

Supplementary Table 1. 792 genes used for common inherited eye diseases on the Target\_Eye\_792\_V2 chip.

No	Gene	OMIM	No	Gene	OMIM	No	Gene	OMIM	No	Gene	OMIM
1	<i>COLEC11</i>	612502	201	<i>FRAS1</i>	607830	401	<i>RGS9BP</i>	607814	601	<i>ARSE</i>	300180
2	<i>ATF6</i>	605537	202	<i>GRIP1</i>	601993	402	<i>SLC4A4</i>	603345	602	<i>EBP</i>	300205
3	<i>CNGA3</i>	600053	203	<i>FREM2</i>	608945	403	<i>TIMP3</i>	188826	603	<i>GNPAT</i>	602744
4	<i>CNGB3</i>	605080	204	<i>FRMD7</i>	300628	404	<i>ABCC6</i>	177850	604	<i>CNTN1</i>	600016
5	<i>GNAT2</i>	139340	205	<i>COL8A2</i>	120252	405	<i>RDH5</i>	601617	605	<i>RAD21</i>	606462
6	<i>PDE6H</i>	601190	206	<i>TCF4</i>	602272	406	<i>PAX2</i>	167409	606	<i>SMC1A</i>	300040
7	<i>MPZ</i>	159440	207	<i>ZEB1</i>	189909	407	<i>WDR19</i>	608151	607	<i>ALDH18A1</i>	138250
8	<i>HMCN1</i>	608548	208	<i>GALK1</i>	604313	408	<i>KCNV2</i>	607604	608	<i>ATP6VOA2</i>	611716
9	<i>TLR4</i>	603030	209	<i>GALE</i>	606953	409	<i>CACNA2D4</i>	608171	609	<i>EFEMP2</i>	604633
10	<i>CST3</i>	604312	210	<i>GALT</i>	606999	410	<i>CLCN7</i>	602727	610	<i>LTBP4</i>	604710
11	<i>CX3CR1</i>	601470	211	<i>ANTXR1</i>	606410	411	<i>HFE</i>	613609	611	<i>PYCR1</i>	179035
12	<i>CFI</i>	217030	212	<i>GBA</i>	606463	412	<i>ASRGL1</i>	609212	612	<i>PRX</i>	605725
13	<i>C2</i>	613927	213	<i>ROBO3</i>	608630	413	<i>CEP164</i>	614848	613	<i>DBH</i>	609312
14	<i>CFB</i>	138470	214	<i>ASB10</i>	615054	414	<i>GFAP</i>	137780	614	<i>ADAR</i>	146920
15	<i>C9</i>	120940	215	<i>GLB1</i>	611458	415	<i>ZFYVE26</i>	612012	615	<i>EMD</i>	300384
16	<i>FBLN5</i>	604580	216	<i>GM2A</i>	613109	416	<i>MIR204</i>	610942	616	<i>LMNA</i>	150330
17	<i>CFH</i>	134370	217	<i>HEXA</i>	606869	417	<i>RDH11</i>	607849	617	<i>SYNE2</i>	608442
18	<i>ERCC6</i>	609413	218	<i>MLPH</i>	606526	418	<i>TUB</i>	601197	618	<i>LAMA3</i>	600805
19	<i>HTRA1</i>	602194	219	<i>RAB27A</i>	603868	419	<i>ITM2B</i>	603904	619	<i>MYH11</i>	160745
20	<i>ARMS2</i>	611313	220	<i>OAT</i>	613349	420	<i>RBP4</i>	180250	620	<i>MYLK</i>	600922
21	<i>C3</i>	120700	221	<i>JAM3</i>	606871	421	<i>LAMA1</i>	150320	621	<i>PRKG1</i>	176894
22	<i>JAG1</i>	601920	222	<i>ACVRL1</i>	601284	422	<i>TREX1</i>	606609	622	<i>ASAHI</i>	613468
23	<i>NOTCH2</i>	600275	223	<i>ATL1</i>	606439	423	<i>PANK2</i>	606157	623	<i>PORCN</i>	300651
24	<i>COL4A4</i>	120131	224	<i>HPS1</i>	604982	424	<i>PRKCG</i>	176980	624	<i>FMR1</i>	309550
