
FMN2	1	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	2.67E-01	3	2.67E-01	2	2.46E-01	2	2.46E-01
PGAM5	12	2	5.61E-01	3	1.68E-01	2	6.23E-01	3	1.00E+00			1	2.46E-01
FUT10	8	7	1.26E-01	7	1.26E-01	6	2.46E-01	6	2.46E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
RASAL3	19	4	2.74E-01	4	2.74E-01	4	2.46E-01	4	2.46E-01	2	4.03E-01	2	4.03E-01
MICALL2	7	9	5.06E-01	9	5.06E-01	7	2.46E-01	7	2.46E-01	7	6.13E-01	7	6.13E-01
IGSF22	11	7	6.59E-01	7	6.59E-01	5	3.78E-01	5	3.78E-01	3	2.46E-01	3	2.46E-01
CATSPERB	14	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.64E-01	2	3.64E-01	1	2.46E-01	1	2.46E-01
NOM1	7	4	8.18E-01	5	8.21E-01	4	3.38E-01	5	3.48E-01	1	2.46E-01	2	2.66E-01
NUP153	6	2	7.72E-01	2	7.72E-01	1	2.46E-01	1	2.46E-01	2	3.54E-01	2	3.54E-01
DCLRE1A	10	5	8.12E-01	5	8.12E-01	4	3.01E-01	4	3.01E-01	3	2.47E-01	3	2.47E-01
ARMC2	6	5	7.59E-01	5	7.59E-01	5	2.47E-01	5	2.47E-01	2	3.07E-01	2	3.07E-01
C7orf62	7	1	4.05E-01	1	4.05E-01	1	2.47E-01	1	2.47E-01	1	4.43E-01	1	4.43E-01
ITPRIP	10	2	1.16E-01	2	1.16E-01	2	2.47E-01	2	2.47E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
BTN3A1	6	3	3.71E-02	3	3.71E-02	3	6.17E-01	3	6.17E-01	1	2.47E-01	1	2.47E-01
OR2B11	1			1	2.37E-02			1	7.80E-01			1	2.47E-01
FBLN7	2	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.08E-01	3	3.08E-01	1	2.47E-01	1	2.47E-01
CNTLN	9	11	7.45E-01	11	7.45E-01	7	2.47E-01	7	2.47E-01	5	2.61E-01	5	2.61E-01
CARS	11	5	5.49E-01	5	5.49E-01	6	2.47E-01	6	2.47E-01	3	2.95E-01	3	2.95E-01
GPR20	8	4	6.70E-01	4	6.70E-01	4	2.47E-01	4	2.47E-01	2	3.02E-01	2	3.02E-01
OR2D3	11	2	8.16E-03	4	8.15E-03			2	2.47E-01	2	4.74E-01	4	4.74E-01
IDO2	8	3	6.65E-01	6	5.77E-01	2	3.78E-01	5	4.63E-01	2	2.48E-01	5	3.04E-01
RECQL5	17	6	6.59E-02	6	6.59E-02	5	4.13E-01	5	4.13E-01	4	2.48E-01	4	2.48E-01
RNASSET2	6			1	1.13E-01			1	2.48E-01			1	1.00E+00
GRN	17	3	5.23E-01	3	5.23E-01	2	2.48E-01	2	2.48E-01	2	5.27E-01	2	5.27E-01
NFE2L2	2	1	5.76E-02	1	5.76E-02	1	2.48E-01	1	2.48E-01				
SETX	9	8	1.79E-01	8	1.79E-01	6	3.36E-01	6	3.36E-01	3	2.48E-01	3	2.48E-01
KIF21A	12	2	7.19E-01	2	7.19E-01	1	2.48E-01	1	2.48E-01	2	6.05E-01	2	6.05E-01
ANXA4	2	5	5.15E-01	5	5.15E-01	4	2.48E-01	4	2.48E-01	2	3.40E-01	2	3.40E-01
PCDHB3	5	2	6.13E-01	3	6.14E-01	2	4.14E-01	3	4.48E-01	1	2.48E-01	2	2.52E-01
SHBG	17	1	2.20E-01	1	2.20E-01	1	2.48E-01	1	2.48E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
PIGR	1	4	2.05E-01	4	2.05E-01	3	4.74E-01	3	4.74E-01	3	2.48E-01	3	2.48E-01
NUDT19	19	6	3.36E-01	6	3.36E-01	5	2.49E-01	5	2.49E-01	2	2.59E-01	2	2.59E-01
MDC1	6	6	7.30E-01	6	7.30E-01	6	2.77E-01	6	2.77E-01	4	2.49E-01	4	2.49E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SH3D21	1	2	4.77E-01	2	4.77E-01	1	2.49E-01	1	2.49E-01	2	2.96E-01	2	2.96E-01
CCT6B	17	1	1.89E-01	2	1.77E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00	1	2.49E-01	2	2.49E-01
CHAF1B	21	3	5.65E-01	3	5.65E-01	2	2.49E-01	2	2.49E-01	2	2.97E-01	2	2.97E-01
CXCL10	4	1	5.02E-01	1	5.02E-01	1	2.98E-01	1	2.98E-01	1	2.49E-01	1	2.49E-01
FAM149A	4	2	8.51E-01	2	8.51E-01	2	2.49E-01	2	2.49E-01	2	3.88E-01	2	3.88E-01
PLTP	20	3	7.23E-01	3	7.23E-01	2	2.49E-01	2	2.49E-01	2	6.52E-01	2	6.52E-01
KRT75	12	6	1.00E+00	7	1.00E+00	5	2.50E-01	6	2.80E-01	4	2.63E-01	5	2.67E-01
BMP10	2	2	6.73E-01	2	6.73E-01	2	2.50E-01	2	2.50E-01	1	2.69E-01	1	2.69E-01
HKDC1	10	7	4.89E-01	7	4.89E-01	8	2.50E-01	8	2.50E-01	4	4.81E-01	4	4.81E-01
TMPRSS6	22	2	7.80E-01	2	7.80E-01	2	2.60E-01	2	2.60E-01	1	2.50E-01	1	2.50E-01
CCDC40	17	6	2.38E-01	6	2.38E-01	5	3.67E-01	5	3.67E-01	6	2.50E-01	6	2.50E-01
LCTL	15	6	6.91E-01	6	6.91E-01	7	4.59E-01	7	4.59E-01	3	2.50E-01	3	2.50E-01
CPNE3	8	3	6.86E-01	3	6.86E-01	2	3.05E-01	2	3.05E-01	2	2.50E-01	2	2.50E-01
ECM2	9	4	8.37E-01	4	8.37E-01	4	2.50E-01	4	2.50E-01	4	3.61E-01	4	3.61E-01
TMEM134	11	1	7.14E-01	1	7.14E-01	1	2.50E-01	1	2.50E-01	1	3.22E-01	1	3.22E-01
ASXL2	2	5	8.84E-01	5	8.84E-01	5	2.73E-01	5	2.73E-01	3	2.50E-01	3	2.50E-01
SEC16A	9	10	7.68E-01	10	7.68E-01	7	2.50E-01	7	2.50E-01	5	3.99E-01	5	3.99E-01
ADGRF5	6	3	2.22E-01	3	2.22E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.51E-01	2	2.51E-01
PLAU	10	3	2.78E-02	3	2.78E-02	3	7.53E-01	3	7.53E-01	1	2.51E-01	1	2.51E-01
TYRP1	9	6	9.96E-02	6	9.96E-02	3	3.85E-01	3	3.85E-01	4	2.51E-01	4	2.51E-01
GPRIN1	5	3	3.59E-01	3	3.59E-01	3	4.10E-01	3	4.10E-01	1	2.51E-01	1	2.51E-01
PIK3C2B	1	4	7.95E-02	5	1.68E-01	3	5.68E-01	4	6.30E-01	3	2.51E-01	4	6.47E-01
RLTPR	16	10	7.38E-01	10	7.38E-01	7	5.34E-01	7	5.34E-01	7	2.51E-01	7	2.51E-01
MAP4	3	7	1.38E-01	8	3.84E-01	4	3.87E-01	5	4.45E-01	5	2.51E-01	6	3.67E-01
C14orf159	14	4	6.65E-01	4	6.65E-01	4	2.51E-01	4	2.51E-01	3	2.88E-01	3	2.88E-01
CKAP2L	2	3	5.78E-01	4	6.92E-01	3	2.51E-01	4	4.84E-01	1	5.30E-01	2	6.91E-01
RIC8B	12	3	5.55E-01	3	5.55E-01	3	2.78E-01	3	2.78E-01	1	2.51E-01	1	2.51E-01
OR7A5	19	2	2.99E-01	2	2.99E-01	2	2.51E-01	2	2.51E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
OXR1	8	4	3.04E-02	4	3.04E-02	1	4.35E-01	1	4.35E-01	4	2.52E-01	4	2.52E-01
SERTAD4	1	2	3.93E-01	2	3.93E-01	2	2.52E-01	2	2.52E-01	2	4.73E-01	2	4.73E-01
MYO9B	19	7	3.19E-01	7	3.19E-01	6	3.06E-01	6	3.06E-01	4	2.52E-01	4	2.52E-01
FAM166A	9	2	4.53E-01	2	4.53E-01	2	2.52E-01	2	2.52E-01	2	2.69E-01	2	2.69E-01
SMG6	17	4	2.24E-01	5	2.24E-01	4	5.80E-01	5	5.79E-01			1	2.52E-01
ERCC6L2	9	3	3.11E-01	4	5.75E-01	3	5.80E-01	4	5.55E-01			1	2.52E-01
NT5C1B-RDH1	2	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	2.88E-01	5	2.88E-01	4	2.52E-01	4	2.52E-01
NT5C1B	2	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	2.88E-01	5	2.88E-01	4	2.52E-01	4	2.52E-01
TSHZ2	20	4	5.55E-01	4	5.55E-01	3	3.36E-01	3	3.36E-01	3	2.52E-01	3	2.52E-01
TACC2	10	6	6.87E-01	6	6.87E-01	5	2.52E-01	5	2.52E-01	5	3.36E-01	5	3.36E-01
ACSM1	16	6	1.10E-01	6	1.10E-01	3	6.04E-01	3	6.04E-01	6	2.52E-01	6	2.52E-01
PDHA2	4	6	2.65E-01	6	2.65E-01	4	2.52E-01	4	2.52E-01	5	4.25E-01	5	4.25E-01
MCM9	6	3	8.60E-01	3	8.60E-01	4	2.53E-01	4	2.53E-01	3	3.13E-01	3	3.13E-01
DRC1	2	6	1.49E-01	7	2.84E-01	5	3.67E-01	6	8.67E-01	3	2.53E-01	4	5.83E-01
LRRC71	1	2	2.35E-01	3	2.35E-01	2	4.47E-01	3	4.87E-01	1	2.53E-01	2	2.75E-01
SSH2	17	5	1.99E-01	5	1.99E-01	4	2.53E-01	4	2.53E-01	3	6.35E-01	3	6.35E-01
FAM184B	4	3	5.10E-01	3	5.10E-01	3	3.44E-01	3	3.44E-01	1	2.53E-01	1	2.53E-01
SKA3	13	1	4.78E-02	1	4.78E-02	1	2.53E-01	1	2.53E-01				
10-Sep	2	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	2.58E-01	4	2.58E-01	2	2.53E-01	2	2.53E-01
USP45	6	5	4.19E-01	5	4.19E-01	4	2.53E-01	4	2.53E-01	3	2.84E-01	3	2.84E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MCC	5	7	6.22E-01	7	6.22E-01	6	2.55E-01	6	2.55E-01	2	2.53E-01	2	2.53E-01
C15orf52	15	3	1.49E-01	3	1.49E-01	2	5.40E-01	2	5.40E-01	2	2.53E-01	2	2.53E-01
SEMA3D	7	3	3.07E-01	3	3.07E-01	3	2.53E-01	3	2.53E-01	1	3.37E-01	1	3.37E-01
ITSN1	21	3	8.13E-01	4	8.71E-01	2	2.54E-01	3	4.60E-01	2	3.78E-01	3	5.47E-01
PGBD5	1	1	5.92E-01	1	5.92E-01	1	2.95E-01	1	2.95E-01	1	2.54E-01	1	2.54E-01
OR8D1	11	3	3.41E-01	5	3.41E-01	4	2.55E-01	6	2.55E-01	3	2.54E-01	5	2.54E-01
DOPEY2	21	10	7.06E-01	11	6.79E-01	8	2.65E-01	9	2.54E-01	5	4.79E-01	6	4.84E-01
ZNF154	19	2	5.50E-02	2	5.50E-02	2	2.54E-01	2	2.54E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
ARAP2	4	4	8.85E-01	4	8.85E-01	4	2.54E-01	4	2.54E-01	3	3.17E-01	3	3.17E-01
C4orf45	4	1	8.24E-01	1	8.24E-01	1	2.54E-01	1	2.54E-01	1	2.66E-01	1	2.66E-01
HYAL3	3	3	2.42E-01	3	2.42E-01	3	5.43E-01	3	5.43E-01	1	2.55E-01	1	2.55E-01
LOC100130451	2			1	4.92E-01			1	2.55E-01			1	4.33E-01
TTC21B	2	9	3.49E-01	10	3.49E-01	5	2.60E-01	6	2.60E-01	5	2.55E-01	6	2.55E-01
PAPPA	9	4	2.56E-01	4	2.56E-01	3	3.57E-01	3	3.57E-01	2	2.55E-01	2	2.55E-01
ZNF644	1	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	2.55E-01	3	2.55E-01	2	3.72E-01	2	3.72E-01
IGFL1	19	2	8.03E-01	2	8.03E-01	2	2.55E-01	2	2.55E-01	1	2.64E-01	1	2.64E-01
ANGEL1	14	2	2.97E-01	4	4.32E-01	1	2.55E-01	3	4.68E-01	2	6.40E-01	4	1.00E+00
CDT1	16	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	2.56E-01	3	2.56E-01	2	3.44E-01	2	3.44E-01
TMPRSS4	11	3	3.01E-01	3	3.01E-01	4	2.56E-01	4	2.56E-01	3	2.97E-01	3	2.97E-01
KIAA1683	19	6	4.68E-01	6	4.68E-01	4	3.84E-01	4	3.84E-01	3	2.56E-01	3	2.56E-01
C20orf194	20	2	4.74E-01	2	4.74E-01	2	4.04E-01	2	4.04E-01	1	2.56E-01	1	2.56E-01
NOB1	16	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	2.56E-01	3	2.56E-01	3	2.67E-01	3	2.67E-01
ESPNL	2	12	5.81E-01	12	5.81E-01	9	6.47E-01	9	6.47E-01	8	2.56E-01	8	2.56E-01
SH2D7	15	1	7.81E-02	1	7.81E-02	1	2.56E-01	1	2.56E-01				
LPA	6	4	1.00E+00	5	1.00E+00	4	2.56E-01	5	2.57E-01	3	3.35E-01	4	3.35E-01
ANKS1B	12	1	5.56E-01	1	5.56E-01	1	3.53E-01	1	3.53E-01	1	2.57E-01	1	2.57E-01
ZNF117	7	2	6.63E-01	2	6.63E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01	1	2.57E-01	1	2.57E-01
LRGUK	7	11	8.45E-01	11	8.45E-01	10	2.57E-01	10	2.57E-01	7	2.75E-01	7	2.75E-01
C10orf53	10	2	5.24E-01	2	5.24E-01	1	2.57E-01	1	2.57E-01	2	3.86E-01	2	3.86E-01
LGALS3	14	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	5.92E-01	3	2.57E-01	1	6.43E-01	2	6.13E-01
DHX37	12	8	1.00E+00	8	1.00E+00	8	2.57E-01	8	2.57E-01	5	2.76E-01	5	2.76E-01
TSC1	9	3	8.11E-01	3	8.11E-01	3	3.51E-01	3	3.51E-01	1	2.57E-01	1	2.57E-01
ACAD9	3	4	6.05E-01	4	6.05E-01	3	2.58E-01	3	2.58E-01	2	4.85E-01	2	4.85E-01
PSMB11	14	4	4.62E-01	4	4.62E-01	4	2.59E-01	4	2.59E-01	1	2.58E-01	1	2.58E-01
ZNF653	19	2	2.20E-01	2	2.20E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	2.58E-01	1	2.58E-01
APIP	11	2	9.30E-02	2	9.30E-02	2	6.88E-01	2	6.88E-01	1	2.58E-01	1	2.58E-01
AQP8	16	3	3.04E-01	3	3.04E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.58E-01	2	2.58E-01
TRIB3	20	2	1.16E-01	2	1.16E-01	1	2.58E-01	1	2.58E-01	2	2.74E-01	2	2.74E-01
UBQLN1	9	1	5.43E-01	1	5.43E-01	1	2.58E-01	1	2.58E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01
CYP2C8	10	3	8.13E-02	3	8.13E-02	3	5.71E-01	3	5.71E-01	2	2.59E-01	2	2.59E-01
KRT5	12			1	2.51E-01			1	5.06E-01			1	2.59E-01
RAB11FIP2	10	3	4.53E-01	3	4.53E-01	3	3.94E-01	3	3.94E-01	2	2.59E-01	2	2.59E-01
BDKRB1	14	3	4.14E-01	3	4.14E-01	4	2.59E-01	4	2.59E-01	3	3.43E-01	3	3.43E-01
WBP11	12	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.21E-01	2	3.21E-01	1	2.59E-01	1	2.59E-01
ADGRA2	8	5	3.08E-01	5	3.08E-01	4	2.98E-01	4	2.98E-01	2	2.59E-01	2	2.59E-01
LMO7	13	8	1.00E+00	10	1.00E+00	6	2.59E-01	8	5.26E-01	4	3.09E-01	6	6.45E-01
HEATR5A	14	8	6.48E-02	8	6.48E-02	4	3.91E-01	4	3.91E-01	6	2.59E-01	6	2.59E-01
CLRN3	10	1	6.93E-01	2	8.79E-01	1	6.86E-01	2	4.01E-01			1	2.59E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
DCAKD	17	3	2.23E-01	3	2.23E-01	3	2.59E-01	3	2.59E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01
SYPL2	1	2	2.12E-01	2	2.12E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	2.60E-01	1	2.60E-01
INCENP	11	8	3.63E-01	8	3.63E-01	7	3.47E-01	7	3.47E-01	4	2.60E-01	4	2.60E-01
SI	3	11	9.11E-01	11	9.11E-01	13	2.72E-01	13	2.72E-01	8	2.60E-01	8	2.60E-01
PREX2	8	8	3.43E-01	8	3.43E-01	7	2.60E-01	7	2.60E-01	3	3.46E-01	3	3.46E-01
ARRDC4	15	1	2.90E-01	1	2.90E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.60E-01	1	2.60E-01
CNGB3	8	7	1.36E-01	7	1.36E-01	3	2.60E-01	3	2.60E-01	5	6.20E-01	5	6.20E-01
HIF3A	19	5	2.09E-01	5	2.09E-01	3	3.95E-01	3	3.95E-01	4	2.60E-01	4	2.60E-01
PCDHA3	5	5	5.46E-01	5	5.46E-01	4	2.61E-01	4	2.61E-01	4	4.45E-01	4	4.45E-01
EFCAB13	17	3	4.82E-01	6	7.61E-01	3	5.72E-01	6	6.48E-01	2	2.61E-01	5	6.05E-01
PAPLN	14	9	2.96E-02	10	3.05E-02	7	8.83E-01	8	8.81E-01	7	2.86E-01	8	2.61E-01
ALS2	2	5	9.25E-01	5	9.25E-01	5	2.61E-01	5	2.61E-01	3	2.73E-01	3	2.73E-01
ALDH5A1	6	5	5.70E-01	5	5.70E-01	3	2.61E-01	3	2.61E-01	4	4.46E-01	4	4.46E-01
REC8	14	2	2.09E-01	2	2.09E-01	2	2.61E-01	2	2.61E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ESR2	14	4	6.27E-01	4	6.27E-01	4	2.91E-01	4	2.91E-01	3	2.61E-01	3	2.61E-01
C1S	12	1	1.52E-01	1	1.52E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.61E-01	1	2.61E-01
TTC21A	3	3	1.00E+00	4	7.39E-01	4	3.74E-01	5	4.36E-01	2	3.21E-01	3	2.61E-01
MOCOS2	5	4	6.16E-01	4	6.16E-01	4	2.62E-01	4	2.62E-01	2	5.10E-01	2	5.10E-01
BBS5	2	1	2.85E-01	1	2.85E-01	1	2.62E-01	1	2.62E-01	1	6.26E-01	1	6.26E-01
CFAP77	9	5	4.88E-01	6	3.47E-01	5	2.69E-01	6	3.09E-01	3	2.62E-01	4	2.91E-01
PHLDA3	1	1	7.47E-01	2	8.34E-01	1	4.69E-01	2	3.89E-01			1	2.62E-01
AKR7A2	1			1	1.00E+00			1	2.91E-01			1	2.62E-01
LAMB2	3	8	2.21E-01	8	2.21E-01	5	2.62E-01	5	2.62E-01	6	6.20E-01	6	6.20E-01
KRT3	12	1	7.59E-01	3	8.30E-01	1	4.87E-01	3	5.47E-01			2	2.62E-01
NLRC3	16	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	2.62E-01	4	2.62E-01	3	3.10E-01	3	3.10E-01
MYOM1	18	9	6.88E-01	9	6.88E-01	5	2.62E-01	5	2.62E-01	5	3.25E-01	5	3.25E-01
DAAM2	6	10	4.89E-01	10	4.89E-01	8	2.64E-01	8	2.64E-01	4	2.63E-01	4	2.63E-01
NFRKB	11	5	4.18E-01	5	4.18E-01	3	2.63E-01	3	2.63E-01	3	3.07E-01	3	3.07E-01
CHAC2	2	2	2.07E-01	2	2.07E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	2.63E-01	1	2.63E-01
MC5R	18	4	7.41E-01	5	7.41E-01	3	3.08E-01	4	3.16E-01	2	2.63E-01	3	2.70E-01
NXNL1	19	3	8.15E-01	4	7.62E-01	3	2.63E-01	4	2.85E-01	3	3.12E-01	4	3.85E-01
DRAXIN	1	2	4.31E-01	2	4.31E-01	2	6.75E-01	2	6.75E-01	1	2.63E-01	1	2.63E-01
NDUFA5	7	1	1.74E-01	1	1.74E-01	1	2.63E-01	1	2.63E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
PKP1	1	6	5.40E-01	6	5.40E-01	5	4.46E-01	5	4.46E-01	3	2.63E-01	3	2.63E-01
SNX25	4	5	7.74E-01	5	7.74E-01	4	2.64E-01	4	2.64E-01	3	5.09E-01	3	5.09E-01
CMTM5	14	1	8.43E-02	1	8.43E-02	1	2.64E-01	1	2.64E-01				
SAG	2	3	2.21E-01	3	2.21E-01	3	2.64E-01	3	2.64E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01
PRRC2A	6	10	2.95E-01	11	2.95E-01	9	2.93E-01	10	2.81E-01	4	2.81E-01	5	2.64E-01
XIRP2	2	17	7.45E-01	18	7.50E-01	13	2.64E-01	14	2.83E-01	7	3.31E-01	8	4.15E-01
ACAD10	12	10	3.45E-02	10	3.45E-02	6	4.77E-01	6	4.77E-01	6	2.65E-01	6	2.65E-01
SCNN1B	16	3	6.27E-01	3	6.27E-01	1	2.65E-01	1	2.65E-01	3	6.39E-01	3	6.39E-01
BRCA2	13	15	8.32E-01	15	8.32E-01	12	2.65E-01	12	2.65E-01	8	4.16E-01	8	4.16E-01
TMCO4	1	3	3.65E-01	3	3.65E-01	3	2.65E-01	3	2.65E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01
CLMN	14	10	7.68E-02	10	7.68E-02	10	1.00E+00	10	1.00E+00	3	2.65E-01	3	2.65E-01
FAM161A	2	4	1.06E-01	4	1.06E-01	4	2.65E-01	4	2.65E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
FAM71E2	19	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	2.65E-01	3	2.65E-01	2	3.74E-01	2	3.74E-01
ADAMTS20	12	6	6.50E-01	6	6.50E-01	5	2.65E-01	5	2.65E-01	3	2.68E-01	3	2.68E-01
STRIP2	7	3	2.44E-01	3	2.44E-01	3	2.65E-01	3	2.65E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
METTL11B	1	2	1.00E+00	3	2.23E-01	2	2.65E-01	3	3.86E-01	1	3.77E-01	2	7.93E-01
BTBD16	10	5	8.80E-01	6	1.00E+00	5	4.01E-01	6	3.67E-01	1	2.90E-01	2	2.66E-01
CPXM1	20	6	1.00E+00	6	1.00E+00	7	2.66E-01	7	2.66E-01	5	3.64E-01	5	3.64E-01
NACA	12	1	2.48E-01	1	2.48E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01	1	2.66E-01	1	2.66E-01
ZNF703	8	1	4.41E-01	1	4.41E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.66E-01	1	2.66E-01
ZFYVE26	14	8	2.51E-01	8	2.51E-01	5	4.41E-01	5	4.41E-01	4	2.66E-01	4	2.66E-01
MISP	19	3	8.19E-01	3	8.19E-01	3	3.24E-01	3	3.24E-01	1	2.66E-01	1	2.66E-01
SLC3A1	2	4	8.67E-01	4	8.67E-01	4	2.67E-01	4	2.67E-01	3	2.77E-01	3	2.77E-01
DIP2A	21	5	7.69E-01	5	7.69E-01	3	2.67E-01	3	2.67E-01	3	2.98E-01	3	2.98E-01
FAM181A	14	2	6.04E-01	2	6.04E-01	2	4.33E-01	2	4.33E-01	1	2.67E-01	1	2.67E-01
RGP1	9	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.36E-01	2	3.36E-01	1	2.67E-01	1	2.67E-01
FBXO38	5	6	2.95E-01	6	2.95E-01	3	2.67E-01	3	2.67E-01	4	5.25E-01	4	5.25E-01
SETD2	3	9	5.47E-01	9	5.47E-01	9	5.38E-01	9	5.38E-01	3	2.67E-01	3	2.67E-01
TBC1D9B	5	8	3.64E-01	8	3.64E-01	8	5.48E-01	8	5.48E-01	5	2.67E-01	5	2.67E-01
NOXA1	9	2	7.09E-01	2	7.09E-01	2	3.06E-01	2	3.06E-01	2	2.67E-01	2	2.67E-01
LPP	3	8	3.06E-01	8	3.06E-01	6	3.35E-01	6	3.35E-01	4	2.67E-01	4	2.67E-01
DLAT	11	1	7.30E-02	2	7.28E-02			1	2.68E-01	1	6.38E-01	2	6.38E-01
ADAMTSL3	15	11	2.07E-01	11	2.07E-01	8	3.47E-01	8	3.47E-01	6	2.68E-01	6	2.68E-01
PLB1	2	9	3.66E-02	10	3.63E-02	4	3.44E-01	5	3.44E-01	7	2.69E-01	8	2.68E-01
TENM4	11	14	6.06E-01	14	6.06E-01	11	2.68E-01	11	2.68E-01	4	3.52E-01	4	3.52E-01
DOK2	8	5	1.92E-01	5	1.92E-01	5	2.68E-01	5	2.68E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
SCYL2	12	1	7.53E-01	2	5.75E-01	1	4.95E-01	2	5.78E-01			1	2.68E-01
GABRP	5	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	2.68E-01	3	2.68E-01	2	4.45E-01	2	4.45E-01
CAPN9	1	8	1.00E+00	8	1.00E+00	7	2.68E-01	7	2.68E-01	4	2.94E-01	4	2.94E-01
SEC14L3	22	7	2.87E-01	8	2.87E-01	4	4.48E-01	5	4.44E-01	5	2.70E-01	6	2.68E-01
CPXM2	10	6	3.68E-01	6	3.68E-01	5	4.77E-01	5	4.77E-01	3	2.68E-01	3	2.68E-01
FAM179A	2	6	5.77E-01	7	5.98E-01	5	2.69E-01	6	2.71E-01	2	3.14E-01	3	3.19E-01
SPESP1	15	1	7.55E-01	2	5.72E-02	1	5.00E-01	2	2.69E-01			1	8.71E-01
METTL24	6	1	4.35E-01	1	4.35E-01	1	3.42E-01	1	3.42E-01	1	2.69E-01	1	2.69E-01
ICE1	5	6	7.67E-01	6	7.67E-01	5	2.69E-01	5	2.69E-01	4	3.69E-01	4	3.69E-01
OR51V1	11	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	2.69E-01	4	2.69E-01	3	2.91E-01	3	2.91E-01
METTL7B	12	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.69E-01	2	2.69E-01	2	2.70E-01	2	2.70E-01
TSPAN15	10	3	7.36E-01	3	7.36E-01	3	2.69E-01	3	2.69E-01	1	3.20E-01	1	3.20E-01
ITGA11	15	7	1.64E-01	7	1.64E-01	6	3.21E-01	6	3.21E-01	3	2.70E-01	3	2.70E-01
ABTB1	3	2	4.57E-01	2	4.57E-01	2	2.70E-01	2	2.70E-01	1	3.28E-01	1	3.28E-01
DNAJB9	7	4	9.22E-02	4	9.22E-02	3	2.70E-01	3	2.70E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
KLC3	19	4	5.85E-02	4	5.85E-02	1	2.88E-01	1	2.88E-01	4	2.70E-01	4	2.70E-01
CHD8	14	5	9.29E-01	5	9.29E-01	5	2.70E-01	5	2.70E-01	3	2.82E-01	3	2.82E-01
NCBP3	17	3	4.02E-01	3	4.02E-01	3	2.70E-01	3	2.70E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01
PCDHB10	5	1	1.00E+00	2	1.00E+00	1	2.70E-01	2	2.72E-01	1	3.15E-01	2	3.24E-01
PTPRJ	11	6	3.02E-01	6	3.02E-01	5	2.70E-01	5	2.70E-01	4	3.99E-01	4	3.99E-01
SCAMP2	15	2	1.24E-02	2	1.24E-02	1	4.27E-01	1	4.27E-01	1	2.70E-01	1	2.70E-01
AIM1L	1	7	1.49E-01	8	1.59E-01	5	5.24E-01	6	4.82E-01	6	2.71E-01	7	2.74E-01
FAM189B	1	8	4.67E-01	8	4.67E-01	7	2.71E-01	7	2.71E-01	2	3.56E-01	2	3.56E-01
ALS2CL	3	5	3.27E-02	5	3.27E-02	4	4.78E-01	4	4.78E-01	3	2.71E-01	3	2.71E-01
FGD6	12	7	2.66E-01	7	2.66E-01	8	3.78E-01	8	3.78E-01	2	2.71E-01	2	2.71E-01
PCDHGB2	5	5	1.34E-03	5	1.34E-03	2	6.17E-01	2	6.17E-01	4	2.72E-01	4	2.72E-01
CD33	19	1	1.78E-02	1	1.78E-02	1	5.25E-01	1	5.25E-01	1	2.72E-01	1	2.72E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
AAK1	2	4	5.17E-01	4	5.17E-01	4	3.76E-01	4	3.76E-01	1	2.72E-01	1	2.72E-01
PTPN13	4	19	4.67E-01	19	4.67E-01	16	2.72E-01	16	2.72E-01	13	7.00E-01	13	7.00E-01
CBS	21	2	4.84E-01	2	4.84E-01	2	3.79E-01	2	3.79E-01	1	2.72E-01	1	2.72E-01
SPATA18	4	7	2.86E-01	7	2.86E-01	4	2.72E-01	4	2.72E-01	4	4.00E-01	4	4.00E-01
CFB	6	1	5.24E-01	2	4.79E-01	1	7.59E-01	2	4.22E-01	1	4.00E-01	2	2.73E-01
SGSM3	22	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.94E-01	2	2.94E-01	1	2.73E-01	1	2.73E-01
ALS2CR11	2	8	3.55E-01	8	3.55E-01	8	7.18E-01	8	7.18E-01	2	2.73E-01	2	2.73E-01
COL28A1	7	14	4.05E-01	14	4.05E-01	14	4.49E-01	14	4.49E-01	7	2.73E-01	7	2.73E-01
ZFYVE19	15	2	4.00E-01	2	4.00E-01	2	2.73E-01	2	2.73E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
UBR4	1	15	4.87E-01	15	4.87E-01	13	2.73E-01	13	2.73E-01	3	3.69E-01	3	3.69E-01
KLKB1	4	5	2.88E-01	5	2.88E-01	3	2.73E-01	3	2.73E-01	4	7.18E-01	4	7.18E-01
EFCAB5	17	4	2.00E-01	4	2.00E-01	3	2.73E-01	3	2.73E-01	3	7.11E-01	3	7.11E-01
SLC2A11	22	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.83E-01	3	3.83E-01	2	2.73E-01	2	2.73E-01
MAP3K19	2	6	6.79E-01	6	6.79E-01	3	2.73E-01	3	2.73E-01	4	2.95E-01	4	2.95E-01
ACP2	11	1	1.80E-01	1	1.80E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01	1	2.73E-01	1	2.73E-01
KNTC1	12	7	1.51E-01	8	2.36E-01	3	2.81E-01	4	2.73E-01	5	5.96E-01	6	6.11E-01
OGDHL	10	4	5.48E-01	4	5.48E-01	3	4.10E-01	3	4.10E-01	2	2.73E-01	2	2.73E-01
TEX14	17	4	1.47E-01	4	1.47E-01	4	2.73E-01	4	2.73E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
OR9I1	11	3	2.37E-01	3	2.37E-01	3	2.74E-01	3	2.74E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01
CCDC146	7	4	1.35E-02	4	1.35E-02	3	6.30E-01	3	6.30E-01	4	2.74E-01	4	2.74E-01
PTPRO	12	4	7.16E-01	4	7.16E-01	3	3.68E-01	3	3.68E-01	2	2.74E-01	2	2.74E-01
NLRP6	11	5	8.42E-01	5	8.42E-01	5	5.05E-01	5	5.05E-01	3	2.74E-01	3	2.74E-01
IFRD2	3	5	5.94E-01	5	5.94E-01	3	2.74E-01	3	2.74E-01	4	2.76E-01	4	2.76E-01
COL4A1	13	6	5.44E-01	6	5.44E-01	5	2.74E-01	5	2.74E-01	3	4.55E-01	3	4.55E-01
FOXR1	11	3	3.55E-01	3	3.55E-01	3	2.74E-01	3	2.74E-01	1	3.24E-01	1	3.24E-01
ENPP3	6	8	3.10E-01	9	3.10E-01	6	2.74E-01	7	3.07E-01	2	6.47E-01	3	6.67E-01
ANKUB1	3	2	5.87E-01	2	5.87E-01	2	2.75E-01	2	2.75E-01	1	3.49E-01	1	3.49E-01
PIK3R2	19	2	5.23E-02	2	5.23E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	2.75E-01	2	2.75E-01
LRRK2	12	4	9.17E-01	5	1.00E+00	4	3.22E-01	5	3.27E-01	2	2.75E-01	3	3.72E-01
VPS54	2	4	3.29E-02	4	3.29E-02	3	4.83E-01	3	4.83E-01	2	2.75E-01	2	2.75E-01
CFAP65	2	4	1.20E-01	4	1.20E-01	2	3.97E-01	2	3.97E-01	3	2.75E-01	3	2.75E-01
SCUBE2	11	7	2.46E-01	7	2.46E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	2	2.75E-01	2	2.75E-01
NLRP2	19	3	3.46E-01	3	3.46E-01	3	3.20E-01	3	3.20E-01	3	2.75E-01	3	2.75E-01
IFT172	2	9	5.22E-01	9	5.22E-01	9	2.82E-01	9	2.82E-01	2	2.75E-01	2	2.75E-01
SNX21	20	2	3.71E-02	2	3.71E-02	2	2.75E-01	2	2.75E-01				
PCCB	3	4	2.25E-01	4	2.25E-01	2	3.82E-01	2	3.82E-01	3	2.75E-01	3	2.75E-01
MPPE1	18	3	4.76E-02	3	4.76E-02	1	2.76E-01	1	2.76E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
PLA2G12A	4	2	8.76E-01	2	8.76E-01	2	3.71E-01	2	3.71E-01	1	2.76E-01	1	2.76E-01
KIF7	15	6	2.37E-01	6	2.37E-01	4	2.76E-01	4	2.76E-01	4	4.68E-01	4	4.68E-01
HIF1A	14	1	2.97E-01	1	2.97E-01	1	2.76E-01	1	2.76E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
ZC3H13	13	8	1.65E-01	8	1.65E-01	8	2.76E-01	8	2.76E-01	5	4.69E-01	5	4.69E-01
ZNF880	19	3	1.41E-01	5	3.21E-01	1	5.25E-01	3	2.76E-01	2	6.34E-01	4	8.05E-01
XAF1	17	2	1.82E-01	2	1.82E-01	2	2.76E-01	2	2.76E-01	1	6.74E-01	1	6.74E-01
TOX2	20	5	2.19E-01	5	2.19E-01	3	3.66E-01	3	3.66E-01	4	2.76E-01	4	2.76E-01
TMEM25	11	6	7.57E-01	6	7.57E-01	5	2.90E-01	5	2.90E-01	3	2.76E-01	3	2.76E-01
ZNF429	19	4	2.20E-01	4	2.20E-01	3	2.76E-01	3	2.76E-01	3	4.12E-01	3	4.12E-01
PALLD	4	3	3.04E-01	4	4.17E-01	3	7.34E-01	4	6.73E-01	1	4.48E-01	2	2.76E-01
SLCO2A1	3	2	7.11E-01	2	7.11E-01	2	2.76E-01	2	2.76E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
NUDT6	4	1	1.82E-02	2	1.41E-02			1	2.76E-01	1	4.52E-01	2	4.73E-01
CHAD	17	2	2.26E-01	2	2.26E-01	2	2.77E-01	2	2.77E-01	1	6.92E-01	1	6.92E-01
SLC34A2	4	4	5.71E-02	4	5.71E-02	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	2.77E-01	3	2.77E-01
MGST2	4	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.78E-01	3	3.78E-01	2	2.77E-01	2	2.77E-01
CIDEA	18	4	8.48E-01	4	8.48E-01	4	2.77E-01	4	2.77E-01	2	3.43E-01	2	3.43E-01
SIPA1L2	1	6	1.74E-01	7	1.96E-01	4	3.26E-01	5	2.93E-01	3	3.20E-01	4	2.77E-01
CHMP4A	14	2	5.74E-01	3	5.74E-01	2	6.23E-01	3	6.23E-01			1	2.77E-01
ABCG5	2	3	8.35E-01	4	1.98E-01	3	4.57E-01	4	5.01E-01	2	6.34E-01	3	2.77E-01
ATP7B	13	10	7.47E-01	10	7.47E-01	9	2.77E-01	9	2.77E-01	3	3.22E-01	3	3.22E-01
PSD4	2	2	8.00E-01	2	8.00E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	2.77E-01	1	2.77E-01
MAPK3	16	2	7.29E-01	2	7.29E-01	2	2.77E-01	2	2.77E-01	1	3.73E-01	1	3.73E-01
MMRN1	4	6	1.93E-02	6	1.93E-02	3	2.78E-01	3	2.78E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00
CAMSAP3	19	4	8.62E-01	4	8.62E-01	3	2.78E-01	3	2.78E-01	3	3.71E-01	3	3.71E-01
EPRS	1	6	3.28E-01	6	3.28E-01	4	4.11E-01	4	4.11E-01	3	2.78E-01	3	2.78E-01
HAUS5	19	2	1.01E-01	2	1.01E-01	1	2.78E-01	1	2.78E-01	1	6.60E-01	1	6.60E-01
ZNF230	19	4	3.86E-01	4	3.86E-01	3	5.71E-01	3	5.71E-01	2	2.78E-01	2	2.78E-01
AKR1A1	1	4	3.33E-01	5	5.16E-01	3	2.78E-01	4	1.00E+00	2	6.31E-01	3	8.92E-01
C1orf158	1	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	2.78E-01	1	2.78E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CCDC59	12	1	6.76E-01	1	6.76E-01	1	2.79E-01	1	2.79E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01
CASP7	10	1	5.28E-02	1	5.28E-02	1	2.79E-01	1	2.79E-01				
TRAPPC6A	19	1	8.75E-02	1	8.75E-02	1	2.79E-01	1	2.79E-01				
ATHL1	11	1	9.33E-01	1	9.33E-01	1	3.59E-01	1	3.59E-01	1	2.79E-01	1	2.79E-01
AIFM3	22	3	4.09E-01	3	4.09E-01	2	2.79E-01	2	2.79E-01	2	3.57E-01	2	3.57E-01
MASP2	1	8	5.23E-01	8	5.23E-01	7	2.80E-01	7	2.80E-01	3	5.19E-01	3	5.19E-01
OR10G9	11	2	6.71E-01	2	6.71E-01	2	4.79E-01	2	4.79E-01	2	2.80E-01	2	2.80E-01
TSNAXIP1	16	5	1.92E-01	5	1.92E-01	4	6.13E-01	4	6.13E-01	4	2.80E-01	4	2.80E-01
RANGRF	17	2	3.87E-01	2	3.87E-01	2	2.80E-01	2	2.80E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
ELMO3	16	6	3.24E-01	7	1.64E-01	5	3.09E-01	6	4.67E-01	3	2.80E-01	4	3.77E-01
KRT40	17	2	1.65E-02	3	1.64E-02			1	2.80E-01	2	6.22E-01	3	6.19E-01
MYH6	14	11	4.99E-01	12	4.58E-01	6	3.91E-01	7	2.80E-01	6	3.20E-01	7	2.85E-01
ADAM2	8	5	6.96E-01	5	6.96E-01	4	2.80E-01	4	2.80E-01	2	3.59E-01	2	3.59E-01
IFT74	9	3	8.55E-01	3	8.55E-01	2	2.80E-01	2	2.80E-01	2	3.17E-01	2	3.17E-01
TMBIM1	2	2	6.22E-01	2	6.22E-01	2	3.86E-01	2	3.86E-01	1	2.81E-01	1	2.81E-01
STXBP2	19	6	8.53E-01	6	8.53E-01	4	2.81E-01	4	2.81E-01	5	2.99E-01	5	2.99E-01
C1orf228	1	1	7.19E-01	1	7.19E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.81E-01	1	2.81E-01
OR1F1	16	3	1.69E-02	3	1.69E-02	3	2.81E-01	3	2.81E-01	3	6.19E-01	3	6.19E-01
ZNF276	16	3	4.96E-01	3	4.96E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	2.81E-01	1	2.81E-01
PTCHD2	1	3	1.81E-01	3	1.81E-01	2	2.81E-01	2	2.81E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
NUB1	7	4	4.53E-01	4	4.53E-01	3	2.81E-01	3	2.81E-01	4	5.52E-01	4	5.52E-01
CITED4	1	1	3.24E-01	1	3.24E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.81E-01	1	2.81E-01
WDR48	3	1	8.22E-01	1	8.22E-01	1	2.81E-01	1	2.81E-01	1	3.23E-01	1	3.23E-01
C17orf107	17	1	7.57E-01	2	5.64E-01	1	5.78E-01	2	6.79E-01			1	2.81E-01
ADCK4	19	6	5.18E-01	6	5.18E-01	3	2.82E-01	3	2.82E-01	6	8.52E-01	6	8.52E-01
PLOD1	1	4	6.59E-01	4	6.59E-01	3	2.94E-01	3	2.94E-01	3	2.82E-01	3	2.82E-01
KLK14	19	5	6.28E-01	5	6.28E-01	5	4.19E-01	5	4.19E-01	2	2.82E-01	2	2.82E-01
CCDC9	19	5	9.32E-01	5	9.32E-01	5	2.83E-01	5	2.83E-01	3	2.82E-01	3	2.82E-01
SYCE2	19	1	7.66E-02	1	7.66E-02	1	2.82E-01	1	2.82E-01				
DSCC1	8	2	3.78E-02	2	3.78E-02	2	2.82E-01	2	2.82E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ANKRD44	2	1	1.00E+00	2	3.91E-01	1	2.82E-01	2	4.79E-01	1	3.34E-01	2	2.83E-01
ACAD11	3	4	7.63E-01	4	7.63E-01	4	2.82E-01	4	2.82E-01	3	3.08E-01	3	3.08E-01
NTHL1	16	4	4.16E-01	4	4.16E-01	4	2.83E-01	4	2.83E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
EFS	14	3	5.63E-01	4	4.76E-01	3	3.23E-01	4	2.83E-01	1	3.47E-01	2	3.31E-01
ZNF878	19	6	5.71E-01	7	7.56E-01	4	3.41E-01	5	3.81E-01	3	2.83E-01	4	3.74E-01
BRD3	9	1	6.70E-01	1	6.70E-01	1	2.83E-01	1	2.83E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01
PKP4	2	4	2.73E-01	4	2.73E-01	5	3.81E-01	5	3.81E-01	3	2.83E-01	3	2.83E-01
DECR2	16	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.83E-01	2	2.83E-01	1	3.29E-01	1	3.29E-01
ZSCAN12	6	2	1.31E-01	2	1.31E-01	2	2.84E-01	2	2.84E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
IGSF21	1	4	2.58E-01	4	2.58E-01	4	2.84E-01	4	2.84E-01	3	5.28E-01	3	5.28E-01
HAL	12	13	3.27E-01	13	3.27E-01	13	5.77E-01	13	5.77E-01	3	2.84E-01	3	2.84E-01
STAB2	12	17	3.17E-01	18	2.17E-01	14	8.99E-01	15	8.90E-01	6	4.20E-01	7	2.84E-01
SH2D3A	19	4	1.22E-01	4	1.22E-01	3	2.84E-01	3	2.84E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
TTBK1	6	5	3.14E-01	5	3.14E-01	5	3.97E-01	5	3.97E-01	4	2.84E-01	4	2.84E-01
SHARPIN	8	2	2.37E-01	2	2.37E-01	2	8.10E-01	2	8.10E-01	1	2.84E-01	1	2.84E-01
LIPI	21	6	1.73E-01	6	1.73E-01	5	2.84E-01	5	2.84E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00
PF4V1	4	2	1.89E-01	2	1.89E-01	2	2.85E-01	2	2.85E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
LATS1	6	5	4.27E-01	5	4.27E-01	4	3.21E-01	4	3.21E-01	3	2.85E-01	3	2.85E-01
IFT122	3	4	6.98E-01	4	6.98E-01	3	2.85E-01	3	2.85E-01	2	2.88E-01	2	2.88E-01
HCAR1	12	3	2.47E-02	3	2.47E-02	2	6.35E-01	2	6.35E-01	2	2.85E-01	2	2.85E-01
ZNF544	19	8	8.15E-01	8	8.15E-01	8	2.85E-01	8	2.85E-01	3	3.20E-01	3	3.20E-01
OR2T6	1	1	7.44E-01	2	8.04E-01	1	5.01E-01	2	5.51E-01			1	2.85E-01
TMC6	17	5	7.58E-01	6	6.32E-01	5	2.85E-01	6	3.02E-01	3	3.60E-01	4	4.46E-01
LRP12	8	1	2.33E-01	1	2.33E-01	1	2.85E-01	1	2.85E-01	1	6.32E-01	1	6.32E-01
BCAN	1	2	6.88E-02	2	6.88E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	2.85E-01	2	2.85E-01
HSPA1L	6	6	2.47E-01	7	2.47E-01	3	4.08E-01	4	4.08E-01	5	2.85E-01	6	2.85E-01
TFR2	7	3	8.39E-01	3	8.39E-01	2	2.85E-01	2	2.85E-01	3	4.93E-01	3	4.93E-01
PHF3	6	4	6.06E-01	4	6.06E-01	3	2.86E-01	3	2.86E-01	3	3.95E-01	3	3.95E-01
SPTBN2	11	11	2.14E-01	11	2.14E-01	10	2.86E-01	10	2.86E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01
TEX261	2	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.84E-01	2	4.84E-01	1	2.86E-01	1	2.86E-01
GPI	19	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	2.86E-01	1	2.86E-01	1	3.69E-01	1	3.69E-01
CHRND	2	5	2.83E-01	5	2.83E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	3	2.86E-01	3	2.86E-01
MEGF10	5	2	6.13E-01	2	6.13E-01	1	2.86E-01	1	2.86E-01	2	4.36E-01	2	4.36E-01
AHNAK2	14	6	1.93E-01	6	1.93E-01	4	2.86E-01	4	2.86E-01	5	8.08E-01	5	8.08E-01
KLHDC4	16	10	3.09E-01	11	3.50E-01	8	3.56E-01	9	3.63E-01	4	2.87E-01	5	2.95E-01
KIAA0586	14	7	4.29E-01	7	4.29E-01	6	2.87E-01	6	2.87E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01
FRMPD1	9	7	7.25E-01	7	7.25E-01	5	2.87E-01	5	2.87E-01	4	3.30E-01	4	3.30E-01
RAI1	17	5	7.72E-01	6	7.72E-01	5	2.87E-01	6	2.87E-01	2	4.33E-01	3	4.33E-01
MIB2	1	3	4.92E-02	3	4.92E-02	1	2.87E-01	1	2.87E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
PDXDC1	16	2	3.63E-01	2	3.63E-01	1	2.87E-01	1	2.87E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
NCF2	1	6	7.82E-01	6	7.82E-01	6	3.20E-01	6	3.20E-01	2	2.87E-01	2	2.87E-01
OR51Q1	11	6	9.53E-02	7	9.53E-02	4	2.87E-01	5	2.87E-01	4	1.00E+00	5	1.00E+00
DDX60L	4	7	2.38E-01	8	2.38E-01	4	2.88E-01	5	2.88E-01	4	7.51E-01	5	7.51E-01
EVPL	17	7	1.00E+00	7	1.00E+00	7	2.88E-01	7	2.88E-01	4	3.50E-01	4	3.50E-01
INSC	11	10	1.00E+00	11	1.00E+00	9	3.27E-01	10	3.85E-01	6	2.88E-01	7	3.75E-01
CERS5	12	3	5.10E-01	3	5.10E-01	2	2.88E-01	2	2.88E-01	2	4.66E-01	2	4.66E-01
NEBL	10	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	3.03E-01	5	3.03E-01	3	2.88E-01	3	2.88E-01
MTCH2	11			1	7.33E-01			1	3.57E-01			1	2.88E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MSR1	8	7	6.82E-01	7	6.82E-01	6	2.88E-01	6	2.88E-01	4	3.43E-01	4	3.43E-01
ZNF211	19	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.88E-01	1	2.88E-01	1	3.31E-01	1	3.31E-01
SLC22A25	11	1	8.71E-02	2	8.71E-02	1	2.89E-01	2	2.89E-01	1	6.78E-01	1	6.78E-01
P DPR	16	1	1.98E-01	1	1.98E-01	1	4.15E-01	1	4.15E-01	1	2.89E-01	1	2.89E-01
ZFP42	4	3	6.77E-01	3	6.77E-01	3	2.89E-01	3	2.89E-01	1	3.14E-01	1	3.14E-01
GPSM2	1	1	7.30E-01	1	7.30E-01	1	3.35E-01	1	3.35E-01	1	2.89E-01	1	2.89E-01
APBB3	5	6	7.69E-01	6	7.69E-01	5	2.89E-01	5	2.89E-01	3	3.47E-01	3	3.47E-01
NINL	20	6	5.68E-01	6	5.68E-01	5	2.90E-01	5	2.90E-01	3	5.28E-01	3	5.28E-01
RORC	1	1	2.78E-01	1	2.78E-01	1	3.52E-01	1	3.52E-01	1	2.90E-01	1	2.90E-01
PDE11A	2	11	3.21E-01	12	1.16E-01	10	2.90E-01	11	3.13E-01	4	8.37E-01	5	1.00E+00
ABCD4	14	5	9.08E-01	5	9.08E-01	4	2.90E-01	4	2.90E-01	4	5.16E-01	4	5.16E-01
MS4A6A	11	1	8.27E-02	1	8.27E-02	1	2.90E-01	1	2.90E-01				
PITPNM1	11	4	5.43E-01	4	5.43E-01	2	4.19E-01	2	4.19E-01	3	2.90E-01	3	2.90E-01
ASPM	1	16	4.46E-01	16	4.46E-01	14	2.90E-01	14	2.90E-01	5	5.54E-01	5	5.54E-01
NBAS	2	7	4.03E-02	7	4.03E-02	6	4.35E-01	6	4.35E-01	3	2.90E-01	3	2.90E-01
IQCE	7	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	2.90E-01	3	2.90E-01	4	3.36E-01	4	3.36E-01
USP43	17	4	1.70E-01	4	1.70E-01	3	2.90E-01	3	2.90E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
KMT2D	12	14	1.89E-01	14	1.89E-01	8	2.90E-01	8	2.90E-01	6	3.19E-01	6	3.19E-01
EPS8L2	11	3	8.41E-01	3	8.41E-01	3	2.91E-01	3	2.91E-01	2	7.58E-01	2	7.58E-01
C9orf85	9	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	2.91E-01	1	2.91E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01
KCNG4	16	4	1.08E-01	5	1.07E-01	5	1.00E+00	6	1.00E+00	4	2.91E-01	5	2.92E-01
HAO2	1	2	1.97E-01	2	1.97E-01	1	2.91E-01	1	2.91E-01	2	5.26E-01	2	5.26E-01
PTPN21	14	1	3.37E-01	1	3.37E-01	1	5.47E-01	1	5.47E-01	1	2.91E-01	1	2.91E-01
ELMSAN1	14	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	2.91E-01	2	2.91E-01	2	3.97E-01	2	3.97E-01
FBXW5	9	6	4.13E-01	6	4.13E-01	5	2.92E-01	5	2.92E-01	2	6.55E-01	2	6.55E-01
DHRS12	13	5	2.21E-01	5	2.21E-01	5	2.92E-01	5	2.92E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
REV3L	6	7	4.43E-01	7	4.43E-01	8	4.57E-01	8	4.57E-01	3	2.92E-01	3	2.92E-01
TMEM132B	12	2	1.17E-02	2	1.17E-02	1	4.57E-01	1	4.57E-01	2	2.92E-01	2	2.92E-01
APLP1	19	2	2.11E-01	2	2.11E-01	2	2.92E-01	2	2.92E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
MINA	3	4	2.87E-01	4	2.87E-01	4	4.94E-01	4	4.94E-01	2	2.92E-01	2	2.92E-01
CEP83	12	3	3.41E-01	4	2.12E-01	2	4.61E-01	3	8.78E-01	1	6.34E-01	2	2.92E-01
KNDC1	10	9	3.07E-01	9	3.07E-01	8	7.06E-01	8	7.06E-01	3	2.92E-01	3	2.92E-01
GTPBP10	7	2	7.26E-01	2	7.26E-01	2	2.92E-01	2	2.92E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01
SWSAP1	19	3	1.70E-01	3	1.70E-01	3	2.92E-01	3	2.92E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
CCDC86	11	4	7.28E-01	4	7.28E-01	5	3.03E-01	5	3.03E-01	3	2.92E-01	3	2.92E-01
TRERF1	6	3	2.15E-01	4	7.97E-02	3	3.34E-01	4	2.92E-01	1	6.43E-01	2	8.73E-01
OR1J1	9	1	9.32E-01	1	9.32E-01	1	2.92E-01	1	2.92E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01
CASZ1	1	7	1.69E-02	7	1.69E-02	4	5.84E-01	4	5.84E-01	4	2.93E-01	4	2.93E-01
ALDH4A1	1	4	2.20E-01	4	2.20E-01	4	2.93E-01	4	2.93E-01	1	4.07E-01	1	4.07E-01
B3GNT3	19	2	6.00E-01	2	6.00E-01	2	4.12E-01	2	4.12E-01	1	2.93E-01	1	2.93E-01
ZNF292	6	6	3.38E-01	6	3.38E-01	5	3.02E-01	5	3.02E-01	3	2.93E-01	3	2.93E-01
TSPEAR	21	7	2.80E-01	7	2.80E-01	4	4.64E-01	4	4.64E-01	4	2.93E-01	4	2.93E-01
MCTP2	15	7	8.10E-01	7	8.10E-01	6	2.94E-01	6	2.94E-01	4	4.35E-01	4	4.35E-01
DYNC112	2	4	4.53E-03	4	4.53E-03	1	5.37E-01	1	5.37E-01	3	2.94E-01	3	2.94E-01
TP53BP2	1	5	3.98E-01	6	6.06E-01	3	5.68E-01	4	2.94E-01	2	6.55E-01	3	3.43E-01
AGAP3	7	4	6.89E-01	4	6.89E-01	3	2.94E-01	3	2.94E-01	3	5.73E-01	3	5.73E-01
MYH8	17	14	7.94E-01	14	7.94E-01	13	2.94E-01	13	2.94E-01	9	4.72E-01	9	4.72E-01
OR4D2	17			2	6.59E-01			2	2.94E-01			2	4.22E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CDK15	2	3	5.92E-02	3	5.92E-02	2	2.94E-01	2	2.94E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
DCC	18	4	1.52E-01	4	1.52E-01	2	4.90E-01	2	4.90E-01	4	2.94E-01	4	2.94E-01
CD244	1	1	7.32E-01	1	7.32E-01	1	2.94E-01	1	2.94E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
FHL3	1	3	1.50E-01	3	1.50E-01	2	4.71E-01	2	4.71E-01	3	2.94E-01	3	2.94E-01
TBX1	22	1	7.47E-01	2	7.90E-01	1	4.74E-01	2	4.94E-01			1	2.94E-01
C10orf120	10	1	6.48E-01	1	6.48E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01	1	2.94E-01	1	2.94E-01
DCDC2	6	1	4.81E-01	1	4.81E-01	1	4.09E-01	1	4.09E-01	1	2.94E-01	1	2.94E-01
HSF5	17	1	3.11E-01	1	3.11E-01	1	7.29E-01	1	7.29E-01	1	2.94E-01	1	2.94E-01
HTR3B	11	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	2.94E-01	2	2.94E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
RLF	1	6	5.10E-01	6	5.10E-01	4	6.30E-01	4	6.30E-01	4	2.95E-01	4	2.95E-01
ZBTB7C	18	1	9.19E-01	1	9.19E-01	1	2.95E-01	1	2.95E-01	1	3.27E-01	1	3.27E-01
ZNF124	1	3	4.92E-01	3	4.92E-01	2	4.20E-01	2	4.20E-01	2	2.95E-01	2	2.95E-01
ANXA11	10	4	5.21E-01	5	5.21E-01	5	2.95E-01	6	2.95E-01	4	4.65E-01	5	4.65E-01
MMP1	11	6	8.44E-01	6	8.44E-01	5	3.08E-01	5	3.08E-01	4	2.95E-01	4	2.95E-01
TSPAN32	11	3	5.77E-01	3	5.77E-01	3	2.95E-01	3	2.95E-01	1	3.45E-01	1	3.45E-01
TRAK1	3	4	5.27E-01	4	5.27E-01	4	2.96E-01	4	2.96E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
AREL1	14	4	7.02E-01	4	7.02E-01	4	4.37E-01	4	4.37E-01	2	2.96E-01	2	2.96E-01
NLRP4	19	5	6.95E-01	5	6.95E-01	4	2.96E-01	4	2.96E-01	2	3.13E-01	2	3.13E-01
SEC14L4	22	4	2.40E-01	5	2.43E-01	3	2.96E-01	4	2.96E-01	5	3.69E-01	6	3.69E-01
NISCH	3	3	4.93E-01	3	4.93E-01	2	4.09E-01	2	4.09E-01	3	2.96E-01	3	2.96E-01
TROAP	12	2	3.01E-01	2	3.01E-01	2	2.96E-01	2	2.96E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
RGL4	22	4	1.51E-01	4	1.51E-01	2	4.91E-01	2	4.91E-01	3	2.96E-01	3	2.96E-01
OR5M9	11	3	8.24E-01	4	7.55E-01	3	4.46E-01	4	5.77E-01	1	2.96E-01	2	3.31E-01
NRP2	2	4	9.88E-02	4	9.88E-02	2	5.33E-01	2	5.33E-01	4	2.96E-01	4	2.96E-01
C1orf168	1	6	6.07E-02	6	6.07E-02	6	2.96E-01	6	2.96E-01	6	4.47E-01	6	4.47E-01
TBX10	11	2	2.62E-01	3	2.61E-01	1	3.48E-01	2	3.49E-01	2	2.96E-01	3	2.96E-01
VPS41	7	4	5.30E-01	5	6.62E-01	4	3.26E-01	5	2.96E-01	2	5.16E-01	3	4.13E-01
PAQR5	15	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.96E-01	1	2.96E-01
PTPRR	12	5	2.62E-01	5	2.62E-01	3	2.96E-01	3	2.96E-01	3	5.03E-01	3	5.03E-01
CYFIP2	5	2	2.84E-01	2	2.84E-01	2	2.96E-01	2	2.96E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01
CEP89	19	2	2.60E-01	4	3.45E-01	2	7.79E-01	4	1.00E+00	2	2.96E-01	4	5.56E-01
TBX5	12	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	2.96E-01	1	2.96E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
UIMC1	5	4	7.16E-01	5	7.17E-01	3	3.00E-01	4	2.97E-01	3	3.57E-01	4	3.46E-01
NBN	8	6	5.81E-01	6	5.81E-01	5	2.97E-01	5	2.97E-01	2	3.23E-01	2	3.23E-01
IL16	15	5	2.15E-01	5	2.15E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	1	2.97E-01	1	2.97E-01
CYP4F11	19	2	7.22E-01	2	7.22E-01	1	2.97E-01	1	2.97E-01	2	4.89E-01	2	4.89E-01
LIPM	10	1	3.15E-01	1	3.15E-01	1	2.98E-01	1	2.98E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
MYLK	3	2	6.12E-02	2	6.12E-02	2	2.98E-01	2	2.98E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
HERC6	4	5	5.38E-01	5	5.38E-01	3	3.59E-01	3	3.59E-01	4	2.98E-01	4	2.98E-01
DUSP13	10	6	2.93E-01	6	2.93E-01	7	3.38E-01	7	3.38E-01	3	2.98E-01	3	2.98E-01
SLC46A3	13	3	1.05E-01	3	1.05E-01	3	2.98E-01	3	2.98E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
FASN	17	9	3.11E-01	9	3.11E-01	8	5.95E-01	8	5.95E-01	3	2.98E-01	3	2.98E-01
PRUNE2	9	10	4.70E-01	10	4.70E-01	8	2.98E-01	8	2.98E-01	7	5.46E-01	7	5.46E-01
WDR27	6	7	1.27E-01	7	1.27E-01	4	3.47E-01	4	3.47E-01	4	2.98E-01	4	2.98E-01
BCAR1	16	6	3.44E-01	6	3.44E-01	6	2.98E-01	6	2.98E-01	2	4.49E-01	2	4.49E-01
DLC1	8	5	6.93E-01	5	6.93E-01	6	4.02E-01	6	4.02E-01	3	2.98E-01	3	2.98E-01
PLEC	8	36	3.43E-01	36	3.43E-01	29	8.13E-01	29	8.13E-01	16	2.98E-01	16	2.98E-01
CCDC7	10	6	2.59E-01	6	2.59E-01	5	4.00E-01	5	4.00E-01	3	2.98E-01	3	2.98E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MED24	17	2	9.95E-02	2	9.95E-02	2	2.99E-01	2	2.99E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
FLRT1	11	5	7.69E-01	5	7.69E-01	5	2.99E-01	5	2.99E-01	2	4.37E-01	2	4.37E-01
LTF	3	11	8.33E-01	11	8.33E-01	9	2.99E-01	9	2.99E-01	3	3.54E-01	3	3.54E-01
CNTN5	11	5	4.02E-02	5	4.02E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	5	2.99E-01	5	2.99E-01
CHRNB4	15	4	1.87E-01	4	1.87E-01	3	3.36E-01	3	3.36E-01	3	2.99E-01	3	2.99E-01
PLA2G3	22	3	5.66E-01	4	7.82E-01	3	4.71E-01	4	5.05E-01	1	4.57E-01	2	3.00E-01
SIPA1L3	19	6	4.93E-01	7	2.84E-02	6	5.48E-01	7	3.02E-01	1	3.00E-01	2	5.75E-01
HIGD1C	12	2	1.00E-01	2	1.00E-01	2	3.00E-01	2	3.00E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
SHQ1	3	3	1.14E-01	3	1.14E-01	2	3.00E-01	2	3.00E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
PLEKHS1	10	3	4.55E-01	3	4.55E-01	2	4.07E-01	2	4.07E-01	2	3.00E-01	2	3.00E-01
ZFAND4	10	7	7.60E-01	7	7.60E-01	6	3.35E-01	6	3.35E-01	3	3.00E-01	3	3.00E-01
FNDC1	6	9	1.43E-01	9	1.43E-01	6	6.61E-01	6	6.61E-01	7	3.00E-01	7	3.00E-01
PSD	10	2	8.17E-01	2	8.17E-01	3	3.15E-01	3	3.15E-01	2	3.00E-01	2	3.00E-01
TTI2	8	3	7.89E-01	3	7.89E-01	2	3.00E-01	2	3.00E-01	2	4.19E-01	2	4.19E-01
DPH1	17	2	1.58E-01	2	1.58E-01	2	3.01E-01	2	3.01E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
DHTKD1	10	5	7.53E-02	5	7.53E-02	3	4.70E-01	3	4.70E-01	3	3.01E-01	3	3.01E-01
DSC3	18	6	8.79E-01	6	8.79E-01	6	3.38E-01	6	3.38E-01	4	3.01E-01	4	3.01E-01
ANKRD55	5	4	2.46E-01	4	2.46E-01	2	3.18E-01	2	3.18E-01	3	3.01E-01	3	3.01E-01
ZNF571	19	8	3.64E-01	9	3.53E-01	6	4.56E-01	7	4.34E-01	4	3.12E-01	5	3.01E-01
COL12A1	6	10	4.65E-01	10	4.65E-01	8	3.01E-01	8	3.01E-01	6	3.90E-01	6	3.90E-01
SPOCK2	10	3	5.10E-01	3	5.10E-01	2	5.17E-01	2	5.17E-01	2	3.01E-01	2	3.01E-01
ECHDC2	1	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.01E-01	1	3.01E-01	1	3.24E-01	1	3.24E-01
TONSL	8	6	5.21E-01	6	5.21E-01	4	4.33E-01	4	4.33E-01	4	3.02E-01	4	3.02E-01
ANO2	12	5	1.19E-01	5	1.19E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	1	3.02E-01	1	3.02E-01
KIF19	17	6	1.20E-01	7	2.09E-01	6	3.02E-01	7	4.72E-01	1	6.00E-01	2	7.42E-01
ZNF516	18	5	6.24E-01	5	6.24E-01	5	3.02E-01	5	3.02E-01	4	3.92E-01	4	3.92E-01
TOPORS	9	1	6.56E-01	1	6.56E-01	1	3.02E-01	1	3.02E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01
EFCAB6	22	4	7.28E-01	4	7.28E-01	2	3.02E-01	2	3.02E-01	3	3.32E-01	3	3.32E-01
NDUFA9	12	1	1.47E-01	1	1.47E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.02E-01	1	3.02E-01
CALCA	11	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	3.02E-01	1	3.02E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
SH3D19	4	8	2.13E-01	8	2.13E-01	4	3.02E-01	4	3.02E-01	7	5.84E-01	7	5.84E-01
ZNF141	4	3	7.09E-02	3	7.09E-02	2	7.61E-01	2	7.61E-01	2	3.02E-01	2	3.02E-01
NCAPD3	11	7	2.30E-01	7	2.30E-01	7	3.03E-01	7	3.03E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01
ATM	11	12	2.51E-01	12	2.51E-01	11	3.03E-01	11	3.03E-01	6	5.00E-01	6	5.00E-01
OR52E6	11	5	9.03E-01	5	9.03E-01	5	3.03E-01	5	3.03E-01	3	3.52E-01	3	3.52E-01
MX2	21	3	7.57E-01	3	7.57E-01	2	3.03E-01	2	3.03E-01	2	3.97E-01	2	3.97E-01
NANS	9	1	1.06E-01	1	1.06E-01	1	3.03E-01	1	3.03E-01				
CLPTM1L	5	1	2.92E-01	1	2.92E-01	1	3.03E-01	1	3.03E-01	1	6.52E-01	1	6.52E-01
TGM7	15	4	1.92E-01	4	1.92E-01	3	3.03E-01	3	3.03E-01	3	8.40E-01	3	8.40E-01
USP25	21	4	4.23E-01	4	4.23E-01	3	3.03E-01	3	3.03E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
DNAH1	3	25	2.69E-01	27	3.56E-01	19	3.04E-01	21	4.80E-01	14	4.89E-01	16	6.36E-01
GLI2	2	4	1.91E-01	4	1.91E-01	4	3.04E-01	4	3.04E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01
TTC14	3	6	5.24E-01	6	5.24E-01	6	6.79E-01	6	6.79E-01	1	3.04E-01	1	3.04E-01
VPS16	20	3	7.40E-01	3	7.40E-01	3	3.04E-01	3	3.04E-01	1	3.65E-01	1	3.65E-01
CFAP206	6	9	8.60E-02	10	8.27E-02	7	3.04E-01	8	3.25E-01	6	7.25E-01	7	7.33E-01
OTOG	11	8	7.49E-01	8	7.49E-01	6	3.04E-01	6	3.04E-01	5	3.63E-01	5	3.63E-01
OR10C1	6	1	4.61E-01	1	4.61E-01	1	3.04E-01	1	3.04E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SLC2A7	1	6	8.71E-01	6	8.71E-01	4	3.04E-01	4	3.04E-01	5	3.06E-01	5	3.06E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SMYD5	2	3	7.79E-01	3	7.79E-01	2	3.04E-01	2	3.04E-01	2	4.31E-01	2	4.31E-01
ADORA3	1	1	4.15E-01	2	4.76E-01	1	4.47E-01	2	5.15E-01	1	3.05E-01	1	3.05E-01
DSG2	18	5	5.78E-01	6	7.61E-01	4	3.68E-01	5	3.05E-01	2	6.42E-01	3	4.26E-01
ZFHX4	8	8	8.85E-01	8	8.85E-01	6	3.05E-01	6	3.05E-01	3	3.78E-01	3	3.78E-01
LRRC29	16	1	5.43E-01	1	5.43E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01	1	3.05E-01	1	3.05E-01
ADCY7	16	2	5.22E-01	2	5.22E-01	2	3.06E-01	2	3.06E-01	2	3.58E-01	2	3.58E-01
SMC5	9	4	2.39E-02	4	2.39E-02	3	8.34E-01	3	8.34E-01	2	3.06E-01	2	3.06E-01
GPATCH2L	14	2	7.19E-01	2	7.19E-01	2	3.06E-01	2	3.06E-01	1	3.44E-01	1	3.44E-01
ORC1	1	2	8.32E-01	2	8.32E-01	2	3.06E-01	2	3.06E-01	1	3.53E-01	1	3.53E-01
PLEKHG5	1	8	1.53E-01	8	1.53E-01	8	3.06E-01	8	3.06E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
LZTS1	8	6	6.34E-01	6	6.34E-01	5	3.06E-01	5	3.06E-01	4	7.14E-01	4	7.14E-01
KLK2	19	1	7.75E-01	1	7.75E-01	1	3.06E-01	1	3.06E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
CD300LG	17	2	2.23E-01	2	2.23E-01	2	3.06E-01	2	3.06E-01	1	6.69E-01	1	6.69E-01
LTBP2	14	10	5.34E-02	10	5.34E-02	9	5.71E-01	9	5.71E-01	4	3.06E-01	4	3.06E-01
FAM179B	14	6	8.89E-01	6	8.89E-01	5	3.06E-01	5	3.06E-01	2	4.61E-01	2	4.61E-01
SLC5A9	1	4	4.01E-01	5	4.03E-01	3	3.06E-01	4	3.31E-01	2	6.28E-01	3	7.19E-01
SART1	11	4	4.41E-02	4	4.41E-02	4	5.29E-01	4	5.29E-01	2	3.07E-01	2	3.07E-01
ZNF597	16	1	4.12E-01	1	4.12E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01	1	3.07E-01	1	3.07E-01
PTPRZ1	7	5	6.07E-01	5	6.07E-01	3	3.59E-01	3	3.59E-01	3	3.07E-01	3	3.07E-01
TRPM3	9	7	1.02E-01	7	1.02E-01	3	3.07E-01	3	3.07E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00
COMMD8	4	2	3.72E-01	2	3.72E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	3.07E-01	1	3.07E-01
CKAP2	13	4	5.85E-01	4	5.85E-01	4	4.83E-01	4	4.83E-01	1	3.07E-01	1	3.07E-01
CREM	10	1	7.71E-01	1	7.71E-01	1	3.07E-01	1	3.07E-01	1	3.13E-01	1	3.13E-01
AARS2	6			1	1.51E-01			1	3.07E-01			1	1.00E+00
FKBP15	9	4	6.67E-01	4	6.67E-01	3	3.07E-01	3	3.07E-01	3	4.84E-01	3	4.84E-01
GNGT2	17	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.07E-01	1	3.07E-01	1	4.30E-01	1	4.30E-01
OR4F15	15	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.08E-01	1	3.08E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01
SENP5	3	2	8.39E-02	2	8.39E-02	1	3.08E-01	1	3.08E-01	1	6.00E-01	1	6.00E-01
NIPSNAP3B	9	2	7.02E-01	4	6.14E-01	2	4.38E-01	4	4.23E-01	1	3.08E-01	3	3.51E-01
SELE	1	1	7.49E-01	2	5.79E-01	1	4.83E-01	2	4.51E-01			1	3.08E-01
COL9A1	6	3	3.10E-01	3	3.10E-01	2	3.08E-01	2	3.08E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
ZNF414	19			1	6.54E-01			1	4.15E-01			1	3.08E-01
DSC1	18	4	7.02E-02	4	7.02E-02	4	3.08E-01	4	3.08E-01				
RNF215	22	3	5.35E-01	3	5.35E-01	3	3.40E-01	3	3.40E-01	3	3.08E-01	3	3.08E-01
LILRB3	19	2	3.40E-01	2	3.40E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01	1	3.08E-01	1	3.08E-01
SPG7	16	3	8.14E-01	3	8.14E-01	3	3.52E-01	3	3.52E-01	3	3.08E-01	3	3.08E-01
KIAA0226L	13	2	5.43E-01	2	5.43E-01	2	5.49E-01	2	5.49E-01	1	3.08E-01	1	3.08E-01
ERAP2	5	9	6.35E-01	10	7.23E-01	9	3.09E-01	10	6.07E-01	4	3.20E-01	5	4.36E-01
ZNF883	9	3	1.99E-02	3	1.99E-02	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	3.09E-01	2	3.09E-01
ABCA6	17	3	1.13E-01	3	1.13E-01	4	3.09E-01	4	3.09E-01	4	6.18E-01	4	6.18E-01
SOAT2	12	6	5.50E-01	6	5.50E-01	5	3.09E-01	5	3.09E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01
FAM175A	4	1	8.94E-01	1	8.94E-01	1	3.09E-01	1	3.09E-01	1	3.65E-01	1	3.65E-01
NPAT	11	6	8.31E-01	7	8.16E-01	5	3.56E-01	6	3.78E-01	3	3.09E-01	4	3.23E-01
CAND2	3	10	8.51E-01	10	8.51E-01	9	3.19E-01	9	3.19E-01	3	3.10E-01	3	3.10E-01
IQGAP3	1	8	4.13E-02	9	4.13E-02	4	5.61E-01	5	5.61E-01	6	3.10E-01	7	3.10E-01
CACNA1H	16	5	4.90E-01	6	4.90E-01	6	4.07E-01	7	4.07E-01	3	3.10E-01	4	3.10E-01
AFAP1	4	7	9.30E-02	8	8.15E-02	3	8.32E-01	4	8.43E-01	6	3.22E-01	7	3.10E-01
PADI2	1	3	4.18E-01	3	4.18E-01	3	3.10E-01	3	3.10E-01	1	4.33E-01	1	4.33E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ZFP37	9	6	2.79E-01	6	2.79E-01	5	3.11E-01	5	3.11E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
SH3RF2	5	7	2.14E-01	7	2.14E-01	5	3.52E-01	5	3.52E-01	4	3.11E-01	4	3.11E-01
ZSCAN5B	19	4	1.91E-01	4	1.91E-01	2	5.35E-01	2	5.35E-01	3	3.11E-01	3	3.11E-01
TRMT61B	2	3	5.85E-01	3	5.85E-01	3	3.11E-01	3	3.11E-01	2	4.71E-01	2	4.71E-01
PCDH1	5	3	2.62E-01	3	2.62E-01	3	3.11E-01	3	3.11E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01
CSPP1	8	4	7.36E-01	4	7.36E-01	2	3.57E-01	2	3.57E-01	3	3.11E-01	3	3.11E-01
C1orf116	1	2	7.10E-03	2	7.10E-03					2	3.11E-01	2	3.11E-01
MTMR4	17	1	3.04E-01	1	3.04E-01	1	3.11E-01	1	3.11E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
CD274	9	1	3.82E-01	1	3.82E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.12E-01	1	3.12E-01
NIN	14	6	3.18E-01	6	3.18E-01	3	4.28E-01	3	4.28E-01	4	3.12E-01	4	3.12E-01
KIAA1324L	7	6	2.11E-01	6	2.11E-01	5	3.12E-01	5	3.12E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
ZNF197	3	5	1.74E-01	5	1.74E-01	3	8.39E-01	3	8.39E-01	3	3.12E-01	3	3.12E-01
ZNHIT3	17	1	3.58E-02	1	3.58E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.12E-01	1	3.12E-01
PLA2G4F	15	2	5.68E-01	2	5.68E-01	1	3.12E-01	1	3.12E-01	2	5.01E-01	2	5.01E-01
HMGB4	1	3	2.34E-02	3	2.34E-02	1	3.12E-01	1	3.12E-01	3	7.57E-01	3	7.57E-01
LPL	8	1	7.42E-01	2	2.35E-01	1	4.81E-01	2	6.78E-01			1	3.12E-01
TSEN54	17	4	5.84E-01	6	4.22E-01	3	1.00E+00	5	3.12E-01	3	1.00E+00	5	5.92E-01
ASIC3	7	2	3.22E-01	2	3.22E-01	2	4.02E-01	2	4.02E-01	2	3.12E-01	2	3.12E-01
PKHD1L1	8	18	4.10E-01	19	4.10E-01	14	8.56E-01	15	8.56E-01	10	3.12E-01	11	3.12E-01
SLC35G1	10	3	1.17E-02	3	1.17E-02	2	6.00E-01	2	6.00E-01	1	3.12E-01	1	3.12E-01
BOC	3	8	4.48E-01	8	4.48E-01	5	3.13E-01	5	3.13E-01	3	5.02E-01	3	5.02E-01
GSN	9	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	3.13E-01	5	3.13E-01	4	5.19E-01	4	5.19E-01
CAPN10	2	6	1.60E-01	6	1.60E-01	4	3.13E-01	4	3.13E-01	4	7.51E-01	4	7.51E-01
NFASC	1	2	8.59E-01	2	8.59E-01	2	3.13E-01	2	3.13E-01	1	3.28E-01	1	3.28E-01
CAPN12	19	11	3.54E-01	11	3.54E-01	7	3.13E-01	7	3.13E-01	5	4.68E-01	5	4.68E-01
FER1L6	8	18	5.13E-01	19	4.97E-01	12	8.45E-01	13	8.99E-01	12	3.14E-01	13	3.85E-01
TF	3	3	7.16E-02	4	3.68E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00	3	3.14E-01	4	6.20E-01
LSG1	3	5	7.22E-01	5	7.22E-01	5	3.14E-01	5	3.14E-01	4	4.18E-01	4	4.18E-01
USP54	10	6	6.43E-01	6	6.43E-01	4	3.14E-01	4	3.14E-01	5	8.16E-01	5	8.16E-01
QRFPR	4	1	1.12E-01	1	1.12E-01	1	3.14E-01	1	3.14E-01				
SAMD12	8	1	6.77E-01	1	6.77E-01	1	3.14E-01	1	3.14E-01	1	4.39E-01	1	4.39E-01
ADGRV1	5	25	2.81E-01	28	2.64E-01	24	3.97E-01	27	3.97E-01	16	3.46E-01	19	3.14E-01
C5	9	4	4.88E-01	4	4.88E-01	2	4.02E-01	2	4.02E-01	3	3.15E-01	3	3.15E-01
POSTN	13	4	7.69E-01	4	7.69E-01	3	3.15E-01	3	3.15E-01	2	3.47E-01	2	3.47E-01
ZCCHC4	4	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	3.15E-01	4	3.15E-01	2	5.12E-01	2	5.12E-01
CENPJ	13	6	1.10E-01	6	1.10E-01	3	6.34E-01	3	6.34E-01	5	3.15E-01	5	3.15E-01
CUZD1	10	2	8.43E-01	2	8.43E-01	2	3.15E-01	2	3.15E-01	1	3.34E-01	1	3.34E-01
GABRA6	5	4	3.33E-01	4	3.33E-01	4	4.06E-01	4	4.06E-01	1	3.15E-01	1	3.15E-01
SETD1A	16	7	2.94E-01	7	2.94E-01	6	3.15E-01	6	3.15E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01
TPO	2	3	2.34E-03	3	2.34E-03	1	4.97E-01	1	4.97E-01	2	3.15E-01	2	3.15E-01
IL1F10	2	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	3.85E-01	1	3.85E-01	1	3.15E-01	1	3.15E-01
CHST4	16	4	4.41E-01	4	4.41E-01	4	3.15E-01	4	3.15E-01	1	3.38E-01	1	3.38E-01
PDIA4	7	5	3.92E-01	5	3.92E-01	4	3.88E-01	4	3.88E-01	3	3.15E-01	3	3.15E-01
AKAP9	7	10	8.99E-01	10	8.99E-01	9	3.18E-01	9	3.18E-01	6	3.15E-01	6	3.15E-01
ESYT3	3	5	8.47E-01	5	8.47E-01	5	3.81E-01	5	3.81E-01	3	3.16E-01	3	3.16E-01
SPACA4	19	1	1.50E-01	1	1.50E-01	1	3.16E-01	1	3.16E-01				
FCER2	19			1	1.28E-01			1	1.00E+00			1	3.16E-01
C10orf54	10	2	9.62E-02	2	9.62E-02	2	3.16E-01	2	3.16E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ITGA9	3	2	2.22E-01	2	2.22E-01	2	4.26E-01	2	4.26E-01	1	3.16E-01	1	3.16E-01
NFAT5	16	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	3.92E-01	3	3.92E-01	2	3.16E-01	2	3.16E-01
KRT72	12	7	5.39E-01	7	5.39E-01	5	3.62E-01	5	3.62E-01	5	3.16E-01	5	3.16E-01
STOX2	4	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	4.13E-01	5	4.13E-01	3	3.16E-01	3	3.16E-01
PLCL1	2			1	4.95E-01			1	4.98E-01			1	3.17E-01
P2RX4	12	4	7.67E-01	4	7.67E-01	4	3.17E-01	4	3.17E-01	2	3.66E-01	2	3.66E-01
PSPN	19	1	6.88E-02	1	6.88E-02	1	4.84E-01	1	4.84E-01	1	3.17E-01	1	3.17E-01
TTC3	21	3	3.30E-01	5	7.15E-01	3	8.11E-01	5	4.65E-01			2	3.17E-01
NEK1	4	6	8.97E-01	6	8.97E-01	6	3.17E-01	6	3.17E-01	2	3.52E-01	2	3.52E-01
OR52H1	11	1	8.06E-01	1	8.06E-01	1	3.17E-01	1	3.17E-01	1	4.25E-01	1	4.25E-01
PRR12	19	6	8.50E-02	6	8.50E-02	2	5.66E-01	2	5.66E-01	5	3.17E-01	5	3.17E-01
TCF25	16	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	4.21E-01	3	4.21E-01	2	3.17E-01	2	3.17E-01
PPIC	5	3	5.54E-01	3	5.54E-01	3	3.17E-01	3	3.17E-01	2	4.70E-01	2	4.70E-01
MAPK15	8	7	6.09E-01	7	6.09E-01	7	3.17E-01	7	3.17E-01	2	4.85E-01	2	4.85E-01
PCNT	21	8	5.74E-01	9	5.78E-01	7	3.63E-01	8	3.69E-01	5	3.17E-01	6	3.19E-01
B3GNT9	16	2	5.93E-01	2	5.93E-01	2	5.10E-01	2	5.10E-01	1	3.17E-01	1	3.17E-01
AP1M2	19	4	1.05E-01	4	1.05E-01	3	5.56E-01	3	5.56E-01	2	3.17E-01	2	3.17E-01
THEMIS	6	5	1.45E-02	5	1.45E-02	1	4.94E-01	1	4.94E-01	4	3.17E-01	4	3.17E-01
RLN3	19	2	3.72E-01	2	3.72E-01	2	3.18E-01	2	3.18E-01	1	4.39E-01	1	4.39E-01
MFRP	11	8	7.81E-01	8	7.81E-01	6	3.18E-01	6	3.18E-01	3	3.91E-01	3	3.91E-01
ABCC5	3	2	8.08E-01	2	8.08E-01	2	5.07E-01	2	5.07E-01	1	3.18E-01	1	3.18E-01
PKLR	1	6	5.54E-01	6	5.54E-01	6	3.18E-01	6	3.18E-01	3	4.31E-01	3	4.31E-01
TRIM2	4	1	3.39E-01	1	3.39E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	1	3.18E-01	1	3.18E-01
SH3BP5	3	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	3.18E-01	1	3.18E-01	1	3.44E-01	1	3.44E-01
ATOH1	4	1	3.13E-01	1	3.13E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01	1	3.18E-01	1	3.18E-01
PALM	19	2	7.45E-02	2	7.45E-02	2	6.40E-01	2	6.40E-01	1	3.18E-01	1	3.18E-01
HEXA	15	1	7.90E-03	1	7.90E-03					1	3.18E-01	1	3.18E-01
USP35	11	6	1.20E-01	7	1.07E-01	4	5.39E-01	5	9.03E-01	3	3.18E-01	4	3.31E-01
CHMP4C	8	2	4.32E-01	3	8.02E-01	1	5.07E-01	2	3.18E-01	1	6.33E-01	2	4.01E-01
TACR2	10	2	7.05E-02	2	7.05E-02	1	3.96E-01	1	3.96E-01	2	3.18E-01	2	3.18E-01
GSTA5	6	2	7.03E-01	2	7.03E-01	2	3.18E-01	2	3.18E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01
EPB41L5	2	4	3.58E-01	4	3.58E-01	2	3.18E-01	2	3.18E-01	3	5.25E-01	3	5.25E-01
CAPN13	2	5	7.81E-01	6	7.75E-01	5	3.18E-01	6	5.04E-01	2	3.48E-01	3	7.15E-01
IPPK	9	3	2.47E-01	3	2.47E-01	2	3.18E-01	2	3.18E-01	2	4.15E-01	2	4.15E-01
DUSP12	1	2	9.72E-02	2	9.72E-02	2	6.19E-01	2	6.19E-01	1	3.19E-01	1	3.19E-01
SSTR4	20	3	7.78E-01	3	7.78E-01	2	4.01E-01	2	4.01E-01	2	3.19E-01	2	3.19E-01
FRMD4B	3	8	1.16E-01	8	1.16E-01	4	3.19E-01	4	3.19E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00
OR6V1	7	2	3.63E-01	3	5.73E-01	1	4.55E-01	2	3.19E-01	1	6.51E-01	2	3.58E-01
ZC3H6	2	1	5.57E-01	1	5.57E-01	1	3.19E-01	1	3.19E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SPACA3	17	1	2.92E-01	1	2.92E-01	1	3.19E-01	1	3.19E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
LRRCS6	11	5	6.29E-01	5	6.29E-01	4	3.19E-01	4	3.19E-01	4	3.78E-01	4	3.78E-01
COX10	17	2	8.34E-01	2	8.34E-01	1	3.19E-01	1	3.19E-01	2	4.51E-01	2	4.51E-01
HLA-DQB2	6	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.50E-01	2	3.50E-01	1	3.19E-01	1	3.19E-01
OGFR	20	3	2.65E-01	3	2.65E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	3.20E-01	2	3.20E-01
ZC3H14	14	1	4.12E-01	1	4.12E-01	1	3.20E-01	1	3.20E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
FPGT	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.79E-01	2	3.79E-01	1	3.20E-01	1	3.20E-01
ZC3H12A	1	5	4.75E-01	5	4.75E-01	5	3.27E-01	5	3.27E-01	3	3.20E-01	3	3.20E-01
RNF123	3	3	7.65E-01	3	7.65E-01	4	3.20E-01	4	3.20E-01	3	4.52E-01	3	4.52E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ACKR3	2	1	6.28E-02	1	6.28E-02	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	3.20E-01	1	3.20E-01
RAPSN	11	2	6.18E-01	3	3.98E-01	2	3.20E-01	3	1.00E+00	1	4.50E-01	2	3.91E-01
JMJD1C	10	9	4.27E-01	9	4.27E-01	8	3.20E-01	8	3.20E-01	3	5.26E-01	3	5.26E-01
DNER	2	3	1.13E-01	3	1.13E-01	3	7.47E-01	3	7.47E-01	1	3.20E-01	1	3.20E-01
UAP1	1	1	3.04E-01	1	3.04E-01	1	3.20E-01	1	3.20E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
RAE1	20	1	6.57E-02	1	6.57E-02	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	3.20E-01	1	3.20E-01
ZNF77	19	6	1.00E+00	6	1.00E+00	6	3.50E-01	6	3.50E-01	2	3.20E-01	2	3.20E-01
SPAG17	1	3	2.96E-02	5	3.14E-02	1	4.25E-01	3	4.48E-01	3	3.20E-01	5	3.26E-01
WDR5B	3	2	5.09E-01	2	5.09E-01	2	3.21E-01	2	3.21E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CNPPD1	2	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.21E-01	2	3.21E-01	2	4.24E-01	2	4.24E-01
ZSWIM5	1	5	7.27E-01	5	7.27E-01	5	3.65E-01	5	3.65E-01	1	3.21E-01	1	3.21E-01
XPNP3	22	4	3.19E-02	4	3.19E-02	2	6.23E-01	2	6.23E-01	3	3.21E-01	3	3.21E-01
SLC30A5	5	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.37E-01	2	3.37E-01	1	3.21E-01	1	3.21E-01
SAFB2	19	1	6.03E-02	1	6.03E-02	1	6.86E-01	1	6.86E-01	1	3.21E-01	1	3.21E-01
JMJD8	16	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.22E-01	3	3.22E-01	2	4.43E-01	2	4.43E-01
PLEKHO2	15	2	1.87E-01	2	1.87E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.22E-01	2	3.22E-01
PLA2G4B	15	9	3.29E-01	9	3.29E-01	6	3.22E-01	6	3.22E-01	4	6.57E-01	4	6.57E-01
KIAA0319L	1	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.22E-01	1	3.22E-01
DDX28	16	3	1.20E-01	3	1.20E-01	3	6.93E-01	3	6.93E-01	1	3.22E-01	1	3.22E-01
SLC7A2	8	5	7.28E-01	5	7.28E-01	5	3.22E-01	5	3.22E-01	4	3.50E-01	4	3.50E-01
PDCD7	15	2	7.91E-01	2	7.91E-01	2	4.80E-01	2	4.80E-01	1	3.22E-01	1	3.22E-01
PAK7	20	3	8.74E-01	3	8.74E-01	3	3.22E-01	3	3.22E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01
ITIH2	10	7	2.98E-01	7	2.98E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	3.22E-01	5	3.22E-01
PVRL3	3	2	5.60E-02	2	5.60E-02	2	3.22E-01	2	3.22E-01				
NOC3L	10	2	7.75E-01	3	8.23E-01	2	3.86E-01	3	4.13E-01	2	3.22E-01	3	3.43E-01
CYP2C9	10	6	3.74E-02	7	3.84E-02	6	3.64E-01	7	3.79E-01	4	3.22E-01	5	3.25E-01
NLRP14	11	2	1.30E-01	2	1.30E-01	2	3.22E-01	2	3.22E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
GCA	2	3	5.61E-01	3	5.61E-01	3	3.70E-01	3	3.70E-01	1	3.22E-01	1	3.22E-01
CACNA1G	17	4	4.36E-01	4	4.36E-01	3	4.01E-01	3	4.01E-01	2	3.23E-01	2	3.23E-01
KCNRG	13	2	8.39E-02	2	8.39E-02	2	6.22E-01	2	6.22E-01	1	3.23E-01	1	3.23E-01
PHACTR4	1	6	2.48E-01	6	2.48E-01	4	5.06E-01	4	5.06E-01	3	3.23E-01	3	3.23E-01
OR52E2	11	2	3.71E-01	3	3.71E-01	1	3.91E-01	2	3.91E-01	2	3.23E-01	3	3.23E-01
DEPDC5	22	4	3.28E-01	4	3.28E-01	3	5.41E-01	3	5.41E-01	3	3.23E-01	3	3.23E-01
TTC22	1	3	7.40E-01	6	7.72E-01	2	6.08E-01	4	3.23E-01	2	6.46E-01	5	4.83E-01
ANKRD16	10	3	1.27E-01	3	1.27E-01	2	3.23E-01	2	3.23E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
PRRC2C	1	11	1.23E-01	11	1.23E-01	8	3.23E-01	8	3.23E-01	7	6.31E-01	7	6.31E-01
OR2S2	9	4	7.31E-01	4	7.31E-01	4	4.80E-01	4	4.80E-01	1	3.23E-01	1	3.23E-01
AKAP2	9	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	4.43E-01	3	4.43E-01	2	3.23E-01	2	3.23E-01
PALM2-AKAP2	9	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	4.43E-01	3	4.43E-01	2	3.23E-01	2	3.23E-01
AATK	17	7	7.72E-01	7	7.72E-01	6	3.23E-01	6	3.23E-01	3	3.69E-01	3	3.69E-01
SPHKAP	2	6	7.69E-01	7	7.69E-01	5	3.24E-01	6	3.24E-01	3	3.35E-01	4	3.35E-01
TMEM218	11	2	8.13E-01	2	8.13E-01	2	3.24E-01	2	3.24E-01	2	3.45E-01	2	3.45E-01
LRRN4	20	3	2.14E-01	5	2.74E-01	3	3.24E-01	5	3.34E-01	1	6.50E-01	3	6.82E-01
PLIN3	19	3	5.32E-01	3	5.32E-01	1	3.24E-01	1	3.24E-01	3	3.58E-01	3	3.58E-01
FUK	16	13	1.00E+00	13	1.00E+00	10	3.24E-01	10	3.24E-01	8	3.34E-01	8	3.34E-01
TBX2	17	4	4.27E-01	4	4.27E-01	3	3.24E-01	3	3.24E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01
AVIL	12	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	3.24E-01	3	3.24E-01	3	4.27E-01	3	4.27E-01
TKFC	11	3	6.92E-01	3	6.92E-01	3	3.33E-01	3	3.33E-01	1	3.24E-01	1	3.24E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
HKR1	19	3	4.08E-01	3	4.08E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	3.24E-01	1	3.24E-01
MAP7D1	1	3	6.14E-01	3	6.14E-01	3	3.24E-01	3	3.24E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01
PRAME	22	2	6.86E-01	2	6.86E-01	2	3.24E-01	2	3.24E-01	1	3.39E-01	1	3.39E-01
SLCO1C1	12	3	4.88E-01	3	4.88E-01	2	3.63E-01	2	3.63E-01	2	3.25E-01	2	3.25E-01
HECTD4	12	2	7.92E-01	2	7.92E-01	2	4.28E-01	2	4.28E-01	1	3.25E-01	1	3.25E-01
CCDC89	11	2	5.44E-01	2	5.44E-01	1	3.25E-01	1	3.25E-01	2	3.87E-01	2	3.87E-01
HDAC5	17	3	2.64E-01	3	2.64E-01	3	5.64E-01	3	5.64E-01	1	3.25E-01	1	3.25E-01
ENDOG	9	1	6.74E-01	1	6.74E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.25E-01	1	3.25E-01
CSMD1	8	8	4.54E-01	8	4.54E-01	4	3.25E-01	4	3.25E-01	6	6.04E-01	6	6.04E-01
RRH	4	2	6.87E-03	2	6.87E-03	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	3.26E-01	1	3.26E-01
PPA2	4	3	1.26E-02	3	1.26E-02	2	6.45E-01	2	6.45E-01	1	3.26E-01	1	3.26E-01
TDRD6	6	15	1.99E-01	15	1.99E-01	13	8.76E-01	13	8.76E-01	7	3.26E-01	7	3.26E-01
FMO4	1	7	5.18E-01	7	5.18E-01	7	3.54E-01	7	3.54E-01	1	3.26E-01	1	3.26E-01
CEBPZ	2	6	1.05E-01	6	1.05E-01	4	6.29E-01	4	6.29E-01	3	3.26E-01	3	3.26E-01
ADAM19	5	4	2.01E-01	4	2.01E-01	3	5.52E-01	3	5.52E-01	3	3.26E-01	3	3.26E-01
TIE1	1	6	6.77E-01	6	6.77E-01	5	3.26E-01	5	3.26E-01	4	4.86E-01	4	4.86E-01
GAS8	16	7	3.96E-01	7	3.96E-01	5	3.27E-01	5	3.27E-01	5	3.72E-01	5	3.72E-01
ELF2	4	1	8.54E-01	1	8.54E-01	1	3.27E-01	1	3.27E-01	1	3.57E-01	1	3.57E-01
CFAP99	4	2	5.05E-01	2	5.05E-01	2	3.27E-01	2	3.27E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
SCML4	6	3	7.39E-01	3	7.39E-01	3	3.27E-01	3	3.27E-01	1	3.90E-01	1	3.90E-01
IL15RA	10	1	5.97E-02	1	5.97E-02	1	4.67E-01	1	4.67E-01	1	3.27E-01	1	3.27E-01
MYH14	19	7	4.36E-01	7	4.36E-01	3	4.20E-01	3	4.20E-01	5	3.27E-01	5	3.27E-01
FCN1	9	4	8.87E-02	4	8.87E-02	3	3.27E-01	3	3.27E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
KIF15	3	4	1.30E-01	4	1.30E-01	3	3.27E-01	3	3.27E-01	4	6.27E-01	4	6.27E-01
OR52M1	11	4	9.61E-02	4	9.61E-02	3	8.08E-01	3	8.08E-01	3	3.27E-01	3	3.27E-01
GAL3ST4	7	4	3.69E-01	4	3.69E-01	4	4.29E-01	4	4.29E-01	1	3.27E-01	1	3.27E-01
MEI1	22	5	8.84E-01	5	8.84E-01	5	3.53E-01	5	3.53E-01	3	3.27E-01	3	3.27E-01
DTHD1	4	6	2.22E-01	6	2.22E-01	3	8.28E-01	3	8.28E-01	5	3.27E-01	5	3.27E-01
CADPS2	7	6	1.39E-01	6	1.39E-01	6	3.27E-01	6	3.27E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
CDHR3	7	6	1.47E-01	7	1.47E-01	6	4.40E-01	7	4.32E-01	1	3.27E-01	2	3.38E-01
OR4D1	17	6	5.00E-01	6	5.00E-01	6	7.17E-01	6	7.17E-01	1	3.27E-01	1	3.27E-01
ADAT1	16	5	7.95E-01	5	7.95E-01	5	5.67E-01	5	5.67E-01	1	3.28E-01	1	3.28E-01
SPATA20	17	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	3.28E-01	4	3.28E-01	2	3.70E-01	2	3.70E-01
NRBP2	8	2	1.09E-02	2	1.09E-02	1	4.67E-01	1	4.67E-01	1	3.28E-01	1	3.28E-01
SCN2A	2	1	4.34E-01	1	4.34E-01	1	3.28E-01	1	3.28E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
SPEN	1	12	1.49E-01	12	1.49E-01	8	3.28E-01	8	3.28E-01	4	3.80E-01	4	3.80E-01
SON	21	5	4.14E-01	5	4.14E-01	3	3.51E-01	3	3.51E-01	4	3.28E-01	4	3.28E-01
ANK3	10	16	6.03E-01	16	6.03E-01	14	3.28E-01	14	3.28E-01	12	4.27E-01	12	4.27E-01
TCTEX1D2	3	1	4.52E-02	1	4.52E-02	1	5.50E-01	1	5.50E-01	1	3.28E-01	1	3.28E-01
OR6Y1	1	4	4.60E-01	5	4.61E-01	3	3.50E-01	4	3.50E-01	3	3.28E-01	4	3.28E-01
MBLAC1	7	1	7.53E-01	2	4.54E-01	1	5.66E-01	2	1.00E+00			1	3.28E-01
CPVL	7	2	4.09E-01	2	4.09E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	3.28E-01	1	3.28E-01
ACP7	19	4	3.50E-01	4	3.50E-01	4	3.28E-01	4	3.28E-01	3	3.33E-01	3	3.33E-01
BMP2K	4	4	6.90E-01	4	6.90E-01	4	3.28E-01	4	3.28E-01	1	3.30E-01	1	3.30E-01
DUOX2	15	10	4.80E-02	10	4.80E-02	10	3.29E-01	10	3.29E-01	2	7.30E-01	2	7.30E-01
LTK	15	5	1.00E+00	6	1.00E+00	5	3.29E-01	6	8.31E-01	4	4.17E-01	5	1.00E+00
TBC1D7	6	3	1.75E-01	3	1.75E-01	1	3.93E-01	1	3.93E-01	3	3.29E-01	3	3.29E-01
TPGS1	19	2	3.26E-01	2	3.26E-01	2	3.29E-01	2	3.29E-01	2	4.70E-01	2	4.70E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ALOX12	17	2	2.45E-01	2	2.45E-01	2	7.49E-01	2	7.49E-01	1	3.29E-01	1	3.29E-01
RNF214	11	2	6.99E-02	2	6.99E-02	2	3.29E-01	2	3.29E-01				
IL5RA	3	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	5.20E-01	2	5.20E-01	1	3.29E-01	1	3.29E-01
PUM3	9	8	2.87E-01	8	2.87E-01	5	3.86E-01	5	3.86E-01	5	3.29E-01	5	3.29E-01
TRIM32	9	1	6.56E-02	1	6.56E-02	1	5.48E-01	1	5.48E-01	1	3.29E-01	1	3.29E-01
SMPD1	11	7	4.37E-01	7	4.37E-01	6	8.50E-01	6	8.50E-01	2	3.29E-01	2	3.29E-01
AADAC	3	1	5.48E-01	1	5.48E-01	1	4.05E-01	1	4.05E-01	1	3.29E-01	1	3.29E-01
TMEM240	1	1	1.25E-01	1	1.25E-01	1	3.29E-01	1	3.29E-01				
KIAA1755	20	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	3.29E-01	2	3.29E-01	2	4.43E-01	2	4.43E-01
NKTR	3	6	8.05E-01	6	8.05E-01	5	3.30E-01	5	3.30E-01	3	6.66E-01	3	6.66E-01
SLC1A6	19	2	5.57E-01	2	5.57E-01	2	5.05E-01	2	5.05E-01	1	3.30E-01	1	3.30E-01
SAPCD1	6	3	8.61E-01	3	8.61E-01	3	3.30E-01	3	3.30E-01	2	3.37E-01	2	3.37E-01
KIF20A	5	5	8.59E-01	5	8.59E-01	5	3.30E-01	5	3.30E-01	4	3.56E-01	4	3.56E-01
LONP1	19	5	8.58E-01	5	8.58E-01	4	3.30E-01	4	3.30E-01	4	4.08E-01	4	4.08E-01
THEMIS2	1	2	6.54E-01	2	6.54E-01	2	3.30E-01	2	3.30E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01
CD44	11	1	6.85E-02	1	6.85E-02	1	5.13E-01	1	5.13E-01	1	3.30E-01	1	3.30E-01
RESP18	2	4	8.64E-01	4	8.64E-01	3	3.30E-01	3	3.30E-01	3	4.99E-01	3	4.99E-01
C1RL	12	2	8.67E-03	2	8.67E-03	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	3.30E-01	1	3.30E-01
SNTG1	8	2	8.31E-01	2	8.31E-01	2	4.02E-01	2	4.02E-01	1	3.30E-01	1	3.30E-01
MYOT	5	3	6.58E-03	3	6.58E-03	1	4.94E-01	1	4.94E-01	3	3.30E-01	3	3.30E-01
ALDH1L1	3	8	7.46E-01	8	7.46E-01	6	4.96E-01	6	4.96E-01	3	3.30E-01	3	3.30E-01
PRLH	2	1	7.30E-03	1	7.30E-03					1	3.30E-01	1	3.30E-01
POU2F1	1	3	4.67E-01	3	4.67E-01	3	3.30E-01	3	3.30E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01
RHOBTB2	8	3	5.70E-01	3	5.70E-01	3	4.81E-01	3	4.81E-01	1	3.30E-01	1	3.30E-01
DGAT2	11	2	2.91E-01	2	2.91E-01	2	3.30E-01	2	3.30E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
COG1	17	6	8.73E-01	6	8.73E-01	5	4.12E-01	5	4.12E-01	4	3.30E-01	4	3.30E-01
SLFN13	17			1	4.36E-01			1	4.90E-01			1	3.30E-01
ECT2L	6	7	3.57E-01	7	3.57E-01	7	3.31E-01	7	3.31E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
DPP9	19	3	5.94E-01	3	5.94E-01	3	4.94E-01	3	4.94E-01	1	3.31E-01	1	3.31E-01
SLC35A1	6	1	7.96E-01	1	7.96E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.31E-01	1	3.31E-01
VASN	16	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	3.31E-01	1	3.31E-01	1	3.32E-01	1	3.32E-01
PEX11G	19	4	3.86E-01	4	3.86E-01	2	3.31E-01	2	3.31E-01	3	5.89E-01	3	5.89E-01
ITGB2	21	4	1.76E-01	4	1.76E-01	3	5.56E-01	3	5.56E-01	3	3.31E-01	3	3.31E-01
PROCR	20	1	1.21E-01	1	1.21E-01	1	3.31E-01	1	3.31E-01				
DPEP2	16	1	4.36E-01	1	4.36E-01	1	3.31E-01	1	3.31E-01	1	5.99E-01	1	5.99E-01
MPDU1	17	1	5.84E-03	1	5.84E-03					1	3.31E-01	1	3.31E-01
SLMAP	3	2	4.50E-01	2	4.50E-01	1	3.32E-01	1	3.32E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01
CDH8	16	2	7.85E-02	2	7.85E-02	2	6.05E-01	2	6.05E-01	1	3.32E-01	1	3.32E-01
ZNF860	3	4	4.10E-01	4	4.10E-01	3	3.32E-01	3	3.32E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
BPTF	17	8	4.91E-01	8	4.91E-01	5	3.32E-01	5	3.32E-01	5	5.28E-01	5	5.28E-01
ADAMTS12	5	7	4.40E-01	7	4.40E-01	6	3.32E-01	6	3.32E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
CEP104	1	3	6.82E-01	3	6.82E-01	3	3.32E-01	3	3.32E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
LYVE1	11	1	4.30E-01	1	4.30E-01	1	3.32E-01	1	3.32E-01	1	6.20E-01	1	6.20E-01
OR5H1	3	1	7.07E-01	2	7.56E-01	1	1.00E+00	2	3.32E-01	1	6.98E-01	2	6.90E-01
BST1	4	3	8.74E-01	3	8.74E-01	3	3.32E-01	3	3.32E-01	1	3.38E-01	1	3.38E-01
MACF1	1	14	4.46E-01	14	4.46E-01	13	3.48E-01	13	3.48E-01	9	3.33E-01	9	3.33E-01
C2CD3	11	10	4.19E-01	10	4.19E-01	10	3.33E-01	10	3.33E-01	5	3.42E-01	5	3.42E-01
DEFB132	20	2	2.84E-01	2	2.84E-01	2	3.33E-01	2	3.33E-01	2	4.84E-01	2	4.84E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
STK36	2	7	4.80E-01	7	4.80E-01	6	3.33E-01	6	3.33E-01	3	7.28E-01	3	7.28E-01
MEP1B	18	5	9.39E-02	5	9.39E-02	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	3.33E-01	4	3.33E-01
ZNRF3	22	2	5.01E-01	2	5.01E-01	2	3.33E-01	2	3.33E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
ACTL7B	9	3	7.21E-02	3	7.21E-02	2	3.34E-01	2	3.34E-01	1	6.60E-01	1	6.60E-01
DDX60	4	2	8.88E-03	2	8.88E-03	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	3.34E-01	1	3.34E-01
GSDMB	17	3	1.37E-01	3	1.37E-01	3	7.66E-01	3	7.66E-01	1	3.34E-01	1	3.34E-01
SLC26A11	17	5	7.13E-01	5	7.13E-01	4	4.94E-01	4	4.94E-01	3	3.34E-01	3	3.34E-01
TMPRSS11B	4	5	2.17E-01	5	2.17E-01	5	3.34E-01	5	3.34E-01	2	4.85E-01	2	4.85E-01
SOWAHA	5	2	5.80E-02	2	5.80E-02	2	3.34E-01	2	3.34E-01				
FSCB	14	3	1.14E-01	3	1.14E-01	2	3.34E-01	2	3.34E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
CYR61	1	1	5.97E-01	1	5.97E-01	1	4.02E-01	1	4.02E-01	1	3.34E-01	1	3.34E-01
GALC	14	3	6.95E-01	4	1.78E-01	2	6.10E-01	3	8.97E-01	1	6.06E-01	2	3.34E-01
ARHGAP22	10	5	9.39E-02	5	9.39E-02	2	6.18E-01	2	6.18E-01	4	3.34E-01	4	3.34E-01
NXPE2	11	6	3.24E-01	6	3.24E-01	3	3.34E-01	3	3.34E-01	5	8.41E-01	5	8.41E-01
PEAK1	15	10	5.23E-01	10	5.23E-01	6	4.87E-01	6	4.87E-01	5	3.35E-01	5	3.35E-01
NID1	1	6	8.58E-01	6	8.58E-01	6	3.35E-01	6	3.35E-01	2	3.72E-01	2	3.72E-01
TIMM44	19	2	2.54E-01	2	2.54E-01	1	3.35E-01	1	3.35E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
GON4L	1	4	5.94E-01	4	5.94E-01	4	4.74E-01	4	4.74E-01	1	3.35E-01	1	3.35E-01
SHANK1	19	5	5.72E-01	5	5.72E-01	2	3.61E-01	2	3.61E-01	4	3.35E-01	4	3.35E-01
MLXIPL	7	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.96E-01	2	3.96E-01	1	3.35E-01	1	3.35E-01
HSPA4	5	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.35E-01	2	3.35E-01	1	3.72E-01	1	3.72E-01
TMEM243	7	2	3.08E-01	2	3.08E-01	2	3.36E-01	2	3.36E-01	1	6.07E-01	1	6.07E-01
GLTSCR1	19	1	8.57E-01	1	8.57E-01	1	3.36E-01	1	3.36E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
DSTYK	1	5	3.53E-01	5	3.53E-01	3	3.36E-01	3	3.36E-01	4	6.37E-01	4	6.37E-01
OR8D4	11			1	8.25E-01			1	3.60E-01			1	3.36E-01
ZBTB39	12	4	4.61E-01	4	4.61E-01	4	3.36E-01	4	3.36E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
LRP1	12	9	2.49E-01	9	2.49E-01	5	3.36E-01	5	3.36E-01	5	3.57E-01	5	3.57E-01
MYOC	1	1	2.38E-01	2	2.03E-01	1	4.50E-01	2	3.36E-01			1	4.88E-01
WWC1	5	3	1.04E-01	3	1.04E-01	3	6.27E-01	3	6.27E-01	1	3.36E-01	1	3.36E-01
CCDC73	11	3	2.37E-01	3	2.37E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	3.36E-01	1	3.36E-01
PLAT	8	4	1.85E-01	4	1.85E-01	2	5.62E-01	2	5.62E-01	4	3.36E-01	4	3.36E-01
HYDIN	16	4	6.68E-01	4	6.68E-01	3	3.36E-01	3	3.36E-01	2	6.77E-01	2	6.77E-01
NDUFAF7	2	3	6.69E-02	3	6.69E-02	3	3.36E-01	3	3.36E-01				
PTPN23	3	3	1.85E-01	3	1.85E-01	3	3.36E-01	3	3.36E-01	1	5.93E-01	1	5.93E-01
GJA9	1	1	1.22E-01	1	1.22E-01	1	3.36E-01	1	3.36E-01				
CELSR1	22	10	1.00E+00	10	1.00E+00	8	3.36E-01	8	3.36E-01	7	3.87E-01	7	3.87E-01
GCC1	7	3	9.04E-02	3	9.04E-02	3	7.67E-01	3	7.67E-01	1	3.36E-01	1	3.36E-01
GCNT4	5	1	6.24E-01	1	6.24E-01	1	3.95E-01	1	3.95E-01	1	3.36E-01	1	3.36E-01
ACBD3	1	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	3.36E-01	1	3.36E-01	1	5.80E-01	1	5.80E-01
FKBP6	7	1	3.61E-01	1	3.61E-01	1	4.70E-01	1	4.70E-01	1	3.37E-01	1	3.37E-01
TESPA1	12	4	8.20E-01	5	1.45E-02	3	6.56E-01	4	6.69E-01	1	5.80E-01	2	3.37E-01
NDUFS2	1	4	7.83E-01	5	7.71E-01	3	6.77E-01	4	3.53E-01	1	6.60E-01	2	3.37E-01
TECPR2	14	2	3.87E-01	2	3.87E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	3.37E-01	1	3.37E-01
COL6A2	21	8	4.30E-01	8	4.30E-01	8	5.09E-01	8	5.09E-01	3	3.37E-01	3	3.37E-01
MELK	9	3	3.10E-02	3	3.10E-02	3	3.37E-01	3	3.37E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CTSZ	20	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.10E-01	2	4.10E-01	1	3.37E-01	1	3.37E-01
IQUB	7	5	4.21E-01	5	4.21E-01	4	5.58E-01	4	5.58E-01	5	3.37E-01	5	3.37E-01
SCN3A	2	4	2.82E-01	4	2.82E-01	4	3.37E-01	4	3.37E-01	3	3.76E-01	3	3.76E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SDSL	12	4	4.05E-01	4	4.05E-01	3	3.38E-01	3	3.38E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00
SYCP2	20	2	9.93E-03	2	9.93E-03	1	5.11E-01	1	5.11E-01	1	3.38E-01	1	3.38E-01
PDE6B	4	6	3.17E-01	6	3.17E-01	3	7.72E-01	3	7.72E-01	4	3.38E-01	4	3.38E-01
WNT9A	1	2	1.05E-01	2	1.05E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01	1	3.38E-01	1	3.38E-01
1-Mar	1	2	7.97E-01	2	7.97E-01	2	3.38E-01	2	3.38E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
HMMR	5	3	4.06E-01	4	4.15E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.38E-01	4	3.48E-01
CDC20B	5	3	8.40E-01	3	8.40E-01	2	3.38E-01	2	3.38E-01	2	3.56E-01	2	3.56E-01
PIGN	18	3	8.27E-01	3	8.27E-01	3	3.38E-01	3	3.38E-01	2	3.38E-01	2	3.38E-01
ISX	22	1	7.48E-01	2	8.34E-01	1	5.01E-01	2	4.99E-01			1	3.38E-01
LNx1	4	4	4.04E-01	4	4.04E-01	3	3.39E-01	3	3.39E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01
CBR4	4	3	3.98E-01	3	3.98E-01	2	3.39E-01	2	3.39E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01
OR51D1	11	3	3.58E-01	4	3.29E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	3.39E-01	3	5.14E-01
PACSIN3	11	3	6.30E-01	3	6.30E-01	3	3.39E-01	3	3.39E-01	2	7.54E-01	2	7.54E-01
MAP1A	15	11	6.00E-01	11	6.00E-01	9	3.39E-01	9	3.39E-01	7	6.52E-01	7	6.52E-01
KIAA0100	17	9	3.55E-01	9	3.55E-01	6	3.66E-01	6	3.66E-01	4	3.39E-01	4	3.39E-01
ZNF442	19	6	5.78E-01	6	5.78E-01	3	3.39E-01	3	3.39E-01	4	3.97E-01	4	3.97E-01
DFNB31	9	11	5.14E-01	11	5.14E-01	8	3.39E-01	8	3.39E-01	4	5.72E-01	4	5.72E-01
DNAH2	17	19	8.91E-01	19	8.91E-01	16	3.39E-01	16	3.39E-01	13	3.78E-01	13	3.78E-01
CACNA1C	12	8	5.27E-01	8	5.27E-01	7	4.12E-01	7	4.12E-01	3	3.39E-01	3	3.39E-01
SCN4A	17	10	1.36E-01	10	1.36E-01	5	5.26E-01	5	5.26E-01	6	3.39E-01	6	3.39E-01
GSTA3	6	5	2.11E-01	5	2.11E-01	5	3.39E-01	5	3.39E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
LRIT2	10	3	1.96E-01	3	1.96E-01	3	3.39E-01	3	3.39E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SNAPC3	9	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.11E-01	2	5.11E-01	1	3.39E-01	1	3.39E-01
TDO2	4	4	1.96E-01	4	1.96E-01	2	3.39E-01	2	3.39E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
COL4A2	13	8	2.07E-01	8	2.07E-01	5	3.40E-01	5	3.40E-01	6	6.97E-01	6	6.97E-01
EPHX1	1	2	2.46E-01	3	2.46E-01	1	3.40E-01	2	3.40E-01	1	6.41E-01	2	6.42E-01
CYP26B1	2	4	5.22E-01	4	5.22E-01	3	3.40E-01	3	3.40E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
ANKRD53	2	3	8.25E-01	3	8.25E-01	3	3.40E-01	3	3.40E-01	1	3.91E-01	1	3.91E-01
OR4D10	11	2	7.27E-01	2	7.27E-01	2	3.40E-01	2	3.40E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
BTN3A3	6	4	2.63E-01	4	2.63E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	3.40E-01	2	3.40E-01
KRT83	12	2	4.63E-02	2	4.63E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	3.41E-01	1	3.41E-01
AUTS2	7	3	7.76E-01	3	7.76E-01	3	3.70E-01	3	3.70E-01	1	3.41E-01	1	3.41E-01
CD52	1	1	4.23E-01	1	4.23E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.41E-01	1	3.41E-01
BAIAP3	16	6	1.68E-01	6	1.68E-01	4	3.41E-01	4	3.41E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00
MAN2B1	19	4	6.04E-02	4	6.04E-02	4	3.41E-01	4	3.41E-01				
MYH13	17	11	7.22E-01	11	7.22E-01	12	3.41E-01	12	3.41E-01	10	4.86E-01	10	4.86E-01
IMPG2	3	3	3.19E-01	3	3.19E-01	3	5.88E-01	3	5.88E-01	1	3.41E-01	1	3.41E-01
KEL	7	4	8.15E-02	4	8.15E-02	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	3.41E-01	2	3.41E-01
TMEM232	5	1	5.95E-01	1	5.95E-01	1	4.77E-01	1	4.77E-01	1	3.41E-01	1	3.41E-01
SPRYD4	12	1	3.97E-01	1	3.97E-01	1	3.41E-01	1	3.41E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
PLCB2	15	10	3.14E-01	10	3.14E-01	7	3.42E-01	7	3.42E-01	3	5.27E-01	3	5.27E-01
GALK2	15	1	1.13E-01	1	1.13E-01	1	3.42E-01	1	3.42E-01				
HIVEP3	1	6	2.61E-01	6	2.61E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	3.42E-01	3	3.42E-01
ZNF837	19	3	1.80E-01	3	1.80E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	3.42E-01	1	3.42E-01
C5orf51	5	2	2.80E-01	2	2.80E-01	2	7.08E-01	2	7.08E-01	2	3.42E-01	2	3.42E-01
OR5AR1	11	1	7.44E-01	2	7.47E-01	1	4.66E-01	2	4.67E-01			1	3.42E-01
CAPZA3	12	4	5.26E-01	4	5.26E-01	4	3.42E-01	4	3.42E-01	4	5.10E-01	4	5.10E-01
PRR15L	17	1	6.21E-01	1	6.21E-01	1	3.42E-01	1	3.42E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MYH2	17	7	1.42E-01	7	1.42E-01	7	3.42E-01	7	3.42E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
AMPD1	1	7	3.93E-01	9	4.00E-01	6	4.85E-01	8	5.22E-01	4	3.42E-01	6	3.99E-01
GSDMC	8	5	4.59E-01	6	4.59E-01	5	8.09E-01	6	8.09E-01	1	3.42E-01	2	3.42E-01
EML2	19	7	6.46E-01	7	6.46E-01	4	3.43E-01	4	3.43E-01	6	5.00E-01	6	5.00E-01
C1orf112	1	1	7.57E-01	2	4.03E-01	1	5.21E-01	2	4.26E-01			1	3.43E-01
HOXC12	12	1	7.83E-01	1	7.83E-01	1	3.43E-01	1	3.43E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01
CEP135	4	7	6.38E-01	7	6.38E-01	5	3.43E-01	5	3.43E-01	5	6.85E-01	5	6.85E-01
ZCCHC8	12	1	1.96E-01	1	1.96E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01	1	3.43E-01	1	3.43E-01
NSMAF	8	3	7.63E-01	3	7.63E-01	2	3.43E-01	2	3.43E-01	2	4.89E-01	2	4.89E-01
SYT6	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.62E-01	2	3.62E-01	1	3.43E-01	1	3.43E-01
KCNA3	1	1	5.89E-01	1	5.89E-01	1	3.44E-01	1	3.44E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01
GPATCH2	1	3	4.66E-01	3	4.66E-01	3	8.18E-01	3	8.18E-01	2	3.44E-01	2	3.44E-01
CCBE1	18	5	5.49E-01	5	5.49E-01	4	3.44E-01	4	3.44E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
ARFGEF1	8	2	5.29E-01	2	5.29E-01	2	3.44E-01	2	3.44E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ATP8B4	15	5	6.26E-01	5	6.26E-01	4	3.44E-01	4	3.44E-01	4	7.54E-01	4	7.54E-01
ZC3H18	16	5	8.57E-01	5	8.57E-01	5	3.60E-01	5	3.60E-01	3	3.44E-01	3	3.44E-01
OR2AG2	11	4	1.06E-01	4	1.06E-01	3	5.17E-01	3	5.17E-01	2	3.44E-01	2	3.44E-01
CEP55	10	3	3.36E-01	3	3.36E-01	3	3.44E-01	3	3.44E-01	2	8.34E-01	2	8.34E-01
TOM1	22	3	2.02E-01	3	2.02E-01	2	7.41E-01	2	7.41E-01	2	3.44E-01	2	3.44E-01
DCDC2B	1	3	4.30E-01	3	4.30E-01	3	3.44E-01	3	3.44E-01	3	7.27E-01	3	7.27E-01
LRRC40	1	4	7.48E-01	4	7.48E-01	4	5.86E-01	4	5.86E-01	2	3.44E-01	2	3.44E-01
CEP350	1	14	3.48E-01	14	3.48E-01	12	3.44E-01	12	3.44E-01	8	7.12E-01	8	7.12E-01
EMC10	19	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	3.45E-01	4	3.45E-01	1	3.46E-01	1	3.46E-01
OR5V1	6	4	4.27E-01	5	4.29E-01	4	4.94E-01	5	8.83E-01	1	3.45E-01	2	3.54E-01
SALL2	14			1	7.06E-01			1	4.83E-01			1	3.45E-01
TNFSF18	1	2	5.15E-01	2	5.15E-01	1	3.45E-01	1	3.45E-01	2	3.65E-01	2	3.65E-01
CCDC64B	16	3	5.34E-01	4	5.33E-01	2	3.45E-01	3	3.45E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00
SETD5	3	6	2.50E-02	6	2.50E-02	5	5.88E-01	5	5.88E-01	1	3.45E-01	1	3.45E-01
ASB15	7	6	7.00E-01	6	7.00E-01	5	3.46E-01	5	3.46E-01	2	6.04E-01	2	6.04E-01
TLE3	15	1	1.05E-01	1	1.05E-01	1	3.46E-01	1	3.46E-01				
TTC36	11	1	4.43E-01	1	4.43E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.46E-01	1	3.46E-01
AADA4L4	1	3	5.68E-01	3	5.68E-01	2	3.46E-01	2	3.46E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
TAF6	7	3	6.94E-04	3	6.94E-04	2	6.81E-01	2	6.81E-01	4	3.46E-01	4	3.46E-01
PTCH1	9	8	1.34E-01	8	1.34E-01	8	3.46E-01	8	3.46E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
ANXA7	10	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	3.57E-01	4	3.57E-01	2	3.47E-01	2	3.47E-01
ZNF708	19	5	6.13E-01	5	6.13E-01	3	3.47E-01	3	3.47E-01	3	3.83E-01	3	3.83E-01
PPP1R21	2	5	7.56E-01	5	7.56E-01	4	4.25E-01	4	4.25E-01	2	3.47E-01	2	3.47E-01
NBEAL2	3	11	3.10E-01	12	2.90E-01	6	4.15E-01	7	4.10E-01	7	3.55E-01	8	3.47E-01
SPTA1	1	13	8.40E-01	13	8.40E-01	11	3.79E-01	11	3.79E-01	7	3.47E-01	7	3.47E-01
C10orf128	10	1	1.03E-01	1	1.03E-01	1	3.47E-01	1	3.47E-01				
GPR142	17	4	7.69E-01	4	7.69E-01	3	3.47E-01	3	3.47E-01	3	5.21E-01	3	5.21E-01
GEN1	2	2	1.90E-01	2	1.90E-01	2	3.48E-01	2	3.48E-01	1	6.05E-01	1	6.05E-01
PIGU	20	1	4.52E-01	1	4.52E-01	1	3.48E-01	1	3.48E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
DPYD	1	5	6.45E-01	6	6.66E-01	3	3.48E-01	4	4.58E-01	4	3.70E-01	5	4.86E-01
MATN2	8	3	6.95E-02	4	6.28E-02	3	3.59E-01	4	3.48E-01			1	8.62E-01
KIF6	6	5	7.14E-01	5	7.14E-01	5	6.29E-01	5	6.29E-01	2	3.48E-01	2	3.48E-01
MC2R	18	3	5.48E-01	3	5.48E-01	2	3.48E-01	2	3.48E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
WDR34	9	2	2.54E-01	2	2.54E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	3.48E-01	2	3.48E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
C5orf22	5	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.48E-01	2	3.48E-01	2	3.58E-01	2	3.58E-01
CC2D1A	19	7	2.26E-01	7	2.26E-01	5	5.53E-01	5	5.53E-01	3	3.49E-01	3	3.49E-01
BBX	3	4	6.59E-01	4	6.59E-01	4	3.49E-01	4	3.49E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01
BEST2	19	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.49E-01	1	3.49E-01
PCDHA2	5	5	6.86E-01	5	6.86E-01	4	3.49E-01	4	3.49E-01	4	3.84E-01	4	3.84E-01
DMWD	19	1	5.63E-03	1	5.63E-03	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.49E-01	1	3.49E-01
OR52A1	11	2	1.49E-01	2	1.49E-01	2	3.49E-01	2	3.49E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ROR2	9	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	3.49E-01	3	3.49E-01	2	3.71E-01	2	3.71E-01
H6PD	1	5	2.33E-01	5	2.33E-01	4	3.49E-01	4	3.49E-01	1	6.32E-01	1	6.32E-01
XXYLT1	3	1	4.36E-01	1	4.36E-01	1	3.50E-01	1	3.50E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
KIF1B	1	4	3.42E-01	4	3.42E-01	3	5.28E-01	3	5.28E-01	2	3.50E-01	2	3.50E-01
ABHD10	3	1	4.29E-01	1	4.29E-01	1	3.50E-01	1	3.50E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
PCDHGB1	5	4	3.27E-01	4	3.27E-01	2	7.37E-01	2	7.37E-01	3	3.50E-01	3	3.50E-01
PHC3	3	4	3.56E-01	4	3.56E-01	2	3.50E-01	2	3.50E-01	3	5.27E-01	3	5.27E-01
PHAX	5	1	5.77E-01	1	5.77E-01	1	3.97E-01	1	3.97E-01	1	3.50E-01	1	3.50E-01
NRG3	10	3	8.24E-01	3	8.24E-01	2	3.50E-01	2	3.50E-01	2	4.73E-01	2	4.73E-01
NOTCH1	9	7	7.18E-01	7	7.18E-01	5	3.50E-01	5	3.50E-01	3	4.68E-01	3	4.68E-01
FAM173B	5	4	4.88E-01	4	4.88E-01	3	3.50E-01	3	3.50E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01
PDE6C	10	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.50E-01	3	3.50E-01	2	3.61E-01	2	3.61E-01
FCRL3	1	3	6.46E-01	3	6.46E-01	3	3.50E-01	3	3.50E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01
ADH1B	4	5	7.62E-02	5	7.62E-02	3	6.72E-01	3	6.72E-01	3	3.50E-01	3	3.50E-01
SQRDL	15	2	8.25E-01	2	8.25E-01	2	3.51E-01	2	3.51E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01
ZSWIM6	5	4	7.12E-01	4	7.12E-01	3	4.14E-01	3	4.14E-01	2	3.51E-01	2	3.51E-01
KIAA1109	4	5	5.61E-01	6	6.95E-01	4	3.51E-01	5	4.59E-01	2	4.01E-01	3	3.84E-01
MFNG	22	5	4.27E-01	5	4.27E-01	5	3.52E-01	5	3.52E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
DOPEY1	6	6	2.03E-01	7	1.89E-01	3	6.23E-01	4	5.63E-01	4	4.04E-01	5	3.52E-01
MYBPC1	12	9	3.87E-01	10	3.98E-01	5	4.69E-01	6	3.72E-01	4	4.05E-01	5	3.52E-01
NAA16	13	5	5.52E-01	5	5.52E-01	4	3.52E-01	4	3.52E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01
PREX1	20	6	6.29E-01	6	6.29E-01	6	3.52E-01	6	3.52E-01	2	4.58E-01	2	4.58E-01
PRDX3	10	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.51E-01	2	4.51E-01	1	3.52E-01	1	3.52E-01
PIK3R5	17	2	3.08E-01	2	3.08E-01	1	3.52E-01	1	3.52E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
RPS6KA1	1	1	5.82E-01	1	5.82E-01	1	3.52E-01	1	3.52E-01				
WDPCP	2	2	9.89E-02	2	9.89E-02	1	3.52E-01	1	3.52E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01
DNAJC3	13	1	5.82E-01	1	5.82E-01	1	3.52E-01	1	3.52E-01				
SERPINB13	18	1	5.82E-01	1	5.82E-01	1	3.52E-01	1	3.52E-01				
TAF1C	16	2	5.65E-01	2	5.65E-01	1	3.52E-01	1	3.52E-01	2	4.66E-01	2	4.66E-01
PDLIM5	4	4	1.26E-01	4	1.26E-01	4	3.53E-01	4	3.53E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
ACADS	12	6	6.64E-01	6	6.64E-01	4	3.53E-01	4	3.53E-01	3	4.02E-01	3	4.02E-01
C5orf45	5	2	5.57E-01	2	5.57E-01	1	5.31E-01	1	5.31E-01	2	3.53E-01	2	3.53E-01
ADAMTS17	15	6	4.77E-01	6	4.77E-01	4	5.11E-01	4	5.11E-01	3	3.53E-01	3	3.53E-01
NLRP8	19	6	8.44E-01	9	7.22E-01	5	5.69E-01	8	3.53E-01	5	5.34E-01	8	6.21E-01
RC3H1	1	3	3.17E-02	3	3.17E-02	3	3.53E-01	3	3.53E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
PDX1	13	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.53E-01	3	3.53E-01	2	4.67E-01	2	4.67E-01
IFIH1	2	15	2.08E-01	15	2.08E-01	10	7.33E-01	10	7.33E-01	9	3.53E-01	9	3.53E-01
SALL3	18	7	2.28E-01	7	2.28E-01	4	3.54E-01	4	3.54E-01	3	4.99E-01	3	4.99E-01
PNMT	17	5	6.43E-01	5	6.43E-01	5	3.54E-01	5	3.54E-01	3	3.65E-01	3	3.65E-01
ERCC6	10	7	5.93E-01	7	5.93E-01	6	3.88E-01	6	3.88E-01	4	3.54E-01	4	3.54E-01
RBM19	12	5	3.06E-01	6	3.06E-01	5	3.54E-01	6	3.54E-01	1	4.47E-01	2	4.48E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
GALNT8	12	7	3.07E-02	7	3.07E-02	4	3.79E-01	4	3.79E-01	5	3.55E-01	5	3.55E-01
SMOC2	6	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	3.55E-01	3	3.55E-01	2	3.61E-01	2	3.61E-01
CTNND1	11	5	3.17E-01	5	3.17E-01	5	3.55E-01	5	3.55E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
RRP12	10	6	7.29E-01	6	7.29E-01	5	3.55E-01	5	3.55E-01	2	4.73E-01	2	4.73E-01
NOC4L	12	7	1.00E+00	7	1.00E+00	6	3.55E-01	6	3.55E-01	3	3.81E-01	3	3.81E-01
LIN37	19	2	7.91E-02	2	7.91E-02	2	3.55E-01	2	3.55E-01				
SEMA4G	10	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.58E-01	3	3.58E-01	2	3.55E-01	2	3.55E-01
OLFML1	11	1	5.34E-01	1	5.34E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.55E-01	1	3.55E-01
HEATR1	1	11	7.50E-01	12	7.50E-01	8	3.56E-01	9	3.55E-01	3	4.90E-01	4	4.90E-01
OR11H6	14	2	2.39E-01	5	3.51E-01	1	4.16E-01	4	3.55E-01	2	4.43E-01	5	3.57E-01
MTFR2	6	2	7.65E-01	2	7.65E-01	2	3.56E-01	2	3.56E-01	2	4.69E-01	2	4.69E-01
XRCC1	19	2	2.03E-01	3	6.02E-01	2	5.16E-01	3	3.56E-01			1	3.73E-01
ADAM17	2	3	5.81E-01	3	5.81E-01	2	4.46E-01	2	4.46E-01	2	3.56E-01	2	3.56E-01
C11orf16	11	1	5.13E-01	1	5.13E-01	1	3.56E-01	1	3.56E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
RAB33B	4	2	8.95E-01	2	8.95E-01	2	4.96E-01	2	4.96E-01	1	3.56E-01	1	3.56E-01
EFNA4	1	2	1.82E-01	2	1.82E-01	1	7.03E-01	1	7.03E-01	2	3.56E-01	2	3.56E-01
COL6A5	3	16	9.01E-01	17	9.01E-01	13	4.72E-01	14	4.72E-01	11	3.57E-01	12	3.57E-01
C1orf27	1	2	8.61E-01	2	8.61E-01	2	3.57E-01	2	3.57E-01	1	3.69E-01	1	3.69E-01
SLC6A7	5	7	5.74E-01	7	5.74E-01	6	3.57E-01	6	3.57E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
FAM208B	10	5	1.42E-01	5	1.42E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	1	3.58E-01	1	3.58E-01
ADAM15	1	5	6.27E-01	5	6.27E-01	3	3.58E-01	3	3.58E-01	4	4.12E-01	4	4.12E-01
TMEM260	14	2	5.83E-01	3	1.65E-01	2	6.29E-01	3	3.58E-01			1	3.61E-01
SCG3	15	5	2.51E-01	5	2.51E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01	3	3.58E-01	3	3.58E-01
SLC2A6	9	1	8.38E-02	2	2.57E-01			1	3.58E-01	1	6.72E-01	2	8.11E-01
ZFR2	19	9	7.36E-01	9	7.36E-01	8	3.58E-01	8	3.58E-01	5	4.05E-01	5	4.05E-01
PRIM1	12	4	8.22E-01	5	8.19E-01	3	7.15E-01	4	3.58E-01	1	6.18E-01	2	4.84E-01
ABCC4	13	7	2.54E-01	7	2.54E-01	6	5.02E-01	6	5.02E-01	3	3.58E-01	3	3.58E-01
