

Supplemental Material 1 - Results of GeneSet Enrichment Analysis (GSEA)[14] on C6 "Oncogenic signatures" and Noonan signature, [15] comparing different days of treatment vs pretreatment control. Previously identified NS signatures in peripheral blood mononuclear cells (PBMC) are highlighted in yellow. Previously identified trametinib-modulated gene sets are highlighted as follows: EGFR/RAS/MEK pathway gene sets: bold, red text; Cell cycle gene sets: bold, blue text; PI3Kinase pathway gene sets: bold, green text; WNT pathway gene sets: bold, purple text; YAP/TAZ gene set: bold, orange text.

GENE SET NAME	GSEA 1: 6vsC		GSEA 2: 19vsC		GSEA 3: 39vsC		GSEA 4: 95vsC		GSEA 5: 154vsC		GSEA 6: TvsC12r	
	FDR q-val	NES	FDR q-val	NES	FDR q-val	NES	FDR q-val	NES	FDR q-val	NES	FDR q-val	NES
PTPN11_UP	0,0001	-2,020	0,0000	-2,138	0,0000	-2,371	0,0000	-2,667	0,0000	-2,467	0,0000	-2,502
SHOC2_UP	0,0000	-2,654	0,0000	-2,335	0,0620	-1,431	0,0022	-1,872	0,0000	-2,308	0,0000	-2,426
RPS14_DN.V1_UP	0,0042	-1,787	0,0000	-2,282	0,0109	-1,716	0,0000	-2,128	0,0000	-2,304	0,0000	-2,392
NS_UP	0,0029	-1,822	0,0003	-2,131	0,0049	-1,923	0,0000	-2,217	0,0000	-2,218	0,0000	-2,356
CAHOY_ASTROGLIAL	0,1344	-1,327	0,0016	-1,941	0,0299	-1,576	0,0000	-2,194	0,0000	-2,120	0,0000	-2,093
KRAS.KIDNEY_UP.V1_DN	0,0840	-1,407	0,0269	-1,595	0,0058	-2,016	0,0000	-2,005	0,0395	-1,651	0,0034	-1,922
RAPA_EARLY_UP.V1_UP	0,5668	-0,987	0,0237	-1,611	0,0219	-1,632	0,0000	-2,043	0,0139	-1,753	0,0029	-1,922
ALK_DN.V1_UP	0,0391	-1,533	0,0200	-1,675	0,0042	-1,861	0,0000	-2,215	0,0085	-1,807	0,0026	-1,909
HOXA9_DN.V1_UP	0,0055	-1,762	0,0003	-2,124	0,4237	-1,048	0,0321	-1,531	0,0032	-1,855	0,0053	-1,839
ATF2_S_UP.V1_UP	0,0075	-1,734	0,0990	-1,377	0,0171	-1,670	0,0338	-1,503	0,0382	-1,661	0,0067	-1,801
IL15_UP.V1_DN	0,1584	-1,298	0,0014	-1,939	0,3882	-1,066	0,0217	-1,601	0,0875	-1,490	0,0071	-1,782
AKT_UP.MTOR_DN.V1_DN	0,0735	-1,429	0,0388	-1,544	0,0922	-1,342	0,0184	-1,634	0,0493	-1,581	0,0122	-1,732
E2F1_UP.V1_DN	0,1179	-1,351	0,0261	-1,626	0,0811	-1,373	0,0082	-1,723	0,0392	-1,631	0,0125	-1,723
SNF5_DN.V1_UP	0,0019	-1,870	0,0976	-1,380	0,0362	-1,527	0,0663	-1,399	0,1519	-1,341	0,0130	-1,717
KRAS.AMP.LUNG_UP.V1_UP	0,1346	-1,324	0,0109	-1,777	0,0548	-1,461	0,0091	-1,706	0,0508	-1,584	0,0130	-1,713