25	<i>COL4A5</i>	303630	225	<i>AP3B1</i>	603401	425	<i>TRNT1</i>	612907	625	<i>CTSA</i>	613111
26	<i>ALMS1</i>	606844	226	<i>HPS3</i>	606118	426	<i>ABHD12</i>	613599	626	<i>APC</i>	611731
27	<i>TP63</i>	603273	227	<i>HPS4</i>	606682	427	<i>MT-TP</i>	590075	627	<i>KIF1BP</i>	609367
28	<i>FGF10</i>	602115	228	<i>HPS5</i>	607521	428	<i>ANAPC1</i>	608473	628	<i>AGXT</i>	604285
29	<i>SLC2A10</i>	606145	229	<i>HPS6</i>	607522	429	<i>EMC1</i>	616846	629	<i>GRHPR</i>	604296
30	<i>APTX</i>	606350	230	<i>DTNBP1</i>	607145	430	<i>NEUROD1</i>	601724	630	<i>HOGA1</i>	613597
31	<i>SETX</i>	608465	231	<i>BLOC1S3</i>	609762	431	<i>OR2W3</i>	616729	631	<i>PTH</i>	168450
32	<i>FOXC1</i>	601090	232	<i>BLOC1S6</i>	604310	432	<i>SPP2</i>	602637	632	<i>STS</i>	300747
33	<i>PITX2</i>	601542	233	<i>CBS</i>	613381	433	<i>ADGRA3</i>	612303	633	<i>KDM6A</i>	300128
34	<i>ACTB</i>	102630	234	<i>IDUA</i>	252800	434	<i>AGBL5</i>	615900	634	<i>KMT2D</i>	602113
35	<i>ACTG1</i>	102560	235	<i>FTL</i>	134790	435	<i>ARL3</i>	604695	635	<i>ATP13A2</i>	610513
36	<i>GABRB1</i>	137190	236	<i>GCM2</i>	603716	436	<i>DHX38</i>	605584	636	<i>SGCB</i>	600900
37	<i>IFT27</i>	615870	237	<i>FAM126A</i>	610531	437	<i>EXOSC2</i>	602238	637	<i>SGCD</i>	601411
38	<i>BBS1</i>	209901	238	<i>GJB2</i>	121011	438	<i>HK1</i>	142600	638	<i>TTN</i>	188840
39	<i>BBS10</i>	610148	239	<i>IKBK</i>	300248	439	<i>KIAA1549</i>	613344	639	<i>COX7B</i>	300885
40	<i>TRIM32</i>	602290	240	<i>ACO2</i>	100850	440	<i>KIZ</i>	615757	640	<i>CREBBP</i>	600140
41	<i>BBS12</i>	610683	241	<i>ADAMTSL4</i>	610113	441	<i>MVK</i>	251170	641	<i>TGFBR1</i>	190181
42	<i>MKS1</i>	609883	242	<i>RAX</i>	601881	442	<i>PRPF4</i>	607795	642	<i>TGFBR2</i>	190182
43	<i>WDPCP</i>	613580	243	<i>GDF6</i>	601147	443	<i>FLVCR1</i>	609144	643	<i>SMAD3</i>	603109
44	<i>SDCCAG8</i>	613524	244	<i>MFRP</i>	606227	444	<i>RP1</i>	603937	644	<i>TGFB2</i>	190220
45	<i>LZTFL1</i>	606568	245	<i>PRSS56</i>	613858	445	<i>IMPDH1</i>	146690	645	<i>TGFB3</i>	190230
46	<i>BBIP1</i>	613605	246	<i>GDF3</i>	606522	446	<i>PRPF31</i>	606419	646	<i>KCNH2</i>	152427
47	<i>BBS2</i>	606151	247	<i>CNNM4</i>	607805	447	<i>CRB1</i>	604210	647	<i>KCNJ2</i>	600681
48	<i>BBS4</i>	600374	248	<i>CSPP1</i>	611654	448	<i>PRPF8</i>	607300	648	<i>TSC1</i>	605284
49	<i>BBS5</i>	603650	249	<i>TCTN2</i>	613846	449	<i>TULP1</i>	602280	649	<i>TSC2</i>	191092
50	<i>MKKS</i>	604896	250	<i>B9D1</i>	614144	450	<i>CA4</i>	114760	650	<i>MAN2B1</i>	609458