SLCO1B1	12			1	8.01E-01			1	3.58E-01			1	3.95E-01
DNAJA4	15	4	3.24E-01	4	3.24E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	3.58E-01	3	3.58E-01
PKD1L1	7	10	4.52E-01	11	4.52E-01	8	3.99E-01	9	3.99E-01	3	3.58E-01	4	3.58E-01
LINGO4	1	3	1.16E-03	3	1.16E-03					3	3.58E-01	3	3.58E-01
ENTHD2	17	2	3.20E-02	2	3.20E-02	1	4.78E-01	1	4.78E-01	2	3.58E-01	2	3.58E-01
CEP63	3	3	1.73E-01	3	1.73E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.58E-01	2	3.58E-01
UGGT1	2	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	3.59E-01	3	3.59E-01	2	5.04E-01	2	5.04E-01
OR5K1	3	4	4.18E-01	4	4.18E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	1	3.59E-01	1	3.59E-01
ZNF343	20	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.60E-01	3	3.60E-01	2	3.59E-01	2	3.59E-01
CCDC39	3	5	1.05E-01	5	1.05E-01	5	3.59E-01	5	3.59E-01	2	7.34E-01	2	7.34E-01
SKIV2L	6	8	3.02E-01	8	3.02E-01	7	1.00E+00	7	1.00E+00	3	3.59E-01	3	3.59E-01
PYGM	11	5	3.61E-01	5	3.61E-01	5	3.59E-01	5	3.59E-01	3	4.47E-01	3	4.47E-01
CORO7	16	6	2.66E-01	7	2.66E-01	5	3.60E-01	6	3.60E-01	3	1.00E+00	4	1.00E+00
CORO7-PAM16	16	6	2.66E-01	7	2.66E-01	5	3.60E-01	6	3.60E-01	3	1.00E+00	4	1.00E+00
MBL2	10	3	4.05E-02	5	1.18E-01	1	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.60E-01	5	7.25E-01
SPAG9	17	2	7.62E-02	2	7.62E-02	2	5.73E-01	2	5.73E-01	1	3.60E-01	1	3.60E-01
USP19	3	8	3.56E-01	8	3.56E-01	6	3.60E-01	6	3.60E-01	3	3.70E-01	3	3.70E-01
STARD9	15	8	7.29E-01	8	7.29E-01	6	3.60E-01	6	3.60E-01	3	4.87E-01	3	4.87E-01
PDCD11	10	12	8.33E-01	12	8.33E-01	8	4.36E-01	8	4.36E-01	8	3.60E-01	8	3.60E-01
CCDC130	19	2	8.17E-01	2	8.17E-01	2	3.61E-01	2	3.61E-01	1	3.68E-01	1	3.68E-01
ZNF214	11	3	9.53E-02	3	9.53E-02	3	3.61E-01	3	3.61E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SLC26A4	7	7	7.15E-01	7	7.15E-01	5	3.72E-01	5	3.72E-01	4	3.61E-01	4	3.61E-01
ABCC8	11	10	4.62E-01	10	4.62E-01	6	4.60E-01	6	4.60E-01	4	3.62E-01	4	3.62E-01
LRRC43	12	3	1.75E-01	3	1.75E-01	3	3.62E-01	3	3.62E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
HDDC3	15	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.62E-01	1	3.62E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01
DISC1	1	2	2.21E-02	4	2.47E-02			2	3.62E-01	2	6.24E-01	4	7.05E-01
OR2L8	1	3	4.39E-01	4	5.31E-01	3	3.62E-01	4	3.74E-01	2	6.82E-01	3	6.58E-01
RAB11FIP1	8	4	4.43E-01	4	4.43E-01	4	3.62E-01	4	3.62E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
TIGD6	5	1	1.16E-01	1	1.16E-01	1	3.62E-01	1	3.62E-01				
SKI	1			1	3.05E-01			1	8.66E-01			1	3.62E-01
ZPLD1	3	1	3.97E-01	1	3.97E-01	1	3.63E-01	1	3.63E-01				
OR1J2	9	2	1.40E-01	2	1.40E-01	2	3.63E-01	2	3.63E-01	2	6.69E-01	2	6.69E-01
ANGPTL5	11	4	2.70E-01	4	2.70E-01	2	3.63E-01	2	3.63E-01	3	7.39E-01	3	7.39E-01
DCAF4	14	7	8.41E-01	7	8.41E-01	6	3.99E-01	6	3.99E-01	5	3.63E-01	5	3.63E-01
INSRR	1	7	1.62E-01	7	1.62E-01	7	3.63E-01	7	3.63E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
TNS2	12	9	3.84E-01	9	3.84E-01	5	3.63E-01	5	3.63E-01	5	5.66E-01	5	5.66E-01
NKX2-5	5	1	1.29E-01	1	1.29E-01	1	3.63E-01	1	3.63E-01				
NEIL3	4	2	3.91E-01	2	3.91E-01	2	3.63E-01	2	3.63E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
SORCS2	4	7	1.49E-01	7	1.49E-01	4	3.64E-01	4	3.64E-01	4	7.71E-01	4	7.71E-01
NFXL1	4	3	1.85E-02	4	1.85E-02	2	6.03E-01	3	6.01E-01	2	3.64E-01	3	3.64E-01
TMC1	9	10	5.29E-01	10	5.29E-01	9	3.64E-01	9	3.64E-01	3	7.29E-01	3	7.29E-01
KRT25	17	3	8.14E-01	3	8.14E-01	2	3.64E-01	2	3.64E-01	2	4.66E-01	2	4.66E-01
IRAK2	3	2	5.49E-01	3	5.49E-01	2	7.46E-01	3	7.46E-01	2	3.64E-01	3	3.64E-01
IL17RC	3	1	4.40E-01	1	4.40E-01	1	3.64E-01	1	3.64E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
KIAA1024	15	6	6.42E-01	7	6.58E-01	5	3.64E-01	6	4.99E-01	4	7.28E-01	5	7.68E-01
GUCY2C	12	4	1.01E-01	4	1.01E-01	3	6.28E-01	3	6.28E-01	2	3.64E-01	2	3.64E-01
OSBPL7	17	3	5.30E-01	3	5.30E-01	3	5.21E-01	3	5.21E-01	1	3.64E-01	1	3.64E-01
PUS10	2	2	9.02E-02	2	9.02E-02	2	3.64E-01	2	3.64E-01				
SCRIB	8	10	3.95E-01	10	3.95E-01	9	3.64E-01	9	3.64E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
WDR86	7	4	8.13E-01	4	8.13E-01	3	3.64E-01	3	3.64E-01	2	4.91E-01	2	4.91E-01
ABCB1	7	4	5.09E-01	4	5.09E-01	4	6.77E-01	4	6.77E-01	1	3.64E-01	1	3.64E-01
WDR6	3	7	8.97E-01	7	8.97E-01	6	3.64E-01	6	3.64E-01	4	3.82E-01	4	3.82E-01
ADRA1D	20	4	2.86E-01	4	2.86E-01	4	3.65E-01	4	3.65E-01	1	6.08E-01	1	6.08E-01
PSRC1	1	2	2.98E-01	2	2.98E-01	2	3.65E-01	2	3.65E-01	2	4.92E-01	2	4.92E-01
GSG2	17	1	5.63E-01	1	5.63E-01	1	3.65E-01	1	3.65E-01	1	5.98E-01	1	5.98E-01
SHROOM3	4	10	4.34E-01	11	4.37E-01	8	3.65E-01	9	3.77E-01	7	6.89E-01	8	7.51E-01
GNB3	12			1	1.96E-01			1	1.00E+00			1	3.65E-01
SUGCT	7	3	5.84E-01	3	5.84E-01	1	3.65E-01	1	3.65E-01	3	3.85E-01	3	3.85E-01
CCDC169	13	2	5.92E-01	3	5.92E-01	2	6.34E-01	3	6.34E-01			1	3.65E-01
ZNF556	19	5	4.78E-01	5	4.78E-01	4	5.95E-01	4	5.95E-01	3	3.65E-01	3	3.65E-01
SAMD3	6	3	1.03E-01	3	1.03E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01	3	3.65E-01	3	3.65E-01
ABCA10	17	8	2.95E-01	9	4.00E-01	6	6.18E-01	7	6.07E-01	4	3.65E-01	5	4.12E-01
NACAD	7	4	2.51E-01	5	2.64E-01	4	3.78E-01	5	3.66E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00
AMBRA1	11	5	3.02E-01	5	3.02E-01	4	5.05E-01	4	5.05E-01	2	3.66E-01	2	3.66E-01
SLC6A5	11	6	2.63E-01	6	2.63E-01	6	3.66E-01	6	3.66E-01	1	6.19E-01	1	6.19E-01
PCLO	7	12	6.87E-01	12	6.87E-01	9	3.66E-01	9	3.66E-01	3	5.23E-01	3	5.23E-01
CEP97	3	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.86E-01	3	3.86E-01	2	3.66E-01	2	3.66E-01
KIF13B	8	8	1.94E-01	8	1.94E-01	7	3.66E-01	7	3.66E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
GPT	8	4	2.29E-01	4	2.29E-01	3	3.66E-01	3	3.66E-01	1	6.15E-01	1	6.15E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
VSIG10	12	4	2.80E-01	4	2.80E-01	2	4.54E-01	2	4.54E-01	3	3.67E-01	3	3.67E-01
ATG2A	11	10	3.55E-01	10	3.55E-01	8	6.82E-01	8	6.82E-01	3	3.67E-01	3	3.67E-01
ART4	12	1	1.62E-01	1	1.62E-01	1	3.67E-01	1	3.67E-01				
OR9G4	11	3	1.59E-01	4	2.09E-01	3	1.00E+00	4	1.00E+00	1	3.67E-01	2	5.56E-01
UTP18	17	2	1.54E-01	2	1.54E-01	1	3.67E-01	1	3.67E-01	1	6.36E-01	1	6.36E-01
BDH2	4	2	2.09E-01	2	2.09E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01	2	3.67E-01	2	3.67E-01
OR4C6	11	1	1.82E-01	1	1.82E-01	1	3.67E-01	1	3.67E-01				
UTP11L	1	1	7.84E-01	1	7.84E-01	1	3.67E-01	1	3.67E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TM6SF2	19	5	8.41E-01	5	8.41E-01	5	7.35E-01	5	7.35E-01	4	3.67E-01	4	3.67E-01
CNTN1	12	2	2.52E-03	2	2.52E-03					2	3.67E-01	2	3.67E-01
MIOX	22	3	2.63E-03	3	2.63E-03					3	3.67E-01	3	3.67E-01
GPR15	3	3	8.70E-02	3	8.70E-02	3	3.67E-01	3	3.67E-01				
CCIN	9	4	7.32E-01	4	7.32E-01	3	3.68E-01	3	3.68E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01
SOHLH1	9	1	5.67E-01	1	5.67E-01	1	3.68E-01	1	3.68E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
DIS3L2	2	3	7.14E-01	3	7.14E-01	3	4.23E-01	3	4.23E-01	2	3.68E-01	2	3.68E-01
TMC7	16	3	5.43E-01	3	5.43E-01	3	3.68E-01	3	3.68E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
SULT1C2	2	3	2.60E-01	3	2.60E-01	2	7.71E-01	2	7.71E-01	2	3.68E-01	2	3.68E-01
NPDC1	9	5	6.41E-01	5	6.41E-01	3	5.68E-01	3	5.68E-01	3	3.68E-01	3	3.68E-01
MAP9	4	2	7.49E-02	2	7.49E-02	1	4.46E-01	1	4.46E-01	2	3.68E-01	2	3.68E-01
SBF1	22	9	8.06E-01	9	8.06E-01	7	3.68E-01	7	3.68E-01	3	4.94E-01	3	4.94E-01
CCDC88B	11	5	7.00E-01	5	7.00E-01	4	3.68E-01	4	3.68E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
LLPH	12	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.69E-01	1	3.69E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01
CERS4	19	2	1.18E-01	2	1.18E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	3.69E-01	1	3.69E-01
OLFML2A	9	8	1.93E-01	8	1.93E-01	5	4.80E-01	5	4.80E-01	3	3.69E-01	3	3.69E-01
HRASLS5	11	2	4.19E-01	2	4.19E-01	2	3.69E-01	2	3.69E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
BPIFB4	20	2	8.68E-02	2	8.68E-02	1	4.67E-01	1	4.67E-01	2	3.69E-01	2	3.69E-01
NXPE1	11	4	2.30E-01	5	2.30E-01	4	1.00E+00	5	1.00E+00	2	3.69E-01	3	3.69E-01
ITGA10	1	2	1.54E-01	2	1.54E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	3.69E-01	2	3.69E-01
PRDM10	11	6	6.19E-01	6	6.19E-01	5	3.69E-01	5	3.69E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
PARP15	3	1	8.32E-02	2	1.09E-01			1	3.70E-01	1	6.48E-01	2	7.32E-01
APOB	2	22	3.83E-01	23	3.84E-01	21	4.55E-01	22	4.51E-01	8	3.70E-01	9	3.70E-01
GDNF	5	1	5.81E-01	1	5.81E-01	1	3.70E-01	1	3.70E-01	1	6.36E-01	1	6.36E-01
HAVCR2	5	2	8.00E-01	2	8.00E-01	1	3.70E-01	1	3.70E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CPT2	1	3	7.98E-01	3	7.98E-01	2	5.14E-01	2	5.14E-01	3	3.70E-01	3	3.70E-01
ANXA5	4	3	3.80E-01	3	3.80E-01	3	3.70E-01	3	3.70E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
CCNB2	15	3	7.82E-01	3	7.82E-01	3	3.70E-01	3	3.70E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01
ACOT11	1	1	5.69E-01	1	5.69E-01	1	3.70E-01	1	3.70E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01
OR2M3	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.70E-01	2	3.70E-01	2	3.79E-01	2	3.79E-01
MYBPC2	19	8	2.44E-01	8	2.44E-01	6	3.70E-01	6	3.70E-01	4	6.35E-01	4	6.35E-01
MKI67	10	10	1.50E-01	13	1.27E-01	9	1.00E+00	12	1.00E+00	6	5.96E-01	9	3.70E-01
KIAA0232	4	6	2.57E-01	6	2.57E-01	6	3.71E-01	6	3.71E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
KL	13	5	1.90E-01	6	1.94E-01	2	3.71E-01	3	3.74E-01	4	4.01E-01	5	4.04E-01
ZNF552	19	1	6.36E-03	1	6.36E-03					1	3.71E-01	1	3.71E-01
CYP4V2	4	2	8.68E-02	2	8.68E-02	2	3.71E-01	2	3.71E-01				
CUL7	6	9	1.00E+00	9	1.00E+00	8	3.71E-01	8	3.71E-01	6	5.03E-01	6	5.03E-01
SLC17A1	6	6	3.16E-01	6	3.16E-01	5	3.71E-01	5	3.71E-01	2	4.54E-01	2	4.54E-01
APC2	19	8	5.64E-02	8	5.64E-02	4	3.71E-01	4	3.71E-01	5	7.61E-01	5	7.61E-01
AASDH	4	5	6.48E-01	5	6.48E-01	4	3.71E-01	4	3.71E-01	3	3.77E-01	3	3.77E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TOR1AIP1	1	2	3.99E-01	2	3.99E-01	2	3.72E-01	2	3.72E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
RALGPS1	9	2	1.07E-01	2	1.07E-01	2	3.72E-01	2	3.72E-01				
GZMM	19	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.72E-01	3	3.72E-01	2	4.86E-01	2	4.86E-01
ZFP57	6			1	2.14E-01			1	3.72E-01			1	8.32E-01
MAD1L1	7	3	4.66E-02	3	4.66E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	3.72E-01	3	3.72E-01
NMRK1	9	3	8.37E-01	3	8.37E-01	2	3.72E-01	2	3.72E-01	2	4.15E-01	2	4.15E-01
CEACAM4	19	3	6.93E-02	3	6.93E-02	3	3.72E-01	3	3.72E-01				
R3HDM2	12	2	3.55E-01	2	3.55E-01	2	3.72E-01	2	3.72E-01	1	5.54E-01	1	5.54E-01
LRRC47	1	2	3.57E-01	2	3.57E-01	2	3.72E-01	2	3.72E-01	1	6.80E-01	1	6.80E-01
NYAP1	7	3	2.36E-01	3	2.36E-01	3	7.69E-01	3	7.69E-01	3	3.73E-01	3	3.73E-01
RAVER1	19	7	2.72E-01	7	2.72E-01	6	3.73E-01	6	3.73E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
CHRNA3	2	3	3.97E-01	3	3.97E-01	2	3.73E-01	2	3.73E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01
WRN	8	8	6.64E-01	8	6.64E-01	8	4.92E-01	8	4.92E-01	4	3.73E-01	4	3.73E-01
PLPP6	9	2	6.56E-01	2	6.56E-01	2	3.73E-01	2	3.73E-01	2	4.68E-01	2	4.68E-01
FGFBP3	10	1	5.34E-01	1	5.34E-01	1	5.48E-01	1	5.48E-01	1	3.73E-01	1	3.73E-01
SLC17A9	20	7	2.42E-01	7	2.42E-01	4	3.73E-01	4	3.73E-01	4	5.73E-01	4	5.73E-01
CYLC2	9	2	4.61E-01	2	4.61E-01	1	3.73E-01	1	3.73E-01	2	4.77E-01	2	4.77E-01
TCIRG1	11	8	4.70E-01	8	4.70E-01	7	4.98E-01	7	4.98E-01	4	3.73E-01	4	3.73E-01
SLC38A6	14	5	1.14E-01	5	1.14E-01	2	7.49E-01	2	7.49E-01	4	3.74E-01	4	3.74E-01
P2RX2	12	2	4.04E-01	2	4.04E-01	2	3.74E-01	2	3.74E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
OR51M1	11	3	3.09E-01	3	3.09E-01	2	3.74E-01	2	3.74E-01	3	4.09E-01	3	4.09E-01
ST7L	1	4	7.07E-01	4	7.07E-01	4	3.74E-01	4	3.74E-01	4	4.42E-01	4	4.42E-01
DUS2	16	6	6.67E-01	6	6.67E-01	6	3.74E-01	6	3.74E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01
BIN2	12	3	4.23E-01	3	4.23E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01	2	3.74E-01	2	3.74E-01
BRAT1	7	6	6.79E-01	6	6.79E-01	5	3.74E-01	5	3.74E-01	4	4.14E-01	4	4.14E-01
KCNK5	6	3	1.46E-01	3	1.46E-01	2	3.74E-01	2	3.74E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
ABCB5	7	12	1.00E+00	14	1.00E+00	9	3.74E-01	11	3.76E-01	8	7.15E-01	10	7.20E-01
HECW1	7	9	4.41E-01	9	4.41E-01	7	3.74E-01	7	3.74E-01	5	4.01E-01	5	4.01E-01
SOD3	4	2	5.91E-01	2	5.91E-01	1	3.74E-01	1	3.74E-01	2	6.61E-01	2	6.61E-01
MAP3K9	14	4	2.46E-02	4	2.46E-02	3	7.72E-01	3	7.72E-01	2	3.75E-01	2	3.75E-01
SYNPR	3	1	8.86E-01	1	8.86E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.75E-01	1	3.75E-01
FBXO17	19	2	4.28E-01	2	4.28E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.75E-01	2	3.75E-01
TIMELESS	12	6	3.99E-01	7	3.99E-01	3	3.75E-01	4	3.75E-01	4	8.29E-01	5	8.29E-01
SEMA4B	15	5	2.30E-01	5	2.30E-01	3	6.56E-01	3	6.56E-01	3	3.75E-01	3	3.75E-01
CD101	1	10	1.87E-01	10	1.87E-01	4	3.77E-01	4	3.77E-01	9	3.75E-01	9	3.75E-01
ANGPT1	8	1	5.26E-01	1	5.26E-01	1	3.75E-01	1	3.75E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
NLRP5	19	6	4.19E-01	7	3.87E-01	5	3.75E-01	6	3.78E-01	4	1.00E+00	5	1.00E+00
CASKIN1	16	5	3.74E-01	5	3.74E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	2	3.75E-01	2	3.75E-01
COCH	14	1	8.75E-01	1	8.75E-01	1	3.75E-01	1	3.75E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01
VEPH1	3	5	6.68E-01	5	6.68E-01	4	3.75E-01	4	3.75E-01	2	3.86E-01	2	3.86E-01
CCDC125	5	6	1.92E-01	6	1.92E-01	3	3.75E-01	3	3.75E-01	5	8.79E-01	5	8.79E-01
ABCA5	17	5	2.58E-01	5	2.58E-01	5	3.76E-01	5	3.76E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
STAR	8	1	7.10E-02	1	7.10E-02	1	4.73E-01	1	4.73E-01	1	3.76E-01	1	3.76E-01
SRCAP	16	10	6.04E-01	10	6.04E-01	8	3.76E-01	8	3.76E-01	3	3.76E-01	3	3.76E-01
UNC80	2	7	4.29E-01	7	4.29E-01	4	3.76E-01	4	3.76E-01	4	5.19E-01	4	5.19E-01
DCST2	1	10	1.77E-01	10	1.77E-01	10	6.22E-01	10	6.22E-01	3	3.76E-01	3	3.76E-01
TNRC6C	17	5	1.31E-01	5	1.31E-01	5	3.76E-01	5	3.76E-01	3	3.98E-01	3	3.98E-01
C21orf59	21	1	7.19E-01	1	7.19E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.76E-01	1	3.76E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CATIP	2	1	1.19E-01	1	1.19E-01	1	3.76E-01	1	3.76E-01				
GALNTL5	7	1	7.91E-01	2	1.00E+00	1	4.35E-01	2	3.76E-01	1	6.04E-01	2	6.78E-01
ALDH7A1	5	4	7.73E-01	4	7.73E-01	4	3.77E-01	4	3.77E-01	2	5.75E-01	2	5.75E-01
SLIT3	5	9	4.91E-01	9	4.91E-01	8	3.77E-01	8	3.77E-01	2	6.13E-01	2	6.13E-01
MUC16	19	47	4.65E-01	52	4.36E-01	37	3.77E-01	42	3.83E-01	28	8.65E-01	33	9.02E-01
PRSS57	19	1	8.83E-01	1	8.83E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.77E-01	1	3.77E-01
DUOXA2	15	1	4.09E-01	1	4.09E-01	1	3.77E-01	1	3.77E-01				
IRF2BPL	14	1	1.57E-01	1	1.57E-01	1	3.77E-01	1	3.77E-01				
QRSL1	6	2	1.63E-01	2	1.63E-01	1	3.78E-01	1	3.78E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
FBXO39	17	3	6.29E-01	3	6.29E-01	3	3.78E-01	3	3.78E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01
STYXL1	7	2	7.93E-01	2	7.93E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	3.78E-01	1	3.78E-01
SVIL	10	6	6.79E-01	6	6.79E-01	4	4.01E-01	4	4.01E-01	3	3.78E-01	3	3.78E-01
PRX	19	7	7.74E-01	7	7.74E-01	6	3.78E-01	6	3.78E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01
PKD1	16	5	6.07E-01	5	6.07E-01	3	3.78E-01	3	3.78E-01	3	5.27E-01	3	5.27E-01
RHBDF2	17	4	3.70E-01	4	3.70E-01	3	3.78E-01	3	3.78E-01	1	6.36E-01	1	6.36E-01
GPALPP1	13	2	3.26E-01	2	3.26E-01	2	3.78E-01	2	3.78E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
NDST4	4	4	6.99E-01	4	6.99E-01	3	3.78E-01	3	3.78E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
PYGB	20	6	4.51E-01	7	4.37E-01	4	3.78E-01	5	3.79E-01	4	7.44E-01	5	7.45E-01
PSMB2	1	2	2.13E-01	2	2.13E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01	2	3.79E-01	2	3.79E-01
PROKR2	20	4	4.72E-01	4	4.72E-01	3	3.79E-01	3	3.79E-01	3	5.61E-01	3	5.61E-01
RELL2	5	3	3.74E-01	3	3.74E-01	2	5.56E-01	2	5.56E-01	3	3.79E-01	3	3.79E-01
PI4K2B	4	1	2.41E-01	2	4.77E-01	1	1.00E+00	2	6.04E-01			1	3.79E-01
RPS6KB2	11	3	2.97E-01	3	2.97E-01	2	3.79E-01	2	3.79E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01
ARMC4	10	6	1.70E-01	6	1.70E-01	3	3.79E-01	3	3.79E-01	4	4.18E-01	4	4.18E-01
CARD6	5	4	7.96E-02	5	1.28E-01	1	5.23E-01	2	5.38E-01	3	3.79E-01	4	7.84E-01
OR5P2	11	4	4.00E-01	4	4.00E-01	3	4.56E-01	3	4.56E-01	4	3.80E-01	4	3.80E-01
LTBP1	2	3	4.80E-01	3	4.80E-01	4	5.56E-01	4	5.56E-01	3	3.80E-01	3	3.80E-01
MTNR1B	11	4	2.78E-01	4	2.78E-01	3	5.64E-01	3	5.64E-01	2	3.80E-01	2	3.80E-01
ZNF862	7	5	4.76E-02	5	4.76E-02	3	5.69E-01	3	5.69E-01	3	3.80E-01	3	3.80E-01
SLC6A13	12	10	5.15E-01	10	5.15E-01	7	3.80E-01	7	3.80E-01	4	4.11E-01	4	4.11E-01
PRKCH	14	2	8.13E-02	2	8.13E-02	1	4.61E-01	1	4.61E-01	2	3.80E-01	2	3.80E-01
ACACB	12	12	4.81E-01	12	4.81E-01	10	3.80E-01	10	3.80E-01	5	4.46E-01	5	4.46E-01
SH3TC1	4	13	6.47E-02	13	6.47E-02	10	3.80E-01	10	3.80E-01	10	1.00E+00	10	1.00E+00
HDLBP	2	1	5.48E-01	1	5.48E-01	1	3.81E-01	1	3.81E-01	1	6.35E-01	1	6.35E-01
EEFSEC	3	3	7.07E-02	3	7.07E-02	3	3.81E-01	3	3.81E-01				
PDE5A	4	2	1.02E-01	2	1.02E-01	2	3.81E-01	2	3.81E-01				
OR2C1	16	3	6.30E-01	3	6.30E-01	3	3.81E-01	3	3.81E-01	3	4.31E-01	3	4.31E-01
COL2A1	12			1	4.05E-01			1	3.81E-01			1	6.32E-01
INTS3	1	3	1.12E-01	3	1.12E-01	3	3.81E-01	3	3.81E-01				
SIRT5	6	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	6.19E-01	3	3.81E-01	1	6.41E-01	2	3.84E-01
FAM214A	15	4	8.34E-01	4	8.34E-01	4	3.81E-01	4	3.81E-01	3	5.45E-01	3	5.45E-01
TSGA10	2	3	6.14E-01	3	6.14E-01	3	3.81E-01	3	3.81E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01
KIF1C	17	4	5.13E-01	4	5.13E-01	2	4.08E-01	2	4.08E-01	4	3.82E-01	4	3.82E-01
GAL3ST2	2	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	3.82E-01	5	3.82E-01	5	6.09E-01	5	6.09E-01
OR51G2	11	6	4.10E-01	6	4.10E-01	5	4.75E-01	5	4.75E-01	3	3.82E-01	3	3.82E-01
NLRP13	19	5	6.54E-01	5	6.54E-01	5	3.82E-01	5	3.82E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
PCDHA5	5	5	5.71E-01	5	5.71E-01	3	4.89E-01	3	4.89E-01	3	3.82E-01	3	3.82E-01
ZNRF4	19	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.82E-01	3	3.82E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ANKRD39	2	2	6.88E-01	2	6.88E-01	1	3.82E-01	1	3.82E-01	2	4.90E-01	2	4.90E-01
MZF1	19	2	1.22E-01	2	1.22E-01	2	3.82E-01	2	3.82E-01				
STOML3	13	1	5.93E-01	1	5.93E-01	1	3.82E-01	1	3.82E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
INMT	7	2	6.24E-01	2	6.24E-01	2	5.22E-01	2	5.22E-01	2	3.82E-01	2	3.82E-01
NEU2	2	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.82E-01	1	3.82E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01
PALMD	1	5	4.60E-01	5	4.60E-01	3	5.26E-01	3	5.26E-01	3	3.83E-01	3	3.83E-01
AMER2	13	2	2.88E-01	2	2.88E-01	2	3.83E-01	2	3.83E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SPNS1	16	2	7.25E-01	2	7.25E-01	2	3.92E-01	2	3.92E-01	2	3.83E-01	2	3.83E-01
OR5D18	11	3	6.26E-02	4	9.21E-02	2	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.83E-01	4	5.54E-01
FAT4	4	19	8.71E-01	20	8.71E-01	15	3.83E-01	16	3.84E-01	8	4.10E-01	9	4.11E-01
OR52I2	11			1	6.46E-01			1	4.45E-01			1	3.83E-01
SAMSN1	21	1	5.03E-01	1	5.03E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.83E-01	1	3.83E-01
SGCG	13	3	7.72E-03	4	5.30E-03			1	5.26E-01	3	4.67E-01	4	3.83E-01
ELOVL5	6	5	7.64E-01	5	7.64E-01	4	4.65E-01	4	4.65E-01	3	3.83E-01	3	3.83E-01
TEX15	8	7	3.70E-01	7	3.70E-01	8	4.28E-01	8	4.28E-01	3	3.84E-01	3	3.84E-01
TMEM217	6	1	2.56E-01	1	2.56E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.84E-01	1	3.84E-01
GJA8	1	1	5.99E-01	1	5.99E-01	1	3.84E-01	1	3.84E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
EFHC1	6	7	3.17E-01	7	3.17E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	3.84E-01	4	3.84E-01
RNASL	1	6	7.21E-01	7	7.21E-01	4	3.84E-01	5	3.84E-01	5	4.40E-01	6	4.40E-01
AGT	1	4	3.32E-02	5	4.95E-02	2	6.45E-01	3	7.16E-01	3	3.84E-01	4	6.94E-01
MOV10L1	22	5	5.28E-01	6	5.28E-01	4	3.85E-01	5	3.84E-01	2	4.99E-01	3	5.09E-01
JMJD7-PLA2G4	15	11	2.73E-01	11	2.73E-01	7	3.84E-01	7	3.84E-01	5	7.54E-01	5	7.54E-01
CSF1R	5	3	4.27E-01	3	4.27E-01	2	5.21E-01	2	5.21E-01	2	3.85E-01	2	3.85E-01
QSOX2	9	2	8.08E-01	2	8.08E-01	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	3.85E-01	2	3.85E-01
SLC15A1	13	4	5.76E-01	4	5.76E-01	3	4.68E-01	3	4.68E-01	3	3.85E-01	3	3.85E-01
TFF3	21	1	1.56E-01	1	1.56E-01	1	3.85E-01	1	3.85E-01				
KRTAP10-11	21	1	6.32E-02	2	6.32E-02	1	1.00E+00	2	1.00E+00	1	3.87E-01	2	3.85E-01
MICAL2	11	3	3.83E-01	3	3.83E-01	4	3.85E-01	4	3.85E-01	2	5.73E-01	2	5.73E-01
FAM234A	16	5	3.11E-01	5	3.11E-01	2	3.85E-01	2	3.85E-01	4	4.28E-01	4	4.28E-01
CENPM	22			1	3.54E-01			1	3.85E-01			1	7.65E-01
GPNMB	7	4	6.67E-01	4	6.67E-01	4	3.85E-01	4	3.85E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01
ARMC6	19	1	4.97E-02	1	4.97E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.85E-01	1	3.85E-01
MED1	17	3	4.41E-01	3	4.41E-01	2	4.96E-01	2	4.96E-01	2	3.86E-01	2	3.86E-01
NMU	4	1	7.50E-01	2	1.00E+00	1	4.84E-01	2	4.97E-01			1	3.86E-01
OR6C2	12	3	6.58E-01	4	7.14E-01	3	3.86E-01	4	4.71E-01	1	4.55E-01	2	4.62E-01
ZNF592	15	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	3.86E-01	2	3.86E-01	1	5.76E-01	1	5.76E-01
SPNS3	17	4	4.71E-01	5	4.89E-01	4	4.60E-01	5	1.00E+00	2	3.86E-01	3	4.63E-01
ANKDD1B	5	2	1.07E-02	3	1.07E-02			1	3.86E-01	2	6.32E-01	3	6.33E-01
LUM	12	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.87E-01	1	3.87E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
COL10A1	6	3	5.88E-01	4	5.49E-01	3	4.92E-01	4	3.87E-01	1	6.07E-01	2	5.97E-01
TSR1	17	6	8.60E-01	6	8.60E-01	6	3.87E-01	6	3.87E-01	2	4.11E-01	2	4.11E-01
LRRD1	7	5	1.07E-01	5	1.07E-01	4	3.87E-01	4	3.87E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
CKM	19	4	7.77E-01	4	7.77E-01	3	3.87E-01	3	3.87E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
APC	5	7	4.64E-01	7	4.64E-01	4	6.09E-01	4	6.09E-01	4	3.87E-01	4	3.87E-01
DAGLB	7	6	5.87E-01	7	6.07E-01	5	7.08E-01	6	1.00E+00	4	3.87E-01	5	4.42E-01
ITGA1	5	5	4.13E-01	5	4.13E-01	5	3.88E-01	5	3.88E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
PHC1	12	2	1.95E-01	3	1.78E-01	2	4.30E-01	3	3.88E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00
LRR8E	19	6	5.50E-01	6	5.50E-01	5	3.88E-01	5	3.88E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
COBL	7	7	1.09E-01	8	8.57E-02	5	4.94E-01	6	1.00E+00	2	4.80E-01	3	3.88E-01
GSG1	12	6	5.37E-01	6	5.37E-01	4	3.89E-01	4	3.89E-01	3	5.73E-01	3	5.73E-01
TIAM2	6	5	6.83E-01	7	6.83E-01	3	3.89E-01	5	3.90E-01	3	8.56E-01	5	8.63E-01
KIF2A	5	1	4.00E-01	1	4.00E-01	1	3.89E-01	1	3.89E-01				
NUP160	11	4	8.95E-01	4	8.95E-01	3	4.07E-01	3	4.07E-01	2	3.89E-01	2	3.89E-01
GRIA4	11	1	4.06E-01	1	4.06E-01	1	3.89E-01	1	3.89E-01				
NOA1	4	2	3.73E-01	2	3.73E-01	2	3.89E-01	2	3.89E-01	1	6.69E-01	1	6.69E-01
SLC22A10	11	5	4.11E-01	7	4.11E-01	3	3.89E-01	5	3.89E-01	4	6.09E-01	6	6.09E-01
KRT7	12	4	2.51E-01	4	2.51E-01	4	3.89E-01	4	3.89E-01	1	6.35E-01	1	6.35E-01
GSE1	16	9	7.27E-01	9	7.27E-01	6	3.95E-01	6	3.95E-01	4	3.89E-01	4	3.89E-01
AGTR1	3	2	7.98E-01	2	7.98E-01	2	3.89E-01	2	3.89E-01	1	4.39E-01	1	4.39E-01
OR52E8	11			1	3.32E-01			1	6.22E-01			1	3.89E-01
RTN3	11	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	3.90E-01	5	3.90E-01	4	4.84E-01	4	4.84E-01
OR52B4	11	4	4.51E-01	4	4.51E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	3.90E-01	2	3.90E-01
NEB	2	29	6.98E-02	30	6.98E-02	21	3.90E-01	22	3.90E-01	14	5.55E-01	15	5.55E-01
TGM1	14	6	4.46E-01	6	4.46E-01	5	3.90E-01	5	3.90E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
CFTR	7	14	5.17E-01	14	5.17E-01	14	3.90E-01	14	3.90E-01	8	7.87E-01	8	7.87E-01
PYROXD2	10	4	2.13E-01	4	2.13E-01	2	6.59E-01	2	6.59E-01	3	3.90E-01	3	3.90E-01
TAOK3	12	1	9.33E-01	1	9.33E-01	1	3.90E-01	1	3.90E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
AKNA	9	6	4.24E-01	6	4.24E-01	5	3.90E-01	5	3.90E-01	1	5.67E-01	1	5.67E-01
PARS2	1	1	1.50E-01	1	1.50E-01	1	3.90E-01	1	3.90E-01				
PCDHGA11	5	6	7.13E-01	6	7.13E-01	6	3.90E-01	6	3.90E-01	4	4.60E-01	4	4.60E-01
PFKP	10	5	2.51E-01	5	2.51E-01	3	7.66E-01	3	7.66E-01	3	3.90E-01	3	3.90E-01
MAPK8IP3	16	6	3.77E-01	6	3.77E-01	3	8.36E-01	3	8.36E-01	4	3.91E-01	4	3.91E-01
TTC7A	2	6	5.81E-01	6	5.81E-01	5	3.91E-01	5	3.91E-01	3	5.45E-01	3	5.45E-01
NOD2	16	11	3.10E-01	12	4.38E-01	10	5.98E-01	11	3.91E-01	6	6.37E-01	7	5.14E-01
WDR41	5	5	2.16E-01	5	2.16E-01	5	4.74E-01	5	4.74E-01	2	3.91E-01	2	3.91E-01
KRTAP11-1	21	1	1.95E-01	2	3.70E-01	1	5.12E-01	2	4.80E-01	1	4.47E-01	2	3.91E-01
MAP4K1	19	3	6.41E-01	3	6.41E-01	3	3.92E-01	3	3.92E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
FRYL	4	7	3.95E-01	7	3.95E-01	4	5.91E-01	4	5.91E-01	4	3.92E-01	4	3.92E-01
TAF5L	1	1	1.67E-01	1	1.67E-01	1	3.92E-01	1	3.92E-01				
TMEM125	1	2	4.79E-01	2	4.79E-01	2	3.92E-01	2	3.92E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01
LGALS13	19	3	1.93E-01	3	1.93E-01	3	4.18E-01	3	4.18E-01	2	3.92E-01	2	3.92E-01
EIF5B	2	3	3.21E-01	3	3.21E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	3.92E-01	3	3.92E-01
IKBKAP	9	6	2.89E-01	6	2.89E-01	6	4.27E-01	6	4.27E-01	3	3.92E-01	3	3.92E-01
TDRD9	14	6	8.04E-01	6	8.04E-01	4	3.92E-01	4	3.92E-01	5	3.99E-01	5	3.99E-01
TMEM132C	12	8	3.10E-01	8	3.10E-01	5	3.93E-01	5	3.93E-01	6	7.03E-01	6	7.03E-01
USF3	3	7	8.76E-01	7	8.76E-01	5	3.93E-01	5	3.93E-01	3	4.04E-01	3	4.04E-01
KIAA1211	4	4	1.64E-01	4	1.64E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	3.93E-01	3	3.93E-01
CNKSR1	1	6	3.33E-01	6	3.33E-01	5	3.93E-01	5	3.93E-01	1	6.00E-01	1	6.00E-01
KRT37	17	1	7.44E-01	2	7.24E-01	1	4.62E-01	2	3.93E-01			1	4.39E-01
PSMD6	3	1	1.54E-01	1	1.54E-01	1	3.93E-01	1	3.93E-01				
ITIH4	3	6	6.97E-01	6	6.97E-01	6	3.93E-01	6	3.93E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01
KIAA0513	16	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.93E-01	2	4.93E-01	1	3.93E-01	1	3.93E-01
BCL9	1	5	9.17E-01	5	9.17E-01	4	3.93E-01	4	3.93E-01	3	4.95E-01	3	4.95E-01
RIN2	20	6	7.57E-01	6	7.57E-01	5	3.93E-01	5	3.93E-01	3	4.14E-01	3	4.14E-01
DROSHA	5	2	3.47E-01	2	3.47E-01	1	3.94E-01	1	3.94E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
NFATC4	14	3	4.29E-01	3	4.29E-01	2	5.27E-01	2	5.27E-01	2	3.94E-01	2	3.94E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CHAT	10	2	6.27E-02	3	3.35E-02	2	1.00E+00	3	3.94E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00
FIBIN	11	1	9.58E-01	1	9.58E-01	1	3.94E-01	1	3.94E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01
NEDD9	6	4	2.33E-01	4	2.33E-01	5	4.41E-01	5	4.41E-01	3	3.94E-01	3	3.94E-01
ZKSCAN3	6	1	1.58E-01	1	1.58E-01	1	3.94E-01	1	3.94E-01				
SLA2	20	1	8.86E-01	1	8.86E-01	1	3.94E-01	1	3.94E-01	1	6.36E-01	1	6.36E-01
ZFYVE9	1	4	3.26E-01	4	3.26E-01	4	3.94E-01	4	3.94E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
DCHS1	11	10	5.75E-01	10	5.75E-01	7	3.94E-01	7	3.94E-01	3	4.83E-01	3	4.83E-01
CEP112	17	5	6.83E-01	5	6.83E-01	3	4.47E-01	3	4.47E-01	4	3.94E-01	4	3.94E-01
PRRC1	5	1	4.02E-01	1	4.02E-01	1	3.94E-01	1	3.94E-01				
DHDH	19	3	4.74E-01	5	2.47E-01	2	3.94E-01	4	1.00E+00	2	6.31E-01	4	5.49E-01
RPH3A	12	5	3.99E-01	5	3.99E-01	4	7.03E-01	4	7.03E-01	3	3.95E-01	3	3.95E-01
CTRB1	16	1	1.53E-01	1	1.53E-01	1	3.95E-01	1	3.95E-01				
CFAP69	7	2	3.03E-01	3	3.03E-01	2	6.18E-01	3	6.18E-01			1	3.95E-01
ATP12A	13	6	2.15E-02	6	2.15E-02	5	3.95E-01	5	3.95E-01	4	4.59E-01	4	4.59E-01
ARHGEF37	5	2	3.50E-01	3	3.50E-01	1	3.95E-01	2	3.95E-01	1	6.13E-01	2	6.13E-01
TADA1	1	2	7.38E-01	2	7.38E-01	1	3.95E-01	1	3.95E-01	2	4.51E-01	2	4.51E-01
MDGA1	6	1	4.02E-01	1	4.02E-01	1	3.95E-01	1	3.95E-01				
DDX19B	16	1	5.03E-01	1	5.03E-01	1	3.95E-01	1	3.95E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CCDC83	11	4	1.38E-01	5	5.26E-02	4	4.83E-01	5	3.95E-01			1	7.71E-01
PDSS1	10	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	3.95E-01	1	3.95E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
PAX4	7	3	4.19E-01	3	4.19E-01	3	3.95E-01	3	3.95E-01	1	6.05E-01	1	6.05E-01
ENPP2	8	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	3.95E-01	5	3.95E-01	3	5.29E-01	3	5.29E-01
ADAMTS3	4	4	2.40E-01	4	2.40E-01	3	3.96E-01	3	3.96E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
SEMA3G	3	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	3.96E-01	4	3.96E-01	3	5.04E-01	3	5.04E-01
C8A	1	6	7.38E-01	6	7.38E-01	5	3.96E-01	5	3.96E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00
C14orf39	14	2	6.43E-01	2	6.43E-01	1	3.96E-01	1	3.96E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01
TJP3	19	10	9.00E-01	10	9.00E-01	10	3.96E-01	10	3.96E-01	4	4.76E-01	4	4.76E-01
ITGAE	17	5	3.48E-02	6	3.48E-02	5	3.96E-01	6	3.96E-01	5	5.96E-01	6	5.96E-01
EFHB	3	7	5.92E-01	7	5.92E-01	4	5.13E-01	4	5.13E-01	4	3.96E-01	4	3.96E-01
R3HDM1	2	2	5.73E-01	3	3.88E-01	2	6.36E-01	3	3.96E-01			1	5.01E-01
TBCK	4	3	3.30E-01	3	3.30E-01	3	3.96E-01	3	3.96E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
TMEM253	14	1	5.85E-01	1	5.85E-01	1	3.96E-01	1	3.96E-01	1	6.56E-01	1	6.56E-01
CLTCL1	22	9	8.94E-01	11	6.55E-01	8	6.20E-01	10	5.53E-01	4	6.33E-01	6	3.96E-01
CHRM5	15	4	1.27E-01	4	1.27E-01	2	3.97E-01	2	3.97E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01
COL4A4	2	5	8.09E-01	5	8.09E-01	4	3.97E-01	4	3.97E-01	3	5.88E-01	3	5.88E-01
RNF149	2	2	2.97E-01	2	2.97E-01	2	3.97E-01	2	3.97E-01	1	6.53E-01	1	6.53E-01
TCHH	1	6	5.80E-01	7	5.81E-01	6	3.97E-01	7	3.97E-01	4	4.09E-01	5	4.09E-01
RICTOR	5	1	5.80E-01	1	5.80E-01	1	3.97E-01	1	3.97E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
MRPL50	9	1	4.07E-01	2	5.84E-01	1	4.54E-01	2	5.35E-01			1	3.97E-01
CEACAM18	19	2	3.58E-01	2	3.58E-01	1	3.97E-01	1	3.97E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
MRGPRX2	11			1	8.44E-01			1	3.98E-01			1	5.00E-01
ME1	6	4	6.74E-01	4	6.74E-01	3	7.00E-01	3	7.00E-01	3	3.98E-01	3	3.98E-01
ANO3	11	3	2.45E-01	3	2.45E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	3.98E-01	1	3.98E-01
NOTCH2	1	5	8.67E-01	5	8.67E-01	4	3.98E-01	4	3.98E-01	2	4.60E-01	2	4.60E-01
ZCCHC6	9	3	6.13E-01	3	6.13E-01	2	3.98E-01	2	3.98E-01	2	6.11E-01	2	6.11E-01
FAM198A	3	2	3.64E-01	3	3.64E-01	1	3.98E-01	2	4.27E-01	1	6.23E-01	2	6.74E-01
PARD3B	2	10	5.87E-01	10	5.87E-01	9	6.54E-01	9	6.54E-01	6	3.98E-01	6	3.98E-01
SLC34A3	9	3	2.20E-02	3	2.20E-02	1	4.74E-01	1	4.74E-01	3	3.98E-01	3	3.98E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
RIMBP2	12	4	1.41E-01	4	1.41E-01	1	3.98E-01	1	3.98E-01	3	5.22E-01	3	5.22E-01
FERMT3	11	5	1.79E-01	5	1.79E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	3.98E-01	2	3.98E-01
CFAP73	12	1	4.26E-01	1	4.26E-01	1	3.99E-01	1	3.99E-01	1	6.80E-01	1	6.80E-01
CSRP2BP	20	2	2.11E-01	2	2.11E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	3.99E-01	1	3.99E-01
ZNF491	19	3	6.87E-01	3	6.87E-01	3	3.99E-01	3	3.99E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
OTOF	2	15	7.40E-01	15	7.40E-01	10	3.99E-01	10	3.99E-01	10	4.68E-01	10	4.68E-01
SIGMAR1	9	1	5.92E-01	1	5.92E-01	1	3.99E-01	1	3.99E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
PTPRM	18	4	2.46E-01	4	2.46E-01	3	7.51E-01	3	7.51E-01	3	3.99E-01	3	3.99E-01
BTBD18	11	2	9.76E-02	2	9.76E-02	2	3.99E-01	2	3.99E-01				
SLCO1A2	12	3	6.31E-01	4	3.80E-01	2	6.36E-01	3	7.92E-01	1	6.04E-01	2	3.99E-01
MROH2A	2	4	3.63E-01	4	3.63E-01	4	3.99E-01	4	3.99E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01
PGAP3	17	5	2.77E-01	5	2.77E-01	5	3.99E-01	5	3.99E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
SCCPDH	1			1	8.98E-01			1	4.00E-01			1	4.40E-01
CX3CL1	16	2	3.52E-01	2	3.52E-01	1	4.00E-01	1	4.00E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
FASTK	7	1	9.09E-01	1	9.09E-01	1	4.00E-01	1	4.00E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
SLC7A13	8	4	5.52E-01	4	5.52E-01	3	5.51E-01	3	5.51E-01	2	4.00E-01	2	4.00E-01
TULP4	6	7	1.94E-01	7	1.94E-01	3	6.57E-01	3	6.57E-01	5	4.00E-01	5	4.00E-01
FOCAD	9	7	6.60E-01	7	6.60E-01	7	4.00E-01	7	4.00E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
PCDHA11	5	5	4.54E-01	5	4.54E-01	4	6.07E-01	4	6.07E-01	3	4.00E-01	3	4.00E-01
INTU	4	4	4.17E-01	4	4.17E-01	4	4.00E-01	4	4.00E-01	1	6.08E-01	1	6.08E-01
USH2A	1	22	1.91E-01	22	1.91E-01	20	6.19E-01	20	6.19E-01	11	4.00E-01	11	4.00E-01
AOC2	17	5	7.98E-01	5	7.98E-01	4	4.36E-01	4	4.36E-01	3	4.00E-01	3	4.00E-01
ACAD8	11	3	2.74E-01	3	2.74E-01	1	4.00E-01	1	4.00E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
ZNF432	19	5	7.66E-02	5	7.66E-02	3	4.00E-01	3	4.00E-01	5	8.47E-01	5	8.47E-01
WDR17	4	5	1.53E-01	5	1.53E-01	5	4.00E-01	5	4.00E-01	4	5.44E-01	4	5.44E-01
HAS1	19	7	7.07E-01	7	7.07E-01	6	7.26E-01	6	7.26E-01	4	4.00E-01	4	4.00E-01
KRT19	17	4	2.19E-01	4	2.19E-01	3	4.01E-01	3	4.01E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
DMGDH	5	7	2.06E-02	7	2.06E-02	2	6.40E-01	2	6.40E-01	5	4.01E-01	5	4.01E-01
ACVR1C	2	1	9.30E-01	1	9.30E-01	1	4.01E-01	1	4.01E-01	1	6.48E-01	1	6.48E-01
TARS	5	5	3.94E-01	5	3.94E-01	2	4.01E-01	2	4.01E-01	5	8.19E-01	5	8.19E-01
RXFP4	1	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.01E-01	1	4.01E-01				
DAOA	13	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.01E-01	1	4.01E-01				
CIR1	2	3	1.58E-01	3	1.58E-01	1	4.01E-01	1	4.01E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01
ZSWIM4	19	4	2.83E-01	4	2.83E-01	4	4.01E-01	4	4.01E-01	2	4.86E-01	2	4.86E-01
SLFN12L	17	1	3.98E-01	1	3.98E-01	1	4.01E-01	1	4.01E-01				
AKAP12	6	8	1.00E+00	8	1.00E+00	6	4.01E-01	6	4.01E-01	5	4.02E-01	5	4.02E-01
ARVCF	22	6	3.38E-01	6	3.38E-01	5	4.01E-01	5	4.01E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
OR52D1	11	5	2.37E-02	7	2.31E-02	2	6.29E-01	4	7.27E-01	5	4.01E-01	7	4.06E-01
TBL3	16	7	8.59E-01	7	8.59E-01	5	4.49E-01	5	4.49E-01	3	4.01E-01	3	4.01E-01
RABIF	1	1	4.15E-01	1	4.15E-01	1	4.02E-01	1	4.02E-01				
POC1A	3	6	1.77E-01	6	1.77E-01	4	8.66E-01	4	8.66E-01	3	4.02E-01	3	4.02E-01
NPAS1	19	1	1.79E-01	1	1.79E-01	1	4.02E-01	1	4.02E-01				
FAM124A	13	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	4.02E-01	5	4.02E-01	3	4.92E-01	3	4.92E-01
HGFAC	4	4	3.49E-01	4	3.49E-01	4	4.02E-01	4	4.02E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
LGALS2	22	3	7.57E-01	3	7.57E-01	2	4.02E-01	2	4.02E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
RPTN	1	2	1.03E-01	2	1.03E-01	2	4.02E-01	2	4.02E-01				
CACNA1E	1	5	7.91E-01	5	7.91E-01	4	4.64E-01	4	4.64E-01	3	4.02E-01	3	4.02E-01
NCOA2	8	5	4.33E-01	5	4.33E-01	3	5.71E-01	3	5.71E-01	3	4.02E-01	3	4.02E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
IL4I1	19	2	4.28E-01	2	4.28E-01	2	4.02E-01	2	4.02E-01	1	6.36E-01	1	6.36E-01
KCNU1	8	3	1.00E+00	4	1.00E+00	3	4.03E-01	4	4.73E-01	2	4.95E-01	3	5.11E-01
ZNF418	19	6	3.01E-02	6	3.01E-02	2	6.67E-01	2	6.67E-01	4	4.03E-01	4	4.03E-01
CBARP	19	5	7.91E-01	5	7.91E-01	3	4.03E-01	3	4.03E-01	4	7.60E-01	4	7.60E-01
TRIM22	11	4	5.77E-01	4	5.77E-01	3	4.03E-01	3	4.03E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
PMFBP1	16	5	6.49E-01	5	6.49E-01	3	4.57E-01	3	4.57E-01	4	4.03E-01	4	4.03E-01
SSCS5D	19	4	2.18E-01	4	2.18E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	4.03E-01	3	4.03E-01
DHRS9	2	3	5.19E-01	3	5.19E-01	2	4.03E-01	2	4.03E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
SPATA21	1			1	2.89E-01			1	7.62E-01			1	4.03E-01
FMO3	1	3	1.05E-01	3	1.05E-01	3	4.03E-01	3	4.03E-01				
CENPN	16	2	5.85E-01	3	4.76E-01	2	6.17E-01	3	4.19E-01			1	4.03E-01
CCDC148	2	2	4.04E-01	2	4.04E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01	2	4.04E-01	2	4.04E-01
NOS2	17	4	7.89E-01	4	7.89E-01	4	4.40E-01	4	4.40E-01	1	4.04E-01	1	4.04E-01
PRDM16	1	5	3.73E-01	5	3.73E-01	4	4.04E-01	4	4.04E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01
TGFBR3L	19	1	4.09E-01	1	4.09E-01	1	4.04E-01	1	4.04E-01				
TNNI3K	1	7	6.84E-01	7	6.84E-01	4	4.40E-01	4	4.40E-01	4	4.04E-01	4	4.04E-01
FPGT-TNNI3K	1	7	6.84E-01	7	6.84E-01	4	4.40E-01	4	4.40E-01	4	4.04E-01	4	4.04E-01
CCDC53	12	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.04E-01	1	4.04E-01	1	5.95E-01	1	5.95E-01
PCCA	13	1	4.12E-01	1	4.12E-01	1	4.04E-01	1	4.04E-01				
STAB1	3	11	5.09E-01	11	5.09E-01	7	4.41E-01	7	4.41E-01	4	4.04E-01	4	4.04E-01
MIIP	1	3	1.30E-01	3	1.30E-01	1	4.04E-01	1	4.04E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01
DYRK2	12	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	4.04E-01	1	4.04E-01				
C16orf74	16	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	4.04E-01	1	4.04E-01				
SLC38A4	12	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	4.04E-01	1	4.04E-01				
RPE	2	1	1.93E-01	1	1.93E-01	1	4.04E-01	1	4.04E-01	1	4.43E-01	1	4.43E-01
CDYL	6	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	4.04E-01	1	4.04E-01				
TAS2R40	7	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	4.04E-01	1	4.04E-01				
SMPDL3B	1	1	6.55E-01	2	6.56E-01	1	4.04E-01	2	4.05E-01	1	6.49E-01	2	6.50E-01
RAB11FIP4	17	1	3.99E-01	1	3.99E-01	1	4.04E-01	1	4.04E-01				
SUSD6	14	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.05E-01	2	4.05E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01
PAPSS1	4	5	9.11E-02	5	9.11E-02	5	4.05E-01	5	4.05E-01				
PNKD	2	4	2.33E-01	4	2.33E-01	3	4.05E-01	3	4.05E-01	1	7.00E-01	1	7.00E-01
FGD4	12	2	3.99E-01	2	3.99E-01	2	4.05E-01	2	4.05E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
RBM44	2	3	3.04E-01	3	3.04E-01	2	4.05E-01	2	4.05E-01	1	6.75E-01	1	6.75E-01
LPCAT2	16	3	1.50E-01	3	1.50E-01	2	4.05E-01	2	4.05E-01	1	6.24E-01	1	6.24E-01
PASK	2	12	1.13E-01	12	1.13E-01	12	4.05E-01	12	4.05E-01	4	4.95E-01	4	4.95E-01
WDR90	16	13	4.38E-01	14	4.48E-01	8	4.06E-01	9	4.10E-01	8	5.18E-01	9	4.62E-01
PCDHGB6	5	6	2.20E-01	6	2.20E-01	5	4.06E-01	5	4.06E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
C3orf17	3	8	5.07E-01	8	5.07E-01	8	4.18E-01	8	4.18E-01	4	4.06E-01	4	4.06E-01
BCAR3	1	5	6.40E-01	5	6.40E-01	4	4.06E-01	4	4.06E-01	4	6.11E-01	4	6.11E-01
JPH3	16	7	1.32E-01	7	1.32E-01	3	7.90E-01	3	7.90E-01	4	4.06E-01	4	4.06E-01
EPS8	12	3	1.17E-01	3	1.17E-01	3	4.06E-01	3	4.06E-01				
NEK11	3	4	3.64E-01	4	3.64E-01	3	4.06E-01	3	4.06E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01
C6orf89	6	2	1.85E-01	2	1.85E-01	1	4.06E-01	1	4.06E-01	2	4.60E-01	2	4.60E-01
ZBTB26	9	1	4.06E-01	1	4.06E-01	1	4.07E-01	1	4.07E-01				
ITGAV	2	6	4.01E-02	6	4.01E-02	2	6.23E-01	2	6.23E-01	4	4.07E-01	4	4.07E-01
RAD54B	8	2	7.50E-02	2	7.50E-02	1	4.07E-01	1	4.07E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
MMS19	10	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	4.07E-01	3	4.07E-01	3	4.46E-01	3	4.46E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CPSF7	11	1	3.93E-01	1	3.93E-01	1	4.07E-01	1	4.07E-01				
CHRNA9	4	5	1.05E-01	5	1.05E-01	5	4.07E-01	5	4.07E-01				
ZFYVE16	5	6	3.24E-01	6	3.24E-01	4	5.88E-01	4	5.88E-01	3	4.07E-01	3	4.07E-01
AGL	1	9	2.83E-01	10	3.32E-01	8	7.27E-01	9	1.00E+00	4	6.73E-01	5	4.07E-01
GBE1	3	3	2.16E-01	3	2.16E-01	3	4.07E-01	3	4.07E-01				
CAPN1	11	5	6.56E-01	5	6.56E-01	3	4.07E-01	3	4.07E-01	3	5.11E-01	3	5.11E-01
PENK	8	5	7.20E-02	5	7.20E-02	5	4.07E-01	5	4.07E-01				
UNC5A	5	7	4.61E-02	7	4.61E-02	4	5.63E-01	4	5.63E-01	3	4.07E-01	3	4.07E-01
BTC	4	1	7.44E-01	2	7.47E-01	1	5.07E-01	2	5.10E-01			1	4.07E-01
OR1L6	9	3	2.85E-01	4	6.48E-01	2	4.08E-01	3	1.00E+00	1	6.55E-01	2	1.00E+00
VWDE	7	11	4.02E-01	15	3.29E-01	9	1.00E+00	13	4.08E-01	4	9.19E-01	8	1.00E+00
FBXO30	6	1	5.77E-01	1	5.77E-01	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	6.26E-01	1	6.26E-01
STARD13	13	6	6.75E-01	6	6.75E-01	4	4.89E-01	4	4.89E-01	4	4.08E-01	4	4.08E-01
ITGAD	16	6	3.76E-01	6	3.76E-01	4	4.08E-01	4	4.08E-01	3	4.31E-01	3	4.31E-01
ZZEF1	17	8	4.03E-01	8	4.03E-01	6	4.38E-01	6	4.38E-01	3	4.08E-01	3	4.08E-01
MRPL4	19	2	6.97E-01	2	6.97E-01	1	4.08E-01	1	4.08E-01	2	4.73E-01	2	4.73E-01
MAP3K6	1	4	5.65E-02	4	5.65E-02	4	4.08E-01	4	4.08E-01	2	7.35E-01	2	7.35E-01
ADGRE5	19	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.08E-01	2	4.08E-01	2	5.75E-01	2	5.75E-01
FBL	19	3	7.73E-02	3	7.73E-02	1	4.09E-01	1	4.09E-01	3	4.46E-01	3	4.46E-01
CDH10	5	4	1.45E-03	4	1.45E-03					4	4.09E-01	4	4.09E-01
NRN1L	16	1	3.82E-01	1	3.82E-01	1	4.09E-01	1	4.09E-01				
NEFH	22	1	4.18E-01	1	4.18E-01	1	4.09E-01	1	4.09E-01				
PAICS	4	2	7.99E-01	2	7.99E-01	2	4.09E-01	2	4.09E-01	2	6.65E-01	2	6.65E-01
ZSCAN9	6			1	3.34E-01			1	4.09E-01			1	1.00E+00
CDH17	8	4	2.27E-03	4	2.27E-03					4	4.09E-01	4	4.09E-01
TANK	2	3	6.66E-01	3	6.66E-01	3	4.09E-01	3	4.09E-01	1	4.38E-01	1	4.38E-01
METAP1D	2	4	4.58E-01	4	4.58E-01	3	5.36E-01	3	5.36E-01	3	4.09E-01	3	4.09E-01
FANCC	9	6	5.81E-02	6	5.81E-02	6	8.14E-01	6	8.14E-01	2	4.09E-01	2	4.09E-01
PCDHAC1	5	5	7.71E-01	5	7.71E-01	4	4.09E-01	4	4.09E-01	3	5.57E-01	3	5.57E-01
EIF3A	10	4	7.94E-01	4	7.94E-01	4	4.10E-01	4	4.10E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
HORMAD2	22	2	1.34E-01	2	1.34E-01	2	4.10E-01	2	4.10E-01				
OR2AE1	7	4	5.87E-01	4	5.87E-01	4	4.10E-01	4	4.10E-01	3	5.17E-01	3	5.17E-01
MNS1	15	4	8.24E-01	4	8.24E-01	3	4.10E-01	3	4.10E-01	2	8.25E-01	2	8.25E-01
SEC31A	4	6	7.34E-02	6	7.34E-02	2	5.80E-01	2	5.80E-01	4	4.10E-01	4	4.10E-01
IQSEC1	3	2	5.67E-01	3	7.39E-01	2	6.39E-01	3	5.24E-01			1	4.10E-01
CCDC80	3	2	4.14E-01	2	4.14E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	4.10E-01	1	4.10E-01
PIK3C2A	11	6	6.79E-01	6	6.79E-01	5	4.10E-01	5	4.10E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
RRS1	8	2	1.66E-01	2	1.66E-01	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	4.10E-01	2	4.10E-01
14-Sep	7	2	6.71E-01	2	6.71E-01	1	4.10E-01	1	4.10E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01
MAGI1	3	5	1.57E-02	5	1.57E-02	1	4.95E-01	1	4.95E-01	4	4.10E-01	4	4.10E-01
PAH	12	7	7.10E-01	7	7.10E-01	5	4.10E-01	5	4.10E-01	3	5.21E-01	3	5.21E-01
CRB1	1	7	5.08E-01	7	5.08E-01	5	4.10E-01	5	4.10E-01	3	5.32E-01	3	5.32E-01
DNAAF1	16	2	6.28E-01	2	6.28E-01	1	4.10E-01	1	4.10E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01
AKAP3	12	5	6.82E-01	5	6.82E-01	4	4.10E-01	4	4.10E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
CLCN1	7	5	1.72E-01	5	1.72E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	2	4.10E-01	2	4.10E-01
MAN2C1	15	9	4.99E-01	9	4.99E-01	6	4.10E-01	6	4.10E-01	3	5.03E-01	3	5.03E-01
TMPRSS15	21	6	6.19E-01	6	6.19E-01	6	7.13E-01	6	7.13E-01	4	4.11E-01	4	4.11E-01
QSER1	11	6	3.89E-01	7	5.71E-01	5	6.11E-01	6	4.11E-01	4	7.35E-01	5	6.85E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
LEF1	4	4	7.56E-01	4	7.56E-01	4	4.11E-01	4	4.11E-01	2	6.05E-01	2	6.05E-01
C22orf15	22	1	2.34E-01	1	2.34E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01				
PFN4	2	1	5.08E-01	1	5.08E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01
STXBP5	6	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
LRRC27	10	2	3.94E-01	2	3.94E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
FRRS1	1	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01				
ACOX3	4	2	3.37E-02	2	3.37E-02	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
MMP19	12	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01				
PSTPIP1	15	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01				
SCARB2	4	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01				
C1orf122	1	2	3.98E-01	2	3.98E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
PDP2	16	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01				
C11orf98	11	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01				
ICE2	15	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01				
LBHD1	11	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01				
LTB4R2	14	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01				
PDE6G	17	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.11E-01	1	4.11E-01				
ST14	11	4	5.59E-01	4	5.59E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01	2	4.11E-01	2	4.11E-01
CNTN2	1	4	1.42E-01	4	1.42E-01	1	4.12E-01	1	4.12E-01	3	5.00E-01	3	5.00E-01
CASP10	2	4	4.71E-01	4	4.71E-01	4	6.03E-01	4	6.03E-01	3	4.12E-01	3	4.12E-01
NKX6-1	4	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.12E-01	1	4.12E-01				
PRPF18	10	1	6.53E-01	1	6.53E-01	1	4.12E-01	1	4.12E-01	1	5.63E-01	1	5.63E-01
AQP6	12	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.12E-01	1	4.12E-01				
RAB36	22	2	3.00E-01	2	3.00E-01	1	4.12E-01	1	4.12E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
CBFA2T2	20	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.12E-01	1	4.12E-01				
HOXD3	2	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.12E-01	1	4.12E-01				
IQCK	16	2	6.83E-01	3	6.80E-01	2	4.12E-01	3	4.14E-01	1	1.00E+00	2	5.37E-01
ZNF446	19	1	3.97E-01	1	3.97E-01	1	4.12E-01	1	4.12E-01				
ZNF750	17	3	2.59E-02	4	2.77E-02	2	4.12E-01	3	4.57E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00
CCDC113	16	3	5.52E-01	3	5.52E-01	2	4.64E-01	2	4.64E-01	2	4.12E-01	2	4.12E-01
TRIM45	1	9	3.62E-01	9	3.62E-01	8	4.12E-01	8	4.12E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
PLA2G4E	15	1	4.14E-01	2	1.47E-01	1	4.12E-01	2	1.00E+00			1	4.99E-01
TEX35	1	1	8.14E-01	1	8.14E-01	1	4.13E-01	1	4.13E-01	1	4.29E-01	1	4.29E-01
OR51F2	11	1	4.09E-01	2	3.26E-01	1	4.13E-01	2	4.98E-01			1	6.25E-01
CYP3A5	7	2	5.34E-01	2	5.34E-01	2	4.13E-01	2	4.13E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
MAEL	1	2	6.89E-01	2	6.89E-01	1	4.13E-01	1	4.13E-01	2	4.65E-01	2	4.65E-01
ARMC12	6	2	1.25E-01	2	1.25E-01	2	4.13E-01	2	4.13E-01				
PLEKHJ1	19	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.13E-01	1	4.13E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
MCEE	2	3	5.95E-01	3	5.95E-01	3	4.13E-01	3	4.13E-01	2	4.63E-01	2	4.63E-01
ARID3C	9	2	2.20E-01	2	2.20E-01	1	4.13E-01	1	4.13E-01	2	4.72E-01	2	4.72E-01
NCOA7	6	6	8.25E-01	6	8.25E-01	4	5.02E-01	4	5.02E-01	4	4.13E-01	4	4.13E-01
APBB1	11	3	4.08E-01	3	4.08E-01	3	4.13E-01	3	4.13E-01	1	6.32E-01	1	6.32E-01
NSMF	9	1	4.13E-01	1	4.13E-01	1	4.13E-01	1	4.13E-01				
NEU3	11	8	3.55E-01	8	3.55E-01	7	4.13E-01	7	4.13E-01	3	5.73E-01	3	5.73E-01
AMOTL1	11	6	3.50E-01	6	3.50E-01	5	4.13E-01	5	4.13E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
RNF186	1	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	4.14E-01	3	4.14E-01	2	7.06E-01	2	7.06E-01
COL27A1	9	6	2.64E-01	6	2.64E-01	4	4.14E-01	4	4.14E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01
RXFP1	4	4	1.91E-03	4	1.91E-03					4	4.14E-01	4	4.14E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
NOX3	6	4	1.41E-02	4	1.41E-02	1	5.14E-01	1	5.14E-01	3	4.14E-01	3	4.14E-01
GTSE1	22	8	5.79E-01	8	5.79E-01	8	4.14E-01	8	4.14E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
ISOC2	19	1	7.95E-01	1	7.95E-01	1	4.14E-01	1	4.14E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
KLK11	19	1	7.51E-01	2	8.09E-01	1	4.84E-01	2	6.11E-01			1	4.15E-01
PSCA	8	1	2.87E-01	1	2.87E-01	1	4.15E-01	1	4.15E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SPEG	2	9	5.77E-01	9	5.77E-01	9	5.35E-01	9	5.35E-01	4	4.15E-01	4	4.15E-01
GATB	4	2	7.98E-01	2	7.98E-01	2	4.15E-01	2	4.15E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01
CEP290	12	13	3.22E-01	13	3.22E-01	12	4.15E-01	12	4.15E-01	7	5.66E-01	7	5.66E-01
CDC45	22	4	2.41E-01	4	2.41E-01	3	4.15E-01	3	4.15E-01	1	5.69E-01	1	5.69E-01
CCR3	3	4	1.75E-02	4	1.75E-02	1	4.73E-01	1	4.73E-01	4	4.16E-01	4	4.16E-01
SLC27A5	19	4	9.73E-02	4	9.73E-02	3	4.16E-01	3	4.16E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
KCNJ14	19	1	4.12E-01	1	4.12E-01	1	4.16E-01	1	4.16E-01				
MCM3AP	21	7	3.57E-01	7	3.57E-01	6	4.16E-01	6	4.16E-01	1	6.75E-01	1	6.75E-01
MTHFD1L	6	3	6.79E-01	3	6.79E-01	3	4.16E-01	3	4.16E-01	3	4.79E-01	3	4.79E-01
FMOD	1	1	4.43E-01	1	4.43E-01	1	4.16E-01	1	4.16E-01				
KRTAP9-4	17	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.16E-01	2	4.16E-01	2	4.40E-01	2	4.40E-01
ELF3	1	1	4.06E-01	1	4.06E-01	1	4.16E-01	1	4.16E-01				
SLC6A20	3	4	1.27E-02	5	2.60E-02	1	5.57E-01	2	7.80E-01	3	4.16E-01	4	4.41E-01
TP53AIP1	11	2	1.36E-01	2	1.36E-01	2	4.16E-01	2	4.16E-01				
KIF20B	10	7	1.84E-01	9	1.85E-01	6	4.17E-01	8	4.17E-01	4	6.24E-01	6	6.24E-01
ATG4D	19	4	6.98E-01	4	6.98E-01	4	4.17E-01	4	4.17E-01	2	5.29E-01	2	5.29E-01
TRIOBP	22	13	7.84E-01	13	7.84E-01	11	5.56E-01	11	5.56E-01	6	4.17E-01	6	4.17E-01
SECTM1	17	1	8.70E-01	1	8.70E-01	1	4.17E-01	1	4.17E-01	1	4.43E-01	1	4.43E-01
COG6	13	4	2.50E-02	4	2.50E-02	1	5.01E-01	1	5.01E-01	4	4.17E-01	4	4.17E-01
SYBU	8	3	8.35E-01	3	8.35E-01	3	4.17E-01	3	4.17E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01
CABS1	4			1	5.35E-01			1	4.17E-01			1	7.67E-01
SFXN2	10	4	8.14E-01	4	8.14E-01	3	4.17E-01	3	4.17E-01	2	8.14E-01	2	8.14E-01
CFHR5	1	4	5.96E-01	4	5.96E-01	4	5.43E-01	4	5.43E-01	2	4.18E-01	2	4.18E-01
TMC8	17	4	3.68E-01	4	3.68E-01	3	4.18E-01	3	4.18E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
ZNF284	19	4	3.04E-01	4	3.04E-01	4	4.18E-01	4	4.18E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
CCDC24	1	1	3.82E-01	1	3.82E-01	1	4.18E-01	1	4.18E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
LSS	21	4	5.23E-01	4	5.23E-01	2	4.18E-01	2	4.18E-01	4	5.53E-01	4	5.53E-01
EPHB3	3	1	7.16E-01	1	7.16E-01	1	4.18E-01	1	4.18E-01				
COX6C	8	1	7.16E-01	1	7.16E-01	1	4.18E-01	1	4.18E-01				
OR52A5	11	1	7.16E-01	1	7.16E-01	1	4.18E-01	1	4.18E-01				
KLK3	19	3	1.72E-01	3	1.72E-01	1	4.18E-01	1	4.18E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01
KRTAP8-1	21	1	7.16E-01	1	7.16E-01	1	4.18E-01	1	4.18E-01				
SSTR5	16	1	7.16E-01	1	7.16E-01	1	4.18E-01	1	4.18E-01				
LIPG	18	1	4.16E-01	1	4.16E-01	1	4.18E-01	1	4.18E-01				
PRSS45	3	2	3.71E-01	2	3.71E-01	1	4.18E-01	1	4.18E-01	1	6.00E-01	1	6.00E-01
TRPV6	7	6	1.95E-01	6	1.95E-01	3	4.18E-01	3	4.18E-01	6	8.54E-01	6	8.54E-01
FCMR	1	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	4.18E-01	1	4.18E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01
AGBL5	2	3	2.90E-01	3	2.90E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	2	4.18E-01	2	4.18E-01
FDXACB1	11	3	4.06E-01	3	4.06E-01	3	4.19E-01	3	4.19E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01
LOC102724957	11	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.19E-01	1	4.19E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
PIK3R4	3	3	9.41E-02	3	9.41E-02	3	4.19E-01	3	4.19E-01				
PPP1R12C	19	2	3.35E-01	2	3.35E-01	1	4.19E-01	1	4.19E-01	1	7.00E-01	1	7.00E-01
POLN	4	2	5.52E-01	3	2.44E-01	2	6.67E-01	3	4.19E-01			1	4.44E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PCDHA10	5	13	3.88E-01	14	5.75E-01	9	6.48E-01	10	4.19E-01	6	5.90E-01	7	5.55E-01
FAM160A1	4	6	2.72E-01	6	2.72E-01	5	6.71E-01	5	6.71E-01	4	4.19E-01	4	4.19E-01
LRRC66	4	4	3.78E-01	4	3.78E-01	3	4.19E-01	3	4.19E-01	2	4.66E-01	2	4.66E-01
SLC4A5	2	7	9.26E-02	7	9.26E-02	7	4.19E-01	7	4.19E-01				
CEP72	5	2	4.17E-01	2	4.17E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	2	4.19E-01	2	4.19E-01
EFCAB7	1	4	6.95E-01	4	6.95E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	4.19E-01	3	4.19E-01
NCAN	19	1	4.12E-01	1	4.12E-01	1	4.19E-01	1	4.19E-01				
OR51B6	11	1	4.02E-01	2	3.93E-01	1	4.19E-01	2	4.21E-01			1	6.83E-01
GPATCH4	1	1	7.26E-01	1	7.26E-01	1	4.20E-01	1	4.20E-01				
CD83	6	1	7.26E-01	1	7.26E-01	1	4.20E-01	1	4.20E-01				
ACTBL2	5	1	7.26E-01	1	7.26E-01	1	4.20E-01	1	4.20E-01				
RHOBTB3	5	1	7.26E-01	1	7.26E-01	1	4.20E-01	1	4.20E-01				
GTF2H3	12	1	7.26E-01	1	7.26E-01	1	4.20E-01	1	4.20E-01				
FZD3	8	1	7.26E-01	1	7.26E-01	1	4.20E-01	1	4.20E-01				
STOM	9	1	7.26E-01	1	7.26E-01	1	4.20E-01	1	4.20E-01				
RRP9	3	3	3.88E-01	3	3.88E-01	3	4.20E-01	3	4.20E-01	3	6.37E-01	3	6.37E-01
SLBP	4	2	4.53E-01	2	4.53E-01	1	4.20E-01	1	4.20E-01	2	4.39E-01	2	4.39E-01
MROH2B	5	7	8.70E-01	7	8.70E-01	5	4.20E-01	5	4.20E-01	3	5.14E-01	3	5.14E-01
FAM183A	1	2	5.03E-01	2	5.03E-01	2	4.20E-01	2	4.20E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
SLC2A4RG	20	2	3.71E-01	2	3.71E-01	1	4.20E-01	1	4.20E-01	1	6.85E-01	1	6.85E-01
IL6ST	5	2	8.79E-01	2	8.79E-01	2	4.20E-01	2	4.20E-01	2	4.80E-01	2	4.80E-01
HS3ST6	16	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	4.20E-01	5	4.20E-01	5	6.85E-01	5	6.85E-01
MGA	15	6	8.33E-01	6	8.33E-01	5	4.50E-01	5	4.50E-01	4	4.20E-01	4	4.20E-01
LAMA5	20	26	7.79E-01	27	7.34E-01	23	6.65E-01	24	5.96E-01	16	4.74E-01	17	4.20E-01
SLC34A1	5	4	8.72E-01	4	8.72E-01	3	4.20E-01	3	4.20E-01	3	5.71E-01	3	5.71E-01
ARFGAP1	20	1	4.12E-01	2	3.59E-01	1	4.20E-01	2	7.42E-01			1	8.73E-01
DNAJC21	5	4	8.42E-02	4	8.42E-02	3	5.77E-01	3	5.77E-01	2	4.20E-01	2	4.20E-01
PGPEP1L	15	1	7.61E-01	2	7.84E-01	1	5.02E-01	2	5.08E-01			1	4.20E-01
CUX1	7	2	3.81E-01	2	3.81E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	4.20E-01	1	4.20E-01
PHACTR3	20	4	5.03E-01	4	5.03E-01	3	4.20E-01	3	4.20E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
ZNF665	19	2	7.13E-01	2	7.13E-01	1	4.20E-01	1	4.20E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
TLE1	9	1	9.23E-01	1	9.23E-01	1	4.21E-01	1	4.21E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
KIF13A	6	5	1.56E-01	5	1.56E-01	5	4.21E-01	5	4.21E-01	3	6.30E-01	3	6.30E-01
PRR19	19	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.21E-01	2	4.21E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01
B3GAT2	6	2	3.31E-01	2	3.31E-01	1	4.21E-01	1	4.21E-01	1	6.35E-01	1	6.35E-01
ICAM4	19	1	4.18E-01	1	4.18E-01	1	4.21E-01	1	4.21E-01				
ZNF528	19	8	3.13E-02	8	3.13E-02	6	7.91E-01	6	7.91E-01	4	4.21E-01	4	4.21E-01
TMEM186	16	1	9.35E-01	1	9.35E-01	1	4.21E-01	1	4.21E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
IRX1	5	1	4.14E-01	1	4.14E-01	1	4.21E-01	1	4.21E-01				
ERICH6B	13	5	3.62E-01	6	3.62E-01	5	7.71E-01	6	7.70E-01	2	4.22E-01	3	4.22E-01
ERV3-1	7	4	1.00E+00	5	1.00E+00	4	4.22E-01	5	4.80E-01	2	6.67E-01	3	1.00E+00
KCNN4	19	2	2.32E-01	2	2.32E-01	1	4.22E-01	1	4.22E-01	2	4.89E-01	2	4.89E-01
SLF2	10	4	6.00E-01	5	6.00E-01	4	7.52E-01	5	7.52E-01	1	4.22E-01	2	4.22E-01
DBN1	5	1	2.39E-01	1	2.39E-01	1	4.22E-01	1	4.22E-01				
LARP1B	4	2	2.38E-01	3	2.38E-01	1	4.22E-01	2	4.22E-01	1	6.60E-01	2	6.61E-01
TRPT1	11	6	3.37E-01	6	3.37E-01	6	4.22E-01	6	4.22E-01	2	8.61E-01	2	8.61E-01
HLA-DOA	6	2	6.77E-01	2	6.77E-01	1	4.22E-01	1	4.22E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01
OR52N4	11			1	9.09E-02			1	8.22E-01			1	4.22E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MYO7A	11	14	5.66E-01	14	5.66E-01	13	6.66E-01	13	6.66E-01	5	4.22E-01	5	4.22E-01
BPIFB3	20	7	1.05E-01	8	1.06E-01	6	1.00E+00	7	1.00E+00	4	4.22E-01	5	4.22E-01
HEATR4	14	4	7.03E-01	4	7.03E-01	4	6.25E-01	4	6.25E-01	2	4.22E-01	2	4.22E-01
MTCL1	18	6	2.22E-01	6	2.22E-01	3	7.47E-01	3	7.47E-01	4	4.22E-01	4	4.22E-01
ERBB2IP	5	6	2.12E-01	6	2.12E-01	4	4.22E-01	4	4.22E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
TTR	18	1	2.48E-01	1	2.48E-01	1	4.22E-01	1	4.22E-01				
EPN1	19	2	3.52E-01	2	3.52E-01	1	4.22E-01	1	4.22E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
SEC31B	10	4	8.13E-01	5	8.12E-01	3	4.23E-01	4	4.42E-01	3	4.97E-01	4	5.72E-01
RPUSD1	16	1	5.79E-01	1	5.79E-01	1	4.23E-01	1	4.23E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
FAM122A	9	1	1.47E-01	1	1.47E-01	1	4.23E-01	1	4.23E-01				
STAG3	7	2	6.71E-01	2	6.71E-01	1	4.23E-01	1	4.23E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
PRPF38B	1	2	7.98E-01	2	7.98E-01	2	7.27E-01	2	7.27E-01	1	4.23E-01	1	4.23E-01
COPE	19	1	8.13E-01	1	8.13E-01	1	4.23E-01	1	4.23E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01
EXOSC6	16	2	6.53E-01	2	6.53E-01	2	4.23E-01	2	4.23E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
TMCC3	12	6	1.00E+00	6	1.00E+00	6	4.23E-01	6	4.23E-01	3	4.75E-01	3	4.75E-01
IRX3	16	1	8.30E-01	1	8.30E-01	1	4.23E-01	1	4.23E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01
ZFP2	5	4	3.54E-02	4	3.54E-02	1	4.23E-01	1	4.23E-01	3	4.81E-01	3	4.81E-01
CRIP1	2	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.23E-01	1	4.23E-01				
LIN7A	12	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.23E-01	1	4.23E-01				
PTDSS1	8	1	4.07E-01	1	4.07E-01	1	4.23E-01	1	4.23E-01				
RASIP1	19	1	7.92E-01	2	1.00E+00	1	4.23E-01	2	4.23E-01	1	4.53E-01	2	4.53E-01
TXNDC8	9	3	7.37E-03	4	2.83E-03			1	7.38E-01	3	5.26E-01	4	4.24E-01
ZC2HC1C	14	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	4.24E-01	1	4.24E-01				
ASTN2	9	8	1.00E+00	8	1.00E+00	6	4.24E-01	6	4.24E-01	3	5.09E-01	3	5.09E-01
GFM1	3	2	1.23E-02	2	1.23E-02					2	4.24E-01	2	4.24E-01
BHLHE23	20	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.24E-01	1	4.24E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
ACE	17	16	4.63E-02	16	4.63E-02	14	4.24E-01	14	4.24E-01	6	4.37E-01	6	4.37E-01
VMO1	17	1	7.60E-01	2	7.35E-01	1	5.05E-01	2	4.62E-01			1	4.24E-01
TMEM120B	12	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.24E-01	1	4.24E-01				
OR10T2	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.24E-01	1	4.24E-01				
ZNF280A	22	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.24E-01	1	4.24E-01				
KCTD20	6	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	4.24E-01	1	4.24E-01				
THSD1	13	3	1.91E-01	3	1.91E-01	1	4.24E-01	1	4.24E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01
LYSMD2	15	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.25E-01	1	4.25E-01	1	6.52E-01	1	6.52E-01
PPP1R9A	7	6	2.65E-02	6	2.65E-02	3	8.13E-01	3	8.13E-01	3	4.25E-01	3	4.25E-01
RGMB	5	1	4.09E-01	1	4.09E-01	1	4.25E-01	1	4.25E-01				
UPP2	2	2	3.45E-01	2	3.45E-01	1	4.25E-01	1	4.25E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
COX7A2L	2	1	3.98E-01	1	3.98E-01	1	4.25E-01	1	4.25E-01				
TMEM209	7	2	7.40E-01	2	7.40E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	2	4.25E-01	2	4.25E-01
C19orf60	19	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.25E-01	1	4.25E-01	1	5.69E-01	1	5.69E-01
PLCE1	10	7	4.60E-01	7	4.60E-01	6	4.25E-01	6	4.25E-01	5	4.92E-01	5	4.92E-01
WDR7	18	3	3.33E-01	3	3.33E-01	3	4.25E-01	3	4.25E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
EML3	11	3	2.57E-01	3	2.57E-01	1	4.25E-01	1	4.25E-01	3	5.10E-01	3	5.10E-01
RNPC3	1	2	2.83E-02	2	2.83E-02	1	4.25E-01	1	4.25E-01	1	4.27E-01	1	4.27E-01
GZMA	5	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.25E-01	1	4.25E-01				
RAB3IP	12	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.25E-01	1	4.25E-01				
HAUS1	18	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.25E-01	1	4.25E-01				
KPNA5	6	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.25E-01	1	4.25E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TTC27	2	5	4.01E-01	7	4.48E-01	4	4.25E-01	6	4.44E-01	2	1.00E+00	4	1.00E+00
PTPN14	1	8	1.59E-01	8	1.59E-01	5	5.08E-01	5	5.08E-01	4	4.25E-01	4	4.25E-01
RNF212	4	3	7.62E-01	4	7.83E-01	3	4.29E-01	4	4.26E-01	2	4.25E-01	3	4.38E-01
CACNA2D4	12	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	4.25E-01	5	4.25E-01	3	4.80E-01	3	4.80E-01
EHHADH	3	7	7.63E-01	7	7.63E-01	7	4.25E-01	7	4.25E-01	4	7.96E-01	4	7.96E-01
KIAA1217	10	12	4.69E-01	12	4.69E-01	10	4.26E-01	10	4.26E-01	7	5.44E-01	7	5.44E-01
SCGB1D1	11	1	4.14E-01	1	4.14E-01	1	4.26E-01	1	4.26E-01				
FAM129B	9	1	2.43E-01	1	2.43E-01	1	4.26E-01	1	4.26E-01				
HSBP1L1	18	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.26E-01	1	4.26E-01				
FOXF2	6	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.26E-01	1	4.26E-01				
CHFR	12	2	4.54E-01	2	4.54E-01	1	4.26E-01	1	4.26E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
LCMT2	15	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.26E-01	1	4.26E-01				
BFSP2	3	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.26E-01	1	4.26E-01				
TMIGD2	19	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.26E-01	1	4.26E-01				
KLK12	19	1	9.27E-01	1	9.27E-01	1	4.26E-01	1	4.26E-01	1	6.26E-01	1	6.26E-01
MROH6	8	5	7.50E-01	5	7.50E-01	3	4.26E-01	3	4.26E-01	3	6.32E-01	3	6.32E-01
ELOVL3	10	1	4.72E-01	1	4.72E-01	1	4.26E-01	1	4.26E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
ZNF780B	19	7	1.00E-01	7	1.00E-01	7	4.26E-01	7	4.26E-01				
HAGH	16	2	2.10E-01	2	2.10E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01	2	4.26E-01	2	4.26E-01
MRPL37	1	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	4.26E-01	3	4.26E-01	2	5.04E-01	2	5.04E-01
LY6K	8	1	4.12E-01	1	4.12E-01	1	4.26E-01	1	4.26E-01				
C11orf57	11	1	2.41E-01	1	2.41E-01	1	4.26E-01	1	4.26E-01				
TDRD1	10	3	5.26E-01	3	5.26E-01	2	7.31E-01	2	7.31E-01	2	4.27E-01	2	4.27E-01
PPRC1	10	4	5.19E-01	4	5.19E-01	3	4.27E-01	3	4.27E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
PCDHA12	5	9	8.09E-02	9	8.09E-02	8	5.91E-01	8	5.91E-01	4	4.27E-01	4	4.27E-01
SORCS1	10	1	4.02E-01	1	4.02E-01	1	4.27E-01	1	4.27E-01				
CHST2	3	2	3.76E-02	2	3.76E-02	2	4.27E-01	2	4.27E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ANKS3	16	5	5.99E-01	5	5.99E-01	4	8.32E-01	4	8.32E-01	2	4.27E-01	2	4.27E-01
NOL10	2	3	2.87E-01	3	2.87E-01	3	4.27E-01	3	4.27E-01	1	6.96E-01	1	6.96E-01
FGD2	6	4	1.35E-01	4	1.35E-01	4	4.27E-01	4	4.27E-01				
PRKCDDBP	11	1	3.91E-01	1	3.91E-01	1	4.27E-01	1	4.27E-01				
TMEM154	4	1	5.79E-01	1	5.79E-01	1	4.27E-01	1	4.27E-01	1	6.19E-01	1	6.19E-01
CTBP2	10	3	5.68E-01	5	5.84E-01	3	4.71E-01	5	5.02E-01	1	4.28E-01	3	4.72E-01
FZD1	7	1	7.96E-01	1	7.96E-01	1	4.28E-01	1	4.28E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01
PTH2R	2	2	7.66E-01	2	7.66E-01	2	4.28E-01	2	4.28E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CLRN1	3	1	3.99E-01	1	3.99E-01	1	4.28E-01	1	4.28E-01				
SCGB1D2	11	1	4.04E-01	1	4.04E-01	1	4.28E-01	1	4.28E-01				
ANXA3	4	7	4.18E-01	7	4.18E-01	5	4.28E-01	5	4.28E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
DNAH10	12	26	6.37E-01	26	6.37E-01	25	4.91E-01	25	4.91E-01	15	4.28E-01	15	4.28E-01
ALCAM	3	1	8.58E-01	1	8.58E-01	1	4.28E-01	1	4.28E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
MAPK12	22	3	4.15E-01	3	4.15E-01	3	4.28E-01	3	4.28E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01
CD34	1	1	4.18E-01	1	4.18E-01	1	4.28E-01	1	4.28E-01				
UPP1	7	4	1.16E-01	4	1.16E-01	4	4.28E-01	4	4.28E-01				
CDKN1A	6	1	1.53E-01	1	1.53E-01	1	4.29E-01	1	4.29E-01				
TESK1	9	1	8.70E-01	1	8.70E-01	1	4.29E-01	1	4.29E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
LOC101927844	1			1	1.00E+00			1	4.35E-01			1	4.29E-01
TRIM68	11	4	1.58E-01	4	1.58E-01	4	4.29E-01	4	4.29E-01				
MUL1	1	1	7.91E-01	1	7.91E-01	1	4.29E-01	1	4.29E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MYBPHL	1	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	4.78E-01	5	4.78E-01	4	4.29E-01	4	4.29E-01
SLC50A1	1	1	4.10E-01	1	4.10E-01	1	4.29E-01	1	4.29E-01				
SLAMF8	1	1	4.08E-01	2	5.36E-01	1	4.29E-01	2	4.37E-01			1	4.32E-01
VRK3	19	4	3.33E-01	4	3.33E-01	3	4.29E-01	3	4.29E-01	2	5.99E-01	2	5.99E-01
ZNF133	20	1	3.93E-01	1	3.93E-01	1	4.29E-01	1	4.29E-01				
GPR75	2	1	4.14E-01	1	4.14E-01	1	4.29E-01	1	4.29E-01				
ARHGEF16	1	4	1.69E-01	4	1.69E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	4.29E-01	3	4.29E-01
C3orf70	3	2	1.36E-01	2	1.36E-01	2	4.29E-01	2	4.29E-01				
ZSCAN32	16	3	6.29E-02	3	6.29E-02	1	4.29E-01	1	4.29E-01	2	4.46E-01	2	4.46E-01
PLSCR2	3	2	6.22E-01	2	6.22E-01	1	4.30E-01	1	4.30E-01	2	6.56E-01	2	6.56E-01
C16orf95	16	2	3.75E-01	2	3.75E-01	1	4.30E-01	1	4.30E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
CHCHD6	3	2	1.70E-01	2	1.70E-01	1	4.30E-01	1	4.30E-01	1	6.48E-01	1	6.48E-01
KDELRF3	22	2	3.51E-01	2	3.51E-01	1	4.30E-01	1	4.30E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
SLC39A4	8	7	3.43E-01	7	3.43E-01	6	4.30E-01	6	4.30E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01
GBP5	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.30E-01	2	4.30E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
ZNF585B	19	2	3.50E-01	2	3.50E-01	1	4.30E-01	1	4.30E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
PKN3	9	6	1.04E-01	6	1.04E-01	5	5.12E-01	5	5.12E-01	1	4.30E-01	1	4.30E-01
FLG2	1	6	6.84E-02	8	6.26E-02	5	4.32E-01	7	4.30E-01	5	5.70E-01	7	5.68E-01
TNKS1BP1	11	11	9.02E-01	11	9.02E-01	12	4.30E-01	12	4.30E-01	7	5.68E-01	7	5.68E-01
FANCA	16	5	6.96E-01	5	6.96E-01	4	4.31E-01	4	4.31E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
RHBDF1	16	2	4.48E-01	2	4.48E-01	1	4.31E-01	1	4.31E-01	1	6.92E-01	1	6.92E-01
TNFAIP2	14	1	7.47E-01	2	7.47E-01	1	4.31E-01	2	4.31E-01			1	6.94E-01
IL17B	5	2	3.66E-01	2	3.66E-01	1	4.31E-01	1	4.31E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
P2RY6	11	1	1.74E-02	1	1.74E-02					1	4.31E-01	1	4.31E-01
EPB41L3	18	7	3.50E-01	7	3.50E-01	6	7.16E-01	6	7.16E-01	2	4.31E-01	2	4.31E-01
CD320	19	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.31E-01	1	4.31E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
AQP1	7	3	5.67E-01	3	5.67E-01	2	4.31E-01	2	4.31E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
LGI3	8	5	4.09E-02	5	4.09E-02	3	7.24E-01	3	7.24E-01	2	4.31E-01	2	4.31E-01
DST	6	16	6.87E-01	16	6.87E-01	14	4.31E-01	14	4.31E-01	7	5.79E-01	7	5.79E-01
SS18L1	20	4	1.43E-01	4	1.43E-01	4	4.31E-01	4	4.31E-01				
NEU4	2	2	2.12E-01	2	2.12E-01	2	5.95E-01	2	5.95E-01	2	4.31E-01	2	4.31E-01
FCAMR	1	3	3.49E-01	3	3.49E-01	3	4.31E-01	3	4.31E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
HAVCR1	5	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.31E-01	1	4.31E-01
BEND6	6	1	9.68E-01	1	9.68E-01	1	4.31E-01	1	4.31E-01	1	6.63E-01	1	6.63E-01
DFNB59	2	1	4.03E-01	1	4.03E-01	1	4.31E-01	1	4.31E-01				
ANKFN1	17	5	1.37E-01	5	1.37E-01	4	5.12E-01	4	5.12E-01	1	4.31E-01	1	4.31E-01
SIRPG	20	3	8.13E-01	3	8.13E-01	3	4.51E-01	3	4.51E-01	1	4.31E-01	1	4.31E-01
AURKC	19	1	8.78E-01	1	8.78E-01	1	4.31E-01	1	4.31E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
SIGLEC7	19	1	5.42E-01	1	5.42E-01	1	4.31E-01	1	4.31E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
ROPN1L	5	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.31E-01	1	4.31E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
RSPH4A	6	2	5.23E-02	2	5.23E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	4.31E-01	2	4.31E-01
FURIN	15	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01				
BBS9	7	4	2.60E-01	4	2.60E-01	4	4.32E-01	4	4.32E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
EPB41	1	4	4.46E-01	4	4.46E-01	4	8.44E-01	4	8.44E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01
GRM5	11	1	8.18E-01	1	8.18E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
NOXO1	16	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01				
TBC1D19	4	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01				
RELA	11	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CNOT3	19	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01				
SUPT5H	19	2	3.22E-01	2	3.22E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
CCDC68	18	1	6.76E-01	1	6.76E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01	1	5.20E-01	1	5.20E-01
CD3EAP	19	1	4.05E-01	1	4.05E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01				
C5orf42	5	11	2.02E-01	11	2.02E-01	11	7.25E-01	11	7.25E-01	4	4.32E-01	4	4.32E-01
ENTPD6	20	5	6.44E-01	5	6.44E-01	3	4.37E-01	3	4.37E-01	4	4.32E-01	4	4.32E-01
GMPPB	3	1	2.25E-01	1	2.25E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01				
ZNF534	19	6	5.19E-01	6	5.19E-01	5	4.32E-01	5	4.32E-01	4	6.51E-01	4	6.51E-01
ENOSF1	18	4	1.22E-01	4	1.22E-01	4	4.32E-01	4	4.32E-01				
MLKL	16	4	2.02E-01	4	2.02E-01	3	4.32E-01	3	4.32E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
ZNF547	19	1	2.37E-01	1	2.37E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01				
CASC1	12	4	3.41E-01	5	3.41E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00	4	4.32E-01	5	4.32E-01
UGT1A1	2	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	4.32E-01	4	4.32E-01	2	4.47E-01	2	4.47E-01
HTR6	1	1	8.90E-01	1	8.90E-01	1	4.32E-01	1	4.32E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
REM2	14	1	4.04E-01	1	4.04E-01	1	4.33E-01	1	4.33E-01				
RP9	7	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.33E-01	1	4.33E-01				
GUCY2D	17	3	1.59E-01	3	1.59E-01	1	4.33E-01	1	4.33E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01
ASCL1	12	2	4.13E-01	2	4.13E-01	1	4.33E-01	1	4.33E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
ZNF570	19	2	4.05E-01	2	4.05E-01	1	4.33E-01	1	4.33E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
SCHIP1	3	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.33E-01	1	4.33E-01				
IQCJ-SCHIP1	3	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.33E-01	1	4.33E-01				
ART5	11	5	2.70E-01	5	2.70E-01	5	4.33E-01	5	4.33E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
CARNS1	11	1	9.13E-01	1	9.13E-01	1	4.33E-01	1	4.33E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
TMEM200C	18	4	1.51E-01	4	1.51E-01	1	4.33E-01	1	4.33E-01	3	5.24E-01	3	5.24E-01
ZNF853	7			1	1.88E-01			1	4.33E-01			1	8.87E-01
BIRC8	19	2	5.56E-01	2	5.56E-01	2	4.33E-01	2	4.33E-01	1	6.52E-01	1	6.52E-01
ADAM7	8	1	7.71E-01	2	1.00E+00	1	4.98E-01	2	4.95E-01	1	4.34E-01	2	4.33E-01
FOXP1	3	1	9.26E-01	1	9.26E-01	1	4.33E-01	1	4.33E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
IL12RB1	19	1	3.97E-01	1	3.97E-01	1	4.33E-01	1	4.33E-01				
TTL9	20	2	3.98E-01	2	3.98E-01	2	4.33E-01	2	4.33E-01	1	5.63E-01	1	5.63E-01
MPST	22	2	8.63E-01	2	8.63E-01	2	4.69E-01	2	4.69E-01	2	4.33E-01	2	4.33E-01
LYZ	12	1	5.17E-01	1	5.17E-01	1	5.95E-01	1	5.95E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01
PGBD1	6	5	5.98E-01	5	5.98E-01	4	4.34E-01	4	4.34E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01
ZNF337	20	3	4.84E-02	4	4.58E-01	2	6.27E-01	3	1.00E+00	1	4.34E-01	2	6.60E-01
PLXNA4	7	2	3.49E-01	2	3.49E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
MRS2	6	1	4.13E-01	1	4.13E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
C15orf32	15	1	7.28E-01	1	7.28E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
SHC3	9	3	1.33E-01	3	1.33E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
UGT2B4	4	3	6.78E-02	3	6.78E-02	1	4.34E-01	1	4.34E-01	3	5.05E-01	3	5.05E-01
NAGK	2	2	5.00E-02	2	5.00E-02	1	4.34E-01	1	4.34E-01	2	4.82E-01	2	4.82E-01
MBTD1	17	1	7.28E-01	1	7.28E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
CCDC127	5	1	7.28E-01	1	7.28E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
DNAJC5	20	1	7.28E-01	1	7.28E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
DHX57	2	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
UHRF1BP1L	12	2	3.69E-01	2	3.69E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
NAAA	4	2	2.97E-01	2	2.97E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01
ZDHHC3	3	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
CWH43	4	2	5.12E-01	2	5.12E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01	1	6.53E-01	1	6.53E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
LOXL1	15	2	4.60E-01	2	4.60E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01	1	6.36E-01	1	6.36E-01
RNF182	6	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
WRB	21	1	6.58E-01	1	6.58E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
PGBD4	15	1	4.13E-01	1	4.13E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
PTER	10	4	4.19E-01	4	4.19E-01	4	4.34E-01	4	4.34E-01	1	5.63E-01	1	5.63E-01
C1orf101	1	4	9.54E-02	4	9.54E-02	3	6.28E-01	3	6.28E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01
SYPL1	7	1	4.05E-01	1	4.05E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
EIF4G1	3	3	4.20E-01	3	4.20E-01	3	6.36E-01	3	6.36E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01
ATP13A5	3	8	2.59E-01	9	1.73E-01	7	4.58E-01	8	4.34E-01	4	6.77E-01	5	9.03E-01
OR8B12	11	1	7.34E-01	1	7.34E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
GGT5	22	1	7.34E-01	1	7.34E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
TSPAN11	12	1	7.34E-01	1	7.34E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
INTS8	8	4	5.12E-02	4	5.12E-02	1	4.34E-01	1	4.34E-01	3	5.10E-01	3	5.10E-01
TMEM176A	7	1	6.42E-01	2	6.78E-01	1	4.34E-01	2	4.93E-01	1	6.49E-01	2	6.97E-01
RNH1	11	1	7.34E-01	1	7.34E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
PEX10	1	1	7.34E-01	1	7.34E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
PCDHGA3	5	2	2.99E-01	2	2.99E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01
IL20RA	6	2	3.58E-01	2	3.58E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
C20orf202	20	1	7.34E-01	1	7.34E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
HMP19	5	1	7.34E-01	1	7.34E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
PSPC1	13	1	7.34E-01	1	7.34E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
STK16	2	3	1.16E-01	3	1.16E-01	3	4.34E-01	3	4.34E-01				
ELP6	3	3	2.06E-01	3	2.06E-01	2	4.34E-01	2	4.34E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
TGFB1I1	16	1	4.09E-01	1	4.09E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01				
PMP22	17	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.34E-01	2	4.34E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01
SLC46A2	9	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.36E-01	2	4.36E-01	1	4.34E-01	1	4.34E-01
DYNC2H1	11	10	4.60E-01	10	4.60E-01	10	6.12E-01	10	6.12E-01	4	4.34E-01	4	4.34E-01
CCDC34	11	5	9.70E-03	5	9.70E-03	1	5.13E-01	1	5.13E-01	4	4.34E-01	4	4.34E-01
PLA2G4D	15	6	1.32E-01	6	1.32E-01	2	7.21E-01	2	7.21E-01	4	4.35E-01	4	4.35E-01
CPE	4	2	3.66E-01	2	3.66E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
CH25H	10	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
FOXL1	16	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
HN1L	16	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
ARL14	3	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
UNC119B	12	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
NPHS2	1	1	4.18E-01	1	4.18E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
TACC3	4	1	3.97E-01	1	3.97E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
TULP1	6	2	7.13E-01	2	7.13E-01	2	5.93E-01	2	5.93E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01
SLFN11	17	2	3.23E-01	2	3.23E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01
TDRD5	1	1	8.68E-01	1	8.68E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
DNAJB11	3	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
GALNT18	11	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
C2orf44	2	2	4.62E-01	2	4.62E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
CHRNB3	8	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
EBPL	13	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
SPSB4	3	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
ZDHHC1	16	1	4.02E-01	1	4.02E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
DNAJC6	1	2	4.51E-01	2	4.51E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
OPN5	6	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
RASGRF1	15	2	4.92E-01	2	4.92E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
SFTPD	10	2	4.32E-01	2	4.32E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
KRTAP4-1	17	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
BIRC2	11	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
DNAAF3	19	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
LEKR1	3	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01				
MPDZ	9	13	8.60E-01	13	8.60E-01	12	4.35E-01	12	4.35E-01	6	7.22E-01	6	7.22E-01
BDNF	11	1	2.20E-01	2	2.27E-01	1	5.10E-01	2	5.38E-01	1	4.79E-01	2	4.35E-01
TCTN3	10	3	4.48E-02	3	4.48E-02	2	6.27E-01	2	6.27E-01	1	4.35E-01	1	4.35E-01
TSGA13	7	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	4.36E-01	1	4.36E-01				
RASA3	13	4	4.28E-01	4	4.28E-01	2	5.30E-01	2	5.30E-01	3	4.36E-01	3	4.36E-01
SMAD2	18	1	4.20E-01	1	4.20E-01	1	4.36E-01	1	4.36E-01				
SOX13	1	4	7.30E-01	4	7.30E-01	4	5.81E-01	4	5.81E-01	2	4.36E-01	2	4.36E-01
PAFAH2	1	7	7.52E-01	7	7.52E-01	5	8.26E-01	5	8.26E-01	3	4.36E-01	3	4.36E-01
SCYL1	11	5	7.69E-01	5	7.69E-01	3	4.36E-01	3	4.36E-01	3	4.47E-01	3	4.47E-01
CCDC153	11	1	7.20E-01	1	7.20E-01	1	4.36E-01	1	4.36E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01
SIRT4	12	4	2.40E-01	4	2.40E-01	3	4.36E-01	3	4.36E-01	1	6.71E-01	1	6.71E-01
OVCH1	12	6	5.83E-01	7	4.03E-01	5	5.07E-01	6	4.36E-01	1	6.27E-01	2	7.44E-01
PRUNE	1	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	4.36E-01	3	4.36E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01
ATP4B	13	2	5.06E-01	2	5.06E-01	2	4.36E-01	2	4.36E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
ALDH1L2	12	5	5.12E-01	5	5.12E-01	5	4.36E-01	5	4.36E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
AGAP2	12	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	4.71E-01	3	4.71E-01	2	4.36E-01	2	4.36E-01
OR7G3	19	1	1.80E-02	1	1.80E-02					1	4.37E-01	1	4.37E-01
MLXIP	12	5	1.14E-01	5	1.14E-01	5	4.37E-01	5	4.37E-01				
BLOC1S1	12	1	9.23E-01	1	9.23E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
VPREB3	22	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
RCN3	19	3	3.59E-01	4	4.62E-01	3	4.37E-01	4	1.00E+00	1	6.31E-01	2	8.17E-01
HCRT	17	1	1.69E-01	1	1.69E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01
UTP14C	13	3	5.63E-01	4	2.79E-01	3	5.16E-01	4	4.37E-01	1	6.44E-01	2	8.63E-01
TMPRSS5	11	3	4.59E-02	3	4.59E-02	2	6.28E-01	2	6.28E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01
GPR162	12	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
MAML2	11	5	3.61E-01	5	3.61E-01	3	4.37E-01	3	4.37E-01	3	5.57E-01	3	5.57E-01
GBP7	1	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	4.37E-01	3	4.37E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01
TBC1D2B	15	3	8.53E-02	3	8.53E-02	1	4.37E-01	1	4.37E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
TP63	3	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
OAF	11	2	4.19E-01	2	4.19E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
CDKN1C	11	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
KRTAP19-8	21	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
CCNE2	8	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
MSL2	3	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
ZBTB10	8	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
EHD4	15	3	1.65E-01	3	1.65E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01
UBA6	4	2	4.86E-01	2	4.86E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
HSPB3	5	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
ATF7	12	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
PLCXD2	3	1	4.16E-01	1	4.16E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
HRCT1	9	1	7.42E-01	2	7.96E-01	1	4.37E-01	2	4.64E-01			1	5.11E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MKRN2	3	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
RHBDD2	7	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
PPP2R5C	14	1	2.15E-01	1	2.15E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01
PODXL	7	1	5.51E-01	1	5.51E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01
PSMB8	6	1	4.19E-01	1	4.19E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.37E-01	1	4.37E-01
PSEN1	14	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	4.37E-01	1	4.37E-01				
MESP2	15	3	2.30E-01	3	2.30E-01	1	4.38E-01	1	4.38E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
NETO2	16	2	3.61E-01	2	3.61E-01	1	4.38E-01	1	4.38E-01	1	6.37E-01	1	6.37E-01
C1orf109	1	1	4.13E-01	1	4.13E-01	1	4.38E-01	1	4.38E-01				
SLC25A34	1	1	4.46E-01	1	4.46E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01	1	4.38E-01	1	4.38E-01
SYNE2	14	19	1.53E-01	19	1.53E-01	14	6.26E-01	14	6.26E-01	10	4.38E-01	10	4.38E-01
ZNF318	6	9	3.24E-01	9	3.24E-01	6	4.38E-01	6	4.38E-01	5	6.01E-01	5	6.01E-01
SH3BP1	22	1	9.67E-01	1	9.67E-01	1	4.38E-01	1	4.38E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
VOPP1	7	2	3.24E-01	2	3.24E-01	1	4.38E-01	1	4.38E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
UNC93A	6	5	8.50E-01	6	7.46E-01	4	4.56E-01	5	4.38E-01	5	5.98E-01	6	6.29E-01
DUSP2	2	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.38E-01	1	4.38E-01
GLI3	7	5	7.14E-01	5	7.14E-01	5	4.38E-01	5	4.38E-01	3	7.06E-01	3	7.06E-01
VWA5A	11	8	6.92E-01	8	6.92E-01	7	4.38E-01	7	4.38E-01	3	7.18E-01	3	7.18E-01
BCAM	19	9	7.07E-01	9	7.07E-01	7	4.38E-01	7	4.38E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
KLHL38	8	3	8.27E-01	4	8.39E-01	2	6.94E-01	3	4.38E-01	2	6.43E-01	3	5.02E-01
PIK3AP1	10	3	2.28E-01	3	2.28E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	3	4.38E-01	3	4.38E-01
FBXO7	22	2	2.95E-01	2	2.95E-01	2	5.90E-01	2	5.90E-01	1	4.38E-01	1	4.38E-01
PEPD	19	7	6.12E-01	7	6.12E-01	6	4.38E-01	6	4.38E-01	4	4.77E-01	4	4.77E-01
CLEC2D	12	1	4.04E-01	1	4.04E-01	1	4.38E-01	1	4.38E-01				
PANK1	10	1	4.07E-01	1	4.07E-01	1	4.38E-01	1	4.38E-01				
ZBTB17	1	1	4.17E-01	1	4.17E-01	1	4.38E-01	1	4.38E-01				
COL15A1	9	7	1.46E-01	8	1.48E-01	6	6.39E-01	7	7.32E-01	3	4.51E-01	4	4.38E-01
WIPF1	2	1	3.99E-01	1	3.99E-01	1	4.39E-01	1	4.39E-01				
TLR5	1	3	6.60E-01	4	8.13E-01	3	6.97E-01	4	1.00E+00	1	4.39E-01	2	7.60E-01
TNFAIP8L1	19	1	4.15E-01	1	4.15E-01	1	4.39E-01	1	4.39E-01				
HN1	17	2	3.00E-01	2	3.00E-01	2	5.70E-01	2	5.70E-01	1	4.39E-01	1	4.39E-01
CPB1	3	3	8.32E-02	3	8.32E-02	2	7.55E-01	2	7.55E-01	1	4.39E-01	1	4.39E-01
EPHB1	3	2	6.90E-01	2	6.90E-01	2	6.11E-01	2	6.11E-01	1	4.39E-01	1	4.39E-01
SLC22A7	6	1	4.07E-01	1	4.07E-01	1	4.39E-01	1	4.39E-01				
ZNF681	19	5	8.27E-01	6	7.66E-01	4	4.39E-01	5	5.19E-01	2	6.38E-01	3	8.64E-01
ERN2	16	5	8.63E-02	5	8.63E-02	2	6.42E-01	2	6.42E-01	4	4.39E-01	4	4.39E-01
ASB10	7	6	5.61E-01	6	5.61E-01	5	4.40E-01	5	4.40E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01
GCN1	12	9	4.21E-01	9	4.21E-01	8	4.40E-01	8	4.40E-01	4	4.44E-01	4	4.44E-01
CHRN2	1	1	4.09E-01	1	4.09E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01				
HOXD1	2	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01				
MAP3K2	2	2	5.38E-01	2	5.38E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
TMEM200A	6	3	1.30E-01	3	1.30E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
ATG5	6	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01				
SHISA2	13	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01				
IL36RN	2	1	7.98E-01	1	7.98E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01	1	6.72E-01	1	6.72E-01
CAMTA2	17	3	5.06E-01	3	5.06E-01	3	7.70E-01	3	7.70E-01	2	4.40E-01	2	4.40E-01
PHYH	10	5	4.74E-02	5	4.74E-02	3	7.53E-01	3	7.53E-01	2	4.40E-01	2	4.40E-01
RPAP3	12	3	1.23E-01	3	1.23E-01	3	4.40E-01	3	4.40E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PRSS54	16	1	4.05E-01	1	4.05E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01				
MICAL3	22	5	3.98E-01	5	3.98E-01	4	4.40E-01	4	4.40E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
CYP2J2	1	2	6.33E-01	2	6.33E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01	2	6.05E-01	2	6.05E-01
ZBPB	7	3	7.13E-02	3	7.13E-02	2	5.89E-01	2	5.89E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01
TAB1	22	1	4.15E-01	1	4.15E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01				
DPH7	9	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01
SSFA2	2	7	6.85E-01	7	6.85E-01	7	4.40E-01	7	4.40E-01	4	4.70E-01	4	4.70E-01
TRIM56	7	1	4.14E-01	1	4.14E-01	1	4.40E-01	1	4.40E-01				
KIFAP3	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.40E-01	2	4.40E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01
CNTN6	3	9	1.47E-01	9	1.47E-01	7	4.41E-01	7	4.41E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00
AFM	4	3	7.06E-02	3	7.06E-02	1	4.41E-01	1	4.41E-01	3	4.89E-01	3	4.89E-01
C20orf195	20	2	4.06E-01	2	4.06E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
IL6R	1	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01				
MPL	1	2	4.80E-01	2	4.80E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
NEK4	3	2	4.86E-01	2	4.86E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01	1	5.93E-01	1	5.93E-01
STRA6	15	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01				
MGRN1	16	3	4.07E-01	3	4.07E-01	3	7.89E-01	3	7.89E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01
CEP152	15	6	8.61E-01	6	8.61E-01	5	5.06E-01	5	5.06E-01	2	4.41E-01	2	4.41E-01
PADI3	1	6	1.00E+00	7	7.80E-01	6	5.78E-01	7	6.73E-01	3	5.29E-01	4	4.41E-01
PIK3C3	18	2	4.12E-01	2	4.12E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
TBCE	1	4	7.83E-01	4	7.83E-01	4	4.62E-01	4	4.62E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01
ZNF777	7	3	6.25E-02	3	6.25E-02	2	5.91E-01	2	5.91E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01
SRBD1	2	4	2.08E-01	5	4.73E-01	4	5.60E-01	5	8.78E-01			1	4.41E-01
NRP1	10	3	4.78E-02	3	4.78E-02	2	6.44E-01	2	6.44E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01
PNISR	6	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	4.61E-01	4	4.61E-01	2	4.41E-01	2	4.41E-01
BSG	19	1	3.81E-01	1	3.81E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01				
MYT1	20	3	2.13E-01	3	2.13E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
KIAA1324	1	4	8.56E-01	4	8.56E-01	3	5.20E-01	3	5.20E-01	2	4.41E-01	2	4.41E-01
IGFBP1	7	2	1.39E-01	2	1.39E-01	2	4.41E-01	2	4.41E-01				
DNAH12	3	2	2.55E-01	2	2.55E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01	2	4.65E-01	2	4.65E-01
BICC1	10	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	4.41E-01	3	4.41E-01	3	5.05E-01	3	5.05E-01
CD47	3	1	8.90E-01	1	8.90E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
TPH1	11	2	3.65E-02	2	3.65E-02	1	4.80E-01	1	4.80E-01	1	4.41E-01	1	4.41E-01
ZNF563	19	5	1.42E-01	5	1.42E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	4.41E-01	3	4.41E-01
C2orf70	2	1	4.10E-01	1	4.10E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
LEMD3	12	2	2.35E-01	2	2.35E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
SLC25A29	14	2	3.47E-02	2	3.47E-02	1	4.60E-01	1	4.60E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01
CFAP57	1	4	6.91E-01	4	6.91E-01	4	5.81E-01	4	5.81E-01	2	4.42E-01	2	4.42E-01
SCO1	17	1	4.19E-01	1	4.19E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
CPED1	7	4	6.73E-01	4	6.73E-01	3	4.42E-01	3	4.42E-01	2	4.53E-01	2	4.53E-01
HOXA9	7	2	3.81E-01	2	3.81E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01	1	6.48E-01	1	6.48E-01
SLC5A1	22	1	3.79E-01	1	3.79E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
ABLIM3	5	2	6.21E-01	2	6.21E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01
MANBA	4	3	6.66E-01	3	6.66E-01	3	4.42E-01	3	4.42E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
FGGY	1	6	4.24E-01	6	4.24E-01	4	4.42E-01	4	4.42E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
ATP1A2	1	2	3.72E-01	2	3.72E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01	1	6.00E-01	1	6.00E-01
ZNF236	18	1	3.95E-01	1	3.95E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
PLAG1	8	2	2.27E-01	2	2.27E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01	2	4.64E-01	2	4.64E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