MTOR_UP.V1_UP	0,0003	-2,008	0,3016	-1,140	0,0095	-1,734	0,0358	-1,487	0,0970	-1,450	0,0150	-1,692
GCNP_SHH_UP.LATE.V1_DN	0,9749	-0,732	0,0245	-1,623	0,0067	-1,829	0,0084	-1,732	0,2114	-1,254	0,0184	-1,668
WNT_UP.V1_UP	0,5356	-1,009	0,1414	-1,303	0,0080	-1,775	0,0084	-1,718	0,0845	-1,506	0,0200	-1,656
LEF1_UP.V1_UP	0,4030	-1,107	0,0499	-1,503	0,0510	-1,486	0,0063	-1,794	0,0372	-1,648	0,0212	-1,650
ATF2_UP.V1_UP	0,0156	-1,659	0,2434	-1,198	0,0050	-1,897	0,0318	-1,537	0,1302	-1,374	0,0202	-1,650
AKT_UP.V1_UP	0,0214	-1,614	0,2809	-1,164	0,0309	-1,553	0,0166	-1,652	0,0978	-1,428	0,0193	-1,649
ESC_J1_UP.EARLY.V1_DN	0,0701	-1,438	0,1375	-1,314	0,0172	-1,664	0,0195	-1,621	0,0888	-1,484	0,0195	-1,646
LEF1_UP.V1_UP	0,4053	-1,108	0,0467	-1,514	0,0548	-1,464	0,0065	-1,801	0,0375	-1,620	0,0204	-1,637
KRAS.DF.V1_UP	0,0167	-1,648	0,0161	-1,724	0,4925	-1,018	0,0188	-1,635	0,0833	-1,482	0,0213	-1,628
AKT_UP.V1_UP	0,0201	-1,628	0,2654	-1,176	0,0310	-1,556	0,0193	-1,625	0,0982	-1,422	0,0216	-1,622
CYCLIN_D1_KE.V1_UP	0,0977	-1,387	0,6305	-0,943	0,0055	-1,845	0,0072	-1,764	0,1560	-1,321	0,0255	-1,605
MEK_UP.V1_UP	0,5106	-1,029	0,0797	-1,431	0,0367	-1,529	0,0081	-1,738	0,1896	-1,273	0,0283	-1,591
KRAS.BREAST_UP.V1_DN	0,3120	-1,161	0,0187	-1,697	0,1646	-1,237	0,0070	-1,780	0,0383	-1,625	0,0286	-1,588
CYCLIN_D1_UP.V1_UP	0,5521	-0,998	0,3457	-1,107	0,0060	-1,959	0,0000	-2,096	0,1548	-1,334	0,0290	-1,585
CYCLIN_D1_UP.V1_UP	0,5811	-0,980	0,3159	-1,131	0,0067	-1,963	0,0000	-2,101	0,1422	-1,357	0,0318	-1,571
CRX_NRL_DN.V1_DN	0,7118	-0,918	0,0249	-1,626	0,1869	-1,215	0,0670	-1,395	0,0997	-1,451	0,0321	-1,566
CAHOY_ASTROCYTIC	0,2452	-1,218	0,0867	-1,411	0,0831	-1,363	0,0600	-1,412	0,0805	-1,515	0,0344	-1,558
JNK_DN.V1_DN	0,0806	-1,413	0,2626	-1,181	0,0078	-1,770	0,0308	-1,521	0,0862	-1,470	0,0350	-1,554
P53_DN.V1_DN	0,0490	-1,493	0,1067	-1,358	0,0559	-1,464	0,0319	-1,526	0,1002	-1,428	0,0367	-1,546
NOTCH_DN.V1_DN	0,0748	-1,429	0,0236	-1,621	0,0941	-1,330	0,0311	-1,536	0,1550	-1,324	0,0367	-1,543
IL21_UP.V1_UP	0,7755	0,964	0,1440	-1,306	0,0235	-1,621	0,0080	-1,731	0,0826	-1,504	0,0389	-1,532
ESC_V6.5_UP.EARLY.V1_DN	0,1334	-1,330	0,1209	-1,336	0,0907	-1,339	0,0073	-1,760	0,1393	-1,356	0,0382	-1,531
KRAS.AMP.LUNG_UP.V1_DN	0,4370	-1,074	0,0229	-1,621	0,0919	-1,339	0,0287	-1,551	0,0355	-1,646	0,0384	-1,528
