

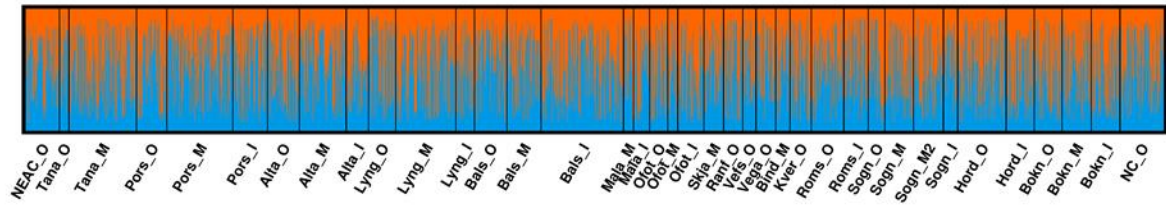
Supplementary materials

Assay	SNP_ID	2nd-PCR	1st-PCR	UEP_SEQ	EXTI CALL
W1	8-66	ACGTTGGATGIAAACCTTCACCTACTCCC	ACGTTGGATGGATTCAITCTGAGAAGAGCC	CTACTCCCCCAITTTG	C
W1	7-52	ACGTTGGATGTGTGTTAACAGGACTGCTGG	ACGTTGGATGTGTGTTAACATCCCCACTTGC	ATCAGATGTCAACCCAC	A
W1	14-201	ACGTTGGATGAAGTGTGTTAGTGGTGGTGG	ACGTTGGATGACCATGAAGAGGTTTCATGGC	GCACAAAGGTACAGAAAG	C
W1	8-194	ACGTTGGATGCGAGGCTGCTTAGTCAITTTG	ACGTTGGATGACGACGCCAGGATTTATCTC	CGCTGCAAAATCTGCTAA	G
W1	8-60	ACGTTGGATGAAGCAAAGTGCAGCCTTTCC	ACGTTGGATGGGAAAATGCTGCACAATAGG	GGTACACACTACAGGAG	T
W1	1-13	ACGTTGGATGGTGACTTAGGTGAGAAAACG	ACGTTGGATGATTGCTACGGAGGTGACTG	gAAGGGATGTCAITGAGT	C
W1	1-6	ACGTTGGATGCTCTCCAGAACATACTGAG	ACGTTGGATGTTGGATCTGCAGACCCITG	TCTCCTTGCAATGTGCA	C
W1	12-75	ACGTTGGATGTTGAGTAGTTAGGACCGTAG	ACGTTGGATGTTGGGCTGATCTACCAAAG	TTAGGACCGTAGTGTACTG	C
W1	3-81	ACGTTGGATGCTTGTCTTCTGTACAGAGG	ACGTTGGATGTGAGCACTTACTGTGAGAG	ttTTCCTCCCTGTTTGAA	C
W1	8-63	ACGTTGGATGGCGAGAAATAGAAGGAAAGGG	ACGTTGGATGTTCAAITGCTGCAGTGGGAC	GGACATAATGTCTTGTATTG	G
W1	11-200	ACGTTGGATGCACCTCACATGGCCTAAATA	ACGTTGGATGAGCTCTGCATGTCTTAAAC	gGGACAGATAAAAACGGTAGA	C
W1	15-147	ACGTTGGATGTAGCATGACGCTACGCTAAG	ACGTTGGATGAAGCGCTCCATGCTATATG	tGAAGACAAACTATCGCTAAA	G
W1	5-92	ACGTTGGATGCTTTGGCCGTCCTTACAAAAC	ACGTTGGATGGGTACAAAGATAATATGCTG	GGCCGTCCTTACAAACTATACC	C
W1	11-129	ACGTTGGATGCTTGTCTCCGGCAACAAGAAC	ACGTTGGATGTGGTCTGTGTGGTATGGTTC	ttCTCCAGCCGCTCTGGACCA	A
W1	16-151	ACGTTGGATGGGCTGTCTTTGTATCCATGC	ACGTTGGATGGATACGTTGGAAGACAGGAC	ggTGTATCCATGCAATACAAAAC	A
W1	8-230	ACGTTGGATGTGAGCGTTCAAAGGAAGGAGG	ACGTTGGATGGAATCGAACGCAAACTAGGG	AAGGAGGGCTGCGTGAACGAC	C
W1	7-51	ACGTTGGATGGGCATGTTATGCGCAACACAG	ACGTTGGATGCGAGTCTGCTATGAGTGG	AAACAGCAGCCAGCAGTACATG	A
W1	16-204	ACGTTGGATGTGAAGATAGACAGGAGCTTG	ACGTTGGATGCACACTCACACAGACTACAC	GATAGACAGGAGCTTGTATTTTG	G
W1	11-245	ACGTTGGATGTCTGCTATGGGTTTCATAC	ACGTTGGATGGCAGTGGATATATTCATCAG	TACATTACACTTTAACTGCTCTG	A
W1	1-11	ACGTTGGATGAATGCCCTTCTGGAAATCTC	ACGTTGGATGATACCAGTAGGATTGCCAGC	GCCCTTCTGGAAATCTCAGTTATT	C
W1	23-185	ACGTTGGATGGGTGCATGCTGCGTAGATAT	ACGTTGGATGGTTCGGGTTTTTATCCAG	aaATGCTGCGTAGATATAAGAAAA	C