FAM134A	2	1	9.22E-01	1	9.22E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
P2RY13	3	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
TSTA3	8	2	4.32E-01	2	4.32E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01	1	6.15E-01	1	6.15E-01
GPATCH3	1	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
ZNF670	1	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
CCDC13	3	2	4.99E-01	3	5.00E-01	1	4.42E-01	2	4.45E-01	1	6.80E-01	2	6.83E-01
BPIFB6	20	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
CSRP2	12	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
STAT6	12	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
FBXL12	19	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
OR7C1	19	1	7.20E-01	2	7.17E-01	1	4.42E-01	2	4.61E-01	1	6.34E-01	2	6.34E-01
IVL	1	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
MRPS14	1	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
ZNF691	1	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
CACNG5	17	1	4.64E-01	1	4.64E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
OR5B12	11	1	5.48E-01	1	5.48E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01
CTU2	16	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	4.84E-01	4	4.84E-01	2	4.42E-01	2	4.42E-01
C16orf54	16	1	4.05E-01	1	4.05E-01	1	4.42E-01	1	4.42E-01				
FKBP10	17	1	4.73E-01	1	4.73E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01	1	4.43E-01	1	4.43E-01
SLC3A2	11	1	8.79E-01	1	8.79E-01	1	4.43E-01	1	4.43E-01	1	5.93E-01	1	5.93E-01
ARHGAP9	12	3	8.81E-01	3	8.81E-01	3	5.70E-01	3	5.70E-01	1	4.43E-01	1	4.43E-01
HSD17B4	5	1	1.89E-02	2	1.89E-02			1	1.00E+00	1	4.43E-01	2	4.43E-01
GPR158	10	6	8.20E-02	6	8.20E-02	6	4.43E-01	6	4.43E-01				
FAM26D	6	1	4.85E-01	2	8.31E-01	1	4.71E-01	2	6.94E-01	1	4.43E-01	2	7.36E-01
KLHL29	2	1	8.97E-01	1	8.97E-01	1	4.43E-01	1	4.43E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
DEPDC7	11	2	6.21E-01	2	6.21E-01	1	4.43E-01	1	4.43E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
FITM1	14	1	2.08E-01	1	2.08E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01	1	4.43E-01	1	4.43E-01
PYHIN1	1	5	2.52E-01	5	2.52E-01	5	5.78E-01	5	5.78E-01	2	4.43E-01	2	4.43E-01
ZBED9	6	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.18E-01	2	5.18E-01	1	4.43E-01	1	4.43E-01
ZNF114	19	1	2.12E-02	1	2.12E-02					1	4.43E-01	1	4.43E-01
TATDN1	8	2	6.47E-01	2	6.47E-01	1	4.43E-01	1	4.43E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
IMPG1	6	3	4.11E-01	3	4.11E-01	3	8.27E-01	3	8.27E-01	1	4.43E-01	1	4.43E-01
FRZB	2	1	7.33E-01	2	6.28E-01	1	4.94E-01	2	6.38E-01			1	4.44E-01
TBC1D21	15	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	4.44E-01	1	4.44E-01
SAC3D1	11	1	9.57E-01	1	9.57E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01	1	6.82E-01	1	6.82E-01
SETD6	16	2	4.39E-01	2	4.39E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
SLC19A1	21	1	7.38E-01	1	7.38E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01				
NIPAL3	1	1	7.38E-01	1	7.38E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01				
LYZL4	3	1	7.38E-01	1	7.38E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01				
PPP6R3	11	2	5.00E-01	2	5.00E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01	1	6.09E-01	1	6.09E-01
CORO2B	15	2	3.85E-01	2	3.85E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01
FOXD3	1	1	6.87E-01	1	6.87E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
HBQ1	16	1	6.94E-01	1	6.94E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01	1	6.05E-01	1	6.05E-01
XPO6	16	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.44E-01	1	4.44E-01
DNAH5	5	19	3.39E-01	20	3.43E-01	14	4.44E-01	15	4.51E-01	10	6.12E-01	11	6.17E-01
DMRTA2	1	1	1.68E-02	1	1.68E-02					1	4.44E-01	1	4.44E-01
HRH4	18	1	2.38E-01	1	2.38E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01				
METTL4	18	1	7.86E-01	1	7.86E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SMAP1	6	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01				
GALNT7	4	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01				
ANGPTL1	1	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01				
RGS13	1	2	4.11E-01	2	4.11E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
THAP10	15	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01				
ANAPC2	9	3	7.15E-01	3	7.15E-01	3	4.58E-01	3	4.58E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01
MEOX1	17	2	3.85E-01	2	3.85E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01
GP1BA	17	1	4.97E-01	1	4.97E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01
TRIM38	6	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01
BORA	13	2	6.77E-01	2	6.77E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01
DUOX1	15	8	5.38E-01	8	5.38E-01	7	4.55E-01	7	4.55E-01	5	4.44E-01	5	4.44E-01
MSTN	2	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.44E-01	2	4.44E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
THBS3	1	6	2.03E-01	6	2.03E-01	6	4.44E-01	6	4.44E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CFAP46	10	10	8.53E-01	10	8.53E-01	9	5.34E-01	9	5.34E-01	6	4.44E-01	6	4.44E-01
GRK6	5	1	1.90E-02	1	1.90E-02					1	4.44E-01	1	4.44E-01
ARPC4-TTL3	3	1	4.16E-01	1	4.16E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01				
BRICD5	16	5	3.86E-01	5	3.86E-01	2	4.44E-01	2	4.44E-01	4	6.33E-01	4	6.33E-01
CDC14A	1	1	2.10E-01	1	2.10E-01	1	5.19E-01	1	5.19E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01
AMPH	7	2	4.03E-01	2	4.03E-01	2	5.79E-01	2	5.79E-01	1	4.44E-01	1	4.44E-01
SUCLG1	2	1	1.07E-01	1	1.07E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01				
ADGRD1	12	5	2.06E-01	5	2.06E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	4	4.45E-01	4	4.45E-01
ADGRF1	6	6	1.18E-01	6	1.18E-01	6	4.45E-01	6	4.45E-01				
GNB1L	22	4	5.66E-01	4	5.66E-01	2	4.45E-01	2	4.45E-01	3	5.11E-01	3	5.11E-01
SPATC1	8	3	2.43E-01	3	2.43E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01
ZNF395	8	1	1.79E-02	1	1.79E-02					1	4.45E-01	1	4.45E-01
COX4I2	20	2	3.45E-02	2	3.45E-02	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01
OR1J4	9	2	6.03E-01	2	6.03E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
PTGR1	9	1	1.75E-02	1	1.75E-02					1	4.45E-01	1	4.45E-01
MROH7	1	3	6.78E-01	4	6.78E-01	3	8.12E-01	4	8.13E-01	1	4.45E-01	2	4.49E-01
FLRT2	14	1	4.14E-01	1	4.14E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01				
ENDOU	12	1	1.79E-01	1	1.79E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01
PON3	7	4	6.21E-01	4	6.21E-01	3	4.45E-01	3	4.45E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
HCRTR2	6	1	4.10E-01	1	4.10E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01				
SLC52A1	17	1	7.55E-01	2	8.19E-01	1	4.98E-01	2	5.55E-01			1	4.45E-01
C10orf82	10	2	3.06E-02	2	3.06E-02	1	5.67E-01	1	5.67E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01
DLGAP5	14	5	4.70E-01	5	4.70E-01	5	5.32E-01	5	5.32E-01	3	4.45E-01	3	4.45E-01
NOL12	22	2	3.26E-02	2	3.26E-02	1	6.86E-01	1	6.86E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01
HMGCR	5	3	4.75E-01	3	4.75E-01	2	6.06E-01	2	6.06E-01	2	4.45E-01	2	4.45E-01
CAB39L	13	1	4.05E-01	1	4.05E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01				
KRT15	17	3	2.57E-01	3	2.57E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01
OR9Q2	11	1	7.45E-01	2	7.60E-01	1	5.07E-01	2	5.11E-01			1	4.45E-01
SSNA1	9	1	1.94E-02	1	1.94E-02					1	4.45E-01	1	4.45E-01
ZBED5	11	5	4.52E-01	5	4.52E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	4.45E-01	2	4.45E-01
FGB	4	2	2.46E-02	2	2.46E-02	1	5.22E-01	1	5.22E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01
CRNN	1	1	4.13E-01	1	4.13E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01				
MYO18A	17	13	6.15E-02	13	6.15E-02	12	4.45E-01	12	4.45E-01	4	4.46E-01	4	4.46E-01
DGKH	13	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01				
ARHGEF3	3	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MCU	10	2	4.12E-01	2	4.12E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01	1	6.85E-01	1	6.85E-01
CD7	17	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01				
INPP4B	4	1	6.62E-01	1	6.62E-01	1	4.45E-01	1	4.45E-01	1	5.63E-01	1	5.63E-01
TRIM47	17	1	7.34E-01	2	8.24E-01	1	4.45E-01	2	4.69E-01	1	6.17E-01	2	6.61E-01
B3GALT6	1	1	4.10E-01	1	4.10E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01				
TUBG1	17	1	1.52E-01	1	1.52E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01				
STAMBP	2	1	8.79E-01	1	8.79E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
ACBD5	10	5	1.20E-01	5	1.20E-01	3	4.50E-01	3	4.50E-01	2	4.46E-01	2	4.46E-01
COL23A1	5	1	4.14E-01	2	6.34E-01	1	4.46E-01	2	6.07E-01			1	4.54E-01
SYNGR1	22	2	2.96E-02	2	2.96E-02	1	4.88E-01	1	4.88E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01
HIST1H1D	6	3	1.47E-01	3	1.47E-01	3	4.46E-01	3	4.46E-01				
FUCA1	1	1	1.77E-02	1	1.77E-02					1	4.46E-01	1	4.46E-01
CLEC4F	2	1	4.95E-01	1	4.95E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
USP40	2	4	8.24E-01	4	8.24E-01	3	4.52E-01	3	4.52E-01	2	4.46E-01	2	4.46E-01
NPB	17	1	9.47E-01	1	9.47E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01	1	6.96E-01	1	6.96E-01
CYP39A1	6	7	8.86E-01	7	8.86E-01	7	4.46E-01	7	4.46E-01	5	5.24E-01	5	5.24E-01
FOXQ1	6			1	6.36E-01			1	6.27E-01			1	4.46E-01
ANKMY2	7	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01				
MALRD1	10	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01				
C1QBP	17	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01				
NUP85	17	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01				
KRTAP3-3	17	2	5.97E-01	2	5.97E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01
REEP4	8	2	2.84E-01	2	2.84E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
NRIP1	21	3	4.16E-01	4	4.61E-01	3	8.03E-01	4	1.00E+00	1	4.46E-01	2	5.84E-01
COL4A3BP	5	1	2.08E-01	1	2.08E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01
C8orf74	8	1	9.68E-01	1	9.68E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
SGCB	4	2	3.41E-02	2	3.41E-02	1	4.87E-01	1	4.87E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01
POMK	8	2	7.38E-01	2	7.38E-01	2	6.99E-01	2	6.99E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01
LGALS16	19	3	2.05E-02	3	2.05E-02	1	4.59E-01	1	4.59E-01	2	4.46E-01	2	4.46E-01
HS3ST5	6	1	7.89E-01	1	7.89E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.46E-01	1	4.46E-01
PRDM15	21	1	7.54E-01	2	6.08E-01	1	5.02E-01	2	6.44E-01			1	4.46E-01
VPS37C	11	1	2.09E-01	1	2.09E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01	1	4.46E-01	1	4.46E-01
DPYSL4	10	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.78E-01	2	4.78E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01
NAV2	11	13	6.69E-01	13	6.69E-01	11	4.98E-01	11	4.98E-01	7	4.47E-01	7	4.47E-01
TTL7	1	2	7.05E-01	2	7.05E-01	2	6.54E-01	2	6.54E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01
ODF3L1	15			1	2.22E-01			1	7.75E-01			1	4.47E-01
ADAMTS16	5	12	2.19E-01	12	2.19E-01	12	6.88E-01	12	6.88E-01	5	4.47E-01	5	4.47E-01
ARHGEF39	9	1	4.16E-01	1	4.16E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01				
ARHGAP29	1	1	5.21E-01	1	5.21E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01
TMEM87B	2	2	3.14E-01	2	3.14E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
FAM160A2	11	2	6.58E-02	2	6.58E-02	1	5.37E-01	1	5.37E-01	2	4.47E-01	2	4.47E-01
KIF21B	1	4	8.88E-01	4	8.88E-01	4	5.11E-01	4	5.11E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01
SCN1B	19	1	1.81E-02	1	1.81E-02					1	4.47E-01	1	4.47E-01
R3HDM4	19	2	3.19E-01	2	3.19E-01	2	5.79E-01	2	5.79E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01
KRTAP5-9	11	1	8.98E-01	1	8.98E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
FGF6	12	3	7.84E-01	3	7.84E-01	3	5.74E-01	3	5.74E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01
AK9	6	9	7.04E-01	10	7.05E-01	7	4.47E-01	8	4.47E-01	4	6.32E-01	5	6.32E-01
USHBP1	19	1	4.17E-01	1	4.17E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PHF23	17	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.47E-01	1	4.47E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
ANK1	8	7	5.67E-01	7	5.67E-01	7	1.00E+00	7	1.00E+00	3	4.47E-01	3	4.47E-01
HERC2	15	3	5.36E-01	3	5.36E-01	3	4.47E-01	3	4.47E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
NDUFB8	10	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01				
MRPL9	1	2	2.17E-01	2	2.17E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01
IL17REL	22	2	6.29E-01	2	6.29E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01
KCNH7	2	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01				
CELF1	11	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01				
CD14	5	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01				
CHST14	15	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01				
KRR1	12	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01				
RNF39	6	1	3.99E-01	1	3.99E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01				
AKAP11	13	5	3.75E-01	5	3.75E-01	4	6.35E-01	4	6.35E-01	2	4.47E-01	2	4.47E-01
GBAS	7	2	4.65E-01	2	4.65E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01	1	5.98E-01	1	5.98E-01
LPXN	11	2	4.94E-01	2	4.94E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
OR4D11	11	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01				
MTHFD2L	4	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01				
VIM	10	2	3.28E-01	2	3.28E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
AICDA	12	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01				
CAMK1	3	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01				
MLF1	3	2	4.75E-01	2	4.75E-01	1	4.47E-01	1	4.47E-01	1	6.09E-01	1	6.09E-01
PAM	5	5	8.17E-01	5	8.17E-01	5	5.28E-01	5	5.28E-01	3	4.47E-01	3	4.47E-01
PIK3IP1	22	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.47E-01	1	4.47E-01
PLD3	19	2	4.66E-01	2	4.66E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	4.47E-01	2	4.47E-01
KRTAP13-4	21	2	3.68E-01	2	3.68E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
PGM1	1	3	1.90E-02	3	1.90E-02	1	4.87E-01	1	4.87E-01	2	4.48E-01	2	4.48E-01
NDNF	4	1	2.14E-01	1	2.14E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
SLIRP	14	2	2.94E-01	2	2.94E-01	2	5.86E-01	2	5.86E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
RGL1	1	2	2.31E-01	2	2.31E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
NWD1	19	8	4.00E-01	9	4.01E-01	8	7.15E-01	9	7.15E-01	4	4.48E-01	5	4.49E-01
PRKD3	2	2	6.70E-01	2	6.70E-01	2	7.29E-01	2	7.29E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
SULT1C3	2	4	3.23E-01	5	3.26E-01	4	1.00E+00	5	1.00E+00	1	4.48E-01	2	4.55E-01
RGS12	4	9	8.27E-01	9	8.27E-01	8	4.52E-01	8	4.52E-01	5	4.48E-01	5	4.48E-01
METAP1	4	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01				
CFAP126	1	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01				
ICT1	17	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.48E-01	1	4.48E-01
RFX1	19	2	5.17E-01	2	5.17E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01	2	4.65E-01	2	4.65E-01
RILP	17	1	4.18E-01	1	4.18E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01				
KLHDC7B	22	2	8.01E-01	2	8.01E-01	2	4.48E-01	2	4.48E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
PAN2	12	1	7.83E-01	1	7.83E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
PPFIBP1	12	4	7.37E-02	4	7.37E-02	3	6.65E-01	3	6.65E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
SLC44A5	1	2	6.82E-01	2	6.82E-01	2	5.86E-01	2	5.86E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
PRB3	12	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01				
STAC	3	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01				
AHR	7	1	4.05E-01	1	4.05E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01				
CDYL2	16	2	3.21E-02	2	3.21E-02	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
GALNT15	3	3	2.30E-01	3	2.30E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01	2	4.48E-01	2	4.48E-01
ZCCHC7	9	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
STX17	9	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01				
KCNJ5	11	2	3.60E-01	2	3.60E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
ZNF843	16	1	3.99E-01	1	3.99E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01				
CCDC149	4	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.48E-01	1	4.48E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
KIAA0825	5	1	1.89E-02	1	1.89E-02					1	4.48E-01	1	4.48E-01
COL6A1	21	3	7.89E-01	3	7.89E-01	3	6.48E-01	3	6.48E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
CD180	5	1	2.19E-01	1	2.19E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	4.48E-01	1	4.48E-01
OR6C75	12	1	8.34E-01	1	8.34E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
RPH3AL	17	2	6.36E-01	2	6.36E-01	2	5.10E-01	2	5.10E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01
VN1R1	19	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
PKNOX2	11	1	2.07E-01	1	2.07E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01
MIXL1	1	1	1.93E-02	1	1.93E-02					1	4.49E-01	1	4.49E-01
SDCCAG3	9	1	4.15E-01	1	4.15E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
GAP43	3	1	6.30E-01	1	6.30E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	6.11E-01	1	6.11E-01
FKRP	19	1	7.35E-01	1	7.35E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
ZNF426	19	2	3.88E-01	2	3.88E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
RIPK1	6	3	1.20E-01	3	1.20E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	2	6.11E-01	2	6.11E-01
INO80D	2	1	1.76E-01	1	1.76E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01
MEF2B	19	2	4.16E-01	2	4.16E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
MEF2B-NB-MEF	19	2	4.16E-01	2	4.16E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
PITPNB	22	1	7.35E-01	1	7.35E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
C10orf62	10	1	4.09E-01	1	4.09E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
TRAPPC8	18	3	1.15E-01	3	1.15E-01	3	4.49E-01	3	4.49E-01				
ZNF267	16	1	1.81E-02	1	1.81E-02					1	4.49E-01	1	4.49E-01
GIT2	12	2	3.65E-01	2	3.65E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	6.60E-01	1	6.60E-01
BATF2	11	1	1.79E-02	1	1.79E-02					1	4.49E-01	1	4.49E-01
ALKBH3	11	2	7.72E-01	2	7.72E-01	2	7.06E-01	2	7.06E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01
EEPD1	7	1	2.17E-02	1	2.17E-02					1	4.49E-01	1	4.49E-01
ARL6IP5	3	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.49E-01	1	4.49E-01
THAP6	4	1	3.96E-01	1	3.96E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
SRSF4	1	4	7.43E-02	4	7.43E-02	3	7.87E-01	3	7.87E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01
NOG	17	1	8.65E-01	1	8.65E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	6.36E-01	1	6.36E-01
ZNF439	19	2	6.98E-01	2	6.98E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01
KLHDC7A	1	2	2.43E-01	3	1.49E-01	1	4.49E-01	2	4.81E-01	2	6.10E-01	3	7.71E-01
IDH3A	15	2	3.85E-01	2	3.85E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
RCSL1	1	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
KCNH2	7	2	4.90E-01	2	4.90E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
TGFBR2	3	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
WASF1	6	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
WNT8A	5	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
CASQ2	1	2	4.24E-01	2	4.24E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
AVL9	7	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
NLK	17	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
PCDHB14	5	2	4.69E-01	2	4.69E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	5.98E-01	1	5.98E-01
CD207	2	2	3.21E-02	2	3.21E-02	1	5.10E-01	1	5.10E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01
SRGN	10	2	3.32E-01	2	3.32E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	5.93E-01	1	5.93E-01
MUTYH	1	7	1.00E+00	7	1.00E+00	6	4.49E-01	6	4.49E-01	5	5.66E-01	5	5.66E-01
HAGHL	16	1	3.99E-01	1	3.99E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
OR6K6	1	4	6.33E-01	4	6.33E-01	4	4.65E-01	4	4.65E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01
NAV3	12	1	4.12E-01	1	4.12E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
NME8	7			1	6.83E-01			1	4.49E-01			1	6.16E-01
DTD1	20	1	4.15E-01	1	4.15E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01				
MRPL11	11	1	8.96E-01	1	8.96E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	6.85E-01	1	6.85E-01
CHTF18	16	8	6.11E-01	8	6.11E-01	7	4.49E-01	7	4.49E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
LRCH1	13	1	8.90E-01	1	8.90E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
KLLN	10	1	8.98E-01	1	8.98E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
ZNF608	5	5	1.14E-01	5	1.14E-01	4	6.44E-01	4	6.44E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01
NDST2	10	4	8.22E-02	4	8.22E-02	3	7.19E-01	3	7.19E-01	1	4.49E-01	1	4.49E-01
CHRNE	17	2	3.56E-01	2	3.56E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
ADAM28	8	2	2.59E-01	2	2.59E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	2	4.70E-01	2	4.70E-01
PANX2	22	2	3.07E-02	2	3.07E-02	1	5.02E-01	1	5.02E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
SUPT4H1	17	1	1.68E-02	1	1.68E-02					1	4.50E-01	1	4.50E-01
ZNF131	5	1	1.77E-02	1	1.77E-02					1	4.50E-01	1	4.50E-01
STYK1	12	1	4.01E-01	1	4.01E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
CCDC17	1	2	3.42E-01	2	3.42E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
GPR108	19	2	6.35E-01	2	6.35E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	2	6.54E-01	2	6.54E-01
TOR3A	1	3	3.71E-01	3	3.71E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.50E-01	2	4.50E-01
KCNA10	1	3	8.68E-01	3	8.68E-01	3	4.73E-01	3	4.73E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
KRTAP5-1	11	1	2.20E-01	1	2.20E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
TFAP2E	1	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	4.58E-01	3	4.58E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
GBX1	7	1	4.18E-01	1	4.18E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
UCN2	3	2	3.26E-01	2	3.26E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	5.93E-01	1	5.93E-01
EIF2AK1	7	1	4.09E-01	1	4.09E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
BAZ2A	12	2	4.18E-01	2	4.18E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
GIPC1	19	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
TTC23L	5	2	3.66E-01	2	3.66E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	6.81E-01	1	6.81E-01
SPRY1	4	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
SWI5	9	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
OR4K5	14	3	1.67E-01	3	1.67E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	2	6.63E-01	2	6.63E-01
PHF7	3	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
CDKN2AIP	4	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
PRPF3	1	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
ZNF697	1	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
DHX36	3	2	4.15E-01	2	4.15E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
RNASE1	14	1	1.65E-01	1	1.65E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01
PTPRN	2	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
RTN2	19	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
ITPK1	14	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
CCDC61	19	2	4.35E-01	2	4.35E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
B3GNT8	19	2	5.08E-01	2	5.08E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
PTGR2	14	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
ST8SIA2	15	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
THNSL2	2	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
WIPI1	17	2	3.59E-01	2	3.59E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
LRRC30	18	2	5.24E-01	2	5.24E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01	2	4.50E-01	2	4.50E-01
DENND4B	1	1	1.79E-02	1	1.79E-02					1	4.50E-01	1	4.50E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ASL	7	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.99E-01	2	5.99E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
PRRG2	19	1	4.13E-01	1	4.13E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01				
DOCK9	13	3	6.50E-02	3	6.50E-02	1	4.50E-01	1	4.50E-01	3	5.23E-01	3	5.23E-01
MMP25	16	2	4.28E-01	2	4.28E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
VIPR1	3	2	2.34E-01	2	2.34E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
SEL1L3	4	2	2.36E-01	2	2.36E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01	2	4.56E-01	2	4.56E-01
LHX8	1	2	3.42E-02	2	3.42E-02	1	5.37E-01	1	5.37E-01	1	4.50E-01	1	4.50E-01
SNX13	7	1	2.06E-02	1	2.06E-02					1	4.50E-01	1	4.50E-01
BTN2A1	6	2	7.55E-02	2	7.55E-02	1	4.69E-01	1	4.69E-01	2	4.51E-01	2	4.51E-01
OLA1	2	1	1.96E-02	1	1.96E-02					1	4.51E-01	1	4.51E-01
UNC5B	10	5	5.61E-01	5	5.61E-01	5	5.19E-01	5	5.19E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01
TSSK2	22	2	6.55E-01	2	6.55E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01
SLC4A8	12	2	6.48E-01	2	6.48E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01
KDM5A	12	3	2.45E-01	3	2.45E-01	3	4.51E-01	3	4.51E-01	2	4.60E-01	2	4.60E-01
TYSND1	10	1	4.16E-01	1	4.16E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01				
CCDC69	5	2	7.19E-02	2	7.19E-02	1	5.46E-01	1	5.46E-01	2	4.51E-01	2	4.51E-01
C12orf50	12	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.71E-01	2	4.71E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01
ADAMTS18	16	7	9.15E-02	7	9.15E-02	7	4.51E-01	7	4.51E-01				
ECEL1	2	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.51E-01	1	4.51E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
SGK2	20	3	7.64E-01	3	7.64E-01	3	5.09E-01	3	5.09E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01
SLC38A11	2	3	1.10E-01	3	1.10E-01	3	4.51E-01	3	4.51E-01				
MUC5B	11	17	5.85E-01	17	5.85E-01	14	7.82E-01	14	7.82E-01	9	4.51E-01	9	4.51E-01
MMAB	12	1	1.76E-02	1	1.76E-02					1	4.51E-01	1	4.51E-01
TMEM44	3	5	4.32E-01	5	4.32E-01	5	4.51E-01	5	4.51E-01	1	5.95E-01	1	5.95E-01
KRTAP13-1	21	1	7.87E-01	1	7.87E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.51E-01	1	4.51E-01
CDK5RAP1	20	1	2.14E-01	1	2.14E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01
MYLK4	6	2	3.96E-01	2	3.96E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01
WNK4	17	8	3.51E-01	8	3.51E-01	5	4.51E-01	5	4.51E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00
ATE1	10	1	2.18E-02	1	2.18E-02					1	4.51E-01	1	4.51E-01
RAB44	6	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01				
LRRC26	9	2	4.61E-01	2	4.61E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01	1	6.56E-01	1	6.56E-01
OR6Q1	11	2	4.62E-01	2	4.62E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
ANKRD13B	17	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01				
P2RY12	3	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01				
PLEKHB2	2	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01				
TRAF5	1	1	6.61E-01	1	6.61E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
C12orf42	12	2	2.65E-01	2	2.65E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01	2	4.51E-01	2	4.51E-01
GRHL1	2	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01				
OR4N5	14	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01				
KCNK15	20	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01				
GCSAM	3	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01				
ATAD2B	2	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01				
AZU1	19	1	6.89E-01	2	5.08E-01	1	4.51E-01	2	5.55E-01	1	6.33E-01	2	7.55E-01
FOXA2	20	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01				
KCTD21	11	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01				
C3orf62	3	2	6.08E-01	2	6.08E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01
SLC13A2	17	3	2.10E-01	3	2.10E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01	2	4.51E-01	2	4.51E-01
MXRA8	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	4.51E-01	1	4.51E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
GABRD	1	1	2.32E-01	1	2.32E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01				
RBM6	3	6	7.75E-01	6	7.75E-01	4	4.51E-01	4	4.51E-01	3	5.02E-01	3	5.02E-01
OR1A1	17	2	5.70E-01	3	5.70E-01	2	6.42E-01	3	6.42E-01			1	4.51E-01
SAMD4A	14	3	5.01E-02	3	5.01E-02	2	6.11E-01	2	6.11E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01
CDCP2	1	2	3.67E-01	2	3.67E-01	1	4.51E-01	1	4.51E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
MRPL23	11	1	5.03E-01	1	5.03E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01
BCL2L13	22	2	6.33E-03	2	6.33E-03					2	4.52E-01	2	4.52E-01
C17orf64	17	1	7.67E-01	1	7.67E-01	1	5.08E-01	1	5.08E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01
PRTFDC1	10	4	1.01E-01	4	1.01E-01	3	5.57E-01	3	5.57E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01
POLL	10	3	5.06E-01	3	5.06E-01	3	5.82E-01	3	5.82E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01
TRMU	22	2	3.74E-01	3	4.49E-01	2	5.97E-01	3	5.74E-01	1	4.52E-01	2	7.45E-01
RFT1	3	4	7.98E-01	4	7.98E-01	4	4.56E-01	4	4.56E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01
ZNF737	19	3	3.70E-01	3	3.70E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	4.52E-01	1	4.52E-01
SRP72	4	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.52E-01	1	4.52E-01	1	6.32E-01	1	6.32E-01
MTG2	20	2	7.20E-01	2	7.20E-01	2	7.12E-01	2	7.12E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01
ERF	19	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01				
KHDC1	6	1	6.68E-01	2	8.55E-01	1	4.52E-01	2	5.31E-01	1	6.41E-01	2	6.05E-01
PRSS48	4	1	6.86E-01	3	4.21E-01	1	4.52E-01	3	1.00E+00	1	6.18E-01	3	1.00E+00
ANKRD13C	1	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01				
RBM34	1	1	7.06E-01	1	7.06E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01	1	6.75E-01	1	6.75E-01
GALT	9	2	7.04E-01	2	7.04E-01	2	6.81E-01	2	6.81E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01
ERICH1	8	1	4.03E-01	1	4.03E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01				
ADCK2	7	3	4.63E-02	3	4.63E-02	2	6.14E-01	2	6.14E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01
GOLIM4	3	2	3.35E-01	2	3.35E-01	2	6.13E-01	2	6.13E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01
LRRC1	6	1	3.92E-01	1	3.92E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01				
SIK2	11	2	3.43E-01	2	3.43E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01	1	6.77E-01	1	6.77E-01
CNTRL	9	7	3.92E-02	7	3.92E-02	4	4.97E-01	4	4.97E-01	3	4.52E-01	3	4.52E-01
PPM1M	3	1	5.31E-01	1	5.31E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01
PERM1	1	3	4.00E-01	3	4.00E-01	3	7.23E-01	3	7.23E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01
LRRC3	21	2	6.73E-01	2	6.73E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
ATXN1L	16	1	8.08E-01	1	8.08E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.52E-01	1	4.52E-01
EIF4E1B	5	2	7.18E-01	2	7.18E-01	2	7.48E-01	2	7.48E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01
ABCA4	1	14	5.69E-01	14	5.69E-01	12	6.58E-01	12	6.58E-01	7	4.52E-01	7	4.52E-01
LLGL2	17	2	3.37E-01	2	3.37E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
SDE2	1	2	6.87E-01	2	6.87E-01	2	6.77E-01	2	6.77E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01
EVX2	2	1	4.05E-01	1	4.05E-01	1	4.52E-01	1	4.52E-01				
SCEL	13	4	2.39E-01	4	2.39E-01	3	4.53E-01	3	4.53E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
PCK2	14	8	8.63E-01	8	8.63E-01	8	5.24E-01	8	5.24E-01	3	4.53E-01	3	4.53E-01
PVRL1	11	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.53E-01	1	4.53E-01
SPATA13	13	1	4.06E-01	1	4.06E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
MRPL13	8	2	7.04E-01	2	7.04E-01	2	7.54E-01	2	7.54E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
KCTD8	4	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
BAX	19	2	6.07E-02	2	6.07E-02	1	4.65E-01	1	4.65E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
KDM3A	2	1	8.48E-01	1	8.48E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
CXCL11	4	2	5.35E-01	2	5.35E-01	2	4.53E-01	2	4.53E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
FAM83E	19	2	7.75E-01	2	7.75E-01	2	5.65E-01	2	5.65E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
SBNO1	12	2	3.26E-01	2	3.26E-01	2	6.05E-01	2	6.05E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
OR5L1	11			1	4.87E-01			1	5.73E-01			1	4.53E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MYO1D	17	6	7.65E-01	6	7.65E-01	4	4.53E-01	4	4.53E-01	3	4.96E-01	3	4.96E-01
KRT26	17	2	6.99E-01	3	7.03E-01	2	7.30E-01	3	5.35E-01	1	4.53E-01	2	5.64E-01
CDKN2B	9	1	1.81E-02	1	1.81E-02					1	4.53E-01	1	4.53E-01
MFI2	3	6	2.77E-01	6	2.77E-01	5	5.52E-01	5	5.52E-01	2	4.53E-01	2	4.53E-01
ATMIN	16	1	1.75E-02	1	1.75E-02					1	4.53E-01	1	4.53E-01
B4GALT3	1	1	8.59E-01	1	8.59E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
CA10	17	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
FSD1	19	2	4.56E-01	2	4.56E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
BNC1	15	2	4.95E-01	2	4.95E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
TMEM165	4	2	4.50E-01	2	4.50E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
PIAS1	15	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
LRIG2	1	2	3.28E-01	2	3.28E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
CAPN15	16	5	8.47E-01	5	8.47E-01	5	4.54E-01	5	4.54E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
KBTBD13	15	1	4.12E-01	1	4.12E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
MPHOSPH9	12	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
CLEC4A	12	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
CHRNA2	8	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
RAPGEF6	5	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
KIAA1328	18	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
GJA5	1	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
MCAM	11	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
XRCC4	5	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
ARHGAP33	19	3	5.30E-02	3	5.30E-02	2	6.24E-01	2	6.24E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
KIAA2026	9	9	6.96E-01	9	6.96E-01	7	4.53E-01	7	4.53E-01	3	4.95E-01	3	4.95E-01
SLC18B1	6	1	2.13E-01	1	2.13E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
GABRG3	15	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
C17orf89	17	1	7.38E-01	1	7.38E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
LTV1	6	3	1.25E-01	3	1.25E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
FPR2	19	1	7.40E-01	1	7.40E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
DENND1B	1	1	7.40E-01	1	7.40E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
IKBIP	12	2	3.72E-01	2	3.72E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01	1	7.00E-01	1	7.00E-01
FAM107A	3	1	7.40E-01	1	7.40E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
TICRR	15	2	2.97E-02	3	2.97E-02	1	4.53E-01	2	4.53E-01	1	4.53E-01	2	4.54E-01
PHF21A	11	1	7.40E-01	1	7.40E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
DBNL	7	2	6.57E-01	2	6.57E-01	2	6.61E-01	2	6.61E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
HES4	1	5	4.15E-01	5	4.15E-01	4	6.08E-01	4	6.08E-01	2	4.53E-01	2	4.53E-01
LRP4	11	3	5.27E-01	3	5.27E-01	3	4.53E-01	3	4.53E-01	2	5.62E-01	2	5.62E-01
ANGPTL4	19	4	2.11E-01	4	2.11E-01	3	4.53E-01	3	4.53E-01	3	5.26E-01	3	5.26E-01
PRKCA	17	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
ERVMER34-1	4	1	2.28E-02	1	2.28E-02					1	4.53E-01	1	4.53E-01
HPD	12	1	2.08E-01	1	2.08E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01
PPCS	1	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	4.53E-01	1	4.53E-01				
MECOM	3	3	1.10E-01	3	1.10E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
C8orf58	8	2	7.10E-02	2	7.10E-02	1	4.54E-01	1	4.54E-01	2	4.58E-01	2	4.58E-01
TBC1D12	10	1	7.01E-01	1	7.01E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01				
CASP6	4	1	7.01E-01	1	7.01E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01				
RHOJ	14	2	3.38E-01	2	3.38E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01	1	5.80E-01	1	5.80E-01
IQCF3	3	1	7.01E-01	1	7.01E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TMEM212	3	1	7.01E-01	1	7.01E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01				
ZNF217	20	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01				
PCDHA13	5	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	4.54E-01	5	4.54E-01	3	5.57E-01	3	5.57E-01
OR52K1	11	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.25E-01	2	6.25E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
PRG4	1	8	8.58E-01	9	8.58E-01	6	4.54E-01	7	4.54E-01	4	6.00E-01	5	6.00E-01
MN1	22	2	7.28E-01	2	7.28E-01	2	7.60E-01	2	7.60E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
TRIM21	11	1	1.98E-01	1	1.98E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
TREML4	6	1	5.32E-01	1	5.32E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
CFAP54	12	5	1.00E+00	6	1.00E+00	4	5.37E-01	5	4.54E-01	2	6.50E-01	3	5.76E-01
DYNC1H1	14	2	3.94E-01	2	3.94E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
PVR	19	3	7.78E-01	3	7.78E-01	3	5.84E-01	3	5.84E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
SYCE1	10	2	3.33E-01	2	3.33E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01	1	5.95E-01	1	5.95E-01
SAMD14	17	2	4.34E-01	2	4.34E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
DDX49	19	3	4.88E-02	3	4.88E-02	2	6.29E-01	2	6.29E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
OR56B1	11	1	4.10E-01	2	4.06E-01	1	4.54E-01	2	5.47E-01			1	1.00E+00
DMXL2	15	1	2.38E-01	1	2.38E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
FLT1	13	2	2.88E-02	2	2.88E-02	1	4.58E-01	1	4.58E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01
IBSP	4	2	2.07E-01	2	2.07E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01	2	4.68E-01	2	4.68E-01
E2F8	11	3	2.08E-01	3	2.08E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
CCDC84	11	1	3.98E-01	1	3.98E-01	1	4.54E-01	1	4.54E-01				
RGPD2	2			1	2.87E-01			1	4.54E-01			1	1.00E+00
COLEC12	18	2	2.71E-01	3	2.71E-01	2	4.54E-01	3	4.54E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00
HACD4	9	2	3.48E-01	2	3.48E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01
IGFBP7	4	1	9.48E-01	1	9.48E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
CEACAM8	19	2	5.38E-01	2	5.38E-01	2	7.57E-01	2	7.57E-01	2	4.55E-01	2	4.55E-01
ADAMTS9	3	4	2.71E-02	4	2.71E-02	2	6.22E-01	2	6.22E-01	2	4.55E-01	2	4.55E-01
RHBG	1	1	1.95E-02	1	1.95E-02					1	4.55E-01	1	4.55E-01
RYR2	1	6	8.57E-02	6	8.57E-02	6	4.55E-01	6	4.55E-01				
C1orf87	1	2	3.65E-01	3	3.39E-01	1	4.55E-01	2	4.70E-01	1	6.10E-01	2	5.96E-01
TFPI2	7	2	4.10E-01	2	4.10E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	6.80E-01	1	6.80E-01
KRTAP21-2	21	1	9.68E-01	1	9.68E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
IDH1	2	5	7.14E-01	5	7.14E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	4.55E-01	3	4.55E-01
UAP1L1	9	2	3.48E-01	2	3.48E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01
MAGI3	1	2	3.87E-01	2	3.87E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	6.09E-01	1	6.09E-01
FBXO27	19	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
RASA1	5	1	6.81E-01	1	6.81E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
ARHGAP25	2	1	7.76E-01	1	7.76E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01
ZNF649	19	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
C14orf79	14	2	3.41E-01	2	3.41E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01
VANGL1	1	1	7.03E-01	1	7.03E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
GALNT6	12	4	3.89E-02	4	3.89E-02	1	4.55E-01	1	4.55E-01	3	4.99E-01	3	4.99E-01
GPS1	17	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
TMED4	7	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
UPK2	11	2	2.19E-01	2	2.19E-01	2	4.55E-01	2	4.55E-01				
TTLL6	17	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
OR2V2	5	3	9.48E-02	3	9.48E-02	1	4.55E-01	1	4.55E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01
SLC9A9	3	2	3.96E-01	2	3.96E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	5.99E-01	1	5.99E-01
CLPSL1	6	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ESCO1	18	2	6.77E-01	2	6.77E-01	2	7.29E-01	2	7.29E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01
CLCA1	1	4	5.09E-01	4	5.09E-01	3	4.55E-01	3	4.55E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
DAGLA	11	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
PIK3CD	1	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
PPFIA3	19	2	3.61E-01	2	3.61E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
KCNK10	14	3	1.23E-01	3	1.23E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01
WDR70	5	3	1.72E-01	3	1.72E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
GGCX	2	2	3.78E-01	2	3.78E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
ASB1	2	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
ZMYND12	1	1	1.86E-02	1	1.86E-02					1	4.55E-01	1	4.55E-01
LRRC16A	6	2	3.77E-01	2	3.77E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
POLR1E	9	2	5.02E-01	2	5.02E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
OR1L8	9	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
SNF8	17	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
MSRA	8	2	5.02E-01	2	5.02E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
PI15	8	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
OR56A1	11	2	3.73E-01	2	3.73E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
TLR3	4	2	4.49E-01	3	4.49E-01	1	4.55E-01	2	4.56E-01	1	6.45E-01	2	6.46E-01
RAB37	17	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
GAD1	2	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
AHCYL1	1	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
C20orf27	20	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
PDCL2	4	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01				
AKAP8	19	4	3.31E-01	4	3.31E-01	4	4.55E-01	4	4.55E-01	3	6.49E-01	3	6.49E-01
CCDC63	12	2	3.82E-01	2	3.82E-01	1	4.55E-01	1	4.55E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
KRT82	12	8	1.02E-01	8	1.02E-01	8	4.55E-01	8	4.55E-01	4	8.57E-01	4	8.57E-01
NUDT16L1	16	1	8.27E-01	1	8.27E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
OR8K5	11	2	1.00E+00	3	7.56E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	1	4.56E-01	2	1.00E+00
ASB2	14	2	8.46E-03	2	8.46E-03					2	4.56E-01	2	4.56E-01
SRP68	17	2	3.62E-01	2	3.62E-01	2	6.93E-01	2	6.93E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01
CD3G	11	1	4.00E-01	1	4.00E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
RBBP8	18	5	9.15E-01	5	9.15E-01	4	4.56E-01	4	4.56E-01	3	5.18E-01	3	5.18E-01
KIAA1919	6	1	1.59E-02	1	1.59E-02					1	4.56E-01	1	4.56E-01
NDUFS7	19	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
HBM	16	1	5.80E-01	1	5.80E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
CRTAC1	10	4	6.04E-01	4	6.04E-01	3	4.56E-01	3	4.56E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
FAM109B	22	2	3.12E-01	2	3.12E-01	2	4.56E-01	2	4.56E-01				
HOXA3	7	1	4.03E-01	1	4.03E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
RGS9	17	5	7.86E-01	5	7.86E-01	3	4.66E-01	3	4.66E-01	3	4.56E-01	3	4.56E-01
CTSL	9	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
RMDN2	2	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
CYFIP1	15	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
ZFP30	19	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
RNF126	19	1	7.10E-01	1	7.10E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
EIF3D	22	2	4.44E-01	2	4.44E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
CASQ1	1	1	6.91E-01	1	6.91E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
QRICH1	3	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
CIITA	16	2	3.76E-01	2	3.76E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
RUNDC3B	7	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
OVOL2	20	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
LRRC63	13	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
GPRC5D	12	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
CAMK4	5	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
FAM134C	17	2	3.51E-01	2	3.51E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01	1	6.11E-01	1	6.11E-01
FTSJ3	17	2	3.48E-01	2	3.48E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
TBC1D13	9	1	1.79E-01	1	1.79E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01
SLC5A10	17	2	6.36E-01	2	6.36E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
NPR3	5	1	4.06E-01	1	4.06E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
EXOSC3	9	3	2.83E-01	3	2.83E-01	2	7.53E-01	2	7.53E-01	2	4.56E-01	2	4.56E-01
BOLL	2	3	4.05E-01	3	4.05E-01	3	7.84E-01	3	7.84E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01
FAM92B	16	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	4.56E-01	1	4.56E-01
IP6K2	3	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.08E-01	2	5.08E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01
AP3M2	8	1	4.05E-01	1	4.05E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
MLH1	3	3	4.52E-02	3	4.52E-02	2	6.23E-01	2	6.23E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01
FASTKD3	5	1	4.07E-01	1	4.07E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01				
FAM171A1	10	2	2.21E-01	2	2.21E-01	1	4.56E-01	1	4.56E-01	1	6.85E-01	1	6.85E-01
DNAJC11	1	1	2.28E-01	1	2.28E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01				
TMOD1	9	1	1.87E-02	1	1.87E-02					1	4.57E-01	1	4.57E-01
TBC1D24	16	3	4.57E-01	3	4.57E-01	3	7.54E-01	3	7.54E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01
TEX9	15	2	6.78E-01	2	6.78E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
DEFB118	20	1	8.98E-01	1	8.98E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01
PLOD3	7	2	2.94E-02	2	2.94E-02	1	4.92E-01	1	4.92E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01
HSPH1	13	6	6.47E-01	6	6.47E-01	6	4.72E-01	6	4.72E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01
COMMD3-BMI	10	1	5.04E-01	1	5.04E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01
COMMD3	10	3	8.02E-01	3	8.02E-01	3	5.66E-01	3	5.66E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01
ZNF354C	5	3	1.95E-02	3	1.95E-02	1	4.88E-01	1	4.88E-01	2	4.57E-01	2	4.57E-01
GRK4	4	5	5.10E-01	5	5.10E-01	5	4.57E-01	5	4.57E-01	3	6.85E-01	3	6.85E-01
NUPL2	7	1	1.65E-01	1	1.65E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01				
TMPRSS11F	4	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01
GOLT1A	1	2	3.58E-01	2	3.58E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
PALD1	10	2	3.89E-01	3	3.86E-01	1	4.57E-01	2	5.11E-01	1	6.98E-01	2	7.17E-01
PARP3	3	3	7.10E-01	3	7.10E-01	3	5.14E-01	3	5.14E-01	1	4.57E-01	1	4.57E-01
ODC1	2	1	1.95E-02	1	1.95E-02					1	4.57E-01	1	4.57E-01
LRIG1	3	6	7.96E-01	6	7.96E-01	5	4.57E-01	5	4.57E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
PRPF40B	12	4	3.03E-02	4	3.03E-02	2	6.24E-01	2	6.24E-01	2	4.57E-01	2	4.57E-01
AOAH	7	1	7.73E-01	1	7.73E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
OR5211	11	2	3.75E-02	3	1.13E-01	1	5.29E-01	2	8.20E-01	1	4.58E-01	2	7.88E-01
BUB1B-PAK6	15	2	4.42E-01	2	4.42E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01	1	6.26E-01	1	6.26E-01
PAK6	15	2	4.42E-01	2	4.42E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01	1	6.26E-01	1	6.26E-01
TRAF4	17	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01				
FOXN1	17	1	7.25E-01	1	7.25E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
ZNF263	16	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01				
TUFT1	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01				
NYAP2	2	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01				
RBM26	13	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01				
SLC25A32	8	2	7.66E-01	2	7.66E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ZKSCAN5	7	2	4.17E-01	2	4.17E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	4.58E-01	2	4.58E-01
ICAM3	19	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01				
HERC5	4	2	2.84E-01	2	2.84E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
BPIFA2	20	3	1.77E-01	3	1.77E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01
SFRP4	7	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01				
SLC13A4	7	1	4.07E-01	1	4.07E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01				
CYP24A1	20	3	2.58E-01	3	2.58E-01	2	6.11E-01	2	6.11E-01	2	4.58E-01	2	4.58E-01
ZNF667	19	1	8.62E-01	1	8.62E-01	1	4.58E-01	1	4.58E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
MS4A18	11	1	4.09E-01	1	4.09E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01				
SERPING1	11	1	9.00E-01	1	9.00E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01	1	6.11E-01	1	6.11E-01
BCKDHB	6	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01				
TMEM155	4	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01				
RHNO1	12	1	6.60E-01	1	6.60E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01	1	6.60E-01	1	6.60E-01
ANHX	12	3	1.48E-01	3	1.48E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01
CPSF6	12	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01				
FOXJ2	12	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01				
KLF3	4	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01				
ICAM2	17	2	4.60E-01	2	4.60E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
MTFMT	15	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01				
EXD3	9	11	6.42E-01	11	6.42E-01	10	4.59E-01	10	4.59E-01	8	9.18E-01	8	9.18E-01
DDX24	14	2	3.70E-02	2	3.70E-02	1	5.24E-01	1	5.24E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01
LRRC14B	5	2	5.83E-01	2	5.83E-01	2	4.59E-01	2	4.59E-01	1	6.82E-01	1	6.82E-01
ZNF546	19	7	3.72E-01	7	3.72E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	4.59E-01	4	4.59E-01
SNX4	3	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01				
BTNL8	5	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01				
E2F7	12	2	3.95E-01	2	3.95E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
IMPAD1	8	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01				
IFITM5	11	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01				
ECM1	1	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	4.59E-01	3	4.59E-01	2	5.54E-01	2	5.54E-01
TBC1D16	17	3	5.24E-02	3	5.24E-02	1	4.86E-01	1	4.86E-01	3	4.59E-01	3	4.59E-01
CPS1	2	8	7.43E-01	8	7.43E-01	6	4.59E-01	6	4.59E-01	2	6.04E-01	2	6.04E-01
PPP1R18	6	2	3.27E-01	3	8.87E-02	2	6.41E-01	3	4.59E-01			1	1.00E+00
ZNF28	19	4	3.54E-01	4	3.54E-01	3	6.57E-01	3	6.57E-01	2	4.59E-01	2	4.59E-01
COL21A1	6	6	4.56E-01	6	4.56E-01	5	4.59E-01	5	4.59E-01	1	6.96E-01	1	6.96E-01
FAM129C	19	2	6.33E-02	2	6.33E-02	1	4.74E-01	1	4.74E-01	2	4.59E-01	2	4.59E-01
RHBDL3	17	2	3.88E-01	2	3.88E-01	1	4.59E-01	1	4.59E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01
LIFR	5	4	7.35E-02	4	7.35E-02	2	6.75E-01	2	6.75E-01	2	4.59E-01	2	4.59E-01
SEC24D	4	5	1.19E-01	5	1.19E-01	5	4.60E-01	5	4.60E-01				
PTCRA	6	2	2.32E-01	2	2.32E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
NUP107	12	7	1.15E-01	7	1.15E-01	3	7.84E-01	3	7.84E-01	4	4.60E-01	4	4.60E-01
FAM13A	4	2	3.44E-01	2	3.44E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
BGLAP	1	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01				
LSM11	5	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01				
MTOR	1	2	3.75E-01	2	3.75E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
NPY2R	4	1	8.58E-01	1	8.58E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01	1	6.69E-01	1	6.69E-01
FOXA1	14	1	8.50E-01	1	8.50E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
MNDA	1	3	2.44E-02	3	2.44E-02	1	5.01E-01	1	5.01E-01	2	4.60E-01	2	4.60E-01
ZNF106	15	2	4.88E-01	2	4.88E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
FBXO46	19	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01				
LY86	6	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01				
MED23	6	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01				
RALB	2	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01				
SGPP1	14	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01				
TRAF3	14	1	8.78E-01	1	8.78E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
PGM2L1	11	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01				
SLC9A1	1	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01				
AMFR	16	2	3.81E-01	2	3.81E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01	1	6.11E-01	1	6.11E-01
SDR42E1	16	1	7.06E-01	2	5.15E-01	1	4.60E-01	2	5.45E-01	1	6.65E-01	2	7.56E-01
SEMA6D	15	5	5.77E-01	5	5.77E-01	4	7.02E-01	4	7.02E-01	2	4.60E-01	2	4.60E-01
EFTUD2	17	2	6.87E-01	2	6.87E-01	2	6.06E-01	2	6.06E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01
FOXS1	20	3	9.69E-02	3	9.69E-02	2	5.01E-01	2	5.01E-01	3	4.60E-01	3	4.60E-01
CCM2L	20	2	8.56E-01	2	8.56E-01	2	4.77E-01	2	4.77E-01	1	4.60E-01	1	4.60E-01
IQCB1	3	5	4.20E-01	5	4.20E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	4.60E-01	4	4.60E-01
ADAMTS1	21	4	8.48E-01	4	8.48E-01	3	4.61E-01	3	4.61E-01	2	5.98E-01	2	5.98E-01
ID1	20	1	8.81E-01	1	8.81E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
HSPB8	12	1	1.67E-02	1	1.67E-02					1	4.61E-01	1	4.61E-01
ATXN7L1	7	1	4.10E-01	1	4.10E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01				
TP73	1	5	8.49E-02	5	8.49E-02	5	4.61E-01	5	4.61E-01				
CDKL4	2	4	1.26E-01	4	1.26E-01	3	4.61E-01	3	4.61E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
UGT2B7	4	2	5.08E-01	2	5.08E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	4.61E-01	2	4.61E-01
LACE1	6	4	7.67E-01	4	7.67E-01	3	4.61E-01	3	4.61E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01
KLHL28	14	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01				
HTR3E	3	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01				
ALMS1	2	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01				
ACMSD	2	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01				
DDIAS	11	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01				
SERPINB8	18	1	7.54E-01	2	7.54E-01	1	5.01E-01	2	5.01E-01			1	4.61E-01
OR52L1	11	2	3.52E-01	4	3.02E-01	1	4.67E-01	3	4.61E-01	1	5.82E-01	3	7.34E-01
JAML	11	1	8.88E-01	1	8.88E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
RHAG	6	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01				
TATDN3	1	1	7.34E-01	1	7.34E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01	1	6.08E-01	1	6.08E-01
SALL4	20	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01				
C16orf45	16	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01				
GPR160	3	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01				
ST8SIA5	18	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01				
HUS1	7	1	4.05E-01	1	4.05E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01				
KRT71	12	2	5.50E-01	2	5.50E-01	2	8.01E-01	2	8.01E-01	1	4.61E-01	1	4.61E-01
DTWD1	15	3	1.74E-01	3	1.74E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
FYB	5	3	1.41E-01	3	1.41E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
GPAT3	4	1	6.87E-01	2	4.56E-01	1	4.62E-01	2	1.00E+00	1	6.63E-01	2	1.00E+00
CYP2W1	7	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
RPRM	2	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
EPHB6	7	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
FXYD2	11	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
SFXN3	10	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
FAM171A2	17	3	1.62E-01	4	4.43E-01	1	4.62E-01	2	8.26E-01	2	6.29E-01	3	6.56E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
C9orf114	9	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
CBY1	22	1	6.81E-01	1	6.81E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
OR8S1	12	1	4.14E-01	1	4.14E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
B4GAT1	11	1	3.81E-01	1	3.81E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
OR4K14	14	2	3.40E-01	3	1.24E-01	1	4.62E-01	2	4.99E-01	1	6.28E-01	2	8.74E-01
TMEM173	5	1	7.53E-01	2	3.19E-01	1	4.62E-01	2	5.39E-01			1	5.76E-01
LPAR3	1	2	3.45E-01	2	3.45E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
VPS37D	7	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
INTS9	8	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
OR1C1	1	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
RERG	12	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
PLA2G4C	19	3	2.58E-01	3	2.58E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01
CD164L2	1	1	4.04E-01	1	4.04E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
RBP5	12	1	7.35E-01	1	7.35E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
FKBPL	6	1	7.35E-01	1	7.35E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
OOSP2	11	1	7.35E-01	1	7.35E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
PHTF2	7	2	4.89E-01	2	4.89E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
ELP4	11	3	8.62E-02	3	8.62E-02	1	4.62E-01	1	4.62E-01	3	5.02E-01	3	5.02E-01
GNL1	6	3	9.11E-02	3	9.11E-02	1	4.62E-01	1	4.62E-01	3	4.86E-01	3	4.86E-01
CEPT1	1	1	7.35E-01	1	7.35E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
RAP1GAP2	17	1	7.35E-01	1	7.35E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
ENC1	5	2	4.66E-01	2	4.66E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
EXOSC1	10	2	3.93E-01	2	3.93E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
C3orf35	3	1	7.35E-01	1	7.35E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
ABCG1	21	1	4.06E-01	1	4.06E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
EPS8L3	1	3	2.11E-01	3	2.11E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
HGF	7	6	1.25E-01	6	1.25E-01	6	4.62E-01	6	4.62E-01				
PGM5	9	1	4.09E-01	1	4.09E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
PIGT	20	5	6.13E-01	5	6.13E-01	6	5.50E-01	6	5.50E-01	3	4.62E-01	3	4.62E-01
RDH13	19	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
OR10Q1	11	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
B3GALNT2	1	2	3.67E-01	2	3.67E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
KIF3A	5	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
ZNF606	19	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
LRBA	4	15	1.31E-01	15	1.31E-01	8	4.62E-01	8	4.62E-01	11	8.67E-01	11	8.67E-01
VPS37A	8	2	7.14E-02	2	7.14E-02	1	5.39E-01	1	5.39E-01	2	4.62E-01	2	4.62E-01
BOP1	8	1	4.04E-01	1	4.04E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
CRTC1	19	3	2.23E-02	3	2.23E-02	1	5.29E-01	1	5.29E-01	2	4.62E-01	2	4.62E-01
EXOSC2	9	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
AASDHPT	11	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
TMEM53	1	2	2.52E-01	2	2.52E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01	2	4.62E-01	2	4.62E-01
OPTN	10	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
SUSD3	9	2	3.98E-01	2	3.98E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	1	6.53E-01	1	6.53E-01
MYO1B	2	2	4.96E-01	2	4.96E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
PARP8	5	2	4.61E-01	2	4.61E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
APOBEC3C	22	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
SMG7	1	5	6.90E-01	5	6.90E-01	4	7.94E-01	4	7.94E-01	2	4.62E-01	2	4.62E-01
RAB11FIP3	16	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TUBGCP2	10	2	3.48E-01	2	3.48E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
C1orf68	1	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
SSH1	12	2	6.28E-02	2	6.28E-02	1	4.62E-01	1	4.62E-01	2	4.78E-01	2	4.78E-01
DDI1	11	2	2.67E-01	2	2.67E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01	2	6.60E-01	2	6.60E-01
SLC7A5	16	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
OR5M11	11	1	8.91E-01	2	8.35E-01	1	4.62E-01	2	1.00E+00	1	6.82E-01	2	8.71E-01
ALDH6A1	14	1	4.05E-01	1	4.05E-01	1	4.62E-01	1	4.62E-01				
TTYH2	17	6	8.53E-01	6	8.53E-01	5	4.63E-01	5	4.63E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01
NEUROD4	12	1	6.80E-01	1	6.80E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
CPTP	1	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
TDRD10	1	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
KRTAP24-1	21	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
WDR62	19	3	7.23E-01	3	7.23E-01	2	4.87E-01	2	4.87E-01	2	4.63E-01	2	4.63E-01
DPH2	1	3	2.45E-01	3	2.45E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	3	5.09E-01	3	5.09E-01
NOCT	4	3	8.25E-01	3	8.25E-01	3	4.63E-01	3	4.63E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01
ITSN2	2	7	7.53E-01	7	7.53E-01	6	4.63E-01	6	4.63E-01	5	4.91E-01	5	4.91E-01
SYNGAP1	6	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
IMMT	2	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
RPUSD3	3	2	4.02E-01	2	4.02E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
MTF1	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
MRPS24	7	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
F13A1	6	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
FAM3C	7	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
PTGES3L	17	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
PTGES3L-AARS	17	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
TRNAU1AP	1	1	6.66E-01	1	6.66E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	6.60E-01	1	6.60E-01
URGCP-MRPS2	7	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
LRRC2	3	2	7.18E-03	2	7.18E-03					2	4.63E-01	2	4.63E-01
FAM222A	12	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
SLC44A4	6	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
CCT3	1	2	4.26E-01	2	4.26E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	6.71E-01	1	6.71E-01
PEX14	1	2	4.30E-01	2	4.30E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
RARG	12	2	3.72E-01	2	3.72E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	6.37E-01	1	6.37E-01
CCDC96	4	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
HDAC1	1	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
RSPH6A	19	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
SRFBP1	5	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
FPR3	19	1	7.13E-01	1	7.13E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01
CLNK	4	1	7.44E-01	2	1.00E+00	1	4.63E-01	2	8.56E-01			1	7.26E-01
RPLP2	11	1	6.89E-01	1	6.89E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
SETD7	4	2	4.25E-01	2	4.25E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	6.75E-01	1	6.75E-01
ALG9	11	2	4.01E-01	2	4.01E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
CRADD	12	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
LDLRAP1	1			1	1.61E-02			1	4.63E-01			1	6.43E-01
SAA2-SAA4	11	1	9.63E-01	1	9.63E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	6.11E-01	1	6.11E-01
SAA4	11	1	9.63E-01	1	9.63E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	6.11E-01	1	6.11E-01
CCDC91	12	2	3.54E-01	2	3.54E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
LARP4	12	2	3.69E-01	2	3.69E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
NKD1	16	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
ADGRA3	4	2	2.64E-01	2	2.64E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
KIF3B	20	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
SLC16A14	2	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
PPP6R2	22	3	7.32E-01	3	7.32E-01	2	5.54E-01	2	5.54E-01	2	4.63E-01	2	4.63E-01
ENG	9	1	3.86E-01	1	3.86E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
OR7A10	19	2	3.42E-01	2	3.42E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
TMED6	16	1	3.89E-01	1	3.89E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
NPAS3	14	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
MTMR9	8	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
FAM120B	6	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
FLOT1	6	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
DEFB112	6	1	4.10E-01	1	4.10E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01				
MBD6	12	5	7.20E-01	5	7.20E-01	5	8.75E-01	5	8.75E-01	2	4.63E-01	2	4.63E-01
CMA1	14	2	7.71E-01	2	7.71E-01	2	4.63E-01	2	4.63E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TOMM70A	3	2	3.82E-01	2	3.82E-01	1	4.63E-01	1	4.63E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
ARHGAP40	20	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.64E-01	1	4.64E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
UGT1A7	2	5	1.23E-01	5	1.23E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01	3	4.64E-01	3	4.64E-01
HSPA5	9	1	3.95E-01	1	3.95E-01	1	4.64E-01	1	4.64E-01				
FRAS1	4	13	1.00E+00	13	1.00E+00	11	4.64E-01	11	4.64E-01	9	8.77E-01	9	8.77E-01
CCDC66	3	1	8.65E-01	1	8.65E-01	1	4.64E-01	1	4.64E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
NLN	5	4	2.17E-01	4	2.17E-01	2	4.64E-01	2	4.64E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
FOXL2NB	3	1	4.13E-01	1	4.13E-01	1	4.64E-01	1	4.64E-01				
P3H2	3	4	3.77E-01	4	3.77E-01	4	4.64E-01	4	4.64E-01	1	5.88E-01	1	5.88E-01
SPINK8	3	1	3.80E-01	1	3.80E-01	1	4.64E-01	1	4.64E-01				
DCHS2	4	8	8.89E-01	8	8.89E-01	8	4.64E-01	8	4.64E-01	5	5.40E-01	5	5.40E-01
FAM65B	6	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	4.65E-01	2	4.65E-01	3	5.20E-01	3	5.20E-01
NXPH2	2	1	3.99E-01	1	3.99E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
CRYZ	1	2	6.73E-01	2	6.73E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
LHX3	9	3	2.36E-01	3	2.36E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01	2	4.65E-01	2	4.65E-01
BRI3BP	12	1	8.86E-01	1	8.86E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
GFRA4	20	2	5.54E-01	2	5.54E-01	2	4.65E-01	2	4.65E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01
AURKB	17	1	4.06E-01	1	4.06E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
ZMYM5	13	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	4.72E-01	2	4.72E-01	2	4.65E-01	2	4.65E-01
MYBPC3	11	9	7.29E-01	9	7.29E-01	7	4.65E-01	7	4.65E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
TRIM8	10	1	7.56E-02	1	7.56E-02	1	4.65E-01	1	4.65E-01	2	7.42E-01	2	7.42E-01
KCTD17	22					1	4.65E-01	1	4.65E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
PIP5K1A	1					1	4.65E-01	1	4.65E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
ANKRD35	1					1	4.65E-01	1	4.65E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
MYL2	12					1	4.65E-01	1	4.65E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
RDH11	14					1	4.65E-01	1	4.65E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
TRMT2A	22	2	3.87E-01	2	3.87E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
AMN	14	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
LRG1	19	2	4.44E-01	2	4.44E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01	1	6.00E-01	1	6.00E-01
C2CD5	12	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
NHLRC1	6	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
NEU1	6	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
C9orf172	9	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
NRIP3	11	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
ZFP69	1	3	1.37E-01	3	1.37E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01	2	6.55E-01	2	6.55E-01
MUC20	3	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
FGR	1	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
KLK13	19	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
ENAH	1	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
OR2D2	11	1	7.41E-01	2	7.73E-01	1	4.65E-01	2	4.75E-01			1	6.35E-01
TSPAN4	11	1	2.41E-01	1	2.41E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
MATN4	20	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.65E-01	2	4.65E-01	2	4.75E-01	2	4.75E-01
TAS2R1	5	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
DIO1	1	3	1.33E-01	3	1.33E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
GABBR1	6	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
SMIM5	17	2	3.06E-01	2	3.06E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
ZNF569	19	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
RNLS	10	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
ZWINT	10	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.65E-01	1	4.65E-01				
TSC2	16	7	9.05E-01	7	9.05E-01	6	4.66E-01	6	4.66E-01	4	7.46E-01	4	7.46E-01
ZNF281	1	2	5.10E-01	2	5.10E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01	1	6.24E-01	1	6.24E-01
OR56A3	11	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01				
WDR88	19	3	1.15E-01	4	4.72E-01	1	4.66E-01	2	8.75E-01	2	6.35E-01	3	1.00E+00
CCDC134	22	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01				
MICU2	13	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01				
NDUFB3	2	2	3.37E-01	2	3.37E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01	1	6.70E-01	1	6.70E-01
GAB1	4	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01				
OR2AK2	1	1	7.44E-01	2	7.44E-01	1	4.66E-01	2	4.66E-01			1	7.97E-01
TEX2	17	3	1.13E-01	3	1.13E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
HIBADH	7	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01				
NUP155	5	5	8.15E-01	5	8.15E-01	4	4.66E-01	4	4.66E-01	2	6.54E-01	2	6.54E-01
KCNH4	17	4	3.86E-02	4	3.86E-02	1	4.74E-01	1	4.74E-01	3	4.66E-01	3	4.66E-01
TEKT2	1	3	6.63E-01	3	6.63E-01	3	4.83E-01	3	4.83E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01
WDFY4	10	8	8.44E-01	8	8.44E-01	6	4.66E-01	6	4.66E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
SLC11A2	12	2	1.53E-01	2	1.53E-01	2	4.66E-01	2	4.66E-01				
KLF11	2	4	5.20E-01	4	5.20E-01	3	4.66E-01	3	4.66E-01	1	6.11E-01	1	6.11E-01
ETV3L	1	3	4.03E-01	3	4.03E-01	2	7.13E-01	2	7.13E-01	3	4.66E-01	3	4.66E-01
RBM33	7	4	3.63E-01	4	3.63E-01	3	4.66E-01	3	4.66E-01	1	6.70E-01	1	6.70E-01
FXR2	17	2	4.33E-01	2	4.33E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
SCRT1	8	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01				
FBXO43	8	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01				
MKX	10	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01				
MRPL55	1	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01				
NEMP2	2	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01				
SMURF1	7	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01				
SPI1	11	1	6.83E-01	1	6.83E-01	1	4.66E-01	1	4.66E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
SH3BP4	2	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
CHD4	12	2	2.65E-01	2	2.65E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01
PRSS56	2	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
AKIRIN1	1	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
CDH12	5	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
DSTN	20	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
F13B	1	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
POLR3E	16	3	1.08E-01	3	1.08E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
MANSC1	12	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
HS3ST3B1	17	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
ZNF311	6	2	4.82E-01	2	4.82E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01	1	5.98E-01	1	5.98E-01
RFNG	17	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
MRPL21	11	2	7.84E-01	2	7.84E-01	2	5.91E-01	2	5.91E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01
FOXE3	1	2	4.15E-01	2	4.15E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
LARP1	5	2	2.99E-01	2	2.99E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
FBXO22	15	3	1.02E-01	3	1.02E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
LRRC46	17	3	1.15E-01	3	1.15E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01	2	6.10E-01	2	6.10E-01
EMCN	4	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
DMAP1	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
FGF22	19	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
MRT04	1	2	2.92E-01	2	2.92E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
CYGB	17	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
GFPT1	2	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
KRT81	12	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
PHRF1	11	2	7.43E-01	2	7.43E-01	2	7.45E-01	2	7.45E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01
WDR25	14	3	2.04E-02	3	2.04E-02	1	5.05E-01	1	5.05E-01	2	4.67E-01	2	4.67E-01
OR6K3	1	1	4.11E-01	1	4.11E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
MIA3	1	4	5.91E-01	5	5.92E-01	2	4.67E-01	3	4.97E-01	3	4.72E-01	4	5.19E-01
XRR1	11	7	1.00E+00	7	1.00E+00	6	4.67E-01	6	4.67E-01	3	5.11E-01	3	5.11E-01
COQ6	14	5	5.78E-01	5	5.78E-01	4	4.67E-01	4	4.67E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
GDPGP1	15	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
MAP3K10	19	1	6.86E-01	1	6.86E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
UXS1	2	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
PKDREJ	22	5	1.10E-01	5	1.10E-01	5	4.67E-01	5	4.67E-01				
TTYH1	19	1	3.95E-01	1	3.95E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
ASAH2	10	3	6.75E-01	3	6.75E-01	2	4.67E-01	2	4.67E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01
TRPM7	15	5	5.39E-01	5	5.39E-01	3	7.76E-01	3	7.76E-01	3	4.67E-01	3	4.67E-01
COL7A1	3	15	1.00E+00	16	6.82E-01	13	4.95E-01	14	4.67E-01	9	6.90E-01	10	7.42E-01
SLC7A7	14	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	4.67E-01	3	4.67E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01
LRRC4B	19	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
UQCRC1	3	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
LGSN	6	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.67E-01	1	4.67E-01				
IGF2R	6	9	4.94E-01	9	4.94E-01	7	4.67E-01	7	4.67E-01	4	4.82E-01	4	4.82E-01
FBXO18	10	2	3.79E-01	2	3.79E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
PXN	12	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
SURF1	9	2	3.63E-01	2	3.63E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01	1	5.95E-01	1	5.95E-01
NEIL1	15	2	3.64E-01	2	3.64E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
SKAP2	7	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
SHMT1	17	3	9.10E-02	3	9.10E-02	2	6.65E-01	2	6.65E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01
PPP4R1	18	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
AP2A1	19	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
METTL14	4	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
SENP3	17	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TBCB	19	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
ANKRD7	7	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
PTCHD4	6	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
PTPN5	11	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
SLC22A8	11	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
MARK3	14	1	6.90E-01	1	6.90E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01	1	6.26E-01	1	6.26E-01
ARHGEF11	1	2	2.80E-01	2	2.80E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01
TMEM54	1	3	1.46E-01	3	1.46E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
ABI3	17	2	4.88E-01	2	4.88E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
KDM3B	5	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
ZZZ3	1	3	1.66E-01	3	1.66E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01
ZFC3H1	12	4	7.65E-01	4	7.65E-01	3	4.68E-01	3	4.68E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
CSRNP2	12	1	4.09E-01	1	4.09E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
ITGA8	10	4	3.76E-01	4	3.76E-01	3	4.68E-01	3	4.68E-01	1	6.38E-01	1	6.38E-01
PPP1R13L	19	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
ZNF836	19	3	1.92E-01	3	1.92E-01	3	4.68E-01	3	4.68E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
MON2	12	2	1.16E-01	2	1.16E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	4.68E-01	2	4.68E-01
SERPINA1	14	7	2.84E-01	8	4.94E-01	6	4.68E-01	7	6.27E-01	3	1.00E+00	4	1.00E+00
ALKBH6	19	1	5.94E-01	1	5.94E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
PATL2	15	5	1.60E-01	5	1.60E-01	5	4.68E-01	5	4.68E-01				
R3HDML	20	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
INHA	2	2	4.63E-01	2	4.63E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01	1	6.40E-01	1	6.40E-01
TMEM38B	9	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
ENO1	1	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.68E-01	1	4.68E-01				
POLK	5	5	5.52E-01	5	5.52E-01	3	7.65E-01	3	7.65E-01	3	4.69E-01	3	4.69E-01
CEP126	11	4	6.87E-01	5	1.00E+00	4	1.00E+00	5	4.69E-01	2	1.00E+00	3	5.25E-01
ZNF470	19	5	7.23E-02	5	7.23E-02	3	6.35E-01	3	6.35E-01	2	4.69E-01	2	4.69E-01
PCDHA4	5	4	8.27E-01	4	8.27E-01	3	4.69E-01	3	4.69E-01	2	4.78E-01	2	4.78E-01
ZNF224	19	2	4.14E-01	2	4.14E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
RFX3	9	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
ECT2	3	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
MYO19	17	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
OSER1	20	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
SFTPA2	10	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
EFCAB12	3	4	8.67E-01	5	7.61E-01	3	4.69E-01	4	6.80E-01	2	6.45E-01	3	9.16E-01
BCR	22	4	4.08E-01	4	4.08E-01	4	4.69E-01	4	4.69E-01	1	6.53E-01	1	6.53E-01
MOCOS	18	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
TUB	11	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
ZSWIM3	20	3	1.55E-01	3	1.55E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01
SEC22A	3	3	1.08E-01	3	1.08E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
BTG4	11	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
GHR	5	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
KCNMB1	5	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
PRSS16	6	2	3.97E-01	2	3.97E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
PRR27	4	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
QPCT	2	4	2.62E-01	4	2.62E-01	5	4.69E-01	5	4.69E-01	4	6.47E-01	4	6.47E-01
TTC39A	1	3	7.87E-01	3	7.87E-01	3	8.48E-01	3	8.48E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01
FAM212A	3	1	8.31E-01	1	8.31E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ANXA13	8	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
RNF10	12	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
MRPS2	9	2	4.35E-01	2	4.35E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
RHBDD1	2	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
KCNB2	8	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
CHAF1A	19	2	2.78E-01	2	2.78E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01
CNRIP1	2	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
NFYA	6	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.69E-01	1	4.69E-01				
SLC25A39	17	2	2.72E-02	2	2.72E-02	1	4.99E-01	1	4.99E-01	1	4.70E-01	1	4.70E-01
ZNF335	20	7	3.05E-02	7	3.05E-02	2	6.18E-01	2	6.18E-01	5	4.70E-01	5	4.70E-01
ART1	11	2	5.50E-01	2	5.50E-01	2	4.70E-01	2	4.70E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
EMID1	22	2	6.88E-03	2	6.88E-03					2	4.70E-01	2	4.70E-01
PLA2R1	2	4	2.93E-01	4	2.93E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01	3	4.70E-01	3	4.70E-01
GOLGA4	3	13	1.90E-01	14	1.90E-01	9	4.70E-01	10	4.70E-01	6	8.64E-01	7	8.64E-01
MST1R	3	10	3.92E-01	10	3.92E-01	9	6.86E-01	9	6.86E-01	2	4.70E-01	2	4.70E-01
CFLAR	2	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.70E-01	1	4.70E-01				
NARS2	11	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.70E-01	1	4.70E-01				
CAMK2G	10	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.70E-01	1	4.70E-01				
TBPL2	14	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.70E-01	1	4.70E-01				
SLC22A1	6	6	6.67E-01	7	6.86E-01	6	4.70E-01	7	5.09E-01	5	6.04E-01	6	5.99E-01
SEMG1	20	4	4.09E-01	4	4.09E-01	3	6.60E-01	3	6.60E-01	2	4.70E-01	2	4.70E-01
KCNJ16	17	5	2.12E-01	5	2.12E-01	2	5.81E-01	2	5.81E-01	3	4.71E-01	3	4.71E-01
TMEM52B	12	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01				
SGPL1	10	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01				
CAPN5	11	2	4.29E-01	2	4.29E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01	1	6.00E-01	1	6.00E-01
TMPRSS12	12	2	3.82E-01	2	3.82E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
KRT4	12	2	2.93E-01	2	2.93E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
ZNF184	6	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01				
GCKR	2	4	3.43E-02	4	3.43E-02	1	4.71E-01	1	4.71E-01	3	5.08E-01	3	5.08E-01
CST9	20	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01				
HIGD1B	17	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01				
PQLC3	2	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01				
SH3RF3	2	4	7.33E-01	5	7.33E-01	4	4.71E-01	5	4.71E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00
INTS2	17	7	6.10E-01	7	6.10E-01	5	4.71E-01	5	4.71E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
WDR66	12	3	6.29E-02	3	6.29E-02	2	4.71E-01	2	4.71E-01	3	7.01E-01	3	7.01E-01
KIRREL	1	4	4.38E-01	4	4.38E-01	3	7.76E-01	3	7.76E-01	3	4.71E-01	3	4.71E-01
MFN2	1	2	4.68E-01	2	4.68E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01
HTR3C	3	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01				
RPUSD2	15	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01				
SPAG4	20	3	7.93E-02	3	7.93E-02	2	6.57E-01	2	6.57E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01
TAS2R5	7	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.94E-01	2	4.94E-01	2	4.71E-01	2	4.71E-01
EYA2	20	2	2.23E-01	2	2.23E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
SAMD9L	7	5	5.73E-01	5	5.73E-01	4	4.71E-01	4	4.71E-01	4	5.40E-01	4	5.40E-01
ZNF518B	4	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01				
TM9SF1	14	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01				
C3orf67	3	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01				
ANAPC4	4	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01				
MYL10	7	2	3.58E-01	2	3.58E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TLCD1	17	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.71E-01	1	4.71E-01				
ABI3BP	3	7	4.61E-02	7	4.61E-02	5	4.71E-01	5	4.71E-01	4	5.69E-01	4	5.69E-01
PRR16	5	3	4.51E-01	3	4.51E-01	3	4.71E-01	3	4.71E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
HPX	11	4	5.92E-01	4	5.92E-01	3	8.33E-01	3	8.33E-01	3	4.71E-01	3	4.71E-01
RGL3	19	2	3.90E-01	2	3.90E-01	1	4.72E-01	1	4.72E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
AMH	19	2	3.28E-01	2	3.28E-01	1	4.72E-01	1	4.72E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
WDSUB1	2	2	6.17E-01	2	6.17E-01	1	4.72E-01	1	4.72E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01
OBSCN	1	46	3.79E-01	47	2.17E-01	33	6.25E-01	34	6.75E-01	27	5.71E-01	28	4.72E-01
PHLDB2	3	5	1.09E-01	5	1.09E-01	5	4.72E-01	5	4.72E-01				
MAMDC4	9	5	6.00E-02	5	6.00E-02	3	6.57E-01	3	6.57E-01	2	4.72E-01	2	4.72E-01
SAYS1	6	2	4.16E-01	2	4.16E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	4.72E-01	2	4.72E-01
MORN1	1	6	2.13E-02	6	2.13E-02	6	4.72E-01	6	4.72E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00
DSCAML1	11	5	1.03E-01	5	1.03E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01	3	4.72E-01	3	4.72E-01
OR6S1	14	5	5.63E-01	6	5.63E-01	3	5.77E-01	4	5.77E-01	4	4.72E-01	5	4.72E-01
STX3	11	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.72E-01	1	4.72E-01				
KCNH3	12	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.72E-01	1	4.72E-01				
PEX2	8	2	4.02E-01	2	4.02E-01	1	4.72E-01	1	4.72E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
NELFE	6	2	3.33E-01	2	3.33E-01	1	4.72E-01	1	4.72E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
OGFOD3	17	1	8.57E-01	1	8.57E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01	1	5.98E-01	1	5.98E-01
TMEM106A	17	3	7.79E-02	3	7.79E-02	1	4.91E-01	1	4.91E-01	3	4.73E-01	3	4.73E-01
ALPL	1	2	3.73E-01	2	3.73E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
PTPN1	20	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01				
TRIM72	16	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01				
HERC1	15	4	4.13E-01	4	4.13E-01	3	4.73E-01	3	4.73E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
WDR43	2	1	8.84E-01	1	8.84E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01	1	6.52E-01	1	6.52E-01
CTDNBP1	17	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01				
LMX1A	1	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01				
FZD7	2	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01				
PIEZO2	18	2	5.02E-01	2	5.02E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
SLC39A11	17	2	4.96E-01	2	4.96E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
LEPR	1	6	6.42E-01	6	6.42E-01	4	4.73E-01	4	4.73E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
SMG1	16	2	3.20E-01	2	3.20E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
FLAD1	1	4	3.99E-02	4	3.99E-02	1	5.02E-01	1	5.02E-01	3	4.73E-01	3	4.73E-01
PTAR1	9	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01				
GAPDHS	19	2	3.93E-01	2	3.93E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
LRRC10B	11	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01				
TMEM55A	8	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01				
CRP	1	3	1.63E-01	3	1.63E-01	3	4.73E-01	3	4.73E-01				
MUC17	7	12	2.98E-01	13	2.98E-01	8	4.73E-01	9	4.73E-01	8	7.57E-01	9	7.57E-01
SNX24	5	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01				
NKAIN4	20	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01				
RALGDS	9	1	7.11E-01	1	7.11E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01	1	5.99E-01	1	5.99E-01
ARHGAP23	17	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01				
MBNL2	13	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01				
RSF1	11	4	6.59E-01	4	6.59E-01	3	8.01E-01	3	8.01E-01	2	4.73E-01	2	4.73E-01
PGLYRP4	1	1	8.68E-01	1	8.68E-01	1	4.73E-01	1	4.73E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
CYP4F3	19	4	1.29E-01	4	1.29E-01	4	4.73E-01	4	4.73E-01				
