

Supplementa Table 1. Genes including in Ion AmpliSeq™ Hearing Loss Research Panel v1

Gene Name	Chromosome	Num_Amplicons	Total_Bases	Covered_Bases	Overall_Coverage
<i>ACTG1</i>	chr17	11	1183	1183	1
<i>CCDC50</i>	chr3	20	1581	1572	0.9943
<i>CDH23</i>	chr10	108	12291	12289	0.99984
<i>CEACAM16</i>	chr19	14	1344	1335	0.9933
<i>CLDN14</i>	chr21	6	812	812	1
<i>COCH</i>	chr14	20	1774	1767	0.9961
<i>COL11A2</i>	chr6	73	6215	6203	0.9981
<i>CRYM</i>	chr16	11	1088	1088	1
<i>DFNA5</i>	chr7	16	1685	1681	0.9976
<i>DIAPH1</i>	chr5	40	4127	4107	0.9952
<i>ESPN</i>	chr1	26	2708	2511	0.9273
<i>ESRRB</i>	chr14	14	1615	1615	1
<i>EYA4</i>	chr6	32	2241	2235	0.9973
<i>GIPC3</i>	chr19	10	1005	835	0.8308
<i>GJB2</i>	chr13	5	714	714	1
<i>GJB3</i>	chr1	10	3228	3228	1
<i>GJB6</i>	chr13	6	812	812	1
<i>GPSM2</i>	chr1	29	2209	2148	0.9724
<i>GRHL2</i>	chr8	23	2054	2054	1
<i>GRXCR1</i>	chr4	9	917	917	1
<i>HGF</i>	chr7	32	2705	2685	0.9926
<i>ILDR1</i>	chr3	14	1729	1729	1
<i>KCNQ4</i>	chr1	21	2242	1974	0.8805
<i>LHFPL5</i>	chr6	7	693	693	1
<i>LOXHD1</i>	chr18	74	8125	8079	0.9943
<i>LRTOMT</i>	chr11	15	1644	1593	0.969
<i>MARVELD2</i>	chr5	15	1743	1687	0.9679
<i>MSRB3</i>	chr12	11	732	732	1
<i>MYH14</i>	chr19	66	6573	6570	0.9995
<i>MYH9</i>	chr22	65	6323	6318	0.9992
<i>MYO15A</i>	chr17	103	11297	10711	0.94813
<i>MYO1A</i>	chr12	34	3429	3425	0.9988
<i>MYO3A</i>	chr10	60	5214	5112	0.9804
<i>MYO6</i>	chr6	57	4232	3923	0.927
<i>MYO7A</i>	chr11	80	7652	7617	0.9954
<i>OTOA</i>	chr16	31	3788	2839	0.7495
<i>OTOF</i>	chr2	71	7115	7086	0.9959
<i>PCDH15</i>	chr10	86	8466	8365	0.9881
<i>DFNB59</i>	chr2	14	1125	1125	1
<i>POU4F3</i>	chr5	7	1039	1039	1
<i>PTPRQ</i>	chr12	83	6846	6445	0.9414
<i>RDX</i>	chr11	23	1895	1807	0.9536
<i>SERPINB6</i>	chr6	14	1197	1197	1
<i>SLC17A8</i>	chr12	18	1902	1873	0.9848
<i>SLC26A4</i>	chr7	31	2563	2482	0.9684
<i>SLC26A5</i>	chr7	25	2509	2432	0.9693
<i>SMAC</i>	chr12	7	786	786	1
<i>STRC</i>	chr15	25	5647	2010	0.3559
<i>TECTA</i>	chr11	54	6721	6698	0.9966
<i>TJP2</i>	chr9	43	4455	4253	0.9547
<i>TMC1</i>	chr9	30	2503	2386	0.9533
<i>TMIE</i>	chr3	6	515	515	1
<i>TMPRSS3</i>	chr21	14	1761	1684	0.9563
<i>TPRN</i>	chr9	13	2180	1582	0.7257
<i>TRIOBP</i>	chr22	59	7645	7273	0.9513
<i>USH1C</i>	chr11	38	3106	3106	1
<i>WFS1</i>	chr4	21	2750	2607	0.948
<i>WHRN</i>	chr9	25	3074	2998	0.9753
<i>POU3F4</i>	chrX	8	1097	1089	0.9927
<i>PRPS1</i>	chrX	11	1137	1137	1
<i>SMPX</i>	chrX	4	300	300	1
<i>USH2A</i>	chr1	164	16646	16567	0.99525
<i>MIRN96</i>	chr7	2	78	78	1