

SNP	Chr	BP	A1	A2	AF	MTAG effect size	ONL effect size	OS effect size	IS effect size	MTAG p-value	ONL p-value	OS p-value	IS p-value	MTAG SE	ONL SE	OS SE	IS SE
rs112248193	1	3718402	A	G	0.13	-0.09	-0.26	-0.02	-0.09	2.73E-09	5.43E-04	0.60	2.73E-09	0.02	0.07	0.05	0.02
rs2128416	1	10700448	C	T	0.15	-0.53	-0.53	-0.02	-0.06	4.83E-13	4.83E-13	0.63	1.99E-04	0.07	0.07	0.04	0.02
rs11587687	1	110147801	A	G	0.44	0.18	-0.08	0.18	0.01	5.02E-09	0.12	5.02E-09	0.30	0.03	0.05	0.03	0.01
rs3790612	1	113084146	A	G	0.26	-0.27	-0.08	-0.27	-0.01	2.60E-15	0.17	2.60E-15	0.55	0.03	0.06	0.03	0.01
rs72683442	1	113468825	C	T	0.22	-0.35	-0.20	-0.35	-0.02	4.13E-21	1.18E-03	4.13E-21	0.16	0.04	0.06	0.04	0.01
rs410895	1	196898226	C	T	0.55	0.30	0.06	0.30	-0.01	8.19E-22	0.23	8.19E-22	0.17	0.03	0.05	0.03	0.01
rs6427827	1	200398387	A	T	0.62	0.42	0.42	-0.04	0.05	2.50E-16	2.50E-16	0.22	2.23E-06	0.05	0.05	0.03	0.01
rs11577827	1	202798831	T	C	0.53	0.37	0.37	0.07	0.05	2.77E-13	2.77E-13	0.03	6.56E-06	0.05	0.05	0.03	0.01
rs919655	1	214157972	A	G	0.12	0.46	0.46	2.03E-03	0.08	2.36E-09	2.36E-09	0.97	4.00E-07	0.08	0.08	0.05	0.02
rs12140498	1	222098690	T	C	0.20	0.37	0.37	0.08	0.05	3.14E-09	3.14E-09	0.04	2.89E-05	0.06	0.06	0.04	0.01
rs6426584	1	227374949	T	A	0.34	0.07	0.28	-0.03	0.07	7.03E-11	1.62E-07	0.36	7.03E-11	0.01	0.05	0.03	0.01
rs7594221	2	24112724	A	T	0.76	0.28	0.23	0.28	0.03	1.07E-14	8.19E-05	1.07E-14	0.01	0.04	0.06	0.04	0.01
rs116350483	2	145338686	T	C	0.02	-2.11	-2.11	-0.16	-0.33	2.10E-26	2.10E-26	0.19	2.86E-15	0.20	0.20	0.12	0.04
rs80265589	2	169027979	A	T	0.27	-0.42	-0.42	-0.14	-0.06	1.86E-13	1.86E-13	2.80E-05	4.21E-08	0.06	0.06	0.03	0.01
rs28416292	2	182507470	A	T	0.15	0.08	0.34	-0.02	0.08	1.78E-08	1.61E-06	0.61	1.78E-08	0.01	0.07	0.04	0.01
rs58172089	2	198916926	A	G	0.17	0.23	-0.07	0.23	-0.03	2.74E-08	0.32	2.74E-08	0.03	0.04	0.07	0.04	0.01
rs3755152	2	216822197	G	A	0.89	-0.31	0.42	-0.31	0.05	4.39E-10	5.15E-07	4.39E-10	1.83E-03	0.05	0.08	0.05	0.02
rs148388367	2	216850944	A	T	0.04	-1.30	-1.30	0.56	-0.14	1.20E-21	1.20E-21	9.63E-12	1.18E-06	0.14	0.14	0.08	0.03
rs201030469	2	218321984	G	A	0.14	-0.42	-0.42	-0.01	-0.07	6.58E-09	6.58E-09	0.82	1.30E-05	0.07	0.07	0.04	0.02
rs7564805	2	234228946	G	A	0.05	-0.78	-0.07	-0.78	0.01	6.16E-29	0.52	6.16E-29	0.55	0.07	0.12	0.07	0.02
rs34234056	3	14418444	G	A	0.51	0.17	0.01	0.17	-1.87E-03	2.37E-08	0.78	2.37E-08	0.86	0.03	0.05	0.03	0.01