WDR19	4	5	6.80E-01	5	6.80E-01	3	4.73E-01	3	4.73E-01	3	4.80E-01	3	4.80E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ITGAX	16	3	2.39E-01	3	2.39E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01
TTC1	5	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
LCT	2	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
HSCB	22	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
SLC28A2	15	2	3.30E-01	2	3.30E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	6.52E-01	1	6.52E-01
TM4SF1	3	2	3.89E-01	2	3.89E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
TTC29	4	2	6.71E-03	2	6.71E-03					2	4.74E-01	2	4.74E-01
CILP2	19	4	5.68E-01	4	5.68E-01	4	4.74E-01	4	4.74E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
HRC	19	2	7.10E-01	2	7.10E-01	2	4.76E-01	2	4.76E-01	2	4.74E-01	2	4.74E-01
WDR81	17	5	7.94E-02	5	7.94E-02	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	4.74E-01	2	4.74E-01
VNN1	6	1	7.60E-01	2	7.68E-01	1	5.39E-01	2	5.42E-01			1	4.74E-01
SLFN14	17	5	7.07E-01	5	7.07E-01	4	4.74E-01	4	4.74E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
ZNF683	1	3	1.37E-01	4	1.37E-01	1	4.74E-01	2	4.87E-01	2	6.52E-01	3	6.57E-01
IRX4	5	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
HIPK4	19	2	3.64E-01	2	3.64E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
LYNX1	8	2	4.62E-01	2	4.62E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
C7orf55-LUC7L	7	2	3.68E-01	2	3.68E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
LUC7L2	7	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
TCF19	6	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
CAMK2D	4	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
RBPJL	20	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
AK4	1	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
UBOX5	20	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
VPS8	3	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
GPD2	2	1	8.82E-01	1	8.82E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
FBRS	16	1	7.27E-01	1	7.27E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
MAP2K5	15	2	4.13E-01	2	4.13E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
CLEC2A	12	3	1.62E-01	3	1.62E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
RAD18	3	1	6.69E-01	1	6.69E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
ZNF454	5	1	7.27E-01	1	7.27E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
ELK3	12	1	6.35E-01	1	6.35E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
PFDN2	1	1	7.27E-01	1	7.27E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
TSSC1	2	1	7.27E-01	1	7.27E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
URB1	21	12	1.63E-01	12	1.63E-01	8	1.00E+00	8	1.00E+00	7	4.74E-01	7	4.74E-01
PSORS1C2	6	2	7.22E-01	2	7.22E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	4.74E-01	2	4.74E-01
CAPNS1	19	2	4.07E-01	2	4.07E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	6.38E-01	1	6.38E-01
OR2B6	6	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
GFPT2	5	2	4.31E-01	2	4.31E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
ANKIB1	7	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
TPP2	13	2	1.26E-01	2	1.26E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	2	5.81E-01	2	5.81E-01
RNFT2	12	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
EPSTI1	13			1	7.68E-01			1	4.74E-01			1	5.57E-01
MPP2	17	1	8.34E-01	1	8.34E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
TMPRSS11D	4	4	3.92E-02	4	3.92E-02	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	4.74E-01	2	4.74E-01
GRAMD1C	3	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
KBTBD3	11	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
ANKRD23	2	3	1.75E-01	3	1.75E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01
ABCF1	6	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
C5orf30	5	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
KDM2A	11	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.74E-01	1	4.74E-01				
RAD21L1	20	3	1.46E-01	3	1.46E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01
TCL1B	14	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
DLL4	15	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
DNAJC28	21	2	5.36E-01	2	5.36E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
TESC	12	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
CCDC170	6	3	6.55E-01	3	6.55E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.75E-01	2	4.75E-01
ARMC5	16	2	6.55E-01	2	6.55E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
DPY19L4	8	4	3.43E-01	4	3.43E-01	3	7.76E-01	3	7.76E-01	2	4.75E-01	2	4.75E-01
IGFBP5	2	1	8.64E-01	1	8.64E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	6.85E-01	1	6.85E-01
CST5	20	3	7.71E-01	3	7.71E-01	3	5.75E-01	3	5.75E-01	2	4.75E-01	2	4.75E-01
THAP8	19	4	7.15E-01	4	7.15E-01	3	4.75E-01	3	4.75E-01	4	5.32E-01	4	5.32E-01
GOLGA5	14	2	6.12E-01	2	6.12E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.75E-01	2	4.75E-01
DUSP27	1	10	7.06E-01	10	7.06E-01	7	5.93E-01	7	5.93E-01	7	4.75E-01	7	4.75E-01
PIK3CA	3	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
CD2BP2	16	3	1.78E-01	3	1.78E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01
CCL25	19	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
PLEKHA1	10	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
C12orf73	12	1	6.71E-01	1	6.71E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
SPRR1A	1	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
ZNF791	19	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
FOXN2	2	2	3.59E-01	2	3.59E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
FLVCR1	1	2	3.81E-01	2	3.81E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
POLE2	14	4	5.40E-01	4	5.40E-01	3	7.29E-01	3	7.29E-01	3	4.75E-01	3	4.75E-01
BTNL3	5	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
MFF	2	3	1.30E-01	3	1.30E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
THBS1	15	3	1.47E-01	4	1.51E-01	1	4.75E-01	2	4.95E-01	2	6.42E-01	3	8.74E-01
CCDC36	3	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
HCST	19	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
LIMS1	2	1	6.48E-01	1	6.48E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
MVB12B	9	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
VWA9	15	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
FAM114A2	5	3	1.04E-01	3	1.04E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
FAM227A	22	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
SULT6B1	2	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
SLC39A1	1	2	4.22E-01	2	4.22E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
HOXD11	2	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
CNTNAP1	17	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
GSDMA	17	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
ING4	12	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
TMEFF1	9	2	5.15E-01	2	5.15E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
MSANTD3-TMI	9	2	5.15E-01	2	5.15E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
KRTAP10-12	21	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
PCP4L1	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
DBP	19	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
SLC8A1	2	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
XPR1	1	2	3.55E-01	2	3.55E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TCTE3	6	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
TMEM234	1	1	6.84E-01	1	6.84E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
MRPL15	8	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
CMSS1	3	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
CA3	8	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01				
DLD	7	2	3.66E-02	2	3.66E-02	1	4.94E-01	1	4.94E-01	1	4.75E-01	1	4.75E-01
PRR22	19	2	7.62E-01	3	7.02E-01	2	5.73E-01	3	4.76E-01	1	6.17E-01	2	6.85E-01
DSCR3	21	4	1.09E-01	4	1.09E-01	4	4.76E-01	4	4.76E-01				
C11orf80	11	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.76E-01	1	4.76E-01				
BCAS4	20	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.76E-01	1	4.76E-01				
CEP41	7	2	3.77E-01	2	3.77E-01	1	4.76E-01	1	4.76E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
CCDC30	1	3	7.15E-02	3	7.15E-02	1	4.76E-01	1	4.76E-01	3	5.05E-01	3	5.05E-01
SLC22A4	5	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.76E-01	1	4.76E-01				
RORA	15	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.76E-01	1	4.76E-01				
TBC1D17	19	4	1.43E-01	4	1.43E-01	4	4.76E-01	4	4.76E-01				
GTPBP1	22	1	4.12E-01	1	4.12E-01	1	4.76E-01	1	4.76E-01				
LRRC25	19	1	6.03E-01	1	6.03E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.76E-01	1	4.76E-01
CROT	7	7	8.12E-02	7	8.12E-02	5	5.31E-01	5	5.31E-01	2	4.76E-01	2	4.76E-01
CCDC88A	2	5	1.39E-01	5	1.39E-01	5	4.77E-01	5	4.77E-01				
IGSF10	3	14	2.48E-01	14	2.48E-01	10	6.71E-01	10	6.71E-01	8	4.77E-01	8	4.77E-01
WDR72	15	2	4.87E-01	3	4.88E-01	1	4.77E-01	2	4.92E-01	1	6.65E-01	2	6.79E-01
ARRDC5	19	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.77E-01	1	4.77E-01				
GCH1	14	1	7.26E-01	1	7.26E-01	1	4.77E-01	1	4.77E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
NUDCD1	8	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.77E-01	1	4.77E-01				
ITPKB	1	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.77E-01	1	4.77E-01				
LIN54	4	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.77E-01	1	4.77E-01				
RAB18	10	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.77E-01	1	4.77E-01				
SMAD9	13	3	1.57E-01	3	1.57E-01	3	4.77E-01	3	4.77E-01				
ADAMTSL4	1	7	7.89E-01	7	7.89E-01	5	5.28E-01	5	5.28E-01	3	4.77E-01	3	4.77E-01
ENPP6	4	4	5.28E-01	4	5.28E-01	2	7.50E-01	2	7.50E-01	3	4.77E-01	3	4.77E-01
RYR3	15	12	3.46E-01	12	3.46E-01	9	4.77E-01	9	4.77E-01	5	8.50E-01	5	8.50E-01
LRRFIP2	3	4	3.20E-02	4	3.20E-02	2	6.06E-01	2	6.06E-01	2	4.77E-01	2	4.77E-01
ZMYM2	13	2	4.79E-01	2	4.79E-01	1	5.41E-01	1	5.41E-01	2	4.78E-01	2	4.78E-01
SSH3	11	3	1.61E-01	3	1.61E-01	3	4.78E-01	3	4.78E-01				
C20orf196	20	1	3.77E-01	1	3.77E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
PCDHA6	5	3	7.04E-01	3	7.04E-01	2	5.28E-01	2	5.28E-01	2	4.78E-01	2	4.78E-01
PCDHA7	5	3	7.04E-01	3	7.04E-01	2	5.28E-01	2	5.28E-01	2	4.78E-01	2	4.78E-01
PCDHA8	5	3	7.04E-01	3	7.04E-01	2	5.28E-01	2	5.28E-01	2	4.78E-01	2	4.78E-01
PCDHA9	5	3	7.04E-01	3	7.04E-01	2	5.28E-01	2	5.28E-01	2	4.78E-01	2	4.78E-01
PCDHAC2	5	4	8.26E-01	4	8.26E-01	3	4.94E-01	3	4.94E-01	2	4.78E-01	2	4.78E-01
SEC24B	4	5	3.63E-01	5	3.63E-01	4	5.11E-01	4	5.11E-01	2	4.78E-01	2	4.78E-01
SUMF1	3	1	5.65E-01	1	5.65E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01
LANCL1	2	4	6.24E-01	4	6.24E-01	4	5.89E-01	4	5.89E-01	2	4.78E-01	2	4.78E-01
VLDLR	9	3	1.61E-01	3	1.61E-01	3	4.78E-01	3	4.78E-01				
DDX58	9	6	4.12E-01	6	4.12E-01	6	4.78E-01	6	4.78E-01	4	6.00E-01	4	6.00E-01
SLC4A1	17	4	5.30E-01	4	5.30E-01	4	4.78E-01	4	4.78E-01	1	5.88E-01	1	5.88E-01
TFEC	7	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
VEZT	12	3	6.94E-02	3	6.94E-02	1	4.78E-01	1	4.78E-01	3	4.88E-01	3	4.88E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SLC27A4	9	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
CDH4	20	2	4.04E-01	2	4.04E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
CCDC102B	18	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
PREB	2	1	7.02E-01	1	7.02E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01	1	6.35E-01	1	6.35E-01
RARB	3	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
NBR1	17	4	8.10E-01	4	8.10E-01	4	7.27E-01	4	7.27E-01	2	4.78E-01	2	4.78E-01
RFTN1	3	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
VAPB	20	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
LBH	2	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
C10orf105	10	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
YME1L1	10	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
CABIN1	22	8	5.98E-01	8	5.98E-01	9	5.64E-01	9	5.64E-01	4	4.78E-01	4	4.78E-01
LENG1	19	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
LRRC58	3	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
EDC3	15	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
PDE12	3	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
SLC16A9	10	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
NEK9	14	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.78E-01	1	4.78E-01				
PTPN3	9	6	5.67E-01	6	5.67E-01	5	4.78E-01	5	4.78E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
SAMD9	7	3	2.67E-01	4	3.24E-01	2	4.78E-01	3	6.57E-01	2	4.81E-01	3	4.83E-01
SPACA1	6	4	3.06E-02	4	3.06E-02	1	4.88E-01	1	4.88E-01	3	4.79E-01	3	4.79E-01
NCOR2	12	13	3.76E-01	13	3.76E-01	12	5.19E-01	12	5.19E-01	4	4.79E-01	4	4.79E-01
CR2	1	6	8.99E-01	6	8.99E-01	5	4.79E-01	5	4.79E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
PLA1A	3	3	4.15E-02	3	4.15E-02	2	6.32E-01	2	6.32E-01	1	4.79E-01	1	4.79E-01
SERPINA6	14	2	1.22E-01	2	1.22E-01	2	4.79E-01	2	4.79E-01				
PCDH9	13	4	2.51E-02	4	2.51E-02	2	5.86E-01	2	5.86E-01	2	4.79E-01	2	4.79E-01
CCDC183	9	3	2.36E-01	3	2.36E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01	2	4.79E-01	2	4.79E-01
DHX29	5	6	6.87E-01	6	6.87E-01	4	4.79E-01	4	4.79E-01	3	5.18E-01	3	5.18E-01
F2	11	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.79E-01	1	4.79E-01				
FABP2	4	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.79E-01	1	4.79E-01				
STRN3	14	3	1.07E-01	3	1.07E-01	1	4.79E-01	1	4.79E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01
RGS10	10	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.79E-01	1	4.79E-01				
STOX1	10	4	4.22E-02	4	4.22E-02	1	4.93E-01	1	4.93E-01	3	4.79E-01	3	4.79E-01
ALG5	13	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.79E-01	1	4.79E-01				
MFSD1	3	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.79E-01	1	4.79E-01				
ARID1A	1	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.79E-01	1	4.79E-01				
TAF8	6	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.79E-01	1	4.79E-01				
MRPS17	7	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.79E-01	1	4.79E-01				
PHF19	9	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.79E-01	1	4.79E-01				
MRPS31	13	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.79E-01	1	4.79E-01				
RBCK1	20	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.79E-01	1	4.79E-01				
WNK2	9	8	7.11E-01	8	7.11E-01	7	4.80E-01	7	4.80E-01	4	7.34E-01	4	7.34E-01
TLN2	15	13	6.66E-01	13	6.66E-01	10	6.92E-01	10	6.92E-01	7	4.80E-01	7	4.80E-01
GPR55	2	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
AUP1	2	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
CNNM3	2	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
TMEM242	6	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
C6orf52	6	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CARD16	11	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
IL1R1	2	1	7.14E-01	1	7.14E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
METTL22	16	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
METTL1	12	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
CTSV	9	2	4.00E-01	2	4.00E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01	1	6.70E-01	1	6.70E-01
GUK1	1	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
ATP2B1	12	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
ZDHHC13	11	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
NFATC1	18	6	6.93E-01	6	6.93E-01	5	4.80E-01	5	4.80E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
SMTN	22	9	8.81E-02	9	8.81E-02	8	4.80E-01	8	4.80E-01	6	9.13E-01	6	9.13E-01
TEX37	2	5	9.93E-02	5	9.93E-02	2	6.50E-01	2	6.50E-01	3	4.80E-01	3	4.80E-01
CRLF3	17	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
CHI3L1	1	3	7.28E-02	3	7.28E-02	1	4.80E-01	1	4.80E-01	3	4.97E-01	3	4.97E-01
CCT4	2	2	4.02E-01	2	4.02E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01	1	6.70E-01	1	6.70E-01
TMEM177	2	1	9.43E-02	1	9.43E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.80E-01	1	4.80E-01
SSTR2	17	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
MTHFD1	14	2	3.67E-01	2	3.67E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
CAP2	6	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
ZNF573	19	1	7.50E-01	2	7.45E-01	1	4.80E-01	2	4.97E-01			1	1.00E+00
KBTBD12	3	2	3.47E-01	2	3.47E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
KCNH1	1	2	3.27E-01	2	3.27E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01
RFPL4B	6	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
ZNF239	10	2	5.39E-01	3	5.39E-01	2	6.30E-01	3	6.30E-01			1	4.80E-01
CDH9	5	1	4.00E-01	1	4.00E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
SMC6	2	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01				
CPSF3	2	2	5.63E-01	2	5.63E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01	1	5.67E-01	1	5.67E-01
OR10J5	1	2	4.06E-01	2	4.06E-01	1	4.80E-01	1	4.80E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
TRPV4	12	5	4.11E-01	5	4.11E-01	4	8.11E-01	4	8.11E-01	2	4.80E-01	2	4.80E-01
RBM20	10	7	3.61E-01	7	3.61E-01	6	4.80E-01	6	4.80E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
KARS	16	3	1.52E-01	3	1.52E-01	3	4.81E-01	3	4.81E-01				
SYDE2	1	2	3.55E-01	2	3.55E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
NHP2	5	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
ZNF623	8	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
PTAFR	1	2	3.77E-01	2	3.77E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
EFEMP1	2	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
SCIMP	17	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
FAM46B	1	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
RAB29	1	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
CNNM1	10	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
PLEKHA8	7	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
HOXB1	17	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
NPEPPS	17	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
C1orf146	1	2	4.42E-01	2	4.42E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
CACFD1	9	1	7.10E-01	1	7.10E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
PNN	14	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
SYCN	19	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
RAD51C	17	3	2.87E-02	3	2.87E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.81E-01	2	4.81E-01
PITPNM3	17	4	1.21E-01	4	1.21E-01	4	4.81E-01	4	4.81E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TRIM60	4	3	5.26E-01	3	5.26E-01	3	4.81E-01	3	4.81E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
SLX4IP	20	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
NCOA6	20	3	6.39E-02	3	6.39E-02	1	4.81E-01	1	4.81E-01	3	4.85E-01	3	4.85E-01
GIT1	17	2	4.72E-01	2	4.72E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
DEFB123	20	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
FAM53C	5	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01				
BLVRB	19	2	4.70E-01	2	4.70E-01	1	4.81E-01	1	4.81E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
PGM3	6	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.82E-01	1	4.82E-01				
SMYD2	1	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.82E-01	1	4.82E-01				
PRSS22	16	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.82E-01	1	4.82E-01				
DDX21	10	2	4.68E-01	2	4.68E-01	1	4.82E-01	1	4.82E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
SLC1A2	11	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.82E-01	1	4.82E-01				
EPHA3	3	5	9.29E-02	5	9.29E-02	3	7.26E-01	3	7.26E-01	2	4.82E-01	2	4.82E-01
AMOTL2	3	4	4.89E-01	4	4.89E-01	3	7.29E-01	3	7.29E-01	3	4.82E-01	3	4.82E-01
PLSCR5	3	6	6.53E-01	6	6.53E-01	4	5.40E-01	4	5.40E-01	3	4.82E-01	3	4.82E-01
SASH1	6	9	8.95E-01	9	8.95E-01	7	5.77E-01	7	5.77E-01	5	4.82E-01	5	4.82E-01
INPP5F	10	3	1.69E-01	3	1.69E-01	1	4.82E-01	1	4.82E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
FAM209A	20	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.82E-01	1	4.82E-01				
TCF7	5	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.82E-01	1	4.82E-01				
RSRC1	3	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.82E-01	1	4.82E-01				
GCGR	17	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.82E-01	1	4.82E-01				
TMEM126B	11	1	7.08E-01	1	7.08E-01	1	4.82E-01	1	4.82E-01	1	6.80E-01	1	6.80E-01
YBX1	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.82E-01	1	4.82E-01				
HIRIP3	16	4	1.56E-01	4	1.56E-01	4	4.83E-01	4	4.83E-01				
FAM135A	6	3	6.02E-03	3	6.02E-03					3	4.83E-01	3	4.83E-01
TIFA	4	2	8.30E-03	2	8.30E-03					2	4.83E-01	2	4.83E-01
CCDC142	2	3	1.44E-01	3	1.44E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
TMCC2	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01				
KRT9	17	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01				
HADHB	2	2	4.69E-01	2	4.69E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01	1	5.88E-01	1	5.88E-01
ZNF333	19	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01				
EYA1	8	6	5.59E-01	6	5.59E-01	5	4.83E-01	5	4.83E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
CSNK1A1L	13	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01				
DPPA2	3	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01				
IMPA2	18	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01				
URM1	9	2	4.66E-01	2	4.66E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
EDRF1	10	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01				
RNF180	5	2	4.60E-01	2	4.60E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
RBP1	3	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01				
NME3	16	1	6.55E-01	1	6.55E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
RING1	6	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01				
RIPPLY3	21	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.83E-01	1	4.83E-01				
PCSK9	1	4	2.37E-01	4	2.37E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01	3	4.83E-01	3	4.83E-01
C18orf54	18	3	5.08E-03	3	5.08E-03					3	4.83E-01	3	4.83E-01
STAMBPL1	10	3	4.43E-01	3	4.43E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	3	4.83E-01	3	4.83E-01
PCNXL4	14	5	1.70E-01	5	1.70E-01	2	6.04E-01	2	6.04E-01	3	4.83E-01	3	4.83E-01
CEP131	17	9	8.35E-01	9	8.35E-01	7	5.84E-01	7	5.84E-01	5	4.83E-01	5	4.83E-01
RAD54L	1	6	2.54E-01	6	2.54E-01	3	4.84E-01	3	4.84E-01	3	5.00E-01	3	5.00E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
RPUSD4	11	2	3.16E-01	2	3.16E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
EPHA4	2	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
FCAR	19	2	2.98E-01	2	2.98E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01	1	5.95E-01	1	5.95E-01
SLC6A11	3	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
LAMA2	6	16	2.40E-01	16	2.40E-01	13	4.84E-01	13	4.84E-01	12	7.17E-01	12	7.17E-01
ROBO1	3	3	5.50E-01	3	5.50E-01	3	4.84E-01	3	4.84E-01	1	5.98E-01	1	5.98E-01
ALDOC	17	2	4.77E-01	2	4.77E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01
SIT1	9	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
TLL11	9	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
EEF1G	11	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
TMEM45A	3	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
TOX	8	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
ATIC	2	4	4.69E-02	4	4.69E-02	1	4.84E-01	1	4.84E-01	3	5.07E-01	3	5.07E-01
TMEM150B	19	2	4.16E-01	2	4.16E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
PTOV1	19	2	6.26E-01	2	6.26E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
LEP	7	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
DENND2A	7	2	3.56E-01	2	3.56E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01
SMCHD1	18	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
MRGPRF	11	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
HLA-DQA1	6	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
SCRN2	17	7	8.22E-01	7	8.22E-01	6	9.30E-01	6	9.30E-01	2	4.84E-01	2	4.84E-01
PHF24	9	3	7.58E-01	3	7.58E-01	2	5.08E-01	2	5.08E-01	2	4.84E-01	2	4.84E-01
ATP9B	18	7	8.25E-01	7	8.25E-01	5	5.20E-01	5	5.20E-01	3	4.84E-01	3	4.84E-01
DUSP6	12	1	9.20E-01	1	9.20E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01	1	6.37E-01	1	6.37E-01
OR4D6	11	4	1.05E-01	4	1.05E-01	3	4.84E-01	3	4.84E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
MOV10	1	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
UCHL3	13	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
VKORC1L1	7	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
SNX5	20	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
PHLDA1	12	2	4.12E-01	2	4.12E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
MGAT4A	2	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
GOLM1	9	1	2.34E-01	1	2.34E-01	1	4.84E-01	1	4.84E-01				
SLC5A11	16	3	8.25E-02	3	8.25E-02	1	5.03E-01	1	5.03E-01	3	4.84E-01	3	4.84E-01
LGMM	14	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
NKX3-1	8	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
GPR180	13	1	7.11E-01	1	7.11E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	1	6.75E-01	1	6.75E-01
FAM73A	1	2	3.26E-01	2	3.26E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
AIMP2	7	2	4.41E-01	2	4.41E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
SCFD1	14	2	6.29E-01	2	6.29E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
NXF1	11	2	5.41E-01	2	5.41E-01	2	4.85E-01	2	4.85E-01	1	6.37E-01	1	6.37E-01
TDP1	14	4	1.51E-01	4	1.51E-01	4	4.85E-01	4	4.85E-01				
KCNJ3	2	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
SPDYA	2	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
SFN	1	1	6.84E-01	1	6.84E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01
ZSCAN22	19	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
SMCR8	17	4	4.12E-02	4	4.12E-02	1	4.85E-01	1	4.85E-01	3	5.17E-01	3	5.17E-01
LTBP3	11	3	1.21E-01	4	4.37E-01	1	4.85E-01	2	5.52E-01	2	6.32E-01	3	5.04E-01
SLC6A3	5	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MMP27	11	2	4.06E-01	2	4.06E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
TRMT10B	9	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
KLHL20	1	2	3.81E-01	2	3.81E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
APOC3	11	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
P2RX1	17	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
SLC31A2	9	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
DUOXA1	15	3	7.97E-01	3	7.97E-01	2	4.97E-01	2	4.97E-01	2	4.85E-01	2	4.85E-01
SEMA3E	7	1	7.05E-01	1	7.05E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
RNF216	7	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
RPS6KA2	6	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
COMMD9	11	1	6.92E-01	1	6.92E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	1	6.63E-01	1	6.63E-01
EHD1	11	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
SNRNP40	1	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
TMEM170B	6	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
VPS13C	15	11	7.51E-01	11	7.51E-01	10	4.85E-01	10	4.85E-01	3	5.63E-01	3	5.63E-01
KIAA0895	7	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
SLC35A4	5	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
LMAN2L	2	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
AGXT	2	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
NDUFB9	8	2	6.79E-02	2	6.79E-02	1	4.85E-01	1	4.85E-01	2	5.04E-01	2	5.04E-01
FARSB	2	2	3.39E-01	2	3.39E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	1	5.69E-01	1	5.69E-01
CCKBR	11	2	4.89E-01	2	4.89E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
CFAP20	16	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
EIF4E2	2	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
VPS29	12	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
TXNDC12	1	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
CCDC166	8	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
TLL1	4	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
PPP2R2A	8	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
BORCS8	19	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
LMNTD1	12	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
TEF	22	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
VMAC	19	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
SEL1L2	20	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
PLXDC1	17	1	7.46E-01	2	1.52E-01	1	4.85E-01	2	7.79E-01			1	5.67E-01
ALDH1A3	15	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
CCDC57	17	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
VAX2	2	4	5.75E-01	4	5.75E-01	2	6.88E-01	2	6.88E-01	3	4.85E-01	3	4.85E-01
CRIP3	6	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
REXO4	9	2	2.25E-01	2	2.25E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
SP140L	2	2	4.52E-01	2	4.52E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
GRTP1	13	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
PCDHGB4	5	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
SRPRA	11	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01				
CMKLR1	12	2	5.91E-01	2	5.91E-01	2	4.85E-01	2	4.85E-01	2	6.93E-01	2	6.93E-01
KIAA1257	3	2	7.34E-01	2	7.34E-01	1	4.85E-01	1	4.85E-01	2	6.08E-01	2	6.08E-01
CREBBP	16	8	8.16E-01	8	8.16E-01	6	4.85E-01	6	4.85E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01
ACTN1	14	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SERPINE3	13	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
RRAGC	1	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
LAMP1	13	2	4.68E-01	2	4.68E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01	1	6.56E-01	1	6.56E-01
STAT4	2	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
CDH3	16	3	1.33E-01	3	1.33E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
CTPS1	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
OR2G6	1	3	4.88E-03	3	4.88E-03					3	4.86E-01	3	4.86E-01
KMO	1	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
ADRB2	5	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
DNAJC5B	8	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
PGM2	4	5	5.13E-01	5	5.13E-01	3	6.29E-01	3	6.29E-01	3	4.86E-01	3	4.86E-01
OR2T10	1	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
JAG1	20	2	5.51E-01	3	8.13E-01	2	6.60E-01	3	6.49E-01			1	4.86E-01
ABCA1	9	2	5.50E-01	2	5.50E-01	2	7.44E-01	2	7.44E-01	2	4.86E-01	2	4.86E-01
VSTM2B	19	1	6.85E-01	1	6.85E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
MARK4	19	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
4-Mar	2	2	4.87E-01	2	4.87E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01
OSGEPL1	2	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
NSF	17	2	4.61E-01	2	4.61E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
GIMAP8	7	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
NSUN2	5	2	4.11E-01	2	4.11E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
LIX1	5	2	4.60E-01	2	4.60E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01	1	5.88E-01	1	5.88E-01
TRMO	9	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
EIF2D	1	1	6.62E-01	1	6.62E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
GATSLS3	22	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
TMEM63A	1	3	3.27E-01	3	3.27E-01	2	4.86E-01	2	4.86E-01	2	5.08E-01	2	5.08E-01
CLU	8	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
ALG12	22	1	7.45E-01	2	8.37E-01	1	4.86E-01	2	6.25E-01			1	5.08E-01
SERPINA3	14	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
OR1N1	9	2	4.25E-01	2	4.25E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
SUSD4	1	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
HTR7	10	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.86E-01	1	4.86E-01				
MIS18BP1	14	5	5.35E-01	5	5.35E-01	4	4.86E-01	4	4.86E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
BIVM-ERCC5	13	9	4.83E-02	9	4.83E-02	8	4.86E-01	8	4.86E-01	6	7.26E-01	6	7.26E-01
ERCC5	13	9	4.83E-02	9	4.83E-02	8	4.86E-01	8	4.86E-01	6	7.26E-01	6	7.26E-01
TMEM255B	13	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	4.86E-01	2	4.86E-01	2	5.67E-01	2	5.67E-01
ZNF609	15	3	1.79E-01	3	1.79E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01	2	6.18E-01	2	6.18E-01
POLR1A	2	2	3.48E-01	2	3.48E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
IPP	1	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
VWA1	1	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
NDUFB7	19	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
CCND2	12	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
PROK2	3	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
SHCBP1	16	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
USP6NL	10	2	2.86E-01	2	2.86E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
ZNHIT6	1	1	7.08E-01	1	7.08E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
OPN4	10	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
CIB3	19	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MFSD2A	1	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
GCNT3	15	5	8.59E-01	5	8.59E-01	4	4.87E-01	4	4.87E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01
FGFR1	8	3	2.65E-01	3	2.65E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01	3	4.87E-01	3	4.87E-01
MAP1LC3B2	12	3	6.69E-03	3	6.69E-03					3	4.87E-01	3	4.87E-01
C17orf102	17	1	6.87E-01	1	6.87E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
PRKACA	19	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
MUC21	6	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
SPINK1	5	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
CTNNA1	5	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
CALCOCO1	12	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
LUZP2	11	2	3.78E-01	2	3.78E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
JRKL	11	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
PPY	17	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
PRPF4B	6	1	6.89E-01	1	6.89E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
TEKT1	17	3	3.21E-01	3	3.21E-01	3	4.87E-01	3	4.87E-01				
UNC5C	4	5	1.22E-01	5	1.22E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	4	4.87E-01	4	4.87E-01
NTF4	19	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
ZYG11B	1	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.87E-01	1	4.87E-01				
KTN1	14	5	7.06E-01	5	7.06E-01	3	5.24E-01	3	5.24E-01	3	4.87E-01	3	4.87E-01
SLC13A5	17	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
RALGAPB	20	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
LRRC74A	14	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
ZNF485	10	2	3.11E-01	2	3.11E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01	1	6.81E-01	1	6.81E-01
SLC6A9	1	2	3.69E-01	2	3.69E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
HPN	19	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
POLD2	7	2	4.62E-01	2	4.62E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
SLC9A2	2	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
HOPX	4	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
FCGRT	19	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
MALT1	18	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
MPP4	2	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
CSDE1	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
SF3B3	16	1	7.40E-01	1	7.40E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
MON1B	16	1	7.40E-01	1	7.40E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
SCD5	4	2	3.38E-01	2	3.38E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01	1	6.52E-01	1	6.52E-01
AZGP1	7	1	7.40E-01	1	7.40E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
CALB1	8	1	7.40E-01	1	7.40E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
TARBP2	12	1	7.40E-01	1	7.40E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
FAM64A	17	2	5.48E-01	2	5.48E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
HRG	3	2	4.78E-01	2	4.78E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01	1	5.93E-01	1	5.93E-01
TCP11L2	12	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
MAGI2	7	2	3.88E-01	2	3.88E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
DSE	6	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
ST6GALNAC2	17	1	7.13E-01	1	7.13E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
BCL2L2-PABPN	14	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
SP4	7	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
PABPN1	14	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.88E-01	1	4.88E-01				
ADSSL1	14	5	4.13E-01	5	4.13E-01	4	4.88E-01	4	4.88E-01	1	6.11E-01	1	6.11E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
RABGGTA	14	4	8.40E-01	4	8.40E-01	3	4.88E-01	3	4.88E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
COL17A1	10	7	4.32E-01	7	4.32E-01	6	4.88E-01	6	4.88E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01
WDFY3	4	4	5.15E-02	4	5.15E-02	1	4.92E-01	1	4.92E-01	3	4.89E-01	3	4.89E-01
FCER1A	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.89E-01	1	4.89E-01				
SSBP4	19	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.89E-01	1	4.89E-01				
EPS15L1	19	2	3.98E-01	2	3.98E-01	1	4.89E-01	1	4.89E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
PTPN9	15	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.89E-01	1	4.89E-01				
NCF4	22	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	4.89E-01	1	4.89E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
DLGAP2	8	5	6.25E-01	5	6.25E-01	4	4.89E-01	4	4.89E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
USP8	15	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	4.89E-01	1	4.89E-01
EXOC3L4	14	4	3.11E-02	5	3.10E-02	2	6.02E-01	3	5.86E-01	2	4.99E-01	3	4.89E-01
ETNK2	1	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.89E-01	1	4.89E-01				
CD84	1	2	4.28E-01	2	4.28E-01	1	4.89E-01	1	4.89E-01	1	5.49E-01	1	5.49E-01
CKMT2	5	3	1.93E-01	3	1.93E-01	1	4.89E-01	1	4.89E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01
MRPS11	15	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	4.89E-01	1	4.89E-01				
ZIC5	13	3	7.20E-01	3	7.20E-01	2	5.10E-01	2	5.10E-01	2	4.89E-01	2	4.89E-01
PLCB3	11	2	4.28E-01	3	6.65E-01	1	4.89E-01	2	7.51E-01	1	6.85E-01	2	8.21E-01
PFKFB3	10	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.89E-01	1	4.89E-01				
TSPAN18	11	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.89E-01	1	4.89E-01				
ME2	18	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.89E-01	1	4.89E-01				
SLC30A7	1	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.89E-01	1	4.89E-01				
SLC35A5	3	4	1.58E-01	4	1.58E-01	4	4.90E-01	4	4.90E-01				
KCNA7	19	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
CD36	7	2	4.11E-01	2	4.11E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
GPR78	4	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
ATG4B	2	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
FAM102A	9	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
MZB1	5	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
SNX32	11	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
ZNF200	16	3	1.58E-01	3	1.58E-01	3	4.90E-01	3	4.90E-01				
LCORL	4	1	7.38E-01	1	7.38E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
ECH1	19	2	2.14E-01	3	1.67E-01	1	4.90E-01	2	5.50E-01	2	6.26E-01	3	8.92E-01
SCAMP4	19	2	4.29E-01	2	4.29E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
OCIAD1	4	1	7.38E-01	1	7.38E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
CRYGA	2	2	2.98E-01	2	2.98E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	2	6.05E-01	2	6.05E-01
IL4R	16	1	7.38E-01	1	7.38E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
DENND6B	22	3	3.19E-01	3	3.19E-01	3	4.90E-01	3	4.90E-01				
JARID2	6	4	2.35E-01	4	2.35E-01	3	4.90E-01	3	4.90E-01	3	6.08E-01	3	6.08E-01
HCN4	15	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
RASSF3	12	2	4.84E-01	2	4.84E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	6.19E-01	1	6.19E-01
WFDC1	16	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
SWAP70	11	5	1.70E-01	5	1.70E-01	5	4.90E-01	5	4.90E-01				
RBM42	19	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
UTP15	5	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
TMEM161A	19	2	4.43E-01	2	4.43E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
JAKMIP2	5	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
POU2F2	19	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
STIM1	11	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	4.90E-01	4	4.90E-01	3	5.02E-01	3	5.02E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
OR5AC2	3	2	2.86E-01	3	2.92E-01	2	6.11E-01	3	5.94E-01			1	4.90E-01
BTRC	10	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
SYNPO2L	10	2	3.99E-01	5	4.73E-01	1	4.90E-01	4	6.11E-01	1	6.47E-01	4	8.01E-01
FAM69C	18	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
MRPL18	6	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
RASSF4	10	1	6.60E-01	1	6.60E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
LEPROT	1	1	6.65E-01	1	6.65E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	5.99E-01	1	5.99E-01
C21orf2	21	2	3.99E-01	2	3.99E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01
FKBP7	2	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
TNK1	17	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
OTOL1	3	2	7.09E-01	3	7.09E-01	2	4.90E-01	3	4.90E-01	1	6.42E-01	2	6.42E-01
RNASEH2A	19	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
DHCR7	11	3	1.57E-01	3	1.57E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01
C17orf97	17	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
PARVA	11	1	6.69E-01	1	6.69E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
PRL	6	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
NUAK2	1	3	8.50E-02	3	8.50E-02	1	5.40E-01	1	5.40E-01	3	4.90E-01	3	4.90E-01
PEG3	19	8	4.61E-01	8	4.61E-01	5	4.90E-01	5	4.90E-01	3	5.05E-01	3	5.05E-01
PELI3	11	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
REV1	2	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
CNTN3	3	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
HSPA12A	10	2	3.96E-01	2	3.96E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
MORN4	10	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
ZNF32	10	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
KIAA1551	12	4	2.43E-01	4	2.43E-01	2	6.19E-01	2	6.19E-01	3	4.90E-01	3	4.90E-01
TRIM16	17	2	4.26E-01	2	4.26E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
KYNU	2	3	1.40E-01	3	1.40E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
HAT1	2	3	1.12E-01	3	1.12E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01
GPR149	3	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
ARNTL	11	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
CXCL12	10	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
FZD4	11	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
BAP1	3	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
ZBTB4	17	2	4.48E-01	2	4.48E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
C8orf48	8	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
HRASLS2	11	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
NDUFS3	11	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.90E-01	1	4.90E-01				
HAUS3	4	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
ATP5B	12	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
LRRC8C	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
USP21	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
DLG2	11	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
CASP9	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
NFIA	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
HES5	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
UBE2O	17	2	1.40E-01	2	1.40E-01	2	4.91E-01	2	4.91E-01				
GRWD1	19	3	5.30E-03	3	5.30E-03					3	4.91E-01	3	4.91E-01
NR1I2	3	4	2.26E-01	4	2.26E-01	2	4.91E-01	2	4.91E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
BRD4	19	1	6.09E-01	1	6.09E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	4.91E-01	1	4.91E-01
TBC1D8	2	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
FREM3	4	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
MUSTN1	3	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
ROR1	1	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
TMEM110-MU	3	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
ISM2	14	2	3.49E-01	2	3.49E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01	1	5.93E-01	1	5.93E-01
ARG2	14	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
ILF3	19	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
LOC100505549	18	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
MOGAT3	7	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
THOP1	19	5	2.86E-02	5	2.86E-02	1	4.91E-01	1	4.91E-01	4	5.77E-01	4	5.77E-01
TRIML2	4	2	3.43E-01	2	3.43E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
KLF9	9	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
MDFI	6	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
LRRC28	15	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
ZNF277	7	1	3.97E-01	1	3.97E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
THAP4	2	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
F2RL3	19	2	3.96E-01	2	3.96E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01	1	6.38E-01	1	6.38E-01
GTF2E2	8	2	4.66E-01	2	4.66E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01	1	6.05E-01	1	6.05E-01
NARS	18	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.91E-01	1	4.91E-01				
POM121L12	7			1	5.71E-01			1	1.00E+00			1	4.91E-01
COG5	7	4	8.00E-01	4	8.00E-01	3	4.91E-01	3	4.91E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
SLC22A24	11	5	2.05E-01	7	2.05E-01	3	5.01E-01	5	4.91E-01	4	8.88E-01	6	8.69E-01
ARFIP1	4	2	5.64E-02	2	5.64E-02	1	5.09E-01	1	5.09E-01	2	4.92E-01	2	4.92E-01
SLC9A4	2	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
ZNF345	19	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
WNT2	7	2	4.87E-01	2	4.87E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
CCBL2	1	2	4.72E-01	2	4.72E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01	1	6.19E-01	1	6.19E-01
RABL3	3	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
JMJD7	15	2	3.36E-01	2	3.36E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
ADCY5	3	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
GLIPR2	9	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
HNF4G	8	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
REG1A	2	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
YKT6	7	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
FAM13B	5	6	5.96E-01	6	5.96E-01	5	4.92E-01	5	4.92E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
FAM101A	12	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
ZNF664-FAM101A	12	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
VPS4A	16	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
CENPF	1	16	2.52E-01	16	2.52E-01	11	1.00E+00	11	1.00E+00	7	4.92E-01	7	4.92E-01
GMPR2	14	1	8.60E-01	1	8.60E-01	1	5.66E-01	1	5.66E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01
ACSL1	4	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
PICK1	22	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
YAP1	11	1	7.16E-01	1	7.16E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
PPIL2	22	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	4.92E-01	2	4.92E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
IPO5	13	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
KRTAP4-5	17	1	7.58E-01	2	6.05E-01	1	4.92E-01	2	7.29E-01			1	1.00E+00

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
FOXP4	6	2	3.41E-01	2	3.41E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
CIB1	15	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
OPRK1	8	1	7.02E-01	1	7.02E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
RNASE12	14	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.92E-01	1	4.92E-01				
SIGLEC5	19	3	3.07E-01	3	3.07E-01	2	4.92E-01	2	4.92E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01
1-Mar	4	2	3.39E-01	2	3.39E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
PSAP	10	2	3.70E-01	2	3.70E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
ZNF260	19	2	3.68E-01	2	3.68E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
ANO5	11	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
USB1	16	2	3.40E-01	2	3.40E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
DPP3	11	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
DGAT1	8	2	3.93E-01	2	3.93E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01	1	6.52E-01	1	6.52E-01
CST7	20	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
STRADB	2	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
STK31	7	5	4.43E-02	6	4.40E-02	4	5.28E-01	5	5.40E-01	3	4.93E-01	4	4.93E-01
EPB41L4B	9	4	4.76E-01	5	4.71E-01	4	1.00E+00	5	1.00E+00	1	4.93E-01	2	5.32E-01
TSFM	12	4	1.26E-01	4	1.26E-01	4	4.93E-01	4	4.93E-01				
KIAA0408	6	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
CIRBP	19	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
OR1L4	9	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
RELL1	4	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
CABP2	11	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
CAPN7	3	2	3.53E-01	2	3.53E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
GUCA1A	6	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
PRKG1	10	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
SYN3	22	2	4.15E-01	2	4.15E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
MUSK	9	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
HIST1H2BA	6	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
FHIT	3	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
PPP1R10	6	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
ZBTB44	11	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.93E-01	1	4.93E-01				
FABP9	8	2	7.38E-01	2	7.38E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
P4HA3	11	4	5.85E-01	5	5.97E-01	3	5.18E-01	4	4.94E-01	1	6.26E-01	2	7.06E-01
FBXL4	6	2	4.11E-01	2	4.11E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01	1	6.52E-01	1	6.52E-01
DYDC1	10	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
SERPINB9	6	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
CYP19A1	15	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
ZDHHC14	6	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
SH3GL3	15	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
CCDC184	12	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
PRDM6	5	3	5.76E-01	3	5.76E-01	3	4.94E-01	3	4.94E-01	1	6.48E-01	1	6.48E-01
OR2T11	1	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
ASH1L	1	12	2.03E-01	12	2.03E-01	9	4.94E-01	9	4.94E-01	7	6.62E-01	7	6.62E-01
CD27	12	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
MLLT10	10	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
NSUN6	10	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
SPATS1	6	2	2.71E-01	3	2.74E-01	1	4.94E-01	2	4.95E-01	2	6.36E-01	3	6.30E-01
PRR13	12	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
RAB40C	16	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
STK25	2	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
POLR1B	2	6	2.76E-01	6	2.76E-01	3	8.13E-01	3	8.13E-01	3	4.94E-01	3	4.94E-01
LGALS12	11	2	4.98E-01	2	4.98E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
AGMO	7	1	6.34E-01	1	6.34E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01	1	6.89E-01	1	6.89E-01
SDR9C7	12	2	2.70E-01	2	2.70E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01
SCG2	2	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
POLDIP3	22	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
EVI2B	17	1	7.19E-01	1	7.19E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
SOX9	17	1	7.19E-01	1	7.19E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
HSD17B2	16	3	9.62E-02	3	9.62E-02	1	4.94E-01	1	4.94E-01	2	6.18E-01	2	6.18E-01
ANKFY1	17	1	7.19E-01	1	7.19E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
ACSBG2	19	1	7.19E-01	1	7.19E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
OR5B21	11	1	7.19E-01	1	7.19E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
SLC12A7	5	4	2.32E-02	4	2.32E-02	1	4.94E-01	1	4.94E-01	3	4.95E-01	3	4.95E-01
LCN2	9	1	7.19E-01	1	7.19E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
MEIOC	17	4	7.34E-01	4	7.34E-01	3	4.94E-01	3	4.94E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
NIT2	3	4	1.55E-01	4	1.55E-01	4	4.94E-01	4	4.94E-01				
TRIM66	11	1	7.39E-01	3	7.19E-01	1	4.94E-01	3	1.00E+00			2	7.00E-01
TRMT12	8	2	4.29E-01	2	4.29E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01	1	6.38E-01	1	6.38E-01
TM2D3	15	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
SAFB	19	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
CFAP74	1	2	4.00E-01	2	4.00E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01	1	6.11E-01	1	6.11E-01
OR11L1	1	2	4.86E-01	2	4.86E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
NUP35	2	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
WDR36	5	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
PRKAG2	7	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
TMPPE	3	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
NXN	17	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
SNRPB2	20	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
SUN3	7	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.94E-01	1	4.94E-01				
ELFN2	22	4	1.49E-01	4	1.49E-01	4	4.95E-01	4	4.95E-01				
CYP4F12	19	1	7.08E-01	1	7.08E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
FAM218A	4	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
CHIT1	1	4	6.22E-02	5	6.20E-02	1	4.95E-01	2	4.96E-01	3	5.73E-01	4	5.73E-01
DHX8	17	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
NCAM2	21	2	4.20E-01	2	4.20E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
HTR1E	6	3	6.30E-03	3	6.30E-03					3	4.95E-01	3	4.95E-01
HSD3B1	1	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
LITAF	16	2	3.85E-01	2	3.85E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
ZC3H4	19	6	1.22E-01	6	1.22E-01	6	4.95E-01	6	4.95E-01				
DKKL1	19	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
PNLDC1	6	2	3.71E-01	2	3.71E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
LIMCH1	4	4	4.80E-01	4	4.80E-01	3	4.95E-01	3	4.95E-01	2	6.18E-01	2	6.18E-01
CYP27B1	12	2	4.46E-01	2	4.46E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
OCSTAMP	20	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
ELL2	5	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
MINK1	17	2	5.36E-01	2	5.36E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
BRD7	16	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
RBM14	11	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
C3orf58	3	2	4.22E-01	2	4.22E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
RAB8B	15	2	4.03E-01	2	4.03E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	1	5.73E-01	1	5.73E-01
ETHE1	19	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
RMND5B	5	1	6.72E-01	1	6.72E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
TSPAN17	5	2	3.18E-01	2	3.18E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
CTU1	19	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
FAM205C	9	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
FARS2	6	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
HPCAL4	1	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
HS6ST3	13	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
DGKA	12	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
SYMPK	19	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
MLANA	9	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
SHISA3	4	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
MEIOB	16	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
ZNF613	19	2	2.89E-01	2	2.89E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01
TNPO3	7	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
RTN4R	22	2	5.05E-01	2	5.05E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	1	6.69E-01	1	6.69E-01
NPPA	1			1	2.42E-02			1	6.63E-01			1	4.95E-01
SIK1	21	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01				
SNX10	7	2	4.19E-01	2	4.19E-01	1	4.95E-01	1	4.95E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
PTPRD	9	7	3.45E-01	7	3.45E-01	4	6.18E-01	4	6.18E-01	3	4.96E-01	3	4.96E-01
TNFSF15	9	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.96E-01	1	4.96E-01				
ZYX	7	3	1.44E-01	3	1.44E-01	1	4.96E-01	1	4.96E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
FAM134B	5	2	4.33E-01	2	4.33E-01	1	4.96E-01	1	4.96E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
C19orf45	19	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	4.96E-01	1	4.96E-01				
BRCA1	17	5	7.74E-01	6	8.75E-01	3	5.55E-01	4	6.29E-01	3	4.96E-01	4	6.83E-01
FAM53A	4	4	3.76E-01	4	3.76E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	4.96E-01	4	4.96E-01
MAFA	8	1	2.38E-01	2	7.61E-01			1	4.96E-01	1	5.28E-01	2	5.23E-01
KRTAP13-2	21			1	6.17E-01			1	5.85E-01			1	4.96E-01
CD2AP	6	2	3.82E-01	2	3.82E-01	1	4.96E-01	1	4.96E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
FBXO42	1	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.96E-01	1	4.96E-01				
GLIPR1L1	12	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.96E-01	1	4.96E-01				
ATP6V0B	1	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.96E-01	1	4.96E-01				
IL17A	6	2	3.03E-01	2	3.03E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01
SIMC1	5	3	1.53E-01	3	1.53E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01	2	6.68E-01	2	6.68E-01
HOXB4	17	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
HIST1H3E	6	2	3.56E-01	2	3.56E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01
BTBD9	6	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
NECAP1	12	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
TLR9	3	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
TANC1	2	7	4.49E-01	7	4.49E-01	6	4.97E-01	6	4.97E-01	1	5.93E-01	1	5.93E-01
DCST1	1	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
QRFP	9	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
GLDC	9	2	2.92E-01	2	2.92E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01	1	5.69E-01	1	5.69E-01
ALG3	3	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SPRED1	15	3	9.92E-02	3	9.92E-02	1	4.97E-01	1	4.97E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01
DOK3	5	2	2.65E-01	2	2.65E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
INTS1	7	2	3.38E-01	2	3.38E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
DNAJB7	22	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
PLL	16	2	4.31E-01	2	4.31E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
FMO5	1	1	2.30E-01	1	2.30E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
VENTX	10	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
KIAA1456	8	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
ARMC7	17	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
FRAT2	10	2	4.64E-01	2	4.64E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
MUC22	6	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
AJAP1	1	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
ESRRB	14	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
HELLS	10	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
DDX43	6	2	4.43E-01	2	4.43E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
FAM43B	1	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
REEP6	19	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
NKX3-2	4	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01				
ZNF296	19	2	3.91E-01	2	3.91E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
PLEKHF2	8	2	3.84E-01	2	3.84E-01	1	4.97E-01	1	4.97E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
USP4	3	3	1.61E-01	3	1.61E-01	3	4.97E-01	3	4.97E-01				
SENP8	15	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
AEN	15	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
FAM149B1	10	3	1.17E-01	3	1.17E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
ITGB7	12	2	4.68E-01	2	4.68E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01
TBL2	7	2	3.05E-01	3	6.27E-01	1	4.98E-01	2	5.48E-01	1	6.82E-01	2	1.00E+00
SESN3	11	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
TTC17	11	4	4.82E-02	4	4.82E-02	1	5.27E-01	1	5.27E-01	3	4.98E-01	3	4.98E-01
C10orf2	10	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
ADHFE1	8	2	3.70E-01	2	3.70E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01	1	6.09E-01	1	6.09E-01
TM9SF3	10	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
RAPGEF1	9	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
MS4A3	11	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
GALNT10	5	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
SERTAD2	2	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
ADD1	4	2	3.43E-01	2	3.43E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
MUC1	1	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
FLCN	17	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
ROM1	11	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
MRPL32	7	2	3.85E-01	2	3.85E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
XRCC5	2	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
ANKRD13A	12	1	6.72E-01	1	6.72E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
GRIA2	4	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
RFC4	3	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
SLC24A4	14	3	6.93E-02	3	6.93E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	4.98E-01	3	4.98E-01
BPIFA3	20	2	4.18E-01	2	4.18E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01	1	5.99E-01	1	5.99E-01
PCDHGA2	5	3	1.19E-01	3	1.19E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01
PHLDA2	11	2	5.31E-01	2	5.31E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TNF	6	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
UBE2U	1	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
MOB3B	9	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
SERINC4	15	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
SHD	19	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
FBXO24	7	2	6.31E-01	2	6.31E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01
CD300A	17	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
TMEM231	16	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
DNALI1	1	3	2.91E-01	3	2.91E-01	2	4.98E-01	2	4.98E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
ZNF438	10	2	5.01E-01	2	5.01E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
NEK6	9	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
GCNT2	6	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
IL18R1	2	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
AKAP5	14	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
MMP24	20	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
C17orf99	17	1	7.28E-01	1	7.28E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
COL8A1	3	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
RAMP3	7	1	7.55E-01	2	6.96E-01	1	4.98E-01	2	1.00E+00			1	1.00E+00
RNF187	1	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.98E-01	1	4.98E-01				
HRSP12	8	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
DNAJC16	1	3	1.10E-01	3	1.10E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
ICAM5	19	2	1.23E-01	2	1.23E-01	2	4.99E-01	2	4.99E-01				
MAP7	6	6	1.21E-01	6	1.21E-01	6	4.99E-01	6	4.99E-01				
FAM200B	4	4	1.95E-01	5	3.15E-01	4	5.14E-01	5	4.99E-01			1	6.89E-01
GP6	19	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	5.00E-01	3	5.00E-01	2	4.99E-01	2	4.99E-01
PRR14	16	3	1.42E-01	3	1.42E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01
RABL6	9	2	3.19E-01	2	3.19E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01
ZER1	9	2	4.24E-01	2	4.24E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01	1	5.88E-01	1	5.88E-01
BMPR1A	10	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01	1	5.93E-01	1	5.93E-01
COL13A1	10	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
DDIT4	10	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
PSIP1	9	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
XPA	9	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
IFI30	19	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
LMOD1	1	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
ZNF14	19	2	5.09E-01	2	5.09E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
PRMT5	14	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
DDX39A	19	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
RBMS1	2	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
RTP3	3	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
NTN4	12	1	4.06E-01	1	4.06E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
ARID2	12	5	4.56E-01	5	4.56E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	4.99E-01	4	4.99E-01
ASB17	1	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
SPRED2	2	2	4.47E-01	2	4.47E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01	1	6.60E-01	1	6.60E-01
DHX16	6	3	9.57E-02	3	9.57E-02	1	4.99E-01	1	4.99E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
RNF183	9	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
C21orf62	21	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
GPATCH1	19	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TRIM62	1	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	4.99E-01	1	4.99E-01				
NLRP1	17	8	1.00E+00	8	1.00E+00	7	6.76E-01	7	6.76E-01	5	5.00E-01	5	5.00E-01
CTSB	8	6	8.52E-01	6	8.52E-01	4	5.14E-01	4	5.14E-01	3	5.00E-01	3	5.00E-01
FAM71A	1	4	5.29E-01	4	5.29E-01	4	5.52E-01	4	5.52E-01	3	5.00E-01	3	5.00E-01
LMNTD2	11	3	7.18E-01	4	1.87E-01	2	6.14E-01	3	8.85E-01	2	6.25E-01	3	5.00E-01
SEMA7A	15	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
NAA25	12	2	3.62E-01	2	3.62E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01	1	6.37E-01	1	6.37E-01
PANX1	11	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
TBC1D22B	6	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
PWP1	12	2	2.23E-01	2	2.23E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
RSPO2	8	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
VCAM1	1	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
TPI1	12	1	7.05E-01	1	7.05E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01	1	6.60E-01	1	6.60E-01
PIGV	1	2	4.42E-01	2	4.42E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
METTL13	1	2	4.27E-01	2	4.27E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01	1	6.96E-01	1	6.96E-01
SOX1	13	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
RUFY2	10	1	6.70E-01	1	6.70E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
HOGA1	10	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
ARRB2	17	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
RSPO1	1	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
ERAP1	5	6	2.67E-01	6	2.67E-01	5	5.00E-01	5	5.00E-01	5	7.63E-01	5	7.63E-01
MGAT4B	5	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
GPR83	11	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
PAQR9	3	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
DNLZ	9	4	2.01E-01	4	2.01E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	1	5.00E-01	1	5.00E-01
MYT1L	2	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
FOXC2	16	1	7.30E-01	1	7.30E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01	1	6.35E-01	1	6.35E-01
MFSD14B	9	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
DEFB1	8	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
GLUD1	10	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
NHEJ1	2	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
WDTC1	1	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
INSIG1	7	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
ZNF701	19	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
GALR3	22	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
SREK1IP1	5	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
ATRAID	2	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
NPW	16	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
RNF145	5	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.00E-01	1	5.00E-01				
AS3MT	10	2	2.67E-01	2	2.67E-01	2	5.00E-01	2	5.00E-01				
CDH11	16	3	3.33E-01	4	3.34E-01	3	6.40E-01	4	6.40E-01			1	5.01E-01
NSMCE4A	10	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
GK2	4	2	2.63E-01	2	2.63E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
DMC1	22	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
SV2C	5	2	3.57E-01	2	3.57E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
CLEC4D	12	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
IDH2	15	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
MTRF1	13	2	3.79E-01	2	3.79E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
EMILIN2	18	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
WDR54	2	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
MAPK8IP1	11	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
ATP1A3	19	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
SMARCD3	7	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
DENND6A	3	3	5.90E-01	3	5.90E-01	3	5.01E-01	3	5.01E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
HAAO	2	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
NGLY1	3	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
CYB561	17	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
FASLG	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
SLC35D1	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
EPB41L2	6	3	7.10E-01	3	7.10E-01	3	5.01E-01	3	5.01E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01
MBOAT4	8	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
C16orf58	16	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
MVK	12	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
ZNF512B	20	2	4.62E-01	2	4.62E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
CLEC12A	12	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
TATDN2	3	2	4.81E-01	2	4.81E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.69E-01	1	6.69E-01
CLEC14A	14	2	4.85E-01	2	4.85E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.05E-01	1	6.05E-01
BEND3	6	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
CACNG8	19	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
CNNM4	2	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
OSBPL1A	18	4	3.18E-01	4	3.18E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	5.01E-01	3	5.01E-01
ULK3	15	2	1.95E-01	2	1.95E-01	2	5.01E-01	2	5.01E-01				
HNRNPU	1	2	3.91E-01	2	3.91E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
OR10K1	1	2	4.38E-01	2	4.38E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
TBX15	1	2	3.71E-01	3	3.59E-01	1	5.01E-01	2	1.00E+00	1	6.34E-01	2	1.00E+00
SCGB3A2	5	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
ZNF517	8	1	6.70E-01	1	6.70E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
SLC35A3	1	2	4.81E-01	2	4.81E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.19E-01	1	6.19E-01
ADAM12	10	2	4.18E-01	2	4.18E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
GJB2	13	1	6.80E-01	1	6.80E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
ARHGEF5	7	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
MATR3	5	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
PMM1	22	2	2.73E-01	2	2.73E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
SERPINA4	14	2	4.50E-01	2	4.50E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
KCNK4	11	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
ADPRM	17	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
CTSW	11	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
CDC23	5	2	4.32E-01	2	4.32E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
CEBPB	20	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
SYDE1	19	3	1.56E-01	3	1.56E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01
C12orf77	12	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
TRAPPC3L	6	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
DUXA	19	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
DHRS1	14	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
PRIMA1	14	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
ERCC1	19	1	6.97E-01	1	6.97E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
LEAP2	5	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
TGM6	20	3	5.25E-01	3	5.25E-01	2	5.01E-01	2	5.01E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
POGK	1	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
C7orf61	7	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01				
HSF2BP	21	1	7.09E-01	1	7.09E-01	1	5.01E-01	1	5.01E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
RUNX1	21	1	7.29E-01	1	7.29E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
ACTR8	3	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
LHX4	1	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
PLCL2	3	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
VPS33A	12	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
CDHR1	10	2	2.89E-01	2	2.89E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
DPP8	15	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
MMP13	11	2	3.53E-01	2	3.53E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
EVX1	7	2	4.07E-01	2	4.07E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01
C2orf42	2	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
TBK1	12	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
TMEM179B	11	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
SECISBP2L	15	5	1.68E-01	5	1.68E-01	2	5.86E-01	2	5.86E-01	3	5.02E-01	3	5.02E-01
WDR12	2	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
C11orf24	11	1	7.50E-01	2	7.51E-01	1	5.02E-01	2	5.02E-01			1	7.88E-01
TMEM145	19	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
U2SURP	3	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
PFDN5	12	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
CCND3	6	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
FBXO3	11	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
TERF1	8	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
KIAA0196	8	5	5.99E-01	5	5.99E-01	4	5.02E-01	4	5.02E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
ALDH8A1	6	2	3.82E-01	2	3.82E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
HSP90AA1	14	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
SRSF1	17	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
SPON2	4	2	4.22E-01	2	4.22E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01	1	6.09E-01	1	6.09E-01
CCDC137	17	1	7.55E-01	3	1.50E-01	1	5.02E-01	3	5.56E-01			2	6.98E-01
PDXP	22	2	4.09E-01	2	4.09E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01	1	6.52E-01	1	6.52E-01
PGR	11	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
GFRA1	10	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
MB	22	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
CLDN1	3	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
NMS	2	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
TNFAIP8L2	1	1	7.16E-01	1	7.16E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
CTSH	15	1	6.95E-01	2	8.64E-01	1	5.02E-01	2	6.69E-01	1	6.17E-01	2	8.05E-01
FGF23	12	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
ALAS1	3	2	4.34E-01	2	4.34E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
ACSM6	10	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
KRTCAP3	2	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
PRELID1	5	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
METAP2	12	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
GDF3	12	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
TMEM170A	16	2	4.07E-01	2	4.07E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MOG	6	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
ZNRD1	6	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
FAM129A	1	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
RASL12	15	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
CD82	11	1	7.31E-01	1	7.31E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01	1	5.98E-01	1	5.98E-01
TST	22	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
ZNF180	19	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
C7orf33	7	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
PPP1R13B	14	2	3.76E-01	2	3.76E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
OR5K3	3	4	1.45E-01	5	1.56E-01	1	5.02E-01	2	5.96E-01	3	6.30E-01	4	6.74E-01
PGLYRP2	19	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
THUMPD1	16	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
ALX3	1	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
ZWILCH	15	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.02E-01	1	5.02E-01				
LZTS2	10	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
HIST3H2A	1	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
GNB5	15	2	4.40E-01	2	4.40E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
C16orf52	16	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
CCR9	3	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
PEX3	6	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
DACT3	19	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
ORC3	6	2	3.47E-01	2	3.47E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01	1	6.19E-01	1	6.19E-01
WBSCR27	7	2	6.13E-01	2	6.13E-01	2	5.03E-01	2	5.03E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01
TAP2	6	1	6.92E-01	2	6.97E-01	1	5.03E-01	2	5.04E-01	1	6.37E-01	2	6.42E-01
C6orf25	6	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
OR3A2	17	1	6.69E-01	1	6.69E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
DSN1	20	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
C11orf52	11	2	4.89E-01	2	4.89E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01	1	6.32E-01	1	6.32E-01
EIF3L	22	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
MAP3K7	6	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
CSGALNACT2	10	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
LPCAT1	5	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
PNPLA8	7	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
CDCA2	8	4	4.75E-01	4	4.75E-01	2	6.83E-01	2	6.83E-01	3	5.03E-01	3	5.03E-01
ATP1A1	1	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
COX20	1	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
APOL5	22	2	3.83E-01	4	3.83E-01	1	5.03E-01	3	5.07E-01	1	6.50E-01	3	6.57E-01
TTC8	14	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
HELZ	17	2	4.33E-01	3	4.51E-01	1	5.03E-01	2	5.64E-01	1	6.23E-01	2	6.64E-01
CAPZA2	7	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
ZNF660	3	1	6.90E-01	1	6.90E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
TBX4	17	1	6.96E-01	1	6.96E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
OR8J3	11	1	7.42E-01	2	1.00E+00	1	5.44E-01	2	6.86E-01			1	5.03E-01
USP13	3	4	2.17E-01	4	2.17E-01	3	5.58E-01	3	5.58E-01	2	5.03E-01	2	5.03E-01
AKAP8L	19	3	7.31E-03	3	7.31E-03					3	5.03E-01	3	5.03E-01
ADCY10	1	5	4.10E-01	5	4.10E-01	5	5.03E-01	5	5.03E-01	1	6.71E-01	1	6.71E-01
SPR	2	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
PRLHR	10	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ERBB3	12	2	2.93E-01	3	3.43E-01	1	5.03E-01	2	6.43E-01	1	6.32E-01	2	7.87E-01
PMAIP1	18	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.03E-01	1	5.03E-01				
SLC16A6	17	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
TMEM5	12	2	4.40E-01	2	4.40E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
VAPA	18	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
APAF1	12	2	5.10E-01	2	5.10E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01
PPP1R3C	10	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
KBTBD4	11	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
FAM195B	17	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
USP49	6	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
IL21R	16	2	4.01E-01	2	4.01E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01	1	6.26E-01	1	6.26E-01
TLX1	10	2	4.26E-01	2	4.26E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
TMEM141	9	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
IER5L	9	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
EPAS1	2	2	2.30E-01	2	2.30E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
C11orf63	11	2	6.30E-01	2	6.30E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
LDLRAD3	11	3	1.37E-01	3	1.37E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
C10orf113	10	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
TBCCD1	3	3	1.05E-01	3	1.05E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01	2	6.11E-01	2	6.11E-01
REG3A	2	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
MAP3K5	6	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
DCAF13	8	4	4.64E-02	4	4.64E-02	1	5.43E-01	1	5.43E-01	3	5.04E-01	3	5.04E-01
ZNF536	19	5	2.03E-01	5	2.03E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	5.04E-01	3	5.04E-01
TUBB1	20	8	1.70E-01	8	1.70E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	7	5.04E-01	7	5.04E-01
SUPT16H	14	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
SLC7A6	16	2	3.88E-01	2	3.88E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
MYL6	12	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
MED8	1	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
GPANK1	6	2	3.27E-01	2	3.27E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01
KRIT1	7	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
PCDHB15	5	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
MED31	17	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
MSX1	4	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
PTCD2	5	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
GPRC5C	17	5	5.37E-01	5	5.37E-01	3	7.51E-01	3	7.51E-01	3	5.04E-01	3	5.04E-01
GPD1	12	3	1.57E-01	3	1.57E-01	3	5.04E-01	3	5.04E-01				
COX6A1	12	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
HBP1	7	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
CLN6	15	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
AAGAB	15	2	2.87E-01	2	2.87E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
BTN1A1	6	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
C11orf94	11	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
MYPN	10	8	8.10E-01	9	8.10E-01	6	5.04E-01	7	5.04E-01	2	6.29E-01	3	6.29E-01
NEURL4	17	4	3.71E-02	5	3.61E-02	1	5.27E-01	2	5.52E-01	3	5.04E-01	4	5.05E-01
MVD	16	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
SPG21	15	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
PDK2	17	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
POMGNT2	3	2	4.41E-01	2	4.41E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
OTOR	20	1	7.55E-01	2	8.17E-01	1	5.04E-01	2	5.56E-01			1	6.22E-01
SGCD	5	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
ERLIN1	10	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.04E-01	1	5.04E-01				
C16orf13	16	4	3.21E-01	4	3.21E-01	3	5.34E-01	3	5.34E-01	2	5.05E-01	2	5.05E-01
CAT	11	6	7.95E-01	6	7.95E-01	4	6.20E-01	4	6.20E-01	3	5.05E-01	3	5.05E-01
CABLES2	20	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
GARNL3	9	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
ZFAND2A	7	1	7.10E-01	1	7.10E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
RSBN1L	7	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
ACCSL	11	3	1.00E-01	3	1.00E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01
FNBP1L	1	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
RCAN3	1	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
COX18	4	3	7.25E-01	3	7.25E-01	2	5.05E-01	2	5.05E-01	3	5.10E-01	3	5.10E-01
FBN2	5	7	8.36E-01	7	8.36E-01	6	5.05E-01	6	5.05E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
OR12D2	6	2	2.22E-01	3	2.22E-01	2	7.66E-01	3	7.66E-01			1	5.05E-01
SUCLG2	3	2	4.05E-01	2	4.05E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
BCS1L	2	1	7.22E-01	1	7.22E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
SULT2A1	19	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
TMEM247	2	3	1.56E-01	3	1.56E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01
P4HA1	10	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
KLHL31	6	2	2.23E-01	2	2.23E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01
ARHGAP27	17	2	6.30E-01	3	2.92E-01	1	5.05E-01	2	5.98E-01	1	6.29E-01	2	8.40E-01
AP3B1	5	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
FAM174B	15	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
FAM89B	11	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
LIMD2	17	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
PTRH1	9	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
BTBD3	20	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
OR10A3	11	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
PC	11	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
VPS13D	1	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
DTNB	2	2	4.00E-01	2	4.00E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
SAAL1	11	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
NIT1	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
PTGDR	14	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
HLCS	21	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
GLIS2	16	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.05E-01	1	5.05E-01				
TOPAZ1	3	1	7.10E-01	1	7.10E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	5.05E-01	1	5.05E-01
APP	21	3	4.25E-01	3	4.25E-01	2	5.05E-01	2	5.05E-01	1	6.60E-01	1	6.60E-01