W1	13-248	ACGTTGGATGTGACGCTACAGAAACACTGG	ACGTTGGATGAGGGAAACAACCGCCTCAG	ACAGGAGCAGCGTGTGGAGCTCG	G
W1	18-161	ACGTTGGATGTGATCCGATCCACCTGAACG	ACGTTGGATGATTCCAGATTTGAGGTCGG	CGCAGACCTCACAGGGATGTGCG	C
W1	17-206	ACGTTGGATGACTTTCTCGGTAAAGAGCCC	ACGTTGGATGAAAACCAATTGGGTTTGTGG	CCTCCGCTTCTAACCTGTATAATG	A
W1	20-232	ACGTTGGATGTCTACCGAAGTTTGGAGAC	ACGTTGGATGTCTGCTCTCATACAGAGTC	GATTAATAACTATACTGCAACAAAT	C
W1	2-28	ACGTTGGATGGGAGTAGGAGCCACCTATG	ACGTTGGATGCTTCTCCAGGAGATGAACC	AGGGGAGCCCTTCAGGGGCGCGCTT	C
W1	1-5	ACGTTGGATGACGAGACCGTTGTTAATTGAG	ACGTTGGATGCAAGATTACCCATCTCCCTG	gGTATTGAGATAGAGACACTGCAAA	T
W1	9-111	ACGTTGGATGTCTATACTACACAGTACCCG	ACGTTGGATGACCAATTGTGGACAACCAAAAC	TCTATACTACACAGTACCCGATACTT	C
W1	1-1	ACGTTGGATGTCCATGGAGGGAAAGTGAAG	ACGTTGGATGAGAACGGAATGATGGACCAC	ttATGGAGGGAAAGTGAAGAGTGTIT	C
W2	2-24	ACGTTGGATGGCCAGTAAATTAAGCGTGTGC	ACGTTGGATGTGGAAAGCAGAAAAAGTGGG	TCTACACCATCTCCCA	C
W2	7-53	ACGTTGGATGTTTCTAGCAITACGGCGAGGG	ACGTTGGATGATGTTCTCGTGTGCTGTTG	ATAAACGACCCCACTC	G
W2	18-162	ACGTTGGATGCTAGGGTTAAGGCTAATTCAG	ACGTTGGATGGCATCTTTCATTTGGGTGTAAG	GATGTTTTCGGCCAAAAG	C
W2	7-30	ACGTTGGATGAGTCCAAGCGCTGTGCCATC	ACGTTGGATGTGAACCTCATCTGGGTAACG	tGCGTGTCCATCTCTGAC	A
W2	5-192	ACGTTGGATGTTCTTCTGCTGTGTGTGTC	ACGTTGGATGCGCTATGCTCACAAGAAAAC	TGACCGTGGGCTATCA	G
W2	7-48	ACGTTGGATGAGCGGCAAGTAAAGGGTTTG	ACGTTGGATGCGGTATACTCCACTCTGAC	AGGGTTTTGGGAATGTGTG	C
W2	7-50	ACGTTGGATGCTTAATGGAATCAGTGCATC	ACGTTGGATGTTCTCTGCAAGATGGCTTC	TCAGTGCATCTCTCACT	T
W2	7-38	ACGTTGGATGTGTTCGGAAAGTCTGGATG	ACGTTGGATGCAGATCTTGTATGACGTGGC	acGCGGTACGCTAGATGA	G
W2	2-213	ACGTTGGATGTGGCAGATAGCTCATCATC	ACGTTGGATGTGCAGGTTCCATAACAGAG	TCCGTAGCTCTTAACTGACA	G
W2	23-221	ACGTTGGATGGCTTCTCACCACAGAAATACC	ACGTTGGATGTCCAGGAAATGTCAAGAGG	CAGAAATACCACAATTGAAACA	C
W2	6-99	ACGTTGGATGCTTGGCCACACTCATCCTTG	ACGTTGGATGCACACTCCTCACAAGAAC	ggGTGTGTGACTGTGGCTTG	G
W2	3-77	ACGTTGGATGCATAAGATAGTCCAAAGCTG	ACGTTGGATGCTGCTCTTTTATGTAATC	tgCCAAAAGCTGACAATGTATG	C
W2	2-22	ACGTTGGATGCACAGAACACATCGTTCCACC	ACGTTGGATGAATCTATGTGGATGGGAGGG	tTAGAGCAGATCAGAGATAC	A
W2	19-168	ACGTTGGATGCTGGTGAAGCTTACCAAC	ACGTTGGATGTGAGAACATCTTGGCCG	atCCTTACCAACTCCAGTGCAT	G