PRC2_SUZ12_UP.V1_DN	0,1390	-1,316	0,1852	-1,243	0,0366	-1,532	0,0659	-1,394	0,0997	-1,417	0,0384	-1,527
RAF_UP.V1_UP	0,1843	-1,268	0,0443	-1,526	0,2287	-1,182	0,1349	-1,284	0,1130	-1,400	0,0388	-1,523
IL21_UP.V1_DN	0,3994	-1,107	0,0174	-1,725	0,2362	-1,173	0,0692	-1,384	0,0844	-1,497	0,0395	-1,518
CRX_DN.V1_DN	0,2372	-1,230	0,1609	-1,276	0,0299	-1,581	0,0189	-1,620	0,0963	-1,440	0,0400	-1,515
ESC_J1_UP.LATE.V1_UP	0,2435	-1,215	0,0208	-1,679	0,0844	-1,357	0,0269	-1,565	0,1288	-1,383	0,0398	-1,511
BMI1_DN.V1_DN	0,0527	-1,478	0,0965	-1,387	0,3717	-1,080	0,0399	-1,472	0,3093	-1,174	0,0391	-1,511
RAPA_EARLY_UP.V1_DN	0,4443	-1,063	0,0998	-1,382	0,0835	-1,374	0,0183	-1,631	0,3824	-1,119	0,0459	-1,491
ATF2_S_UP.V1_DN	0,5699	1,132	0,0288	-1,587	0,1818	-1,222	0,0316	-1,525	0,0613	-1,554	0,0516	-1,477
ALK_DN.V1_DN	0,3117	-1,167	0,1706	-1,264	0,0062	-1,826	0,0224	-1,593	0,4283	-1,080	0,0522	-1,473
VEGF_A_UP.V1_UP	0,5055	1,217	0,1619	-1,274	0,0318	-1,557	0,0160	-1,652	0,0992	-1,424	0,0520	-1,472
LTE2_UP.V1_UP	0,0089	-1,717	0,0507	-1,499	0,3749	-1,080	0,1412	-1,277	0,3856	-1,110	0,0575	-1,457
PRC2_EED_UP.V1_UP	0,1118	-1,365	0,3139	-1,131	0,0052	-1,941	0,0682	-1,387	0,4282	-1,075	0,0585	-1,453
CORDENONSI_YAP_CONSERVED_SIGNATURE	0,0000	-2,341	0,4837	-1,019	0,0807	-1,369	0,0368	-1,488	0,5638	-0,996	0,0630	-1,442
RB_P130_DN.V1_UP	0,0002	-2,044	0,5946	1,029	0,0046	-1,863	0,0275	-1,561	0,3692	-1,129	0,0636	-1,438
PRC2_EZH2_UP.V1_DN	0,0000	-2,132	0,5155	-1,001	0,0294	-1,574	0,5078	-1,005	0,3325	-1,152	0,0654	-1,434
PDGF_ERK_DN.V1_DN	0,7678	1,001	0,3555	-1,100	0,0076	-1,766	0,0345	-1,499	0,1561	-1,328	0,0713	-1,423
KRAS.600.LUNG.BREAST_UP.V1_DN	0,6254	-0,959	0,0156	-1,739	0,3289	-1,113	0,0213	-1,606	0,0959	-1,447	0,0707	-1,421
CORDENONSI_YAP_CONSERVED_SIGNATURE	0,0000	-2,381	0,5038	-1,009	0,0941	-1,331	0,0363	-1,491	0,5578	-1,000	0,0785	-1,408
KRAS.300_UP.V1_UP	0,2360	-1,227	0,1056	-1,363	0,2785	-1,143	0,0098	-1,693	0,1546	-1,320	0,0779	-1,407
NOTCH_DN.V1_UP	0,3294	-1,149	0,0232	-1,646	0,7119	-0,917	0,1222	-1,303	0,2643	-1,208	0,0824	-1,397
PRC2_SUZ12_UP.V1_UP	0,5094	-1,028	0,0646	-1,471	0,1330	-1,276	0,2112	-1,201	0,1882	-1,276	0,0849	-1,393
PTEN_DN.V1_UP	0,1069	-1,375	0,1680	-1,267	0,2356	-1,175	0,1326	-1,290	0,0970	-1,442	0,0835	-1,392