SCN11A	3	6	3.18E-01	6	3.18E-01	3	7.87E-01	3	7.87E-01	3	5.06E-01	3	5.06E-01
TMEM74B	20	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
LCMT1	16	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
PSMA1	11	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
NELFB	9	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
ZNF213	16	3	4.96E-01	3	4.96E-01	2	7.00E-01	2	7.00E-01	2	5.06E-01	2	5.06E-01
SH3BGR2	6	2	4.61E-01	2	4.61E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
SDF4	1	3	8.72E-03	3	8.72E-03					3	5.06E-01	3	5.06E-01
TCEA3	1	2	4.15E-01	2	4.15E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	1	5.99E-01	1	5.99E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PRELP	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
ZNF362	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
PPFIA4	1	5	7.15E-01	5	7.15E-01	4	5.06E-01	4	5.06E-01	3	5.69E-01	3	5.69E-01
AHDC1	1	3	1.25E-01	3	1.25E-01	3	5.06E-01	3	5.06E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
GREB1	2	7	5.18E-01	7	5.18E-01	5	6.95E-01	5	6.95E-01	4	5.06E-01	4	5.06E-01
ZFAT	8	6	3.78E-01	6	3.78E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	5.06E-01	3	5.06E-01
AK2	1	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
RAD50	5	2	4.63E-01	2	4.63E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
SEMA4F	2	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
HESX1	3	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
C3orf22	3	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
CHMP2A	19	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
JADE1	4	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
LRRC42	1	2	4.08E-01	2	4.08E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	1	6.09E-01	1	6.09E-01
AP4B1	1	2	3.16E-01	2	3.16E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
DEFB128	20	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
NF1	17	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
C12orf74	12	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
C16orf72	16	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
CPA2	7	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
OR7G1	19	2	3.48E-01	2	3.48E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
NKPD1	19	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
ORC5	7	2	3.40E-01	2	3.40E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
SNRNP70	19	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
KLRC4-KLRK1	12	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
KLRK1	12	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
MOB3A	19	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
CNR2	1	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
IRX5	16	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
LMBR1L	12	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
TPRA1	3	2	2.72E-01	2	2.72E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
TTC39B	9	2	3.94E-01	2	3.94E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
ANTXR1	2	2	4.29E-01	2	4.29E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	1	6.63E-01	1	6.63E-01
LZTR1	22	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
WBP4	13	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
AFF3	2	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
ZP2	16	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
SNX18	5	2	4.41E-01	2	4.41E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01
KIF1A	2	3	1.79E-01	3	1.79E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
SBSN	19	2	4.39E-01	2	4.39E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
LY9	1	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
PRDM8	4	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
RHEBL1	12	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.06E-01	1	5.06E-01				
C8orf82	8	2	6.37E-01	2	6.37E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01
ANGPT4	20	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
FBXW12	3	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
ETV5	3	2	3.86E-01	2	3.86E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.37E-01	1	6.37E-01
DHCR24	1	2	4.48E-01	2	4.48E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
FYCO1	3	6	1.19E-01	6	1.19E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	5.07E-01	5	5.07E-01
RASSF7	11	1	7.48E-01	2	6.69E-01	1	5.07E-01	2	1.00E+00	1		1	7.50E-01
TTL1	22	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
SLC35D3	6	2	4.05E-01	2	4.05E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
ACRBP	12	2	4.14E-01	2	4.14E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	5.99E-01	1	5.99E-01
TMEM206	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
CYP11A1	15	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
MTHFD2	2	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
KCNA5	12	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
OR6A2	11	2	4.40E-01	2	4.40E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
PLSCR1	3	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
3-Mar	5	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
ZNF549	19	5	1.26E-01	5	1.26E-01	2	6.59E-01	2	6.59E-01	3	5.07E-01	3	5.07E-01
TMCO6	5	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
RAD17	5	1	7.53E-01	2	7.54E-01	1	5.07E-01	2	5.07E-01	1		1	1.00E+00
PARBP	12	2	3.72E-01	2	3.72E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
MRPS7	17	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
SERPINB6	6	2	4.00E-01	2	4.00E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
PRMT7	16	2	6.28E-01	2	6.28E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01
ARHGAP31	3	1	7.12E-01	1	7.12E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
MRPL3	3	2	2.76E-01	2	2.76E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
RAB34	17	2	5.69E-01	2	5.69E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	5.67E-01	1	5.67E-01
NARR	17	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
STC1	8	2	4.12E-01	2	4.12E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
DERA	12	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
TMTC4	13	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
CYB5D1	17	1	7.55E-01	2	8.66E-01	1	5.07E-01	2	6.08E-01	1		1	7.52E-01
SIRT6	19	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
NXPE3	3	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
ANKH	5	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
GNPTAB	12	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
GHRHR	7	2	3.71E-01	2	3.71E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
ACSL6	5	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
TET3	2			1	9.45E-01			1	5.20E-01			1	5.07E-01
SOCS4	14	2	3.90E-01	2	3.90E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
DPYS	8	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
TFDP1	13	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
PTCD3	2	5	6.26E-01	5	6.26E-01	3	5.94E-01	3	5.94E-01	3	5.07E-01	3	5.07E-01
CCR1	3	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
BMP5	6	2	3.60E-01	2	3.60E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
FUT5	19	1	7.30E-01	1	7.30E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01
EXOSC10	1	3	7.04E-03	3	7.04E-03					3	5.07E-01	3	5.07E-01
C4orf26	4	2	3.78E-01	2	3.78E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
LRFN5	14	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
PPP1R27	17	1	6.34E-01	1	6.34E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01
CRISPLD1	8	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
MIER3	5	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	
PNO1	2	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1		1	

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CCR8	3	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
DBNDD1	16	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
KIAA1462	10	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	5.07E-01	5	5.07E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01
ADGRG7	3	6	1.00E-01	6	1.00E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	5.07E-01	4	5.07E-01
SLC27A3	1	2	4.95E-01	2	4.95E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
TMEM81	1	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
OR52W1	11	1	7.53E-01	2	7.69E-01	1	5.07E-01	2	5.12E-01			1	1.00E+00
GLYCTK	3	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
YES1	18	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
SF3B1	2	2	3.48E-01	2	3.48E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	5.95E-01	1	5.95E-01
KLC2	11	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
DCDC1	11	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
LANCL2	7	2	3.50E-01	2	3.50E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
CCNI	4	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
MLX	17	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
C1orf111	1	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
MMD2	7	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
OLFM1	9	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
CBL	11	2	4.49E-01	2	4.49E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01
CA12	15	1	6.98E-01	1	6.98E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
CENPB	20	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
GINM1	6	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.07E-01	1	5.07E-01				
PHF20	20	7	7.65E-01	7	7.65E-01	5	5.08E-01	5	5.08E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
CEACAM16	19	4	8.73E-01	4	8.73E-01	3	5.08E-01	3	5.08E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
CDH22	20	4	1.63E-01	4	1.63E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	3	5.08E-01	3	5.08E-01
FAM184A	6	5	5.39E-01	5	5.39E-01	3	8.30E-01	3	8.30E-01	3	5.08E-01	3	5.08E-01
PCDH15	10	6	7.10E-01	6	7.10E-01	4	6.14E-01	4	6.14E-01	3	5.08E-01	3	5.08E-01
CHN2	7	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.08E-01	1	5.08E-01				
PPP4R3B	2	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.08E-01	1	5.08E-01				
ERICH2	2	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.08E-01	1	5.08E-01				
SLC25A20	3	3	1.48E-01	3	1.48E-01	1	5.08E-01	1	5.08E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
CLPTM1	19	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.08E-01	1	5.08E-01				
ATP6V0A4	7	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.08E-01	1	5.08E-01				
ZSCAN2	15	2	7.43E-01	2	7.43E-01	2	5.08E-01	2	5.08E-01				
FOXO6	1	1	6.68E-01	1	6.68E-01	1	5.08E-01	1	5.08E-01	1	6.15E-01	1	6.15E-01
CLCA2	1	2	4.87E-01	3	4.87E-01	1	5.08E-01	2	5.09E-01	1	6.05E-01	2	6.06E-01
PYCR2	1	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.08E-01	1	5.08E-01				
FAM3D	3	2	2.84E-01	2	2.84E-01	1	5.08E-01	1	5.08E-01	1	6.20E-01	1	6.20E-01
ZBTB46	20	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.08E-01	1	5.08E-01				
GCM2	6	3	2.16E-01	3	2.16E-01	1	5.08E-01	1	5.08E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01
POLR3G	5	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.08E-01	1	5.08E-01				
SDCBP2	20	6	5.41E-01	8	6.06E-01	4	5.08E-01	6	5.61E-01	5	8.52E-01	7	1.00E+00
ADARB1	21	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
MGAT2	14	1	7.25E-01	1	7.25E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01	1	6.48E-01	1	6.48E-01
SLC18A2	10	3	1.51E-01	3	1.51E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
DCTPP1	16	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
SEC24A	5	4	5.86E-01	4	5.86E-01	4	5.09E-01	4	5.09E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
ANKRD62	18	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CR1	1	3	1.63E-01	4	1.63E-01	1	5.09E-01	2	5.15E-01	2	6.25E-01	3	6.27E-01
SYK	9	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
PDC	1	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
RNF217	6	2	4.15E-01	2	4.15E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
FEZ2	2	2	2.57E-01	2	2.57E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01
KCNK16	6	1	1.54E-01	1	1.54E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
FREM2	13	13	7.02E-01	15	8.00E-01	11	5.99E-01	13	7.44E-01	6	5.09E-01	8	6.81E-01
ALPK2	18	9	4.48E-03	11	6.94E-03	9	6.39E-01	11	7.37E-01	4	5.96E-01	6	5.09E-01
TMEM119	12	1	6.96E-01	1	6.96E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
FOXP2	7	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
SMIM13	6	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
ZNF324	19	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
PTPRB	12	5	6.61E-01	5	6.61E-01	3	5.18E-01	3	5.18E-01	3	5.09E-01	3	5.09E-01
CYP1A2	15	3	5.91E-01	3	5.91E-01	3	5.09E-01	3	5.09E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
CEMIP	15	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
CDC6	17	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
AGK	7	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
PCP2	19	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
ALPK3	15	9	7.22E-01	10	7.21E-01	5	5.09E-01	6	5.09E-01	6	6.57E-01	7	6.56E-01
CRISP1	6	2	3.98E-01	2	3.98E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01	1	5.73E-01	1	5.73E-01
MCM6	2	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
ACBD4	17	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
RNF31	14	2	3.82E-01	2	3.82E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
DEFB113	6	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
HBB	11	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
UQCC3	11	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
TRIM44	11	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
SEC62	3	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
TBC1D9	4	3	1.24E-01	3	1.24E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
CPPED1	16	2	3.76E-01	2	3.76E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01
GPHA2	11	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
MEGF11	15	6	8.44E-01	6	8.44E-01	4	5.40E-01	4	5.40E-01	3	5.09E-01	3	5.09E-01
FAM126B	2	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
LHFPL5	6	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.09E-01	1	5.09E-01				
DGKE	17	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
FAXC	6	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
TAF1A	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
FAM221B	9	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
SPZ1	5	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
SHISA4	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
NEDD1	12	2	3.92E-01	2	3.92E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
SHC4	15	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
CCDC124	19	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
MAP3K8	10	1	6.78E-01	1	6.78E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01
RADIL	7	6	8.12E-01	6	8.12E-01	4	6.10E-01	4	6.10E-01	3	5.10E-01	3	5.10E-01
PDE4C	19	3	8.37E-03	3	8.37E-03					3	5.10E-01	3	5.10E-01
MXRA7	17	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
PROSER3	19	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
NPBWR2	20	2	4.13E-01	2	4.13E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
SFRP5	10	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
C11orf53	11	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
C9orf57	9	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
LPAR2	19	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
SLC35C2	20	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
ITGB1	10	2	4.65E-01	2	4.65E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
MTAP	9	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
SS18L2	3	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
IL20RB	3	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
SIRT1	10	2	5.12E-01	2	5.12E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01	1	6.32E-01	1	6.32E-01
RNF168	3	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
CLSPN	1	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
OXSM	3	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
RCAN2	6	1	7.44E-01	1	7.44E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
C16orf78	16	4	5.82E-01	4	5.82E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	5.10E-01	3	5.10E-01
IFI44L	1	2	2.88E-01	2	2.88E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	5.10E-01	1	5.10E-01
C17orf80	17	4	7.82E-01	4	7.82E-01	3	6.10E-01	3	6.10E-01	3	5.10E-01	3	5.10E-01
TMEM131	2	6	7.09E-01	6	7.09E-01	4	5.85E-01	4	5.85E-01	3	5.10E-01	3	5.10E-01
FAM217A	6	5	1.10E-01	5	1.10E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	5.10E-01	4	5.10E-01
ANGEL2	1	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
ZFYVE28	4	3	1.31E-01	3	1.31E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01
JAKMIP1	4	2	3.47E-01	2	3.47E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
ISL2	15	1	7.11E-01	1	7.11E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01	1	6.70E-01	1	6.70E-01
SLC25A22	11	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
DEPDC1B	5	2	4.44E-01	2	4.44E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
ACSS2	20	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
SLC35B3	6	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
LAYN	11	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
CXXC5	5	2	4.62E-01	2	4.62E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01	1	6.56E-01	1	6.56E-01
ATP5G1	17	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.10E-01	1	5.10E-01				
FAM71E1	19	1	7.26E-01	1	7.26E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01	1	5.88E-01	1	5.88E-01
WNT4	1	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
LRTM2	12	1	7.59E-01	2	2.41E-01	1	5.11E-01	2	6.97E-01			1	1.00E+00
FETUB	3	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
RNASE11	14	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
GPR137C	14	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
CCDC159	19	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	5.11E-01	4	5.11E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
MS4A14	11	2	4.95E-01	2	4.95E-01	2	5.11E-01	2	5.11E-01				
ADNP2	18	2	2.99E-01	2	2.99E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01	1	6.89E-01	1	6.89E-01
LMBRD2	5	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
ARID4B	1	2	4.48E-01	2	4.48E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
KLRD1	12	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
RNF113B	13	2	4.69E-01	3	5.42E-01	1	5.11E-01	2	8.77E-01	1	5.77E-01	2	7.87E-01
CD276	15	1	7.12E-01	1	7.12E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
RFC2	7	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
SOX7	8	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
WNT7B	22	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PREPL	2	2	4.60E-01	2	4.60E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
RABGAP1L	1	2	3.90E-01	2	3.90E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01	1	6.11E-01	1	6.11E-01
PTPN7	1	2	4.17E-01	2	4.17E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
MCOLN1	19	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
EIF3I	1	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
RECQL	12	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
RASGRF2	5	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
TM4SF20	2	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
SNRNP200	2	2	4.92E-01	2	4.92E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
WISP3	6	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
ERICH4	19	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
FBXL17	5	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
PSMF1	20	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
SASS6	1	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.11E-01	1	5.11E-01				
KCNAB2	1	3	6.46E-03	3	6.46E-03					3	5.11E-01	3	5.11E-01
SHCBP1L	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.11E-01	2	5.11E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
DMRT2	9	5	4.85E-01	6	4.89E-01	3	1.00E+00	4	1.00E+00	4	5.12E-01	5	5.71E-01
CAST	5	2	3.25E-01	2	3.25E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01	1	7.00E-01	1	7.00E-01
KRTAP26-1	21	1	6.92E-01	2	7.13E-01	1	5.12E-01	2	7.12E-01	1	6.06E-01	2	8.79E-01
CCDC189	16	1	7.06E-01	1	7.06E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01	1	5.99E-01	1	5.99E-01
BCAS1	20	3	3.40E-01	4	4.22E-01	3	7.54E-01	4	8.15E-01			1	5.12E-01
PLEKHH1	14	6	2.47E-01	7	2.47E-01	4	5.12E-01	5	6.18E-01	3	1.00E+00	4	1.00E+00
DCPS	11	3	8.11E-01	3	8.11E-01	2	5.12E-01	2	5.12E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
RUNX2	6	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
CCL24	7	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
FAM19A5	22	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
IL37	2	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
SMPD3	16	5	6.79E-01	5	6.79E-01	3	8.12E-01	3	8.12E-01	3	5.12E-01	3	5.12E-01
TMTC1	12	6	6.00E-01	6	6.00E-01	5	5.12E-01	5	5.12E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
NPC1	18	2	4.09E-01	2	4.09E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
OR5B2	11	3	1.59E-01	3	1.59E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01
NETO1	18	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
SMC1B	22	1	7.50E-01	2	8.74E-01	1	5.12E-01	2	1.00E+00			1	1.00E+00
TRIM55	8	2	4.14E-01	2	4.14E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
VMP1	17	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
WDR92	2	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
ZNF568	19	6	6.96E-01	8	6.88E-01	4	5.38E-01	6	5.12E-01	3	5.24E-01	5	6.67E-01
GRINA	8	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
ACOT8	20	2	3.41E-01	2	3.41E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
VGF	7	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
RERE	1	2	3.00E-01	2	3.00E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
PRKAR1B	7	2	4.11E-01	2	4.11E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01	1	6.69E-01	1	6.69E-01
RUSC1	1	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
MOSPD3	7	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
LUC7L3	17	2	3.90E-01	2	3.90E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
CCDC97	19	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
CD28	2	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
CDA5	11	1	6.44E-01	1	6.44E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01	1	6.20E-01	1	6.20E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
WDR93	15	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
FAM169B	15	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
ZCRB1	12	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
TAF9	5	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
ARHGEF2	1	2	7.55E-01	2	7.55E-01	2	5.12E-01	2	5.12E-01				
FAM192A	16	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
WBP2	17	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
PRKCE	2	1	6.87E-01	1	6.87E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
TOR2A	9	2	3.16E-01	2	3.16E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01	1	6.82E-01	1	6.82E-01
BLMH	17	2	3.39E-01	2	3.39E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
CXCR6	3	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
BRD9	5	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
CLUL1	18	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
SPEF2	5	10	3.57E-01	10	3.57E-01	10	1.00E+00	10	1.00E+00	4	5.12E-01	4	5.12E-01
SMG9	19	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
USP15	12	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
PIGZ	3	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
MTFR1	8	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.12E-01	1	5.12E-01				
BCL2L11	2	2	4.23E-01	2	4.23E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
MMADHC	2	2	3.55E-01	2	3.55E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
COX5A	15	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01				
SLC17A5	6	3	2.99E-01	3	2.99E-01	2	5.13E-01	2	5.13E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
KRT33A	17	3	3.60E-01	3	3.60E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	5.13E-01	2	5.13E-01
PCK1	20	5	1.55E-01	5	1.55E-01	2	5.74E-01	2	5.74E-01	3	5.13E-01	3	5.13E-01
STAM2	2	3	1.22E-01	3	1.22E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
XRCC2	7	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01				
AGTPBP1	9	2	4.17E-01	2	4.17E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
DNA2	10	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01				
PGC	6	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01				
TMEM89	3	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01				
PLEKHN1	1	2	3.82E-01	2	3.82E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
NFU1	2	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01				
FNIP2	4	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01				
OR11A1	6	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01				
TMEM14A	6	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01				
ALKBH2	12	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01				
LIN7C	11	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.13E-01	1	5.13E-01				
TTK	6	5	5.48E-01	5	5.48E-01	3	6.89E-01	3	6.89E-01	3	5.14E-01	3	5.14E-01
HMGB2	4	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
FAM228A	2	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
EHF	11	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
TAOK1	17	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
WDR59	16	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
SKA2	17	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
CWF19L2	11	6	4.77E-01	6	4.77E-01	5	5.14E-01	5	5.14E-01	1	6.52E-01	1	6.52E-01
MLIP	6	3	8.82E-03	3	8.82E-03					3	5.14E-01	3	5.14E-01
PDCD1	2	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
EXD1	15	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
HIST1H1C	6	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
PRRT4	7	2	6.23E-01	2	6.23E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
ZNF266	19	2	3.52E-01	2	3.52E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
SLTM	15	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
CALML6	1	1	7.14E-01	1	7.14E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
PRPH	12	2	4.35E-01	2	4.35E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
C10orf76	10	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
ZNF215	11	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
PCDH7	4	2	4.36E-01	2	4.36E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01	1	6.71E-01	1	6.71E-01
ANAPC7	12	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
SSTR1	14	2	4.61E-01	2	4.61E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
SP1	12	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
IRGQ	19	2	5.06E-01	2	5.06E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
TRHR	8	1	6.91E-01	1	6.91E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
GRIN2D	19	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.14E-01	1	5.14E-01				
C22orf29	22	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
CHKB	22	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
MTSS1L	16	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
SRC	20	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
KMT2A	11	2	3.94E-01	2	3.94E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
TNNT2	1	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
PPP1R15A	19	2	3.36E-01	4	2.94E-01	1	5.15E-01	3	7.71E-01	2	6.40E-01	4	1.00E+00
STK4	20	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
PTPN11	12	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
ATP6VOD1	16	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
A2ML1	12	4	3.59E-01	5	3.59E-01	3	5.15E-01	4	5.15E-01	1	6.45E-01	2	6.52E-01
GPR135	14	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
NEK8	17	3	1.43E-01	3	1.43E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01	2	6.67E-01	2	6.67E-01
MPZL3	11	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
11-Mar	5	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
BNIP1	5	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
PARP9	3	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
MCMBP	10	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
CLK1	2	2	5.33E-01	2	5.33E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
NINJ2	12	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
RBP2	3	1	6.80E-01	1	6.80E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
ARL6	3	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
CYP1B1	2	3	3.27E-01	3	3.27E-01	2	5.15E-01	2	5.15E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
SLC6A6	3	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
PLK3	1	1	7.07E-01	1	7.07E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01	1	6.38E-01	1	6.38E-01
EGFR	7	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
PBLD	10	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
PPP2R5A	1	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
CD58	1	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.15E-01	1	5.15E-01				
TENM2	5	14	8.11E-01	14	8.11E-01	11	6.06E-01	11	6.06E-01	6	5.15E-01	6	5.15E-01
CFL2	14	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01				
DNAJC30	7	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01				
MRPS10	6	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
DKK4	8	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01				
SLC22A9	11	3	5.30E-01	3	5.30E-01	3	5.16E-01	3	5.16E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CRYGD	2	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	5.16E-01	3	5.16E-01	3	6.56E-01	3	6.56E-01
TULP2	19	3	7.46E-01	3	7.46E-01	3	5.16E-01	3	5.16E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
FBXW8	12	2	2.46E-01	2	2.46E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
ZNF789	7	1	7.28E-01	1	7.28E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01				
ZHX1	8	1	7.28E-01	1	7.28E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01				
WSB1	17	1	7.28E-01	1	7.28E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01				
TCF4	18	2	5.09E-01	2	5.09E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
GALM	2	3	1.27E-01	3	1.27E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01
C2orf72	2	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01				
LMAN1	18	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01				
GNAI3	1	2	3.78E-01	2	3.78E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
CCK	3	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.16E-01	1	5.16E-01				
ARHGEF28	5	7	2.32E-01	8	2.32E-01	8	5.16E-01	9	5.16E-01	5	5.75E-01	6	5.75E-01
B3GNT5	3	1	6.99E-01	1	6.99E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
NDST3	4	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
GGH	8	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
GINS1	20	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
TFCP2	12	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
SNTG2	2	8	7.65E-01	9	7.68E-01	6	1.00E+00	7	1.00E+00	3	5.69E-01	4	5.17E-01
NUDT13	10	3	3.18E-02	3	3.18E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	3	5.17E-01	3	5.17E-01
MFSO7	4	2	2.24E-01	2	2.24E-01	2	5.17E-01	2	5.17E-01				
TYW5	2	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
AGAP1	2	2	5.15E-01	2	5.15E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
MYDGF	19	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
LOC100996634	6	2	3.98E-01	2	3.98E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
IPO9	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
COG3	13	2	4.10E-01	2	4.10E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
SERPINE2	2	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
FAM177B	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
GLTP	12	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
HECTD2	10	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
PPM1D	17	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
PLEKHH2	2	4	1.54E-01	4	1.54E-01	4	5.17E-01	4	5.17E-01				
KDM4B	19	2	2.15E-01	2	2.15E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
AFAP1L1	5	6	5.91E-01	6	5.91E-01	5	5.17E-01	5	5.17E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
GNA13	17	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
S100PBP	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
LRIG3	12	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
PTRH2	17	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
DET1	15	2	3.84E-01	2	3.84E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
GP5	3	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
NIPSNAP3A	9	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
PI3	20	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01				
VAT1L	16	2	4.10E-01	2	4.10E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
ZIM2	19	2	4.86E-01	2	4.86E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
USP28	11	1	8.95E-02	1	8.95E-02					1	5.17E-01	1	5.17E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ASTN1	1	4	7.43E-01	4	7.43E-01	4	8.36E-01	4	8.36E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01
DNM3	1	2	4.00E-01	2	4.00E-01	1	5.51E-01	1	5.51E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01
MGP	12	1	8.95E-02	1	8.95E-02					1	5.17E-01	1	5.17E-01
PMPCA	9	3	4.85E-01	3	4.85E-01	2	7.63E-01	2	7.63E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01
ICA1	7	2	7.42E-01	2	7.42E-01	2	5.82E-01	2	5.82E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01
CES5A	16	2	9.04E-01	3	8.62E-01	2	5.89E-01	3	5.56E-01	1	5.17E-01	2	5.91E-01
CLEC1B	12	1	8.95E-02	2	8.41E-02			1	7.94E-01	1	5.17E-01	2	6.15E-01
TMA16	4	1	8.95E-02	1	8.95E-02					1	5.17E-01	1	5.17E-01
SEC22C	3	1	8.95E-02	1	8.95E-02					1	5.17E-01	1	5.17E-01
SLC35F1	6	1	8.95E-02	1	8.95E-02					1	5.17E-01	1	5.17E-01
AGMAT	1	3	8.93E-01	3	8.93E-01	3	6.29E-01	3	6.29E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01
SLC8B1	12	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.03E-01	2	6.03E-01	1	5.17E-01	1	5.17E-01
ARAP1	11	5	1.58E-01	5	1.58E-01	5	5.17E-01	5	5.17E-01				
NELL2	12	2	2.06E-01	2	2.06E-01	2	5.18E-01	2	5.18E-01				
PLEKHM2	1	4	3.67E-02	4	3.67E-02	1	5.50E-01	1	5.50E-01	3	5.18E-01	3	5.18E-01
HSD17B14	19	5	8.63E-01	5	8.63E-01	3	5.18E-01	3	5.18E-01	5	8.85E-01	5	8.85E-01
VWF	12	5	3.44E-01	6	6.28E-02	3	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.00E+00	4	5.18E-01
ACSL5	10	2	2.27E-01	2	2.27E-01	2	5.18E-01	2	5.18E-01				
MUC7	4	1	6.88E-01	1	6.88E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	5.18E-01	1	5.18E-01
OSCAR	19	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01				
SLCO5A1	8	1	7.26E-01	1	7.26E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01	1	6.05E-01	1	6.05E-01
MAK	6	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01				
KLHL25	15	4	2.80E-01	4	2.80E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01	3	5.18E-01	3	5.18E-01
HIP1	7	3	7.16E-01	3	7.16E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	5.18E-01	3	5.18E-01
FHOD1	16	3	2.87E-01	3	2.87E-01	2	5.18E-01	2	5.18E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
MEA1	6	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01				
SMAD6	15	2	6.08E-01	2	6.08E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
DCXR	17	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01				
ZNF782	9	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01				
ITGBL1	13	2	4.37E-01	2	4.37E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
OR6P1	1	2	1.98E-01	3	3.25E-01	2	5.36E-01	3	1.00E+00			1	5.18E-01
MTMR10	15	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01				
SDHAF3	7	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01				
TAX1BP3	17	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01				
FUZ	19	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01				
ZDHHC17	12	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01				
LACTB2	8	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01				
REPS1	6	2	3.98E-01	2	3.98E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01
PPP5C	19	2	4.64E-01	2	4.64E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
OR6K2	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.18E-01	1	5.18E-01				
N4BP1	16	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.19E-01	1	5.19E-01				
SRXN1	20	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.19E-01	1	5.19E-01				
SLC29A3	10	2	6.19E-01	2	6.19E-01	1	5.19E-01	1	5.19E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
SLC17A6	11	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.19E-01	1	5.19E-01				
IGF1R	15	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.19E-01	1	5.19E-01				
TMEM136	11	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.19E-01	1	5.19E-01				
B3GNT2	2	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.19E-01	1	5.19E-01				
ZNF462	9	9	4.89E-01	9	4.89E-01	6	5.49E-01	6	5.49E-01	4	5.19E-01	4	5.19E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CACNA1A	19	3	1.28E-01	3	1.28E-01	3	5.19E-01	3	5.19E-01				
DOCK4	7	9	3.21E-02	9	3.21E-02	6	7.44E-01	6	7.44E-01	7	5.20E-01	7	5.20E-01
LEXM	1	6	8.47E-02	7	8.47E-02	3	1.00E+00	4	1.00E+00	5	5.20E-01	6	5.20E-01
CELSR3	3	16	9.61E-02	16	9.61E-02	15	5.20E-01	15	5.20E-01	5	5.53E-01	5	5.53E-01
XCR1	3	2	3.61E-01	2	3.61E-01	1	5.20E-01	1	5.20E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
TIGD2	4	4	3.77E-01	5	3.72E-01	3	5.20E-01	4	5.82E-01	1	6.98E-01	2	7.55E-01
NPTX2	7	1	6.84E-01	1	6.84E-01	1	5.20E-01	1	5.20E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
FGF2	4	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.20E-01	1	5.20E-01	1	6.08E-01	1	6.08E-01
WDR1	4	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.20E-01	1	5.20E-01				
CHRD	3	3	3.28E-01	3	3.28E-01	2	5.21E-01	2	5.21E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
CD300C	17	2	7.32E-01	2	7.32E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	5.21E-01	1	5.21E-01
SIM2	21	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
GRAMD1B	11	2	4.01E-01	2	4.01E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
OR6N2	1	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
PPP1R14D	15	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
TUBE1	6	2	3.17E-01	2	3.17E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01	1	6.80E-01	1	6.80E-01
HOXD8	2	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
SERPINI2	3	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
SEMA4C	2	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
CALB2	16	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
TRIM23	5	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
ST3GAL6	3	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
ORMDL1	2	2	4.69E-01	2	4.69E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01	1	6.19E-01	1	6.19E-01
ABHD12	20	2	5.27E-01	2	5.27E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
IGF2BP1	17	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
STT3B	3	2	4.75E-01	2	4.75E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01	1	6.72E-01	1	6.72E-01
TSSC4	11	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
WWTR1	3	2	3.85E-01	2	3.85E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01	1	6.38E-01	1	6.38E-01
KCNK6	19	3	6.59E-01	3	6.59E-01	2	5.21E-01	2	5.21E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
PCDH8	13	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
MRPS28	8	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
BFSP1	20	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
NSRP1	17	2	4.60E-01	3	4.66E-01	1	5.21E-01	2	1.00E+00	1	6.09E-01	2	1.00E+00
AGPAT2	9	1	7.22E-01	1	7.22E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
LINGO2	9	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
SEH1L	18	3	1.72E-01	3	1.72E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
NT5E	6	2	4.69E-01	2	4.69E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01	1	6.11E-01	1	6.11E-01
EIF3F	11	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
ASTL	2	1	6.95E-01	1	6.95E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TTC7B	14	5	1.82E-01	5	1.82E-01	5	5.21E-01	5	5.21E-01				
TOP3B	22	4	2.40E-01	4	2.40E-01	2	5.21E-01	2	5.21E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
PLEKHH3	17	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
PTH1R	3	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.21E-01	1	5.21E-01				
RGL2	6	3	4.79E-03	3	4.79E-03					3	5.21E-01	3	5.21E-01
SPATA8	15	1	7.63E-01	2	7.93E-01	1	5.33E-01	2	6.77E-01			1	5.21E-01
AP5B1	11			1	1.61E-01			1	7.95E-01			1	5.22E-01
DBT	1	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01				
MEF2A	15	2	3.65E-01	2	3.65E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ACADM	1	2	3.49E-01	2	3.49E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01	1	5.93E-01	1	5.93E-01
ZNF121	19	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01				
MAP3K7CL	21	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01				
ST6GALNAC6	9	3	1.27E-01	3	1.27E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
CCDC70	13	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01				
KRT222	17	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01				
FAM170B	10	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01				
DGCR14	22	2	3.55E-01	2	3.55E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01	1	6.53E-01	1	6.53E-01
RERGL	12	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01				
BECN1	17	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01				
DLEU7	13	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01				
RPL31	2	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01				
RNF17	13	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01				
PP2D1	3	2	4.49E-01	2	4.49E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
RNF112	17	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01				
PLD6	17	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.22E-01	1	5.22E-01				
POM121L2	6	5	1.00E+00	6	1.00E+00	4	5.24E-01	5	5.23E-01	5	7.66E-01	6	7.63E-01
MOAP1	14	3	3.83E-01	3	3.83E-01	2	5.23E-01	2	5.23E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
ABCA2	9	4	5.12E-01	4	5.12E-01	2	6.90E-01	2	6.90E-01	3	5.23E-01	3	5.23E-01
INPP4A	2	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01				
WSCD1	17	2	3.96E-01	2	3.96E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01	1	6.63E-01	1	6.63E-01
TOR1AIP2	1	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01				
C11orf42	11	2	3.95E-01	2	3.95E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01	1	6.52E-01	1	6.52E-01
HOXC11	12	2	3.30E-01	2	3.30E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
DHRS7B	17	2	4.08E-01	2	4.08E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01	1	6.09E-01	1	6.09E-01
PSMB4	1	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01				
PCP4	21	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01				
TMEM121	14	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01				
ALOXE3	17	5	1.68E-01	5	1.68E-01	5	5.23E-01	5	5.23E-01				
TNFSF12	17	2	3.93E-01	2	3.93E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01
KCNG2	18	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01				
KCNC4	1	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01				
NFS1	20	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01				
CPNE1	20	2	5.54E-01	3	8.83E-01	1	5.23E-01	2	8.03E-01	1	6.28E-01	2	7.98E-01
MIF4GD	17	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01				
TNFSF12-TNFS	17	2	3.93E-01	2	3.93E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01
SERPINB1	6	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01				
TERF2IP	16	1	7.06E-01	1	7.06E-01	1	5.23E-01	1	5.23E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
UBAP2L	1	2	1.96E-01	2	1.96E-01	2	5.23E-01	2	5.23E-01				
PVRL4	1	4	2.76E-01	4	2.76E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01	3	5.23E-01	3	5.23E-01
LIPC	15	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	5.31E-01	3	5.31E-01	3	5.24E-01	3	5.24E-01
MURC	9	3	5.57E-03	3	5.57E-03					3	5.24E-01	3	5.24E-01
STX1B	16	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
FBLN2	3	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	5.24E-01	5	5.24E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01
NR3C1	5	2	3.76E-01	2	3.76E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
CD200	3	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
NELFCD	20	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
MUCL1	12	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
FOSL2	2	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
RUFY4	2	1	1.56E-01	1	1.56E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
ABCC6	16	13	6.15E-01	13	6.15E-01	8	8.77E-01	8	8.77E-01	8	5.24E-01	8	5.24E-01
MFS12	19	5	7.90E-01	5	7.90E-01	3	5.29E-01	3	5.29E-01	4	5.24E-01	4	5.24E-01
NCR3LG1	11	1	2.40E-01	1	2.40E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
ZNF20	19	4	1.24E-01	4	1.24E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	5.24E-01	2	5.24E-01
CCHCR1	6	9	8.30E-01	13	3.99E-01	8	5.56E-01	12	7.42E-01	5	5.24E-01	9	5.92E-01
MMP17	12	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
KXD1	19	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
SERPINC1	1	2	2.19E-01	2	2.19E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
ST20	15	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
CERK	22	2	5.13E-01	2	5.13E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01
C2CD4A	15	2	4.83E-01	2	4.83E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
DDAH2	6	1	7.14E-01	1	7.14E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01	1	6.63E-01	1	6.63E-01
DLX3	17	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
PCBP3	21	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
MTMR6	13	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
PDE4A	19	2	5.38E-01	2	5.38E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01	1	5.67E-01	1	5.67E-01
PRDM1	6	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
C3orf38	3	3	1.13E-01	3	1.13E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01
GNG13	16	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
REEP2	5	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.24E-01	1	5.24E-01				
SEMA3A	7	3	7.09E-01	3	7.09E-01	3	5.24E-01	3	5.24E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
ITPR3	6	5	6.19E-01	5	6.19E-01	4	5.25E-01	4	5.25E-01	1	6.35E-01	1	6.35E-01
IQSEC3	12	2	2.83E-01	2	2.83E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01	1	6.20E-01	1	6.20E-01
RBFOX1	16	2	4.93E-01	2	4.93E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01	1	6.24E-01	1	6.24E-01
ALDH3A1	17	2	3.87E-01	2	3.87E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
PISD	22	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
CCSAP	1	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
AHSP	16	1	7.01E-01	1	7.01E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
ACOT7	1	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
CD8A	2	2	3.98E-01	2	3.98E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01
FUT8	14	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
CA4	17	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
MYF6	12	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
COLGALT1	19	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
FAM63B	15	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
ARL16	17	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
PEG10	7	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
THG1L	5	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
ZNF512	2	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
PLEKHD1	14	4	3.62E-01	4	3.62E-01	3	5.25E-01	3	5.25E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
LRP5	11	6	3.29E-01	6	3.29E-01	3	6.55E-01	3	6.55E-01	3	5.25E-01	3	5.25E-01
PARP2	14	5	1.64E-01	5	1.64E-01	5	5.25E-01	5	5.25E-01				
GTPBP8	3	2	2.04E-01	2	2.04E-01	2	5.25E-01	2	5.25E-01				
SPHK1	17	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
MMRN2	10	3	1.83E-01	3	1.83E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01
HIC1	17	2	5.02E-01	2	5.02E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01	1	6.35E-01	1	6.35E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SUSD5	3	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
ZNF879	5	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
SFXN4	10	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
OR6C1	12			1	5.16E-02			1	1.00E+00			1	5.25E-01
ZNF503	10	3	4.93E-01	3	4.93E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	3	5.25E-01	3	5.25E-01
BIRC5	17	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
ALOX5	10	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
GINS4	8	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.25E-01	1	5.25E-01				
KY	3	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
CRY1	12	3	1.97E-01	3	1.97E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01
LIMK1	7	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
ZBTB16	11	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
VWA5B1	1	10	2.20E-01	11	2.20E-01	8	5.26E-01	9	5.26E-01	5	6.67E-01	6	6.67E-01
SLAIN1	13	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
SARS2	19	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
SLC14A1	18	2	4.59E-01	3	4.59E-01	1	5.26E-01	2	5.26E-01	1	6.00E-01	2	6.00E-01
SF3B2	11	3	1.58E-01	3	1.58E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
ZBTB18	1	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
DPEP1	16	2	4.82E-01	2	4.82E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01	1	5.98E-01	1	5.98E-01
ZAR1L	13	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
VWA3A	16	5	8.03E-01	5	8.03E-01	4	5.26E-01	4	5.26E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
LY75	2	12	2.00E-01	12	2.00E-01	9	5.26E-01	9	5.26E-01	10	7.50E-01	10	7.50E-01
LY75-CD302	2	12	2.00E-01	12	2.00E-01	9	5.26E-01	9	5.26E-01	10	7.50E-01	10	7.50E-01
LAT2	7	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
EARS2	16	2	3.65E-01	2	3.65E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
CCDC51	3	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
FAM69B	9	2	2.88E-01	2	2.88E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
UFSP1	7	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
SCRN3	2	2	3.92E-01	2	3.92E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
LIN52	14	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
IGSF8	1	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
TSPAN5	4	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
NCAM1	11	1	4.03E-01	1	4.03E-01	1	5.26E-01	1	5.26E-01				
IQGAP1	15	6	6.28E-01	6	6.28E-01	5	5.27E-01	5	5.27E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
SLC4A11	20	4	5.75E-01	4	5.75E-01	3	5.27E-01	3	5.27E-01	1	5.80E-01	1	5.80E-01
NCR3	6	2	7.31E-01	2	7.31E-01	2	5.27E-01	2	5.27E-01	1	6.63E-01	1	6.63E-01
RETSAT	2	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
LGI2	4	2	2.65E-01	2	2.65E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
PURG	8	2	3.92E-01	2	3.92E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
OR10S1	11	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
FASTKD5	20	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01
FSTL3	19	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
GFI1B	9	2	3.44E-01	2	3.44E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
CATSPER3	5	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
YEATS4	12	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
PGPEP1	19	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
SFTPC	8	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
TAF4	20	1	6.95E-01	1	6.95E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PMS1	2	5	4.80E-01	5	4.80E-01	3	7.06E-01	3	7.06E-01	3	5.27E-01	3	5.27E-01
OTOA	16	2	3.47E-01	2	3.47E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
ASIC1	12	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
GRIN2A	16	2	3.67E-01	2	3.67E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
ZNF790	19	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
HOXC10	12	1	6.50E-01	1	6.50E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	6.32E-01	1	6.32E-01
CD68	17	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
C9orf135	9	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
TOM1L2	17	2	4.05E-01	2	4.05E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
ASRGL1	11	2	4.16E-01	2	4.16E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	6.36E-01	1	6.36E-01
CLN3	16	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
DNAAF2	14	2	4.35E-01	2	4.35E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
FANCE	6	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
UBN1	16	4	6.30E-02	4	6.30E-02	1	5.27E-01	1	5.27E-01	3	5.30E-01	3	5.30E-01
EAF1	3	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
SUPT7L	2	2	4.10E-01	2	4.10E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
NOV	8	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
LMBR1	7	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
PTGES	9	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
SSR1	6	2	3.93E-01	2	3.93E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	6.19E-01	1	6.19E-01
TMIE	3	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
ABLIM2	4	3	2.19E-01	3	2.19E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01
COLQ	3	2	4.93E-01	2	4.93E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	6.53E-01	1	6.53E-01
KLK1	19	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
AIP	11	1	7.02E-01	1	7.02E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01	1	6.77E-01	1	6.77E-01
MED21	12	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.27E-01	1	5.27E-01				
ENTPD7	10	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
MIS18A	21	2	3.02E-01	2	3.02E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	6.89E-01	1	6.89E-01
EMP2	16	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
GPAM	10	2	5.54E-01	2	5.54E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	5.67E-01	1	5.67E-01
ZP4	1	2	4.56E-01	2	4.56E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
PARP4	13	2	4.73E-01	2	4.73E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01
POU4F3	5	3	1.58E-01	3	1.58E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
C17orf75	17	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
ZFP62	5	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
ATG9A	2	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
MRPS35	12	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
NME4	16	1	7.25E-01	1	7.25E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
PLK2	5	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
ZMYM1	1	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
DDX27	20	3	1.22E-01	3	1.22E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
SGMS2	4	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
C16orf59	16	2	4.24E-01	2	4.24E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	6.71E-01	1	6.71E-01
FRA10AC1	10	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
ATP13A3	3	1	7.65E-01	1	7.65E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
SIX2	2	1	7.65E-01	1	7.65E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
PJA2	5	1	7.65E-01	1	7.65E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
SLC38A1	12	1	7.65E-01	1	7.65E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
USP36	17	2	4.01E-01	2	4.01E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
SLC48A1	12	1	7.65E-01	1	7.65E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
SAR1B	5	2	3.75E-01	2	3.75E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	6.71E-01	1	6.71E-01
RAC2	22	1	7.65E-01	1	7.65E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
NUDT7	16	5	6.95E-01	6	8.72E-01	4	8.49E-01	5	9.06E-01	1	5.28E-01	2	7.24E-01
SGIP1	1	1	2.38E-01	1	2.38E-01					1	5.28E-01	1	5.28E-01
ST8SIA1	12	1	2.38E-01	1	2.38E-01					1	5.28E-01	1	5.28E-01
PGAP2	11	1	2.38E-01	1	2.38E-01					1	5.28E-01	1	5.28E-01
CALHM1	10	3	8.39E-01	3	8.39E-01	3	6.35E-01	3	6.35E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01
TDRD7	9	5	6.86E-01	5	6.86E-01	4	5.83E-01	4	5.83E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01
DPT	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.12E-01	2	6.12E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01
TSKS	19	5	6.61E-01	5	6.61E-01	4	6.52E-01	4	6.52E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01
TTC16	9	4	8.45E-01	4	8.45E-01	3	7.95E-01	3	7.95E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01
SLC26A3	7	6	5.67E-01	6	5.67E-01	5	5.28E-01	5	5.28E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
SDK2	17	14	5.97E-01	14	5.97E-01	11	8.88E-01	11	8.88E-01	6	5.28E-01	6	5.28E-01
KIF23	15	1	7.11E-01	2	1.45E-01	1	5.28E-01	2	7.69E-01	1	6.72E-01	2	7.52E-01
MASTL	10	3	1.10E-01	3	1.10E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	2	6.54E-01	2	6.54E-01
RANBP3	19	2	5.06E-01	2	5.06E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
OR1M1	19	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
OR9A2	7	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
C17orf74	17	3	8.51E-02	4	8.51E-02	1	5.28E-01	2	5.28E-01	2	6.14E-01	3	6.14E-01
ANKEF1	20	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
GRIA1	5	2	3.35E-01	2	3.35E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
ATP5O	21	1	7.24E-01	1	7.24E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
CYB5R2	11	1	7.24E-01	1	7.24E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
GPR35	2	4	5.12E-01	4	5.12E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	5.28E-01	3	5.28E-01
CCDC171	9	2	3.62E-01	2	3.62E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
RNPEPL1	2	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
TMEM213	7	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
CA2	8	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
PPM1E	17	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
AQP5	12	2	3.53E-01	2	3.53E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
E2F4	16	2	3.53E-01	2	3.53E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
C2orf73	2	2	7.19E-01	2	7.19E-01	2	7.90E-01	2	7.90E-01	2	5.28E-01	2	5.28E-01
SLC4A7	3	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
MAS1L	6	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
DNAJB12	10	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
RCOR3	1	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
GLI1	12	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.28E-01	1	5.28E-01				
KIDINS220	2	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	5.28E-01	5	5.28E-01	2	6.09E-01	2	6.09E-01
BIRC6	2	12	7.32E-01	12	7.32E-01	9	5.28E-01	9	5.28E-01	6	6.74E-01	6	6.74E-01
PDCL3	2	2	7.64E-01	2	7.64E-01	2	5.28E-01	2	5.28E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
KIAA1549L	11	6	5.86E-01	6	5.86E-01	5	5.28E-01	5	5.28E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
CASP8	2	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
PRSS21	16	1	7.06E-01	1	7.06E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01	1	6.72E-01	1	6.72E-01
COG2	1	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
TK1	17	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
ZNF500	16	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
GTF2H1	11	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
AKIRIN2	6	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
SLC4A10	2	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
CD5L	1	2	2.00E-01	2	2.00E-01	2	5.29E-01	2	5.29E-01				
ESRP2	16	2	7.51E-01	2	7.51E-01	2	5.29E-01	2	5.29E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
MPG	16	3	2.19E-01	3	2.19E-01	3	5.29E-01	3	5.29E-01				
SEMA5A	5	3	2.55E-01	3	2.55E-01	2	5.99E-01	2	5.99E-01	3	5.29E-01	3	5.29E-01
HOXC6	12	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	5.29E-01	2	5.29E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
BTN2A2	6	5	8.53E-01	6	6.99E-01	5	5.29E-01	6	6.58E-01	4	7.08E-01	5	7.16E-01
EML4	2	5	1.05E-01	5	1.05E-01	2	5.75E-01	2	5.75E-01	3	5.29E-01	3	5.29E-01
NUBPL	14	2	4.04E-01	2	4.04E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
PTPN6	12	1	7.12E-01	1	7.12E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
RAET1E	6	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
DIRC2	3	2	3.92E-01	2	3.92E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
YBX2	17	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
CCDC77	12	5	7.04E-01	5	7.04E-01	4	5.29E-01	4	5.29E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01
NAPSA	19	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
MAP1LC3B	16	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
KCNMA1	10	2	4.29E-01	2	4.29E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
LRIT3	4	2	3.84E-01	2	3.84E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01	1	6.11E-01	1	6.11E-01
NEUROG3	10	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
SLC35B4	7	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
ELOF1	19	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
SLC22A23	6	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.29E-01	1	5.29E-01				
NKG7	19	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
DGCR8	22	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
HDAC9	7	1	7.20E-01	1	7.20E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
OR10J3	1	2	3.26E-01	2	3.26E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
B9D2	19	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
ABCC12	16	5	5.65E-01	5	5.65E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	5.30E-01	4	5.30E-01
WDR37	10	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
GOT1L1	8	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
CHODL	21	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
HAPLN4	19	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
SCN1A	2	5	1.66E-01	5	1.66E-01	5	5.30E-01	5	5.30E-01				
DDHD2	8	3	1.29E-01	3	1.29E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01	2	6.10E-01	2	6.10E-01
BMPR1B	4	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
RPL26L1	5	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
AQP11	11	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
GLIPR1	12	2	4.92E-01	2	4.92E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01
DDB1	11	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
MT4	16	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
OR5T2	11	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
TNKS	8	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
SAMD15	14	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
TP53INP1	8	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
ZNF793	19	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
LONRF2	2	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
EXOSC4	8	1	6.91E-01	1	6.91E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
MPZ	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
TRIM39	6	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.30E-01	1	5.30E-01				
NPNT	4	5	7.75E-01	5	7.75E-01	4	5.31E-01	4	5.31E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
PGLYRP3	1	2	7.27E-01	2	7.27E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	5.31E-01	1	5.31E-01
KRTAP12-3	21	2	5.33E-01	2	5.33E-01	2	5.31E-01	2	5.31E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
GAS2L3	12	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.31E-01	1	5.31E-01				
FAM103A1	15	2	3.67E-01	2	3.67E-01	1	5.31E-01	1	5.31E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
LMX1B	9	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.31E-01	1	5.31E-01				
C14orf177	14	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.31E-01	1	5.31E-01				
CA13	8	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.31E-01	1	5.31E-01				
TNFRSF10A	8	2	3.17E-01	2	3.17E-01	1	5.31E-01	1	5.31E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
TPP1	11	2	4.03E-01	2	4.03E-01	1	5.31E-01	1	5.31E-01	1	6.00E-01	1	6.00E-01
SAMD8	10	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.31E-01	1	5.31E-01				
EDNRA	4	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.31E-01	1	5.31E-01				
IKZF5	10	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.31E-01	1	5.31E-01				
NUCB1	19	3	6.10E-01	3	6.10E-01	3	5.31E-01	3	5.31E-01	1	6.75E-01	1	6.75E-01
GRM6	5	8	6.22E-01	8	6.22E-01	8	7.23E-01	8	7.23E-01	3	5.31E-01	3	5.31E-01
TNIP1	5	5	6.40E-01	5	6.40E-01	4	5.32E-01	4	5.32E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01
PIGG	4	6	6.13E-01	6	6.13E-01	5	5.32E-01	5	5.32E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
STON1-GTF2A:	2	6	5.00E-01	6	5.00E-01	4	5.32E-01	4	5.32E-01	3	7.89E-01	3	7.89E-01
STON1	2	6	5.00E-01	6	5.00E-01	4	5.32E-01	4	5.32E-01	3	7.89E-01	3	7.89E-01
TP53I3	2	4	1.55E-01	4	1.55E-01	4	5.32E-01	4	5.32E-01				
CYP20A1	2	4	7.60E-01	4	7.60E-01	4	5.32E-01	4	5.32E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
KRT74	12	4	1.00E+00	5	7.58E-01	4	5.77E-01	5	5.32E-01	4	8.44E-01	5	8.48E-01
ARFGEF3	6	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01				
CCM2	7	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01				
BABAM1	19	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01				
TIMM50	19	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01				
ERC2	3	2	3.90E-01	2	3.90E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
LONP2	16	2	4.24E-01	2	4.24E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01	1	6.00E-01	1	6.00E-01
CNTNAP5	2	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01				
SBK2	19	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01				
HLA-DPA1	6	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01				
ITPKC	19	1	6.68E-01	1	6.68E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01	1	6.69E-01	1	6.69E-01
ESRP1	8	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01				
MED17	11	2	3.76E-01	2	3.76E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
NUBP2	16	1	6.52E-01	1	6.52E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
TIFAB	5	2	4.79E-01	2	4.79E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
CA11	19	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01				
SCGB2A1	11	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.32E-01	1	5.32E-01				
SH2B3	12	4	1.37E-01	4	1.37E-01	4	5.32E-01	4	5.32E-01				
ADGB	6	5	1.73E-01	5	1.73E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01	3	5.33E-01	3	5.33E-01
TNR	1	5	7.29E-01	5	7.29E-01	4	6.16E-01	4	6.16E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
EDN2	1	3	7.14E-01	3	7.14E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
CFAP221	2	1	8.56E-02	1	8.56E-02					1	5.33E-01	1	5.33E-01
HIPK1	1	1	8.56E-02	1	8.56E-02					1	5.33E-01	1	5.33E-01
ZNF264	19	4	6.30E-01	4	6.30E-01	3	6.72E-01	3	6.72E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PPP3CA	4	1	8.56E-02	1	8.56E-02								
C6orf58	6	2	9.05E-01	2	9.05E-01	2	7.28E-01	2	7.28E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
CABYR	18	2	9.28E-01	2	9.28E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
LRP2BP	4	4	8.38E-01	4	8.38E-01	3	6.38E-01	3	6.38E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
NPFRR1	10	5	4.36E-01	6	7.06E-01	3	5.96E-01	4	5.33E-01	2	6.51E-01	3	6.56E-01
ATRIP	3	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
CNOT6	5	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
CCDC105	19	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
GART	21	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
SSC4D	7	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
IFIT1B	10	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
KLHDC1	14	2	3.75E-01	2	3.75E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01	1	6.85E-01	1	6.85E-01
TERF2	16	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
CDC40	6	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
HABP4	9	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
DCUN1D1	3	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
PCNP	3	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
RNASEH1	2	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
AGA	4	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	7.26E-01	1	7.26E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
AOX1	2	4	9.63E-02	4	9.63E-02	5	6.20E-01	5	6.20E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
SLC2A4	17	2	3.13E-01	2	3.13E-01	2	7.85E-01	2	7.85E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
HIST1H1A	6	1	7.61E-01	1	7.61E-01	2	6.88E-01	2	6.88E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
ZNF598	16	1	7.48E-01	1	7.48E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
MAP3K11	11	3	3.25E-01	3	3.25E-01	4	8.11E-01	4	8.11E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
IGFALS	16	2	5.70E-01	2	5.70E-01	3	7.44E-01	3	7.44E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
ATP11A	13	1	7.45E-01	1	7.45E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01
B4GALT6	18	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
BMP6	6	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
PEX12	17	1	7.27E-01	1	7.27E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
TCF12	15	3	1.43E-01	3	1.43E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01
OR2C3	1	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
CCDC122	13	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01				
DLST	14	2	3.50E-01	2	3.50E-01	1	5.33E-01	1	5.33E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
SH2D1B	1	1	7.63E-01	2	1.00E+00	1	5.33E-01	2	6.98E-01			1	5.99E-01
TCF3	19	6	2.17E-01	6	2.17E-01	6	5.66E-01	6	5.66E-01	3	5.34E-01	3	5.34E-01
OR5C1	9	3	4.32E-01	3	4.32E-01	2	5.34E-01	2	5.34E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
ANGPTL6	19	4	7.03E-01	4	7.03E-01	4	5.34E-01	4	5.34E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
MKRN3	15	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01				
ITGA5	12	2	2.38E-01	2	2.38E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
RPTOR	17	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01				
ZBTB5	9	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01				
PRPSAP2	17	1	7.12E-01	1	7.12E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
FAM20C	7	2	4.07E-01	2	4.07E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01	1	6.05E-01	1	6.05E-01
PPARGC1A	4	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01				
TNNT1	19	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01				
GSTM3	1	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01				
EHBP1	2	8	1.09E-01	8	1.09E-01	6	8.18E-01	6	8.18E-01	5	5.35E-01	5	5.35E-01
SDHC	1	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PWWP2B	10	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01				
SCN4B	11	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01				
TOP1MT	8	7	5.40E-01	8	5.40E-01	7	5.40E-01	8	5.40E-01	4	5.35E-01	5	5.35E-01
GNA14	9	2	5.43E-01	2	5.43E-01	2	5.35E-01	2	5.35E-01	1	6.05E-01	1	6.05E-01
GIMAP7	7	1	7.58E-01	2	7.83E-01	1	5.46E-01	2	5.53E-01			1	5.35E-01
MRPL47	3	2	3.91E-01	2	3.91E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
GPAA1	8	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01				
CHST15	10	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01				
FOXF1	16	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.35E-01	1	5.35E-01				
CTSC	11	3	6.02E-01	3	6.02E-01	2	5.35E-01	2	5.35E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
SSRP1	11	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
KCNE3	11	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
SLC2A13	12	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
IDO1	8	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
TBX19	1	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
C7orf25	7	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
ZNF235	19	1	7.27E-01	1	7.27E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01	1	6.75E-01	1	6.75E-01
LRRC52	1	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
BEND5	1	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
RAB27B	18	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
ADAM23	2	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
TIMM21	18	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
CCNA1	13	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
C9orf116	9	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
SSB	2	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
ZNF710	15	2	3.40E-01	2	3.40E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
VSTM1	19	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
BCKDK	16	2	3.40E-01	2	3.40E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01	1	6.09E-01	1	6.09E-01
RFC3	13	2	3.56E-01	2	3.56E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
WDR74	11	1	6.86E-01	1	6.86E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01	1	6.74E-01	1	6.74E-01
GRM4	6	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
OR8I2	11	1	7.48E-01	2	4.81E-01	1	5.36E-01	2	7.13E-01			1	6.43E-01
DLG1	3	1	7.48E-01	2	7.37E-01	1	5.36E-01	2	6.22E-01			1	1.00E+00
CDK1	10	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
LSMEM2	3	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
GPSM3	6	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
NSL1	1	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
MCHR1	22	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
TMEM109	11	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
FANCF	11	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
CEP250	20	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
DYX1C1	15	3	7.44E-01	5	5.08E-01	3	5.36E-01	5	6.06E-01	1	6.25E-01	3	1.00E+00
CCDC155	19	2	4.37E-01	2	4.37E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
NIM1K	5	2	3.41E-01	2	3.41E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
BHLHE22	8	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
MYOZ2	4	1	7.62E-01	1	7.62E-01	1	5.36E-01	1	5.36E-01				
OR4K1	14	1	7.62E-01	2	7.65E-01	1	5.36E-01	2	5.37E-01			1	5.93E-01
TTC6	14	4	1.49E-01	4	1.49E-01	4	5.36E-01	4	5.36E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
NOL6	9	12	8.24E-01	12	8.24E-01	10	8.33E-01	10	8.33E-01	6	5.37E-01	6	5.37E-01
CACNA1B	9	5	8.12E-01	5	8.12E-01	4	6.21E-01	4	6.21E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01
TMEM117	12	1	6.81E-02	1	6.81E-02					1	5.37E-01	1	5.37E-01
CPQ	8	3	6.34E-01	3	6.34E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01
ARHGAP42	11	2	3.42E-01	2	3.42E-01	1	5.55E-01	1	5.55E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01
OR1G1	17	1	6.81E-02	1	6.81E-02					1	5.37E-01	1	5.37E-01
PPA1	10	1	6.81E-02	1	6.81E-02					1	5.37E-01	1	5.37E-01
EML1	14	1	6.81E-02	1	6.81E-02					1	5.37E-01	1	5.37E-01
IBA57	1	1	6.81E-02	1	6.81E-02					1	5.37E-01	1	5.37E-01
PPME1	11	1	6.81E-02	1	6.81E-02					1	5.37E-01	1	5.37E-01
PRICKLE2	3	1	6.81E-02	1	6.81E-02					1	5.37E-01	1	5.37E-01
KDM4A	1	5	1.68E-01	5	1.68E-01	5	5.37E-01	5	5.37E-01				
PDIA5	3	2	7.48E-01	2	7.48E-01	2	5.37E-01	2	5.37E-01	1	6.75E-01	1	6.75E-01
ZNF254	19	7	7.73E-01	7	7.73E-01	6	5.37E-01	6	5.37E-01	2	5.53E-01	2	5.53E-01
SLC26A6	3	4	4.21E-01	5	4.40E-01	3	6.53E-01	4	7.39E-01	3	5.37E-01	4	5.61E-01
EIF2B2	14	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01				
BACE2	21	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01				
DDX42	17	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01				
TTC12	11	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01				
PCYT1A	3	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01				
HGD	3	2	4.57E-01	2	4.57E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
DIRAS1	19	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01				
C18orf32	18	2	4.84E-01	2	4.84E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01	1	6.63E-01	1	6.63E-01
RPL17-C18orf3	18	2	4.84E-01	2	4.84E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01	1	6.63E-01	1	6.63E-01
SULF2	20	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01				
LRRC6	8	2	4.47E-01	3	3.21E-01	1	5.37E-01	2	6.87E-01	1	6.56E-01	2	7.92E-01
ZNF627	19	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01				
CDK12	17	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01				
CERS6	2	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01				
P2RY1	3	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.37E-01	1	5.37E-01				
OR5M3	11	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	5.37E-01	3	1.00E+00	2	6.48E-01	3	9.14E-01
TCTE1	6	5	5.13E-01	6	5.27E-01	3	6.28E-01	4	5.38E-01	2	6.32E-01	3	5.50E-01
INTS12	4	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.38E-01	1	5.38E-01				
NDC1	1	2	4.20E-01	2	4.20E-01	1	5.38E-01	1	5.38E-01	1	6.36E-01	1	6.36E-01
GMPPA	2	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.38E-01	1	5.38E-01				
SGCA	17	1	6.81E-01	1	6.81E-01	1	5.38E-01	1	5.38E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
ITGA3	17	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	5.68E-01	3	5.68E-01	2	5.38E-01	2	5.38E-01
BRDT	1	5	5.95E-01	6	2.48E-01	4	5.38E-01	5	1.00E+00	1	6.58E-01	2	8.66E-01
GAK	4	5	5.34E-01	5	5.34E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	5.38E-01	2	5.38E-01
CCDC6	10			1	1.00E+00			1	5.91E-01			1	5.38E-01
TMEM201	1	2	2.84E-01	2	2.84E-01	2	5.39E-01	2	5.39E-01				
ARHGAP11A	15	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
FGF8	10	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
GSX1	13	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
NBPF7	1	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
CDK5RAP2	9	6	8.37E-02	6	8.37E-02	5	5.39E-01	5	5.39E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
SLC39A5	12	5	1.50E-01	5	1.50E-01	5	5.39E-01	5	5.39E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SLC25A33	1	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
RBM38	20	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
NT5DC1	6	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
RBAK	7	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
PGD	1	2	3.81E-01	2	3.81E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
OSBP	11	1	7.36E-01	1	7.36E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
C7orf60	7	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
MRPL42	12	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
PHACTR1	6	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
PRSS35	6	2	6.02E-01	2	6.02E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
SNRPD3	22	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
GANC	15	5	2.80E-02	5	2.80E-02	4	5.39E-01	4	5.39E-01	3	5.45E-01	3	5.45E-01
MATN3	2	2	7.89E-01	2	7.89E-01	2	5.39E-01	2	5.39E-01	2	7.71E-01	2	7.71E-01
GOLGA2	9	3	1.00E+00	4	1.00E+00	3	5.39E-01	4	6.11E-01	3	6.50E-01	4	6.84E-01
C9orf64	9	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
PATE1	11	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
OR51B4	11	2	4.13E-01	2	4.13E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
PPP1R7	2	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
MFSD5	12	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
SYNJ2BP	14	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
SYNJ2BP-COX1	14	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.39E-01	1	5.39E-01				
AVPI1	10			1	6.86E-01			1	5.39E-01			1	1.00E+00
SESN2	1	1	7.48E-01	1	7.48E-01	1	5.40E-01	1	5.40E-01				
DOT1L	19	3	3.29E-01	4	8.27E-01	3	6.29E-01	4	7.63E-01			1	5.40E-01
AVEN	15	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	5.54E-01	3	5.54E-01	1	5.40E-01	1	5.40E-01
MRPS6	21	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.40E-01	1	5.40E-01				
CBLB	3	3	9.30E-02	3	9.30E-02	1	5.40E-01	1	5.40E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01
WHSC1	4	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.41E-01	1	5.41E-01				
PKN2	1	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.41E-01	1	5.41E-01				
OLIG1	21	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.41E-01	1	5.41E-01				
MAP3K1	5	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.41E-01	1	5.41E-01				
C2orf82	2	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.41E-01	1	5.41E-01				
FAM83C	20	2	5.37E-01	2	5.37E-01	2	5.41E-01	2	5.41E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
OR4D5	11	4	6.43E-01	4	6.43E-01	4	5.42E-01	4	5.42E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
IGF2	11	1	6.89E-01	1	6.89E-01	1	5.42E-01	1	5.42E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
YIPF1	1	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.42E-01	1	5.42E-01				
THUMPD2	2	2	3.94E-01	2	3.94E-01	1	5.42E-01	1	5.42E-01	1	5.80E-01	1	5.80E-01
ANKRD65	1	1	7.46E-01	1	7.46E-01	1	5.42E-01	1	5.42E-01				
IL7R	5	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	5.42E-01	5	5.42E-01	3	6.91E-01	3	6.91E-01
KBTBD11	8	3	1.21E-01	3	1.21E-01	1	5.42E-01	1	5.42E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01
ACBD6	1	1	7.04E-01	1	7.04E-01	1	5.42E-01	1	5.42E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
GFRA2	8	1	7.60E-01	2	7.60E-01	1	5.42E-01	2	5.42E-01			1	6.16E-01
BPGM	7	2	3.19E-01	2	3.19E-01	1	5.42E-01	1	5.42E-01	1	7.00E-01	1	7.00E-01
FABP6	5	2	4.37E-01	2	4.37E-01	1	5.42E-01	1	5.42E-01	1	6.72E-01	1	6.72E-01
HRH3	20	1	7.60E-01	1	7.60E-01	1	5.42E-01	1	5.42E-01				
C11orf40	11			1	1.30E-01			1	1.00E+00			1	5.42E-01
ACIN1	14	4	6.36E-01	4	6.36E-01	4	8.83E-01	4	8.83E-01	1	5.42E-01	1	5.42E-01
G6PC2	2	5	1.97E-01	5	1.97E-01	6	5.42E-01	6	5.42E-01	4	5.85E-01	4	5.85E-01
ATP8A2	13	5	5.86E-01	5	5.86E-01	4	5.43E-01	4	5.43E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TBC1D10A	22	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01				
CEACAM3	19	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01				
ARL6IP4	12	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01				
CREBRF	5	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01				
SLC10A6	4	1	7.21E-01	1	7.21E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
CTR9	11	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01				
HOXA1	7	2	4.40E-01	2	4.40E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01	1	6.71E-01	1	6.71E-01
OR6F1	1	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01				
DHRS7C	17	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01				
ABCG8	2	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	5.43E-01	5	5.43E-01	2	6.06E-01	2	6.06E-01
CYHR1	8	3	6.74E-01	3	6.74E-01	3	5.43E-01	3	5.43E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
FIG4	6	3	2.12E-01	3	2.12E-01	3	5.43E-01	3	5.43E-01				
RNPEP	1	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01				
FSCN3	7	2	4.90E-01	2	4.90E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01	1	6.05E-01	1	6.05E-01
ACVR2B	3	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01				
SLC25A42	19	1	7.49E-01	1	7.49E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
ZNF506	19	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.43E-01	1	5.43E-01				
FBXL14	12	1	7.38E-01	1	7.38E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01				
CAMLG	5	1	7.38E-01	1	7.38E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01				
SESTD1	2	2	4.55E-01	2	4.55E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
TBC1D20	20	2	4.67E-01	2	4.67E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
ALDH3B2	11	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	5.44E-01	3	5.44E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01
IL36G	2	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01				
DES	2	2	3.49E-01	2	3.49E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
TMEM38A	19	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01				
LIPN	10	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01				
SERPINB5	18	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01				
GJB7	6	3	7.80E-02	4	2.66E-01	1	5.44E-01	2	7.14E-01	2	6.28E-01	3	1.00E+00
DDR2	1	3	1.66E-01	3	1.66E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
MGMT	10	2	4.90E-01	2	4.90E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01	1	6.35E-01	1	6.35E-01
GPR61	1	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01				
NDEL1	17	1	7.42E-01	1	7.42E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01				
TLX3	5	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01				
CXCL2	4	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01				
GDF5	20	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01				
AAAS	12	2	3.27E-01	2	3.27E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
ASIC2	17	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01				
SLC35F2	11	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.44E-01	1	5.44E-01				
TRPC4	13	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01				
GRM7	3	3	1.07E-01	3	1.07E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
TINF2	14	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01				
ARHGAP15	2	2	3.84E-01	2	3.84E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
MAP2K7	19	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01				
RTF1	15	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01				
TCTN2	12	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01				
WSCD2	12	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01				
HS3ST2	16	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01				
HID1	17	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
FSTL1	3	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01				