51	<i>BBS7</i>	607590	251	<i>INPP5E</i>	613037	451	<i>PRPF3</i>	607301	651	<i>MANBA</i>	609489
52	<i>BBS9</i>	607968	252	<i>TTC21B</i>	612014	452	<i>ABCA4</i>	601691	652	<i>GNAS</i>	139320
53	<i>PTCH1</i>	601309	253	<i>KIF7</i>	611254	453	<i>RP2</i>	300757	653	<i>FLNA</i>	300017
54	<i>PTCH2</i>	603673	254	<i>TCTN1</i>	609863	454	<i>RPE65</i>	180069	654	<i>AUH</i>	600529
55	<i>NSD1</i>	606681	255	<i>TMEM237</i>	614423	455	<i>OFD1</i>	300170	655	<i>MMACHC</i>	609831
56	<i>PLA2G5</i>	601192	256	<i>CEP41</i>	610523	456	<i>EYS</i>	612424	656	<i>ASPM</i>	605481
57	<i>NOD2</i>	605956	257	<i>TMEM138</i>	614459	457	<i>CERKL</i>	608381	657	<i>CDK5RAP2</i>	608201
58	<i>FOXL2</i>	605597	258	<i>C5orf42</i>	614571	458	<i>NRL</i>	162080	658	<i>CEP135</i>	611423
59	<i>DRD5</i>	126453	259	<i>TCTN3</i>	613847	459	<i>FAM161A</i>	613596	659	<i>CEP152</i>	613529
60	<i>OPN1MW</i>	300822	260	<i>ZNF423</i>	604557	460	<i>RPGR</i>	312610	660	<i>ZNF335</i>	610827
61	<i>PHF6</i>	300414	261	<i>TMEM216</i>	613277	461	<i>FSCN2</i>	613596	661	<i>TACO1</i>	612958
62	<i>NR2F1</i>	132890	262	<i>TMEM231</i>	614949	462	<i>TOPORS</i>	609507	662	<i>DYSF</i>	603009
63	<i>RLBP1</i>	180090	263	<i>AHI1</i>	608894	463	<i>SNRNP200</i>	601664	663	<i>MCOLN1</i>	605248
64	<i>COL4A1</i>	120130	264	<i>ARL13B</i>	608922	464	<i>SEMA4A</i>	607292	664	<i>ARSB</i>	611542
65	<i>TFAP2A</i>	107580	265	<i>CC2D2A</i>	612013	465	<i>PRCD</i>	610598	665	<i>GALNS</i>	612222

66	ZNF469	612078	266	SLC16A12	611910	466	NR2E3	604485	666	GNS	607664
67	PRDM5	614161	267	LRAT	604863	467	MERTK	604705	667	GUSB	611499
68	CYLD	605018	268	KIF21A	608283	468	RHO	180380	668	IDS	300823
69	GJA8	600897	269	COL18A1	120328	469	PDE6B	180072	669	NAGLU	609701
70	CRYBA1	123610	270	GALC	606890	470	PROM1	604365	670	MSH2	609309
71	PITX3	602669	271	C1QTNF5	608752	471	KLHL7	611119	671	ITGA7	600536
72	BFSP2	603212	272	CLUAP1	616787	472	PDE6A	180071	672	LAMA2	156225
73	GCNT2	600429	273	NPHP3	608002	473	RGR	600342	673	SEPN1	606210
74	GJA3	121015	274	PEX1	602136	474	CNGB1	600724	674	PLEC	601282
75	MIP	154050	275	GUCY2D	600179	475	IDH3B	604526	675	CHRNA3	100730
76	CRYAB	123590	276	CEP290	610142	476	SAG	181031	676	DOK7	610285
77	CRYBB1	600929	277	RD3	180040	477	GUCA1B	602275	677	MSTN	601788
78	FYCO1	607182	278	RDH12	608830	478	CNGA1	123825	678	SCN4A	603967
79	LIM2	154045	279	KCNJ13	603208	479	TTC8	608132	679	DMPK	605377
80	CRYGC	123680	280	SPATA7	609868	480	C2orf71	613425	680	CNBP	116955
81	CRYGS	123730	281	AIPL1	604392	481	ARL6	608845	681	LMX1B	602575