ATM_DN.V1_UP	0,8077	0,902	0,0455	-1,519	0,0723	-1,410	0,0479	-1,441	0,0975	-1,435	0,0859	-1,387
BCAT.100_UP.V1_UP	0,4274	-1,081	0,1441	-1,298	0,0722	-1,409	0,1548	-1,262	0,1264	-1,383	0,0863	-1,384
EGFR_UP.V1_UP	0,1185	-1,355	0,2986	-1,146	0,1063	-1,313	0,0436	-1,458	0,1767	-1,292	0,0879	-1,380
KRAS.LUNG_UP.V1_DN	0,2586	-1,201	0,1409	-1,305	0,0326	-1,558	0,0454	-1,451	0,1759	-1,302	0,0924	-1,373
PKCA_DN.V1_DN	0,5148	-1,020	0,2560	-1,187	0,1438	-1,260	0,0324	-1,511	0,2990	-1,185	0,1002	-1,361
BMI1_DN.V1_UP	0,9215	-0,800	0,2813	-1,161	0,0057	-1,986	0,0364	-1,487	0,4927	-1,039	0,0995	-1,360
LEF1_UP.V1_DN	0,3966	-1,102	0,0175	-1,706	0,3182	1,311	0,3850	-1,064	0,1746	-1,292	0,1068	-1,349
PTEN_DN.V2_DN	0,8153	0,891	0,1351	-1,318	0,0291	-1,588	0,0269	-1,568	0,0822	-1,479	0,1074	-1,347
AKT_UP.V1_DN	0,5389	-1,010	0,1002	-1,371	0,0951	-1,331	0,1205	-1,310	0,4311	-1,081	0,1136	-1,338
GCNP_SHH_UP.EARLY.V1_UP	0,0002	-2,039	0,3600	-1,094	0,1798	-1,222	0,9302	0,827	0,6629	-0,948	0,1137	-1,335
SRC_UP.V1_DN	0,0299	-1,568	0,1864	-1,244	0,9831	0,776	0,9430	0,795	0,1748	-1,300	0,1126	-1,335
SOS1_DOWN	0,4455	-1,067	0,6991	-0,909	0,0368	-1,534	0,2193	-1,190	0,7078	-0,924	0,1139	-1,332
CRX_DN.V1_UP	0,2396	-1,214	0,1458	-1,293	0,4362	-1,041	0,2218	-1,184	0,5010	-1,031	0,1177	-1,326
JAK2_DN.V1_UP	0,6640	-0,939	0,0793	-1,435	0,0564	-1,454	0,1206	-1,309	0,1816	-1,283	0,1299	-1,312
HOXA9_DN.V1_DN	0,0027	-1,845	0,7370	-0,892	0,0602	-1,443</						

KRAS.600_UP.V1_UP_CORE	0,2419	-1,218	0,0838	-1,419	0,7892	1,017	0,0509	-1,433	0,2418	-1,226	0,1432	-1,284
GCNP_SHH_UP_EARLY.V1_DN	0,9237	-0,811	0,4156	-1,056	0,0785	-1,386	0,2157	-1,197	0,1572	-1,325	0,1430	-1,283
RB_P130_DN.V1_DN	0,0543	-1,471	0,0361	-1,557	0,7848	1,003	0,5928	-0,961	0,3292	-1,152	0,1443	-1,280
PDGF_UP.V1_DN	0,5090	-1,025	0,1818	-1,250	0,0730	-1,405	0,0666	-1,391	0,1370	-1,365	0,1436	-1,280
BMI1_DN_MEL18_DN.V1_DN	0,3144	-1,164	0,3281	-1,122	0,8408	1,027	0,3814	-1,071	0,2747	-1,200	0,1441	-1,278
KRAS.600_UP.V1_UP	0,2404	-1,215	0,0920	-1,400	0,8280	1,022	0,0475	-1,445	0,2358	-1,234	0,1427	-1,278
PRC1_BMI_UP.V1_DN	0,8347	0,846	0,0385	-1,549	0,4956	-1,015	0,2192	-1,192	0,2380	-1,231	0,1582	-1,262
ESC_J1_UP_EARLY.V1_UP	0,9127	0,777	0,2495	-1,192	0,3484	-1,100	0,0479	-1,442	0,5685	-0,993	0,1615	-1,258