ZNF829	19	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01				
ERICH6	3	3	4.50E-01	3	4.50E-01	2	5.45E-01	2	5.45E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CTLA4	2	2	5.02E-01	2	5.02E-01	2	5.45E-01	2	5.45E-01				
HDAC4	2	4	9.01E-01	4	9.01E-01	3	5.45E-01	3	5.45E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01
DOHH	19	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01				
RARS2	6	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01				
CXCR1	2	2	2.83E-01	2	2.83E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01
TIMM10B	11	1	7.45E-01	1	7.45E-01	1	5.45E-01	1	5.45E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
TTBK2	15	11	6.64E-01	11	6.64E-01	10	6.04E-01	10	6.04E-01	5	5.45E-01	5	5.45E-01
JAKMIP3	10	4	4.86E-01	4	4.86E-01	3	5.46E-01	3	5.46E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
TSHZ3	19	4	8.98E-01	4	8.98E-01	3	5.46E-01	3	5.46E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01
SLC25A1	22	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.46E-01	1	5.46E-01				
ADSL	22	3	1.24E-01	3	1.24E-01	1	5.46E-01	1	5.46E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
HIST1H2AB	6	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.46E-01	1	5.46E-01				
METTL9	16	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.46E-01	1	5.46E-01				
PRDM5	4	5	7.96E-01	5	7.96E-01	4	5.46E-01	4	5.46E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01
GPLD1	6	4	5.05E-01	4	5.05E-01	2	5.75E-01	2	5.75E-01	3	5.46E-01	3	5.46E-01
RTKN2	10	5	4.46E-01	5	4.46E-01	3	5.47E-01	3	5.47E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01
MTR	1	4	7.56E-01	4	7.56E-01	3	7.77E-01	3	7.77E-01	3	5.47E-01	3	5.47E-01
MFSD2B	2	2	2.01E-01	2	2.01E-01	2	5.47E-01	2	5.47E-01				
EGLN2	19	2	2.03E-01	2	2.03E-01	2	5.47E-01	2	5.47E-01				
EXOSC7	3	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.47E-01	1	5.47E-01				
NDUFA6	22	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.47E-01	1	5.47E-01				
HACE1	6	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.47E-01	1	5.47E-01				
C19orf35	19	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.47E-01	1	5.47E-01				
CLDN16	3	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.47E-01	1	5.47E-01				
CYSLTR2	13	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.47E-01	1	5.47E-01				
HAX1	1	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.47E-01	1	5.47E-01				
MEF2D	1	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.47E-01	1	5.47E-01				
RABGGTB	1	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.47E-01	1	5.47E-01				
WDR97	8	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	5.47E-01	3	5.47E-01	3	6.21E-01	3	6.21E-01
PDLIM7	5	6	3.53E-01	6	3.53E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	5.48E-01	3	5.48E-01
KRT80	12	4	2.57E-01	4	2.57E-01	2	5.48E-01	2	5.48E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01
MOB1B	4	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.48E-01	1	5.48E-01				
TMEM67	8	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.48E-01	1	5.48E-01				
SLC39A10	2	2	4.09E-01	2	4.09E-01	1	5.48E-01	1	5.48E-01	1	6.07E-01	1	6.07E-01
HYAL1	3	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.48E-01	1	5.48E-01				
NOSTRIN	2	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.48E-01	1	5.48E-01				
BTAF1	10	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.48E-01	1	5.48E-01				
TFF1	21	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.48E-01	1	5.48E-01				
ANXA10	4	2	7.32E-01	2	7.32E-01	2	5.49E-01	2	5.49E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
TSPYL6	2	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	5.49E-01	3	6.08E-01	1	7.39E-01	2	7.13E-01
NUP205	7	6	5.95E-01	6	5.95E-01	5	5.49E-01	5	5.49E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
RBM27	5	6	6.20E-01	6	6.20E-01	5	5.49E-01	5	5.49E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
MGLL	3	1	7.63E-02	1	7.63E-02					1	5.49E-01	1	5.49E-01
ADAD1	4	1	7.63E-02	1	7.63E-02					1	5.49E-01	1	5.49E-01
RNF19B	1	3	6.65E-01	3	6.65E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01	1	5.49E-01	1	5.49E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
EVI5	1	3	6.59E-01	3	6.59E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01	1	5.49E-01	1	5.49E-01
IQCD	12	3	5.86E-01	3	5.86E-01	3	8.58E-01	3	8.58E-01	1	5.49E-01	1	5.49E-01
ZNF331	19	3	6.54E-01	3	6.54E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01	1	5.49E-01	1	5.49E-01
MYCBPAP	17	5	7.73E-01	5	7.73E-01	5	5.58E-01	5	5.58E-01	2	5.49E-01	2	5.49E-01
ZNF208	19	2	5.54E-01	2	5.54E-01	2	5.49E-01	2	5.49E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
PSEN2	1	2	5.23E-01	2	5.23E-01	2	5.49E-01	2	5.49E-01				
ARHGAP21	10	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	5.49E-01	3	5.49E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
GYLTL1B	11	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	5.50E-01	4	5.50E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
KALRN	3	8	8.20E-01	8	8.20E-01	6	5.50E-01	6	5.50E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00
PHKG1	7	3	8.13E-01	3	8.13E-01	2	5.50E-01	2	5.50E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
PXDNL	8	14	1.41E-01	15	1.50E-01	10	7.14E-01	11	6.88E-01	7	5.50E-01	8	6.08E-01
GORAB	1	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.50E-01	1	5.50E-01				
NOP56	20	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.50E-01	1	5.50E-01				
MBD1	18	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.50E-01	1	5.50E-01				
NAGS	17	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.50E-01	1	5.50E-01				
PMP2	8	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.50E-01	1	5.50E-01				
FABP4	8	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.50E-01	1	5.50E-01				
BHLHE41	12	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.50E-01	1	5.50E-01				
TFCP2L1	2	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.51E-01	1	5.51E-01				
FOXRED2	22	1	7.35E-01	1	7.35E-01	1	5.51E-01	1	5.51E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01
TNFSF10	3	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.51E-01	1	5.51E-01				
TMEM87A	15	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.51E-01	1	5.51E-01				
TRIM11	1	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.51E-01	1	5.51E-01				
CHADL	22	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.51E-01	1	5.51E-01				
AMN1	12	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.51E-01	1	5.51E-01				
NEK7	1	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.51E-01	1	5.51E-01				
IPO4	14	2	3.16E-01	3	3.16E-01	1	5.51E-01	2	5.51E-01	2	6.19E-01	3	6.19E-01
KRT73	12	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.51E-01	1	5.51E-01				
GAS2L1	22	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.51E-01	1	5.51E-01				
VEGFA	6	2	3.40E-01	2	3.40E-01	1	5.51E-01	1	5.51E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
RPIA	2	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.51E-01	1	5.51E-01				
SLC22A12	11	5	4.34E-01	5	4.34E-01	3	5.51E-01	3	5.51E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
RTTN	18	14	4.80E-02	14	4.80E-02	9	7.75E-01	9	7.75E-01	7	5.51E-01	7	5.51E-01
ZNF540	19	3	1.70E-01	3	1.70E-01	3	5.52E-01	3	5.52E-01				
ZHX3	20	3	7.13E-03	3	7.13E-03					3	5.52E-01	3	5.52E-01
CENPE	4	1	7.22E-01	1	7.22E-01	1	5.52E-01	1	5.52E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
DPAGT1	11	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.52E-01	1	5.52E-01				
COIL	17	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.52E-01	1	5.52E-01				
OR51S1	11	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	6.44E-01	3	5.52E-01	1	6.56E-01	2	6.82E-01
APOBR	16	4	7.89E-01	4	7.89E-01	4	5.52E-01	4	5.52E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
TAP1	6	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	5.52E-01	4	5.52E-01	4	6.21E-01	4	6.21E-01
TMEM256	17	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.53E-01	1	5.53E-01				
ACAA1	3	5	5.93E-01	5	5.93E-01	5	5.53E-01	5	5.53E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
HMGCS2	1	5	6.14E-01	5	6.14E-01	5	5.54E-01	5	5.54E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01
NMBR	6	4	6.72E-01	5	8.10E-01	3	5.54E-01	4	6.01E-01	4	8.77E-01	5	1.00E+00
ADAMTS6	5	1	9.20E-01	1	9.20E-01	2	5.54E-01	2	5.54E-01	2	7.42E-01	2	7.42E-01
10-Mar	17	4	7.85E-01	5	7.85E-01	3	5.54E-01	4	5.54E-01	2	6.60E-01	3	6.60E-01
SPATA3	2			1	5.13E-01			1	8.04E-01			1	5.54E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
EXOC3L1	16	9	2.84E-01	9	2.84E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	7	5.54E-01	7	5.54E-01
SCNN1G	16	1	7.15E-01	1	7.15E-01	1	5.54E-01	1	5.54E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
ZSWIM8	10	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.54E-01	1	5.54E-01				
CSRNP1	3	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.54E-01	1	5.54E-01				
NKX1-2	10	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	5.54E-01	1	5.54E-01	1	6.74E-01	1	6.74E-01
TKT	3	3	1.41E-01	3	1.41E-01	1	5.54E-01	1	5.54E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
TOP2B	3	2	3.69E-01	2	3.69E-01	1	5.54E-01	1	5.54E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
SP5	2	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.54E-01	1	5.54E-01				
EXOC3L2	19	4	9.01E-01	4	9.01E-01	3	5.54E-01	3	5.54E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
GIPR	19	3	6.60E-01	4	6.57E-01	2	6.25E-01	3	5.54E-01	1	6.28E-01	2	6.60E-01
OR2L13	1	1	2.21E-01	1	2.21E-01	1	5.55E-01	1	5.55E-01				
CYP2C19	10	1	8.68E-01	1	8.68E-01	2	5.55E-01	2	5.55E-01	2	7.07E-01	2	7.07E-01
GALNT5	2	6	5.50E-03	6	5.50E-03	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	5.55E-01	4	5.55E-01
METTL23	17	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.55E-01	1	5.55E-01				
SMIM7	19	1	7.02E-01	1	7.02E-01	1	5.55E-01	1	5.55E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
OR5L2	11	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.55E-01	1	5.55E-01				
SYT13	11	1	7.55E-01	1	7.55E-01	1	5.55E-01	1	5.55E-01				
NKX2-1	14	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.55E-01	1	5.55E-01				
KCNS1	20	2	3.97E-01	2	3.97E-01	1	5.55E-01	1	5.55E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
SLC24A2	9	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.55E-01	1	5.55E-01				
KRT23	17	2	3.12E-01	2	3.12E-01	1	5.55E-01	1	5.55E-01	1	6.60E-01	1	6.60E-01
SCN3B	11	1	7.64E-01	1	7.64E-01	1	5.55E-01	1	5.55E-01				
AP1G2	14	4	6.97E-01	5	7.01E-01	3	5.56E-01	4	8.58E-01	2	6.46E-01	3	7.27E-01
HACL1	3	4	2.19E-01	5	7.32E-02	4	6.04E-01	5	5.56E-01			1	6.89E-01
PGK2	6	5	3.63E-01	5	3.63E-01	3	5.56E-01	3	5.56E-01	3	5.59E-01	3	5.59E-01
CD4	12	2	7.23E-01	2	7.23E-01	2	5.56E-01	2	5.56E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
CYP2F1	19	2	4.41E-01	2	4.41E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	5.56E-01	2	5.56E-01
QSOX1	1	3	4.33E-01	4	4.35E-01	2	5.56E-01	3	1.00E+00	2	6.43E-01	3	7.40E-01
C19orf44	19	4	5.74E-01	4	5.74E-01	3	5.57E-01	3	5.57E-01	1	6.11E-01	1	6.11E-01
CXCL8	4	1	7.88E-01	1	7.88E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
SORL1	11	6	2.36E-01	6	2.36E-01	3	7.97E-01	3	7.97E-01	3	5.57E-01	3	5.57E-01
OR52B2	11	2	2.83E-01	2	2.83E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
ZNF564	19	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01				
PDE8B	5	1	7.50E-01	1	7.50E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01				
DLGAP1	18	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01				
N4BP2L2	13	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01				
GNLY	2	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01				
CHST12	7	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01				
KCTD3	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01				
CYTH4	22	3	1.16E-01	3	1.16E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
EID3	12	2	5.78E-01	2	5.78E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01	1	5.67E-01	1	5.67E-01
CXCL9	4	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01				
MAEA	4	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01				
RXRG	1	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.57E-01	1	5.57E-01				
LILRB4	19	2	6.93E-01	2	6.93E-01	2	5.57E-01	2	5.57E-01	1	6.08E-01	1	6.08E-01
CTTNBP2	7	6	5.31E-01	6	5.31E-01	4	7.58E-01	4	7.58E-01	5	5.57E-01	5	5.57E-01
CHEK2	22	3	5.27E-01	3	5.27E-01	3	5.57E-01	3	5.57E-01	1	5.98E-01	1	5.98E-01
VN1R2	19	3	6.65E-01	3	6.65E-01	3	6.87E-01	3	6.87E-01	2	5.57E-01	2	5.57E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
KIT	4	4	5.97E-01	4	5.97E-01	3	5.58E-01	3	5.58E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
FBP2	9	4	8.38E-01	4	8.38E-01	4	5.58E-01	4	5.58E-01	2	5.92E-01	2	5.92E-01
ANKLE2	12	5	1.78E-01	5	1.78E-01	5	5.58E-01	5	5.58E-01				
SEC14L5	16	3	2.17E-01	3	2.17E-01	3	5.58E-01	3	5.58E-01				
MUC4	3	7	2.45E-01	7	2.45E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	3	5.58E-01	3	5.58E-01
PNLIPRP1	10	4	2.15E-01	4	2.15E-01	4	5.58E-01	4	5.58E-01				
ZNF329	19	1	7.13E-01	1	7.13E-01	1	5.58E-01	1	5.58E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
MXD4	4	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.58E-01	1	5.58E-01				
LPCAT3	12	1	7.47E-01	1	7.47E-01	1	5.58E-01	1	5.58E-01				
REP15	12	1	7.07E-01	1	7.07E-01	1	5.58E-01	1	5.58E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
ZNF548	19	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.58E-01	1	5.58E-01				
LIPT2	11	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.58E-01	1	5.58E-01				
STARD4	5	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.58E-01	1	5.58E-01				
RNF32	7	2	2.89E-01	2	2.89E-01	1	5.58E-01	1	5.58E-01	1	6.89E-01	1	6.89E-01
CSF3	17	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	5.58E-01	1	5.58E-01				
ABHD16B	20	1	7.61E-01	2	1.00E+00	1	5.58E-01	2	8.86E-01			1	1.00E+00
DHPS	19	3	2.93E-01	3	2.93E-01	3	5.58E-01	3	5.58E-01				
KDM7A	7	3	6.65E-01	3	6.65E-01	2	5.58E-01	2	5.58E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
ATP1A4	1	14	1.07E-01	14	1.07E-01	13	5.85E-01	13	5.85E-01	5	5.59E-01	5	5.59E-01
TBKBP1	17	2	8.68E-01	3	1.00E+00	2	6.08E-01	3	5.59E-01	2	6.42E-01	3	9.26E-01
ZNF574	19	2	5.85E-01	2	5.85E-01	2	5.59E-01	2	5.59E-01				
KNG1	3	4	5.26E-01	4	5.26E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	5.59E-01	2	5.59E-01
ASCL3	11	2	5.36E-01	2	5.36E-01	2	5.59E-01	2	5.59E-01				
ADGRF4	6	3	6.83E-01	3	6.83E-01	2	5.59E-01	2	5.59E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
CCDC186	10	3	2.20E-01	3	2.20E-01	3	5.59E-01	3	5.59E-01				
LRRC18	10	3	2.19E-01	4	3.60E-01	3	5.59E-01	4	6.59E-01			1	1.00E+00
CCDC141	2	5	6.16E-02	6	7.41E-02	5	6.12E-01	6	6.94E-01	3	5.60E-01	4	6.92E-01
CPEB3	10	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	5.60E-01	2	5.60E-01				
CCDC78	16	3	6.19E-01	3	6.19E-01	2	5.60E-01	2	5.60E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
DSEL	18	5	8.37E-01	5	8.37E-01	4	5.60E-01	4	5.60E-01	2	7.97E-01	2	7.97E-01
SOSTDC1	7	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.60E-01	1	5.60E-01				
ACOT4	14	1	7.28E-01	1	7.28E-01	1	5.60E-01	1	5.60E-01	1	6.37E-01	1	6.37E-01
AURKAIP1	1	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.60E-01	1	5.60E-01				
ACOT13	6	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.60E-01	1	5.60E-01				
PMCH	12	1	7.63E-01	1	7.63E-01	1	5.60E-01	1	5.60E-01				
C10orf12	10	2	4.81E-01	2	4.81E-01	1	5.60E-01	1	5.60E-01	1	6.40E-01	1	6.40E-01
PCOLCE	7	1	7.13E-01	1	7.13E-01	1	5.60E-01	1	5.60E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
DYNC111	7	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.60E-01	1	5.60E-01				
KRT38	17	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	5.60E-01	1	5.60E-01				
GPR45	2	2	3.99E-01	3	3.83E-01	1	5.60E-01	2	6.49E-01	1	6.64E-01	2	7.60E-01
PROKR1	2	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	5.61E-01	2	5.61E-01				
ARHGAP28	18	2	2.31E-01	2	2.31E-01	2	5.61E-01	2	5.61E-01				
UGT3A1	5	1	7.97E-02	2	1.19E-01			1	5.61E-01	1	7.02E-01	2	7.32E-01
TICAM1	19	4	7.53E-01	4	7.53E-01	3	5.61E-01	3	5.61E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
RAD9A	11	4	8.14E-01	4	8.14E-01	3	5.61E-01	3	5.61E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
GNRH2	20	3	3.12E-01	3	3.12E-01	3	5.61E-01	3	5.61E-01				
OSBP2	22	3	7.41E-01	3	7.41E-01	3	5.61E-01	3	5.61E-01	1	6.56E-01	1	6.56E-01
LYPD6B	2	3	7.17E-01	3	7.17E-01	2	5.61E-01	2	5.61E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PRR35	16	3	5.31E-02	3	5.31E-02	3	5.61E-01	3	5.61E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
BSCL2	11	2	8.91E-01	2	8.91E-01	2	5.61E-01	2	5.61E-01	1	6.15E-01	1	6.15E-01
ENPEP	4	4	1.57E-01	4	1.57E-01	3	5.62E-01	3	5.62E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CC2D1B	1	3	3.70E-01	3	3.70E-01	3	5.62E-01	3	5.62E-01				
ABLIM1	10	3	7.63E-01	3	7.63E-01	2	5.62E-01	2	5.62E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
OPN1SW	7	4	6.52E-01	4	6.52E-01	3	5.62E-01	3	5.62E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
VIPAS39	14	2	1.99E-01	2	1.99E-01	2	5.62E-01	2	5.62E-01				
NPSR1	7	1	5.65E-01	2	5.65E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00	1	5.62E-01	2	5.62E-01
CCDC116	22	7	3.90E-01	8	3.90E-01	6	5.62E-01	7	5.62E-01	6	8.84E-01	7	8.85E-01
NUP214	9	5	7.86E-01	5	7.86E-01	4	5.62E-01	4	5.62E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
CCDC8	19	3	7.11E-01	3	7.11E-01	2	5.62E-01	2	5.62E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
CDR2L	17	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	5.63E-01	2	5.63E-01				
ZNF18	17	1	6.59E-02	1	6.59E-02					1	5.63E-01	1	5.63E-01
BAIAP2L1	7	1	6.59E-02	1	6.59E-02					1	5.63E-01	1	5.63E-01
SKAP1	17	1	6.59E-02	1	6.59E-02					1	5.63E-01	1	5.63E-01
PAQR8	6	1	6.59E-02	1	6.59E-02					1	5.63E-01	1	5.63E-01
UBXN2B	8	1	6.59E-02	1	6.59E-02					1	5.63E-01	1	5.63E-01
NHSL1	6	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	5.63E-01	4	5.63E-01	4	5.65E-01	4	5.65E-01
XAB2	19	3	7.63E-01	3	7.63E-01	3	5.63E-01	3	5.63E-01	1	6.81E-01	1	6.81E-01
ZNF805	19	4	3.50E-01	4	3.50E-01	2	5.63E-01	2	5.63E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
KIAA1522	1	5	7.66E-01	5	7.66E-01	4	5.64E-01	4	5.64E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
PAPD7	5	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	5.64E-01	1	5.64E-01				
ZNF507	19	1	6.57E-01	1	6.57E-01	1	5.64E-01	1	5.64E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
SOWAHC	2	1	7.39E-01	1	7.39E-01	1	5.64E-01	1	5.64E-01				
TRPM8	2	2	4.60E-01	2	4.60E-01	1	5.64E-01	1	5.64E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
EXOC7	17	2	2.75E-01	2	2.75E-01	1	5.64E-01	1	5.64E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
TFIP11	22	2	3.61E-01	2	3.61E-01	1	5.64E-01	1	5.64E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
CIC	19	6	5.61E-01	6	5.61E-01	4	5.64E-01	4	5.64E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
BOD1L1	4	12	7.26E-01	12	7.26E-01	10	6.64E-01	10	6.64E-01	6	5.64E-01	6	5.64E-01
SLC25A17	22	3	8.75E-01	3	8.75E-01	3	5.65E-01	3	5.65E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
CARD19	9	3	2.88E-01	3	2.88E-01	2	5.65E-01	2	5.65E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
DIO2	14	1	2.19E-01	1	2.19E-01	1	5.65E-01	1	5.65E-01				
TTC38	22	6	7.88E-01	6	7.88E-01	5	5.65E-01	5	5.65E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00
NSD1	5	6	6.45E-01	7	6.53E-01	4	5.65E-01	5	7.25E-01	2	6.40E-01	3	8.62E-01
EEF1D	8	2	5.25E-01	2	5.25E-01	2	5.65E-01	2	5.65E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
XPC	3	4	6.12E-01	4	6.12E-01	3	5.65E-01	3	5.65E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
SLC9A3	5	4	6.08E-01	4	6.08E-01	3	5.65E-01	3	5.65E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
PTGFRN	1	3	7.04E-01	3	7.04E-01	2	5.65E-01	2	5.65E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
DENND5A	11	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	5.65E-01	2	5.65E-01				
USP47	11	3	6.22E-01	3	6.22E-01	2	5.65E-01	2	5.65E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
ZNF225	19	6	7.98E-01	6	7.98E-01	6	6.28E-01	6	6.28E-01	1	5.65E-01	1	5.65E-01
MTERF4	2	1	8.44E-02	2	6.48E-01			1	5.65E-01	1	6.47E-01	2	5.90E-01
DNAJC22	12	1	6.17E-01	1	6.17E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.65E-01	2	5.65E-01
LDHC	11	4	7.19E-01	4	7.19E-01	4	5.66E-01	4	5.66E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
LAMC1	1	4	6.21E-01	4	6.21E-01	3	5.66E-01	3	5.66E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
GBP3	1	1	6.94E-02	3	3.90E-02			2	5.66E-01	1	6.37E-01	3	6.56E-01
TANC2	17	4	2.35E-01	4	2.35E-01	4	5.66E-01	4	5.66E-01				
CCDC110	4	3	4.88E-01	3	4.88E-01	2	5.66E-01	2	5.66E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
DYNAP	18	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.66E-01	1	5.66E-01				
C15orf41	15	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.66E-01	1	5.66E-01				
BRSK1	19	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.66E-01	1	5.66E-01				
WNT6	2	2	3.74E-01	2	3.74E-01	1	5.66E-01	1	5.66E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
TLX2	2	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.66E-01	1	5.66E-01				
USP50	15	1	7.53E-01	1	7.53E-01	1	5.66E-01	1	5.66E-01				
ZNF648	1	2	3.19E-01	2	3.19E-01	2	5.66E-01	2	5.66E-01				
SRMS	20	8	8.16E-01	8	8.16E-01	7	7.65E-01	7	7.65E-01	5	5.66E-01	5	5.66E-01
TMEM50A	1	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	5.66E-01	2	5.66E-01				
NFKB1	4	4	6.02E-01	4	6.02E-01	3	5.66E-01	3	5.66E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
BSN	3	15	3.76E-01	15	3.76E-01	13	6.64E-01	13	6.64E-01	9	5.66E-01	9	5.66E-01
IL27RA	19	2	6.21E-01	2	6.21E-01	2	5.67E-01	2	5.67E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SCAF11	12	3	8.38E-01	3	8.38E-01	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01
RBM5	3	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	5.67E-01	2	5.67E-01				
NAALADL1	11	3	3.10E-01	3	3.10E-01	3	5.67E-01	3	5.67E-01				
IP6K1	3	1	1.15E-01	1	1.15E-01					1	5.67E-01	1	5.67E-01
KDM4D	11	1	1.15E-01	1	1.15E-01					1	5.67E-01	1	5.67E-01
TNFSF4	1	1	1.15E-01	1	1.15E-01					1	5.67E-01	1	5.67E-01
PPIE	1	1	1.15E-01	1	1.15E-01					1	5.67E-01	1	5.67E-01
GABRR1	6	1	1.15E-01	1	1.15E-01					1	5.67E-01	1	5.67E-01
F3	1	1	1.15E-01	1	1.15E-01					1	5.67E-01	1	5.67E-01
WEE2	7	1	1.15E-01	1	1.15E-01					1	5.67E-01	1	5.67E-01
CASKIN2	17	5	6.99E-01	5	6.99E-01	4	5.80E-01	4	5.80E-01	1	5.67E-01	1	5.67E-01
TBX21	17	1	6.98E-01	1	6.98E-01	1	5.67E-01	1	5.67E-01	1	7.00E-01	1	7.00E-01
PDK4	7	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.67E-01	1	5.67E-01				
SYT12	11	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.67E-01	1	5.67E-01				
CCL11	17	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	5.67E-01	1	5.67E-01				
PRG2	11	2	5.85E-01	2	5.85E-01	1	5.67E-01	1	5.67E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
GFOD2	16	2	3.88E-01	2	3.88E-01	1	5.67E-01	1	5.67E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
MPND	19	2	5.12E-01	2	5.12E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.68E-01	2	5.68E-01
SCN10A	3	12	4.74E-01	12	4.74E-01	9	5.68E-01	9	5.68E-01	9	8.09E-01	9	8.09E-01
DOCK1	10	6	6.61E-01	6	6.61E-01	4	5.68E-01	4	5.68E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01
LDB3	10	1	5.93E-02	1	5.93E-02					1	5.69E-01	1	5.69E-01
SERPINI1	3	1	5.93E-02	1	5.93E-02					1	5.69E-01	1	5.69E-01
KIF9	3	5	7.96E-01	6	7.96E-01	4	6.05E-01	5	6.06E-01	1	5.69E-01	2	5.69E-01
KBTBD2	7	1	5.93E-02	1	5.93E-02					1	5.69E-01	1	5.69E-01
KIAA1841	2	4	7.45E-01	4	7.45E-01	3	7.18E-01	3	7.18E-01	1	5.69E-01	1	5.69E-01
FAT3	11	18	5.71E-01	18	5.71E-01	13	5.69E-01	13	5.69E-01	10	5.71E-01	10	5.71E-01
CTCF	20	2	7.01E-01	2	7.01E-01	2	5.69E-01	2	5.69E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
PM20D1	1	1	8.44E-02	3	9.11E-02					1	6.55E-01	3	7.19E-01
TRMT1	19	3	2.01E-01	3	2.01E-01	3	5.70E-01	3	5.70E-01				
NCAPH	2	2	2.76E-01	2	2.76E-01	2	5.70E-01	2	5.70E-01				
CERKL	2	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	5.70E-01	2	5.70E-01				
LRRC20	10	3	7.18E-01	3	7.18E-01	3	5.70E-01	3	5.70E-01	1	6.80E-01	1	6.80E-01
MLYCD	16	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	5.70E-01	4	5.70E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01
NAT2	8	4	7.87E-01	4	7.87E-01	3	5.70E-01	3	5.70E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
SLC39A2	14	2	4.53E-01	2	4.53E-01	2	5.71E-01	2	5.71E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
HADH	4	3	2.79E-01	3	2.79E-01	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
OR10AD1	12	2	5.67E-01	3	5.89E-01	2	6.55E-01	3	6.44E-01			1	5.71E-01
SH2D3C	9	3	6.26E-01	3	6.26E-01	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01
TBCD	17	4	6.25E-01	4	6.25E-01	3	5.71E-01	3	5.71E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
WDR35	2	6	3.90E-01	6	3.90E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	5.71E-01	4	5.71E-01
IL1RL2	2	3	7.23E-01	3	7.23E-01	3	5.71E-01	3	5.71E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
SPECC1	17	6	6.93E-01	6	6.93E-01	4	5.71E-01	4	5.71E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01
CHGA	14	3	7.11E-01	3	7.11E-01	3	5.71E-01	3	5.71E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01
NDUFS8	11	2	7.53E-01	2	7.53E-01	2	5.71E-01	2	5.71E-01	1	6.89E-01	1	6.89E-01
PRKG2	4	2	4.26E-01	2	4.26E-01	1	5.72E-01	1	5.72E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
LRPAP1	4	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.72E-01	1	5.72E-01				
RNF148	7	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.72E-01	1	5.72E-01				
TUBB6	18	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.72E-01	1	5.72E-01				
ZNF350	19	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.72E-01	1	5.72E-01				
ZNF776	19	1	7.54E-01	1	7.54E-01	1	5.72E-01	1	5.72E-01				
CPT1C	19	4	5.93E-01	4	5.93E-01	3	5.72E-01	3	5.72E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
SAMM50	22	3	6.36E-01	3	6.36E-01	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01
ABCA12	2	5	7.76E-01	5	7.76E-01	4	5.72E-01	4	5.72E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
ALG11	13	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	5.72E-01	2	5.72E-01				
GTPBP3	19	4	7.50E-01	4	7.50E-01	4	5.72E-01	4	5.72E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
ECE2	3	3	4.79E-01	4	4.92E-01	2	6.90E-01	3	5.72E-01	1	6.68E-01	2	7.24E-01
ALPK1	4	7	2.35E-01	8	2.35E-01	8	7.40E-01	9	7.40E-01	5	5.72E-01	6	5.72E-01
CCNJL	5	3	3.09E-01	3	3.09E-01	3	5.73E-01	3	5.73E-01				
METTL17	14	3	3.03E-01	3	3.03E-01	2	5.73E-01	2	5.73E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
ZNF695	1	3	7.23E-01	3	7.23E-01	2	5.73E-01	2	5.73E-01	1	6.32E-01	1	6.32E-01
DEFB127	20			1	1.52E-01			1	8.19E-01			1	5.73E-01
OR5T3	11	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	5.73E-01	2	5.73E-01				
UMPS	3	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.73E-01	1	5.73E-01				
IRF3	19	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.73E-01	1	5.73E-01				
CRIP2	14	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.73E-01	1	5.73E-01				
SURF2	9	2	4.34E-01	2	4.34E-01	1	5.73E-01	1	5.73E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01
TTC19	17	3	1.40E-01	3	1.40E-01	1	5.73E-01	1	5.73E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01
FRMD6	14	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.73E-01	1	5.73E-01				
KLHDC8A	1	2	3.02E-01	2	3.02E-01	1	5.73E-01	1	5.73E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
KCNAB3	17	2	3.71E-01	2	3.71E-01	1	5.73E-01	1	5.73E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
ST3GAL2	16	1	7.56E-01	1	7.56E-01	1	5.73E-01	1	5.73E-01				
CALCR	7	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	5.73E-01	2	5.73E-01				
UPF3A	13	1	7.13E-02	1	7.13E-02					1	5.73E-01	1	5.73E-01
N6AMT2	13	1	7.13E-02	1	7.13E-02					1	5.73E-01	1	5.73E-01
DPYSL2	8	1	7.13E-02	1	7.13E-02					1	5.73E-01	1	5.73E-01
IFT43	14	1	7.13E-02	1	7.13E-02					1	5.73E-01	1	5.73E-01
MRPL52	14	1	7.13E-02	1	7.13E-02					1	5.73E-01	1	5.73E-01
KLHL1	13	4	8.89E-01	4	8.89E-01	3	5.73E-01	3	5.73E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01
OR2B2	6	2	5.68E-01	3	8.29E-02	2	6.24E-01	3	5.73E-01			1	1.00E+00
GSR	8	5	8.70E-01	5	8.70E-01	4	8.50E-01	4	8.50E-01	2	5.74E-01	2	5.74E-01
TSTD2	9	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	5.74E-01	2	5.74E-01				
GPR63	6	2	3.04E-01	2	3.04E-01	2	5.74E-01	2	5.74E-01				
BRPF3	6	5	7.45E-01	5	7.45E-01	4	5.74E-01	4	5.74E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01
GLI4	8	2	5.41E-01	2	5.41E-01	2	5.74E-01	2	5.74E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CPEB2	4	4	7.61E-01	4	7.61E-01	4	5.74E-01	4	5.74E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
ATP13A4	3	3	6.68E-01	3	6.68E-01	2	5.74E-01	2	5.74E-01	1	6.07E-01	1	6.07E-01
GABPB2	1	2	5.88E-01	2	5.88E-01	2	5.74E-01	2	5.74E-01				
PIWIL4	11	4	6.11E-01	4	6.11E-01	3	5.75E-01	3	5.75E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
RAB32	6	3	6.43E-01	3	6.43E-01	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01
GAREM1	18	5	7.43E-01	5	7.43E-01	4	5.75E-01	4	5.75E-01	1	6.09E-01	1	6.09E-01
SIGLEC12	19	5	8.39E-01	6	8.35E-01	5	6.94E-01	6	7.08E-01	4	5.75E-01	5	5.83E-01
GRK1	13	3	7.49E-01	3	7.49E-01	3	5.75E-01	3	5.75E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
PPFIA1	11	4	7.59E-01	4	7.59E-01	4	5.76E-01	4	5.76E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
REL	2	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.76E-01	1	5.76E-01				
BMP7	20	3	1.38E-01	3	1.38E-01	1	5.76E-01	1	5.76E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01
MADCAM1	19	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.76E-01	1	5.76E-01				
ZNF12	7	4	2.18E-01	4	2.18E-01	4	5.76E-01	4	5.76E-01				
PLS1	3	3	7.30E-01	3	7.30E-01	3	5.76E-01	3	5.76E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
C10orf71	10	3	6.65E-01	3	6.65E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	5.76E-01	3	5.76E-01
ZNF514	2	3	2.12E-01	3	2.12E-01	3	5.77E-01	3	5.77E-01				
ZNF823	19	3	7.16E-01	3	7.16E-01	2	5.77E-01	2	5.77E-01	1	6.53E-01	1	6.53E-01
PPP1R16A	8	4	2.02E-01	4	2.02E-01	4	5.77E-01	4	5.77E-01				
SBF2	11	3	7.53E-01	3	7.53E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01
IQCF5	3	1	9.19E-02	1	9.19E-02					1	5.77E-01	1	5.77E-01
MRPL24	1	1	9.19E-02	1	9.19E-02					1	5.77E-01	1	5.77E-01
EMILIN1	2	3	7.11E-01	3	7.11E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01
TRH	3	1	5.55E-01	1	5.55E-01	1	5.77E-01	1	5.77E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
TMC3	15	9	1.00E+00	9	1.00E+00	8	5.77E-01	8	5.77E-01	5	7.17E-01	5	7.17E-01
GJB5	1	3	2.39E-01	3	2.39E-01	3	5.77E-01	3	5.77E-01				
SLC25A21	14	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	5.77E-01	2	5.77E-01				
STK32B	4	3	6.48E-01	3	6.48E-01	2	5.77E-01	2	5.77E-01	1	6.53E-01	1	6.53E-01
OR4C15	11	6	8.27E-01	8	1.00E+00	5	1.00E+00	7	1.00E+00	3	5.77E-01	5	7.85E-01
DEGS1	1	2	3.15E-01	2	3.15E-01	2	5.77E-01	2	5.77E-01				
FARSA	19	1	2.09E-01	1	2.09E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01				
ANGPTL3	1	3	9.10E-01	3	9.10E-01	3	5.78E-01	3	5.78E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
HLA-F	6	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	5.78E-01				
MAST3	19	3	8.88E-02	3	8.88E-02	1	5.78E-01	1	5.78E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01
PPWD1	5	1	6.81E-01	1	6.81E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01				
WDR31	9	2	2.48E-01	2	2.48E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
PRM2	16	1	6.81E-01	1	6.81E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01				
ZNF497	19	2	3.30E-01	2	3.30E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
NUDT15	13	1	6.81E-01	1	6.81E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01				
SLC29A2	11	1	6.81E-01	1	6.81E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01				
CLIP2	7	1	6.81E-01	1	6.81E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01				
C17orf47	17	2	3.58E-01	2	3.58E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01	1	5.93E-01	1	5.93E-01
C1orf54	1	1	6.81E-01	1	6.81E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01				
MMP7	11	1	6.81E-01	1	6.81E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01				
KRT13	17	4	2.31E-01	4	2.31E-01	4	5.78E-01	4	5.78E-01				
SFTPA1	10	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01				
SLC6A12	12	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01				
KCNQ5	6	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01				
TRPC6	11	2	3.77E-01	2	3.77E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01	1	5.93E-01	1	5.93E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ANXA1	9	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01				
CYTIP	2	1	7.57E-01	1	7.57E-01	1	5.78E-01	1	5.78E-01				
SERGEF	11	3	7.60E-01	3	7.60E-01	3	5.78E-01	3	5.78E-01	1	6.16E-01	1	6.16E-01
SLC7A10	19	3	4.75E-01	3	4.75E-01	2	5.79E-01	2	5.79E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
ARMC3	10	5	6.64E-01	5	6.64E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	5.79E-01	2	5.79E-01
DCTN4	5	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01				
LRFN2	6	2	4.36E-01	2	4.36E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01	1	6.24E-01	1	6.24E-01
COPS4	4	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01				
ZNHIT2	11	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01				
CPSF3L	1	2	2.92E-01	2	2.92E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
TCAF1	7	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01				
RNF220	1	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01				
NUPR1	16	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01				
TADA3	3	1	7.59E-01	1	7.59E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01				
PARP1	1	3	7.24E-01	3	7.24E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01
HECTD1	14	4	8.45E-01	4	8.45E-01	3	7.61E-01	3	7.61E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01
ENTHD1	22	3	7.14E-01	3	7.14E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01	1	5.79E-01	1	5.79E-01
MARCO	2	1	8.49E-02	1	8.49E-02					1	5.79E-01	1	5.79E-01
CT62	15	1	8.49E-02	1	8.49E-02					1	5.79E-01	1	5.79E-01
HMBS	11	1	8.49E-02	1	8.49E-02					1	5.79E-01	1	5.79E-01
SRM	1	1	8.49E-02	1	8.49E-02					1	5.79E-01	1	5.79E-01
SYT10	12	1	8.49E-02	1	8.49E-02					1	5.79E-01	1	5.79E-01
MMP10	11	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	5.79E-01	3	5.79E-01	2	6.14E-01	2	6.14E-01
RAD54L2	3	7	7.81E-01	7	7.81E-01	5	5.79E-01	5	5.79E-01	3	6.46E-01	3	6.46E-01
OR9A4	7	4	3.76E-01	4	3.76E-01	4	5.80E-01	4	5.80E-01				
CYP7B1	8	2	3.26E-01	2	3.26E-01	2	5.80E-01	2	5.80E-01				
DCAF6	1	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	5.80E-01	2	5.80E-01				
CCDC18	1	4	7.80E-01	4	7.80E-01	5	6.85E-01	5	6.85E-01	2	5.80E-01	2	5.80E-01
PPP1R36	14	4	2.26E-01	4	2.26E-01	4	5.80E-01	4	5.80E-01				
MB21D1	6	3	4.94E-01	4	4.94E-01	2	5.80E-01	3	5.80E-01	1	6.34E-01	2	6.34E-01
FBN3	19	23	8.50E-02	25	8.50E-02	18	5.80E-01	20	5.80E-01	12	7.22E-01	14	7.22E-01
FGFR1OP	6	1	7.91E-02	1	7.91E-02					1	5.80E-01	1	5.80E-01
ZNF407	18	4	8.17E-01	4	8.17E-01	3	6.46E-01	3	6.46E-01	1	5.80E-01	1	5.80E-01
SLC4A9	5	5	7.34E-01	5	7.34E-01	4	8.64E-01	4	8.64E-01	1	5.80E-01	1	5.80E-01
STRN4	19	2	3.68E-01	2	3.68E-01	1	5.87E-01	1	5.87E-01	1	5.80E-01	1	5.80E-01
CABP4	11	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.96E-01	2	5.96E-01	1	5.80E-01	1	5.80E-01
MKNK1	1	1	7.91E-02	1	7.91E-02					1	5.80E-01	1	5.80E-01
CA14	1	1	7.91E-02	1	7.91E-02					1	5.80E-01	1	5.80E-01
PEX5	12	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.88E-01	2	5.88E-01	1	5.80E-01	1	5.80E-01
MDH2	7	1	7.12E-02	1	7.12E-02					1	5.80E-01	1	5.80E-01
TTC37	5	4	2.06E-01	4	2.06E-01	4	5.80E-01	4	5.80E-01				
PADI1	1	6	6.76E-01	6	6.76E-01	4	5.80E-01	4	5.80E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
PPHLN1	12	1	7.90E-02	1	7.90E-02					1	5.81E-01	1	5.81E-01
BRF2	8	3	7.48E-01	3	7.48E-01	3	6.47E-01	3	6.47E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
FAM98C	19	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.56E-01	2	6.56E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
WWP2	16	1	7.90E-02	1	7.90E-02					1	5.81E-01	1	5.81E-01
KLHL12	1	1	7.90E-02	1	7.90E-02					1	5.81E-01	1	5.81E-01
GALNT12	9	4	8.20E-01	4	8.20E-01	3	7.50E-01	3	7.50E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ARID5B	10	3	6.31E-01	3	6.31E-01	3	5.81E-01	3	5.81E-01				
SPTBN1	2	6	6.40E-01	6	6.40E-01	4	5.81E-01	4	5.81E-01	2	6.11E-01	2	6.11E-01
TMEM245	9	2	6.79E-01	2	6.79E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	5.81E-01	2	5.81E-01
KIAA1468	18	2	3.17E-01	2	3.17E-01	2	5.81E-01	2	5.81E-01				
RSBN1	1	2	3.13E-01	2	3.13E-01	2	5.81E-01	2	5.81E-01				
UBP1	3	2	7.22E-01	2	7.22E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	5.81E-01	1	5.81E-01
BCHE	3	3	7.16E-01	3	7.16E-01	2	6.19E-01	2	6.19E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
PLCZ1	12	1	8.66E-02	1	8.66E-02					1	5.81E-01	1	5.81E-01
NNMT	11	1	8.66E-02	1	8.66E-02					1	5.81E-01	1	5.81E-01
CNGA3	2	3	7.25E-01	3	7.25E-01	2	6.05E-01	2	6.05E-01	1	5.81E-01	1	5.81E-01
PWP2	21	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	5.81E-01	4	5.81E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
CARKD	13	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	5.81E-01	2	5.81E-01				
RNF213	17	14	8.28E-01	15	8.28E-01	13	7.24E-01	14	7.23E-01	5	5.82E-01	6	6.36E-01
AEBP1	7	6	2.67E-01	6	2.67E-01	3	7.40E-01	3	7.40E-01	3	5.82E-01	3	5.82E-01
FAM65C	20	6	3.24E-01	6	3.24E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	3	5.82E-01	3	5.82E-01
ELL	19	1	8.69E-02	1	8.69E-02					1	5.82E-01	1	5.82E-01
VIMP	15	1	8.69E-02	1	8.69E-02					1	5.82E-01	1	5.82E-01
KCNT2	1	3	7.19E-01	3	7.19E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
OR9K2	12	4	8.35E-01	4	8.35E-01	3	7.53E-01	3	7.53E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
CDH20	18	3	7.04E-01	3	7.04E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
MMP2	16	3	7.07E-01	3	7.07E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
CDK10	16	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01				
RAB3GAP2	1	3	1.30E-01	3	1.30E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
FEM1B	15	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01				
IFNL1	19	1	6.88E-01	1	6.88E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
ARSA	22	1	7.51E-01	2	1.52E-01	1	5.82E-01	2	8.94E-01			1	6.05E-01
ADAM22	7	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01				
KCNV2	9	1	7.51E-01	1	7.51E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01				
CYB5R3	22	1	7.29E-02	1	7.29E-02					1	5.82E-01	1	5.82E-01
KCNK17	6	1	7.29E-02	1	7.29E-02					1	5.82E-01	1	5.82E-01
GARS	7	3	6.65E-01	3	6.65E-01	2	5.96E-01	2	5.96E-01	1	5.82E-01	1	5.82E-01
IGFBP6	12	1	7.29E-02	1	7.29E-02					1	5.82E-01	1	5.82E-01
ERVV-2	19	1	7.29E-02	1	7.29E-02					1	5.82E-01	1	5.82E-01
FBXW9	19	1	7.29E-02	1	7.29E-02					1	5.82E-01	1	5.82E-01
AKAP7	6	1	7.29E-02	1	7.29E-02					1	5.82E-01	1	5.82E-01
HADHA	2	1	7.29E-02	1	7.29E-02					1	5.82E-01	1	5.82E-01
USH1C	11	3	4.81E-01	3	4.81E-01	2	5.82E-01	2	5.82E-01	1	6.72E-01	1	6.72E-01
RMI1	9	2	5.90E-01	2	5.90E-01	2	5.82E-01	2	5.82E-01				
KPNA2	17	3	4.68E-01	3	4.68E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	5.82E-01	3	5.82E-01
SPIRE2	16	5	4.57E-01	5	4.57E-01	3	5.82E-01	3	5.82E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01
PRR15	7			1	2.36E-01			1	1.00E+00			1	5.83E-01
WRAP73	1	3	7.54E-01	3	7.54E-01	3	5.83E-01	3	5.83E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
CNGB1	16	8	6.15E-01	8	6.15E-01	7	5.83E-01	7	5.83E-01	6	7.50E-01	6	7.50E-01
RANBP10	16	2	9.17E-01	2	9.17E-01	2	5.83E-01	2	5.83E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01
SEMA4D	9	2	7.98E-01	2	7.98E-01	2	5.83E-01	2	5.83E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01
NIPBL	5	3	6.94E-01	3	6.94E-01	2	5.83E-01	2	5.83E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
PAX5	9	2	7.89E-01	2	7.89E-01	2	5.83E-01	2	5.83E-01	1	5.98E-01	1	5.98E-01
NMUR1	2	3	7.28E-01	3	7.28E-01	3	5.84E-01	3	5.84E-01	1	6.70E-01	1	6.70E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
DOCK8	9	15	1.40E-01	16	1.56E-01	8	5.84E-01	9	5.91E-01	10	7.87E-01	11	7.78E-01
TMOD3	15	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	5.84E-01	2	5.84E-01				
OR5F1	11	4	2.85E-01	4	2.85E-01	4	6.79E-01	4	6.79E-01	3	5.84E-01	3	5.84E-01
C6orf141	6	2	7.37E-01	2	7.37E-01	2	5.84E-01	2	5.84E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
HPS5	11	6	2.03E-01	7	3.08E-01	4	7.80E-01	5	8.15E-01	4	6.65E-01	5	5.84E-01
NUGGC	8	2	9.24E-01	2	9.24E-01	2	5.84E-01	2	5.84E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
SPRY4	5	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	5.84E-01	1	5.84E-01
UNC79	14	5	3.60E-01	5	3.60E-01	5	5.85E-01	5	5.85E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
FBXL13	7	4	6.02E-01	4	6.02E-01	3	5.85E-01	3	5.85E-01	2	8.79E-01	2	8.79E-01
FOXK1	7	3	3.05E-01	3	3.05E-01	2	5.85E-01	2	5.85E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
ZNF451	6	5	7.84E-01	5	7.84E-01	4	5.85E-01	4	5.85E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
NEUROD6	7	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	5.85E-01	2	5.85E-01				
CKAP5	11	4	1.67E-01	4	1.67E-01	4	5.86E-01	4	5.86E-01				
NPL	1	2	9.05E-01	2	9.05E-01	2	5.86E-01	2	5.86E-01	1	6.52E-01	1	6.52E-01
AACS	12	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	5.86E-01	2	5.86E-01				
HK1	10	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	5.86E-01	2	5.86E-01				
RASAL1	12	3	4.51E-01	4	6.84E-01	2	5.86E-01	3	8.58E-01	1	6.80E-01	2	7.18E-01
DGCR2	22	3	4.23E-01	3	4.23E-01	2	5.86E-01	2	5.86E-01	1	6.32E-01	1	6.32E-01
PALB2	16	8	4.99E-01	8	4.99E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	6	5.87E-01	6	5.87E-01
ZNF471	19	4	4.25E-01	4	4.25E-01	3	5.87E-01	3	5.87E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
CNTN4	3	3	7.24E-01	3	7.24E-01	2	5.87E-01	2	5.87E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
ZBTB6	9	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.87E-01	1	5.87E-01				
WBP2NL	22	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.87E-01	1	5.87E-01				
GSTO2	10	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.87E-01	1	5.87E-01				
TRMT61A	14	1	7.52E-01	1	7.52E-01	1	5.87E-01	1	5.87E-01				
PNPLA6	19	2	5.83E-01	2	5.83E-01	2	5.87E-01	2	5.87E-01				
ARSB	5	3	6.33E-01	3	6.33E-01	2	5.87E-01	2	5.87E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
ZNF25	10	2	5.53E-01	2	5.53E-01	2	5.87E-01	2	5.87E-01				
NAPG	18	2	2.47E-01	2	2.47E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	5.88E-01	1	5.88E-01
ZNF189	9	1	8.37E-02	1	8.37E-02					1	5.88E-01	1	5.88E-01
NTF3	12	1	8.37E-02	1	8.37E-02					1	5.88E-01	1	5.88E-01
SPINT2	19	1	8.37E-02	1	8.37E-02					1	5.88E-01	1	5.88E-01
MPI	15	1	8.37E-02	1	8.37E-02					1	5.88E-01	1	5.88E-01
ADM2	22	1	8.37E-02	1	8.37E-02					1	5.88E-01	1	5.88E-01
IL27	16			1	2.10E-01			1	5.88E-01			1	7.76E-01
POLB	8	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	5.88E-01	2	5.88E-01				
POMT2	14	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	5.88E-01	2	5.88E-01				
CD109	6	11	5.04E-01	11	5.04E-01	8	6.06E-01	8	6.06E-01	7	5.88E-01	7	5.88E-01
RPS6KA4	11	3	2.39E-01	3	2.39E-01	3	5.88E-01	3	5.88E-01				
GPR157	1	1	1.07E-01	1	1.07E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	5.89E-01	1	5.89E-01
TAS2R7	12	2	7.82E-01	2	7.82E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.89E-01	2	5.89E-01
ABCA13	7	35	8.12E-01	35	8.12E-01	31	5.89E-01	31	5.89E-01	20	6.36E-01	20	6.36E-01
FGF5	4	5	4.64E-01	5	4.64E-01	3	5.89E-01	3	5.89E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01
PRRS1L1	7	3	4.63E-01	3	4.63E-01	2	5.89E-01	2	5.89E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
NUFIP1	13	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	5.89E-01	2	5.89E-01				
PACS1	11	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	5.89E-01	2	5.89E-01				
ORC2	2	2	5.88E-01	2	5.88E-01	2	5.90E-01	2	5.90E-01				
ANLN	7	5	7.02E-01	6	4.56E-01	4	5.90E-01	5	8.92E-01	1	6.08E-01	2	6.27E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
UVSSA	4	3	2.87E-01	3	2.87E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	5.90E-01	3	5.90E-01
VPS51	11	2	5.83E-01	2	5.83E-01	2	5.90E-01	2	5.90E-01				
MT1B	16	1	1.31E-01	1	1.31E-01	1	5.90E-01	1	5.90E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ACTL7A	9	5	3.74E-01	5	3.74E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	5.90E-01	4	5.90E-01
PDE9A	21	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	5.90E-01	2	5.90E-01				
ABHD18	4	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	5.90E-01	2	5.90E-01				
RANBP3L	5	4	2.76E-01	4	2.76E-01	2	5.90E-01	2	5.90E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01
NGF	1	3	7.78E-01	3	7.78E-01	3	5.90E-01	3	5.90E-01	1	7.61E-01	1	7.61E-01
PQLC1	18	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.90E-01	2	5.90E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
TNC	9	12	6.68E-01	12	6.68E-01	10	5.90E-01	10	5.90E-01	7	6.54E-01	7	6.54E-01
PLEKHG6	12	3	6.75E-01	3	6.75E-01	2	5.91E-01	2	5.91E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
COL8A2	1	2	6.48E-01	2	6.48E-01	2	5.91E-01	2	5.91E-01	2	6.57E-01	2	6.57E-01
TSR3	16	3	3.16E-01	3	3.16E-01	3	5.91E-01	3	5.91E-01				
SLC38A9	5	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	5.91E-01	2	5.91E-01				
GADD45GIP1	19	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	5.91E-01	2	5.91E-01				
VIL1	2	4	7.83E-01	4	7.83E-01	4	5.91E-01	4	5.91E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
C5orf34	5	3	2.17E-01	3	2.17E-01	3	5.91E-01	3	5.91E-01				
ANKRD50	4	3	6.72E-01	3	6.72E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01	1	5.91E-01	1	5.91E-01
SORCS3	10	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	5.92E-01	2	5.92E-01				
SART3	12	3	7.45E-01	3	7.45E-01	2	5.92E-01	2	5.92E-01	1	6.80E-01	1	6.80E-01
CHD9	16	4	3.12E-01	4	3.12E-01	2	5.92E-01	2	5.92E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
EFR3A	8	4	8.18E-01	4	8.18E-01	3	6.81E-01	3	6.81E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01
ADAMTSL2	9	1	7.71E-02	1	7.71E-02					1	5.92E-01	1	5.92E-01
TTYH3	7	1	7.71E-02	1	7.71E-02					1	5.92E-01	1	5.92E-01
DIP2C	10	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.54E-01	2	6.54E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01
BTNL9	5	2	5.84E-01	2	5.84E-01	2	5.92E-01	2	5.92E-01				
ACP5	19	1	8.60E-02	2	2.64E-01			1	5.92E-01	1	5.93E-01	2	6.56E-01
MMP16	8	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	5.92E-01	2	5.92E-01				
FNDC9	5	2	8.61E-01	2	8.61E-01	2	5.92E-01	2	5.92E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
MRPS15	1	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	5.92E-01	2	5.92E-01				
PYROXD1	12	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	5.92E-01	2	5.92E-01				
LEO1	15	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	5.92E-01	2	5.92E-01				
TMEM55B	14	2	9.09E-01	2	9.09E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01	1	5.92E-01	1	5.92E-01
SFMBT1	3	1	6.65E-02	1	6.65E-02					1	5.92E-01	1	5.92E-01
CSDC2	22	1	6.65E-02	1	6.65E-02					1	5.92E-01	1	5.92E-01
ZBED2	3	1	6.65E-02	1	6.65E-02					1	5.92E-01	1	5.92E-01
PDZD3	11	1	6.65E-02	1	6.65E-02					1	5.92E-01	1	5.92E-01
RFC1	4	3	5.78E-01	3	5.78E-01	2	5.93E-01	2	5.93E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
NPM2	8	1	6.43E-02	1	6.43E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
AHCTF1	1	2	7.79E-01	2	7.79E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	5.93E-01	1	5.93E-01
CSNK1G1	15	1	6.43E-02	1	6.43E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
ENOX1	13	1	6.43E-02	1	6.43E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
NDUFB4	3	1	6.43E-02	1	6.43E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
ATP2A2	12	1	6.43E-02	1	6.43E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
CD247	1	1	6.43E-02	1	6.43E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
TPD52L1	6	1	6.43E-02	1	6.43E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
GHDC	17	3	2.24E-01	3	2.24E-01	3	5.93E-01	3	5.93E-01				
RET	10	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	5.93E-01	2	5.93E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
UNKL	16	2	8.08E-01	2	8.08E-01	2	5.93E-01	2	5.93E-01	1	6.35E-01	1	6.35E-01
NSUN7	4	3	6.65E-01	3	6.65E-01	2	5.93E-01	2	5.93E-01	1	6.70E-01	1	6.70E-01
ANPEP	15	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.93E-01	2	5.93E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01
NCSTN	1	2	5.84E-01	2	5.84E-01	2	5.93E-01	2	5.93E-01				
CFAP43	10	8	5.98E-01	8	5.98E-01	7	5.93E-01	7	5.93E-01	2	7.80E-01	2	7.80E-01
STRN	2	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
XPO4	13	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
APOA1BP	1	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
C22orf42	22	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
STK40	1	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
ALB	4	4	8.47E-01	4	8.47E-01	3	7.59E-01	3	7.59E-01	1	5.93E-01	1	5.93E-01
NMD3	3	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
UCKL1	20	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
F2RL2	5	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
FOPNL	16	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	5.93E-01	1	5.93E-01
IRF7	11	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	5.93E-01	2	5.93E-01				
CDH2	18			1	4.29E-01			1	5.93E-01			1	1.00E+00
RBM15	1	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	5.93E-01	2	5.93E-01				
LNPEP	5	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	5.94E-01	2	5.94E-01				
SLC7A6OS	16	2	3.11E-01	2	3.11E-01	2	5.94E-01	2	5.94E-01				
C5orf28	5	2	5.81E-01	2	5.81E-01	2	5.94E-01	2	5.94E-01				
MROH1	8	3	7.44E-01	3	7.44E-01	2	5.94E-01	2	5.94E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
TTPA	8	2	2.93E-01	2	2.93E-01	2	5.94E-01	2	5.94E-01				
MYEF2	15	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	5.94E-01	2	5.94E-01				
FAM111A	11	3	6.05E-01	3	6.05E-01	2	5.94E-01	2	5.94E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
SLC26A5	7	3	6.80E-01	3	6.80E-01	2	5.94E-01	2	5.94E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
SLC32A1	20	1	6.54E-02	1	6.54E-02					1	5.95E-01	1	5.95E-01
MRPL12	17	1	6.54E-02	1	6.54E-02					1	5.95E-01	1	5.95E-01
C16orf71	16	1	6.54E-02	1	6.54E-02					1	5.95E-01	1	5.95E-01
BCL2L15	1	1	6.54E-02	1	6.54E-02					1	5.95E-01	1	5.95E-01
SH3PXD2B	5	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	5.95E-01	2	5.95E-01				
PARVG	22	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.95E-01	2	5.95E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01
FAM45A	10	2	3.23E-01	2	3.23E-01	2	5.95E-01	2	5.95E-01				
PLPP4	10	2	5.83E-01	2	5.83E-01	2	5.95E-01	2	5.95E-01				
GALK1	17	3	7.14E-01	3	7.14E-01	2	5.95E-01	2	5.95E-01	1	6.92E-01	1	6.92E-01
ZNF160	19	4	2.20E-01	4	2.20E-01	4	5.96E-01	4	5.96E-01				
YIPF3	6	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	5.96E-01	2	5.96E-01				
LRRC61	7	2	5.90E-01	2	5.90E-01	2	5.96E-01	2	5.96E-01				
TRPV2	17	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	5.96E-01	2	5.96E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
TRIP4	15	3	2.18E-01	3	2.18E-01	3	5.96E-01	3	5.96E-01				
NRXN2	11	2	9.23E-01	2	9.23E-01	2	5.96E-01	2	5.96E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
DLL1	6	3	6.63E-01	3	6.63E-01	2	5.96E-01	2	5.96E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
PUM1	1	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	5.96E-01	2	5.96E-01				
EFR3B	2	3	7.23E-01	3	7.23E-01	2	5.96E-01	2	5.96E-01	1	6.48E-01	1	6.48E-01
CLIC5	6	3	5.10E-01	3	5.10E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	5.96E-01	2	5.96E-01
OR52K2	11	3	1.19E-01	3	1.19E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	5.96E-01	2	5.96E-01
RAD23A	19	2	3.16E-01	2	3.16E-01	2	5.97E-01	2	5.97E-01				
BTN3A2	6	2	6.41E-01	2	6.41E-01	2	5.97E-01	2	5.97E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SNX1	15	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	5.97E-01	2	5.97E-01				
DNAH8	6	29	7.93E-01	30	7.97E-01	22	6.02E-01	23	5.97E-01	15	7.75E-01	16	7.59E-01
DYNC2LI1	2	4	3.31E-01	4	3.31E-01	2	6.01E-01	2	6.01E-01	2	5.97E-01	2	5.97E-01
KHDRBS2	6	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	5.97E-01	2	5.97E-01				
ZNF557	19	3	6.32E-01	3	6.32E-01	2	5.97E-01	2	5.97E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
JTB	1	2	3.25E-01	2	3.25E-01	2	5.97E-01	2	5.97E-01				
MAP1B	5	3	6.72E-01	3	6.72E-01	2	5.97E-01	2	5.97E-01	1	5.99E-01	1	5.99E-01
COL3A1	2	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	5.98E-01	3	5.98E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
CRHBP	5	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	5.98E-01	2	5.98E-01				
PSME4	2	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	5.98E-01	2	5.98E-01				
ZBTB41	1	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	5.98E-01	2	5.98E-01				
KCNQ1	11	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	5.98E-01	2	5.98E-01				
GEM	8	1	6.39E-02	1	6.39E-02					1	5.98E-01	1	5.98E-01
LTA4H	12	4	7.70E-01	4	7.70E-01	3	7.32E-01	3	7.32E-01	1	5.98E-01	1	5.98E-01
CPNE2	16	1	6.39E-02	1	6.39E-02					1	5.98E-01	1	5.98E-01
FBXO25	8	1	6.39E-02	1	6.39E-02					1	5.98E-01	1	5.98E-01
NUDT14	14	3	6.81E-01	3	6.81E-01	2	5.98E-01	2	5.98E-01	1	5.99E-01	1	5.99E-01
SGOL1	3	1	8.67E-02	1	8.67E-02					1	5.98E-01	1	5.98E-01
ARHGEF33	2	1	8.67E-02	1	8.67E-02					1	5.98E-01	1	5.98E-01
ZBTB47	3	1	8.67E-02	1	8.67E-02					1	5.98E-01	1	5.98E-01
ECSIT	19	1	8.05E-01	1	8.05E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	5.98E-01	1	5.98E-01
CD19	16	2	9.10E-01	2	9.10E-01	2	5.98E-01	2	5.98E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
TMEM128	4	1	8.37E-02	1	8.37E-02					1	5.98E-01	1	5.98E-01
DAB2	5	3	7.08E-01	3	7.08E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01	1	5.98E-01	1	5.98E-01
C6orf47	6	1	7.61E-01	2	8.32E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00	1	5.98E-01	2	6.58E-01
EPHA7	6	3	6.96E-01	3	6.96E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01	1	5.98E-01	1	5.98E-01
FAM83D	20	3	6.63E-01	3	6.63E-01	2	5.98E-01	2	5.98E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
SPHK2	19	5	7.59E-01	5	7.59E-01	4	5.98E-01	4	5.98E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
RCBTB1	13	1	8.45E-02	1	8.45E-02					1	5.98E-01	1	5.98E-01
OR2M7	1	2	9.24E-01	3	9.24E-01	2	6.61E-01	3	6.41E-01	1	5.98E-01	2	6.03E-01
TAF11	6	1	8.45E-02	1	8.45E-02					1	5.98E-01	1	5.98E-01
DUSP19	2	1	8.45E-02	1	8.45E-02					1	5.98E-01	1	5.98E-01
ZNF852	3	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	5.98E-01	2	5.98E-01				
MYH10	17	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	5.98E-01	2	5.98E-01				
NTNG1	1	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	5.98E-01	2	5.98E-01				
SLC18A1	8	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	5.98E-01	2	5.98E-01				
HECW2	2	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	5.98E-01	2	5.98E-01				
VPS18	15	8	2.04E-01	8	2.04E-01	7	5.98E-01	7	5.98E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
SLC16A4	1	2	5.59E-01	2	5.59E-01	2	5.99E-01	2	5.99E-01				
PCSK7	11	3	8.60E-01	3	8.60E-01	2	5.99E-01	2	5.99E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
CEACAM5	19	2	3.25E-01	2	3.25E-01	2	5.99E-01	2	5.99E-01				
ARHGEF10L	1	3	8.42E-01	4	4.52E-01	2	5.99E-01	3	1.00E+00	2	6.40E-01	3	8.48E-01
PHTF1	1	3	5.27E-01	3	5.27E-01	2	5.99E-01	2	5.99E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
ADAMTS10	19	3	6.61E-01	3	6.61E-01	2	5.99E-01	2	5.99E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
CSPG4	15	2	3.23E-01	2	3.23E-01	2	5.99E-01	2	5.99E-01				
SLC2A8	9	2	9.16E-01	2	9.16E-01	2	5.99E-01	2	5.99E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
WDR75	2	4	6.00E-01	4	6.00E-01	3	5.99E-01	3	5.99E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
ZSCAN4	19	1	7.38E-02	1	7.38E-02					1	5.99E-01	1	5.99E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TYW3	1	1	7.38E-02	1	7.38E-02					1	5.99E-01	1	5.99E-01
PRDM12	9	1	7.38E-02	1	7.38E-02					1	5.99E-01	1	5.99E-01
ANAPC15	11	1	7.38E-02	1	7.38E-02					1	5.99E-01	1	5.99E-01
HOMER1	5	1	7.38E-02	1	7.38E-02					1	5.99E-01	1	5.99E-01
GPT2	16	1	7.38E-02	1	7.38E-02					1	5.99E-01	1	5.99E-01
MTERF3	8	4	7.95E-01	4	7.95E-01	3	6.64E-01	3	6.64E-01	1	5.99E-01	1	5.99E-01
CNN1	19	1	7.38E-02	1	7.38E-02					1	5.99E-01	1	5.99E-01
KLF12	13	1	7.38E-02	1	7.38E-02					1	5.99E-01	1	5.99E-01
MARVELD3	16	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.17E-01	2	6.17E-01	1	5.99E-01	1	5.99E-01
SEMA3C	7	4	8.64E-01	4	8.64E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	5.99E-01	2	5.99E-01
CALR3	19	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.00E-01	2	6.00E-01				
APBB2	4	2	5.45E-01	2	5.45E-01	2	6.00E-01	2	6.00E-01				
PRICKLE1	12	2	5.83E-01	2	5.83E-01	2	6.00E-01	2	6.00E-01				
ZNF23	16	4	3.85E-01	4	3.85E-01	2	6.00E-01	2	6.00E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01
ELFN1	7	3	6.57E-01	3	6.57E-01	2	6.00E-01	2	6.00E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
SLC22A17	14	2	9.04E-01	2	9.04E-01	2	6.00E-01	2	6.00E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
ZNF678	1	2	1.41E-01	2	1.41E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	6.00E-01	2	6.00E-01
SERINC2	1	4	1.90E-01	4	1.90E-01	4	6.00E-01	4	6.00E-01				
LRRN3	7	3	7.68E-01	3	7.68E-01	3	6.00E-01	3	6.00E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
PROX2	14	3	6.31E-01	3	6.31E-01	2	6.73E-01	2	6.73E-01	1	6.00E-01	1	6.00E-01
NYNRIN	14	1	8.01E-02	1	8.01E-02					1	6.00E-01	1	6.00E-01
RINT1	7	2	8.83E-01	2	8.83E-01	2	7.69E-01	2	7.69E-01	1	6.00E-01	1	6.00E-01
RCCD1	15	3	7.31E-01	3	7.31E-01	3	8.07E-01	3	8.07E-01	1	6.00E-01	1	6.00E-01
MTCH1	6	1	8.01E-02	1	8.01E-02					1	6.00E-01	1	6.00E-01
AGFG1	2	1	8.01E-02	1	8.01E-02					1	6.00E-01	1	6.00E-01
KIAA0368	9	1	8.01E-02	1	8.01E-02					1	6.00E-01	1	6.00E-01
MCMDC2	8	1	8.01E-02	1	8.01E-02					1	6.00E-01	1	6.00E-01
RNF14	5	1	8.01E-02	1	8.01E-02					1	6.00E-01	1	6.00E-01
ALK	2	4	2.68E-01	4	2.68E-01	2	6.00E-01	2	6.00E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
ARSK	5	4	7.76E-01	4	7.76E-01	4	8.49E-01	4	8.49E-01	1	6.00E-01	1	6.00E-01
SLC7A1	13	1	7.96E-02	1	7.96E-02					1	6.00E-01	1	6.00E-01
WIPF2	17	1	7.96E-02	1	7.96E-02					1	6.00E-01	1	6.00E-01
HOXB9	17	3	9.08E-01	3	9.08E-01	3	6.38E-01	3	6.38E-01	1	6.00E-01	1	6.00E-01
RNF8	6	1	7.96E-02	1	7.96E-02					1	6.00E-01	1	6.00E-01
SCAI	9	1	7.96E-02	1	7.96E-02					1	6.00E-01	1	6.00E-01
FAM160B1	10	1	7.96E-02	1	7.96E-02					1	6.00E-01	1	6.00E-01
AGBL4	1	1	7.96E-02	1	7.96E-02					1	6.00E-01	1	6.00E-01
BOK	2	2	4.00E-01	2	4.00E-01	3	6.00E-01	3	6.00E-01	2	7.24E-01	2	7.24E-01
ZNF324B	19	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	6.00E-01	2	6.00E-01				
MFAP2	1	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.00E-01	2	6.00E-01				
ALS2CR12	2	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.00E-01	2	6.00E-01				
THAP9	4	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.00E-01	2	6.00E-01				
YOD1	1	2	9.16E-01	2	9.16E-01	2	6.00E-01	2	6.00E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
LRRRC39	1	3	6.39E-01	3	6.39E-01	2	6.01E-01	2	6.01E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
C7orf55	7	1	7.17E-02	1	7.17E-02					1	6.01E-01	1	6.01E-01
PTPRF	1	3	6.47E-01	3	6.47E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
HYLS1	11	3	6.01E-01	3	6.01E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
RAB3B	1	3	6.47E-01	3	6.47E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
POLR2D	2	1	7.17E-02	1	7.17E-02					1	6.01E-01	1	6.01E-01
IL1A	2	2	9.14E-01	2	9.14E-01	2	6.19E-01	2	6.19E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
SMDT1	22	2	3.18E-01	2	3.18E-01	2	6.01E-01	2	6.01E-01				
ZFP28	19	1	6.67E-02	1	6.67E-02					1	6.01E-01	1	6.01E-01
HMGCLL1	6	1	6.67E-02	1	6.67E-02					1	6.01E-01	1	6.01E-01
MPRIP	17	3	6.34E-01	3	6.34E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
KIAA0319	6	5	8.28E-01	5	8.28E-01	4	6.36E-01	4	6.36E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
OTOGL	12	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.01E-01	2	6.01E-01				
MGAT4D	4	1	4.22E-01	1	4.22E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
F7	13	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.01E-01	2	6.01E-01				
SLC6A2	16	1	7.20E-02	1	7.20E-02					1	6.01E-01	1	6.01E-01
C9orf3	9	4	8.00E-01	4	8.00E-01	3	6.95E-01	3	6.95E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
WDR63	1	1	7.20E-02	1	7.20E-02					1	6.01E-01	1	6.01E-01
PPIL4	6	2	5.23E-01	2	5.23E-01	2	6.01E-01	2	6.01E-01				
AGPAT5	8	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.01E-01	2	6.01E-01				
DNAJB14	4	2	5.85E-01	2	5.85E-01	2	6.01E-01	2	6.01E-01				
ACY3	11	3	2.02E-01	3	2.02E-01	3	6.01E-01	3	6.01E-01				
THSD7A	7	3	3.34E-01	4	3.34E-01	3	6.16E-01	4	6.16E-01			1	6.01E-01
DAND5	19	1	6.75E-02	1	6.75E-02					1	6.01E-01	1	6.01E-01
SLC25A13	7	4	3.33E-01	4	3.33E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	6.01E-01	1	6.01E-01
TC2N	14	1	6.75E-02	1	6.75E-02					1	6.01E-01	1	6.01E-01
ISYNA1	19	1	6.75E-02	1	6.75E-02					1	6.01E-01	1	6.01E-01
DLGAP4	20	4	7.73E-01	4	7.73E-01	3	7.86E-01	3	7.86E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
P4HA2	5	3	6.40E-01	3	6.40E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
LRFN4	11	4	6.07E-01	4	6.07E-01	3	7.97E-01	3	7.97E-01	1	6.01E-01	1	6.01E-01
SDCBP	8	1	6.75E-02	1	6.75E-02					1	6.01E-01	1	6.01E-01
NDUFAF5	20	1	6.75E-02	1	6.75E-02					1	6.01E-01	1	6.01E-01
HOXB13	17	1	8.74E-01	1	8.74E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.01E-01	1	6.01E-01
CDON	11	5	5.91E-01	5	5.91E-01	4	6.01E-01	4	6.01E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
EREG	4	2	5.30E-01	2	5.30E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01				
STAT5B	17	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01				
RGS14	5	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01				
GPR87	3	2	5.83E-01	2	5.83E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01				
CRTC3	15	2	5.87E-01	2	5.87E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01				
CYP26C1	10	3	5.19E-01	3	5.19E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
PTPRQ	12	2	5.28E-01	2	5.28E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01				
PPM1A	14	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01				
ABCB11	2	4	3.34E-01	4	3.34E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01	2	6.56E-01	2	6.56E-01
LARP4B	10	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01				
HEPHL1	11	2	3.24E-01	2	3.24E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01				
BNIP1	1	3	1.00E+00	4	1.00E+00	3	6.33E-01	4	6.02E-01	1	6.15E-01	2	6.83E-01
DOK6	18	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01				
TMC2	20	3	7.05E-01	3	7.05E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01	1	6.56E-01	1	6.56E-01
KLHL14	18	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01				
CCDC138	2	3	7.07E-01	3	7.07E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
GALNS	16	2	5.26E-01	2	5.26E-01	2	6.02E-01	2	6.02E-01				
ATP6V0E2	7	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.03E-01	2	6.03E-01				
NPAS4	11	2	5.33E-01	2	5.33E-01	2	6.03E-01	2	6.03E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CD6	11	2	5.86E-01	3	5.71E-01	2	6.16E-01	3	6.03E-01				
ZGRF1	4	5	8.06E-01	5	8.06E-01	4	6.03E-01	4	6.03E-01	1	6.53E-01	1	6.53E-01
C4orf36	4	2	5.89E-01	2	5.89E-01	2	6.03E-01	2	6.03E-01				
ESF1	20	2	5.81E-01	2	5.81E-01	2	6.03E-01	2	6.03E-01				
LVRN	5	4	8.27E-01	4	8.27E-01	3	7.24E-01	3	7.24E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
EVL	14	3	6.89E-01	3	6.89E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
NKIRAS1	3	1	7.82E-02	1	7.82E-02					1	6.03E-01	1	6.03E-01
RPL3	22	1	7.82E-02	1	7.82E-02					1	6.03E-01	1	6.03E-01
SPAM1	7	2	9.23E-01	2	9.23E-01	2	6.03E-01	2	6.03E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
FBXO16	8	3	6.71E-01	3	6.71E-01	2	6.03E-01	2	6.03E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
PIGX	3	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.03E-01	2	6.03E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
GTDC1	2	2	6.61E-01	2	6.61E-01	2	6.03E-01	2	6.03E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01
KRTAP9-8	17	1	9.11E-02	1	9.11E-02					1	6.03E-01	1	6.03E-01
XYLB	3	1	9.11E-02	1	9.11E-02					1	6.03E-01	1	6.03E-01
METTL18	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.20E-01	2	6.20E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
GLMN	1	1	9.11E-02	1	9.11E-02					1	6.03E-01	1	6.03E-01
CNGA4	11	3	7.48E-01	3	7.48E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
STX4	16	3	7.31E-01	3	7.31E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01	1	6.03E-01	1	6.03E-01
VDR	12	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	6.28E-01	3	6.27E-01	1	6.03E-01	2	6.03E-01
CABP5	19	2	5.73E-01	3	1.60E-01	2	6.34E-01	3	6.03E-01			1	1.00E+00
CHST6	16	1	5.79E-01	1	5.79E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.03E-01	1	6.03E-01
LOC100130705	7	1	5.59E-02	1	5.59E-02					1	6.03E-01	1	6.03E-01
SLCO6A1	5	1	5.59E-02	1	5.59E-02					1	6.03E-01	1	6.03E-01
SPATS2	12	1	5.59E-02	1	5.59E-02					1	6.03E-01	1	6.03E-01
CRTC2	1	1	5.59E-02	1	5.59E-02					1	6.03E-01	1	6.03E-01
OR51E2	11	1	7.40E-02	1	7.40E-02					1	6.04E-01	1	6.04E-01
TRAPPC10	21	2	7.24E-01	2	7.24E-01	2	7.94E-01	2	7.94E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
CNBD1	8	3	6.74E-01	3	6.74E-01	2	6.14E-01	2	6.14E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
SLC2A12	6	1	7.40E-02	1	7.40E-02					1	6.04E-01	1	6.04E-01
SHISA7	19	1	7.40E-02	1	7.40E-02					1	6.04E-01	1	6.04E-01
KRI1	19	1	7.40E-02	1	7.40E-02					1	6.04E-01	1	6.04E-01
MDN1	6	15	1.46E-01	15	1.46E-01	11	6.04E-01	11	6.04E-01	7	6.16E-01	7	6.16E-01
STON2	14	3	1.00E+00	4	1.00E+00	3	7.08E-01	4	7.09E-01	1	6.04E-01	2	6.04E-01
DGKB	7	1	7.04E-02	1	7.04E-02					1	6.04E-01	1	6.04E-01
ACRV1	11	1	7.04E-02	1	7.04E-02					1	6.04E-01	1	6.04E-01
NDUF6	9	1	7.04E-02	1	7.04E-02					1	6.04E-01	1	6.04E-01
SLC39A14	8	3	9.27E-01	3	9.27E-01	3	7.66E-01	3	7.66E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
HPGD	4	1	7.04E-02	1	7.04E-02					1	6.04E-01	1	6.04E-01
PRKCG	19	1	7.04E-02	1	7.04E-02					1	6.04E-01	1	6.04E-01
IRF2BP2	1	3	6.50E-01	3	6.50E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
AQP9	15	3	7.39E-01	3	7.39E-01	2	6.04E-01	2	6.04E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
SPIRE1	18	2	5.88E-01	2	5.88E-01	2	6.04E-01	2	6.04E-01				
DLK2	6	2	5.63E-01	2	5.63E-01	2	6.04E-01	2	6.04E-01				
PSMD13	11	3	6.26E-01	3	6.26E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
STARD7	2	3	4.81E-01	3	4.81E-01	2	6.80E-01	2	6.80E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
ZNF586	19	3	7.50E-01	3	7.50E-01	3	8.11E-01	3	8.11E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
SELP	1	3	6.64E-01	3	6.64E-01	2	6.09E-01	2	6.09E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01
WWP1	8	3	6.33E-01	3	6.33E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01	1	6.04E-01	1	6.04E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
FAM76A	1	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.06E-01	2	6.06E-01				
SDPR	2	1	7.68E-02	1	7.68E-02					1	6.06E-01	1	6.06E-01
SPATA6L	9	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.07E-01	2	6.07E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
COASY	17	3	6.73E-01	3	6.73E-01	2	6.62E-01	2	6.62E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
RASL10A	22	1	7.68E-02	1	7.68E-02					1	6.06E-01	1	6.06E-01
FAAH	1	2	9.28E-01	2	9.28E-01	2	6.64E-01	2	6.64E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
MIER1	1	2	5.30E-01	2	5.30E-01	2	6.06E-01	2	6.06E-01				
YTHDC1	4	3	5.68E-01	3	5.68E-01	2	6.06E-01	2	6.06E-01	1	6.52E-01	1	6.52E-01
FANCD2OS	3	3	5.22E-01	3	5.22E-01	2	6.06E-01	2	6.06E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
GPCPD1	20	2	5.83E-01	2	5.83E-01	2	6.06E-01	2	6.06E-01				
FSIP1	15	3	6.49E-01	5	5.14E-01	2	6.06E-01	4	7.51E-01	2	6.47E-01	4	9.12E-01
SIRT7	17	1	6.86E-02	1	6.86E-02					1	6.06E-01	1	6.06E-01
TARBP1	1	5	7.92E-01	5	7.92E-01	4	8.23E-01	4	8.23E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
DPP4	2	4	7.84E-01	4	7.84E-01	3	7.64E-01	3	7.64E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
RNF219	13	1	6.86E-02	1	6.86E-02					1	6.06E-01	1	6.06E-01
THBD	20	1	6.86E-02	1	6.86E-02					1	6.06E-01	1	6.06E-01
TAT	16	3	6.40E-01	3	6.40E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01	1	6.06E-01	1	6.06E-01
FAM102B	1	1	6.86E-02	1	6.86E-02					1	6.06E-01	1	6.06E-01
C1orf194	1	2	1.81E-02	3	2.31E-01			1	6.06E-01	2	6.15E-01	3	1.00E+00
CNOT11	2	2	5.81E-01	2	5.81E-01	2	6.06E-01	2	6.06E-01				
TMEM220	17	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.06E-01	2	6.06E-01				
TAS2R60	7	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01				
TOB2	22	2	6.51E-01	2	6.51E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01
IPO8	12	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01				
ELMO1	7	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01				
ZNF85	19	3	6.70E-01	4	7.23E-01	2	6.19E-01	3	7.27E-01	1	6.07E-01	2	6.61E-01
VPS50	7	3	6.39E-01	3	6.39E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01	1	6.07E-01	1	6.07E-01
GOT1	10	1	7.16E-02	1	7.16E-02					1	6.07E-01	1	6.07E-01
DDX31	9	3	2.86E-01	3	2.86E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	6.07E-01	1	6.07E-01
HAUS6	9	2	5.59E-01	2	5.59E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01				
SCARB1	12	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01				
NR1I3	1	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01				
OR2G3	1	3	1.00E+00	4	1.00E+00	3	6.07E-01	4	6.07E-01	1	6.65E-01	2	6.65E-01
TBC1D10B	16	1	7.43E-02	1	7.43E-02					1	6.07E-01	1	6.07E-01
MEOX2	7	1	7.43E-02	1	7.43E-02					1	6.07E-01	1	6.07E-01
DCN	12	1	7.43E-02	1	7.43E-02					1	6.07E-01	1	6.07E-01
PAX6	11	1	7.43E-02	1	7.43E-02					1	6.07E-01	1	6.07E-01
UBQLNL	11	3	9.08E-01	3	9.08E-01	3	6.84E-01	3	6.84E-01	1	6.07E-01	1	6.07E-01
TARS2	1	1	7.43E-02	1	7.43E-02					1	6.07E-01	1	6.07E-01
GABARAPL2	16	1	7.43E-02	1	7.43E-02					1	6.07E-01	1	6.07E-01
TBC1D15	12	1	7.43E-02	1	7.43E-02					1	6.07E-01	1	6.07E-01
ANGPT2	8	3	8.75E-01	3	8.75E-01	2	6.98E-01	2	6.98E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01
USP16	21	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01				
TUBAL3	10	5	2.44E-01	5	2.44E-01	4	6.07E-01	4	6.07E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
PTK2B	8	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01				
IBTK	6	5	5.53E-01	5	5.53E-01	3	6.42E-01	3	6.42E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01
PITRM1	10	9	3.46E-01	9	3.46E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	7	6.07E-01	7	6.07E-01
ZNF174	16	3	7.31E-01	3	7.31E-01	2	6.07E-01	2	6.07E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
USF1	1	1	6.83E-02	1	6.83E-02					1	6.09E-01	1	6.09E-01
CMPK2	2	1	6.83E-02	1	6.83E-02					1	6.09E-01	1	6.09E-01
ZAR1	4	1	6.83E-02	1	6.83E-02					1	6.09E-01	1	6.09E-01
ADCK1	14	2	9.26E-01	2	9.26E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01	1	6.09E-01	1	6.09E-01
PACSN1	6	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.09E-01	2	6.09E-01				
BBOF1	14	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.09E-01	2	6.09E-01				
ASXL1	20	4	7.55E-01	4	7.55E-01	3	6.47E-01	3	6.47E-01	2	6.09E-01	2	6.09E-01
RFWD3	16	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	6.09E-01	2	6.09E-01				
IL1R2	2	2	9.25E-01	2	9.25E-01	2	6.09E-01	2	6.09E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
ZNF283	19	2	5.89E-01	2	5.89E-01	2	6.10E-01	2	6.10E-01				
BAIAP2L2	22	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	6.10E-01	2	6.10E-01				
THRAP3	1	2	5.85E-01	2	5.85E-01	2	6.10E-01	2	6.10E-01				
SREK1	5	1	6.47E-02	1	6.47E-02					1	6.10E-01	1	6.10E-01
CPD	17	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.10E-01	2	6.10E-01				
ECHDC3	10	2	5.72E-01	4	5.23E-01	2	6.10E-01	4	6.45E-01			2	1.00E+00
HTR3A	11	4	7.73E-01	4	7.73E-01	3	7.74E-01	3	7.74E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
SARAF	8	1	6.68E-02	1	6.68E-02					1	6.10E-01	1	6.10E-01
B4GALT2	1	1	6.68E-02	1	6.68E-02					1	6.10E-01	1	6.10E-01
SLC16A7	12	3	7.14E-01	3	7.14E-01	2	6.10E-01	2	6.10E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
ME3	11	3	6.87E-01	3	6.87E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
KIAA1715	2	1	7.86E-02	1	7.86E-02					1	6.10E-01	1	6.10E-01
SPOCD1	1	3	6.87E-01	3	6.87E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
MAN1A2	1	1	7.86E-02	1	7.86E-02					1	6.10E-01	1	6.10E-01
COPG2	7	1	7.86E-02	1	7.86E-02					1	6.10E-01	1	6.10E-01
GNL2	1	2	5.85E-01	2	5.85E-01	2	6.10E-01	2	6.10E-01				
TMEM59	1	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	6.10E-01	2	6.10E-01				
MAP10	1	1	7.52E-02	1	7.52E-02					1	6.10E-01	1	6.10E-01
CHAMP1	13	1	7.52E-02	1	7.52E-02					1	6.10E-01	1	6.10E-01
C1QC	1	1	7.52E-02	1	7.52E-02					1	6.10E-01	1	6.10E-01
MLEC	12	1	7.52E-02	1	7.52E-02					1	6.10E-01	1	6.10E-01
NABP1	2	1	7.52E-02	1	7.52E-02					1	6.10E-01	1	6.10E-01
OR2A14	7	3	6.79E-01	3	6.79E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
DCLRE1C	10	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.13E-01	2	6.13E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
KCNA2	1	3	6.74E-01	3	6.74E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01	1	6.10E-01	1	6.10E-01
C1QTNF7	4	2	2.07E-02	2	2.07E-02					2	6.10E-01	2	6.10E-01
TCF20	22	3	7.27E-01	3	7.27E-01	2	6.10E-01	2	6.10E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
ATP5J2-PTCD1	7	6	7.15E-01	6	7.15E-01	5	6.10E-01	5	6.10E-01	5	7.39E-01	5	7.39E-01
PTCD1	7	6	7.15E-01	6	7.15E-01	5	6.10E-01	5	6.10E-01	5	7.39E-01	5	7.39E-01
FH	1	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.10E-01	2	6.10E-01				
ADAM9	8	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.10E-01	2	6.10E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
RTP5	2	4	3.32E-01	4	3.32E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01	2	6.10E-01	2	6.10E-01
POT1	7	3	6.95E-01	3	6.95E-01	2	6.11E-01	2	6.11E-01	1	6.85E-01	1	6.85E-01
RNF169	11	5	4.71E-01	5	4.71E-01	3	6.11E-01	3	6.11E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01
CD1C	1	4	5.90E-01	4	5.90E-01	3	6.11E-01	3	6.11E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
TMEM116	12	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.11E-01	2	6.11E-01				
GMNC	3	1	6.77E-02	1	6.77E-02					1	6.11E-01	1	6.11E-01
CCDC38	12	1	6.77E-02	1	6.77E-02					1	6.11E-01	1	6.11E-01
IGSF9B	11	1	6.77E-02	1	6.77E-02					1	6.11E-01	1	6.11E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
NKAIN1	1	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.12E-01	1	6.12E-01
CHGB	20	3	6.93E-01	3	6.93E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
ARNT	1	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	6.38E-01	3	6.38E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
TMEM50B	21	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.12E-01	1	6.12E-01
UBTD1	10	3	7.58E-01	3	7.58E-01	3	7.84E-01	3	7.84E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
TMEM51	1	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.12E-01	1	6.12E-01
PNLIP	10	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.12E-01	1	6.12E-01
NES	1	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.12E-01	1	6.12E-01
THAP3	1	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.12E-01	1	6.12E-01
CRISPLD2	16	3	6.87E-01	3	6.87E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
KRT10	17	2	9.21E-01	2	9.21E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
CYP51A1	7	3	7.63E-01	3	7.63E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
FHAD1	1	3	6.59E-01	4	6.59E-01	2	6.13E-01	3	6.12E-01	1	6.70E-01	2	6.73E-01
FBXO21	12	2	5.52E-01	2	5.52E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01				
CHPF	2	2	5.81E-01	2	5.81E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01				
GLRX5	14	2	3.24E-01	2	3.24E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01				
P4HTM	3	1	1.18E-01	1	1.18E-01					1	6.12E-01	1	6.12E-01
STARD5	15	1	1.18E-01	1	1.18E-01					1	6.12E-01	1	6.12E-01
MGME1	20	1	1.18E-01	2	1.70E-01			1	8.51E-01	1	6.12E-01	2	6.67E-01
NEO1	15	3	8.81E-01	3	8.81E-01	3	6.62E-01	3	6.62E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
NUP133	1	4	8.15E-01	4	8.15E-01	3	6.79E-01	3	6.79E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
SPATA7	14	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.21E-01	2	6.21E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
PROZ	13	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.19E-01	2	6.19E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
FLG	1	3	7.21E-01	3	7.21E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
CD209	19	2	9.27E-01	2	9.27E-01	2	6.12E-01	2	6.12E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
SPATC1L	21	2	9.02E-01	2	9.02E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
MKL2	16	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.12E-01	1	6.12E-01
USP2	11	3	6.21E-01	3	6.21E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
C6orf118	6	3	6.40E-01	3	6.40E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01	1	6.12E-01	1	6.12E-01
OLIG3	6	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.12E-01	1	6.12E-01
MGAT4C	12	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.12E-01	1	6.12E-01
ART3	4	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.12E-01	1	6.12E-01
SPARC	5	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.12E-01	1	6.12E-01
TTL110	1	4	3.10E-01	4	3.10E-01	2	6.13E-01	2	6.13E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
ADH6	4	2	6.41E-01	2	6.41E-01	2	6.13E-01	2	6.13E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01
HTRA3	4	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	6.13E-01	3	6.13E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
HEYL	1	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.13E-01	2	6.13E-01				
OR11G2	14	2	5.84E-01	2	5.84E-01	2	6.13E-01	2	6.13E-01				
MPP5	14	3	6.56E-01	3	6.56E-01	2	6.13E-01	2	6.13E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
ZNF136	19	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	6.13E-01	2	6.13E-01				
CHI3L2	1	3	2.94E-01	4	3.44E-01	2	6.13E-01	3	1.00E+00	1	6.44E-01	2	7.75E-01
PLPPR3	19	3	5.14E-01	3	5.14E-01	2	6.13E-01	2	6.13E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
TRUB2	9	3	6.55E-01	3	6.55E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
OR6C3	12	1	7.44E-02	1	7.44E-02					1	6.13E-01	1	6.13E-01
CHMP1A	16	1	7.44E-02	1	7.44E-02					1	6.13E-01	1	6.13E-01
SLC25A36	3	1	7.44E-02	1	7.44E-02					1	6.13E-01	1	6.13E-01
ZDHHC21	9	1	7.44E-02	1	7.44E-02					1	6.13E-01	1	6.13E-01
MICALL1	22	3	6.66E-01	3	6.66E-01	2	6.13E-01	2	6.13E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
MGAM2	7	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.13E-01	2	6.13E-01				
GPR153	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.16E-01	2	6.16E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
LAIR1	19	1	8.78E-02	1	8.78E-02					1	6.13E-01	1	6.13E-01
C1orf61	1	1	8.78E-02	1	8.78E-02					1	6.13E-01	1	6.13E-01
TMEM169	2	1	8.78E-02	1	8.78E-02					1	6.13E-01	1	6.13E-01
B4GALT7	5	4	6.16E-01	4	6.16E-01	3	6.90E-01	3	6.90E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
GLRB	4	1	8.07E-02	1	8.07E-02					1	6.13E-01	1	6.13E-01
CHL1	3	3	6.61E-01	3	6.61E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
SOX14	3	1	8.07E-02	1	8.07E-02					1	6.13E-01	1	6.13E-01
VARS	6	4	3.36E-01	4	3.36E-01	2	6.13E-01	2	6.13E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
INSL6	9	2	9.25E-01	2	9.25E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
TMC4	19	1	6.53E-02	1	6.53E-02					1	6.13E-01	1	6.13E-01
PAQR6	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.99E-01	2	6.99E-01	1	6.13E-01	1	6.13E-01
KLHL3	5	1	6.53E-02	1	6.53E-02					1	6.13E-01	1	6.13E-01
ELP3	8	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.14E-01	2	6.14E-01				
SPTBN5	15	26	4.64E-01	27	5.96E-01	22	7.97E-01	23	6.14E-01	15	9.15E-01	16	8.09E-01
SLC29A1	6	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	6.14E-01	2	6.14E-01				
GREB1L	18	4	3.13E-01	4	3.13E-01	2	6.14E-01	2	6.14E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
ESD	13	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.14E-01	2	6.14E-01				
GLG1	16	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.14E-01	2	6.14E-01				
SELPLG	12	5	9.28E-01	5	9.28E-01	4	6.14E-01	4	6.14E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01
GRAMD3	5	2	5.88E-01	2	5.88E-01	2	6.14E-01	2	6.14E-01				
TMX2	11	3	1.89E-01	3	1.89E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	6.14E-01	2	6.14E-01
ORC4	2	3	5.75E-01	3	5.75E-01	2	6.14E-01	2	6.14E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
PHGDH	1	2	9.21E-01	2	9.21E-01	2	6.14E-01	2	6.14E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
PDZD2	5	12	4.54E-01	12	4.54E-01	12	1.00E+00	12	1.00E+00	4	6.14E-01	4	6.14E-01
TAF1L	9	11	3.38E-01	11	3.38E-01	7	6.14E-01	7	6.14E-01	8	6.60E-01	8	6.60E-01
OR6C4	12	3	7.92E-01	3	7.92E-01	2	6.14E-01	2	6.14E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
SLC5A2	16	2	5.41E-01	2	5.41E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01				
TES	7	3	7.48E-01	3	7.48E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
THRSP	11	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01				
TAPBP	6	2	9.22E-01	2	9.22E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
CENPU	4	3	7.19E-01	3	7.19E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01	1	6.48E-01	1	6.48E-01
STYX	14	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01				
GJB3	1	5	2.62E-01	5	2.62E-01	4	6.15E-01	4	6.15E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
C3orf52	3	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.15E-01	2	6.15E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
ZC3H7B	22	2	5.83E-01	2	5.83E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01				
FGFBP2	4	2	5.61E-01	2	5.61E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01				
TEDDM1	1	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01				
GATA4	8	2	5.81E-01	2	5.81E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01				
PRRT3	3	2	5.83E-01	2	5.83E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01				
FSIP2	2	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01				
RABEP2	16	2	9.23E-01	2	9.23E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
LMCD1	3	4	4.20E-01	4	4.20E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01
TJP2	9	3	7.71E-01	3	7.71E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
COL11A1	1	4	3.29E-01	4	3.29E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01
C1orf94	1	3	6.39E-01	3	6.39E-01	2	6.15E-01	2	6.15E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
DZIP3	3	4	7.29E-01	4	7.29E-01	3	6.15E-01	3	6.15E-01	2	6.59E-01	2	6.59E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
C17orf105	17	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01				
MBOAT2	2	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.26E-01	2	6.26E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
ZNF532	18	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.29E-01	2	6.29E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
IQCG	3	3	9.06E-01	4	9.06E-01	3	6.91E-01	4	6.34E-01	1	6.17E-01	2	6.83E-01
SCMH1	1	1	9.01E-02	1	9.01E-02					1	6.17E-01	1	6.17E-01
NUDT9	4	1	9.01E-02	1	9.01E-02					1	6.17E-01	1	6.17E-01
TRAF2	9	2	7.07E-01	2	7.07E-01	2	6.78E-01	2	6.78E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
ATP1B1	1	2	5.85E-01	2	5.85E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01				
FAM219B	15	2	3.21E-01	2	3.21E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01				
ZKSCAN7	3	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01				
ETFA	15	1	8.44E-02	2	5.14E-01			1	7.65E-01	1	6.17E-01	2	6.84E-01
EGR1	5	1	8.44E-02	1	8.44E-02					1	6.17E-01	1	6.17E-01
BTBD8	1	1	8.44E-02	1	8.44E-02					1	6.17E-01	1	6.17E-01
PPP1R12A	12	1	8.44E-02	1	8.44E-02					1	6.17E-01	1	6.17E-01
F11	4	3	9.08E-01	3	9.08E-01	3	7.76E-01	3	7.76E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
PRPH2	6	1	8.44E-02	1	8.44E-02					1	6.17E-01	1	6.17E-01
NPRL2	3	1	8.44E-02	1	8.44E-02					1	6.17E-01	1	6.17E-01
RSAD2	2	3	7.71E-01	3	7.71E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
ABCG2	4	4	2.17E-01	4	2.17E-01	4	6.17E-01	4	6.17E-01				
CDC20	1	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01				
GOLGA3	12	2	1.77E-01	2	1.77E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.17E-01	1	6.17E-01
ACSF2	17	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.46E-01	2	6.46E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
ACHE	7	2	8.79E-01	2	8.79E-01	2	7.61E-01	2	7.61E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
B3GNTL1	17	1	1.01E-01	1	1.01E-01					1	6.17E-01	1	6.17E-01
OSGEP	14	1	1.01E-01	1	1.01E-01					1	6.17E-01	1	6.17E-01
COA3	17	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01				
RFX8	2	2	5.50E-01	2	5.50E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01				
GPX7	1	4	2.55E-01	4	2.55E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