82	MAF	177075	282	LCA5	611408	482	IMPG2	607056	682	NPC1	607107
83	CRYBB3	123630	283	RPGRIP1	605446	483	PDE6G	180073	683	TPM2	190990
84	CRYBA4	123631	284	CRX	602225	484	ZNF513	613598	684	TPM3	191030
85	CRYBB2	123620	285	NMNAT1	608700	485	DHDDS	608172	685	NEB	256030
86	VIM	193060	286	DTHD1	616979	486	PRPF6	613979	686	CFL2	601443
87	CHMP4B	610897	287	MT-ND1	516000	487	CLRN1	606397	687	SPINK5	605010
88	BFSP1	603307	288	COX10	602125	488	MAK	154235	688	PLA2G6	603604
89	TDRD7	611258	289	COX15	603646	489	C8orf37	614477	689	C19orf12	614297
90	AGK	610345	290	SURF1	185620	490	CDHR1	609502	690	COASY	609855
91	CRYGB	123670	291	OCRL	300535	491	RBP3	180290	691	NF2	607379
92	CRYGD	123690	292	CHST6	605294	492	NEK2	604043	692	MID1	300552
93	NHS	300457	293	ADIPOR1	607945	493	SLC7A14	615720	693	DDX59	615464
94	WFS1	606201	294	MT-TL1	590050	494	PRPH2	179605	694	TNFRSF11A	603499
95	CRYBA2	600836	295	SOD2	147460	495	IFT172	607386	695	OSTM1	607649
96	HSF4	602438	296	BEST1	607854	496	HGSNAT	610453	696	SNX10	614780
97	EPHA2	176946	297	IMPG1	602870	497	RP9	607331	697	TCIRG1	604592
98	CRYAA	123580	298	PRDM13	616741	498	GNPTG	607838	698	TNFSF11	602642
99	ABCA3	601615	299	CDH3	114021	499	ARL2BP	615407	699	SLC26A4	605646
100	IARS2	612801	300	IFT140	614620	500	RB1	614041	700	PEX10	602859
101	CCM2	607929	301	FREM1	608944	501	PLK4	605031	701	PEX11B	603867
102	ERCC2	126340	302	MAP2K1	176872	502	TINF2	604319	702	PEX12	601758
103	ERCC1	126380	303	FBN1	134797	503	KIAA0196	610657	703	PEX13	601789
104	CTC1	613129	304	SIL1	608005	504	RECQL4	268400	704	PEX14	601791
105	CHD7	608892	305	MAPKAPK3	617111	505	ESCO2	609353	705	PEX16	603360
106	SEMA3E	608166	306	KRT3	148043	506	UBIAD1	611632	706	PEX26	608666
107	LYST	606897	307	CHRDL1	300350	507	INVS	243305	707	PEX5	600414
108	PNPLA6	603197	308	TUBGCP4	609610	508	NPHP1	607100	708	PEX6	601498
109	KIF11	148760	309	TUBGCP6	610053	509	NPHP4	607215	709	STK11	602216
110	CHM	303100	310	VSX2	142993	510	IQCB1	609237	710	PGK1	311800
111	TMEM67	609884	311	SHH	600725	511	HESX1	601802	711	KIT	164920
112	ERCC8	609412	312	ABCB6	605452	512	ALDH3A2	609523	712	CHMP1A	164010
113	LONP1	605490	313	STRA6	610745	513	MTPAP	613669	713	EXOSC3	606489
114	PIGL	605947	314	ALDH1A3	600463	514	SYNE1	608441	714	RARS2	611524
115	OPN1LW	300824	315	DHODH	126064	515	ANO10	613726	715	TSEN2	608753
116	DRAM2	613360	316	RYR1	180901	516	EEF2	130610	716	TSEN34	608754
117	PCYT1A	123695	317	GFER	600924	517	ITPR1	147265	717	TSEN54	608755