W2	9-112	ACGTTGGATGCGATGTGGAACTTTACATTC	ACGTTGGATGGTTTTGGCTTAAACAATAT	gTAAGTCCCAAACTTTACAAC	G
W2	8-65	ACGTTGGATGGTCAITTCATTTGGTCTCTG	ACGTTGGATGTTACACACGTGATCTCTGG	GGTGGCTCTGAGATTAATAATA	G
W2	22-211	ACGTTGGATGTGACACACCGTAACCATGAC	ACGTTGGATGACTTTACTGTTGGCAACCG	CCGTAACCATGACGATGACCTGT	G
W2	11-197	ACGTTGGATGAATTTGGTACCAGGCTAC	ACGTTGGATGTGTCATTTGCTTGTGGTGG	agAAGAAAACACTGAACAAAAGAC	T
W2	6-101	ACGTTGGATGACGAGTACGTTCTCCCTTAC	ACGTTGGATGAGGCTTGTGTGGTCTCTC	ccGTACGTTCTTCTTACATGAC	C
W2	19-234	ACGTTGGATGGTGAATTAATGGCGGGAAAC	ACGTTGGATGCGAATCTCTGCAACGAAAC	TATGTTCTAGTCTAATGAGTTTAC	G
W2	11-126	ACGTTGGATGTACTTAGGGACTCCGTAGAG	ACGTTGGATGATCCCTGCAACCCGATAAAC	ACTCCGTAGAGAGACGTTCCAGGG	T
W2	4-217	ACGTTGGATGGCTGACTCAGGGTGTATTTC	ACGTTGGATGCTGTGACAGAGAGGAGATAAGG	aAGGGTGTATTTCTATGAGAAAAA	C
W2	19-208	ACGTTGGATGCTTGCAGTCAATTGTTGGC	ACGTTGGATGCAGTGGGCACATTTGGAAG	cTGGCATAGATGTTCCAGTTTCAT	C
W2	23-186	ACGTTGGATGCATCTATCCACCCAAACACC	ACGTTGGATGAGAACTCTGAGTCTCAGGC	cCACCACAGAACGTTCTATGTGCTG	C
W2	2-249	ACGTTGGATGTGCAACACTAGTCCACAGATG	ACGTTGGATGGGCGCAAAATATCAACACCG	gAACACTAGTCCAGATGATATAATA	G
W2	9-196	ACGTTGGATGATGGAACAGAAAGTATAGCTC	ACGTTGGATGGAGGACATTTTATGCCGGT	GGAAACAGAAATATAGCTCATTATTA	G
W2	5-95	ACGTTGGATGTATAAGAGGGGCTACTCTC	ACGTTGGATGATCCCTAGTCCACAACACAGC	cGCTCTACTCCATACCTAAAAACTAA	C
W2	19-237	ACGTTGGATGGGCTTGGCCTAATCTAGTTC	ACGTTGGATGTTATCCGAAAACACACCCGCC	ACCTTATTTCTATTGGTTCCTGCCAT	G

W3	4-89	ACGTTGGATGGTATGTCGTCTGTGCCGGA	ACGTTGGATGTACCAATCATCTGTCTCTC	CAGTTGCTTCCACTG	G
W3	7-36	ACGTTGGATGAAATATGGTCACTGAGAGGG	ACGTTGGATGTCAGGAAATTAACAATCAAAG	GCAGTTCTTTTAAAGC	G
W3	13-136	ACGTTGGATGATATAAGCCAGCAGAGCAGAG	ACGTTGGATGGTGAAGCTCCCTTGGAGCAG	CAGAGCAGAGGAGAGGC	A
W3	9-114	ACGTTGGATGGTACAGCAGCTCTGTTCAAGC	ACGTTGGATGCTAAATGAGCTTGGAGTGGG	AACATGGTAAATAGCCAC	G
W3	7-55	ACGTTGGATGGCAATTTGCTCTTCTGTCTC	ACGTTGGATGTATGGATGGAGAGCAITTC	CTCTGTGTCTGCGCTCT	C
W3	15-148	ACGTTGGATGGTGGATCGGTGGTTGAC	ACGTTGGATGGCAAACCTCACACTGTGCTG	ccGGTCATCATCGGCTTG	G
W3	17-156	ACGTTGGATGGTCAGTTATCTGCTGAGATGG	ACGTTGGATGGCATTACGACACAAATGCAG	acTCTGAGATGGAGGATA	C
