

Table S3 p-S166-RIPK1 dependent nuclear protein phosphorylation induced by T/S/Z.

Gene names	Localization probability	Positions within proteins	Amino acid	AVG_TSZ/veh	AVG_TSZ/TSZ + Nec-1s	TSZ inducible	RIPK1 kinase dependent
Dync1li1	0.93	515	T	4.15	1.78	TRUE	TRUE
Nes	1.00	894	S	4.03	1.96	TRUE	TRUE
Dync1li1	0.62	513	T	4.03	1.92	TRUE	TRUE
Vim	0.76	8	S	3.84	2.75	TRUE	TRUE
Nes	1.00	883	S	3.77	1.88	TRUE	TRUE
Dync1li1	0.53	510	S	3.76	1.76	TRUE	TRUE
Dync1li1	0.57	518	T	3.76	1.76	TRUE	TRUE
Nes	1.00	886	S	3.71	1.49	TRUE	TRUE
Dync1li1	0.69	512	T	3.45	1.58	TRUE	TRUE
Nfic	0.76	273	S	3.28	1.70	TRUE	TRUE
Nfic	0.80	275	S	3.28	1.70	TRUE	TRUE
Nfic	0.76	276	S	3.28	1.70	TRUE	TRUE
Dync1li1	0.70	516	S	2.85	1.54	TRUE	TRUE
Nes	1.00	731	S	2.10	1.43	TRUE	TRUE
Lmna	1.00	406	S	1.96	1.44	TRUE	TRUE
Lmna	1.00	409	S	1.95	1.47	TRUE	TRUE
Lmna	0.86	414	S	1.95	1.54	TRUE	TRUE
Lmna	1.00	407	S	1.93	1.44	TRUE	TRUE
Ap3d1	0.72	755	S	1.90	1.81	TRUE	TRUE
Ap3d1	0.99	760	S	1.90	1.81	TRUE	TRUE
Ap3d1	0.99	758	T	1.90	1.81	TRUE	TRUE
Nes	1.00	813	S	1.90	1.42	TRUE	TRUE
Nes	1.00	816	S	1.90	1.42	TRUE	TRUE
Nes	1.00	819	S	1.90	1.42	TRUE	TRUE
Thrap3	0.97	240	S	1.84	1.88	TRUE	TRUE
Lmna	0.95	404	S	1.84	1.62	TRUE	TRUE
Srrm2	0.98	1467	T	1.80	1.47	TRUE	TRUE
Cobll1	0.79	896	S	1.79	1.43	TRUE	TRUE
Srrm2	1.00	1475	S	1.78	1.61	TRUE	TRUE
Srrm2	1.00	1477	S	1.75	1.59	TRUE	TRUE
Srrm2	1.00	1478	S	1.75	1.59	TRUE	TRUE
Plekhg3	0.99	1136	S	1.75	1.53	TRUE	TRUE
Matr3	1.00	596	S	1.74	1.48	TRUE	TRUE
Thrap3	1.00	243	S	1.74	1.58	TRUE	TRUE
Plekhg3	1.00	1141	S	1.70	1.46	TRUE	TRUE
Nfix	0.71	267	T	1.62	1.46	TRUE	TRUE
Nfix	0.85	268	S	1.61	1.48	TRUE	TRUE
Plekhg3	0.95	1138	S	1.60	1.40	TRUE	TRUE
Srrm2	1.00	1473	S	1.60	1.46	TRUE	TRUE
Nfix	0.97	265	S	1.54	1.51	TRUE	TRUE

Smarcc2	0.93	306	S	1.53	1.42	TRUE	TRUE
Srrm2	0.98	848	S	1.53	1.47	TRUE	TRUE
Srrm2	0.98	1453	S	1.53	1.70	TRUE	TRUE
Srrm2	0.75	1457	S	1.53	1.70	TRUE	TRUE
Srrm2	0.97	1458	S	1.53	1.70	TRUE	TRUE
Nfix	0.70	271	S	1.48	1.52	TRUE	TRUE
Nfib	0.86	265	S	1.48	1.43	TRUE	TRUE
G3bp1	0.85	231	S	1.47	1.53	TRUE	TRUE
Cobll1	0.76	897	S	1.46	1.42	TRUE	TRUE
Nfib	0.82	262	S	1.45	1.52	TRUE	TRUE
Tcof1	1.00	1191	S	1.44	1.56	TRUE	TRUE
Srrm2	0.98	1515	S	1.42	1.44	TRUE	TRUE
Srrm2	0.97	1518	S	1.42	1.43	TRUE	TRUE
Lima1	0.99	367	S	1.41	1.57	TRUE	TRUE
Lima1	0.69	371	S	1.41	1.57	TRUE	TRUE
Srrm2	0.97	1517	S	1.41	1.40	TRUE	TRUE