rs11129176	3	25049310	A	G	0.28	0.32	0.32	0.02	0.04	1.53E-08	1.53E-08	0.60	1.31E-04	0.06	0.06	0.03	0.01
rs6775323	3	27721085	T	G	0.20	0.49	0.49	-0.04	0.08	5.79E-15	5.79E-15	0.34	4.35E-09	0.06	0.06	0.04	0.01
rs62282867	3	100972078	A	G	0.79	0.34	-0.16	0.34	-1.98E-03	4.63E-19	0.01	4.63E-19	0.88	0.04	0.06	0.04	0.01
rs111163508	3	129235423	C	G	0.16	-0.39	0.23	-0.39	0.03	2.28E-20	9.22E-04	2.28E-20	0.03	0.04	0.07	0.04	0.01
rs7430585	3	150112041	A	G	0.76	0.23	0.10	0.23	-0.05	1.26E-10	0.09	1.26E-10	2.66E-05	0.04	0.06	0.04	0.01
rs115237855	5	17186336	A	G	0.03	-0.68	0.17	-0.68	0.03	3.73E-12	0.29	3.73E-12	0.31	0.10	0.16	0.10	0.03
rs78303234	5	17218432	G	C	0.12	-0.26	-0.10	-0.26	0.01	3.32E-08	0.21	3.32E-08	0.58	0.05	0.08	0.05	0.02
rs30373	5	55745334	G	C	0.37	0.32	0.32	0.11	0.04	7.70E-10	7.70E-10	3.86E-04	4.10E-05	0.05	0.05	0.03	0.01
rs63338061	5	71486228	T	C	0.36	0.07	0.31	-7.24E-05	0.07	9.81E-11	3.71E-09	0.99	9.81E-11	0.01	0.05	0.03	0.01
rs17421627	5	87847586	G	T	0.07	1.15	1.15	0.16	0.17	3.30E-33	3.30E-33	0.01	4.57E-17	0.10	0.10	0.06	0.02
rs62391700	5	126093395	C	T	0.20	-0.45	-0.45	-0.13	-0.03	5.05E-13	5.05E-13	7.46E-04	0.04	0.06	0.06	0.04	0.01
rs1109114	5	148615946	T	C	0.43	0.37	0.37	-0.04	0.07	2.65E-13	2.65E-13	0.23	1.28E-10	0.05	0.05	0.03	0.01
rs1438692	5	148659664	A	G	0.42	0.07	0.32	-0.01	0.07	1.32E-11	3.59E-10	0.75	1.32E-11	0.01	0.05	0.03	0.01
rs6875105	5	173054917	C	T	0.38	-0.38	-0.38	-0.03	-0.03	1.39E-13	1.39E-13	0.27	4.48E-03	0.05	0.05	0.03	0.01
rs2326838	6	6901663	A	G	0.36	-0.23	-0.07	-0.23	-1.50E-03	7.86E-13	0.18	7.86E-13	0.89	0.03	0.05	0.03	0.01
rs12192672	6	7229619	A	G	0.30	-0.34	-0.34	0.01	-0.04	8.88E-10	8.88E-10	0.76	1.13E-04	0.06	0.06	0.03	0.01
rs17507554	6	11394287	A	G	0.05	0.69	0.69	-0.11	0.10	3.93E-09	3.93E-09	0.14	4.14E-05	0.12	0.12	0.07	0.02
rs6923949	6	35496366	G	A	0.82	0.23	0.36	0.23	0.04	4.22E-09	4.95E-08	4.22E-09	9.96E-04	0.04	0.07	0.04	0.01
rs375435	6	42661404	C	T	0.57	-0.25	-0.06	-0.25	-0.01	3.56E-16	0.20	3.56E-16	0.62	0.03	0.05	0.03	0.01
rs6910414	6	56726737	G	A	0.18	0.42	0.42	-0.16	-0.01	1.87E-10	1.87E-10	7.37E-05	0.67	0.07	0.07	0.04	0.01
rs947340	6	76747944	C	A	0.70	-0.25	-0.05	-0.25	0.03	1.17E-13	0.34	1.17E-13	0.02	0.03	0.06	0.03	0.01
rs74526772	6	106515218	A	T	0.04	-1.25	-1.25	-0.01	-0.18	1.13E-19	1.13E-19	0.90	6.24E-10	0.14	0.14	0.08	0.03
rs9639276	7	867033	T	C	0.17	0.41	0.41	-0.01	0.08	4.74E-10	4.74E-10	0.75	3.79E-09	0.07	0.07	0.04	0.01