P53_DN.V1_DN	0,3414	-1,141	0,1327	-1,322	0,8246	-0,867	0,2355	-1,165	0,2465	-1,222	0,1599	-1,258
KRAS.PROSTATE_UP.V1_DN	0,0577	-1,462	0,3030	-1,141	0,0738	-1,396	0,0850	-1,358	0,1757	-1,297	0,1767	-1,242
MEL18_DN.V1_DN	0,4299	-1,078	0,1442	-1,296	0,8097	1,003	0,2346	-1,169	0,3899	-1,112	0,1776	-1,240
ESC_V6.5_UP_LATE.V1_DN	0,8364	-0,862	0,8104	-0,859	0,0916	-1,341	0,2327	-1,173	0,3833	-1,116	0,1794	-1,237
ESC_V6.5_UP_LATE.V1_UP	0,2367	-1,225	0,1195	-1,339	0,2391	-1,169	0,0897	-1,350	0,6791	-0,939	0,1782	-1,236
CSR_LATE_UP.V1_DN	0,5882	-0,975	0,0916	-1,403	0,6705	-0,940	0,0972	-1,338	0,4764	-1,051	0,2037	-1,216
PIGF_UP.V1_DN	0,4341	-1,073	0,5823	-0,966	0,0728	-1,403	0,0326	-1,526	0,4193	-1,089	0,2035	-1,214
RB_DN.V1_DN	0,0332	-1,553	0,5740	-0,971	0,1382	-1,268	0,2547	-1,149	0,5366	-1,013	0,2162	-1,205
IL2_UP.V1_UP	0,4695	1,269	0,2923	1,304	0,0095	-1,737	0,0419	-1,465	0,5028	-1,032	0,2255	-1,197
MYC_UP.V1_DN	0,8424	0,852	0,0980	-1,376	0,2761	-1,146	0,1550	-1,266	0,2080	-1,259	0,2254	-1,196
KRAS.BREAST_UP.V1_UP	0,5127	-1,026	0,3174	1,264	0,3723	-1,076	0,0321	-1,515	0,4135	-1,093	0,2261	-1,194
NRL_DN.V1_DN	0,5123	-1,023	0,3595	-1,095	0,0624	-1,433	0,6717	-0,926	0,3835	-1,110	0,2289	-1,190
BCAT_BILD_ET_AL_DN	0,9979	-0,636	0,0391	-1,540	0,5208	-1,005	0,0588	-1,415	0,3175	-1,166	0,2328	-1,187
GCNP_SHH_UP_LATE.V1_UP	0,0000	-2,251	0,9461	-0,759	0,2997	-1,130	0,5285	1,094	0,9832	-0,690	0,2338	-1,185
ESC_V6.5_UP_EARLY.V1_UP	0,9708	-0,746	0,0804	-1,436	0,3283	-1,112	0,2019	-1,212	0,4248	-1,078	0,2337	-1,183
KRAS.300_UP.V1_DN	0,6217	-0,958	0,0781	-1,431	0,1124	-1,302	0,1701	-1,245	1,0000	0,849	0,2348	-1,181
PKCA_DN.V1_UP	0,7678	-0,893	0,0690	-1,461	0,8385	-0,858	0,1765	-1,238	0,7083	-0,920	0,2466	-1,173
STK33_SKM_UP	0,4030	-1,102	0,0989	-1,381	0,1739	1,392	0,3820	-1,072	0,1521	-1,344	0,2466	-1,172
BRCA1_DN.V1_DN	0,3709	-1,126	0,2451	-1,198	0,5796	-0,981	0,2759	-1,130	0,5412	-1,010	0,2517	-1,167
MTOR_UP.N4.V1_UP	0,0026	-1,840	0,6274	1,037	0,1383	-1,269	0,2287	-1,177	0,4292	-1,083	0,2558	-1,163
PTEN_DN.V1_DN	0,2369	-1,228	0,1424	-1,306	0,8868	0,898	0,0538	-1,426	0,3105	-1,171	0,2536	-1,163
RPS14_DN.V1_DN	0,0000	-2,291	0,3683	1,206	0,0047	-1,878	0,9978	-0,566	0,9870	0,651	0,2594	-1,158
IL2_UP.V1_DN	0,4285	-1,082	0,1139	-1,347	0,3783	-1,080	0,3861	-1,066	0,5605	-1,001	0,2660	-1,153