CAMK1G	1	2	3.06E-01	2	3.06E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01				
CHRNA5	15	5	3.81E-01	5	3.81E-01	5	6.17E-01	5	6.17E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
F2R	5	3	2.22E-01	3	2.22E-01	3	6.17E-01	3	6.17E-01				
TKTL2	4	3	5.96E-01	3	5.96E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01	1	6.35E-01	1	6.35E-01
ALDH2	12	4	3.79E-01	4	3.79E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01
KIAA0141	5	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01				
NOXRED1	14	1	8.80E-02	1	8.80E-02					1	6.17E-01	1	6.17E-01
TPRG1	3	1	8.80E-02	1	8.80E-02					1	6.17E-01	1	6.17E-01
BYSL	6	4	7.47E-01	4	7.47E-01	4	6.18E-01	4	6.18E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
AQR	15	1	8.80E-02	1	8.80E-02					1	6.17E-01	1	6.17E-01
DZIP1L	3	4	3.36E-01	4	3.36E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
LHPP	10	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.17E-01	2	6.17E-01				
PPP1R16B	20	1	7.39E-02	1	7.39E-02					1	6.17E-01	1	6.17E-01
DMPK	19	2	7.82E-01	2	7.82E-01	2	7.20E-01	2	7.20E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
OR5J2	11	1	7.39E-02	1	7.39E-02					1	6.17E-01	1	6.17E-01
TRMT10A	4	4	7.90E-01	4	7.90E-01	3	6.91E-01	3	6.91E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
NADK	1	2	9.22E-01	2	9.22E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
TELO2	16	4	8.13E-01	4	8.13E-01	3	7.54E-01	3	7.54E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
CNP	17	3	6.72E-01	3	6.72E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01	1	6.17E-01	1	6.17E-01
ARHGAP35	19	2	9.13E-01	2	9.13E-01	2	6.18E-01	2	6.18E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
HOMEZ	14	1	8.48E-02	1	8.48E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
ENAM	4	1	8.48E-02	1	8.48E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
CCBL1	9	1	8.48E-02	1	8.48E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
ENTPD4	8	1	8.48E-02	1	8.48E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
BRIX1	5	1	8.48E-02	1	8.48E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
CD1D	1	1	8.48E-02	1	8.48E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
TM7SF2	11	2	9.13E-01	2	9.13E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
TMEM215	9	1	6.27E-02	1	6.27E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
IWS1	2	1	6.27E-02	1	6.27E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
DEFB110	6	1	6.27E-02	1	6.27E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
LRRC19	9	1	6.27E-02	1	6.27E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
STK17B	2	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	6.18E-01	2	6.18E-01				
VWA3B	2	4	6.16E-01	5	5.30E-01	4	6.68E-01	5	6.49E-01	3	1.00E+00	4	6.18E-01
TMEM41B	11	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.18E-01	2	6.18E-01				
GUSB	7	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.18E-01	2	6.18E-01				
ZFYVE21	14	1	7.57E-02	1	7.57E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
USP34	2	3	6.93E-01	3	6.93E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
CDCA8	1	1	7.57E-02	1	7.57E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
LACRT	12	1	7.57E-02	1	7.57E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
HMG20A	15	1	7.57E-02	1	7.57E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
RMDN3	15	1	6.90E-02	1	6.90E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
ZNF511	10	1	6.90E-02	1	6.90E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
RASAL2	1	1	6.90E-02	1	6.90E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
ACOT12	5	3	7.51E-01	3	7.51E-01	3	8.31E-01	3	8.31E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
MTMR7	8	1	6.90E-02	1	6.90E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
KCNJ15	21	1	6.90E-02	1	6.90E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
BHMT2	5	1	6.90E-02	1	6.90E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
CPNE6	14	1	6.90E-02	1	6.90E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
DDAH1	1	3	6.85E-01	3	6.85E-01	2	6.18E-01	2	6.18E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
COG7	16	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.18E-01	2	6.18E-01				
CDKL2	4	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.18E-01	2	6.18E-01				
C11orf54	11	1	7.28E-02	1	7.28E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
PBXIP1	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.05E-01	2	7.05E-01	1	6.18E-01	1	6.18E-01
SMTNL1	11	1	7.28E-02	1	7.28E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
VAT1	17	1	7.28E-02	1	7.28E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
MCTP1	5	1	7.28E-02	1	7.28E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
SLC9A5	16	1	7.28E-02	1	7.28E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
CTNNA2	2	1	7.28E-02	1	7.28E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
INCA1	17	3	2.70E-01	3	2.70E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	6.18E-01	1	6.18E-01
C2orf49	2	2	5.81E-01	2	5.81E-01	2	6.18E-01	2	6.18E-01				
PARP16	15	2	5.81E-01	2	5.81E-01	2	6.18E-01	2	6.18E-01				
PHF21B	22	3	5.68E-01	3	5.68E-01	2	6.18E-01	2	6.18E-01	2	6.19E-01	2	6.19E-01
MGC57346-CR	17	1	8.19E-02	1	8.19E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
CRHR1	17	1	8.19E-02	1	8.19E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
GPR18	13	1	8.19E-02	1	8.19E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
C14orf37	14	1	8.19E-02	1	8.19E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01
LCN10	9	1	8.19E-02	2	9.67E-03			1	6.39E-01	1	6.18E-01	2	6.69E-01
CD300LB	17	1	8.19E-02	1	8.19E-02					1	6.18E-01	1	6.18E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PROM1	4	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	6.19E-01	1	6.19E-01
NUDT16	3	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	6.19E-01	1	6.19E-01
ERCC8	5	4	3.42E-01	4	3.42E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
RAPGEFL1	17	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01				
CPO	2	2	5.59E-01	2	5.59E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01				
ADORA2B	17	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01				
SLCO4A1	20	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01				
NGDN	14	3	6.48E-01	3	6.48E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
ZNF622	5	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01				
PIGP	21	3	2.11E-01	3	2.11E-01	3	6.20E-01	3	6.20E-01				
FMNL3	12	4	3.02E-01	4	3.02E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
PDZD8	10	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01				
RAF1	3	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01				
KIF22	16	2	9.14E-01	2	9.14E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
FCRLB	1	2	1.92E-02	2	1.92E-02					2	6.20E-01	2	6.20E-01
IZUMO3	9	1	5.70E-02	1	5.70E-02					1	6.20E-01	1	6.20E-01
PPFIBP2	11	3	4.38E-01	3	4.38E-01	2	7.52E-01	2	7.52E-01	1	6.20E-01	1	6.20E-01
SH2B1	16	1	5.70E-02	1	5.70E-02					1	6.20E-01	1	6.20E-01
VPS26A	10	2	1.84E-02	2	1.84E-02					2	6.20E-01	2	6.20E-01
DGKZ	11	3	6.57E-01	3	6.57E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
NCKIPSD	3	2	1.65E-02	2	1.65E-02					2	6.20E-01	2	6.20E-01
GRIP1	12	5	6.20E-01	5	6.20E-01	3	7.65E-01	3	7.65E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01
MEX3C	18	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.20E-01	2	6.20E-01				
ATXN7L2	1	2	1.90E-02	2	1.90E-02					2	6.21E-01	2	6.21E-01
EXOC6	10	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01				
OR5AU1	14	2	9.28E-01	3	9.28E-01	2	6.21E-01	3	6.41E-01	1	6.42E-01	2	6.56E-01
AP1B1	22	2	1.44E-02	2	1.44E-02					2	6.21E-01	2	6.21E-01
OSBPL6	2	5	4.77E-01	5	4.77E-01	3	7.67E-01	3	7.67E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01
ARNT2	15	3	6.56E-01	3	6.56E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
EXOC4	7	3	6.81E-01	3	6.81E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
TRPC4AP	20	3	7.21E-01	3	7.21E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
GNS	12	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01				
OSBPL3	7	3	3.28E-01	3	3.28E-01	3	6.21E-01	3	6.21E-01				
MLLT3	9	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01				
MYEOV	11	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01				
OR6T1	11	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01				
KIFC3	16	3	6.55E-01	3	6.55E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
RBPMS	8	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01				
FAM19A4	3	2	1.63E-02	2	1.63E-02					2	6.21E-01	2	6.21E-01
LURAP1	1	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01				
EIF2A	3	4	3.43E-01	4	3.43E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01
ZC3H11A	1	2	5.84E-01	2	5.84E-01	2	6.21E-01	2	6.21E-01				
AARS	16	7	5.48E-01	7	5.48E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	6.21E-01	4	6.21E-01
RNF40	16	4	2.18E-01	4	2.18E-01	4	6.21E-01	4	6.21E-01				
TESK2	1	3	6.78E-01	3	6.78E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01
PLA2G6	22	2	3.28E-01	2	3.28E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01				
C1orf185	1	2	4.98E-01	2	4.98E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01	2	6.55E-01	2	6.55E-01
TAF4B	18	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
FN1	2	11	5.64E-01	11	5.64E-01	9	8.11E-01	9	8.11E-01	6	6.22E-01	6	6.22E-01
HOXA7	7	1	8.07E-02	1	8.07E-02					1	6.22E-01	1	6.22E-01
HNRNPM	19	1	8.07E-02	1	8.07E-02					1	6.22E-01	1	6.22E-01
PPDPF	20	1	8.07E-02	1	8.07E-02					1	6.22E-01	1	6.22E-01
CA1	8	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	7.57E-01	3	7.57E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
ANKS6	9	4	8.51E-01	4	8.51E-01	3	6.53E-01	3	6.53E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01
MRVI1	11	4	6.70E-01	4	6.70E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	1	6.22E-01	1	6.22E-01
HFM1	1	3	6.36E-01	3	6.36E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
CREB3L3	19	4	7.95E-01	4	7.95E-01	3	7.75E-01	3	7.75E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01
TMEM101	17	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01				
AUH	9	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01				
LATS2	13	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01				
DCD	12			1	4.83E-01			1	8.84E-01			1	6.22E-01
NDUFA13	19	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01				
ADAM11	17	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01				
JAM2	21	3	7.00E-01	3	7.00E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01	1	6.56E-01	1	6.56E-01
CHD5	1	1	7.12E-02	1	7.12E-02					1	6.22E-01	1	6.22E-01
C2	6	1	7.12E-02	1	7.12E-02					1	6.22E-01	1	6.22E-01
ABTB2	11	3	6.43E-01	3	6.43E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
DLX2	2	1	7.12E-02	1	7.12E-02					1	6.22E-01	1	6.22E-01
TOMM22	22	1	7.12E-02	1	7.12E-02					1	6.22E-01	1	6.22E-01
ARHGAP44	17	1	7.12E-02	1	7.12E-02					1	6.22E-01	1	6.22E-01
IMPACT	18	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	7.79E-01	3	7.79E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
TSEN34	19	1	7.12E-02	1	7.12E-02					1	6.22E-01	1	6.22E-01
COX19	7	1	7.12E-02	1	7.12E-02					1	6.22E-01	1	6.22E-01
TBC1D22A	22	3	7.18E-01	3	7.18E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
PRKAG3	2	2	8.24E-01	2	8.24E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01	1	6.22E-01	1	6.22E-01
RCHY1	4	1	8.30E-02	1	8.30E-02					1	6.22E-01	1	6.22E-01
ELL3	15	1	8.30E-02	1	8.30E-02					1	6.22E-01	1	6.22E-01
NEUROG1	5	1	8.30E-02	1	8.30E-02					1	6.22E-01	1	6.22E-01
IFI35	17	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01				
EXOC2	6	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01				
RAD51AP2	2	3	6.35E-01	3	6.35E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01	1	6.77E-01	1	6.77E-01
MAP6	11	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.22E-01	2	6.22E-01				
IQCC	1	4	7.82E-01	4	7.82E-01	4	6.22E-01	4	6.22E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
SERPINB10	18	4	6.21E-01	5	6.22E-01	3	8.05E-01	4	8.15E-01	1	6.23E-01	2	6.48E-01
ZBED3	5	1	7.83E-02	1	7.83E-02					1	6.23E-01	1	6.23E-01
MPZL2	11	2	1.73E-02	2	1.73E-02					2	6.23E-01	2	6.23E-01
GSTM2	1	2	5.81E-01	2	5.81E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01				
CLN5	13	1	7.53E-02	1	7.53E-02					1	6.23E-01	1	6.23E-01
ZNF521	18	4	6.19E-01	4	6.19E-01	3	8.27E-01	3	8.27E-01	1	6.23E-01	1	6.23E-01
HUNK	21	3	6.71E-01	4	6.73E-01	2	6.31E-01	3	6.57E-01	1	6.23E-01	2	6.46E-01
NCKAP1	2	1	7.53E-02	1	7.53E-02					1	6.23E-01	1	6.23E-01
OR10R2	1	2	9.21E-01	2	9.21E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01	1	6.74E-01	1	6.74E-01
IDNK	9	2	5.46E-01	2	5.46E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01				
BCAT1	12	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01				
TMX1	14	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01				
ZSCAN21	7	2	5.86E-01	2	5.86E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
REEP3	10	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01				
PARL	3	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01				
SREBF2	22	4	4.05E-01	4	4.05E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
GBP2	1	2	1.41E-02	2	1.41E-02					2	6.23E-01	2	6.23E-01
WAC	10	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01				
CLP1	11	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01				
PTX3	3	2	5.63E-01	2	5.63E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01				
IL17C	16	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01				
PUM2	2	1	8.14E-02	1	8.14E-02					1	6.23E-01	1	6.23E-01
ETAA1	2	1	8.14E-02	1	8.14E-02					1	6.23E-01	1	6.23E-01
MTTP	4	1	8.14E-02	1	8.14E-02					1	6.23E-01	1	6.23E-01
OR10A4	11	1	8.14E-02	2	2.42E-01			1	1.00E+00	1	6.23E-01	2	7.94E-01
MFN1	3	3	3.19E-01	3	3.19E-01	3	6.23E-01	3	6.23E-01				
FAM96A	15	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01				
ARMS2	10			2	4.13E-01			2	7.56E-01			2	6.23E-01
ZBTB40	1	2	1.62E-02	2	1.62E-02					2	6.23E-01	2	6.23E-01
PEBP1	12	3	7.31E-01	3	7.31E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01	1	6.48E-01	1	6.48E-01
TRIP6	7	2	5.58E-01	2	5.58E-01	2	6.23E-01	2	6.23E-01				
MFAP3L	4	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
PPIL3	2	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
LHCGR	2	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
MDH1B	2	3	6.27E-01	3	6.27E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01	1	6.60E-01	1	6.60E-01
FAM73B	9	3	3.11E-01	3	3.11E-01	3	6.24E-01	3	6.24E-01				
PKD2	4	2	9.21E-01	2	9.21E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01	1	6.96E-01	1	6.96E-01
LIG3	17	6	7.25E-01	6	7.25E-01	4	6.24E-01	4	6.24E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
HPS4	22	2	5.22E-01	2	5.22E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
CENPO	2	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
MTRF1L	6	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
DEFB135	8	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
NECAP2	1	2	7.87E-01	2	7.87E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
FBLN1	22	1	9.24E-02	1	9.24E-02					1	6.24E-01	1	6.24E-01
ACTR3	2	1	9.24E-02	1	9.24E-02					1	6.24E-01	1	6.24E-01
AP3M1	10	1	9.24E-02	1	9.24E-02					1	6.24E-01	1	6.24E-01
LCLAT1	2	1	9.24E-02	1	9.24E-02					1	6.24E-01	1	6.24E-01
FAM83B	6	4	8.61E-01	4	8.61E-01	3	7.35E-01	3	7.35E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01
MORC3	21	2	9.22E-01	2	9.22E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
KHK	2	2	5.87E-01	2	5.87E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
DAAM1	14	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
DYRK1B	19	2	5.81E-01	2	5.81E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
SPX	12	3	3.20E-01	3	3.20E-01	3	6.24E-01	3	6.24E-01				
NALCN	13	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
SIRPD	20	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
CHST13	3	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
CEP78	9	3	6.95E-01	3	6.95E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
SCAF1	19	2	5.83E-01	2	5.83E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
FAM120A	9	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				
PPIL6	6	3	6.33E-01	3	6.33E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
CACNA2D2	3	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.24E-01	2	6.24E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
INTS10	8	4	8.42E-01	4	8.42E-01	3	6.25E-01	3	6.25E-01	1	6.75E-01	1	6.75E-01
EFNA1	1	2	2.07E-02	2	2.07E-02					2	6.25E-01	2	6.25E-01
BICD2	9	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01				
GUF1	4	2	5.58E-01	2	5.58E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01				
HS1BP3	2	1	7.19E-02	1	7.19E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
RAI14	5	3	6.65E-01	3	6.65E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
ZNF132	19	3	9.10E-01	3	9.10E-01	3	6.45E-01	3	6.45E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
CTNNAL1	9	1	7.19E-02	1	7.19E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
THTPA	14	1	7.19E-02	1	7.19E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
TFB1M	6	1	7.19E-02	1	7.19E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
PXDC1	6	1	7.19E-02	1	7.19E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
PDHB	3	1	7.19E-02	1	7.19E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
TAAR1	6	1	7.19E-02	1	7.19E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
MFSD11	17	3	7.33E-01	3	7.33E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
PVRL2	19	3	2.03E-01	3	2.03E-01	3	6.25E-01	3	6.25E-01				
TRRAP	7	3	2.25E-01	3	2.25E-01	3	6.25E-01	3	6.25E-01				
PABPC1L	20	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01				
DOCK3	3	5	8.16E-01	5	8.16E-01	4	8.43E-01	4	8.43E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
SNRK	3	1	7.17E-02	1	7.17E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
C1QTNF2	5	4	5.89E-01	4	5.89E-01	3	6.93E-01	3	6.93E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
MYSM1	1	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	7.21E-01	3	7.21E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
MEPE	4	4	2.23E-01	4	2.23E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
SBNO2	19	2	5.81E-01	2	5.81E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01				
PPP1R2	3	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01				
GPR161	1	3	6.51E-01	3	6.51E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
HYAL2	3	2	5.85E-01	2	5.85E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01				
TRMT6	20	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01				
ADRB3	8	3	3.27E-01	3	3.27E-01	3	6.25E-01	3	6.25E-01				
KATNA1	6	3	8.12E-01	3	8.12E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
SND1	7	1	7.22E-02	1	7.22E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
RFWD2	1	1	7.22E-02	1	7.22E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
BLNK	10	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.27E-01	2	6.27E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
NME7	1	3	6.43E-01	3	6.43E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
TRNT1	3	4	8.00E-01	4	8.00E-01	3	6.56E-01	3	6.56E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
C6orf203	6	1	7.22E-02	1	7.22E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
C1orf64	1	1	7.22E-02	1	7.22E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
PTGS1	9	3	7.06E-01	3	7.06E-01	3	8.16E-01	3	8.16E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
RANBP6	9	1	8.79E-02	1	8.79E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
AXIN1	16	3	7.36E-01	3	7.36E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01	1	6.25E-01	1	6.25E-01
OR10H1	19	1	8.79E-02	2	9.62E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
USP5	12	1	8.79E-02	1	8.79E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
STMN4	8	1	8.79E-02	1	8.79E-02					1	6.25E-01	1	6.25E-01
SPIB	19	2	5.83E-01	2	5.83E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01				
MKNK2	19	2	5.60E-01	2	5.60E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01				
BAG6	6	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.25E-01	2	6.25E-01				
FLII	17	6	5.21E-01	6	5.21E-01	4	7.54E-01	4	7.54E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01
SLC38A8	16	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01				
MFAP3	5	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
RHO	3	4	3.10E-01	4	3.10E-01	2	6.61E-01	2	6.61E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01
UFL1	6	2	5.59E-01	2	5.59E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01				
PHIP	6	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01				
TTC13	1	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01				
SF3A1	22	2	5.55E-01	2	5.55E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01				
MCCC1	3	3	7.30E-01	3	7.30E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01	1	6.40E-01	1	6.40E-01
UNC13A	19	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01				
ADA	20	2	3.21E-01	2	3.21E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01				
CDAN1	15	4	3.86E-01	5	3.79E-01	2	6.26E-01	3	6.79E-01	2	6.42E-01	3	6.51E-01
CD163	12	3	6.36E-01	3	6.36E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
SQSTM1	5	3	6.53E-01	3	6.53E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01
CFAP52	17	4	8.34E-01	4	8.34E-01	3	6.26E-01	3	6.26E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
WNT9B	17	3	7.68E-01	3	7.68E-01	3	8.29E-01	3	8.29E-01	1	6.26E-01	1	6.26E-01
TRAK2	2	3	9.35E-01	3	9.35E-01	3	6.30E-01	3	6.30E-01	1	6.26E-01	1	6.26E-01
FLYWCH2	16	1	7.32E-02	1	7.32E-02					1	6.26E-01	1	6.26E-01
CARD9	9	1	7.32E-02	1	7.32E-02					1	6.26E-01	1	6.26E-01
SNAPC1	14	2	2.73E-01	2	2.73E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01	1	6.26E-01	1	6.26E-01
ARID3A	19	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01				
PLBD2	12	4	4.01E-01	4	4.01E-01	2	6.66E-01	2	6.66E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01
HEBP2	6	1	7.92E-02	1	7.92E-02					1	6.26E-01	1	6.26E-01
MCOLN3	1	1	7.92E-02	1	7.92E-02					1	6.26E-01	1	6.26E-01
PIFO	1	1	7.92E-02	1	7.92E-02					1	6.26E-01	1	6.26E-01
SNX33	15	1	7.92E-02	1	7.92E-02					1	6.26E-01	1	6.26E-01
C6orf15	6	1	7.92E-02	1	7.92E-02					1	6.26E-01	1	6.26E-01
MS4A8	11	1	7.92E-02	1	7.92E-02					1	6.26E-01	1	6.26E-01
MX1	21	2	3.05E-01	2	3.05E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01				
MIEF2	17	2	1.31E-02	2	1.31E-02					2	6.26E-01	2	6.26E-01
KANK4	1	3	7.05E-01	3	7.05E-01	2	6.26E-01	2	6.26E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
POGZ	1	5	8.03E-01	5	8.03E-01	4	6.26E-01	4	6.26E-01	1	6.82E-01	1	6.82E-01
CES2	16	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.26E-01	2	6.26E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
IKZF3	17	1	7.81E-02	1	7.81E-02					1	6.27E-01	1	6.27E-01
APOM	6	1	7.81E-02	1	7.81E-02					1	6.27E-01	1	6.27E-01
CTTNBP2NL	1	1	7.81E-02	1	7.81E-02					1	6.27E-01	1	6.27E-01
BARHL1	9	1	7.81E-02	1	7.81E-02					1	6.27E-01	1	6.27E-01
BRPF1	3	3	6.79E-01	3	6.79E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
ZNF749	19	1	7.81E-02	1	7.81E-02					1	6.27E-01	1	6.27E-01
KIAA1429	8	4	8.05E-01	4	8.05E-01	3	7.97E-01	3	7.97E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
PI4KB	1	4	8.28E-01	4	8.28E-01	3	7.73E-01	3	7.73E-01	1	6.27E-01	1	6.27E-01
OPRM1	6	9	1.00E+00	11	1.00E+00	8	8.16E-01	10	6.27E-01	4	1.00E+00	6	7.83E-01
MRPL39	21	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01				
NDST1	5	2	9.21E-01	2	9.21E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
C17orf53	17	3	6.14E-01	3	6.14E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
EDEM1	3	3	3.13E-01	3	3.13E-01	3	6.27E-01	3	6.27E-01				
SCLY	2	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01				
KLHL18	3	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01				
CBX6	22	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01				
SLC25A10	17	2	2.04E-02	2	2.04E-02					2	6.27E-01	2	6.27E-01
CDC42EP2	11	2	3.18E-01	2	3.18E-01	2	6.27E-01	2	6.27E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
NLRP10	11	3	7.13E-01	3	7.13E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01	2	6.52E-01	2	6.52E-01
MYRF	11	2	5.51E-01	2	5.51E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01				
VASH1	14	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01				
AIG1	6	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01				
NKD2	5	3	4.88E-02	3	4.88E-02	3	6.28E-01	3	6.28E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
STIM2	4	2	5.50E-01	2	5.50E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01				
UNC5CL	6	3	6.23E-01	3	6.23E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
GPRC5B	16	3	6.67E-01	3	6.67E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
HBS1L	6	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
CSTF2T	10	1	7.90E-02	1	7.90E-02					1	6.28E-01	1	6.28E-01
OR52R1	11	3	5.71E-01	4	5.71E-01	2	6.37E-01	3	6.37E-01	1	6.28E-01	2	6.29E-01
CNOT4	7	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.33E-01	2	7.33E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
DZANK1	20	1	6.45E-02	1	6.45E-02					1	6.28E-01	1	6.28E-01
KCNF1	2	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01				
PFKFB4	3	4	7.97E-01	4	7.97E-01	3	7.94E-01	3	7.94E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
PDCD6	5	1	7.41E-02	1	7.41E-02					1	6.28E-01	1	6.28E-01
MNAT1	14	1	7.41E-02	1	7.41E-02					1	6.28E-01	1	6.28E-01
UGDH	4	1	7.41E-02	1	7.41E-02					1	6.28E-01	1	6.28E-01
LSM14B	20	1	6.94E-02	1	6.94E-02					1	6.28E-01	1	6.28E-01
TAS2R13	12	1	6.94E-02	1	6.94E-02					1	6.28E-01	1	6.28E-01
FXR1	3	1	6.94E-02	1	6.94E-02					1	6.28E-01	1	6.28E-01
HINT2	9	1	6.94E-02	1	6.94E-02					1	6.28E-01	1	6.28E-01
ANKRD34B	5	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01				
IDH3B	20	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01				
SFXN1	5	1	5.64E-01	1	5.64E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.28E-01	1	6.28E-01
ZFYVE27	10	3	9.07E-01	3	9.07E-01	3	7.41E-01	3	7.41E-01	1	6.28E-01	1	6.28E-01
SLC26A10	12	6	5.95E-01	6	5.95E-01	6	6.28E-01	6	6.28E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
MVP	16	2	5.61E-01	2	5.61E-01	2	6.28E-01	2	6.28E-01				
NFE2	12	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01				
APOA4	11	1	7.89E-02	1	7.89E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
EDEM2	20	4	8.30E-01	4	8.30E-01	3	6.43E-01	3	6.43E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
SERINC5	5	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.53E-01	2	6.53E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
TRPV5	7	1	7.89E-02	1	7.89E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
VPREB1	22	1	7.89E-02	1	7.89E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
HSD17B12	11	1	7.89E-02	1	7.89E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
TMEM241	18	1	7.89E-02	1	7.89E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
DNAJB6	7	1	7.89E-02	1	7.89E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
KCND3	1	1	8.03E-01	1	8.03E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.29E-01	1	6.29E-01
CERCAM	9	7	4.85E-01	7	4.85E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	5	6.29E-01	5	6.29E-01
FGD5	3	4	3.42E-01	4	3.42E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
ZNF687	1	2	5.87E-01	2	5.87E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01				
CDS1	4	2	3.11E-01	2	3.11E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
FAM89A	1	1	7.10E-02	1	7.10E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
FOLR2	11	1	7.10E-02	1	7.10E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
MIPEP	13	5	9.00E-01	5	9.00E-01	4	8.71E-01	4	8.71E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01
BRD2	6	4	8.51E-01	4	8.51E-01	3	7.69E-01	3	7.69E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
ELOVL2	6	1	8.73E-02	1	8.73E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
UBXN4	2	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.30E-01	2	6.30E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SLC29A4	7	1	8.73E-02	1	8.73E-02								
ZIK1	19	2	4.02E-01	2	4.02E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
UCHL5	1	3	3.65E-01	3	3.65E-01	3	6.29E-01	3	6.29E-01				
SYNPO	5	4	3.38E-01	4	3.38E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01
TLL5	14	4	9.03E-01	4	9.03E-01	3	7.95E-01	3	7.95E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
ILK	11	1	1.38E-01	1	1.38E-01					1	6.29E-01	1	6.29E-01
CYR1	21	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01				
CENPC	4	3	7.30E-01	3	7.30E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
COLGALT2	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.29E-01	2	6.29E-01	1	6.71E-01	1	6.71E-01
GDF6	8	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01				
DCTN1	2	3	7.00E-01	3	7.00E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01	1	6.71E-01	1	6.71E-01
PAG1	8	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01				
CCDC102A	16	4	8.35E-01	4	8.35E-01	3	7.45E-01	3	7.45E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01
FRY	13	3	3.34E-01	3	3.34E-01	3	6.29E-01	3	6.29E-01				
ZNF554	19	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01				
SRA1	5	4	2.65E-01	4	2.65E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01
SLC43A2	17	4	2.92E-01	4	2.92E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
HIPK2	7	3	7.99E-01	3	7.99E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
PIP4K2C	12	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01				
TXNDC5	6	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	8.38E-01	3	8.38E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01
NUMBL	19	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01				
FSD2	15	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01				
C9orf173	9	1	8.40E-02	1	8.40E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
ODF2	9	3	4.57E-01	3	4.57E-01	2	7.85E-01	2	7.85E-01	1	6.29E-01	1	6.29E-01
POLR3B	12	1	8.40E-02	1	8.40E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
IL22RA1	1	1	8.40E-02	1	8.40E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
AP1M1	19	1	8.40E-02	1	8.40E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
INO80B	2	1	8.40E-02	1	8.40E-02					1	6.29E-01	1	6.29E-01
UQCRH	1	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01				
CANT1	17	2	6.17E-01	2	6.17E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	6.29E-01	2	6.29E-01
IKBKB	8	2	5.84E-01	2	5.84E-01	2	6.29E-01	2	6.29E-01				
OR2K2	9	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01				
RTL1	14	3	3.56E-01	3	3.56E-01	3	6.30E-01	3	6.30E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
GSTM4	1	1	8.13E-02	1	8.13E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
PTPRE	10	1	8.13E-02	1	8.13E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
WFIKK1	16	5	7.20E-01	5	7.20E-01	4	8.67E-01	4	8.67E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
KCTD14	11	1	8.13E-02	1	8.13E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
ZNF71	19	1	8.13E-02	1	8.13E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
UQCR10	22	1	8.13E-02	1	8.13E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
SNCB	5	1	8.13E-02	1	8.13E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
COQ5	12	3	7.07E-01	3	7.07E-01	2	6.58E-01	2	6.58E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
CDC7	1	3	8.75E-01	3	8.75E-01	2	7.07E-01	2	7.07E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01
PPP2R3C	14	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01				
ZNF425	7	1	7.10E-02	1	7.10E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
RNASE6	14	1	7.10E-02	1	7.10E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
RGS3	9	4	7.13E-01	4	7.13E-01	3	7.75E-01	3	7.75E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
SSX2IP	1	1	7.10E-02	1	7.10E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
HLX	1	1	7.10E-02	1	7.10E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
LCE2A	1	1	7.33E-01	1	7.33E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.30E-01	1	6.30E-01
CARTPT	5	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01				
ADGRA1	10	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01				
YLP M1	14	5	6.52E-01	5	6.52E-01	3	6.95E-01	3	6.95E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01
SMARCA L1	2	2	5.58E-01	2	5.58E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01				
GHSR	3	2	1.80E-02	2	1.80E-02					2	6.30E-01	2	6.30E-01
ADAR	1	2	5.61E-01	2	5.61E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01				
OR3A3	17	1	5.88E-02	1	5.88E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
IRS2	13	4	8.30E-01	4	8.30E-01	3	6.30E-01	3	6.30E-01	1	6.92E-01	1	6.92E-01
MAP3K13	3	3	3.33E-01	3	3.33E-01	3	6.30E-01	3	6.30E-01				
MED26	19	1	7.01E-02	1	7.01E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
APOA1	11	1	7.01E-02	1	7.01E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
MED18	1	3	6.55E-01	3	6.55E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
CIDEB	14	3	5.80E-01	3	5.80E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
KIAA1549	7	4	8.46E-01	4	8.46E-01	3	7.72E-01	3	7.72E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01
FHL2	2	4	9.09E-01	4	9.09E-01	3	8.40E-01	3	8.40E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01
PHYHIPL	10	2	1.53E-02	2	1.53E-02					2	6.30E-01	2	6.30E-01
NFIC	19	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.30E-01	2	6.30E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
PLCB1	20	4	2.49E-01	4	2.49E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01
VAV3	1	2	1.62E-02	2	1.62E-02					2	6.30E-01	2	6.30E-01
OR2A25	7	1	7.13E-02	1	7.13E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
ARHG E F7	13	3	6.68E-01	3	6.68E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
EHD2	19	1	7.13E-02	1	7.13E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
LRRC4C	11	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.34E-01	2	7.34E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
OR7D4	19	1	7.13E-02	1	7.13E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
SEC14L2	22	1	7.13E-02	1	7.13E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
HNRNPAB	5	2	9.26E-01	2	9.26E-01	2	6.69E-01	2	6.69E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
OTOP3	17	4	6.44E-01	4	6.44E-01	3	8.22E-01	3	8.22E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
CNST	1	3	6.91E-01	3	6.91E-01	2	6.89E-01	2	6.89E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
CHRM3	1	1	8.68E-02	1	8.68E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
ADCY3	2	1	8.68E-02	1	8.68E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
RASSF1	3	1	8.68E-02	1	8.68E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
ARNTL2	12	1	8.68E-02	1	8.68E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
ORC6	16	1	8.68E-02	1	8.68E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
EIF3H	8	1	8.68E-02	1	8.68E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
OR5T1	11	1	8.68E-02	1	8.68E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
TTC9	14	1	8.68E-02	1	8.68E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
HOXC4	12	1	7.83E-01	1	7.83E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.30E-01	1	6.30E-01
SLC22A31	16	1	7.05E-02	1	7.05E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
LMAN1L	15	3	5.85E-01	4	6.32E-01	3	8.46E-01	4	7.82E-01	1	6.30E-01	2	7.10E-01
DGKG	3	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	6.81E-01	3	6.81E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
SLC12A6	15	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.94E-01	2	6.94E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
NNT	5	3	6.60E-01	3	6.60E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
MAPK9	5	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01				
SERPINB2	18	3	7.15E-01	3	7.15E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
HSPA9	5	1	7.64E-02	1	7.64E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
MMP3	11	4	8.23E-01	4	8.23E-01	3	7.68E-01	3	7.68E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
ZNF486	19	1	8.40E-01	1	8.40E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.30E-01	1	6.30E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PHF10	6	1	7.64E-02	1	7.64E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
TOM1L1	17	1	7.64E-02	1	7.64E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
MRPL41	9	3	6.90E-01	3	6.90E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
PPP1R42	8	1	7.64E-02	1	7.64E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
PDE6H	12	1	7.64E-02	1	7.64E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
PTK7	6	1	7.64E-02	1	7.64E-02					1	6.30E-01	1	6.30E-01
DNAJA2	16	3	6.67E-01	3	6.67E-01	2	6.56E-01	2	6.56E-01	1	6.30E-01	1	6.30E-01
HMGXB4	22	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01				
CELF3	1	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01				
CCKAR	4	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.30E-01	2	6.30E-01				
NRG4	15	1	8.54E-02	1	8.54E-02					1	6.31E-01	1	6.31E-01
WRAP53	17	1	8.54E-02	1	8.54E-02					1	6.31E-01	1	6.31E-01
DDX59	1	1	8.54E-02	1	8.54E-02					1	6.31E-01	1	6.31E-01
CYP4F2	19	3	3.00E-01	3	3.00E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	6.31E-01	1	6.31E-01
EYA3	1	1	8.54E-02	1	8.54E-02					1	6.31E-01	1	6.31E-01
TAGLN	11	1	8.54E-02	1	8.54E-02					1	6.31E-01	1	6.31E-01
UBE2F	2	1	8.54E-02	1	8.54E-02					1	6.31E-01	1	6.31E-01
ANKK1	11	3	7.30E-01	3	7.30E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
ACPP	3	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01				
DNAJC2	7	2	1.84E-02	2	1.84E-02					2	6.31E-01	2	6.31E-01
TMBIM6	12	2	1.77E-02	2	1.77E-02					2	6.31E-01	2	6.31E-01
RDH16	12	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01				
RUFY3	4	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01				
PROSER1	13	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01				
PUS7	7	2	2.03E-02	2	2.03E-02					2	6.31E-01	2	6.31E-01
SNX27	1	2	5.83E-01	2	5.83E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01				
C4orf22	4	2	1.76E-02	2	1.76E-02					2	6.31E-01	2	6.31E-01
MFAP1	15	2	1.76E-02	2	1.76E-02					2	6.31E-01	2	6.31E-01
TRIM69	15	3	7.10E-01	3	7.10E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01	1	6.63E-01	1	6.63E-01
HPDL	1	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01				
ANKAR	2	2	3.02E-01	2	3.02E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01				
CCDC15	11	2	5.63E-01	2	5.63E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01				
LRRC75B	22	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01				
SDC1	2	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.63E-01	2	6.63E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
PAK4	19	3	5.08E-01	3	5.08E-01	2	6.98E-01	2	6.98E-01	1	6.31E-01	1	6.31E-01
ZRANB3	2	4	8.64E-01	4	8.64E-01	3	7.32E-01	3	7.32E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01
SLCO1B3	12	4	2.12E-01	5	2.07E-01	4	6.31E-01	5	6.51E-01			1	1.00E+00
PDLIM3	4	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01				
RHOBTB1	10	2	5.63E-01	2	5.63E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01				
OIT3	10	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01				
SCO2	22	3	3.09E-01	3	3.09E-01	3	6.31E-01	3	6.31E-01				
TINAGL1	1	2	1.70E-02	2	1.70E-02					2	6.31E-01	2	6.31E-01
FILIP1L	3	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01				
SLC4A4	4	4	8.58E-01	4	8.58E-01	3	6.68E-01	3	6.68E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01
PCOLCE2	3	3	7.21E-01	3	7.21E-01	2	6.31E-01	2	6.31E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
STKLD1	9	2	2.59E-02	2	2.59E-02					2	6.31E-01	2	6.31E-01
NT5C3A	7	2	1.48E-02	2	1.48E-02					2	6.31E-01	2	6.31E-01
CRB3	19	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
IL10RA	11	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01				
PAQR4	16	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01				
TMEM156	4	2	5.09E-01	2	5.09E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	6.32E-01	1	6.32E-01
NAGPA	16	5	5.38E-01	5	5.38E-01	3	6.54E-01	3	6.54E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01
FLT4	5	3	3.33E-01	3	3.33E-01	3	6.32E-01	3	6.32E-01				
FRMD1	6	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01				
LIG4	13	1	6.01E-02	1	6.01E-02					1	6.32E-01	1	6.32E-01
RASGRP2	11	1	6.01E-02	1	6.01E-02					1	6.32E-01	1	6.32E-01
KIF2C	1	1	6.01E-02	1	6.01E-02					1	6.32E-01	1	6.32E-01
CTTN	11	2	9.25E-01	2	9.25E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01	1	6.32E-01	1	6.32E-01
C14orf166	14	3	4.49E-01	3	4.49E-01	2	7.04E-01	2	7.04E-01	1	6.32E-01	1	6.32E-01
MGARP	4	1	6.01E-02	1	6.01E-02					1	6.32E-01	1	6.32E-01
ZNF408	11	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01				
VPS33B	15	5	4.63E-01	5	4.63E-01	3	6.60E-01	3	6.60E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01
PRSS27	16	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01				
DNMT3B	20	3	5.35E-01	3	5.35E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01	1	6.32E-01	1	6.32E-01
DDR1	6	1	8.94E-02	1	8.94E-02					1	6.32E-01	1	6.32E-01
LIM2	19	1	8.94E-02	1	8.94E-02					1	6.32E-01	1	6.32E-01
M6PR	12	1	8.94E-02	1	8.94E-02					1	6.32E-01	1	6.32E-01
SLC35G2	3	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01				
LYRM1	16	2	5.58E-01	2	5.58E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01				
BLVRA	7	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01				
GTSF1	12	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01				
SLC2A10	20	2	1.62E-02	2	1.62E-02					2	6.32E-01	2	6.32E-01
MTSS1	8	2	5.52E-01	2	5.52E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01				
RASGEF1C	5	2	2.25E-02	2	2.25E-02					2	6.32E-01	2	6.32E-01
ANKRD29	18	3	3.20E-01	3	3.20E-01	3	6.32E-01	3	6.32E-01				
DHRS2	14	9	3.15E-01	9	3.15E-01	9	6.84E-01	9	6.84E-01	4	6.32E-01	4	6.32E-01
PCBP4	3	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.32E-01	2	6.32E-01				
AIF1L	9	2	5.54E-01	2	5.54E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
ANKRD17	4	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
AMDHD1	12	3	3.38E-01	3	3.38E-01	3	6.33E-01	3	6.33E-01				
ADAD2	16	3	3.15E-01	3	3.15E-01	3	6.33E-01	3	6.33E-01				
COPG1	3	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
LAP3	4	2	5.84E-01	2	5.84E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
PTGIS	20	4	7.35E-01	4	7.35E-01	4	6.39E-01	4	6.39E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
SOD1	21	1	8.55E-02	1	8.55E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
ZSCAN23	6	1	8.55E-02	1	8.55E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
GJC1	17	1	8.55E-02	1	8.55E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
SF3B5	6	1	8.55E-02	1	8.55E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
NCLN	19	1	8.55E-02	1	8.55E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
SUFU	10	2	1.83E-02	2	1.83E-02					2	6.33E-01	2	6.33E-01
TSPAN1	1	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01				
IMPA1	8	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01				
NR4A3	9	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01				
HARBI1	11	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01				
TUBGCP4	15	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01				
TYROBP	19	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PANK3	5	1	7.23E-01	1	7.23E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01				
ABRA	8	2	2.70E-01	2	2.70E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
PLEKHA5	12	2	3.50E-01	2	3.50E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
BTBD2	19	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
CHML	1	2	5.52E-01	2	5.52E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
SLC4A2	7	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
FAM20B	1	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
GRIK4	11	3	3.40E-01	3	3.40E-01	3	6.33E-01	3	6.33E-01				
SMAD7	18	1	6.77E-02	1	6.77E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
DAW1	2	2	1.86E-02	2	1.86E-02					2	6.33E-01	2	6.33E-01
TMEM68	8	2	9.10E-01	2	9.10E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
ITCH	20	1	7.53E-02	1	7.53E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
CAV3	3	1	7.53E-02	1	7.53E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
CRBN	3	1	7.53E-02	1	7.53E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
ZNF92	7	1	7.53E-02	1	7.53E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
APEX1	14	3	4.91E-01	3	4.91E-01	2	6.76E-01	2	6.76E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
OTUD7A	15	2	1.62E-02	2	1.62E-02					2	6.33E-01	2	6.33E-01
TRIM28	19	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
TM4SF4	3	2	2.67E-02	2	2.67E-02					2	6.33E-01	2	6.33E-01
RPS6KL1	14	1	7.42E-02	1	7.42E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
P4HB	17	1	7.42E-02	1	7.42E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
SDR16C5	8	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.92E-01	2	6.92E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
FOXB2	9	3	4.67E-01	3	4.67E-01	2	7.74E-01	2	7.74E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
CARD10	22	3	6.26E-01	3	6.26E-01	2	6.58E-01	2	6.58E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
ZDHHC8	22	1	7.42E-02	1	7.42E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
NPAS2	2	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
CCNG1	5	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
SETD3	14	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
PDZD7	10	2	5.93E-01	2	5.93E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	6.33E-01	2	6.33E-01
PAPPA2	1	4	3.07E-01	4	3.07E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01
KCNK2	1	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
SERPINH1	11	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
MRPL34	19	1	6.25E-02	1	6.25E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
SORT1	1	3	4.43E-01	3	4.43E-01	2	7.05E-01	2	7.05E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
PSMD9	12	3	5.76E-01	3	5.76E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
RHOT2	16	3	5.99E-01	4	5.99E-01	2	6.33E-01	3	6.34E-01	1	6.33E-01	2	6.34E-01
CRYAA	21	2	2.24E-01	2	2.24E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
LOC10272465	21	2	2.24E-01	2	2.24E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
ST6GAL1	3	1	6.25E-02	1	6.25E-02					1	6.33E-01	1	6.33E-01
DMRT3	9	3	4.65E-01	3	4.65E-01	2	7.26E-01	2	7.26E-01	1	6.33E-01	1	6.33E-01
MOGAT2	11	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
TFRC	3	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
ZFPL1	11	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01				
MYO7B	2	10	7.63E-01	10	7.63E-01	10	6.53E-01	10	6.53E-01	5	6.33E-01	5	6.33E-01
KRTAP1-5	17	3	5.70E-01	3	5.70E-01	2	6.33E-01	2	6.33E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
HOXD13	2	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01				
PIGB	15	1	7.11E-02	1	7.11E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
SLC25A40	7	1	7.11E-02	1	7.11E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
LRRC38	1	1	7.11E-02	1	7.11E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
SLC20A2	8	1	7.11E-02	1	7.11E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
ARHGAP12	10	1	7.11E-02	1	7.11E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
DDOST	1	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01				
GTF2H4	6	1	6.85E-01	1	6.85E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ZNF792	19	4	8.65E-01	4	8.65E-01	3	6.34E-01	3	6.34E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
SLC28A3	9	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01				
NRXN3	14	5	5.32E-01	5	5.32E-01	3	7.74E-01	3	7.74E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
OR13J1	9	2	9.30E-01	2	9.30E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
HHLA1	8	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01				
ZNF626	19	2	2.64E-02	2	2.64E-02					2	6.34E-01	2	6.34E-01
OR13C4	9	3	7.50E-01	3	7.50E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
TRPA1	8	2	2.12E-02	2	2.12E-02					2	6.34E-01	2	6.34E-01
SCAP	3	2	5.60E-01	2	5.60E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01				
CAAP1	9	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01				
BSPRY	9	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01				
C12orf56	12	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01				
GRB14	2	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01				
FAM227B	15	1	7.40E-02	1	7.40E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
USP3	15	1	7.40E-02	1	7.40E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
RPA3	7	1	7.40E-02	1	7.40E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
EPHA5	4	3	7.33E-01	3	7.33E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
STIL	1	4	8.60E-01	4	8.60E-01	3	7.53E-01	3	7.53E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
RLBP1	15	1	9.32E-02	1	9.32E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
NRDC	1	1	9.32E-02	1	9.32E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
TMEM237	2	1	9.32E-02	1	9.32E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
PAOX	10	4	5.94E-01	4	5.94E-01	3	6.34E-01	3	6.34E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
KIAA0753	17	3	6.36E-01	5	6.36E-01	2	6.34E-01	4	6.34E-01	2	6.41E-01	4	6.41E-01
GLB1L3	11	3	7.58E-01	3	7.58E-01	2	6.56E-01	2	6.56E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
CERS1	19	2	6.34E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
COL22A1	8	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	6.34E-01	4	6.34E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
USP53	4	5	5.33E-01	5	5.33E-01	3	7.78E-01	3	7.78E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
VCL	10	5	5.64E-01	5	5.64E-01	3	7.54E-01	3	7.54E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01
GSS	20	3	3.39E-01	3	3.39E-01	3	6.34E-01	3	6.34E-01				
ODF3	11			1	1.22E-01			1	6.34E-01			1	1.00E+00
CARS2	13	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01				
ST3GAL1	8	1	6.79E-02	1	6.79E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
CLIC6	21	3	6.30E-01	3	6.30E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
ZNF747	16	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
BLOC1S5	6	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
EFNB2	13	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
KLHL6	3	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
TOLLIP	11	1	7.56E-02	1	7.56E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
BPIFC	22	1	7.56E-02	1	7.56E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
NR1H2	19	1	7.56E-02	1	7.56E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
RPL9	4	1	7.56E-02	1	7.56E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
FAM135B	8	2	1.92E-02	2	1.92E-02					2	6.34E-01	2	6.34E-01
BICD1	12	3	6.34E-01	3	6.34E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ETNPPL	4	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01				
CNNM2	10	1	7.65E-02	1	7.65E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
GPR176	15	1	7.65E-02	1	7.65E-02					1	6.34E-01	1	6.34E-01
SLC13A3	20	3	6.23E-01	3	6.23E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
TPST1	7	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	7.06E-01	3	7.06E-01	1	6.34E-01	1	6.34E-01
DNPEP	2	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	6.34E-01	2	6.34E-01				
DARS	2	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
PGAP1	2	3	7.27E-01	3	7.27E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
PKDCC	2	2	5.59E-01	2	5.59E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
TOR1B	9	2	1.83E-02	2	1.83E-02					2	6.35E-01	2	6.35E-01
ITPR1	3	2	5.58E-01	2	5.58E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
ZSCAN29	15	5	5.58E-01	5	5.58E-01	3	6.35E-01	3	6.35E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01
CASD1	7	2	9.27E-01	2	9.27E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
C2CD4D	1	2	3.13E-01	2	3.13E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
SPIDR	8	5	5.01E-01	5	5.01E-01	3	7.32E-01	3	7.32E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
CECR5	22	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
HJURP	2	2	5.61E-01	2	5.61E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
EML5	14	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
EIF2AK2	2	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
PLPPR1	9	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
PLK1	16	2	1.56E-02	2	1.56E-02					2	6.35E-01	2	6.35E-01
DOC2A	16	2	5.63E-01	2	5.63E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
CDH1	16	5	5.57E-01	5	5.57E-01	3	6.35E-01	3	6.35E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01
NKIRAS2	17	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
VARS2	6	4	3.15E-01	5	3.24E-01	2	6.35E-01	3	7.25E-01	2	6.45E-01	3	6.48E-01
SMYD4	17	2	5.65E-01	4	5.65E-01	2	6.36E-01	4	6.35E-01	2	7.55E-01	2	7.55E-01
CEP70	3	6	4.04E-01	6	4.04E-01	6	6.35E-01	6	6.35E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
ANKDD1A	15	2	1.41E-02	3	1.41E-02			1	7.96E-01	2	6.35E-01	3	6.35E-01
ARPIN	15	3	7.39E-01	3	7.39E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
C15orf38-AP3C	15	3	7.39E-01	3	7.39E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
SPATA1	1	1	6.04E-02	1	6.04E-02					1	6.35E-01	1	6.35E-01
CMTR2	16	2	2.15E-01	2	2.15E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.35E-01	1	6.35E-01
GATAD2A	19	1	6.04E-02	1	6.04E-02					1	6.35E-01	1	6.35E-01
ERLEC1	2	1	6.04E-02	1	6.04E-02					1	6.35E-01	1	6.35E-01
AKAP1	17	3	6.01E-01	3	6.01E-01	2	6.56E-01	2	6.56E-01	1	6.35E-01	1	6.35E-01
EAF2	3	2	9.20E-01	2	9.20E-01	2	6.59E-01	2	6.59E-01	1	6.35E-01	1	6.35E-01
DYRK3	1	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
TRIP10	19	2	5.83E-01	2	5.83E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
CACNB1	17	2	5.46E-01	2	5.46E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01				
DDX47	12	4	3.30E-01	4	3.30E-01	2	6.35E-01	2	6.35E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01
APCDD1	18	1	8.85E-02	1	8.85E-02					1	6.35E-01	1	6.35E-01
SLC41A2	12	1	8.85E-02	1	8.85E-02					1	6.35E-01	1	6.35E-01
NTRK3	15	3	5.33E-01	3	5.33E-01	2	6.72E-01	2	6.72E-01	1	6.35E-01	1	6.35E-01
ATP6V1H	8	1	8.85E-02	1	8.85E-02					1	6.35E-01	1	6.35E-01
NTN1	17	1	8.85E-02	1	8.85E-02					1	6.35E-01	1	6.35E-01
FAM76B	11	2	7.07E-01	2	7.07E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	6.35E-01	1	6.35E-01
ANO1	11	2	2.46E-02	2	2.46E-02					2	6.36E-01	2	6.36E-01
GPR84	12	4	8.62E-01	4	8.62E-01	3	6.51E-01	3	6.51E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ZMYND8	20	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01				
ASB4	7	4	3.17E-01	4	3.17E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
DPP6	7	2	5.46E-01	2	5.46E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01				
TVP23A	16	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01				
KLHL33	14	3	4.72E-01	3	4.72E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01
TBC1D14	4	2	5.60E-01	2	5.60E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01				
IQCH	15	5	4.85E-01	5	4.85E-01	3	7.47E-01	3	7.47E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
TBX3	12	1	7.94E-02	1	7.94E-02					1	6.36E-01	1	6.36E-01
OSTC	4	1	7.94E-02	1	7.94E-02					1	6.36E-01	1	6.36E-01
SLITRK5	13	2	1.94E-02	2	1.94E-02					2	6.36E-01	2	6.36E-01
KLK5	19	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01				
TLN1	9	2	1.70E-02	2	1.70E-02					2	6.36E-01	2	6.36E-01
PCDH17	13	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01				
AK7	14	4	8.97E-01	4	8.97E-01	3	8.21E-01	3	8.21E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
ARFGEF2	20	5	8.95E-01	5	8.95E-01	4	6.36E-01	4	6.36E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01
COQ3	6	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01				
HSPA12B	20	4	8.65E-01	4	8.65E-01	3	7.60E-01	3	7.60E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
ELAC1	18	2	1.41E-02	2	1.41E-02					2	6.36E-01	2	6.36E-01
FAM111B	11	1	8.09E-02	1	8.09E-02					1	6.36E-01	1	6.36E-01
CREB3L1	11	1	8.09E-02	1	8.09E-02					1	6.36E-01	1	6.36E-01
KCMF1	2	1	8.09E-02	1	8.09E-02					1	6.36E-01	1	6.36E-01
SUCNR1	3	1	8.09E-02	1	8.09E-02					1	6.36E-01	1	6.36E-01
DAO	12	4	8.15E-01	4	8.15E-01	3	7.42E-01	3	7.42E-01	1	6.36E-01	1	6.36E-01
BCL9L	11	3	8.49E-01	3	8.49E-01	2	6.97E-01	2	6.97E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
ASB13	10	2	5.63E-01	2	5.63E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01				
SLC25A24	1	2	5.86E-01	2	5.86E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01				
CDKL3	5	2	5.86E-01	2	5.86E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01				
TPH2	12	2	1.72E-02	2	1.72E-02					2	6.36E-01	2	6.36E-01
MPO	17	5	5.32E-01	5	5.32E-01	3	7.49E-01	3	7.49E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01
FAM118A	22	3	6.43E-01	3	6.43E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01
ITGB5	3	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01				
TOR1A	9	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01				
M1AP	2	2	3.15E-01	2	3.15E-01	2	6.36E-01	2	6.36E-01				
HTR4	5	2	1.89E-02	2	1.89E-02					2	6.36E-01	2	6.36E-01
SUCO	1	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01				
TACR3	4	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01				
SLC12A1	15	6	6.98E-01	6	6.98E-01	4	6.46E-01	4	6.46E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
HAUS8	19	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01				
ZFPM2	8	2	1.85E-02	2	1.85E-02					2	6.37E-01	2	6.37E-01
ESCO2	8	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01				
TAGAP	6	4	2.92E-01	4	2.92E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01
LENG8	19	4	8.74E-01	4	8.74E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	6.37E-01	2	6.37E-01
BRD1	22	4	7.39E-01	4	7.39E-01	3	6.37E-01	3	6.37E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
CNPY2	12	2	5.60E-01	2	5.60E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01				
ASTE1	3	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01				
OR2M2	1	2	3.21E-01	2	3.21E-01	2	6.37E-01	2	6.37E-01				
ZBTB22	6	2	2.06E-02	2	2.06E-02					2	6.37E-01	2	6.37E-01
NIFK	2	2	1.53E-02	2	1.53E-02					2	6.37E-01	2	6.37E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ZNF177	19	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01				
ZNF559-ZNF17	19	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01				
TXLNA	1	2	1.77E-02	2	1.77E-02					2	6.38E-01	2	6.38E-01
C3AR1	12	2	1.40E-02	2	1.40E-02					2	6.38E-01	2	6.38E-01
MOB2	11	3	3.13E-01	3	3.13E-01	3	6.38E-01	3	6.38E-01				
TRIM25	17	2	5.60E-01	2	5.60E-01	2	6.38E-01	2	6.38E-01				
FAM131B	7	2	1.64E-02	2	1.64E-02					2	6.39E-01	2	6.39E-01
NFATC2	20	5	4.39E-01	5	4.39E-01	3	7.98E-01	3	7.98E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
KCTD18	2	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01				
OAS2	12	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	6.39E-01	3	6.39E-01	1	6.96E-01	2	6.96E-01
P2RX6	22	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01				
ZNF618	9	3	3.45E-01	3	3.45E-01	3	6.39E-01	3	6.39E-01				
XYLT2	17	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01				
CDK5RAP3	17	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01				
CECR6	22	3	8.59E-01	3	8.59E-01	2	7.06E-01	2	7.06E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
THAP7	22	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01				
ADGRB3	6	4	8.94E-01	4	8.94E-01	3	8.02E-01	3	8.02E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
PLOD2	3	4	8.11E-01	4	8.11E-01	3	7.65E-01	3	7.65E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
SNX15	11	5	5.49E-01	5	5.49E-01	3	7.15E-01	3	7.15E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
RCC1	1	2	1.60E-02	2	1.60E-02					2	6.39E-01	2	6.39E-01
TEKT3	17	2	1.72E-02	2	1.72E-02					2	6.39E-01	2	6.39E-01
STPG2	4	4	2.50E-01	5	2.50E-01	2	6.39E-01	3	6.39E-01	2	6.43E-01	3	6.43E-01
INPP5B	1	2	5.54E-01	3	3.05E-01	2	6.76E-01	3	6.39E-01			1	6.63E-01
GZMH	14	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01				
C2orf40	2	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01				
ASPH	8	4	8.95E-01	4	8.95E-01	3	7.06E-01	3	7.06E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
LAMP5	20	3	7.48E-01	3	7.48E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01	1	6.69E-01	1	6.69E-01
SLC39A3	19	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01				
LETMD1	12	2	5.57E-01	2	5.57E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01				
HDHD3	9	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01				
ABCD2	12	2	1.65E-02	2	1.65E-02					2	6.39E-01	2	6.39E-01
C2CD2	21	3	5.87E-01	3	5.87E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
SLC25A27	6	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01				
NGEF	2	3	7.69E-01	3	7.69E-01	2	6.61E-01	2	6.61E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01
GBA2	9	2	1.76E-02	2	1.76E-02					2	6.39E-01	2	6.39E-01
C9orf50	9	2	5.77E-01	2	5.77E-01	2	6.39E-01	2	6.39E-01				
SUPT6H	17	3	8.19E-01	3	8.19E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.40E-01	2	6.40E-01
SLC16A3	17	4	2.64E-01	4	2.64E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
PLXND1	3	6	6.13E-01	6	6.13E-01	4	8.51E-01	4	8.51E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
LOXL2	8	3	5.87E-01	3	5.87E-01	2	7.55E-01	2	7.55E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
CPA1	7	2	3.28E-01	2	3.28E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01				
SIPA1	11	5	4.69E-01	5	4.69E-01	3	7.98E-01	3	7.98E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
FGFR3	4	4	8.11E-01	4	8.11E-01	3	6.40E-01	3	6.40E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
SERPINA12	14	5	8.97E-01	5	8.97E-01	5	6.40E-01	5	6.40E-01	3	7.61E-01	3	7.61E-01
DSG3	18	6	6.69E-01	6	6.69E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	6.40E-01	4	6.40E-01
DENND5B	12	2	1.57E-02	2	1.57E-02					2	6.40E-01	2	6.40E-01
POP1	8	4	8.17E-01	5	7.64E-01	3	7.39E-01	4	1.00E+00	2	6.40E-01	3	1.00E+00
PNPLA2	11	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	6.40E-01	1	6.40E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PRDM11	11	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	6.40E-01	1	6.40E-01
OR8K1	11	1	8.60E-02	1	8.60E-02					1	6.40E-01	1	6.40E-01
BCL10	1	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01				
TMEM192	4	2	5.57E-01	2	5.57E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01				
ECHS1	10	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01				
EDDM3B	14	2	5.59E-01	2	5.59E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01				
FRMD8	11	4	3.26E-01	4	3.26E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
DDX1	2	3	3.42E-01	3	3.42E-01	3	6.40E-01	3	6.40E-01				
PPM1J	1	2	9.30E-01	2	9.30E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
GDPD4	11	2	5.61E-01	2	5.61E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01				
SPDYC	11	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01				
HSD17B6	12	2	1.55E-02	2	1.55E-02					2	6.40E-01	2	6.40E-01
CHRNA4	20	5	5.29E-01	5	5.29E-01	3	7.66E-01	3	7.66E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01
OR52N1	11	2	5.63E-01	2	5.63E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01				
GIMAP6	7	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.40E-01	2	6.40E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
PLD4	14	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	6.40E-01	2	6.40E-01				
TNFRSF11A	18	1	6.67E-02	1	6.67E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
HTR2B	2	3	6.01E-01	3	6.01E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
PSAT1	9	1	6.67E-02	1	6.67E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
TEX10	9	4	7.64E-01	4	7.64E-01	3	7.50E-01	3	7.50E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
SLC37A2	11	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01				
GRIK1	21	2	5.78E-01	2	5.78E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01				
DNAJC17	15	1	7.22E-02	1	7.22E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
MAN1A1	6	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	7.75E-01	3	7.75E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
GLOD4	17	1	7.22E-02	1	7.22E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
CPSF2	14	1	7.22E-02	1	7.22E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
PPP1R15B	1	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	6.59E-01	3	6.59E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
EIF2B4	2	1	7.22E-02	1	7.22E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
GOLPH3L	1	3	4.79E-01	3	4.79E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01	1	6.41E-01	1	6.41E-01
ISPD	7	1	7.22E-02	1	7.22E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
ASGR1	17	1	7.22E-02	1	7.22E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
HTR1D	1	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01				
C9orf66	9	2	1.83E-02	2	1.83E-02					2	6.41E-01	2	6.41E-01
LGALS3BP	17	6	6.17E-01	6	6.17E-01	4	8.50E-01	4	8.50E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
PPP2R2B	5	2	1.85E-02	2	1.85E-02					2	6.41E-01	2	6.41E-01
SRL	16	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01				
ZNF621	3	1	1.08E-01	1	1.08E-01					1	6.41E-01	1	6.41E-01
YIF1A	11	1	1.08E-01	1	1.08E-01					1	6.41E-01	1	6.41E-01
TMBIM4	12	1	1.08E-01	1	1.08E-01					1	6.41E-01	1	6.41E-01
CDV3	3	1	1.08E-01	1	1.08E-01					1	6.41E-01	1	6.41E-01
FBXO48	2	1	1.08E-01	1	1.08E-01					1	6.41E-01	1	6.41E-01
ZNF827	4	5	4.40E-01	5	4.40E-01	3	7.69E-01	3	7.69E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
CCDC85C	14	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01				
AP4M1	7	3	7.23E-01	3	7.23E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
IL24	1	3	8.02E-01	3	8.02E-01	2	7.14E-01	2	7.14E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
TXLNB	6	5	3.92E-01	5	3.92E-01	3	7.92E-01	3	7.92E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
CSTA	3	2	1.75E-02	2	1.75E-02					2	6.41E-01	2	6.41E-01
PPP3CC	8	2	5.63E-01	2	5.63E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
KAZN	1	2	5.53E-01	2	5.53E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01				
PNKP	19	2	1.93E-02	2	1.93E-02					2	6.41E-01	2	6.41E-01
PNPLA5	22	2	1.53E-02	2	1.53E-02					2	6.41E-01	2	6.41E-01
DHX35	20	4	8.63E-01	4	8.63E-01	3	7.65E-01	3	7.65E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01
WNT10B	12	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01				
APBB1IP	10	2	2.00E-02	2	2.00E-02					2	6.41E-01	2	6.41E-01
NPFRR2	4	2	1.81E-02	2	1.81E-02					2	6.41E-01	2	6.41E-01
CDH7	18	2	5.85E-01	2	5.85E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01				
IMP4	2	1	9.15E-02	1	9.15E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
ZMYM4	1	1	9.15E-02	1	9.15E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
TMEM104	17	2	5.58E-01	2	5.58E-01	2	6.41E-01	2	6.41E-01				
ALDOA	16	1	7.46E-02	1	7.46E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
OLFM3	1	1	7.46E-02	1	7.46E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
TYRO3	15	1	7.46E-02	1	7.46E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
C4orf17	4	1	7.46E-02	1	7.46E-02					1	6.41E-01	1	6.41E-01
CXCR2	2	2	6.62E-01	2	6.62E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01	2	6.52E-01	2	6.52E-01
GLE1	9	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01				
ETFDH	4	2	2.20E-02	2	2.20E-02					2	6.42E-01	2	6.42E-01
TECTB	10	2	1.94E-02	2	1.94E-02					2	6.42E-01	2	6.42E-01
ZNF16	8	2	7.85E-01	2	7.85E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TPPP2	14	1	5.82E-01	2	4.81E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00	1	6.42E-01	2	7.77E-01
PHYHD1	9	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.24E-01	2	7.24E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
RAB4B	19	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.42E-01	1	6.42E-01
FBXL7	5	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.42E-01	1	6.42E-01
CARNMT1	9	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.42E-01	1	6.42E-01
NLRP7	19	2	5.60E-01	2	5.60E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01				
FGD3	9	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01				
ADCY9	16	2	5.49E-01	2	5.49E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01				
SOAT1	1	1	7.98E-02	1	7.98E-02					1	6.42E-01	1	6.42E-01
CNTNAP2	7	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.88E-01	2	6.88E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
VRTN	14	1	7.98E-02	1	7.98E-02					1	6.42E-01	1	6.42E-01
POLR3C	1	1	7.98E-02	1	7.98E-02					1	6.42E-01	1	6.42E-01
TLE4	9	1	7.98E-02	1	7.98E-02					1	6.42E-01	1	6.42E-01
ESRRG	1	1	7.98E-02	1	7.98E-02					1	6.42E-01	1	6.42E-01
R3HCC1L	10	3	7.00E-01	3	7.00E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
LAG3	12	2	1.79E-02	2	1.79E-02					2	6.42E-01	2	6.42E-01
HIC2	22	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01				
GRK7	3	3	3.08E-01	3	3.08E-01	3	6.42E-01	3	6.42E-01				
CENPQ	6	2	1.57E-02	2	1.57E-02					2	6.42E-01	2	6.42E-01
ZDHHC11	5	1	9.21E-02	1	9.21E-02					1	6.42E-01	1	6.42E-01
KDELCL1	13	3	3.27E-01	3	3.27E-01	3	6.42E-01	3	6.42E-01				
OGN	9	2	9.30E-01	2	9.30E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01	1	6.63E-01	1	6.63E-01
NUDT12	5	3	6.61E-01	3	6.61E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
DUSP15	20	1	8.14E-02	1	8.14E-02					1	6.42E-01	1	6.42E-01
APLP2	11	2	1.51E-02	2	1.51E-02					2	6.42E-01	2	6.42E-01
FAXDC2	5	2	1.66E-02	2	1.66E-02					2	6.42E-01	2	6.42E-01
NOL11	17	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01				
TMEM86B	19	2	5.85E-01	2	5.85E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ADAMTS19	5	2	1.76E-02	2	1.76E-02					2	6.42E-01	2	6.42E-01
JAM3	11	3	6.33E-01	3	6.33E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
HEATR5B	2	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.42E-01	2	6.42E-01				
ZFP69B	1	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	6.42E-01	4	6.42E-01	2	6.92E-01	2	6.92E-01
DDX23	12	1	9.28E-02	1	9.28E-02					1	6.42E-01	1	6.42E-01
LAT	16	1	9.28E-02	1	9.28E-02					1	6.42E-01	1	6.42E-01
TXN2	22	3	7.23E-01	3	7.23E-01	2	6.57E-01	2	6.57E-01	1	6.42E-01	1	6.42E-01
TRAPP9	8	3	9.04E-01	3	9.04E-01	3	6.42E-01	3	6.42E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
LOC81691	16	2	1.68E-02	2	1.68E-02					2	6.42E-01	2	6.42E-01
CTRC	1	3	8.94E-01	3	8.94E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.42E-01	2	6.42E-01
ZNF804A	2	5	5.47E-01	5	5.47E-01	3	7.27E-01	3	7.27E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
ZNF365	10	4	8.07E-01	4	8.07E-01	3	7.88E-01	3	7.88E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
PXDN	2	4	8.14E-01	4	8.14E-01	3	7.69E-01	3	7.69E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
ENDOD1	11	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01				
GIMAP1-GIMA	7	3	8.42E-01	3	8.42E-01	2	6.66E-01	2	6.66E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
GIMAP5	7	3	8.42E-01	3	8.42E-01	2	6.66E-01	2	6.66E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01
WDHD1	14	5	9.31E-01	6	8.98E-01	4	6.69E-01	5	7.84E-01	2	6.51E-01	3	6.43E-01
ZNF502	3	1	7.07E-02	1	7.07E-02					1	6.43E-01	1	6.43E-01
LOC101928841	13	1	7.07E-02	1	7.07E-02					1	6.43E-01	1	6.43E-01
EMILIN3	20	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.37E-01	2	7.37E-01	1	6.43E-01	1	6.43E-01
ZNF594	17	1	7.07E-02	1	7.07E-02					1	6.43E-01	1	6.43E-01
FAM69A	1	1	7.07E-02	1	7.07E-02					1	6.43E-01	1	6.43E-01
LACTB	15	1	6.07E-01	1	6.07E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.43E-01	1	6.43E-01
MAST4	5	8	6.11E-01	8	6.11E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	6.43E-01	5	6.43E-01
MC3R	20	2	1.84E-02	2	1.84E-02					2	6.43E-01	2	6.43E-01
C10orf88	10	2	1.90E-02	2	1.90E-02					2	6.43E-01	2	6.43E-01
CCDC150	2	3	8.30E-01	3	8.30E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.43E-01	2	6.43E-01
LETM1	4	3	3.43E-01	3	3.43E-01	3	6.43E-01	3	6.43E-01				
TFB2M	1	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01				
FUT1	19	2	1.75E-02	2	1.75E-02					2	6.43E-01	2	6.43E-01
MFAP5	12	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01				
NDUFA7	19	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01				
MDGA2	14	1	7.96E-02	1	7.96E-02					1	6.43E-01	1	6.43E-01
RNF34	12	1	7.96E-02	1	7.96E-02					1	6.43E-01	1	6.43E-01
EN2	7	1	7.96E-02	1	7.96E-02					1	6.43E-01	1	6.43E-01
ZNF671	19	2	1.54E-02	2	1.54E-02					2	6.43E-01	2	6.43E-01
TRMT1L	1	2	1.80E-02	2	1.80E-02					2	6.43E-01	2	6.43E-01
CCDC106	19	1	6.32E-02	1	6.32E-02					1	6.43E-01	1	6.43E-01
PCDHGB5	5	1	6.32E-02	1	6.32E-02					1	6.43E-01	1	6.43E-01
TAOK2	16	1	6.32E-02	1	6.32E-02					1	6.43E-01	1	6.43E-01
HACD3	15	2	5.58E-01	2	5.58E-01	2	6.43E-01	2	6.43E-01				
PRICKLE4	6	2	1.88E-02	2	1.88E-02					2	6.43E-01	2	6.43E-01
DNAI1	9	2	2.05E-02	2	2.05E-02					2	6.43E-01	2	6.43E-01
SLC22A15	1	2	5.43E-01	2	5.43E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01				
ABHD11	7	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01				
NUF2	1	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
ITGA2	5	2	1.55E-01	2	1.55E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.44E-01	1	6.44E-01
RNF6	13	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CALR	19	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
NDUFA4L2	12	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
RFFL	17	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
IL6	7	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
CAGE1	6	2	5.59E-01	2	5.59E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01				
TBRG1	11	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01				
CYP26A1	10	1	8.73E-02	1	8.73E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
CANX	5	1	8.73E-02	1	8.73E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
PAXIP1	7	1	7.87E-01	1	7.87E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.44E-01	1	6.44E-01
VSX2	14	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01				
GIGYF2	2	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01				
SLC12A9	7	2	1.47E-02	2	1.47E-02					2	6.44E-01	2	6.44E-01
SGPP2	2	2	5.43E-01	2	5.43E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01				
PCSK1	5	2	1.94E-02	2	1.94E-02					2	6.44E-01	2	6.44E-01
BLM	15	3	6.74E-01	3	6.74E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
WWC2	4	5	7.74E-01	6	8.81E-01	4	8.59E-01	5	8.69E-01	1	6.44E-01	2	8.56E-01
KIAA1586	6	1	6.80E-02	1	6.80E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
METTL5	2	1	6.80E-02	1	6.80E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
FRMD4A	10	2	9.28E-01	2	9.28E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01	1	6.44E-01	1	6.44E-01
GHITM	10	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.44E-01	1	6.44E-01
CD9	12	1	6.80E-02	1	6.80E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
CPA5	7	4	3.67E-01	4	3.67E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
IFNK	9	1	7.42E-02	1	7.42E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
GPC6	13	1	7.42E-02	1	7.42E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
IFT27	22	1	7.42E-02	1	7.42E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
KCTD15	19	1	7.42E-02	1	7.42E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
MED16	19	5	4.70E-01	5	4.70E-01	3	6.44E-01	3	6.44E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
ZNF76	6	3	3.29E-01	3	3.29E-01	3	6.44E-01	3	6.44E-01				
LINS1	15	1	6.87E-02	1	6.87E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
ATP6V1C2	2	1	6.87E-02	1	6.87E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
ZDHHC7	16	1	6.87E-02	1	6.87E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
GPR150	5	2	5.87E-01	2	5.87E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01				
EXOC6B	2	2	1.81E-02	2	1.81E-02					2	6.44E-01	2	6.44E-01
NSMCE3	15	3	3.35E-01	3	3.35E-01	3	6.44E-01	3	6.44E-01				
ZNFX1	20	4	8.15E-01	4	8.15E-01	3	7.76E-01	3	7.76E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
C1orf131	1	2	5.71E-01	3	1.69E-01	2	6.44E-01	3	6.53E-01			1	8.67E-01
GRM3	7	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01				
LBR	1	4	8.39E-01	4	8.39E-01	3	7.81E-01	3	7.81E-01	2	6.44E-01	2	6.44E-01
ACPT	19	2	1.60E-02	2	1.60E-02					2	6.44E-01	2	6.44E-01
FKBP3	14	1	6.97E-02	1	6.97E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
SAPCD2	9	1	6.97E-02	1	6.97E-02					1	6.44E-01	1	6.44E-01
SLFN5	17	3	1.00E+00	4	1.00E+00	3	7.53E-01	4	7.53E-01	1	6.44E-01	2	6.45E-01
SLC25A2	5	2	1.60E-02	2	1.60E-02					2	6.45E-01	2	6.45E-01
EIF2B5	3	1	7.33E-02	1	7.33E-02					1	6.45E-01	1	6.45E-01
FAM161B	14	1	7.33E-02	1	7.33E-02					1	6.45E-01	1	6.45E-01
CAPNS2	16	3	5.98E-01	3	5.98E-01	3	8.44E-01	3	8.44E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
CCDC92	12	4	7.95E-01	5	7.95E-01	3	8.18E-01	4	8.17E-01	1	6.45E-01	2	6.45E-01
LCA5	6	4	8.54E-01	4	8.54E-01	3	6.89E-01	3	6.89E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
DLGAP3	1	3	3.45E-01	3	3.45E-01	3	6.45E-01	3	6.45E-01				
OR4K13	14	3	4.82E-01	3	4.82E-01	2	7.15E-01	2	7.15E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
ZIC1	3	1	7.05E-02	1	7.05E-02					1	6.45E-01	1	6.45E-01
GPR52	1	3	6.08E-01	3	6.08E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01	1	6.80E-01	1	6.80E-01
ATXN2L	16	4	8.86E-01	4	8.86E-01	4	6.45E-01	4	6.45E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
PIBF1	13	4	8.25E-01	4	8.25E-01	3	6.77E-01	3	6.77E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
CORIN	4	5	5.50E-01	5	5.50E-01	3	6.55E-01	3	6.55E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01
GPR182	12	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01				
YIPF2	19	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01				
LRIF1	1	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01				
OVGP1	1	2	1.63E-02	2	1.63E-02					2	6.45E-01	2	6.45E-01
ARHGEF19	1	3	7.93E-01	4	8.81E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	6.45E-01	3	6.90E-01
HRH1	3	2	5.44E-01	2	5.44E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01				
OPRL1	20	2	7.37E-01	2	7.37E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
CSMD2	1	15	5.75E-01	15	5.75E-01	12	1.00E+00	12	1.00E+00	6	6.45E-01	6	6.45E-01
PROCA1	17	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01				
DAPK2	15	1	7.75E-02	1	7.75E-02					1	6.45E-01	1	6.45E-01
GSC2	22	1	7.75E-02	1	7.75E-02					1	6.45E-01	1	6.45E-01
APOBEC3G	22	1	7.75E-02	1	7.75E-02					1	6.45E-01	1	6.45E-01
ARHGEF12	11	2	1.78E-02	2	1.78E-02					2	6.45E-01	2	6.45E-01
ROBO2	3	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01				
CP	3	7	6.41E-01	7	6.41E-01	7	7.38E-01	7	7.38E-01	4	6.45E-01	4	6.45E-01
RTCB	22	1	5.64E-02	1	5.64E-02					1	6.45E-01	1	6.45E-01
TMPRSS2	21	1	5.64E-02	1	5.64E-02					1	6.45E-01	1	6.45E-01
FAM107B	10	1	5.64E-02	1	5.64E-02					1	6.45E-01	1	6.45E-01
ZC3HC1	7	4	7.23E-01	5	7.23E-01	3	7.64E-01	4	7.64E-01	1	6.45E-01	2	6.46E-01
ATP6V1E2	2	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.07E-01	2	7.07E-01	1	6.45E-01	1	6.45E-01
ZNF713	7	1	5.64E-02	1	5.64E-02					1	6.45E-01	1	6.45E-01
CHUK	10	1	5.64E-02	1	5.64E-02					1	6.45E-01	1	6.45E-01
CADPS	3	1	5.64E-02	1	5.64E-02					1	6.45E-01	1	6.45E-01
FAM151B	5	2	1.89E-02	2	1.89E-02					2	6.45E-01	2	6.45E-01
PDS5A	4	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.45E-01	2	6.45E-01				
GEMIN2	14	2	1.80E-02	2	1.80E-02					2	6.45E-01	2	6.45E-01
KLK10	19	3	2.36E-01	3	2.36E-01	3	6.46E-01	3	6.46E-01				
SULF1	8	3	6.91E-01	3	6.91E-01	2	7.20E-01	2	7.20E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
USP24	1	3	7.10E-01	3	7.10E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01	1	6.48E-01	1	6.48E-01
FAM98A	2	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.46E-01	1	6.46E-01
DNMT1	19	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.46E-01	1	6.46E-01
PIWIL2	8	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.46E-01	1	6.46E-01
DICER1	14	4	8.49E-01	4	8.49E-01	3	7.33E-01	3	7.33E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
RAB15	14	1	8.42E-01	1	8.42E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.46E-01	1	6.46E-01
LRRRC70	5	2	8.37E-01	2	8.37E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ITGAL	16	1	7.74E-02	1	7.74E-02					1	6.46E-01	1	6.46E-01
FUT11	10	1	7.74E-02	1	7.74E-02					1	6.46E-01	1	6.46E-01
SLC25A35	17	1	7.74E-02	1	7.74E-02					1	6.46E-01	1	6.46E-01
FAM168A	11	1	7.74E-02	1	7.74E-02					1	6.46E-01	1	6.46E-01
CPT1A	11	1	7.74E-02	1	7.74E-02					1	6.46E-01	1	6.46E-01
SLC45A1	1	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PFKM	12	2	1.65E-02	2	1.65E-02					2	6.46E-01	2	6.46E-01
NTN5	19	4	6.44E-02	4	6.44E-02	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	6.46E-01	3	6.46E-01
CAMTA1	1	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01				
SGSH	17	1	6.83E-02	1	6.83E-02					1	6.46E-01	1	6.46E-01
OR4E2	14	1	6.83E-02	1	6.83E-02					1	6.46E-01	1	6.46E-01
ITPR2	12	4	7.85E-01	4	7.85E-01	3	7.56E-01	3	7.56E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
PEX1	7	4	7.88E-01	4	7.88E-01	3	7.87E-01	3	7.87E-01	1	6.46E-01	1	6.46E-01
USP37	2	1	6.83E-02	1	6.83E-02					1	6.46E-01	1	6.46E-01
THOC1	18	1	6.83E-02	1	6.83E-02					1	6.46E-01	1	6.46E-01
PTGDR2	11	1	6.83E-02	1	6.83E-02					1	6.46E-01	1	6.46E-01
PARD3	10	2	5.81E-01	2	5.81E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01				
EXT2	11	4	9.07E-01	4	9.07E-01	3	8.31E-01	3	8.31E-01	2	6.46E-01	2	6.46E-01
ZFP64	20	2	1.75E-02	2	1.75E-02					2	6.47E-01	2	6.47E-01
ANKRA2	5	2	2.09E-02	2	2.09E-02					2	6.47E-01	2	6.47E-01
DHX33	17	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	6.47E-01	3	6.47E-01	2	7.28E-01	2	7.28E-01
ACSBG1	15	2	2.47E-02	2	2.47E-02					2	6.47E-01	2	6.47E-01
CPN1	10	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01				
ADCY8	8	3	3.52E-01	3	3.52E-01	3	6.47E-01	3	6.47E-01				
CASS4	20	1	5.90E-02	1	5.90E-02					1	6.47E-01	1	6.47E-01
ATL2	2	2	5.90E-02	2	5.90E-02					2	6.47E-01	2	6.47E-01
C8G	9	1	5.90E-02	1	5.90E-02					1	6.47E-01	1	6.47E-01
OAS1	12	4	7.45E-01	4	7.45E-01	3	6.51E-01	3	6.51E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
VEGFB	11	1	5.90E-02	1	5.90E-02					1	6.47E-01	1	6.47E-01
PM20D2	6	1	6.97E-02	1	6.97E-02					1	6.47E-01	1	6.47E-01
IFI44	1	1	6.97E-02	1	6.97E-02					1	6.47E-01	1	6.47E-01
CD200R1L	3	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.12E-01	2	7.12E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
CRAT	9	3	4.61E-01	3	4.61E-01	2	6.66E-01	2	6.66E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
HIST1H2AD	6	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01				
FAM175B	10	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01				
CDK20	9	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.67E-01	2	6.67E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
TRPS1	8	3	6.94E-01	3	6.94E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01	1	6.47E-01	1	6.47E-01
FXN	9	1	8.44E-02	1	8.44E-02					1	6.47E-01	1	6.47E-01
ATCAY	19	1	8.44E-02	1	8.44E-02					1	6.47E-01	1	6.47E-01
MED27	9	1	8.44E-02	1	8.44E-02					1	6.47E-01	1	6.47E-01
LRTOMT	11	2	1.72E-02	2	1.72E-02					2	6.47E-01	2	6.47E-01
NPR2	9	5	5.57E-01	5	5.57E-01	3	7.91E-01	3	7.91E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
PDZRN3	3	3	8.47E-01	3	8.47E-01	2	6.84E-01	2	6.84E-01	2	6.47E-01	2	6.47E-01
ADAMTS2	5	2	1.45E-02	2	1.45E-02					2	6.47E-01	2	6.47E-01
FAM213A	10	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01				
YEATS2	3	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.48E-01	1	6.48E-01
DERL3	22	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.48E-01	1	6.48E-01
FAM196B	5	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.48E-01	1	6.48E-01
ZNF510	9	4	8.42E-01	4	8.42E-01	3	7.83E-01	3	7.83E-01	1	6.48E-01	1	6.48E-01
WNT2B	1	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.48E-01	1	6.48E-01
NEXN	1	4	8.37E-01	5	8.36E-01	3	8.21E-01	4	8.27E-01	1	6.48E-01	2	6.94E-01
PPP1R3E	14	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.48E-01	1	6.48E-01
SLC2A1	1	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.48E-01	1	6.48E-01
CREB5	7	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.48E-01	1	6.48E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
AZI2	3	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.48E-01	1	6.48E-01
MYF5	12	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.48E-01	1	6.48E-01
PPM1G	2	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.48E-01	1	6.48E-01
NAA35	9	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.72E-01	2	7.72E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01
NSMCE2	8	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01				
CFD	19	2	5.56E-01	2	5.56E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01				
PINK1	1	2	1.87E-02	2	1.87E-02					2	6.48E-01	2	6.48E-01
GRIN3B	19	10	4.82E-01	11	4.83E-01	7	1.00E+00	8	1.00E+00	4	6.52E-01	5	6.48E-01
ZBTB38	3	2	1.68E-02	2	1.68E-02					2	6.48E-01	2	6.48E-01
OS9	12	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.48E-01	2	6.48E-01	1	6.56E-01	1	6.56E-01
BIN1	2	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01				
C1orf74	1	3	2.21E-01	3	2.21E-01	3	6.48E-01	3	6.48E-01				
USP39	2	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01				
ULK2	17	4	7.28E-01	4	7.28E-01	3	8.14E-01	3	8.14E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01