rs12531825	7	8005174	A	G	0.12	0.45	0.45	0.09	0.08	5.94E-09	5.94E-09	0.07	2.34E-06	0.08	0.08	0.05	0.02
rs12719025	7	51100190	G	A	0.46	0.49	0.49	-3.73E-03	0.07	6.39E-22	6.39E-22	0.90	1.33E-10	0.05	0.05	0.03	0.01
rs111963714	7	99948655	G	T	0.21	0.27	0.20	0.27	0.03	5.96E-13	1.54E-03	5.96E-13	0.05	0.04	0.06	0.04	0.01
rs34926272	7	129591807	C	G	0.03	-1.05	-1.05	-0.15	-0.18	2.03E-11	2.03E-11	0.11	4.44E-08	0.16	0.16	0.10	0.03
rs62490856	8	10469030	A	G	0.13	0.33	-0.09	0.33	0.04	5.02E-13	0.25	5.02E-13	0.01	0.05	0.08	0.05	0.02
rs61675430	8	61671071	A	G	0.20	-0.41	-0.41	-7.74E-04	-0.06	1.30E-10	1.30E-10	0.98	1.33E-05	0.06	0.06	0.04	0.01
rs13263941	8	109121945	C	T	0.26	0.86	0.86	0.15	0.12	2.07E-50	2.07E-50	1.72E-05	6.09E-24	0.06	0.06	0.04	0.01
rs376067714	8	109141863	G	A	0.18	0.77	0.77	0.06	0.11	2.73E-24	2.73E-24	0.17	4.14E-12	0.08	0.08	0.05	0.02
rs9298817	9	21576591	C	A	0.66	-0.51	-0.51	-0.04	-0.04	2.90E-22	2.90E-22	0.21	6.77E-04	0.05	0.05	0.03	0.01
rs10781177	9	76593011	T	C	0.42	-0.29	-0.29	-0.01	-0.05	1.49E-08	1.49E-08	0.64	1.12E-05	0.05	0.05	0.03	0.01
rs717299	9	77185933	G	A	0.45	0.37	0.37	0.06	0.04	3.80E-13	3.80E-13	0.04	9.57E-05	0.05	0.05	0.03	0.01
rs111245635	10	48389841	T	C	0.02	1.26	1.26	0.30	0.23	8.41E-10	8.41E-10	0.02	1.27E-07	0.21	0.21	0.12	0.04
rs1947075	10	49741135	T	C	0.64	-0.32	-0.32	-0.07	-0.05	7.86E-10	7.86E-10	0.04	3.66E-06	0.05	0.05	0.03	0.01
rs7916697	10	69991853	G	A	0.76	-0.43	-0.43	-0.14	-0.06	3.80E-13	3.80E-13	1.40E-04	1.51E-07	0.06	0.06	0.04	0.01
rs11200922	10	85961758	G	A	0.46	0.33	0.08	0.33	-0.03	1.62E-26	0.12	1.62E-26	0.01	0.03	0.05	0.03	0.01
rs34309160	10	104034550	T	C	0.07	-0.53	-0.53	-0.04	-0.06	3.34E-08	3.34E-08	0.55	0.01	0.10	0.10	0.06	0.02
rs17102399	10	123435963	A	G	0.05	0.67	0.67	-0.02	0.07	2.44E-08	2.44E-08	0.75	3.95E-03	0.12	0.12	0.07	0.03
rs60401382	10	124227624	T	C	0.23	-0.30	0.07	-0.30	0.03	2.43E-16	0.27	2.43E-16	0.01	0.04	0.06	0.04	0.01
rs1016934	11	31720621	G	A	0.30	-0.39	-0.39	0.02	-0.03	2.18E-12	2.18E-12	0.46	0.01	0.06	0.06	0.03	0.01
rs618838	11	66328719	C	T	0.55	0.06	0.19	0.03	0.06	1.79E-09	1.49E-04	0.28	1.79E-09	0.01	0.05	0.03	0.01
rs116233906	11	68968271	A	C	0.04	-0.94	-0.94	-0.04	-0.11	9.33E-14	9.33E-14	0.59	3.09E-05	0.13	0.13	0.08	0.03
rs10737153	11	69281829	C	A	0.57	-0.30	-0.30	-0.02	-0.03	3.18E-09	3.18E-09	0.48	3.00E-03	0.05	0.05	0.03	0.01