TBK1.DN.48HRS_DN	0,0422	-1,519	0,4774	-1,023	0,9742	-0,725	0,5388	-0,991	0,7135	-0,920	0,2840	-1,142
E2F1_UP.V1_UP	0,0009	-1,929	0,9207	0,875	0,0530	-1,473	1,0000	-0,645	0,9782	-0,714	0,2840	-1,140
STK33_SKM_DN	0,5313	-1,009	0,0768	-1,447	0,9565	0,853	0,5889	-0,966	0,2368	-1,236	0,2929	-1,134
TBK1.DF_UP	0,4445	-1,066	0,3323	-1,118	0,9729	0,816	0,2128	-1,201	0,2467	-1,120	0,3101	-1,124
BCAT_GDS748_UP	0,5114	-1,032	0,1440	-1,300	0,9607	-0,754	0,2361	-1,169	0,1775	-1,288	0,3151	-1,120
IL15_UP.V1_UP	0,5489	1,148	0,3102	1,315	0,0268	-1,600	0,1848	-1,229	1,0000	0,896	0,3140	-1,119
PRC2_EED_UP.V1_UP	0,3993	-1,102	0,1694	-1,263	0,9639	0,811	0,8242	-0,851	0,1732	-1,297	0,3122	-1,119
MTOR_UP.V1_DN	0,7642	0,959	0,1702	-1,261	0,6781	-0,933	0,2201	-1,184	0,6060	-0,972	0,3294	-1,109
TGFB_UP.V1_UP	0,7121	1,035	0,4047	-1,065	0,0506	-1,484	0,3866	-1,064	0,3868	-1,111	0,3283	-1,108
CAHOY_OUIGODENDROCUTIC	0,1634	-1,289	0,9035	-0,800	0,3647	-1,092	0,2220	-1,186	0,4957	-1,037	0,3276	-1,107
ATF2_UP.V1_DN	0,7793	0,971	0,1076	-1,359	0,8638	-0,840	0,6833	0,973	0,3586	-1,136	0,3409	-1,100
CTIP_DN.V1_UP	0,2575	-1,200	0,4669	-1,030	0,8218	0,968	0,2769	-1,131	1,0000	0,907	0,3388	-1,099
DCA_UP.V1_UP	0,7701	0,941	0,7856	0,961	0,0819	-1,369	0,4353	-1,038	0,3275	-1,159	0,3505	-1,092
E2F3_UP.V1_UP	0,0524	-1,481	0,6068	1,053	0,0342	-1,544	0,1512	-1,267	0,6563	-0,952	0,3528	-1,090
MEL18_DN.V1_UP	0,4423	1,249	0,3712	-1,087	0,0725	-1,401	0,2026	-1,213	0,5099	-1,026	0,4011	-1,066
STK33_DN	0,1850	-1,270	0,1880	-1,244	0,3788	-1,072	0,5858	-0,966	0,3276	-1,158	0,3990	-1,065
MYC_UP.V1_UP	0,9206	-0,804	0,8570	-0,833	0,1444	-1,258	0,9908	-0,735	0,9343	-0,793	0,4172	-1,057
CRX_NRL_DN.V1_UP	0,7287	1,021	0,3392	-1,113	0,5847	-0,976	0,1350	-1,286	1,0000	0,760	0,4286	-1,051
P53_DN.V1_UP	0,1310	-1,335	0,5123	1,132	0,9494	0,808	0,1217	-1,302	0,3048	-1,180	0,4257	-1,051
NFE2L2.V2	0,0793	-1,418	0,5506	-0,984	0,6789	-0,931	0,6229	1,001	0,5681	-0,991	0,4516	-1,038
STK33_NOMO_DN	0,2404	-1,230	0,2018	-1,230	0,2339	-1,177	0,5511	-0,983	0,4589	-1,061	0,4582	-1,035
CTIP_DN.V1_DN	0,6214	-0,957	0,2191	-1,217	0,6729	-0,937	0,4522	-1,029	0,5736	-0,988	0,4726	-1,028
PRC2_EZH2_UP.V1_UP	0,8109	0,918	0,1207	-1,335	0,3811	-1,080	0,2560	-1,149	0,3689	-1,127	0,4774	-1,025
