

Table SI. Differentially expressed genes in HCV-positive F and M patients. Genes are listed in order of decreasing significance order. For the first 76 genes, the difference is significant (P<0.05).

Gene	FC (F)	FC (M)	P-value
SIX1	6,7	4,8	<0.001
JARID1C	8,8	8,2	<0.001
NR1H4	10,7	11,2	0.005
SOCS4	3,9	3,5	0.007
CCNE2	3,7	2,6	0.007
NR1I3	10,6	11,8	0.008
LASS3	1,7	1,5	0.008
POTED	2,5	2,2	0.008
UBE2S	10,5	9,9	0.008
MT1B	13,3	14,5	0.009
EXOSC9	10,0	9,7	0.010
C15orf42	7,1	6,3	0.010
ERCC6L	5,1	4,2	0.010
MT1E	6,0	7,4	0.012
AP4M1	8,1	7,8	0.012
NDC80	4,0	3,4	0.013
TMEM195	10,6	11,1	0.015
GSK3A	11,9	11,7	0.016
ARG1	14,1	15,3	0.017
USP1	10,5	10,2	0.017
LMNB2	7,5	7,0	0.018
PPIA	12,4	12,3	0.019
ZBED4	6,8	6,5	0.019
MED22	7,9	7,5	0.020
ADH1C	14,7	15,6	0.022
LYPLA2P1	7,6	7,3	0.022
SGOL1	5,3	4,7	0.022
RFWD3	7,3	7,0	0.023
SKAP1	9,9	10,7	0.023
SLC44A1	9,5	10,0	0.023
POTEB	3,2	2,6	0.023
LOC388503	13,1	14,0	0.024
PTTG3	5,5	4,9	0.024
SMG5	11,3	10,9	0.026
PLG	12,3	13,4	0.027
HELLS	5,8	5,1	0.027
ENST00000378252	1,2	1,6	0.027

MKI67	5,2	4,4	0.027
MT1F	9,5	11,0	0.027
SLC17A1	7,7	8,7	0.027
SLC17A3	9,2	10,0	0.027
CYP2C19	9,7	10,6	0.027
CDT1	7,5	7,0	0.028
CEP97	3,8	3,2	0.029
PYGO2	10,9	10,5	0.031
CKAP2	8,6	8,2	0.031
NEU1	11,9	11,6	0.032
CDC2	8,3	7,5	0.032
GPR19	4,5	3,8	0.032
PRC1	9,6	8,9	0.032
LOC100129113	9,2	10,0	0.032
BC044845	5,6	6,4	0.032
HIG2	9,9	9,5	0.032
ALDH2	13,2	13,8	0.033
ECT2	5,9	5,5	0.034
FBL	14,3	14,0	0.037
AZGP1	13,7	14,2	0.037
RUNDC2B	5,9	6,5	0.037
SLCO1A2	2,4	3,1	0.039
A_24_P84711	5,8	5,0	0.040
DTL	7,5	6,8	0.041
KIFC1	7,1	6,3	0.044
C20orf132	6,6	7,2	0.045
CENPM	6,4	5,6	0.045
PAK1	8,3	7,8	0.045
MLF1IP	8,7	8,2	0.046
RAD54L	7,3	6,6	0.046
AF116657	1,3	1,4	0.046
B4GALT3	10,7	10,5	0.047
UHRF1	7,4	6,7	0.047
GABARAPL3	9,0	9,4	0.047
SLCO1B1	11,5	12,1	0.047
PCCB	11,8	12,1	0.049
C1orf67	6,6	6,2	0.049
SLC6A13	7,7	9,0	0.049
AK127132	7,2	6,9	0.051
AW205421	4,8	3,9	0.051

AW235110	9,4	9,9	0.051
ANLN	6,0	5,1	0.052
CLDN3	10,8	10,4	0.053
AASS	7,8	8,5	0.053
SLC7A1	2,9	2,4	0.053
HMGB2	11,4	10,9	0.054
PFKFB1	8,3	9,3	0.055
THC2720561	4,5	4,0	0.056
POLD1	9,7	9,4	0.057
LPAL2	9,5	10,5	0.058
LEPR	8,6	9,7	0.058
SNRPD1	10,8	10,4	0.058
NUF2	7,4	6,8	0.058
ZWINT	8,8	8,3	0.058
GBP7	8,5	9,7	0.058
LPA	8,3	9,0	0.059
CBX3	13,2	13,0	0.060
FBF1	6,8	6,5	0.060
NOLC1	9,9	9,5	0.060
AMDHD1	11,8	12,5	0.060
TOP2A	7,6	6,6	0.062
EZH2	10,1	9,7	0.062
APCS	13,4	14,1	0.063
BC019356	7,6	8,0	0.063
THC2617292	10,2	10,4	0.063
GLT25D1	9,0	8,8	0.063
OS9	10,6	11,0	0.065
KIF18B	5,7	4,8	0.065
NHLRC3	9,4	9,7	0.065
GYS2	6,3	7,0	0.068
SLC2A9	8,1	9,2	0.068
ARL6IP6	8,2	7,9	0.069
CENPA	5,7	4,9	0.069
PHYHD1	9,5	10,3	0.070
AI281523	6,8	6,7	0.073
SLBP	10,8	10,6	0.075
ASPM	9,3	8,6	0.079
SFRS3	13,0	12,8	0.079
C20orf108	11,8	12,1	0.079
THC2729730	12,5	13,2	0.081

KIF2C	8,7	8,1	0.081
SLC7A11	2,1	2,0	0.084
DEPDC1	2,7	2,2	0.085
MAT1A	14,8	15,2	0.086
OVOS2	6,1	5,6	0.087
YWHAE	9,6	9,8	0.090
SHMT1	10,9	11,6	0.090
GPSM2	3,5	2,8	0.090
THC2723388	4,6	4,0	0.090
PDE11A	6,4	7,2	0.090
H2AFZ	11,9	11,6	0.093
PDSS2	9,0	9,3	0.093
CDC25A	3,7	3,1	0.094
BIRC5	10,3	9,6	0.095
LOC120364	9,0	8,8	0.097
ZFP1	7,2	7,7	0.097

F, female; M, male; FC, fold change.