W3	13-138	ACGTTGGATGGTGGATACGGTTCAATGTAAG	ACGTTGGATGGGGATTTCAAACGATGGTG	ggGTTTCATGTAGGCTAGAC	T
W3	10-122	ACGTTGGATGAACTGCTGTGTTTCAAAGG	ACGTTGGATGGGAAAAGGTAACACCTCTG	TTGGTTATGGCGCACTTAA	G
W3	7-31	ACGTTGGATGGTGGAGAGATGAAAGGTC	ACGTTGGATGTTTACGGAGTTGCAAAAAGCC	caATGAAAGTCTTCAAGTCG	A
W3	23-225	ACGTTGGATGGTGGACAGAGTTTGGAGAG	ACGTTGGATGGCTCTCTGCTTGGTGTAG	aaGTTTGGAGGGTATAGTA	T
W3	23-179	ACGTTGGATGGTTCGCGGGTCCCGATCTT	ACGTTGGATGGTGTACTTGGAGCAGGGG	cGGTCCCGGATCTTCAAACC	A
W3	6-96	ACGTTGGATGGTACTGAAAGGTTGTGTGCTG	ACGTTGGATGGTGGTCCACTTGGAGCATTAG	GTGCTGCAAAAACATGAAACAAG	T
W3	15-149	ACGTTGGATGGTAACTAGGTTCACTGCTG	ACGTTGGATGGACTTCTCTGACACTGCTG	ACTGCTGATTTCTCATGTGCTCC	T
W3	11-127	ACGTTGGATGGTCAAGGTAAGTTCAGAAAC	ACGTTGGATGGTAGCAGCTTGGGGTTCAATC	GGCAAAAACAAAGAGCCAAAATTC	C
W3	1-10	ACGTTGGATGGTGGTAGCATGGTAAATCG	ACGTTGGATGGTGCATGGATGACTCTTGG	tgTGGTAAATGGAAATAATCT	G
W3	12-71	ACGTTGGATGGTAGGCTCACATCAAAGTGGC	ACGTTGGATGGTGCACAGAGAGTAAGACAG	CTGCATCAAAGTGGCATTACA	G
W3	1-2	ACGTTGGATGGTACTGGATGGATGGTGCAC	ACGTTGGATGGTGCAGGCAATTAAGTCTGA	TGGTGGCAGGAGATATCAAAT	C
W3	7-36	ACGTTGGATGGACGCTTTGCTGAGTGTG	ACGTTGGATGGTGTGCTGTGTATGGTGC	TGTTGGTGGACAAGGATGTAGTC	C
W3	12-250	ACGTTGGATGGAAAGGTTAGAGATGCTGTC	ACGTTGGATGGGCCATCAGCAATGATCTG	CTGCTTTTGGAGATACAGGCCAAA	G
W3	1-4	ACGTTGGATGGAAATAGCAGTGGCAGAAAGG	ACGTTGGATGGATCATCCCTTTTGGAAACCC	gTAACAGTTCAATGATAGGAGAGAG	C
W3	7-45	ACGTTGGATGGTCTTCAATGATAAACCTGCC	ACGTTGGATGGTGGATCAAGTTTGGCATGG	ctTTCATGTATAAGCTGGCAACACT	G
W3	3-214	ACGTTGGATGGCAGCAGACTGTGATAGGTTT	ACGTTGGATGGGCTCATGGAGCAGAAAGTTC	egCAGATCTGATAAGTCTTCTTCA	A
W3	13-137	ACGTTGGATGGTCTGTATGACACAGCCTTC	ACGTTGGATGGTGGCTCTCTGTCTGAGGTTT	gTGTAGTATGCAATAGCAAAAATTC	G
W3	3-239	ACGTTGGATGGCAITTCAGTCTCCAGGTTGGC	ACGTTGGATGGATAGATGGCTGATGGAG	acCTGGTGGTGAACAGAAAGCCCT	C
W3	16-154	ACGTTGGATGGGCTGGATATAGATAGACAC	ACGTTGGATGGCTGTGTGTTATCTTAAAGCTC	GGTGGATATAGATAGACACTAGACAT	C
W3	22-210	ACGTTGGATGGTTTTCCAGGGTGGCTTCTC	ACGTTGGATGGAGGTTGTGTGTGGTAAAGG	caAGGGTGGCTTCTCATTTCTATCTAC	A
W3	7-58	ACGTTGGATGGAAAGATGGCAGTCTCTTGGC	ACGTTGGATGGCAGGATCAAGTTTGGGCGAG	haTGTCAAATATGATTTTTTTTTCC	T
W4	19-233	ACGTTGGATGGTGTGTTTCTGCAAGGCAAAAC	ACGTTGGATGGCTCTCTCTTGGCAGTACTTC	CAGCATGGCCAGCAGCG	C