rs12574286	11	76937602	C	G	0.21	-0.29	0.01	-0.29	0.01	5.77E-15	0.93	5.77E-15	0.41	0.04	0.06	0.04	0.01
rs1126809	11	89017961	A	G	0.30	-0.32	0.20	-0.32	0.04	2.56E-22	2.49E-04	2.56E-22	1.04E-03	0.03	0.05	0.03	0.01
rs6483429	11	95239787	T	C	0.46	-0.30	-0.30	8.18E-04	-0.04	2.67E-09	2.67E-09	0.98	4.72E-04	0.05	0.05	0.03	0.01
rs2080402	12	345175	C	T	0.56	0.22	-0.13	0.22	-0.03	2.21E-12	0.01	2.21E-12	3.18E-03	0.03	0.05	0.03	0.01
rs3138142	12	56115585	T	C	0.24	0.96	0.96	0.48	0.10	5.58E-60	5.58E-60	5.01E-41	7.10E-17	0.06	0.06	0.04	0.01
rs76629482	12	96178789	G	C	0.18	-0.53	-0.53	-0.06	-0.07	3.38E-16	3.38E-16	0.151	3.69E-07	0.07	0.07	0.04	0.01
rs9796234	13	114323997	C	T	0.52	0.27	0.19	0.27	0.03	4.69E-18	1.57E-04	4.69E-18	3.13E-03	0.03	0.05	0.03	0.01
rs28468687	14	36026342	A	G	0.18	0.38	0.38	0.06	0.05	1.02E-08	1.02E-08	0.13	2.01E-04	0.07	0.07	0.04	0.01
rs1254260	14	60835737	A	G	0.29	-0.20	0.25	-0.20	-0.03	1.18E-09	7.86E-06	1.18E-09	0.01	0.03	0.06	0.03	0.01
rs1956524	14	68800393	A	G	0.64	0.29	0.29	0.02	0.04	2.13E-08	2.13E-08	0.59	1.09E-03	0.05	0.05	0.03	0.01
rs10135971	14	69517494	A	G	0.34	0.43	0.43	-0.02	0.03	4.47E-16	4.47E-16	0.45	0.01	0.05	0.05	0.03	0.01
rs112145470	14	74356090	A	G	0.03	1.34	1.34	0.09	0.14	4.81E-16	4.81E-16	0.40	3.64E-05	0.17	0.17	0.10	0.03
rs368205955	14	74497636	G	T	0.02	-3.19	-3.19	-0.24	-0.50	4.13E-46	4.13E-46	0.08	1.56E-26	0.22	0.22	0.14	0.05
rs12147951	14	74642451	C	A	0.07	-2.34	-2.34	-0.10	-0.38	8.89E-112	8.89E-112	0.13	4.78E-67	0.10	0.10	0.06	0.02
rs1972565	14	74666824	G	A	0.82	1.91	1.91	0.11	0.30	5.23E-191	5.23E-191	0.01	7.95E-106	0.06	0.06	0.04	0.01
rs1972564	14	74666944	T	C	0.48	1.03	1.03	-0.04	0.15	2.93E-74	2.93E-74	0.22	1.40E-37	0.06	0.06	0.03	0.01
rs118186707	14	74686575	A	G	0.03	1.77	1.77	0.03	0.27	1.70E-32	1.70E-32	0.74	5.61E-18	0.15	0.15	0.09	0.03
rs28488340	14	74693803	G	C	0.40	-0.59	-0.59	-0.05	-0.08	9.02E-31	9.02E-31	0.14	1.07E-13	0.05	0.05	0.03	0.01
rs888413	14	75267396	T	C	0.47	0.39	0.39	0.07	0.07	1.92E-14	1.92E-14	0.02	3.64E-10	0.05	0.05	0.03	0.01
rs1800407	15	28230318	T	C	0.08	0.57	-0.03	0.57	-0.02	7.58E-25	0.70246515	7.58E-25	0.34	0.06	0.09	0.06	0.02
rs1648303	15	45445692	G	A	0.57	-0.28	-0.28	-0.01	-0.04	2.72E-08	2.72E-08	0.66	8.32E-04	0.05	0.05	0.03	0.01
rs10083695	15	53987147	G	A	0.49	-0.36	-0.36	-0.06	-0.06	8.00E-13	8.00E-13	0.03	5.67E-09	0.05	0.05	0.03	0.01
rs3825991	15	89761664	A	C	0.47	0.36	0.05	0.36	-0.04	2.70E-31	0.29	2.70E-31	1.10E-04	0.03	0.05	0.03	0.01
