

Supplementary Table 1: QGRS/PQS sequences in SARS-CoV2 genome with overlap (forward strand)

QGRS/PQS sequences found (overlaps included) (Forward strand)

Position	Length	QGRS/PQS	G-Score
353	22	<u>GGCTTTGGAGACTCCGTGGAGG</u>	13
353	25	<u>GGCTTTGGAGACTCCGTGGAGGAGG</u>	16
353	25	<u>GGCTTTGGAGACTCCGTGGAGGAGG</u>	10
353	25	<u>GGCTTTGGAGACTCCGTGGAGGAGG</u>	7
359	19	<u>GGAGACTCCGTGGAGGAGG</u>	13
370	20	<u>GGAGGAGGTCTTATCAGAGG</u>	12
644	20	<u>GGTAATAAAGGAGCTGGTGG</u>	15
653	23	<u>GGAGCTGGTGGCCATAGTTACGG</u>	12
1462	27	<u>GGGTGGTCGCACTATTGCCTTTGGAGG</u>	6
1463	26	<u>GGTGGTCGCACTATTGCCTTTGGAGG</u>	6
1574	26	<u>GGTGTTGTTGGAGAAGGTTCCGAAGG</u>	18
2714	29	<u>GGCGGTGCACCAACAAAGGTTACTTTTGG</u>	10
3467	17	<u>GGAGGAGGTGTTGCAGG</u>	15
3470	28	<u>GGAGGTGTTGCAGGAGCCTTAAATAAGG</u>	10
4162	27	<u>GGTTATACTACTAAAAAGGCTGGTGG</u>	6
4261	29	<u>GGTTTAAATGGTTACTGTAGAGGAGG</u>	10
4262	28	<u>GGTTTAAATGGTTACTGTAGAGGAGG</u>	10
8687	23	<u>GGATACAAGGCTATTGATGGTGG</u>	14
10255	28	<u>GGTACAGGCTGGTAATGTTCAACTCAGG</u>	9
10255	29	<u>GGTACAGGCTGGTAATGTTCAACTCAGGG</u>	8
10261	30	<u>GGCTGGTAATGTTCAACTCAGGGTTATTGG</u>	9

10261	30	GGCTGGTAATGTTCAACTCAGGGTTATTGG	8
13385	20	GGTATGTGGAAAGGTTATGG	19
14947	28	GGTTTTCCATTTAATAAATGGGGTAAGG	4
15208	27	GGAACAAGCAAATTCTATGGTGGTTGG	6
15448	29	GGCGGTTCACTATATGTTAAACCAGGTGG	3
18296	23	GGATTGGCTTCGATGTCGAGGGG	9
22316	29	GGTGATTCTTCTTCAGGTTGGACAGCTGG	10
24199	30	GGGTACAATCACTTCTGGTTGGACCTTTGG	9
24200	29	GGTACAATCACTTCTGGTTGGACCTTTGG	10
24215	20	GGTTGGACCTTTGGTGCAGG	17
24268	24	GGCTTATAGGTTTAATGGTATTGG	19
25197	22	GGCCATGGTACATTTGGCTAGG	17
25203	28	GGTACATTTGGCTAGGTTTTATAGCTGG	14
25951	29	GGTGGTTATACTGAAAAATGGGAATCTGG	8
25951	29	GGTGGTTATACTGAAAAATGGGAATCTGG	7
26746	30	GGATCACCGGTGG AATTGCTATCGCAATGG	7
28781	29	GGCTTCTACGCAGAAGGGAGCAGAGGCCGG	9
28781	29	GGCTTCTACGCAGAAGGGAGCAGAGGCCGG	8
28881	28	GGGGA ACTTCTCCTGCTAGAATGGCTGG	3
28903	15	GGCTGGCAATGGCGG	18
29123	19	GGAAATTTTGGGGACCAGG	14
29132	26	GGGGACCA GGA ACTAATCAGACAAGG	7
29234	30	GGCATGG AAGTCACACCTTCGGGAACGTGG	11
29234	30	GGCATGG AAGTCACACCTTCGGGAACGTGG	10

Supplementary Table 2: QGRS/PQS sequences in SARS-CoV2 genome with overlap (reverse strand)

QGRS/PQS sequences found (overlaps included) (Reverse strand)

Position	Length	QGRS/PQS	G-Score
165	22	<u>GGCCTCGGTGAAAATGTGGTGG</u>	13
2987	29	<u>GGTCTGGTCAGAATAGTGCCATGGAGTGG</u>	9
6822	30	<u>GGTTGGTAACCAACACCATTAGTGGGTTGG</u>	6
6822	30	<u>GGTTGGTAACCAACACCATTAGTGGGTTGG</u>	5
11420	28	<u>GGTGTTTAAATTGATCTCCAGGCGGTGG</u>	4
11440	25	<u>GGCGGTGGTTTAGCACTAACTCTGG</u>	7
13136	19	<u>GGTTAAGTGGTGGTCTAGG</u>	16
13944	27	<u>GGCCCCTAGGATTCTTGATGGATCTGG</u>	16
13944	28	<u>GGCCCCTAGGATTCTTGATGGATCTGGG</u>	17
13952	25	<u>GGATTCTTGATGGATCTGGGTAAGG</u>	16
13952	25	<u>GGATTCTTGATGGATCTGGGTAAGG</u>	15
13952	29	<u>GGATTCTTGATGGATCTGGGTAAGGAAGG</u>	16
13952	29	<u>GGATTCTTGATGGATCTGGGTAAGGAAGG</u>	17
13952	29	<u>GGATTCTTGATGGATCTGGGTAAGGAAGG</u>	13
13952	29	<u>GGATTCTTGATGGATCTGGGTAAGGAAGG</u>	8
13952	29	<u>GGATTCTTGATGGATCTGGGTAAGGAAGG</u>	7
13963	18	<u>GGATCTGGGTAAGGAAGG</u>	19
13963	18	<u>GGATCTGGGTAAGGAAGG</u>	18
16623	27	<u>GGATTTGGATGATCTATGTGGCAACGG</u>	14
19865	21	<u>GGTGATAGAGGTTTGTGGTGG</u>	15

19865	25	<u>GGTGATAGAGGTTTGTGGTGGTTGG</u>	19
19865	25	<u>GGTGATAGAGGTTTGTGGTGGTTGG</u>	15
19865	25	<u>GGTGATAGAGGTTTGTGGTGGTTGG</u>	8
19874	16	<u>GGTTTGTGGTGGTTGG</u>	17
23877	17	<u>GGATATGGTTGGTTTGG</u>	19
23883	26	<u>GGTTGGTTTGGTACAAGATCAATTGG</u>	10
25003	16	<u>GGTGGAAATGTGGTAGG</u>	17
27432	24	<u>GGGGCTTTTAGAGGCATGAGTAGG</u>	13
29867	23	<u>GGTTGGTTTGTACCTGGGAAGG</u>	13
29867	23	<u>GGTTGGTTTGTACCTGGGAAGG</u>	12