LTE2_UP.V1_DN	0,0091	-1,711	0,0843	-1,416	0,7676	1,100	0,7545	0,934	0,7899	-0,887	0,5275	-1,004
KRAS.DF.V1_DN	0,8468	0,860	0,6305	-0,941	0,1564	-1,246	0,2151	-1,196	0,8549	-0,852	0,5378	-0,998
KRAS.50_UP.V1_UP	0,5552	-0,999	0,3867	-1,078	0,8550	0,926	0,2788	-1,131	0,8903	1,076	0,5473	-0,993
CYCLIN_D1_UP.V1_DN	0,3954	-1,107	0,3508	-1,103	0,8487	-0,851	0,9853	0,838	1,0000	0,902	0,5993	-0,973
KRAS.LUNG.BREAST_UP.V1_DN	0,7792	0,980	0,0769	-1,444	0,9263	0,875	0,2230	-1,186	0,4955	-1,042	0,5985	-0,972
DCA_UP.V1_DN	0,7969	0,890	0,3931	-1,073	0,5903	-0,972	0,5420	-0,988	0,8497	-0,852	0,6168	-0,963
CAHOY_NEURONAL	0,5668	-0,988	0,6315	-0,939	0,9904	-0,640	0,3133	-1,109	1,0000	0,976	0,6192	-0,961
WNT_UP.V1_DN	0,5629	-0,993	0,4618	1,160	0,0525	-1,478	0,1909	-1,223	0,6087	-0,973	0,6292	-0,956
E2F3_UP.V1_DN	0,8112	0,910	0,4693	-1,028	0,2231	-1,187	0,7094	-0,909	0,8197	-0,872	0,6335	-0,953
CSR_LATE_UP.V1_UP	0,0000	-2,315	0,3666	1,230	0,8068	-0,878	1,0000	-0,590	1,0000	0,753	0,6538	-0,943
CYCLIN_D1_KE_V1_DN	0,4407	-1,066	0,3031	-1,143	0,9892	-0,674	0,9900	-0,744	0,9783	-0,725	0,6836	-0,931
MEK_UP.V1_DN	0,0468	-1,502	0,0215	-1,662	0,1385	1,438	0,4715	1,129	0,6834	-0,939	0,7097	-0,920
CSR_EARLY_UP.V1_DN	0,7351	1,037	0,0348	-1,564	0,6767	1,141	0,5752	1,054	0,7022	-0,928	0,7750	-0,894
YAP1_UP	0,3704	-1,124	0,2801	-1,163	1,0000	0,749	0,9922	-0,724	0,9595	-0,762	0,8039	-0,880
TBK1.DN.48HRS_UP	0,3104	-1,160	1,0000	0,717	0,3693	-1,079	1,0000	-0,693	0,9245	-0,804	0,8155	-0,873
RB_P107_DN.V1_UP	0,0002	-2,102	0,1235	1,459	0,5189	-1,004	0,6170	-0,951	1,0000	0,938	0,8379	-0,861
RB_DN.V1_UP	0,1392	-1,318	0,7377	0,947	0,1966	-1,206	0,2072	-1,207	0,9913	-0,637	0,8872	-0,835
EIF4_UP	0,6162	-0,964	0,6032	1,035	0,6353	-0,954	0,3837	-1,063	0,9175	-0,816	0,8988	-0,826
RB_P107_DN.V1_DN	0,1085	-1,371	0,9504	-0,742	1,0000	0,562	0,9994	-0,683	0,8272	-0,867	0,9189	-0,811
EIF4_DN	0,1568	-1,297	0,2313	-1,208	0,9993	0,497	0,4785	1,135	1,0000	0,739	0,9158	-0,810
JNK_DN.V1_UP	0,9934	-0,683	0,3966	-1,070	0,8526	0,942	0,4341	1,167	0,9406	-0,784	0,9132	-0,808
ESC_J1_UP_LATE.V1_DN	0,9122	0,792	0,8972	-0,808	0,5857	-0,977	0,8143	-0,864	0,9828	-0,728	0,9139	-0,803
VEGF_A_UP.V1_DN	0,0000	-2,294	0,5083	-1,005	0,8446	1,034	0,3928	1,231	0,9976	0,846	0,9112	-0,801
CSR_EARLY_UP.V1_UP	0,2550	-1,200	0,9635	-0,715	1,0000	0,733	0,5350	1,084	1,0000	0,746	0,9182	-0,792