W4	16-153	ACGTTGGATGGATTTCTGTCAGCAGAGTGGC	ACGTTGGATGGACATGTTTTTCCATAGGGCC	CAGAGTGGGGAGGATCA	C
W4	10-115	ACGTTGGATGGCCAAAGCAGCAGATAACTC	ACGTTGGATGGCTTTGGCGAGAAAGTGTG	GTGCTTGGCTTTGGCTAC	A
W4	1-7	ACGTTGGATGGTGGAACTTTTTTCAGCAGAG	ACGTTGGATGGGCACTCTCCAGGTTCTTAAAG	TTGCTGAAAAAAGGCTTG	C
W4	21-222	ACGTTGGATGGTGTCTGCTGTTTGGCTAAG	ACGTTGGATGGAGTAAAGCAGCAGTAAAGTCC	GATATCTGGATGGTAAAGG	G
W4	20-171	ACGTTGGATGGCAGAGAACTGGAGGAGAG	ACGTTGGATGGCATTCTTCTTACCTAGAGGC	GGGCGAGGGTTTAAATGAG	G
W4	7-39	ACGTTGGATGGTCTTCTCTGAGGTTGGTGG	ACGTTGGATGGTCACTGCTCTTCACTCTCC	AGGTTGGTGGGCTTCAAGT	G
W4	12-68	ACGTTGGATGGACAGGTTGAGAGCAGGCTTTG	ACGTTGGATGGTGCACCAACAGTGGCAAAATGG	aaGGCTTTGGAGAGTGGT	T
W4	8-229	ACGTTGGATGGTGGGTTGCAATGGAGTAAAC	ACGTTGGATGGAGAAAGCAGTGGATGGG	TGCAATGGATAACTAGCCCT	A
W4	14-141	ACGTTGGATGGGCACTGAGAGAACTTAAAC	ACGTTGGATGGATGATGCAAAATGCTCAGC	GTGGCATCATGGGATACAA	C
W4	6-97	ACGTTGGATGGTGGCAGTGGACACAGATGG	ACGTTGGATGGTATGATGGAGTGGCAGAGC	gAGGTTCTCTTAAAGTCTGGC	G
W4	7-46	ACGTTGGATGGTGGGCTATCTTGTGCTGG	ACGTTGGATGGATCTGGAGTGGTTGTGGAGC	acGGGAGGGGTTGAGCAGCTTC	G
W4	11-128	ACGTTGGATGGAGGACAGGCTGGAGCTGGG	ACGTTGGATGGACACTTTCGGTGTGGTGG	aaGGGGAGGCTGGGGCTGCA	G
W4	7-34	ACGTTGGATGGACAGGTTGGACACATCATC	ACGTTGGATGGTGTAGGTAAGGATGGCTGG	tgGCATCATCTATAAGGGCCG	C
W4	12-70	ACGTTGGATGGGCGTATGGCTCATGTTTTG	ACGTTGGATGGAGCTAATTCTTGGGTAAGTGG	GTCAACCAAGCATAAAGGTTGTC	A
W4	12-241	ACGTTGGATGGCCACAAACTCTTCAATGGC	ACGTTGGATGGCAGGATGAAAGCAAGAGAG	gggTCAATGGCTTGAAGGTTAA	G
W4	5-90	ACGTTGGATGGCCAAAGCATGGTCAATTTTT	ACGTTGGATGGCCAGCAAAATGGAAATCTAATTT	cTTCATACATTTTCTGTFTT	C
W4	3-215	ACGTTGGATGGTCCAGGTTGAGAGAGAACG	ACGTTGGATGGTCCAAAGCTGGTCTTGTGG	gTGGGGTGGCTCTTTTGGGGGG	G
W4	8-47	ACGTTGGATGGTACTCTCTATAGCAGTGGC	ACGTTGGATGGCAGAGTGAATAGAGAGCTCC	cTCTCTATAGCAGTGGCTATAAA	C
W4	21-177	ACGTTGGATGGAGAGAGAGTCTCTGGATGG	ACGTTGGATGGATGGTCCCTGGAAACATTGAG	gggAGTCTCTGGATGGTGGATC	A
W4	10-121	ACGTTGGATGGACAGACTCTTGAACCAAGGG	ACGTTGGATGGTAGACATCTCACAGCCAAAC	ggAAAATCAGGGAAAAAATAGGATGT	G
W4	1-8	ACGTTGGATGGTCAGTGTCTTCACTTCAACC	ACGTTGGATGGTGTGGTGGTGGAGAAATTC	aTTCAGCATAAGCCACTTCAAGCTGG	C
