

	FR1	CDR1	FR2	CDR2	FR3
C. milii HHC2	DL-VLKQPPYL	TGKTGQALRLTCESSGFNLSIAHMS--	WYRQLPGKQ	QENLLKYE-GSSIKSFGTGFENRVIVIREDSQNIFDLIIKCPTVHDTSTYYC	
HHC1	SG-S.T...T.....S.....RT...DHDSYYYCMY.		.R.K.	TSD-YR.SN..ES.VG...T.V..N.N.....S.R.E..A....	
H. colliei μ	GAV..T..AT....P.T.V....RT.....GNYP.H--		.V..V...GL.W..H.Y-T..SNGYAP.I.S..T..K...N.....S.....AI...		
HCAb	AAA..T..ES....A..S.....RA..L.IGRYT.F--		.RDQ.	WHD-S..S.R.AA.I....T.....N.....SLR.E..A..S.	
H. francisci	.V--T..EAE...P.GS.....KT.....GNTR.Y--		.I..V...QGL.W.VH.D-A..SN.YAPEIKD.FTASKDT.N...A.AM.NLKTEG.AI...		
I. punctatus	QS--.TSSVS.VKRP.ESVT.S.TV...SM..CN.N--		.N..K..RGL.WIGYID-.GTSTT.AQSLQGQFSITKDTDK.MLY.EV.NLCAA..AV...		
X. laevis	QT--.QESGPG.V.PSES.....TV...E.TSS..H--		.I..P...GL.WIGYVR-T.GGTA.ADSLK...TITKDNGKKQVY.QMNGME.K..AM...		
C. mydas	QV-Q.VESGGDVK.P.DS...S.KA...TF.SYW.Q--		.V..A...GL.WIGEIHPT.TTINYAQP.KG.FTIS.DNPN.LLY.QMTGLKSE..AR...		
G. gallus	AV-T.DESGGGLQTP.G..S.V.KA...DF.SYD.L--		.V..A...GL.WVAGIDDDG.YTAYAPAVKG.ATIS.DNG.STVR.QLNNLRAE..A....		
H. sapiens	QV-Q.VESGGGSV.P.GS...S.TA...TF.DY...--		.I..A...GL.WVAYISGRG..IKYADSVKG.FTIS.DNAK.S...QMDTLRAD..AI...		
M. musculus	EV-K.VESEGLVQP.SSMK.S.TA...TF.DYY.A--		.V..V.E.GL.WVANINYDG.STYYLDSLKG.F.IS.DNAK..LY.QMSSLKSE..A....		
O. cuniculus	QE-Q..ESGGGLVQP.GS.K.S.KA...D..SYY...--		.I..A...GL.WIGIIYA...STDYASWVNG.FTISSDNA..TV..QMNNL.AA..A..F.		
L. glama VH	.QESGGGLVQP.GS.K.S.AA...TF.SYA...--		.V..A...GL.WVSDINSAGGST.YADSVKG.FTIS.DNAK.TLY.QMNNLKPE..AV...		
L. glama VHH3	.QESGGGLVQP.ES...S.AA...TFDDYAIV--		.F..A...ER.GVSCISTNGDYTTYADSVKD.FTIS.DNAK.TVY.QMSSLKPE..AV...		
L. glama VHH1	.QESGGGLVQP.GS.T.S.SA..LSF.NYA.G--		.F..G...ER.FVAAISRSGGGIYYADSVLG.STIS.DNAKHTVY.QMNSLKPD..AV...		
IgNAR	AR-.DQT.RSV.KE.GES.TIN.VLRDASYALGSTC--		.K.KSG-----	.TNEESISKGG.YVETVNSGSKS.S.R.NDL..E.GG..R.	

SFigure 1