118	UNC119	604011	318	ACTA2	102620	518	KCNC3	176264	718	VRK1	602168
119	C21orf2	603191	319	TRIM37	605073	519	KCND3	605411	719	UROD	613521
120	RAX2	610362	320	B4GAT1	605517	520	SPTBN2	604985	720	PEX2	170993
121	GUCA1A	600364	321	DAG1	128239	521	SYT14	610949	721	PEX7	601757
122	RAB28	612994	322	LARGE1	603590	522	TGM6	613900	722	PHYH	602026
123	TTLL5	612268	323	AGRN	103320	523	TTBK2	611695	723	AGPS	603051
124	POC1B	614784	324	CHAT	118490	524	WWOX	605131	724	TWIST1	601622
125	PDE6C	600827	325	COLQ	603033	525	ATXN10	611150	725	ACTA1	102610
126	PITPNM3	608921	326	P3H2	610341	526	ATXN7	607640	726	FHL1	300163
127	RIMS1	606629	327	LRPAP1	104225	527	ELOVL4	605512	727	TRPV4	605427
128	ADAM9	602713	328	PRIMPOL	615421	528	COL2A1	120140	728	HSPG2	142461
129	ACBD5	616618	329	ZNF644	614159	529	COL11A1	120280	729	NEU1	608272
130	MSMO1	607545	330	ADAMTS18	607512	530	COL11A2	120290	730	DHCR7	602858
131	CAV1	601047	331	CAPN5	602537	531	COL9A1	120210	731	NFIX	164005
132	SLC33A1	603690	332	LAMB2	150325	532	COL9A2	120260	732	AP4M1	602296
133	CTDP1	604927	333	PPT1	600722	533	TEAD1	189967	733	AP5Z1	613653

134	<i>FBN2</i>	612570	334	<i>CTSD</i>	116840	534	<i>NAA10</i>	300013	734	<i>B4GALNT1</i>	601873
135	<i>POMT1</i>	607423	335	<i>GRN</i>	138945	535	<i>VAX1</i>	604294	735	<i>CYP2U1</i>	610670
136	<i>TMEM5</i>	605862	336	<i>CTSF</i>	603539	536	<i>RARB</i>	180220	736	<i>CYP7B1</i>	603711
137	<i>B3GALNT2</i>	610194	337	<i>TPP1</i>	607998	537	<i>HMGB3</i>	300193	737	<i>DDHD2</i>	615003
138	<i>POMK</i>	615247	338	<i>CLN3</i>	607042	538	<i>MAB21L2</i>	604357	738	<i>ERLIN2</i>	611605
139	<i>GMPPB</i>	615320	339	<i>DNAJC5</i>	611203	539	<i>BCOR</i>	300485	739	<i>FA2H</i>	611026
140	<i>POMT2</i>	607439	340	<i>CLN6</i>	608102	540	<i>SOX2</i>	184429	740	<i>GBA2</i>	609471
141	<i>POMGNT1</i>	606822	341	<i>CLN5</i>	608102	541	<i>OTX2</i>	600037	741	<i>HSPD1</i>	118190
142	<i>FKTN</i>	607440	342	<i>MFSD8</i>	611124	542	<i>BMP4</i>	112262	742	<i>KIF1A</i>	601255
143	<i>FKRP</i>	606596	343	<i>CLN8</i>	607837	543	<i>HCCS</i>	300056	743	<i>KIF5A</i>	602821
144	<i>ISPD</i>	614631	344	<i>MT-ATP6</i>	516060	544	<i>TTR</i>	105210	744	<i>MARS2</i>	609728
145	<i>POMGNT2</i>	614828	345	<i>ABHD5</i>	275630	545	<i>TCOF1</i>	606847	745	<i>NIPA1</i>	608145
146	<i>GNAT1</i>	139330	346	<i>NPC2</i>	601015	546	<i>OPN1SW</i>	613522	746	<i>REEP1</i>	609139
147	<i>GRK1</i>	180381	347	<i>SMPD1</i>	607608	547	<i>TUBB3</i>	602661	747	<i>RTN2</i>	603183