W4	6-100	ACGTTGGATGGTTTTGGAGGAAAGCCAGGTC	ACGTTGGATGGCTTAAACAGCCACAGCCAGC	gTGGAGGAAAGCCAGTGGGCTGG	G
W4	19-166	ACGTTGGATGGATGACTCATAGGCTCAGC	ACGTTGGATGGACATCATGCTGGACAGCAGAG	aaGGGAAATGGTAACTATGGTGGATGA	G
W4	8-39	ACGTTGGATGGCTGGATACAAATGGCAAG	ACGTTGGATGGGTTGAAAGTCTTGAAGTCC	aaCTAAATAAACTTTGGCTGCAAT	C
W4	12-251	ACGTTGGATGGAGGGAAATGGCTTAAACCTG	ACGTTGGATGGTCTAGTAGGTTAGGTTACAG	ggTTTTTGGCTTGGTGAAGAAAGGGG	C
W4	13-139	ACGTTGGATGGTCTGACTGGTGAACATTGG	ACGTTGGATGGCCAGAGCAGATGTTAGTACA	gAAAATAGCTTAAAGCAATATATGTAA	T
W4	16-155	ACGTTGGATGGCCAAAGGGATATAAGAAC	ACGTTGGATGGCAGCTCTGACTTTTATGG	cAGATAATGGCATAAATATCTTCTAT	T
W5	9-195	ACGTTGGATGGTGGTGCAGACATAAGGTTGC	ACGTTGGATGGTGTGGTGCAGTTAAGAGGG	CATCCATGGTGGCATTG	G
W5	9-110	ACGTTGGATGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG	ACGTTGGATGGGCTTGGATGGCAAGGTTCTCT	AGGCTGGCAGAGCAGAG	A
W5	2-26	ACGTTGGATGGTCAATGAGCAGGAGGTTGC	ACGTTGGATGGAGAGAGAGAGCTGGAAAGAG	TGGGCAAGGGGTTGGAG	C
W5	14-140	ACGTTGGATGGGTACAATTAACAATGGCTCC	ACGTTGGATGGTGTAGGGCCAGTTATGGTGG	GGCTTAAAAAGGCAATTTG	G
W5	16-152	ACGTTGGATGGTACAGATCAGCAGAGAGAGAG	ACGTTGGATGGATGGAGAGGCTGGCCATTAAG	aaGTTGGGGCTTAAAGGAGA	G
W5	4-218	ACGTTGGATGGTGGCTATGATCTAAATTC	ACGTTGGATGGGATACTTCCAAATGGAAAGG	gCTGGTAAAGGAAAGGAGA	A
W5	12-73	ACGTTGGATGGTGGCCAGATGGTATGGAAAG	ACGTTGGATGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG	ATGTGCTAATCTTGGTGTG	C
W5	20-170	ACGTTGGATGGCAGTGGCTTTTCCAGGTTCC	ACGTTGGATGGTGTATGGTGGTGGTGGGAG	acTTCAGGCTCTTGGCTGGA	C
W5	7-40	ACGTTGGATGGTGAACAGCACTGTGTCAAGG	ACGTTGGATGGTCCAGCAGATGGTGGCAATAC	GGTGGGGCTGACTTAAAGGGA	G
W5	20-220	ACGTTGGATGGTAAATGCTCCCTGAGCTCC	ACGTTGGATGGAGAAACAATCCATAGAGAGAG	ggGAGAGCTGCAAAAAGTTA	C
W5	12-248	ACGTTGGATGGTGGTGGAAAGGATGGAGAG	ACGTTGGATGGTGGCAGGACATGGTAAATG	TTGGATTAATAGGCTGGTCA	G
W5	3-78	ACGTTGGATGGATTCAGTCTTGTGTCTGGCC	ACGTTGGATGGTAGAGGGCTGGAGATGGTGG	caGGTGTCTGGCTGGGGT	A
W5	4-189	ACGTTGGATGGGTTGGCCACACTTTTTGGT	ACGTTGGATGGTCAACAGAGATGTAAGTGG	cccaACACTTTTTGGTCCAGGT	G

W5	15-146	ACGTTGGATGGTTTCAAATGAGGAGCCAGC	ACGTTGGATGATCCCGAAAGTGTACAAAAG	aggcGCCAGCTGGATAAAGTCT	C
W5	4-228	ACGTTGGATGCACTGAAAGAAAGAGACGGG	ACGTTGGATGTTACCAGTGGTGGACACTC	ccctGCCCCCCCAGCAGATGGT	C