PAPD5	16	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01				
FAP	2	2	4.79E-01	2	4.79E-01	2	6.48E-01	2	6.48E-01	2	7.27E-01	2	7.27E-01
PAX2	10	2	5.63E-01	2	5.63E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01				
ADGRL3	4	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01				
CLIP3	19	3	7.07E-01	3	7.07E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
YTHDC2	5	2	3.00E-01	2	3.00E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01				
APCDD1L	20	2	5.61E-01	2	5.61E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01				
NAB1	2	1	7.17E-02	1	7.17E-02					1	6.49E-01	1	6.49E-01
MACC1	7	3	5.53E-01	4	5.53E-01	3	1.00E+00	4	1.00E+00	1	6.49E-01	2	6.49E-01
KLK6	19	1	7.17E-02	1	7.17E-02					1	6.49E-01	1	6.49E-01
KIAA1671	22	2	5.80E-01	2	5.80E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01				
FOXO3	6	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01				
PRRX2	9	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01				
SLC7A9	19	4	3.23E-01	4	3.23E-01	2	7.19E-01	2	7.19E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01
LRTM1	3	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.49E-01	2	6.49E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
PLVAP	19	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01				
KAT2A	17	2	1.37E-02	2	1.37E-02					2	6.49E-01	2	6.49E-01
KRT2	12	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01				
ERO1B	1	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01				
GFI1	1	2	5.57E-01	2	5.57E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01				
SLC27A6	5	1	6.75E-01	1	6.75E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01				
ATP8A1	4	1	6.75E-01	1	6.75E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01				
XRN1	3	1	6.75E-01	1	6.75E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01				
TSHB	1	1	6.75E-01	1	6.75E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01				
AP2A2	11	1	6.96E-02	1	6.96E-02					1	6.49E-01	1	6.49E-01
USP44	12	4	7.91E-01	4	7.91E-01	3	7.75E-01	3	7.75E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01
CCR2	3	3	4.76E-01	3	4.76E-01	2	7.47E-01	2	7.47E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01
ATP6V1G3	1	1	6.96E-02	1	6.96E-02					1	6.49E-01	1	6.49E-01
PTPN4	2	1	6.96E-02	1	6.96E-02					1	6.49E-01	1	6.49E-01
BST2	19	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	6.56E-01	3	6.56E-01	1	6.49E-01	1	6.49E-01
CHD7	8	4	3.16E-01	4	3.16E-01	2	7.71E-01	2	7.71E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01
SLC27A2	15	2	5.39E-01	2	5.39E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01				
ATN1	12	2	5.39E-01	2	5.39E-01	2	6.49E-01	2	6.49E-01				
SUMF2	7	5	8.71E-02	5	8.71E-02	3	7.59E-01	3	7.59E-01	3	6.49E-01	3	6.49E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
REST	4	2	5.58E-01	2	5.58E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01				
XIRP1	3	12	1.00E-01	13	1.11E-01	9	7.37E-01	10	6.50E-01	6	6.61E-01	7	6.73E-01
KIFC1	6	3	3.32E-01	3	3.32E-01	3	6.50E-01	3	6.50E-01				
XRCC3	14	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01				
HMOX2	16	2	5.53E-01	2	5.53E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01				
GPC5	13	2	1.81E-02	2	1.81E-02					2	6.50E-01	2	6.50E-01
POU6F2	7	1	7.14E-02	1	7.14E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
EHMT2	6	4	7.62E-01	4	7.62E-01	3	6.72E-01	3	6.72E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
BLZF1	1	4	4.16E-01	4	4.16E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	6.50E-01	1	6.50E-01
QDPR	4	1	7.14E-02	1	7.14E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
SPRYD7	13	1	7.14E-02	1	7.14E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
CASR	3	1	7.14E-02	1	7.14E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
ING2	4	1	7.14E-02	1	7.14E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
LRRC8D	1	2	5.54E-01	2	5.54E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01				
TMEM183A	1	2	5.59E-01	2	5.59E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01				
TMEM183B	1	2	5.59E-01	2	5.59E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01				
CC2D2A	4	11	1.51E-01	11	1.51E-01	9	8.62E-01	9	8.62E-01	6	6.50E-01	6	6.50E-01
IL12RB2	1	1	7.45E-02	1	7.45E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
SNX16	8	1	7.45E-02	1	7.45E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
GTF3A	13	3	3.11E-01	3	3.11E-01	2	7.18E-01	2	7.18E-01	1	6.50E-01	1	6.50E-01
RCN1	11	1	7.45E-02	1	7.45E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
ZIC2	13	1	7.45E-02	1	7.45E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
GPN1	2	1	7.45E-02	1	7.45E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
CHIC2	4	1	7.45E-02	1	7.45E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
ALDH3A2	17	2	1.46E-02	2	1.46E-02					2	6.50E-01	2	6.50E-01
GALNT9	12	3	3.43E-01	3	3.43E-01	3	6.50E-01	3	6.50E-01				
PLAA	9	3	3.38E-01	3	3.38E-01	3	6.50E-01	3	6.50E-01				
CDH18	5	2	1.56E-02	2	1.56E-02					2	6.50E-01	2	6.50E-01
TCF7L2	10	1	6.75E-02	1	6.75E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
CLDN12	7	1	6.75E-02	1	6.75E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
CERS3	15	1	6.75E-02	1	6.75E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
SEPSECS	4	1	6.75E-02	1	6.75E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
PRKCD	3	1	6.75E-02	1	6.75E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
FAM110C	2	1	6.75E-02	1	6.75E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
HLTF	3	1	6.75E-02	1	6.75E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
KDM8	16	1	6.75E-02	1	6.75E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
ASAP2	2	3	3.17E-01	3	3.17E-01	3	6.50E-01	3	6.50E-01				
NAF1	4	2	3.15E-01	2	3.15E-01	2	6.50E-01	2	6.50E-01				
ITK	5	1	7.97E-02	1	7.97E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
TMPRSS13	11	1	7.97E-02	1	7.97E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
IZUMO1R	11	1	7.97E-02	1	7.97E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
NDUFAF1	15	1	7.97E-02	1	7.97E-02					1	6.50E-01	1	6.50E-01
SNAI1	20	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01
GZF1	20	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01
TMEM252	9	1	7.84E-01	1	7.84E-01	1	6.55E-01	1	6.55E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
TFEB	6	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.98E-01	2	6.98E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
STAC2	17	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01
MRPS22	3	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
NRCAM	7	3	6.80E-01	3	6.80E-01	2	6.67E-01	2	6.67E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
SNTB1	8	2	7.26E-01	2	7.26E-01	2	7.56E-01	2	7.56E-01	1	6.51E-01	1	6.51E-01
GRAMD4	22	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01
SNX31	8	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01
CHKA	11	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01
TMUB2	17	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01
ZNF134	19	1	7.85E-02	1	7.85E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01
MMS22L	6	4	8.24E-01	5	8.23E-01	3	7.60E-01	4	7.58E-01	1	6.51E-01	2	6.68E-01
CD1A	1	4	8.37E-01	4	8.37E-01	3	6.51E-01	3	6.51E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01
QTRT1	19	2	1.74E-02	2	1.74E-02					2	6.51E-01	2	6.51E-01
APOL3	22	2	5.64E-01	3	6.88E-01	2	6.51E-01	3	7.64E-01			1	7.98E-01
INPPL1	11	2	5.51E-01	2	5.51E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01				
SLC30A9	4	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01				
PTBP3	9	2	3.26E-01	2	3.26E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01				
EBF4	20	2	5.60E-01	2	5.60E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01				
CATSPER1	11	1	7.68E-02	1	7.68E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01
SNAP29	22	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01				
PTPN12	7	2	5.66E-01	2	5.66E-01	2	6.51E-01	2	6.51E-01				
DNAJC15	13	1	5.91E-02	1	5.91E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01
SUGP2	19	1	5.91E-02	1	5.91E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01
SMOX	20	1	5.91E-02	1	5.91E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01
EXT1	8	1	5.91E-02	1	5.91E-02					1	6.51E-01	1	6.51E-01
BDH1	3	3	5.63E-01	3	5.63E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	6.52E-01	1	6.52E-01
MED20	6	1	7.61E-02	1	7.61E-02					1	6.52E-01	1	6.52E-01
PDLIM1	10	1	7.61E-02	1	7.61E-02					1	6.52E-01	1	6.52E-01
STOML2	9	2	5.79E-01	2	5.79E-01	2	6.52E-01	2	6.52E-01				
SHROOM1	5	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.52E-01	2	6.52E-01				
L3MBTL3	6	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.52E-01	2	6.52E-01				
BEND4	4	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.52E-01	2	6.52E-01				
PER3	1	3	7.27E-01	3	7.27E-01	2	6.52E-01	2	6.52E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
SOX5	12	1	5.88E-02	1	5.88E-02					1	6.52E-01	1	6.52E-01
PANK4	1	1	5.88E-02	1	5.88E-02					1	6.52E-01	1	6.52E-01
PTPRG	3	1	5.88E-02	1	5.88E-02					1	6.52E-01	1	6.52E-01
SLC22A13	3	1	5.88E-02	1	5.88E-02					1	6.52E-01	1	6.52E-01
RNF144B	6	1	5.88E-02	1	5.88E-02					1	6.52E-01	1	6.52E-01
INSIG2	2	1	5.88E-02	1	5.88E-02					1	6.52E-01	1	6.52E-01
RAB12	18	1	5.88E-02	1	5.88E-02					1	6.52E-01	1	6.52E-01
HOXA11	7	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.52E-01	2	6.52E-01				
ZNF334	20	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.52E-01	2	6.52E-01				
VPS72	1	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01				
ADI1	2	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.53E-01	1	6.53E-01
ZNF585A	19	4	5.93E-01	4	5.93E-01	3	8.57E-01	3	8.57E-01	1	6.53E-01	1	6.53E-01
CORO1A	16	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.53E-01	1	6.53E-01
FOXO1	13	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.53E-01	1	6.53E-01
IL5	5	1	6.93E-02	1	6.93E-02					1	6.53E-01	1	6.53E-01
ASCL4	12	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01				
ZNF70	22	1	9.07E-02	1	9.07E-02					1	6.53E-01	1	6.53E-01
PFN3	5	1	9.07E-02	1	9.07E-02					1	6.53E-01	1	6.53E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
RPP14	3	1	9.07E-02	1	9.07E-02					1	6.53E-01	1	6.53E-01
ARCN1	11	4	7.98E-01	4	7.98E-01	3	6.53E-01	3	6.53E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
MLH3	14	4	8.27E-01	4	8.27E-01	3	8.39E-01	3	8.39E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01
TGFB1	5	5	5.00E-01	5	5.00E-01	3	7.97E-01	3	7.97E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01
GRM2	3	3	5.97E-01	3	5.97E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
MON1A	3	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01				
GIMAP4	7	2	5.86E-01	2	5.86E-01	2	6.53E-01	2	6.53E-01				
B3GNT4	12	3	3.36E-01	3	3.36E-01	3	6.53E-01	3	6.53E-01				
ABCD3	1	2	1.96E-02	2	1.96E-02					2	6.53E-01	2	6.53E-01
PARP10	8	3	6.21E-01	3	6.21E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	6.54E-01	2	6.54E-01
PLEKHM3	2	4	2.32E-01	4	2.32E-01	4	6.54E-01	4	6.54E-01				
UBQLN3	11	3	9.28E-01	3	9.28E-01	3	6.54E-01	3	6.54E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
FAM200A	7	2	5.93E-01	2	5.93E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	6.54E-01	2	6.54E-01
DSP	6	10	6.79E-02	10	6.79E-02	9	1.00E+00	9	1.00E+00	6	6.54E-01	6	6.54E-01
NME5	5	2	5.71E-01	2	5.71E-01	2	6.54E-01	2	6.54E-01				
ACLY	17	3	3.34E-01	3	3.34E-01	3	6.54E-01	3	6.54E-01				
PXK	3	2	1.71E-02	2	1.71E-02					2	6.54E-01	2	6.54E-01
DCAF15	19	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	6.55E-01	2	6.55E-01				
COL5A1	9	10	3.15E-01	10	3.15E-01	8	9.06E-01	8	9.06E-01	6	6.55E-01	6	6.55E-01
FHDC1	4	5	5.14E-01	6	5.14E-01	5	1.00E+00	6	1.00E+00	2	6.55E-01	3	6.56E-01
ATP2C1	3	3	5.59E-01	3	5.59E-01	2	6.55E-01	2	6.55E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
NCAPG	4	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.55E-01	2	6.55E-01				
SCNN1D	1	4	7.55E-01	4	7.55E-01	3	6.55E-01	3	6.55E-01	1	6.89E-01	1	6.89E-01
OR7G2	19	1	8.44E-02	1	8.44E-02					1	6.55E-01	1	6.55E-01
ZNF282	7	1	8.44E-02	1	8.44E-02					1	6.55E-01	1	6.55E-01
ANP32D	12	1	7.71E-01	1	7.71E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.55E-01	1	6.55E-01
GNPAT	1	1	8.44E-02	1	8.44E-02					1	6.55E-01	1	6.55E-01
AKT1	14	1	8.44E-02	1	8.44E-02					1	6.55E-01	1	6.55E-01
CACNB3	12	1	7.27E-01	1	7.27E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.55E-01	1	6.55E-01
AP1G1	16	1	7.07E-02	1	7.07E-02					1	6.55E-01	1	6.55E-01
PIN1	19	1	7.07E-02	1	7.07E-02					1	6.55E-01	1	6.55E-01
FIP1L1	4	3	3.33E-01	3	3.33E-01	3	6.56E-01	3	6.56E-01				
ARHGAP10	4	3	1.24E-01	3	1.24E-01	1	6.86E-01	1	6.86E-01	2	6.56E-01	2	6.56E-01
ZNF45	19	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.56E-01	1	6.56E-01
SNX7	1	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.56E-01	1	6.56E-01
AADAACL2	3	3	4.84E-01	3	4.84E-01	2	6.98E-01	2	6.98E-01	1	6.56E-01	1	6.56E-01
ZNF250	8	1	8.32E-02	1	8.32E-02					1	6.56E-01	1	6.56E-01
MREG	2	2	5.50E-01	2	5.50E-01	2	6.56E-01	2	6.56E-01				
HARS2	5	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.56E-01	2	6.56E-01				
METRNL	17	3	6.70E-01	3	6.70E-01	2	6.56E-01	2	6.56E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
IL31RA	5	3	3.20E-01	3	3.20E-01	3	6.56E-01	3	6.56E-01				
MSH2	2	2	5.74E-01	2	5.74E-01	2	6.56E-01	2	6.56E-01				
TYR	11			1	7.52E-01			1	6.56E-01			1	6.76E-01
BIRC7	20	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	7.61E-01	4	7.61E-01	3	6.57E-01	3	6.57E-01
NUPR2	7	1	7.48E-02	1	7.48E-02					1	6.57E-01	1	6.57E-01
DPYSL3	5	1	7.48E-02	1	7.48E-02					1	6.57E-01	1	6.57E-01
RDH12	14	1	7.48E-02	1	7.48E-02					1	6.57E-01	1	6.57E-01
PRRG4	11	1	7.48E-02	1	7.48E-02					1	6.57E-01	1	6.57E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PTGES2	9	2	5.73E-01	2	5.73E-01	2	6.57E-01	2	6.57E-01				
PATL1	11	2	5.46E-01	2	5.46E-01	2	6.57E-01	2	6.57E-01				
PMPCB	7	2	5.55E-01	2	5.55E-01	2	6.57E-01	2	6.57E-01				
MYBL2	20	1	7.14E-02	1	7.14E-02					1	6.57E-01	1	6.57E-01
IPO11	5	1	7.14E-02	1	7.14E-02					1	6.57E-01	1	6.57E-01
FNIP1	5	3	7.52E-01	3	7.52E-01	3	8.01E-01	3	8.01E-01	1	6.57E-01	1	6.57E-01
NEK3	13	1	7.14E-02	1	7.14E-02					1	6.57E-01	1	6.57E-01
TGDS	13	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.57E-01	2	6.57E-01				
EPHB4	7	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.57E-01	2	6.57E-01				
ATAD5	17	8	6.31E-01	10	6.54E-01	6	6.69E-01	8	6.57E-01	4	8.60E-01	6	8.66E-01
AMER3	2	2	5.72E-01	2	5.72E-01	2	6.57E-01	2	6.57E-01				
GPRC5A	12	1	6.12E-02	1	6.12E-02					1	6.57E-01	1	6.57E-01
TREM1	6	1	6.12E-02	1	6.12E-02					1	6.57E-01	1	6.57E-01
CACNA1D	3	4	8.62E-01	4	8.62E-01	3	7.85E-01	3	7.85E-01	2	6.58E-01	2	6.58E-01
ZNF233	19	3	3.23E-01	3	3.23E-01	3	6.58E-01	3	6.58E-01				
TOMM6	6	1	7.87E-02	1	7.87E-02					1	6.58E-01	1	6.58E-01
PAX1	20	1	7.87E-02	1	7.87E-02					1	6.58E-01	1	6.58E-01
ASB14	3	1	7.87E-02	1	7.87E-02					1	6.58E-01	1	6.58E-01
SPAG8	9	3	8.17E-01	3	8.17E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	6.58E-01	2	6.58E-01
FUOM	10	2	5.75E-01	2	5.75E-01	2	6.58E-01	2	6.58E-01				
DDX41	5	2	5.76E-01	2	5.76E-01	2	6.58E-01	2	6.58E-01				
OR8B8	11	2	2.31E-01	2	2.31E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.58E-01	1	6.58E-01
KIAA0355	19	1	7.83E-02	1	7.83E-02					1	6.58E-01	1	6.58E-01
IL1RL1	2	1	7.83E-02	1	7.83E-02					1	6.58E-01	1	6.58E-01
MARK1	1	3	7.34E-01	3	7.34E-01	3	8.50E-01	3	8.50E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
NOVA1	14	1	7.83E-02	1	7.83E-02					1	6.58E-01	1	6.58E-01
TRIM17	1	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.58E-01	2	6.58E-01				
SEC24C	10	4	8.31E-01	4	8.31E-01	3	7.61E-01	3	7.61E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
SLC36A4	11	3	9.15E-01	3	9.15E-01	3	6.64E-01	3	6.64E-01	1	6.58E-01	1	6.58E-01
MRPS18C	4	1	8.02E-02	1	8.02E-02					1	6.58E-01	1	6.58E-01
EWSR1	22	1	8.02E-02	1	8.02E-02					1	6.58E-01	1	6.58E-01
ALX4	11	1	7.46E-02	1	7.46E-02					1	6.58E-01	1	6.58E-01
LYG2	2	1	7.46E-02	1	7.46E-02					1	6.58E-01	1	6.58E-01
GATC	12	1	7.46E-02	1	7.46E-02					1	6.58E-01	1	6.58E-01
WLS	1	1	7.46E-02	1	7.46E-02					1	6.58E-01	1	6.58E-01
SIM1	6	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.58E-01	2	6.58E-01				
CPNE7	16	2	9.20E-01	2	9.20E-01	2	6.58E-01	2	6.58E-01	1	6.70E-01	1	6.70E-01
RDH5	12	2	5.57E-01	2	5.57E-01	2	6.59E-01	2	6.59E-01				
C20orf141	20	2	3.33E-01	2	3.33E-01	2	6.59E-01	2	6.59E-01				
CCDC174	3	1	7.82E-02	1	7.82E-02					1	6.59E-01	1	6.59E-01
PRRT2	16	1	7.82E-02	1	7.82E-02					1	6.59E-01	1	6.59E-01
NFAM1	22	1	7.82E-02	1	7.82E-02					1	6.59E-01	1	6.59E-01
PDE2A	11	1	7.82E-02	1	7.82E-02					1	6.59E-01	1	6.59E-01
MEPCE	7	1	7.82E-02	1	7.82E-02					1	6.59E-01	1	6.59E-01
ARFGAP2	11	3	7.26E-01	3	7.26E-01	2	6.59E-01	2	6.59E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
BSDC1	1	2	5.68E-01	2	5.68E-01	2	6.59E-01	2	6.59E-01				
TSC22D4	7	2	6.87E-01	2	6.87E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	6.59E-01	2	6.59E-01
MTIF2	2	3	9.18E-01	3	9.18E-01	3	7.68E-01	3	7.68E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
ABHD16A	6	1	7.02E-02	1	7.02E-02					1	6.59E-01	1	6.59E-01
UBXN6	19	3	4.77E-01	3	4.77E-01	2	7.46E-01	2	7.46E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
LYST	1	10	8.94E-01	10	8.94E-01	9	1.00E+00	9	1.00E+00	5	6.59E-01	5	6.59E-01
ITGB3	17	4	8.34E-01	4	8.34E-01	3	7.87E-01	3	7.87E-01	1	6.59E-01	1	6.59E-01
COLEC10	8	1	8.24E-02	1	8.24E-02					1	6.59E-01	1	6.59E-01
IFT57	3	1	8.24E-02	1	8.24E-02					1	6.59E-01	1	6.59E-01
FOXRED1	11	1	8.24E-02	1	8.24E-02					1	6.59E-01	1	6.59E-01
C1orf198	1	1	8.24E-02	1	8.24E-02					1	6.59E-01	1	6.59E-01
RIMS1	6	3	8.48E-01	3	8.48E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	6.59E-01	1	6.59E-01
MYPOP	19	1	7.72E-02	1	7.72E-02					1	6.59E-01	1	6.59E-01
CCDC168	13	2	5.62E-01	2	5.62E-01	2	6.59E-01	2	6.59E-01				
HECTD3	1	3	3.25E-01	3	3.25E-01	3	6.60E-01	3	6.60E-01				
RNF111	15	3	3.37E-01	3	3.37E-01	3	6.60E-01	3	6.60E-01				
DRAM2	1	3	2.15E-01	3	2.15E-01	3	6.60E-01	3	6.60E-01				
LMNB1	5	1	6.96E-02	1	6.96E-02					1	6.60E-01	1	6.60E-01
C12orf4	12	1	6.96E-02	1	6.96E-02					1	6.60E-01	1	6.60E-01
FOXE1	9	1	8.03E-02	1	8.03E-02					1	6.60E-01	1	6.60E-01
AMPD2	1	1	8.03E-02	1	8.03E-02					1	6.60E-01	1	6.60E-01
OTX2	14	1	8.03E-02	1	8.03E-02					1	6.60E-01	1	6.60E-01
THRB	3	1	8.03E-02	1	8.03E-02					1	6.60E-01	1	6.60E-01
APBA1	9	1	8.03E-02	1	8.03E-02					1	6.60E-01	1	6.60E-01
TRAPPC6B	14	1	8.03E-02	1	8.03E-02					1	6.60E-01	1	6.60E-01
ZNF383	19	1	8.03E-02	1	8.03E-02					1	6.60E-01	1	6.60E-01
COL9A2	1	3	2.04E-01	3	2.04E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	3	6.62E-01	3	6.62E-01
CRHR2	7	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	6.62E-01	3	6.62E-01
SNRNP48	6	3	3.47E-01	3	3.47E-01	3	6.62E-01	3	6.62E-01				
SDC3	1	3	2.15E-01	3	2.15E-01	3	6.62E-01	3	6.62E-01				
PLXNA2	1	8	1.13E-01	8	1.13E-01	7	6.62E-01	7	6.62E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00
PAX7	1	3	1.55E-01	3	1.55E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	6.62E-01	2	6.62E-01
PPM1H	12	1	9.00E-02	1	9.00E-02					1	6.63E-01	1	6.63E-01
SPC25	2	1	9.00E-02	1	9.00E-02					1	6.63E-01	1	6.63E-01
WDR61	15	1	9.00E-02	1	9.00E-02					1	6.63E-01	1	6.63E-01
RDX	11	1	9.00E-02	1	9.00E-02					1	6.63E-01	1	6.63E-01
TMEM199	17	4	8.50E-01	4	8.50E-01	3	7.58E-01	3	7.58E-01	1	6.63E-01	1	6.63E-01
FFAR2	19	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	7.50E-01	3	7.50E-01	1	6.63E-01	1	6.63E-01
CHEK1	11	1	7.70E-02	1	7.70E-02					1	6.63E-01	1	6.63E-01
BMP2	20	1	7.70E-02	1	7.70E-02					1	6.63E-01	1	6.63E-01
LHFPL2	5	1	7.70E-02	1	7.70E-02					1	6.63E-01	1	6.63E-01
DAPK3	19	2	5.47E-01	2	5.47E-01	2	6.63E-01	2	6.63E-01				
SPAST	2	2	5.65E-01	2	5.65E-01	2	6.64E-01	2	6.64E-01				
LRSAM1	9	2	5.52E-01	2	5.52E-01	2	6.64E-01	2	6.64E-01				
FICD	12	3	3.47E-01	3	3.47E-01	3	6.64E-01	3	6.64E-01				
ZC3H12C	11	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.51E-01	2	7.51E-01	1	6.64E-01	1	6.64E-01
SERPINF1	17	1	7.28E-02	1	7.28E-02					1	6.64E-01	1	6.64E-01
HSDL1	16	1	7.28E-02	1	7.28E-02					1	6.64E-01	1	6.64E-01
NOL9	1	1	7.76E-02	2	1.04E-01			1	6.64E-01	1	6.74E-01	2	7.60E-01
OR56A4	11	1	8.27E-02	1	8.27E-02					1	6.64E-01	1	6.64E-01
GNPDA1	5	1	8.27E-02	1	8.27E-02					1	6.64E-01	1	6.64E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
IVNS1ABP	1	1	8.27E-02	1	8.27E-02								
IL32	16	2	5.64E-01	2	5.64E-01	2	6.64E-01	2	6.64E-01				
CREG1	1	4	7.56E-01	4	7.56E-01	3	6.65E-01	3	6.65E-01	1	7.00E-01	1	7.00E-01
SIX5	19	1	7.20E-02	1	7.20E-02					1	6.65E-01	1	6.65E-01
GPRC6A	6	3	1.18E-01	5	2.48E-01	2	6.75E-01	4	1.00E+00	3	6.65E-01	5	7.97E-01
KHNYN	14	3	4.28E-01	3	4.28E-01	2	7.45E-01	2	7.45E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
BEST4	1	1	6.54E-02	1	6.54E-02					1	6.65E-01	1	6.65E-01
PSD3	8	1	6.54E-02	1	6.54E-02					1	6.65E-01	1	6.65E-01
VWA5B2	3	1	6.54E-02	1	6.54E-02					1	6.65E-01	1	6.65E-01
ACTL10	20	1	6.54E-02	1	6.54E-02					1	6.65E-01	1	6.65E-01
KCNS2	8	1	6.54E-02	1	6.54E-02					1	6.65E-01	1	6.65E-01
ADGRL1	19	4	7.81E-01	4	7.81E-01	3	6.73E-01	3	6.73E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
GDAP1	8	3	3.43E-01	3	3.43E-01	3	6.65E-01	3	6.65E-01				
SLC20A1	2	1	8.85E-02	1	8.85E-02					1	6.65E-01	1	6.65E-01
BAMBI	10	1	8.85E-02	1	8.85E-02					1	6.65E-01	1	6.65E-01
PGBD2	1	1	8.85E-02	1	8.85E-02					1	6.65E-01	1	6.65E-01
ZNF669	1	3	7.41E-01	3	7.41E-01	3	8.38E-01	3	8.38E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
FAM110D	1	1	8.85E-02	1	8.85E-02					1	6.65E-01	1	6.65E-01
TEX43	5	1	8.85E-02	1	8.85E-02					1	6.65E-01	1	6.65E-01
PPIH	1	1	8.85E-02	1	8.85E-02					1	6.65E-01	1	6.65E-01
NRM	6	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	6.74E-01	3	6.74E-01	1	6.65E-01	1	6.65E-01
YAE1D1	7	2	3.10E-01	2	3.10E-01	2	6.66E-01	2	6.66E-01				
LZTS3	20	3	3.26E-01	3	3.26E-01	3	6.66E-01	3	6.66E-01				
TH	11	2	5.69E-01	2	5.69E-01	2	6.66E-01	2	6.66E-01				
HOOK1	1	4	7.65E-01	4	7.65E-01	3	6.66E-01	3	6.66E-01	1	6.80E-01	1	6.80E-01
SLC2A2	3	2	5.42E-01	2	5.42E-01	2	6.66E-01	2	6.66E-01				
SNED1	2	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	6.71E-01	4	6.71E-01	2	6.66E-01	2	6.66E-01
RNF175	4	4	6.75E-01	4	6.75E-01	3	6.67E-01	3	6.67E-01	3	6.88E-01	3	6.88E-01
DRC7	16	9	2.47E-01	9	2.47E-01	9	8.34E-01	9	8.34E-01	6	6.67E-01	6	6.67E-01
PNPLA3	22	2	3.15E-01	2	3.15E-01	2	6.68E-01	2	6.68E-01				
ONECUT3	19	3	3.50E-01	3	3.50E-01	3	6.68E-01	3	6.68E-01				
SLC6A4	17	1	7.18E-02	1	7.18E-02					1	6.68E-01	1	6.68E-01
SIL1	5	4	7.81E-01	4	7.81E-01	3	7.70E-01	3	7.70E-01	1	6.68E-01	1	6.68E-01
OR1E2	17	1	7.18E-02	1	7.18E-02					1	6.68E-01	1	6.68E-01
FN3K	17	1	7.18E-02	1	7.18E-02					1	6.68E-01	1	6.68E-01
GNMT	6	1	7.18E-02	1	7.18E-02					1	6.68E-01	1	6.68E-01
YPEL1	22	1	7.18E-02	1	7.18E-02					1	6.68E-01	1	6.68E-01
SPA17	11	1	6.57E-02	1	6.57E-02					1	6.68E-01	1	6.68E-01
POLG2	17	1	6.57E-02	1	6.57E-02					1	6.68E-01	1	6.68E-01
AKIP1	11	1	6.57E-02	1	6.57E-02					1	6.68E-01	1	6.68E-01
CHSY1	15	2	3.06E-01	2	3.06E-01	1	6.86E-01	1	6.86E-01	1	6.69E-01	1	6.69E-01
ERMARD	6	1	6.10E-02	1	6.10E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
AIMP1	4	1	6.10E-02	1	6.10E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
NCK2	2	1	6.10E-02	1	6.10E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
EIF2B3	1	1	6.10E-02	1	6.10E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
CHRM4	11	1	6.10E-02	1	6.10E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
CDK5	7	1	6.10E-02	1	6.10E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
C6	5	6	2.90E-01	6	2.90E-01	3	7.11E-01	3	7.11E-01	3	6.69E-01	3	6.69E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TSHR	14	2	1.56E-02	2	1.56E-02					2	6.69E-01	2	6.69E-01
ZNF280D	15	3	6.69E-01	3	6.69E-01	2	6.69E-01	2	6.69E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
RNF181	2	1	8.35E-02	1	8.35E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
TCEA1	8	1	8.35E-02	1	8.35E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
DDB2	11	1	8.35E-02	1	8.35E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
WBP1	2	1	8.35E-02	1	8.35E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
ZBBX	3	2	8.07E-01	3	8.07E-01	2	6.89E-01	3	6.89E-01	1	6.69E-01	2	6.69E-01
IDUA	4	2	8.89E-01	2	8.89E-01	2	6.71E-01	2	6.71E-01	1	6.69E-01	1	6.69E-01
AFTPH	2	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	7.75E-01	3	7.75E-01	1	6.69E-01	1	6.69E-01
NRTN	19	1	8.99E-02	1	8.99E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
NODAL	10	1	8.99E-02	1	8.99E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
PRKAA2	1	1	8.99E-02	1	8.99E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
FBLN5	14	1	8.99E-02	1	8.99E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
SYTL1	1	1	8.99E-02	1	8.99E-02					1	6.69E-01	1	6.69E-01
MACROD2	20	2	1.60E-01	2	1.60E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	6.70E-01	1	6.70E-01
OR2W1	6	1	7.33E-02	1	7.33E-02					1	6.70E-01	1	6.70E-01
AES	19	1	7.33E-02	1	7.33E-02					1	6.70E-01	1	6.70E-01
WDR91	7	1	8.56E-02	1	8.56E-02					1	6.71E-01	1	6.71E-01
FRMD5	15	1	8.56E-02	1	8.56E-02					1	6.71E-01	1	6.71E-01
OTUD4	4	1	8.56E-02	1	8.56E-02					1	6.71E-01	1	6.71E-01
NPEPL1	20	1	8.56E-02	1	8.56E-02					1	6.71E-01	1	6.71E-01
UPK1B	3	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	6.71E-01	2	6.71E-01				
LRRIQ1	12	5	7.62E-01	5	7.62E-01	4	8.62E-01	4	8.62E-01	1	6.71E-01	1	6.71E-01
ADPRHL1	13	2	2.43E-01	2	2.43E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	6.71E-01	1	6.71E-01
HENMT1	1	3	5.30E-01	3	5.30E-01	3	6.71E-01	3	6.71E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ELMOD1	11	1	7.80E-02	1	7.80E-02					1	6.71E-01	1	6.71E-01
NCR1	19	1	7.80E-02	1	7.80E-02					1	6.71E-01	1	6.71E-01
RBMS2	12	1	7.80E-02	1	7.80E-02					1	6.71E-01	1	6.71E-01
PRKACG	9	1	7.80E-02	1	7.80E-02					1	6.71E-01	1	6.71E-01
FMN1	15	7	7.18E-01	7	7.18E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	6	6.71E-01	6	6.71E-01
TTC26	7	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.63E-01	2	7.63E-01	1	6.72E-01	1	6.72E-01
C16orf90	16	1	8.38E-02	1	8.38E-02					1	6.72E-01	1	6.72E-01
POLA2	11	1	8.38E-02	1	8.38E-02					1	6.72E-01	1	6.72E-01
GUCA1B	6	1	8.38E-02	1	8.38E-02					1	6.72E-01	1	6.72E-01
STATH	4	1	8.38E-02	1	8.38E-02					1	6.72E-01	1	6.72E-01
SRRT	7	3	3.32E-01	3	3.32E-01	3	6.73E-01	3	6.73E-01				
SLC25A30	13	2	5.47E-01	2	5.47E-01	2	6.73E-01	2	6.73E-01				
PLEKHG3	14	8	5.72E-01	9	6.22E-01	5	1.00E+00	6	7.64E-01	6	6.78E-01	7	6.73E-01
ELP2	18	2	5.70E-01	2	5.70E-01	2	6.73E-01	2	6.73E-01				
DUS3L	19	3	3.40E-01	3	3.40E-01	3	6.73E-01	3	6.73E-01				
ABC6	2	8	2.19E-01	8	2.19E-01	7	6.73E-01	7	6.73E-01	5	8.66E-01	5	8.66E-01
STXBP6	14	2	5.37E-01	2	5.37E-01	2	6.73E-01	2	6.73E-01				
SLC1A1	9	3	7.54E-01	3	7.54E-01	2	6.83E-01	2	6.83E-01	2	6.74E-01	2	6.74E-01
SP2	17	2	2.90E-01	2	2.90E-01	2	6.74E-01	2	6.74E-01				
HARS	5	2	4.89E-01	2	4.89E-01	2	6.74E-01	2	6.74E-01	1	6.87E-01	1	6.87E-01
ADRA1B	5	1	7.76E-02	1	7.76E-02					1	6.74E-01	1	6.74E-01
ANKRD42	11	1	7.76E-02	1	7.76E-02					1	6.74E-01	1	6.74E-01
CHRNA6	8	1	7.76E-02	1	7.76E-02					1	6.74E-01	1	6.74E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
OR1A2	17	3	9.13E-01	4	9.13E-01	3	7.19E-01	4	7.19E-01	1	6.74E-01	2	6.75E-01
TADA2B	4	1	7.76E-02	1	7.76E-02					1	6.74E-01	1	6.74E-01
ZNF668	16	2	3.08E-01	2	3.08E-01	2	6.75E-01	2	6.75E-01				
GSTO1	10	1	8.82E-02	1	8.82E-02					1	6.75E-01	1	6.75E-01
FOLR1	11	1	8.82E-02	1	8.82E-02					1	6.75E-01	1	6.75E-01
FBXL15	10	1	8.82E-02	1	8.82E-02					1	6.75E-01	1	6.75E-01
ECE1	1	1	8.82E-02	1	8.82E-02					1	6.75E-01	1	6.75E-01
ARMC1	8	1	8.82E-02	1	8.82E-02					1	6.75E-01	1	6.75E-01
SLC25A48	5	1	8.82E-02	1	8.82E-02					1	6.75E-01	1	6.75E-01
OR1Q1	9	1	8.07E-02	2	6.78E-01			1	1.00E+00	1	6.75E-01	2	8.19E-01
SKIL	3	1	8.07E-02	1	8.07E-02					1	6.75E-01	1	6.75E-01
AMBN	4	3	1.00E+00	4	5.04E-01	3	7.89E-01	4	6.94E-01	1	6.75E-01	2	1.00E+00
ANGPTL2	9	1	8.07E-02	1	8.07E-02					1	6.75E-01	1	6.75E-01
PDE4B	1	1	8.07E-02	1	8.07E-02					1	6.75E-01	1	6.75E-01
CACNG2	22	1	8.07E-02	1	8.07E-02					1	6.75E-01	1	6.75E-01
CYB5B	16	1	8.07E-02	1	8.07E-02					1	6.75E-01	1	6.75E-01
GNAL	18	1	8.07E-02	1	8.07E-02					1	6.75E-01	1	6.75E-01
SLC1A4	2	3	3.40E-01	3	3.40E-01	3	6.76E-01	3	6.76E-01				
PLPP2	19	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	6.76E-01	3	6.76E-01	3	7.40E-01	3	7.40E-01
CALHM3	10	3	3.37E-01	3	3.37E-01	3	6.76E-01	3	6.76E-01				
SNCAIP	5	5	3.58E-01	5	3.58E-01	4	6.76E-01	4	6.76E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00
SV2B	15	3	3.37E-01	3	3.37E-01	3	6.76E-01	3	6.76E-01				
GRHL3	1	6	1.00E+00	6	1.00E+00	5	6.76E-01	5	6.76E-01	3	7.70E-01	3	7.70E-01
RASGRP3	2	3	3.45E-01	3	3.45E-01	3	6.77E-01	3	6.77E-01				
FAM26F	6			1	4.11E-01			1	6.77E-01			1	1.00E+00
HAS3	16	1	6.97E-02	1	6.97E-02					1	6.77E-01	1	6.77E-01
NUP37	12	1	6.97E-02	1	6.97E-02					1	6.77E-01	1	6.77E-01
LASP1	17	1	6.97E-02	1	6.97E-02					1	6.77E-01	1	6.77E-01
TRAF7	16	1	6.97E-02	1	6.97E-02					1	6.77E-01	1	6.77E-01
CENPL	1	1	6.97E-02	1	6.97E-02					1	6.77E-01	1	6.77E-01
LPAR1	9	1	6.97E-02	1	6.97E-02					1	6.77E-01	1	6.77E-01
MC4R	18	1	6.97E-02	1	6.97E-02					1	6.77E-01	1	6.77E-01
RSG1	1	2	3.26E-01	2	3.26E-01	2	6.78E-01	2	6.78E-01				
ST3GAL3	1	2	5.60E-01	2	5.60E-01	2	6.79E-01	2	6.79E-01				
INF2	14	3	3.13E-01	3	3.13E-01	3	6.79E-01	3	6.79E-01				
CYP2C18	10	4	3.42E-01	5	3.76E-01	4	6.82E-01	5	6.79E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00
TRIM24	7	1	6.49E-02	1	6.49E-02					1	6.80E-01	1	6.80E-01
KANSL1L	2	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	7.55E-01	3	7.55E-01	1	6.80E-01	1	6.80E-01
TROVE2	1	3	9.12E-01	3	9.12E-01	3	7.51E-01	3	7.51E-01	1	6.80E-01	1	6.80E-01
C10orf131	10	1	6.49E-02	1	6.49E-02					1	6.80E-01	1	6.80E-01
CUL2	10	1	6.49E-02	1	6.49E-02					1	6.80E-01	1	6.80E-01
TIGD4	4	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	6.80E-01	2	6.80E-01	2	7.86E-01	2	7.86E-01
SLC22A3	6	1	8.70E-02	1	8.70E-02					1	6.80E-01	1	6.80E-01
ABCB8	7	1	8.70E-02	2	6.77E-01			1	1.00E+00	1	6.80E-01	2	7.77E-01
RIPK3	14	2	7.35E-01	3	5.81E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	1	6.80E-01	2	1.00E+00
PARP6	15	1	8.70E-02	1	8.70E-02					1	6.80E-01	1	6.80E-01
SLC5A7	2	1	8.70E-02	1	8.70E-02					1	6.80E-01	1	6.80E-01
ZNF248	10	1	8.70E-02	1	8.70E-02					1	6.80E-01	1	6.80E-01

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SPARCL1	4	2	3.17E-01	2	3.17E-01	2	6.80E-01	2	6.80E-01				
SYNE3	14	5	7.86E-01	5	7.86E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	6.80E-01	3	6.80E-01
SETMAR	3	3	3.27E-01	3	3.27E-01	3	6.81E-01	3	6.81E-01				
TLDC2	20	3	4.78E-01	3	4.78E-01	3	8.19E-01	3	8.19E-01	2	6.81E-01	2	6.81E-01
ATP8B2	1	1	6.38E-02	1	6.38E-02					1	6.81E-01	1	6.81E-01
RASGRP4	19	1	6.38E-02	1	6.38E-02					1	6.81E-01	1	6.81E-01
HAO1	20	1	6.38E-02	1	6.38E-02					1	6.81E-01	1	6.81E-01
RB1CC1	8	4	2.24E-01	4	2.24E-01	4	6.81E-01	4	6.81E-01				
FAM189A1	15	3	3.36E-01	3	3.36E-01	3	6.82E-01	3	6.82E-01				
TXNDC2	18	1	6.35E-02	1	6.35E-02					1	6.82E-01	1	6.82E-01
DUS1L	17	1	6.35E-02	1	6.35E-02					1	6.82E-01	1	6.82E-01
CD164	6	1	6.35E-02	1	6.35E-02					1	6.82E-01	1	6.82E-01
MCAT	22	1	6.35E-02	1	6.35E-02					1	6.82E-01	1	6.82E-01
CTSO	4	2	5.36E-01	2	5.36E-01	2	6.83E-01	2	6.83E-01				
GRID2	4	6	3.14E-01	6	3.14E-01	3	7.68E-01	3	7.68E-01	3	6.83E-01	3	6.83E-01
MSLN	16	7	1.78E-01	7	1.78E-01	4	6.83E-01	4	6.83E-01	5	7.93E-01	5	7.93E-01
ZNF473	19	2	2.92E-01	2	2.92E-01	2	6.83E-01	2	6.83E-01	3	7.85E-01	3	7.85E-01
ALPI	2	2	3.04E-01	2	3.04E-01	2	6.83E-01	2	6.83E-01				
STAR3	17	2	8.53E-01	2	8.53E-01	1	6.99E-01	1	6.99E-01	2	6.84E-01	2	6.84E-01
CCDC88C	14	13	8.36E-01	13	8.36E-01	11	6.84E-01	11	6.84E-01	5	8.58E-01	5	8.58E-01
ACOXL	2	8	8.21E-01	8	8.21E-01	8	6.85E-01	8	6.85E-01	7	7.86E-01	7	7.86E-01
OR8A1	11	1	7.72E-02	1	7.72E-02					1	6.85E-01	1	6.85E-01
CLEC4E	12	1	7.72E-02	1	7.72E-02					1	6.85E-01	1	6.85E-01
HHATL	3	1	7.72E-02	1	7.72E-02					1	6.85E-01	1	6.85E-01
RGSL1	1	3	4.59E-01	4	3.61E-01	3	6.85E-01	4	1.00E+00	1	1.00E+00	2	8.32E-01
SLC22A5	5	2	7.68E-01	2	7.68E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	6.86E-01	2	6.86E-01
TNFAIP6	2	2	2.74E-01	2	2.74E-01	2	6.86E-01	2	6.86E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
FAR1	11	1	6.93E-01	1	6.93E-01	1	6.86E-01	1	6.86E-01				
IFNW1	9	1	6.93E-01	1	6.93E-01	1	6.86E-01	1	6.86E-01				
A4GALT	22	1	6.93E-01	1	6.93E-01	1	6.86E-01	1	6.86E-01				
MRPL17	11	1	6.93E-01	1	6.93E-01	1	6.86E-01	1	6.86E-01				
NMI	2	1	6.93E-01	1	6.93E-01	1	6.86E-01	1	6.86E-01				
MSH4	1	3	6.72E-01	3	6.72E-01	3	6.86E-01	3	6.86E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TRIM9	14	3	3.37E-01	3	3.37E-01	3	6.87E-01	3	6.87E-01				
PHKB	16	10	1.14E-01	10	1.14E-01	6	7.03E-01	6	7.03E-01	6	6.87E-01	6	6.87E-01
KDM2B	12	3	3.38E-01	3	3.38E-01	3	6.88E-01	3	6.88E-01				
OCEL1	19	4	2.27E-01	5	6.75E-02	1	1.00E+00	2	1.00E+00	4	6.88E-01	5	8.52E-01
SIRPB1	20	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.21E-01	2	7.21E-01	1	6.89E-01	1	6.89E-01
SPOPL	2	1	6.22E-02	1	6.22E-02					1	6.89E-01	1	6.89E-01
SRPRB	3	2	3.16E-01	2	3.16E-01	2	6.89E-01	2	6.89E-01				
C4orf19	4	2	3.22E-01	2	3.22E-01	2	6.90E-01	2	6.90E-01				
TNRC6A	16	3	3.25E-01	3	3.25E-01	3	6.90E-01	3	6.90E-01				
FAM47E-STBD	4			1	7.19E-01			1	1.00E+00			1	6.90E-01
FAM47E	4			1	7.19E-01			1	1.00E+00			1	6.90E-01
MMP8	11	2	6.30E-01	2	6.30E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	6.90E-01	1	6.90E-01
SLC26A9	1	2	7.01E-01	2	7.01E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	6.90E-01	2	6.90E-01
FMNL1	17	3	3.35E-01	3	3.35E-01	3	6.91E-01	3	6.91E-01				
TMC5	16	2	2.89E-01	2	2.89E-01	2	6.92E-01	2	6.92E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
UPB1	22	3	3.36E-01	3	3.36E-01	3	6.92E-01	3	6.92E-01				
EIF4G3	1	2	3.21E-01	2	3.21E-01	2	6.92E-01	2	6.92E-01				
SRRM5	19	1	8.09E-02	1	8.09E-02					1	6.92E-01	1	6.92E-01
PYCR1	17	1	8.09E-02	1	8.09E-02					1	6.92E-01	1	6.92E-01
THSD4	15	3	3.21E-01	3	3.21E-01	3	6.93E-01	3	6.93E-01				
FANCL	2	2	3.25E-01	2	3.25E-01	2	6.93E-01	2	6.93E-01				
C3orf20	3	2	3.26E-01	3	2.70E-01	2	6.93E-01	3	1.00E+00			1	1.00E+00
TIA1	2	2	3.21E-01	2	3.21E-01	2	6.93E-01	2	6.93E-01				
ZNF319	16	2	3.27E-01	2	3.27E-01	2	6.94E-01	2	6.94E-01				
KRT78	12	3	3.33E-01	4	3.33E-01	3	7.84E-01	4	7.84E-01			1	6.94E-01
FASTKD2	2	3	3.26E-01	3	3.26E-01	3	6.94E-01	3	6.94E-01				
TAF3	10	2	3.16E-01	2	3.16E-01	2	6.94E-01	2	6.94E-01				
TIMD4	5	2	5.49E-01	2	5.49E-01	2	6.95E-01	2	6.95E-01				
TOP3A	17	5	2.14E-01	5	2.14E-01	2	7.02E-01	2	7.02E-01	4	6.95E-01	4	6.95E-01
OPTC	1	3	6.71E-01	3	6.71E-01	3	6.95E-01	3	6.95E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ZRANB2	1	3	3.31E-01	3	3.31E-01	3	6.95E-01	3	6.95E-01				
NHLRC2	10	2	9.09E-01	2	9.09E-01	2	7.01E-01	2	7.01E-01	1	6.96E-01	1	6.96E-01
VWCE	11	1	7.92E-02	1	7.92E-02					1	6.96E-01	1	6.96E-01
FAM91A1	8	1	7.92E-02	1	7.92E-02					1	6.96E-01	1	6.96E-01
AGTRAP	1	1	7.92E-02	1	7.92E-02					1	6.96E-01	1	6.96E-01
ENSA	1	1	7.92E-02	1	7.92E-02					1	6.96E-01	1	6.96E-01
OR13C8	9	2	5.49E-01	2	5.49E-01	2	6.96E-01	2	6.96E-01				
BAZ1A	14	3	3.34E-01	3	3.34E-01	3	6.97E-01	3	6.97E-01				
SMO	7	3	3.33E-01	3	3.33E-01	3	6.98E-01	3	6.98E-01				
FBXO10	9	1	9.09E-02	1	9.09E-02					1	6.98E-01	1	6.98E-01
ZNF43	19	1	9.09E-02	1	9.09E-02					1	6.98E-01	1	6.98E-01
CEACAM19	19	1	9.09E-02	1	9.09E-02					1	6.98E-01	1	6.98E-01
DSCAM	21	3	5.12E-01	3	5.12E-01	2	7.58E-01	2	7.58E-01	1	6.98E-01	1	6.98E-01
GLT8D1	3	1	9.09E-02	1	9.09E-02					1	6.98E-01	1	6.98E-01
COX14	12	1	9.09E-02	1	9.09E-02					1	6.98E-01	1	6.98E-01
FAM150A	8	1	9.09E-02	1	9.09E-02					1	6.98E-01	1	6.98E-01
PSMD1	2	1	8.99E-02	1	8.99E-02					1	6.98E-01	1	6.98E-01
PRSS58	7	1	8.99E-02	1	8.99E-02					1	6.98E-01	1	6.98E-01
TMEM88	17	1	8.99E-02	1	8.99E-02					1	6.98E-01	1	6.98E-01
SRRD	22	1	8.99E-02	1	8.99E-02					1	6.98E-01	1	6.98E-01
BTD	3	3	3.58E-01	3	3.58E-01	3	6.98E-01	3	6.98E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
RIC3	11	4	4.86E-01	4	4.86E-01	4	6.99E-01	4	6.99E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
SLC26A2	5	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	7.10E-01	4	7.10E-01	4	7.00E-01	4	7.00E-01
MAVS	20	3	3.31E-01	3	3.31E-01	3	7.00E-01	3	7.00E-01				
HERPUD1	16	1	6.43E-02	1	6.43E-02					1	7.00E-01	1	7.00E-01
RSPO4	20	1	6.43E-02	1	6.43E-02					1	7.00E-01	1	7.00E-01
MMP11	22	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.76E-01	2	7.76E-01	1	7.00E-01	1	7.00E-01
NCKAP1L	12	1	6.43E-02	1	6.43E-02					1	7.00E-01	1	7.00E-01
DEFB126	20	1	6.43E-02	1	6.43E-02					1	7.00E-01	1	7.00E-01
TEC	4	1	6.43E-02	1	6.43E-02					1	7.00E-01	1	7.00E-01
CYP2S1	19	3	2.13E-01	3	2.13E-01	3	7.00E-01	3	7.00E-01				
HIVEP2	6	4	1.65E-01	4	1.65E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	7.00E-01	3	7.00E-01
RABEPK	9	2	3.23E-01	2	3.23E-01	2	7.01E-01	2	7.01E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CUTA	6	1	1.56E-01	1	1.56E-01	1	7.01E-01	1	7.01E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
XDH	2	15	6.29E-01	15	6.29E-01	8	8.24E-01	8	8.24E-01	9	7.02E-01	9	7.02E-01
CLEC4C	12	1	6.51E-02	1	6.51E-02					1	7.02E-01	1	7.02E-01
AZIN2	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.07E-01	2	7.07E-01	1	7.02E-01	1	7.02E-01
TRPC3	4	1	6.51E-02	1	6.51E-02					1	7.02E-01	1	7.02E-01
RAPGEF2	4	1	7.97E-02	1	7.97E-02					1	7.02E-01	1	7.02E-01
TOPBP1	3	1	7.97E-02	1	7.97E-02					1	7.02E-01	1	7.02E-01
KLHDC8B	3	1	7.97E-02	1	7.97E-02					1	7.02E-01	1	7.02E-01
TMEM175	4	4	5.55E-01	4	5.55E-01	4	8.54E-01	4	8.54E-01	3	7.02E-01	3	7.02E-01
TPMT	6	5	6.54E-01	5	6.54E-01	4	7.02E-01	4	7.02E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
PPFIA2	12	3	6.28E-01	3	6.28E-01	3	7.77E-01	3	7.77E-01	2	7.03E-01	2	7.03E-01
LBP	20	3	1.59E-02	4	1.78E-02	3	1.00E+00	4	1.00E+00	3	7.03E-01	4	7.59E-01
OR2AG1	11	2	3.25E-01	2	3.25E-01	2	7.03E-01	2	7.03E-01				
APBA3	19	12	6.71E-01	12	6.71E-01	9	7.46E-01	9	7.46E-01	6	7.03E-01	6	7.03E-01
SCAF8	6	2	3.13E-01	2	3.13E-01	2	7.03E-01	2	7.03E-01				
DOK7	4	8	1.00E+00	8	1.00E+00	6	7.04E-01	6	7.04E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00
ADGRG5	16	4	5.38E-01	4	5.38E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	7.04E-01	2	7.04E-01
HPS1	10	5	6.96E-01	5	6.96E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	7.04E-01	3	7.04E-01
PCYOX1L	5	2	3.26E-01	2	3.26E-01	2	7.05E-01	2	7.05E-01				
SOX6	11	2	3.30E-01	2	3.30E-01	2	7.06E-01	2	7.06E-01				
MKL1	22	2	3.25E-01	2	3.25E-01	2	7.06E-01	2	7.06E-01				
SDK1	7	11	3.63E-01	11	3.63E-01	6	7.06E-01	6	7.06E-01	7	7.51E-01	7	7.51E-01
NT5DC2	3	2	3.28E-01	2	3.28E-01	2	7.06E-01	2	7.06E-01				
SLC5A4	22	4	4.37E-01	4	4.37E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	7.07E-01	3	7.07E-01
MED13L	12	2	3.17E-01	2	3.17E-01	2	7.07E-01	2	7.07E-01				
PRR11	17	2	3.02E-01	2	3.02E-01	2	7.08E-01	2	7.08E-01				
TG	8	20	6.30E-01	20	6.30E-01	16	7.08E-01	16	7.08E-01	9	8.89E-01	9	8.89E-01
MICALCL	11	6	3.23E-01	6	3.23E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	7.09E-01	4	7.09E-01
ABL2	1	3	2.72E-01	3	2.72E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.09E-01	2	7.09E-01
TYMSOS	18	2	6.15E-01	2	6.15E-01	1	7.09E-01	1	7.09E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
POLR3D	8	2	2.79E-01	2	2.79E-01	2	7.11E-01	2	7.11E-01				
GLIS3	9	6	8.06E-02	6	8.06E-02	6	7.79E-01	6	7.79E-01	2	7.12E-01	2	7.12E-01
SLC44A1	9	2	3.17E-01	2	3.17E-01	2	7.12E-01	2	7.12E-01				
PPL	16	9	1.00E+00	10	5.78E-01	7	7.13E-01	8	7.77E-01	6	9.06E-01	7	7.42E-01
TRIT1	1	3	3.42E-01	3	3.42E-01	3	7.14E-01	3	7.14E-01				
DACT1	14	2	3.13E-01	2	3.13E-01	2	7.14E-01	2	7.14E-01				
NID2	14	10	7.73E-01	10	7.73E-01	9	1.00E+00	9	1.00E+00	6	7.14E-01	6	7.14E-01
PTPRS	19	9	2.10E-01	9	2.10E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	7	7.16E-01	7	7.16E-01
MOS	8	2	3.19E-01	3	3.16E-01	2	7.16E-01	3	7.29E-01			1	1.00E+00
LOXHD1	18	13	3.85E-01	13	3.85E-01	10	1.00E+00	10	1.00E+00	7	7.17E-01	7	7.17E-01
MRPS27	5	1	7.30E-01	1	7.30E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	7.17E-01	1	7.17E-01
PI16	6	2	7.61E-01	2	7.61E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.17E-01	2	7.17E-01
DBH	9	5	7.40E-01	5	7.40E-01	4	7.62E-01	4	7.62E-01	4	7.17E-01	4	7.17E-01
DNASE1L3	3			1	4.64E-01			1	1.00E+00			1	7.18E-01
PLSCR4	3	2	3.38E-01	2	3.38E-01	2	7.19E-01	2	7.19E-01				
LMOD3	3	9	7.72E-01	9	7.72E-01	7	7.55E-01	7	7.55E-01	7	7.19E-01	7	7.19E-01
LOC113230	19	3	8.39E-01	3	8.39E-01	3	7.20E-01	3	7.20E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
IFNB1	9	3	3.45E-01	3	3.45E-01	3	7.20E-01	3	7.20E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
PIDD1	11	6	4.70E-01	6	4.70E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	7.22E-01	4	7.22E-01
BCO2	11	6	4.97E-01	6	4.97E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	7.23E-01	4	7.23E-01
PRMT9	4	2	3.09E-01	2	3.09E-01	2	7.23E-01	2	7.23E-01				
ZNF839	14	2	3.25E-01	2	3.25E-01	2	7.24E-01	2	7.24E-01				
KRTAP19-2	21	2	3.26E-01	2	3.26E-01	2	7.24E-01	2	7.24E-01				
STAC3	12	2	3.07E-01	2	3.07E-01	2	7.25E-01	2	7.25E-01				
CFHR2	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.25E-01	2	7.25E-01
CDK13	7	5	8.14E-01	5	8.14E-01	4	7.25E-01	4	7.25E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
ITGA6	2	2	3.27E-01	2	3.27E-01	2	7.27E-01	2	7.27E-01				
PRMT3	11	4	2.22E-01	4	2.22E-01	4	7.27E-01	4	7.27E-01				
ANKRD12	18	3	3.35E-01	3	3.35E-01	3	7.28E-01	3	7.28E-01				
ANO4	12	2	4.40E-01	2	4.40E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	7.30E-01	1	7.30E-01
ARHGEF10	8	2	3.17E-01	2	3.17E-01	2	7.30E-01	2	7.30E-01				
ZNF93	19	3	3.48E-01	3	3.48E-01	3	7.31E-01	3	7.31E-01				
FAM114A1	4	2	3.29E-01	2	3.29E-01	2	7.31E-01	2	7.31E-01				
SCAF4	21	3	3.36E-01	3	3.36E-01	3	7.31E-01	3	7.31E-01				
TRHDE	12	2	2.77E-01	2	2.77E-01	2	7.32E-01	2	7.32E-01				
TBC1D2	9	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	7.32E-01	3	7.32E-01
GYG1	3	2	2.99E-01	2	2.99E-01	2	7.32E-01	2	7.32E-01				
UBE3B	12	2	3.24E-01	2	3.24E-01	2	7.33E-01	2	7.33E-01				
ERMN	2	2	3.29E-01	2	3.29E-01	2	7.33E-01	2	7.33E-01				
MYOM2	8	20	6.16E-01	21	6.13E-01	19	7.41E-01	20	7.34E-01	6	1.00E+00	7	1.00E+00
SPAG5	17	6	3.32E-01	6	3.32E-01	5	7.35E-01	5	7.35E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00
OR4K17	14			1	7.22E-01			1	8.49E-01			1	7.35E-01
ZNF707	8	2	3.17E-01	2	3.17E-01	2	7.35E-01	2	7.35E-01				
PCDHB6	5	3	3.38E-01	3	3.38E-01	3	7.35E-01	3	7.35E-01				
TSC22D1	13	2	3.23E-01	2	3.23E-01	2	7.36E-01	2	7.36E-01				
LYPLAL1	1	2	3.19E-01	2	3.19E-01	2	7.37E-01	2	7.37E-01				
PARP12	7	1	7.70E-01	1	7.70E-01	1	7.37E-01	1	7.37E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SLC22A2	6	2	3.11E-01	2	3.11E-01	2	7.38E-01	2	7.38E-01				
PDLIM2	8	3	3.35E-01	3	3.35E-01	3	7.38E-01	3	7.38E-01				
REG3G	2	2	3.22E-01	2	3.22E-01	2	7.38E-01	2	7.38E-01				
NCKAP5L	12	3	3.28E-01	3	3.28E-01	3	7.39E-01	3	7.39E-01				
TIAM1	21	4	4.26E-01	4	4.26E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	7.39E-01	3	7.39E-01
GJB4	1	9	4.87E-01	9	4.87E-01	7	1.00E+00	7	1.00E+00	7	7.40E-01	7	7.40E-01
LGALS8	1	3	3.01E-01	3	3.01E-01	3	7.41E-01	3	7.41E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
PACSIN2	22	2	3.20E-01	2	3.20E-01	2	7.41E-01	2	7.41E-01				
TAPT1	4	2	3.19E-01	2	3.19E-01	2	7.42E-01	2	7.42E-01				
CFAP157	9	2	3.14E-01	2	3.14E-01	2	7.42E-01	2	7.42E-01				
LRRC69	8	3	3.36E-01	3	3.36E-01	3	7.42E-01	3	7.42E-01				
TYK2	19	8	2.35E-01	9	2.62E-01	5	1.00E+00	6	7.42E-01	7	8.05E-01	8	1.00E+00
PHLPP2	16	3	2.98E-01	4	3.35E-01	3	7.44E-01	4	7.60E-01			1	1.00E+00
SLC2A5	1	2	3.32E-01	2	3.32E-01	2	7.44E-01	2	7.44E-01				
GALNT14	2	3	3.38E-01	3	3.38E-01	3	7.44E-01	3	7.44E-01				
TINAG	6	3	3.45E-01	3	3.45E-01	3	7.46E-01	3	7.46E-01				
ADCY2	5	2	3.28E-01	2	3.28E-01	2	7.47E-01	2	7.47E-01				
PLEK	2	3	3.28E-01	3	3.28E-01	3	7.47E-01	3	7.47E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
OR8U1	11	2	3.20E-01	2	3.20E-01	2	7.48E-01	2	7.48E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
OR8U8	11	2	3.20E-01	2	3.20E-01	2	7.48E-01	2	7.48E-01				
HTRA4	8	2	3.00E-01	2	3.00E-01	2	7.48E-01	2	7.48E-01				
C14orf93	14	3	3.20E-01	3	3.20E-01	3	7.49E-01	3	7.49E-01				
ALDH18A1	10	3	3.50E-01	3	3.50E-01	3	7.49E-01	3	7.49E-01				
PCDHB5	5	3	3.32E-01	3	3.32E-01	3	7.49E-01	3	7.49E-01				
MYBPH	1	2	3.11E-01	2	3.11E-01	2	7.49E-01	2	7.49E-01				
SMOC1	14	3	3.46E-01	3	3.46E-01	3	7.49E-01	3	7.49E-01				
ATXN2	12	3	3.39E-01	3	3.39E-01	3	7.50E-01	3	7.50E-01				
PGLYRP1	19	3	3.37E-01	3	3.37E-01	3	7.50E-01	3	7.50E-01				
NDUFS1	2	3	3.24E-01	3	3.24E-01	3	7.51E-01	3	7.51E-01				
TNS1	2	11	4.95E-01	11	4.95E-01	8	7.52E-01	8	7.52E-01	7	1.00E+00	7	1.00E+00
SERPINA5	14	2	3.10E-01	2	3.10E-01	2	7.53E-01	2	7.53E-01				
SETD9	5	3	3.44E-01	3	3.44E-01	3	7.53E-01	3	7.53E-01				
EPHA2	1	7	2.11E-01	7	2.11E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	7.53E-01	5	7.53E-01
WDR49	3	3	3.36E-01	3	3.36E-01	3	7.53E-01	3	7.53E-01				
IP6K3	6	3	3.45E-01	3	3.45E-01	3	7.54E-01	3	7.54E-01				
IFT81	12	3	8.34E-01	3	8.34E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	7.54E-01	3	7.54E-01
GRIK5	19	2	3.28E-01	2	3.28E-01	2	7.54E-01	2	7.54E-01				
FOXK2	17	4	5.17E-01	4	5.17E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	7.54E-01	3	7.54E-01
AKAP13	15	16	7.50E-01	16	7.50E-01	11	7.87E-01	11	7.87E-01	9	7.55E-01	9	7.55E-01
SPATA5L1	15	5	8.27E-01	5	8.27E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	1	7.55E-01	1	7.55E-01
VWA2	10	3	5.25E-01	3	5.25E-01	3	7.55E-01	3	7.55E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
ZDHHC18	1	3	3.15E-01	3	3.15E-01	3	7.56E-01	3	7.56E-01				
ROS1	6	16	2.14E-01	16	2.14E-01	14	7.57E-01	14	7.57E-01	8	8.91E-01	8	8.91E-01
ZNF441	19	3	3.50E-01	3	3.50E-01	3	7.57E-01	3	7.57E-01				
PHKG2	16	3	3.44E-01	3	3.44E-01	3	7.57E-01	3	7.57E-01				
MGST3	1	3	3.40E-01	3	3.40E-01	3	7.57E-01	3	7.57E-01				
HSD17B3	9	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	7.57E-01	4	7.57E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ADAMTS13	9	3	3.41E-01	3	3.41E-01	3	7.58E-01	3	7.58E-01				
MYRIP	3	3	3.25E-01	3	3.25E-01	3	7.58E-01	3	7.58E-01				
UFSP2	4	3	3.37E-01	3	3.37E-01	3	7.58E-01	3	7.58E-01				
APOLD1	12	3	3.22E-01	3	3.22E-01	3	7.59E-01	3	7.59E-01				
MARS	12	3	3.53E-01	3	3.53E-01	3	7.59E-01	3	7.59E-01				
DNAJA3	16	3	3.44E-01	3	3.44E-01	3	7.60E-01	3	7.60E-01				
SH2D4A	8	6	1.00E+00	6	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	7.60E-01	4	7.60E-01
TUBGCP6	22	3	3.42E-01	3	3.42E-01	3	7.60E-01	3	7.60E-01				
C1QB	1	2	3.19E-01	2	3.19E-01	2	7.61E-01	2	7.61E-01				
NOL4L	20	2	2.79E-01	2	2.79E-01	2	7.61E-01	2	7.61E-01				
ABCC1	16	13	8.02E-01	13	8.02E-01	11	8.41E-01	11	8.41E-01	6	7.62E-01	6	7.62E-01
RASSF9	12	3	3.57E-01	3	3.57E-01	3	7.63E-01	3	7.63E-01				
SMG8	17	2	3.15E-01	2	3.15E-01	2	7.63E-01	2	7.63E-01				
CAMSAP1	9	9	8.81E-01	9	8.81E-01	8	1.00E+00	8	1.00E+00	3	7.63E-01	3	7.63E-01
ITIH1	3	3	3.37E-01	3	3.37E-01	3	7.64E-01	3	7.64E-01				
SUN2	22	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	3	7.64E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00
ZSCAN5A	19			1	5.44E-01			1	7.64E-01			1	8.45E-01
CFAP61	20	3	3.46E-01	3	3.46E-01	3	7.65E-01	3	7.65E-01				
GAL3ST3	11	3	3.47E-01	3	3.47E-01	3	7.65E-01	3	7.65E-01				
LIPT1	2	2	3.08E-01	2	3.08E-01	2	7.65E-01	2	7.65E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
RPF2	6	3	3.28E-01	3	3.28E-01	3	7.66E-01	3	7.66E-01				
TLDC1	16	4	6.46E-01	4	6.46E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	7.66E-01	2	7.66E-01
MATK	19	3	3.29E-01	3	3.29E-01	3	7.66E-01	3	7.66E-01				
CRYBB3	22	3	7.07E-01	3	7.07E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	7.66E-01	2	7.66E-01
LAMB4	7	9	6.33E-01	9	6.33E-01	5	7.67E-01	5	7.67E-01	8	8.96E-01	8	8.96E-01
CCDC62	12	3	3.28E-01	3	3.28E-01	3	7.67E-01	3	7.67E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
DDC	7	3	3.42E-01	3	3.42E-01	3	7.68E-01	3	7.68E-01				
BBOX1	11	3	3.29E-01	3	3.29E-01	3	7.69E-01	3	7.69E-01				
MIA2	14	3	3.44E-01	3	3.44E-01	3	7.69E-01	3	7.69E-01				
SLC11A1	2	4	2.26E-01	4	2.26E-01	4	7.72E-01	4	7.72E-01				
CFAP100	3	3	4.28E-01	3	4.28E-01	2	8.65E-01	2	8.65E-01	3	7.72E-01	3	7.72E-01
HSPBAP1	3			1	6.68E-01			1	1.00E+00			1	7.72E-01
PDHX	11	3	3.40E-01	3	3.40E-01	3	7.73E-01	3	7.73E-01				
CASP4	11	3	3.28E-01	3	3.28E-01	3	7.73E-01	3	7.73E-01				
SLC4A3	2	3	3.47E-01	3	3.47E-01	3	7.73E-01	3	7.73E-01				
HDAC7	12	3	3.29E-01	3	3.29E-01	3	7.73E-01	3	7.73E-01				
TRIM35	8	2	2.97E-01	2	2.97E-01	2	7.73E-01	2	7.73E-01				
CPA3	3	4	9.02E-01	4	9.02E-01	4	8.09E-01	4	8.09E-01	3	7.73E-01	3	7.73E-01
TTL4	2	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	1.00E+00	3	7.73E-01	3	7.73E-01
KCNJ10	1	3	1.50E-01	3	1.50E-01	2	7.73E-01	2	7.73E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
EIF2AK4	15	3	3.39E-01	4	3.41E-01	3	7.73E-01	4	7.85E-01			1	8.63E-01
PPT1	1	3	3.37E-01	3	3.37E-01	3	7.73E-01	3	7.73E-01				
CBX2	17	3	3.41E-01	3	3.41E-01	3	7.74E-01	3	7.74E-01				
SIGLEC6	19	5	2.26E-01	5	2.26E-01	4	7.74E-01	4	7.74E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
NARFL	16	4	2.45E-01	4	2.45E-01	4	7.75E-01	4	7.75E-01				
IFIT1	10	3	3.58E-01	3	3.58E-01	3	7.77E-01	3	7.77E-01				
BRINP1	9	3	2.31E-01	3	2.31E-01	3	7.77E-01	3	7.77E-01				
COG4	16	3	3.50E-01	3	3.50E-01	3	7.77E-01	3	7.77E-01				
KHDC3L	6			1	7.15E-01			1	7.84E-01			1	7.78E-01
ARID5A	2	3	3.36E-01	3	3.36E-01	3	7.78E-01	3	7.78E-01				
SLAMF1	1			1	6.58E-01			1	1.00E+00			1	7.78E-01
P2RY2	11			1	1.90E-01			1	7.78E-01			1	1.00E+00
SERPIND1	22	3	3.26E-01	3	3.26E-01	3	7.78E-01	3	7.78E-01				
TLL3	3	3	8.50E-01	3	8.50E-01	3	7.78E-01	3	7.78E-01	2	7.90E-01	2	7.90E-01
CLIP4	2	3	3.32E-01	3	3.32E-01	3	7.79E-01	3	7.79E-01				
TRIM29	11	3	5.61E-01	3	5.61E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	7.79E-01	3	7.79E-01
C9orf9	9	3	3.42E-01	3	3.42E-01	3	7.79E-01	3	7.79E-01				
FXD1	19	1	8.60E-01	1	8.60E-01	1	7.80E-01	1	7.80E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SLC47A1	17	2	2.13E-01	2	2.13E-01	2	7.81E-01	2	7.81E-01				
MSS51	10	3	4.34E-01	3	4.34E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	7.81E-01	3	7.81E-01
MTMR14	3	3	3.27E-01	3	3.27E-01	3	7.82E-01	3	7.82E-01				
AMT	3	3	3.46E-01	3	3.46E-01	3	7.82E-01	3	7.82E-01				
ITGA4	2	3	3.36E-01	3	3.36E-01	3	7.82E-01	3	7.82E-01				
ZNF846	19	5	1.83E-01	5	1.83E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	7.83E-01	3	7.83E-01
TMEM94	17	3	3.43E-01	3	3.43E-01	3	7.83E-01	3	7.83E-01				
CSNK1D	17	3	3.30E-01	3	3.30E-01	3	7.83E-01	3	7.83E-01				
MUT	6	3	3.28E-01	3	3.28E-01	3	7.84E-01	3	7.84E-01				
C1orf167	1	5	6.17E-01	5	6.17E-01	5	7.84E-01	5	7.84E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
BTBD11	12	3	3.54E-01	3	3.54E-01	3	7.84E-01	3	7.84E-01				
GTF3C1	16	4	5.22E-01	4	5.22E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	4	7.84E-01	4	7.84E-01
ADGRG6	6	2	3.14E-01	2	3.14E-01	2	7.84E-01	2	7.84E-01				
CAPG	2	3	2.19E-01	3	2.19E-01	3	7.84E-01	3	7.84E-01				
SLC6A17	1	3	2.85E-01	3	2.85E-01	3	7.85E-01	3	7.85E-01				
IARS	9	3	3.37E-01	3	3.37E-01	3	7.85E-01	3	7.85E-01				
ZNF821	16	4	7.29E-01	4	7.29E-01	3	9.01E-01	3	9.01E-01	3	7.85E-01	3	7.85E-01
TRPV1	17	3	3.46E-01	3	3.46E-01	3	7.86E-01	3	7.86E-01				
ALKBH8	11	6	7.43E-01	6	7.43E-01	6	7.86E-01	6	7.86E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
JAK1	1	3	3.28E-01	3	3.28E-01	3	7.88E-01	3	7.88E-01				
NRDE2	14	5	7.62E-01	5	7.62E-01	5	7.89E-01	5	7.89E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
GGN	19	1	7.26E-01	1	7.26E-01	1	7.90E-01	1	7.90E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
COL6A3	2	22	3.45E-01	23	3.65E-01	18	7.93E-01	19	7.91E-01	8	8.09E-01	9	8.52E-01
RIPK4	21	3	3.33E-01	3	3.33E-01	3	7.91E-01	3	7.91E-01				
EMC1	1	3	3.42E-01	3	3.42E-01	3	7.91E-01	3	7.91E-01				
PDE1A	2	3	3.40E-01	3	3.40E-01	3	7.92E-01	3	7.92E-01				
INPP5E	9	3	3.34E-01	3	3.34E-01	3	7.92E-01	3	7.92E-01				
ASAP3	1	8	6.79E-01	8	6.79E-01	6	7.92E-01	6	7.92E-01	5	9.11E-01	5	9.11E-01
DNAH6	2	21	6.32E-01	22	4.69E-01	15	8.77E-01	16	8.88E-01	11	7.93E-01	12	8.52E-01
GLCCI1	7	3	3.32E-01	3	3.32E-01	3	7.95E-01	3	7.95E-01				
TDRD3	13	3	3.36E-01	3	3.36E-01	3	7.96E-01	3	7.96E-01				
PRM3	16	3	6.29E-01	3	6.29E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	7.97E-01	2	7.97E-01
C5orf47	5	2	8.02E-01	2	8.02E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	7.97E-01	1	7.97E-01
PIEZO1	16	15	1.28E-01	15	1.28E-01	10	1.00E+00	10	1.00E+00	10	7.98E-01	10	7.98E-01
RNMTL1	17	2	2.01E-01	2	2.01E-01	2	7.98E-01	2	7.98E-01				
RSPH3	6	3	5.23E-01	3	5.23E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	7.99E-01	2	7.99E-01
ENO3	17	3	3.39E-01	3	3.39E-01	3	7.99E-01	3	7.99E-01				
KREMEN1	22	3	3.41E-01	3	3.41E-01	3	7.99E-01	3	7.99E-01				
KIAA1033	12	3	2.37E-01	3	2.37E-01	3	7.99E-01	3	7.99E-01				
NSUN3	3	3	3.14E-01	3	3.14E-01	3	7.99E-01	3	7.99E-01				
CES4A	16	3	3.35E-01	3	3.35E-01	3	8.01E-01	3	8.01E-01				
CEACAM21	19	2	4.10E-01	2	4.10E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	8.01E-01	1	8.01E-01
TBC1D31	8	3	3.27E-01	3	3.27E-01	3	8.01E-01	3	8.01E-01				
FAM71C	12			1	7.48E-01			1	9.18E-01			1	8.02E-01
GDA	9	3	5.32E-01	3	5.32E-01	2	8.03E-01	2	8.03E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
DCBLD2	3	3	3.19E-01	3	3.19E-01	3	8.04E-01	3	8.04E-01				
GCDH	19	3	3.53E-01	3	3.53E-01	3	8.04E-01	3	8.04E-01				
CATSPERG	19	3	3.28E-01	3	3.28E-01	3	8.06E-01	3	8.06E-01				
PSAPL1	4			1	3.95E-01			1	1.00E+00			1	8.07E-01
CCAR2	8	3	3.24E-01	3	3.24E-01	3	8.07E-01	3	8.07E-01				
SPOCK3	4	3	3.17E-01	3	3.17E-01	3	8.07E-01	3	8.07E-01				
PLEK2	14	3	2.21E-01	3	2.21E-01	3	8.08E-01	3	8.08E-01				
PPM1F	22	2	2.29E-01	2	2.29E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	8.11E-01	1	8.11E-01
ATP10B	5	6	1.42E-01	6	1.42E-01	5	8.26E-01	5	8.26E-01	5	8.11E-01	5	8.11E-01
TLE6	19	3	3.27E-01	3	3.27E-01	3	8.11E-01	3	8.11E-01				
BCAS3	17	3	2.30E-01	3	2.30E-01	3	8.11E-01	3	8.11E-01				
RRP15	1	2	5.74E-02	2	5.74E-02	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	8.11E-01	2	8.11E-01
RAD51B	14	3	7.09E-01	3	7.09E-01	3	8.13E-01	3	8.13E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
CES3	16	2	4.49E-01	2	4.49E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	8.14E-01	2	8.14E-01
ADGRE3	19	2	1.09E-01	2	1.09E-01	2	8.14E-01	2	8.14E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
C16orf96	16	6	3.92E-01	7	4.27E-01	5	8.88E-01	6	1.00E+00	4	8.14E-01	5	8.54E-01
OMA1	1	4	1.62E-01	4	1.62E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	8.16E-01	3	8.16E-01
CHORDC1	11	3	2.15E-01	3	2.15E-01	3	8.18E-01	3	8.18E-01				
BATF3	1			1	7.22E-01			1	8.18E-01			1	1.00E+00
MCF2L	13	7	5.62E-01	7	5.62E-01	7	9.11E-01	7	9.11E-01	3	8.19E-01	3	8.19E-01
TRIP11	14	12	1.26E-01	13	1.26E-01	10	1.00E+00	11	1.00E+00	7	8.19E-01	8	8.19E-01
LRP1B	2	12	8.42E-01	12	8.42E-01	11	1.00E+00	11	1.00E+00	6	8.20E-01	6	8.20E-01
PCDHGA7	5	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	8.20E-01	3	8.20E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ADAM8	10	6	8.82E-01	6	8.82E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	3	8.21E-01	3	8.21E-01
UBA7	3	7	6.12E-01	7	6.12E-01	7	8.21E-01	7	8.21E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
PLXNB2	22	3	8.77E-01	3	8.77E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	8.23E-01	3	8.23E-01
LIPF	10	1	2.24E-01	2	2.35E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00			1	8.23E-01
DNAH7	2	28	4.34E-01	28	4.34E-01	21	8.23E-01	21	8.23E-01	19	9.19E-01	19	9.19E-01
OR10H4	19	3	2.95E-01	3	2.95E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	8.24E-01	3	8.24E-01
ZNF607	19	3	2.26E-01	3	2.26E-01	3	8.24E-01	3	8.24E-01				
ILVBL	19	6	2.35E-01	6	2.35E-01	5	8.24E-01	5	8.24E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00
OR10A6	11	3	3.85E-01	4	3.85E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	8.25E-01	3	8.25E-01
DCT	13	3	2.20E-01	3	2.20E-01	3	8.25E-01	3	8.25E-01				
SCN5A	3	13	8.04E-01	13	8.04E-01	10	8.27E-01	10	8.27E-01	6	8.58E-01	6	8.58E-01
ACTN2	1	3	2.13E-01	3	2.13E-01	3	8.28E-01	3	8.28E-01				
CCL17	16	1	8.49E-01	1	8.49E-01	1	8.29E-01	1	8.29E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00
UEVLD	11	3	2.23E-01	3	2.23E-01	3	8.31E-01	3	8.31E-01				
ZNF423	16	4	2.33E-01	4	2.33E-01	4	8.33E-01	4	8.33E-01				
SCARA5	8	3	2.14E-01	3	2.14E-01	3	8.34E-01	3	8.34E-01				
CLDN5	22			1	1.00E+00			1	1.00E+00			1	8.34E-01
TET1	10	4	2.25E-01	4	2.25E-01	4	8.37E-01	4	8.37E-01				
FAH	15	2	8.68E-01	2	8.68E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	8.39E-01	1	8.39E-01
ANKRD28	3	4	2.26E-01	4	2.26E-01	4	8.40E-01	4	8.40E-01				
SLC6A16	19	4	1.99E-01	4	1.99E-01	4	8.41E-01	4	8.41E-01				
SIRT3	11	3	2.14E-01	3	2.14E-01	3	8.42E-01	3	8.42E-01				
TMTC3	12	4	2.28E-01	4	2.28E-01	4	8.43E-01	4	8.43E-01				
NUMA1	11	15	4.00E-01	15	4.00E-01	11	1.00E+00	11	1.00E+00	7	8.44E-01	7	8.44E-01
TBATA	10	4	2.26E-01	4	2.26E-01	4	8.46E-01	4	8.46E-01				
MATN1	1	4	2.31E-01	4	2.31E-01	4	8.47E-01	4	8.47E-01				
HHIP	4	4	2.33E-01	4	2.33E-01	4	8.47E-01	4	8.47E-01				
RFX4	12	4	2.31E-01	4	2.31E-01	4	8.48E-01	4	8.48E-01				
ALDH9A1	1	3	3.17E-01	3	3.17E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	8.48E-01	2	8.48E-01
FAM166B	9			1	4.00E-01			1	1.00E+00			1	8.49E-01
PTPRA	20	3	2.34E-01	3	2.34E-01	3	8.50E-01	3	8.50E-01				
OR1B1	9			1	7.35E-01			1	8.51E-01			1	1.00E+00
GBGT1	9	6	4.84E-01	7	4.93E-01	4	1.00E+00	5	1.00E+00	6	8.56E-01	7	8.87E-01
MYO15A	17	22	3.94E-01	22	3.94E-01	16	1.00E+00	16	1.00E+00	11	8.56E-01	11	8.56E-01
HDC	15	4	2.24E-01	4	2.24E-01	4	8.57E-01	4	8.57E-01				
IGDCC3	15	3	2.22E-01	3	2.22E-01	3	8.58E-01	3	8.58E-01				
LRRC75A	17	3	2.18E-01	3	2.18E-01	3	8.60E-01	3	8.60E-01				
NFATC3	16	4	2.21E-01	4	2.21E-01	4	8.60E-01	4	8.60E-01				

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
LRRC16B	14	10	5.25E-01	11	5.93E-01	8	1.00E+00	9	1.00E+00	4	8.61E-01	5	1.00E+00
HSPG2	1	25	2.88E-01	25	2.88E-01	23	8.66E-01	23	8.66E-01	14	8.69E-01	14	8.69E-01
USPL1	13	5	6.62E-01	5	6.62E-01	5	8.68E-01	5	8.68E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
PCDHGA8	5	6	7.65E-01	7	7.66E-01	6	8.70E-01	7	8.69E-01	4	1.00E+00	5	1.00E+00
SPTB	14	13	7.11E-01	13	7.11E-01	9	9.10E-01	9	9.10E-01	7	8.71E-01	7	8.71E-01
RP1L1	8	15	6.15E-01	17	5.61E-01	12	8.78E-01	14	8.84E-01	10	1.00E+00	12	1.00E+00
GBP4	1	5	4.09E-01	5	4.09E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	4	8.79E-01	4	8.79E-01
ABCC10	6	12	4.62E-01	12	4.62E-01	8	8.83E-01	8	8.83E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00
C16orf62	16	6	1.00E+00	6	1.00E+00	6	8.87E-01	6	8.87E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00
MCM2	3	5	3.17E-01	5	3.17E-01	4	8.91E-01	4	8.91E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00
LAMB1	7	7	7.69E-01	8	7.14E-01	5	1.00E+00	6	1.00E+00	5	1.00E+00	6	8.97E-01
COL11A2	6	6	6.43E-01	6	6.43E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	5	8.98E-01	5	8.98E-01
OR1N2	9			1	6.88E-01			1	9.32E-01			1	9.10E-01
NOX5	15	2	3.41E-01	3	3.41E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00
KRT8	12	1	7.76E-01	1	7.76E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TBC1D4	13	3	7.79E-02	3	7.79E-02	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
RPF1	1	2	2.09E-01	2	2.09E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00				
CYSRT1	9	1	8.59E-01	1	8.59E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
RPN1	3	2	1.98E-01	2	1.98E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00				
SLC36A3	5	3	3.38E-01	3	3.38E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TACSTD2	1	1	2.24E-01	1	2.24E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
OR10W1	11	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SHPK	17	4	5.18E-01	4	5.18E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SAP130	2	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
OXER1	2	4	7.81E-01	4	7.81E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CLIC3	9	1	2.26E-01	1	2.26E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
KIAA1524	3	2	8.27E-01	2	8.27E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
APLF	2	2	6.59E-01	2	6.59E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
YY1AP1	1	2	8.88E-01	2	8.88E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
PRTN3	19	1	7.35E-01	1	7.35E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
KIF18A	11	1	7.17E-01	1	7.17E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TXNDC11	16	3	6.06E-01	3	6.06E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
PRSS38	1	3	6.31E-01	3	6.31E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
C9orf131	9	1	4.08E-01	1	4.08E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
OR4S1	11	2	7.70E-01	2	7.70E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
KRT36	17	2	1.69E-01	2	1.69E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00				
DPP7	9	2	3.73E-01	2	3.73E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
WDR38	9	1	5.88E-01	1	5.88E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
VPS9D1	16	2	8.38E-01	2	8.38E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SLC36A2	5	1	2.67E-01	1	2.67E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CCDC27	1	2	8.61E-01	2	8.61E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
GAD2	10	5	5.00E-01	5	5.00E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
PRR5-ARHGAP	22	3	1.14E-01	3	1.14E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
KRTAP4-4	17	1	5.49E-01	1	5.49E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
HLA-DQA2	6	1	7.35E-01	1	7.35E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
PLEKHG2	19	6	8.67E-01	6	8.67E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
OR2J3	6	1	2.39E-01	1	2.39E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
ARHGAP8	22	3	1.14E-01	3	1.14E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
TBXAS1	7	4	3.80E-01	4	3.80E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00
RPN2	20	4	3.66E-01	4	3.66E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
NPHP3	3	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
PPM1N	19	2	4.76E-01	2	4.76E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
TMEM43	3	7	8.74E-01	7	8.74E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
MRPL51	12	2	7.28E-01	2	7.28E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CBR3	21	1	2.22E-01	1	2.22E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
SGCE	7	2	2.68E-01	2	2.68E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
OLFM4	13	1	8.31E-01	1	8.31E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ASCC2	22	4	6.08E-01	4	6.08E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
MYO1E	15	5	7.36E-01	5	7.36E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
LCNL1	9	1	2.37E-01	1	2.37E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
ZDHHC6	10	1	3.49E-01	1	3.49E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ADAM20	14	1	2.34E-01	1	2.34E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
ZGPAT	20	2	9.84E-02	2	9.84E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00				
OSCP1	1	1	4.84E-01	1	4.84E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
AKAP6	14	4	7.00E-01	4	7.00E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CADM3	1	2	4.97E-01	2	4.97E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
NEK10	3	4	6.98E-01	4	6.98E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
TRDN	6	2	5.85E-01	2	5.85E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
ZBTB49	4	2	2.19E-01	2	2.19E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
LARGE	22	1	8.22E-01	1	8.22E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SLC1A7	1	4	8.40E-01	4	8.40E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SNAP47	1	1	2.36E-01	1	2.36E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
KLHL41	2	2	7.19E-01	2	7.19E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
MS4A7	11	1	2.42E-01	1	2.42E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
SERAC1	6	4	8.65E-01	4	8.65E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SPDYE4	17	1	2.26E-01	1	2.26E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
GPC1	2	3	2.00E-01	3	2.00E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TEKT5	16	4	8.11E-01	4	8.11E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CEP192	18	6	7.79E-01	6	7.79E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00
SOGA1	20	3	1.59E-01	3	1.59E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00				
CYB5D2	17	1	6.57E-01	1	6.57E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
STK32C	10	1	6.96E-01	1	6.96E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
PHF12	17	2	8.33E-01	2	8.33E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
RFX2	19	1	1.66E-01	1	1.66E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
MUS81	11	1	6.64E-01	1	6.64E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
KDM5B	1	2	4.09E-01	2	4.09E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CEP57L1	6	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CASC10	10	1	1.06E-01	1	1.06E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
TMEM181	6	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
SSUH2	3	5	1.76E-01	5	1.76E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
DDHD1	14	1	4.41E-01	1	4.41E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CETN1	18			1	7.79E-01			1	1.00E+00			1	1.00E+00
RHBDD3	22	1	7.20E-01	1	7.20E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ZKSCAN1	7	1	6.29E-01	1	6.29E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
MAMDC2	9	1	2.32E-01	1	2.32E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
TNS4	17	4	7.29E-01	4	7.29E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rare novel		all		rare novel		all		rare novel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
VSIG8	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
GPX5	6	2	7.25E-01	2	7.25E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
NLRX1	11	7	6.47E-01	7	6.47E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
SHANK2	11	3	7.97E-01	3	7.97E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
KRT76	12	4	7.94E-01	7	8.53E-01	4	1.00E+00	7	1.00E+00	2	1.00E+00	5	1.00E+00
SLC22A16	6	3	7.85E-01	4	7.88E-01	3	1.00E+00	4	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00
MVB12A	19	5	4.45E-01	5	4.45E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
HELB	12	6	7.04E-01	6	7.04E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
RITA1	12	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
DPEP3	16	3	2.12E-01	3	2.12E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
RPP40	6	2	8.29E-01	2	8.29E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
PPP2R3A	3	8	3.46E-01	8	3.46E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00
CFAP45	1	2	1.28E-01	2	1.28E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
RNF207	1	3	6.35E-01	3	6.35E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
PCDHB1	5	2	3.77E-02	2	3.77E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
EXOG	3	5	7.72E-01	5	7.72E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
MIDN	19	1	2.40E-01	1	2.40E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
ABL1	9	3	3.74E-01	3	3.74E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
OMG	17	1	2.31E-01	1	2.31E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
AGBL2	11	3	5.71E-01	3	5.71E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CNBD2	20	5	6.73E-01	5	6.73E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
PRRC2B	9	9	9.09E-01	9	9.09E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	6	1.00E+00	6	1.00E+00
YRDC	1	1	1.57E-01	1	1.57E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
CBX8	17	2	4.95E-01	2	4.95E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
THBS2	6	4	6.24E-01	4	6.24E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
IL23R	1	3	2.76E-01	4	5.36E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00
LRRC34	3	3	3.04E-01	3	3.04E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
GRAMD1A	19	4	6.77E-01	4	6.77E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CFAP58	10	2	8.63E-01	2	8.63E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
MYC	8	2	7.38E-01	2	7.38E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
LRP3	19	1	2.31E-01	1	2.31E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
ETV7	6	5	5.17E-01	5	5.17E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00
PTGIR	19	2	8.00E-01	2	8.00E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ITGA7	12	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
TNFRSF8	1	1	5.03E-01	1	5.03E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
MBOAT1	6	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
FASTKD1	2	2	7.18E-01	2	7.18E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
BPIFB2	20	2	6.19E-01	2	6.19E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
DAB2IP	9	2	8.85E-01	2	8.85E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
IL10RB	21	1	2.37E-01	1	2.37E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
PRSS12	4	4	6.50E-01	4	6.50E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
ACTRT2	1	5	5.08E-01	6	5.07E-01	4	1.00E+00	5	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00
EPHB2	1	4	2.96E-01	4	2.96E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
MYBL1	8	1	6.11E-01	1	6.11E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TMEM184A	7	3	1.98E-01	3	1.98E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
OR8K3	11	6	8.00E-01	6	8.00E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
PCDHGA1	5	4	7.85E-01	4	7.85E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
STARD6	18	4	5.15E-01	4	5.15E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SH3TC2	5	7	5.40E-01	7	5.40E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
ZDBF2	2	6	4.04E-01	6	4.04E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
EPCAM	2	3	6.85E-01	3	6.85E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
A4GNT	3	1	2.33E-01	1	2.33E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
ZSCAN30	18	2	7.75E-01	2	7.75E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
BTNL2	6	1	8.37E-01	1	8.37E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CCDC60	12	2	3.22E-01	2	3.22E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
C1orf106	1	4	5.73E-01	4	5.73E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
TAS1R1	1	7	8.41E-01	7	8.41E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
LPIN3	20	7	1.90E-01	7	1.90E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	5	1.00E+00	5	1.00E+00
DIP2B	12	4	7.80E-01	4	7.80E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CBR1	21	1	7.58E-01	1	7.58E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SLC14A2	18	6	8.77E-01	6	8.77E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
NAT16	7			1	1.00E+00			1	1.00E+00			1	1.00E+00
SYT9	11	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
ZNF664	12	1	3.43E-01	1	3.43E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CACNB2	10	5	6.20E-01	6	6.21E-01	4	1.00E+00	5	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00
MTL5	11	4	6.84E-01	5	7.94E-01	3	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.00E+00	4	1.00E+00
FAM83G	17	4	4.70E-01	4	4.70E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SPINK5	5	2	8.51E-01	2	8.51E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CSGALNACT1	8	3	4.41E-01	3	4.41E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
OXA1L	14	1	2.21E-01	1	2.21E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
SDF2L1	22	1	7.61E-01	1	7.61E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
RAPGEF3	12	6	5.27E-01	6	5.27E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00
RIOK2	5	7	4.07E-01	8	4.07E-01	7	1.00E+00	8	1.00E+00	3	1.00E+00	4	1.00E+00
SQLE	8	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
PLIN2	9	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
ITGB4	17	9	8.67E-01	9	8.67E-01	9	1.00E+00	9	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00
GLB1L2	11	4	7.78E-01	4	7.78E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
MTERF2	12	1	2.41E-01	1	2.41E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
RFX7	15	1	4.28E-01	1	4.28E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
FIGLA	2	1	2.35E-01	1	2.35E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
GLT8D2	12	1	4.27E-01	1	4.27E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CCDC87	11	2	8.87E-01	2	8.87E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
DDX20	1	5	3.07E-01	5	3.07E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
ATP4A	19	4	6.12E-01	4	6.12E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
TMEM249	8	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SLC12A3	16	7	8.01E-01	7	8.01E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SEMA5B	3	6	2.55E-01	6	2.55E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
AVPR1A	12	1	7.43E-01	1	7.43E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
C8B	1	7	6.74E-01	8	8.04E-01	6	1.00E+00	7	1.00E+00	3	1.00E+00	4	1.00E+00
C9orf43	9			1	1.00E+00			1	1.00E+00			1	1.00E+00
POR	7	8	4.75E-01	8	4.75E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00
ZNF764	16	3	6.58E-01	3	6.58E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
ZHX1-C8orf76	8	1	3.62E-01	1	3.62E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
NOL3	16	3	2.31E-01	3	2.31E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
RRP8	11	2	6.04E-01	2	6.04E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CD163L1	12	10	1.57E-01	10	1.57E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	7	1.00E+00	7	1.00E+00

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
NHLRC3	13	2	5.93E-01	2	5.93E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
ADAMTS5	21	3	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00
ADGRB2	1	7	8.65E-01	7	8.65E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
PRAMEF12	1	2	5.67E-01	2	5.67E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
OR4X1	11	3	6.54E-01	4	6.54E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00
AGBL3	7	5	7.58E-01	5	7.58E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
EPS8L1	19	2	4.38E-01	2	4.38E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SULT2B1	19	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
GPR1	2	2	4.99E-01	2	4.99E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
NCOR1	17	7	8.42E-01	7	8.42E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00
UTP4	16	4	8.36E-01	4	8.36E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
RTP4	3	2	8.72E-02	2	8.72E-02	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
FUT7	9	2	3.98E-01	2	3.98E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
INVS	9	3	7.74E-01	3	7.74E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SUOX	12	4	7.45E-01	4	7.45E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
FARP1	13	8	6.97E-01	8	6.97E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	1.00E+00
CHD1	5	2	7.65E-01	2	7.65E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
OR1D2	17			1	9.28E-01			1	1.00E+00			1	1.00E+00
CENPW	6	1	9.49E-01	1	9.49E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
DLG5	10	5	1.24E-01	5	1.24E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
TPD52	8	2	8.32E-01	2	8.32E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SPP2	2	2	5.00E-01	2	5.00E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
GRM1	6	3	8.72E-01	3	8.72E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SLC7A14	3	2	8.60E-01	2	8.60E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
FAM110A	20	1	5.52E-01	1	5.52E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
STXBP5L	3	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
AMPD3	11	2	3.44E-01	3	4.57E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00
C2orf81	2	2	2.06E-01	2	2.06E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SPDL1	5	8	3.56E-01	8	3.56E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	5	1.00E+00	5	1.00E+00
MRGPRX1	11	1	4.89E-01	1	4.89E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
FRMPD2	10	2	4.07E-01	2	4.07E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
KRT32	17	5	6.99E-01	7	6.99E-01	5	1.00E+00	7	1.00E+00	3	1.00E+00	5	1.00E+00
TVP23C	17	1	8.46E-01	1	8.46E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
KLHL30	2	5	5.14E-01	5	5.14E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00
C7	5	3	3.80E-01	3	3.80E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
INPP5J	22	4	6.65E-01	4	6.65E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
ZNF256	19	2	4.74E-01	2	4.74E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
FAM187B	19	2	3.10E-01	3	3.10E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00
PLEKHA7	11	2	1.20E-01	2	1.20E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CRELD2	22	5	7.97E-01	6	8.31E-01	4	1.00E+00	5	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00
KRT20	17	3	8.18E-01	3	8.18E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CLCC1	1	1	5.72E-01	1	5.72E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
WDR64	1	4	2.59E-01	5	2.75E-01	4	1.00E+00	5	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00
PRIMPOL	4	7	3.51E-01	7	3.51E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	1.00E+00	5	1.00E+00
CEP85L	6	1	7.10E-01	1	7.10E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TANGO6	16	5	6.34E-01	5	6.34E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
MRPS30	5	4	7.53E-01	4	7.53E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
C8orf76	8	1	3.62E-01	1	3.62E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SH3BP2	4	7	1.00E+00	7	1.00E+00	6	1.00E+00	6	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00
TCERG1L	10	4	5.70E-01	4	5.70E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
IL17RE	3	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
PCSK4	19	5	5.01E-01	5	5.01E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
TEX26	13	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
PTCHD3	10	3	6.31E-01	5	6.27E-01	1	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	5	1.00E+00
C1QTNF6	22	2	3.28E-01	2	3.28E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
EPS15	1	5	2.69E-01	5	2.69E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
FSCN2	17	3	1.81E-01	3	1.81E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
HCLS1	3	3	7.66E-01	3	7.66E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
SLC25A45	11	2	4.88E-01	2	4.88E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
MTUS2	13	6	7.97E-01	6	7.97E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
ARHGEF26	3	2	7.18E-01	2	7.18E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
IRF8	16	1	2.26E-01	1	2.26E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
APOH	17	1	1.00E+00	2	3.25E-01	1	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00
OR5B17	11	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
STX5	11	3	4.77E-01	3	4.77E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
DEF6	6	1	3.05E-01	1	3.05E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
KCTD19	16	2	7.75E-01	2	7.75E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
ZNF559	19	6	7.35E-01	6	7.35E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
GFAP	17	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
COQ4	9	2	2.69E-01	2	2.69E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
LRRFIP1	2	1	1.66E-01	1	1.66E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
CATSPERD	19	3	1.45E-01	3	1.45E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
TACR1	2	1	1.64E-01	1	1.64E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
KRTAP27-1	21	2	1.56E-01	2	1.56E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TPRG1L	1	1	1.60E-01	1	1.60E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
NDUFA10	2	3	6.09E-01	4	6.45E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	3	1.00E+00
ROBO4	11	5	2.01E-01	5	2.01E-01	5	1.00E+00	5	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
GADL1	3	3	2.21E-01	3	2.21E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SCP2D1	20	3	4.16E-01	3	4.16E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
PIGL	17	1	2.36E-01	1	2.36E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00				
TUSC5	17	1	2.86E-01	1	2.86E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
FAM26E	6	2	4.77E-01	2	4.77E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CALML4	15	4	4.09E-01	4	4.09E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00
RAB21	12	1	3.10E-01	1	3.10E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
MPP3	17	2	3.28E-01	3	3.73E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00
GPR37	7	2	3.28E-01	2	3.28E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ADAMTS8	11	4	3.54E-01	4	3.54E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
IFFO1	12	5	3.55E-01	5	3.55E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
TRIML1	4	1	4.80E-01	1	4.80E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
OR51L1	11	2	4.61E-01	2	4.61E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CCDC185	1	2	3.78E-01	2	3.78E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
WDR20	14	3	4.25E-01	3	4.25E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
AKR1C3	10	5	7.02E-01	5	7.02E-01	6	1.00E+00	6	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
AHSG	3	1	4.71E-01	1	4.71E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
KIRREL2	19	3	6.27E-01	3	6.27E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
VCPKMT	14	3	4.46E-01	3	4.46E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00

SetID	Chr	ADEH- vs NA				ADEH+ vs ADEH-				ADEH+ vs NA			
		rarenovel		all		rarenovel		all		rarenovel		all	
		N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value	N variants in test	p-value
SAT2	17			1	4.56E-01			1	1.00E+00			1	1.00E+00
ASH2L	8	1	4.59E-01	1	4.59E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
IRGM	5	1	4.69E-01	1	4.69E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ZMIZ2	7	1	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00
TAS2R14	12	1	4.73E-01	1	4.73E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
LPAR6	13	2	7.35E-01	2	7.35E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
PIGS	17	5	4.83E-01	5	4.83E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00
SLC17A4	6	3	5.04E-01	3	5.04E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CRISP2	6	2	5.50E-01	2	5.50E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
C2orf61	2	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
FLVCR2	14	3	7.19E-01	3	7.19E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ANGPTL8	19	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
NT5C	17	2	5.82E-01	2	5.82E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
PSMA8	18	2	5.99E-01	2	5.99E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
MRPS34	16	4	6.00E-01	4	6.00E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00
TNIP2	4	1	6.19E-01	1	6.19E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
STX2	12	1	6.56E-01	1	6.56E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ZNF480	19	3	8.14E-01	3	8.14E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
OR2B3	6	1	6.59E-01	1	6.59E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TEAD3	6	2	7.60E-01	2	7.60E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SLC2A14	12	3	7.74E-01	3	7.74E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
DHODH	16	4	7.20E-01	4	7.20E-01	4	1.00E+00	4	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
C6orf10	6	3	8.10E-01	4	7.21E-01	2	1.00E+00	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	1.00E+00
CCL26	7	1	7.27E-01	1	7.27E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
GANAB	11	4	7.30E-01	4	7.30E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CCDC94	19	1	7.31E-01	1	7.31E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TSACC	1	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
PIH1D2	11	1	7.41E-01	1	7.41E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
COMMD1	2	2	7.47E-01	2	7.47E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
CTH	1	2	7.63E-01	2	7.63E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
EFHD1	2	1	7.68E-01	1	7.68E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
DDX55	12	3	7.73E-01	3	7.73E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
TMEM71	8	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
CORO6	17	1	7.81E-01	1	7.81E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
TTC5	14	2	7.84E-01	2	7.84E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
SMYD1	2	4	7.90E-01	4	7.90E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
RIT2	18	1	7.98E-01	1	7.98E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SLC47A2	17	5	7.99E-01	5	7.99E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00
ZNF785	16	1	8.04E-01	1	8.04E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ZNF763	19	5	8.20E-01	5	8.20E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	5	1.00E+00	5	1.00E+00
FAM216A	12	1	8.14E-01	1	8.14E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
WDFY2	13	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
ZNF80	3	1	8.37E-01	2	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00
ZPBP2	17	2	8.49E-01	2	8.49E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
SMCO3	12	3	8.49E-01	3	8.49E-01	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
ASCC1	10	2	8.65E-01	2	8.65E-01	1	1.00E+00	1	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00
GALR2	17	3	8.73E-01	3	8.73E-01	3	1.00E+00	3	1.00E+00	1	1.00E+00	1	1.00E+00
MLC1	22	5	1.00E+00	5	1.00E+00	4	1.00E+00	4	1.00E+00	2	1.00E+00	2	1.00E+00