148	<i>CACNA1F</i>	300110	348	<i>PTPN11</i>	176876	548	<i>ADGRV1</i>	602851	748	<i>SPG11</i>	610844
149	<i>NYX</i>	300278	349	<i>KRAS</i>	190070	549	<i>WHRN</i>	607928	749	<i>SPG7</i>	602783
150	<i>TRPM1</i>	603576	350	<i>SOS1</i>	182530	550	<i>CEP250</i>	609689	750	<i>ZFYVE27</i>	610243
151	<i>SLC24A1</i>	603617	351	<i>RAF1</i>	164760	551	<i>MYO7A</i>	276903	751	<i>MAPT</i>	157140
152	<i>GRM6</i>	604096	352	<i>NRAS</i>	164790	552	<i>USH1C</i>	605242	752	<i>SALL1</i>	602218
153	<i>CABP4</i>	608965	353	<i>BRAF</i>	164757	553	<i>CDH23</i>	605516	753	<i>POLR1C</i>	610060
154	<i>GPR179</i>	614515	354	<i>NDP</i>	300658	554	<i>PCDH15</i>	605514	754	<i>BAP1</i>	603089
155	<i>LRIT3</i>	615004	355	<i>RP1L1</i>	608581	555	<i>USH1G</i>	607696	755	<i>IRF6</i>	607199
156	<i>GNB3</i>	139130	356	<i>IGBP1</i>	300139	556	<i>USH2A</i>	608400	756	<i>TBX1</i>	602054
157	<i>DCN</i>	125255	357	<i>HMX1</i>	142992	557	<i>PDZD7</i>	612971	757	<i>EPG5</i>	615068
158	<i>PLG</i>	173350	358	<i>OCA2</i>	611409	558	<i>HARS</i>	142810	758	<i>ERCC3</i>	133510
159	<i>KERA</i>	603288	359	<i>TYRP1</i>	115501	559	<i>CIB2</i>	605564	759	<i>XPA</i>	611153
160	<i>TGFB1</i>	601692	360	<i>SLC45A2</i>	606574	560	<i>MT-TS2</i>	590085	760	<i>XPC</i>	613208
161	<i>TACSTD2</i>	137290	361	<i>SLC24A5</i>	609802	561	<i>VCAN</i>	118661	761	<i>BLM</i>	210900
162	<i>KRT12</i>	601687	362	<i>C10orf11</i>	614537	562	<i>VHL</i>	608537	762	<i>GRHPR</i>	604296
163	<i>VSX1</i>	605020	363	<i>GJA1</i>	121014	563	<i>SMOC1</i>	608488	763	<i>CEP135</i>	611423
164	<i>SLC4A11</i>	610206	364	<i>PABPN1</i>	602279	564	<i>TYR</i>	606933	764	<i>COASY</i>	609855
165	<i>PIKFYVE</i>	609414	365	<i>KCTD7</i>	611725	565	<i>PAX3</i>	606597	765	<i>STK11</i>	602216
166	<i>PXDN</i>	605158	366	<i>ATP1A3</i>	182350	566	<i>MITF</i>	156845	766	<i>VRK1</i>	602168
167	<i>CYP4V2</i>	608614	367	<i>RTN4IP1</i>	610502	567	<i>SNAI2</i>	602150	767	<i>CYP2U1</i>	610670
168	<i>SLITRK6</i>	609681	368	<i>UCHL1</i>	191342	568	<i>EDNRB</i>	131244	768	<i>NIPA1</i>	608145
169	<i>TIMM8A</i>	300356	369	<i>AFG3L2</i>	604581	569	<i>EDN3</i>	131242	769	<i>CAV3</i>	601253
170	<i>EP300</i>	602700	370	<i>C12orf65</i>	613541	570	<i>SOX10</i>	602229	770	<i>LAMB3</i>	150310
171	<i>FUCA1</i>	612280	371	<i>PRPS1</i>	311850	571	<i>RAB3GAP1</i>	602536	771	<i>LAMC2</i>	150292
172	<i>ITGB3</i>	173470	372	<i>SLC25A46</i>	610826	572	<i>RAB3GAP2</i>	609275	772	<i>ITGA2B</i>	607759
173	<i>ROM1</i>	180721	373	<i>OPA1</i>	605290	573	<i>RAB18</i>	602207	773	<i>ANO5</i>	608662