rs1372613	15	101204835	T	C	0.30	0.35	0.35	0.02	0.06	1.31E-10	1.31E-10	0.63	2.60E-07	0.05	0.05	0.03	0.01
rs7206532	16	80490131	C	T	0.52	0.30	0.30	0.02	0.03	1.86E-09	1.86E-09	0.56	3.06E-03	0.05	0.05	0.03	0.01

rs142963458	16	84561361	T	C	0.04	-0.73	0.77	-0.73	0.13	3.58E-18	3.55E-08	3.58E-18	4.56E-06	0.08	0.14	0.08	0.03
rs1049868	16	85706633	C	T	0.29	-0.34	-0.34	0.02	-0.05	1.91E-09	1.91E-09	0.61	3.52E-05	0.06	0.06	0.03	0.01
rs62064364	17	43654468	T	C	0.22	0.50	0.50	0.02	0.07	4.11E-16	4.11E-16	0.65	1.71E-07	0.06	0.06	0.04	0.01
rs4794029	17	47280301	C	T	0.68	0.24	0.06	0.24	-0.04	1.95E-13	0.27	1.95E-13	1.28E-04	0.03	0.05	0.03	0.01
rs56737642	17	79515509	G	A	0.48	-0.34	-0.34	0.21	-0.06	2.87E-11	2.87E-11	4.64E-11	3.90E-08	0.05	0.05	0.03	0.01
rs61586425	17	79590835	A	C	0.09	-0.48	-0.14	-0.48	-3.22E-03	4.78E-12	0.22	4.78E-12	0.89	0.07	0.11	0.07	0.02
rs62075724	17	79611410	C	T	0.46	0.38	0.38	-0.21	0.07	2.91E-12	2.91E-12	1.12E-10	1.94E-09	0.05	0.05	0.03	0.01
rs7405453	17	79615572	G	A	0.65	-0.39	0.40	-0.39	0.07	2.24E-33	4.81E-14	2.24E-33	3.40E-10	0.03	0.05	0.03	0.01
rs4800994	18	53403850	T	C	0.19	0.08	0.31	-0.12	0.08	7.83E-10	1.33E-06	1.88E-03	7.83E-10	0.01	0.06	0.04	0.01
rs1517034	18	56937489	A	G	0.31	0.45	0.45	-1.38E-03	0.07	3.90E-16	3.90E-16	0.97	9.89E-11	0.05	0.05	0.03	0.01
rs17696543	18	56971398	T	C	0.18	-0.56	-0.56	4.79E-03	-0.09	2.93E-17	2.93E-17	0.90	2.62E-10	0.07	0.07	0.04	0.01
rs76076446	19	3771586	A	G	0.02	-1.25	-1.25	0.14	-0.15	1.07E-13	1.07E-13	0.19	2.19E-05	0.17	0.17	0.10	0.04
rs1232603	20	10612963	T	C	0.33	-0.23	-4.45E-03	-0.23	0.01	4.80E-12	0.93	4.80E-12	0.56	0.03	0.05	0.03	0.01
rs6077977	20	10930708	G	A	0.49	0.27	-0.09	0.27	-0.01	4.98E-19	0.08	4.98E-19	0.28	0.03	0.05	0.03	0.01
rs8132685	21	34220618	T	C	0.52	-0.30	-0.30	-0.02	-0.04	3.58E-09	3.58E-09	0.54	1.01E-04	0.05	0.05	0.03	0.01
rs2032576	22	27089655	T	G	0.56	-0.28	-0.28	0.03	-0.04	4.80E-08	4.80E-08	0.41	1.19E-04	0.05	0.05	0.03	0.01
rs5752638	22	28188203	C	T	0.22	-0.51	-0.51	-0.09	-0.07	1.63E-16	1.63E-16	0.02	2.89E-08	0.06	0.06	0.04	0.01
rs5763593	22	30302238	C	T	0.63	0.34	0.34	-0.01	0.06	1.01E-10	1.01E-10	0.74	3.12E-09	0.05	0.05	0.03	0.01
rs2073946	22	30619599	A	G	0.31	0.46	0.46	0.07	0.08	5.17E-17	5.17E-17	0.04	2.82E-11	0.06	0.06	0.03	0.01
rs75159625	22	46377008	G	T	0.31	0.34	0.34	0.05	0.05	2.83E-10	2.83E-10	0.15	5.33E-05	0.05	0.05	0.03	0.01