EGFR_UP.V1_DN	0,1192	-1,348	0,5886	-0,960	0,7826	1,087	0,4365	1,087	0,9593	1,025	0,9298	-0,779
SIRNA_EIF4GI_UP	0,2672	-1,191	0,5494	-0,983	1,0000	0,670	0,9610	0,743	0,9798	0,956	0,9293	-0,775
PDGF_ERK_DN.V1_UP	0,3110	-1,163	0,4405	-1,044	0,9866	0,727	0,9465	0,776	0,9911	0,701	0,9741	-0,714
SIRNA_EIF4GI_DN	0,0026	-1,849	1,0000	0,763	0,8461	0,936	0,5165	1,083	1,0000	0,774	0,9985	-0,550
GLI1_UP.V1_UP	0,3973	-1,100	1,0000	0,676	0,8677	1,037	0,6641	0,973	1,0000	0,873	0,9999	0,417
TBK1.DF_DN	0,0306	-1,570	0,4433	-1,042	0,8249	0,959	0,0526	1,505	1,0000	0,774	1,0000	0,536
CAMP_UP.V1_UP	0,9298	-0,789	0,7651	0,957	0,9504	-0,780	0,9979	0,564	1,0000	0,716	1,0000	0,552
CAMP_UP.V1_DN	0,7251	-0,911	0,4027	-1,064	0,4291	1,251	0,9390	0,835				

STK33_NOMO_UP	0,7051	1,054	0,3560	-1,098	0,5795	1,186	0,2627	1,299	0,9378	1,053	0,5899	1,075
BCAT_GDS748_DN	0,9938	0,605	0,7624	0,948	0,7997	1,022	0,4595	1,167	0,6295	1,252	0,5362	1,105
BRCA1_DN.V1_UP	0,4565	1,258	0,9082	0,867	0,6574	1,137	0,4163	1,202	0,8679	1,093	0,5617	1,110
YAP1_DN	0,2970	1,379	0,9986	0,548	0,9467	-0,777	0,9535	0,803	0,6721	1,176	0,5967	1,112
NRL_DN.V1_UP	0,5954	1,155	1,0000	0,703	0,9442	0,849	0,4819	1,117	0,7770	1,125	0,5347	1,144
PTEN_DN.V2_UP	0,4501	1,291	0,3374	1,230	0,8203	0,984	0,4778	1,170	1,0000	0,976	0,4971	1,170
KRAS.LUNG_UP.V1_UP	0,5422	1,194	0,3356	1,271	0,3692	1,283	0,3754	-1,076	0,6354	1,171	0,4167	1,212
STK33_UP	0,5930	1,167	0,2652	-1,174	0,1489	1,469	0,1890	1,352	0,4679	-1,056	0,3727	1,244
P53_DN.V2_UP	0,2540	1,418	0,6191	1,069	0,1754	1,401	0,5871	1,043	0,9201	1,045	0,3674	1,263
MTOR_UP.N4.V1_DN	0,6851	1,069	0,9109	-0,791	0,1205	1,506	0,0158	1,696	0,4039	1,383	0,2320	1,339
KRAS.600.LUNG.BREAST_UP.V1_UP	0,6041	1,102	0,1061	1,502	0,4244	1,243	0,1198	-1,308	0,5659	1,232	0,1216	1,435
JAK2_DN.V1_DN	0,0144	1,775	0,5894	-0,962	0,0784	1,566	0,0406	1,595	0,6231	1,235	0,0718	1,508
PTPN11_DOWN	0,0144	1,712	0,5757	1,092	0,1485	1,442	0,0199	1,703	0,0354	1,692	0,0424	1,575
KRAS.LUNG.BREAST_UP.V1_UP	0,2821	1,368	0,0142	1,750	0,0224	1,719	0,0477	1,525	0,3809	1,340	0,0501	1,586
NS_DOWN	0,0152	1,734	0,0262	1,758	0,7530	1,077	0,0429	1,574	0,0167	1,799	0,0351	1,660
RELA_DN.V1_UP	0,0288	1,777	0,0200	1,694	0,1544	1,450	0,0511	1,529	0,2562	1,468	0,0235	1,751