174	<i>EFEMP1</i>	601548	374	<i>OPA3</i>	606580	574	<i>TBC1D20</i>	611663	774	<i>GDF2</i>	605120
175	<i>CHN1</i>	118423	375	<i>TMEM126A</i>	612988	575	<i>ADAMTS10</i>	608990	775	<i>SHOX</i>	312865
176	<i>SALL4</i>	607343	376	<i>MFN2</i>	608507	576	<i>ADAMTS17</i>	607511	776	<i>SGCG</i>	608896
177	<i>ABCC2</i>	601107	377	<i>SIX6</i>	606326	577	<i>WRN</i>	604611	777	<i>SGCA</i>	600119
178	<i>ACD</i>	609377	378	<i>NBAS</i>	608025	578	<i>TLR2</i>	603028	778	<i>TCAP</i>	604488
179	<i>NHP2</i>	606470	379	<i>PAX6</i>	607108	579	<i>ATP7B</i>	606882	779	<i>KCNQ1</i>	607542
180	<i>NOP10</i>	606471	380	<i>GP1BA</i>	606672	580	<i>NIPBL</i>	608667	780	<i>CUBN</i>	602997
181	<i>TERT</i>	187270	381	<i>DMD</i>	300377	581	<i>HDAC8</i>	300269	781	<i>CENPJ</i>	609279
182	<i>WRAP53</i>	612661	382	<i>CTNNA1</i>	116805	582	<i>CISD2</i>	611507	782	<i>MCPH1</i>	607117
183	<i>EDARADD</i>	606603	383	<i>B3GLCT</i>	610308	583	<i>RS1</i>	300839	783	<i>STIL</i>	181590
184	<i>PKP1</i>	601975	384	<i>PHOX2A</i>	602753	584	<i>GPR143</i>	300808	784	<i>HYAL1</i>	607071
185	<i>COL3A1</i>	120180	385	<i>MT-TH</i>	590040	585	<i>DNAJC19</i>	608977	785	<i>CAPN3</i>	114240
186	<i>PLOD1</i>	153454	386	<i>TUBA8</i>	605742	586	<i>SF3B4</i>	605593	786	<i>MYH7</i>	609928
187	<i>TNXB</i>	600985	387	<i>MYOC</i>	601652	587	<i>PIK3R1</i>	171833	787	<i>MYOT</i>	604103
188	<i>LOXL1</i>	153456	388	<i>OPTN</i>	602432	588	<i>HGD</i>	607474	788	<i>TNNT1</i>	191041
189	<i>ZNF408</i>	616454	389	<i>WDR36</i>	609669	589	<i>KCNJ10</i>	602208	789	<i>SEPSECS</i>	613009
190	<i>MC1R</i>	155555	390	<i>NTF4</i>	162662	590	<i>MRE11A</i>	600814	790	<i>ATP7A</i>	300011
191	<i>IKBKAP</i>	603722	391	<i>CYP1B1</i>	601771	591	<i>ATM</i>	607585	791	<i>HPD</i>	609695
192	<i>RCBTB1</i>	607867	392	<i>LTBP2</i>	602091	592	<i>ATP2C1</i>	604384	792	<i>TAT</i>	613018
193	<i>FZD4</i>	604579	393	<i>POLG</i>	174763	593	<i>COL6A3</i>	120250			
194	<i>LRP5</i>	603506	394	<i>RNASEH1</i>	604123	594	<i>COL6A2</i>	120240			
195	<i>TSPAN12</i>	613138	395	<i>SLC25A4</i>	103220	595	<i>BLM</i>	210900			
196	<i>FGFR1</i>	136350	396	<i>C10orf2</i>	606075	596	<i>MTM1</i>	300415			
197	<i>FGFR2</i>	176943	397	<i>POLG2</i>	604983	597	<i>CYP27A1</i>	606530			
198	<i>FGFR3</i>	134934	398	<i>RRM2B</i>	604712	598	<i>TFAP2B</i>	601601			
199	<i>LCAT</i>	606967	399	<i>DNA2</i>	601810	599	<i>DNM2</i>	602378			
200	<i>FOXE3</i>	601094	400	<i>RGS9</i>	604067	600	<i>PDK3</i>	300906			