W5	11-199	ACGTTGGATGTTCTGACACAAATGCTTCTAC	ACGTTGGATGAGGCTACATGTTGCCCTCTG	TGACAACCACTTTAGATATGTCT	C
W5	7-57	ACGTTGGATGGCAGGCATGTTTGTGAACAG	ACGTTGGATGATCTGCCFLACAATTGCCGAG	acgggCGTGLACGACTCGTACTG	C
W5	4-88	ACGTTGGATGAGGCATGTAGGAGTAGAAGG	ACGTTGGATGTCCATGCCCATCTACACCTT	ggAGGAGTAGAAGGCGTGTGC	C
W5	8-62	ACGTTGGATGCACCTGTTCTCTACACAAAAGA	ACGTTGGATGGGACCCAAATGTATTCTGT	ctcgCTACACAAAAGAACAGAGAAAT	T
W5	9-109	ACGTTGGATGTGCACCTGATGCTAGTCTG	ACGTTGGATGCCCTAAGAAAGGTCTTACCAC	ggcgGATGCTAGTCTGAGCTCGGT	C
W5	3-82	ACGTTGGATGAGGCCCTCTGCAATTTGAATGG	ACGTTGGATGGGAAGGAAGAGAGGAGTTAG	ccctGCCCTTTTGCATGTCTGCTTGT	C
W5	8-64	ACGTTGGATGTCTACCAGATGATTGGTTCC	ACGTTGGATGCTCCCTTCTCTCAAGTAAATG	ccacTGGTTCCTTATACTGTTTAAAT	C
W5	2-18	ACGTTGGATGCCCTTCTACTGACGGTGAATA	ACGTTGGATGTACTGTCCGAAAACGGTTC	ggccCTGACGGTGAATAACTATGTA	C
W5	12-69	ACGTTGGATGGAAACACATTAATGCTTCCCTC	ACGTTGGATGAAAGCAGATGATTATCACAGC	tcctTTAATGCTTCTCATATCTTTT	C
W5	4-188	ACGTTGGATGCATAGAGTAAATCATGAGG	ACGTTGGATGACATGCTAACCCTGTGTACC	ggTCATGAGGTTAATAAACCCCTGTTA	C
W5	23-184	ACGTTGGATGAGTAACTCAATAAAGCGCTG	ACGTTGGATGGGACTATATCAACAGFLAGG	CGCTGTAACATGAAACGATTAAGTATG	A
W5	2-25	ACGTTGGATGGTACCTCTTCCAAGTACTTT	ACGTTGGATGTATGTGCACATGCAGAACGG	ccacCTCTTCCAAGTACTTTAAAATC	G
W5	7-37	ACGTTGGATGCAGCGGLAAAAACAATGTCC	ACGTTGGATGCCACTGTTCGTGATTTGGG	ccgCATCATAGTACCTATGGTATATT	C
W6	10-120	ACGTTGGATGATCTCTAGCCAGAGCCCTGT	ACGTTGGATGTAGACCAGAGATGAAAGGG	GCCTCTGTCTTGGCCC	G
W6	19-167	ACGTTGGATGATCAATCGCCCTGTTTGGTC	ACGTTGGATGGCTTTCGCAAGACCACCAAC	TGGTCCGCTCTCTGCG	G
W6	18-160	ACGTTGGATGTCTGGACGTCGCCGATGAAAG	ACGTTGGATGACTACAGTGTCTGAGAAAG	AGCGAGCTGTTTGTGGA	C
W6	15-236	ACGTTGGATGCAGGTGTGTGAGCTGCTGG	ACGTTGGATGTCTTACATGTGGAGTCTCTG	aTGCTGGCCACACAGAAC	C
W6	15-203	ACGTTGGATGAGAGCCAGCGTAACTGAAAC	ACGTTGGATGGAAAGAAAGTGCAGTGCAGG	cCAGGGAGACACGCTTGA	C
W6	1-3	ACGTTGGATGAAAGTCCAAAAGGTTGGACAC	ACGTTGGATGTGTGTGTTTGTGTGCGTG	TGGACACCCCTCTCAAT	T
W6	7-44	ACGTTGGATGTGAGTTGGACATGAACCGAG	ACGTTGGATGCAGCCACATTTACACATGCC	TGAAACCGAGTTTGTGGCT	G
W6	10-116	ACGTTGGATGATCGTTAGCAAGGGATTCCG	ACGTTGGATGCTTCCCTGTGTCTGCAATTC	AAGTAAAGTATTGCTTGGC	T
W6	4-191	ACGTTGGATGTACATGCAGCCCCAGTCAAC	ACGTTGGATGGACGACGATGTTTCTTATC	CCCCAGTCAACAGGTGCCCA	G
W6	11-123	ACGTTGGATGTCTCTCAGGACTCGGTGAAC	ACGTTGGATGTGCTTCTCTGATGAAGTCTCT	ccACAACGTGCTGCTGCCGC	A
W6	9-113	ACGTTGGATGATCGACTGAAACGCTTGAATGG	ACGTTGGATGCAGGATTCCTCACTCTG	gggAGACAGGTGAACGTGACC	C
W6	14-143	ACGTTGGATGCCGCAATGGAATAGAAATAC	ACGTTGGATGCAACAACCCGACTACTATAAC	AGAAATACACACCAAATACAA	G
W6	22-180	ACGTTGGATGGCTGGGATGTAATTTAGATACG	ACGTTGGATGCACTGCACACCAATGATCTG	CGAACGTAGGTTTAAAAAAA	C
W6	7-42	ACGTTGGATGCTGGAAACGCAATATCTCTG	ACGTTGGATGTAGGGATAAACCATCAGGGC	gggaTACCAGGGAGATTGGA	G
W6	1-12	ACGTTGGATGGGGACACACAAAATCTCTG	ACGTTGGATGCCCTCAGGTTTTTTGGATCAC	AACCTTATCACTGTGAAAATGA	C
W6	18-246	ACGTTGGATGAAATCACAAGGCCACCCAGG	ACGTTGGATGTTAGCGTCGACTAATATTCC	cccaAGGCCCCCGCTCGTCCGTT	G
W6	23-212	ACGTTGGATGGGCAAGGATCAGTGACATAG	ACGTTGGATGCTAGTTTTTCTGCAGCAAAAGC	TCITTGAAAAACAACACTACTGAT	G
W6	16-150	ACGTTGGATGCAGAAACAAATAGAAAACAGC	ACGTTGGATGTGGTTTTGGTGGAAACAAGAGG	ttCAAATAGAAAACAGCTTCAAT	A
W6	12-76	ACGTTGGATGTTCTTACATGGTTTCAATGGG	ACGTTGGATGCCCTTATAGGACGCTTTGCAC	gggAAGGTATCTCAGAGTCTTTG	C
W6	7-41	ACGTTGGATGCCATCAAGAAATAGCCTAAAG	ACGTTGGATGATCCCGGCTTTGTTTTCTG	ggggTAGCCTAAAGGATTAACCTGC	T
W6	2-14	ACGTTGGATGTAGACATGTACCCCGACTTC	ACGTTGGATGGTGGAACTCACATCTCTCAG	taccTGTACCCCGACTTCTCCGACG	G
W6	6-98	ACGTTGGATGTACAGAAAGACCTTAAACCTC	ACGTTGGATGCCAATTAGAACCAATTTGCAG	ctcAGGACCTTAAACCTCTAAAGT	G
W6	22-181	ACGTTGGATGCGTCAATCTATGGACTCGG	ACGTTGGATGATCTTCTATGGGAAACAAG	GACTCGGATACATAGATATATAACG	G
W6	7-193	ACGTTGGATGGTATGCTACGAGGTTAATG	ACGTTGGATGATGAAGGCCCTTACTACAG	tAAACATGATACAGAAATTAAGTTAC	T
W6	21-209	ACGTTGGATGGACCTCAGTAGGGAGGAATC	ACGTTGGATGCCAAACTGTACCATGCAAC	gggAGAATACACAAAACATCAAATG	G
W6	19-165	ACGTTGGATGATGTCAACTGATAACGCAAG	ACGTTGGATGCCAGTCAATTTTTTTGAG	ggAATTAATGATATTTTCAGGGATT	C
W6	18-207	ACGTTGGATGGTATAATTTGCAATTTATGCTC	ACGTTGGATGTGGACACATGAAACTGC	ccTTATGCTCTTAAATTTCTCTGTAC	A
W6	22-183	ACGTTGGATGTGACGCTCACCTGGTGGTC	ACGTTGGATGAGCTTATCAGAGCCAGCAG	cttaaGGTCACTTGGTGGTCACTGCC	A

Supplementary Figure 1 Primer sequences for all SNP assays.



Supplementary Figure 2 STRUCTURE plot of Neutral markers with K=2a)

